

Suppl. table 6. Simple and complex structural variants in whole genome Nanopore sequencing data.

PD47_CT	Chr	Position (start)	Chr	Position (stop)	PD47_CTS	Chr	Position (start)	Chr	Position (stop)	PD51_CT	Chr	Position (start)	Chr	Position (stop)	PD51_CTS	Chr	Position (start)	Chr	Position (stop)	
INPPL1	9	31741296	11	71953872	AC156455.1	9	6514212	12	122504115	PTPRD	9	8426823	13	85684929	9	13699942	4	112630786		
SPIN1	9	91025427	14	40213043	NAT1	9	7485252	8	18043696		9	10750156	6	468720	SLOC2A2	9	19677623	12	40867598	
	9	103588061	2	120044031	RP11-357K6.1	9	8426094	12	119309327	MICU1	9	18454197	10	74258142	RABGAP1L	9	27472873	1	174439107	
RP11-281A2C	9	120604265	1	14718172	CEP112	9	9549165	17	63823853	RUSC2	9	35543326	7	104143899	ATP8B5P	9	35479323	18	53452511	
PBX3	9	128668389	5	139019680	BCAS3	9	12197468	17	59465106	RORB	9	77221465	17	67850213	9	70060043	21	14383129		
DNM1	9	131021712	4	127976159	MNF27	9	13576146	19	11703728	RP11-232A1.1	9	84100290	5	6011842	9	75919404	11	57692568		
ARHGFE10L	15	20582345	1	17913319	ZNF623	9	20502819	6	26476964	CTD-2588J1.1	9	85091351	8	134822623	AC068831.10	9	76739932	15	91571536	
COX10-AS1	15	25052662	17	13664893		9	24277919	6	83373647	C6ORF50	9	92293216	6	3982497	UBAP1L	9	80960889	15	65400890	
ARHGAP11B	15	30944107	13	98305302	AC096559.1	9	25883263	2	1259664	MTHFD2L	9	105500867	4	75020716	9	83140360	2	104023849		
ARHGFE25	15	47549006	12	58008286	LRP1B	9	26391177	2	142182313		9	108592646	10	130063687	EIF4EBP1	9	83668542	8	37898338	
RP11-103JB.1	15	55113760	20	10973482	LINC00032	9	27247054	10	86549524	SETD8	9	117714667	12	123891056	SUPT3H	9	95543799	6	45325168	
KIF1C	15	65617466	17	4913298	KCNDB3	9	28173344	1	112430524	EGFLAM	9	120330474	5	38279570	PID1	9	97241973	2	230007263	
RNUSB-2P	15	73117244	3	40539524	TRIM36	9	28418701	5	114456666	PALD1	9	123553101	10	72332403	AQP10	9	108113697	1	154301599	
	15	78613927	13	69040211	RP11-444D3.1	9	30429832	12	24553136	BNC1	9	129104473	15	83951672	MUSK	9	113513481	2	33945232	
STARD5	15	81607107	5	96693697		9	32233641	6	110876686	COG6	9	132050055	13	40329588	SNX29	9	114956146	16	12439720	
NOP56	15	87693682	20	2637689	ARHGAP15	9	32235331	2	144294539	NCS1	9	132982311	4	120316067	9	117755917	12	47297631		
PLCB1	15	92883908	20	8140919	TAF1L	9	32640439	5	50228687	IGHV4-4	15	22468810	14	106481651	RALGPS1	9	129785421	10	75035745	
DNER	17	4032050	2	230489250	UBAP2	9	33957279	5	80565008	TBXAS1	15	26448218	7	139650445	DPP10	9	131457142	2	116376695	
KIF1C	17	4919526	15	65617465	FAM219A	9	34420238	8	55076592	MACROD2	15	33592203	20	14930859	FIBCD1	9	133789614	2	88925157	
COX10-AS1	17	13664894	15	25050085	UBR3	9	37100916	2	170790793	POLC2	15	38090239	1	19659864	TM9SF1	9	137241725	14	24563396	
ADAMTS18	17	31167504	16	77317838	TRPM3	9	73573291	8	15676443	TMEM229A	15	39369507	7	123666101	15	20000012	21	14344575		
CNRY	17	39263295	10	35768289	CCAR1	9	74514178	10	70538932	RORA	15	61150286	12	112894321	GABRB3	15	26961322	1	179549131	
CTD-2020K1.1	17	43264842	10	59566684	GDA	9	74830438	11	12224334		15	62406338	4	93123273		15	27834683	11	23992232	
PRR15L	17	46033062	4	23739401	HIPK4	9	83203933	19	40880479	PITPNM3	15	63122402	17	6443541	ARHGAP11B	15	31020951	17	49678513	
CA10	17	50029622	1	116473147	TNR06B	9	83578471	22	40731313	LRRCA9	15	71294791	12	118503430	PLCB2	15	40582595	12	104384601	
ROCK1	18	18667341	13	53949081	SPATA31D2P	9	84589076	2	64301798	BNC1	15	83950971	14	90997440	GINS4	15	56597159	8	41387787	
PSMA8	18	23776158	1	177290806	LDLRAD4	9	88011187	18	13458859	BNC1	15	83951673	9	12906958	CCNB2	15	59400043	22	26362084	
MYH9	18	31334245	22	36787614	ADAMTS12	9	89945156	5	33809472		15	90864643	10	35147636	RORA	15	61417579	1	80946403	
FGD5	18	60905980	3	14945815		9	102098591	18	53981885	ZNF124	17	5707170	1	247317855	hsa-mir-7162	15	62545449	4	174064135	
GPD2	18	75966055	2	157342555	ANO10	9	111890301	3	43623941	PITPNM3	17	6444980	15	63116299	LUZP2	15	63244422	11	24561683	
						9	114572602	1	117881352	ERBB4	17	20536578	2	213012682	UBAP1L	15	65404173	9	80952090	
					KIAA1958	9	115391235	20	42479189	IL10RA	17	29981163	11	117866104	ZWILCH	15	66823122	5	176270310	
					ZNF618	9	116720439	4	5020730	TMEM98	17	31265835	12	126079277	DIP2C	15	66907284	10	404538	
					ATRN	9	117236704	20	3579817	TTL6	17	46887762	8	15136079	ANP32A	15	69087818	5	4811491	
					RAB7A	9	122609093	3	128505656	TLK2	17	60674209	1	82677148	THSD4	15	71984380	6	47111234	
					ZNF787	9	135924935	19	56594996	RORB	17	67851254	9	77221464	DNM1P35	15	76029867	4	130353633	
					COL5A1	9	137616647	5	133777499	SLC8A1	17	70507629	2	40615830	SCAPER	15	76982581	4	75845903	
					TOR4A	9	140177738	1	224230239	MC2R	18	13883077	1	52318622	CHRNA5	15	78881840	13	46231817	
						15	36809160	5	2381102	STPG2	18	39528843	4	98882078	DTNB	15	80744197	2	98881331	
					SYNE2	15	40933432	14	64524346	PRKG1	18	61879169	10	53079423	PDE8A	15	85529082	10	120523931	
					LY75	15	57587463	2	160695452	PARP1	18	89022173	12	3917004	AC068831.10	15	91571537	9	76737457	
					CGNL1	15	57710402	4	30237179		18	71031306	11	101197256	LAMB1	15	91610327	7	107608635	
					DAFK2	15	64309753	13	70014418							15	99956309	2	130592431	
					EFNA5	15	65704173	5	108817769							17	3803417	1	71036747	
					THSD4	15	72079304	8	67442547							17	25331536	22	21994021	
					PARP6	15	72562694	4	3452439							17	29728763	11	350019	
					FRAS1	15	73097826	4	79277086							C8orf74	17	40891620	8	10551562
						15	75057586	8	34483460							MAPT	17	44013772	1	190399952
					SCAPER	15	77087219	16	64708855							ARHGAP11B	17	49678514	15	31020950
					UGDH	15	79861863	4	39526056							TTL	17	59710631	2	113301697
					DNAH3	15	79869771	16	21131818							RAI14	17	60139823	5	34772312
					ADAMTSL3	15	84571575	6	140780466							WDR26	17	65072264	1	224613354
					ACAN	15	89368001	19	16841406								17	72640217	1	207591998
					SKAP1	15	91466710	17	46269694							SLC26A11	17	78203149	6	57893458
					RP11-4G2.1	15	96571067	4	190467946							PCSK2	18	12606090	20	17427416
					MCF2L2	15	96907393	3	182943167							BCL2L1	18	47066540	20	30252708
						15	98889269	19	35464837							L3MBTL4	18	6417233	3	76996360
					LYSM4	15	100262965	2	186500484							PITRM	18	7820359	2	201617939
					MINK1	17	4790840	3	89649665							RP11-128P17	18	11482785	8	138387384
					TMEM220	17	10631280	4	185878214							GNAL	18	11808178	1	154744789
					RAI1	17	17581577	5	73384416							PITPRA	18	20058215	20	3007884
					LGALS9	17	25975145	1	189462004							FHOD3	18	33967440	1	25232441

