

S1

H. sapiens A1 1 MVLRSIGICGLSPHRTI-FPSLLVVALVGLLPVLRSHGLQLSPTASTIRSEPPRERSIGDVTTAPPEVTPESRPVN-----HSVTDHGMKPRK
S. pistillata A1 1 -----MNFINDVATL-----LSVCVLILRV-----ESSVDDKQASAS-----HNNTSHE-----NGTPGHASDPPP
S. pistillata A6 1 -----ADRWSLSVLV-----CVLLFSFTI-----VETQNEYDDKAREKAA
S. pistillata A7 1 MFFRGYKMINK-VQVILACATV-----AILCVTLSEA-----VETPTTLEGK-----K
S. pistillata A8 1 -----MMKSPLRAVVVLLVHA-----SVSMCEGISSETPSPKNSFGTNNTKGDGNATKTPITTTTTQPPTIAEAQIEERPE

S2

H. sapiens A1 88 AFPVLGIDYTHVRTPFE--FSLWILLACLMKIGFHVIPITISSTVPESCLLTVVGLLVGGLIKGVG-----
S. pistillata A1 51 ELKYAKFDFAVYAGPLT--IIVNILLASFALVFLHSHKLSSTVPESCLVIVLGIIVGGIKGIG-----
S. pistillata A6 37 AEKVEK---YSAIDSAFLVMMFLLIIVTVLTVM-LFKVRRFRFLHETGVCHIVGMIIGFLIKYISGN--KRAVISHPNCTITSPTKKLYISLSN
S. pistillata A7 43 EDEMEN---THKTDLSMLTLITLLIINVLMLWL-FKIRRFETFHETGVAMILGVVVGATIKYSESERGEKKPLAVKLKNCGNITIAPKNVFVNIN
S. pistillata A8 76 PPEVEQ---HSSMTIFFILL--VVALCILLHF-LLKTKFHYLPESAVITFLGALVGLVLIKALSHF-----

S3 **S4**

H. sapiens A1 151 -----E--TPPFLOSDVFFLLPPIITLDAGYFLPLRQFTENLGTILIFAVVGTILWNAFFLGGILYAVCLVGGEQI
S. pistillata A1 114 -----ILIVPTSSRTFFFLPPIIVLEAGYFLQDRAFFNIGTILLYAVVGTIFNTFTVGLSLFGVSLTGGLN-
S. pistillata A6 125 GSKYSYTLGQV---QDSSLDQGSLEQMAVDPEIFFYVLLPPIIFVAGYDMKKRFFRNIGAILTYAFVGTITISCIIVFGGTIYAYTKFDSVV
S. pistillata A7 134 GTEYSYTLTGIRFPPTHSPDDEGNEHESKSSNPEIFFYVLLPPIIFVAGYSFQRYFFRNLGAIMTYAFFGTITISCIIVTGSMMVFGFNWT-GVT
S. pistillata A8 136 -----ALGDWRKEEHENPTAFFLILLPPIIFESGVSLLKGNFFANIGSIIVFAIFGTIAVSAIVIGGGIYLLGK--GVA

S5 **S6** **S7**

H. sapiens A1 220 NNIGLLDNLFGSLISAVDPVAVLAFFETIHNELTHILVFGESLNDAVTVVLYHUFEEFANYEH----VGIVDTFLGLSFFVVALGGVLVG
S. pistillata A1 184 --LTLMHTLFAALIAAVDPVAVLAFFETIHNVNLYILVFGESLNDAVTVVLYHUFEGLAGFDE----VSYKEILTGFASFVVSLLGGTTLG
S. pistillata A6 217 EGFDFLECLIFGSLISATDPVTVLAIFDLHVDVLDLYALVFGESVMNDAAVTLFRSVETYLDKGS----GFQVNNLLFESVGVFIIVFSGSFFLG
S. pistillata A7 228 EDFDYAECLELFGALISATDPVTVLAIFDLHADLDLYALVFGESVNDAAVTVLYRAIETYLAYNQSDLRDLDLFSFLKAIADFVAIFVGSFTIG
S. pistillata A8 208 FQLDLRESFAFGSLISAVDPVATLAIFALDVDPTLNNLVFGESLNDAAVSIVMNTNILEMGAQYADS--SSFETFFSAVGNFLVMFCGSAGIG

S8 **S9**

H. sapiens A1 310 VVYGVIAAFTSRFTSH--IRVIEPLHFVFLYSYMAVLSAELFHLSGTMAILASGVVMRPVVEANISHKSHHTIKYFLKMWSSVSSETLIFILFLGVST
S. pistillata A1 272 LLWGLATAFYTKYTDH--VRVIEPIHFVFMYSLSYLTAEFLHLSGIMSIVTCAIVMKPYVERNISRKSHHTIKYFLKMWSSSSETLIFMFLGVQV
S. pistillata A6 308 FGMGLVTALVTKLTKLSDFLLETAUFFLLSNITFLMABAAANLTGIVAVLFCGISQAHYTYNNLSEESKQNTKOTFALLNFLAESFIIFYMGLSL
S. pistillata A7 323 CGMSFVNALVTKLTKIGSFPILETAUFFLLMSYCTFLAELSNWSGIVAVLFCGIIQOQHYTYKNLFEESRMRTTQTFELLNFLAETFIIFYIGLSV
S. pistillata A8 301 TLFALISAFLLKHVDLRTTFLSLGLTNLIFSAPVGLAAGLKLSGTMAILFCGIVMSHYTHFNLSPMTOITVQOIERTTAFMAETCVFAYLGMAI

S10 **S11** **S12**

H. sapiens A1 403 VAGS-HHMNNTFVISTLLFCLTARVGLVGLTWFINKFR-IVKLTPKDOFTLAYGGLRGALAFSLGYLLDKKHFPMDCLFLTAIITVIFFTVFVQ
S. pistillata A1 365 VWS-HEWNTQFVFVTLVFLLVFRLAGVILTFLANRFRGRINKLSAVDOFIMS YGGIRGAVSFLAVLLDEHHFPMKNNFVTTITIVILFTVFFQ
S. pistillata A6 403 FTFOHHQWNFGFISMTFLAMTLGRLLNVYPLSFLNUNLGR-HRKISYKFOHMMVFAGLRGAVAFALAMRNTE-SVPRQ-NMLTSVLVVVLVTVIFN
S. pistillata A7 418 FAFTNHQWNVGFIGWSEMAIOVGRALNVYPLSFLNUNLGR-TRKIPLNVQIMMFFSGLRGATAFALAVRNTV-SIPRQ-NMLTTTTITIVISVIFV
S. pistillata A8 396 FSEK-HQFRPAFVIMTILCLLGRAVNTYPLSSLNNOFR-DVRISRKTOFIMWFSGLRGAVAFALVLLQLDDEKRH-VLITSTLIITMFTILCL

Glycine rich region

H. sapiens A1 496 GMTIRPLVDLLAVKKKQETKRSENEEHTQFDHLLTGIEDICGHYGHHHWKDKLNRFNKKYVKKCLAGERS--KEPQLIAFYHKMEMKQAIEL
S. pistillata A1 459 GMTIKPLVRLHVKLRGKEQLSMCVELNEKL-DHLVAGIEEISGHHGHGYWEMLEYVHTYLRRWLIRONDRFVQDEEILLAYRRLAYKDALTR
S. pistillata A6 495 GGATISVLSALKIRVGVDPPEEEKQ---STYVSN-----GD-----ENLRSQAQTHYERAWIFRKWYDFDVYKMKPIETNYGQ-PLTETL
S. pistillata A7 510 GGVTPVLSCLKKTKTGIDEHEEEKK---ARRLSL-----ID---VNDPSASTPQRIEKQVEKSWLVVRVMSREDEKYLTPIFVEESQ-IEPPSS
S. pistillata A8 488 GGSILPLCLKLKADQGLEKSLTISK---TQT-----EGKAVDADQITDDEWRISSKKALKGFSNLDKAYFIPFTRKFT-RQEVRR

H. sapiens A1 589 VESGGMGKI--PSAVSTVSMQNIHPKSLPSEIRLPALSCKDKFE-----
S. pistillata A1 554 LEKEGSGSAIFPTNIPL---ELLAKSAFEASAICANESDEDENKPRIRAGEDVRVPDAIQVDWRASGVPSG-----GELEIHDTSMHSLN
S. pistillata A6 570 PGWCG-----PLARFLRSRDPDAK--TETVATDSD--EDMLNINGQLSFTSEVMVRPASGSVNSGEPDQMQREGDLGLGAEQMTRRA