

Supplemental Table 7. Estimates (in %) of nucleotide divergence at synonymous (K_S) and nonsynonymous (K_A) sites (below and above the diagonal) across Luc genes and species.

	<i>MLuc1</i>	<i>MpLuc1</i>	<i>MoLuc1</i>	<i>MLuc2</i>	<i>MpLuc2</i>	<i>MoLuc2</i>	<i>MLuc3</i>
<i>MLuc1</i>	-	1,1	3,0	18,2	18,5	18,7	23,5
<i>MpLuc1</i>	11,6	-	2,5	18,5	18,2	19,0	23,9
<i>MoLuc1</i>	25,4	26,1	-	19,3	18,8	19,6	24,6
<i>MLuc2</i>	78,4	96,0	84,9	-	2,85	3,3	3,5
<i>MpLuc2</i>	83,0	100,4	78,0	7,8	-	3,0	2,9
<i>MoLuc2</i>	78,5	86,1	67,3	18,1	19,2	-	2,7
<i>MLuc3</i>	84,1	94,5	81,3	16,4	18,8	14,9	-