Supplemental Table 6. Haplotype diversity at the *MlLuc3* locus from PCS (PCR-Cloning and Sanger sequencing) and MPS (Massive Parallel Sequencing) data.

Haplotypes		PCS data (No. Clones)									MPS data (No. Reads)		
MPS	PCS (corresp.)	Pool 1	Pool 2	Ind. 1	Ind. 2	Ind. 3	Ind. 4	Ind. 5	Ind. 6	Ind. 7	Ind. 8	Ind. 9	Ind. 10
MPS-M3.1	PCS-M3.1, PCS-M3.2, PCS-M3.13		1		1		1		3	2	1248	1361	112
MPS-M3.2	PCS-M3.14		1										
MPS-M3.3	PCS-M3.11	1											
MPS-M3.4											41	75	60
MPS-M3.5	PCS-M3.10									1			
MPS-M3.6	PCS-M3.15			1									
MPS-M3.7	PCS-M3.5, PCS-M3-6, PCS -M3.7	1						3					3
MPS-M3.8											56	83	19
MPS-M3.9	PCS-M3.3, PCS-M3.4, PCS-M3.8	1						4					
MPS-M3.10	PCS-M3.9							1					
MPS-M3.11	PCS-M3.12		1										

MPS	21	26	28	30	31	33	48	52	58	61	70	74	75	76	77	78	79	80	81	82	83	84	85	86	87	88	89	90	91	92	93	110	147	162	178	182	223	242	254	274
MPS-M3.1	T	T	C	T	T	T	G	C	A	T	C	T	T	T	T	T	G	T	T	–	–	A	C	A	A	A	G	A	C	T	T	T	C	T	A	A	A	C	A	C
MPS-M3.2	C	·	G	·	·	·	A	G	·	A	·	.	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·
MPS-M3.3	·	·	·	·	·	·	·	G	·	A	·	.	·	·	·	·	T	·	·	T	T	·	·	·	·	·	·	·	A	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A
MPS-M3.4	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A	·	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	G	·	·	·	·	·
MPS-M3.5	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A	·	C	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	G	·	·	·	·	·
MPS-M3.6	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A	A	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·
MPS-M3.7	·	·	·	·	·	·	·	·	G	·	·	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	G	·	G	G	·	·	·
MPS-M3.8	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A	·	·	·	·	·	C	·
MPS-M3.9	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A	A	·	·	·	·	·	C	·
MPS-M3.10	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	A	·	·
MPS-M3.11	·	C	·	A	A	A	·	·	·	·	·	.	·	·	·	·	·	·	·	–	–	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·

Note: Plain text, silent or intron mutation; Bold, nonsynonymous mutation; Red, nonsense/frameshift mutation; *, nonsense mutation (stop codon); Ligh grey, exon; dot, same as first sequence; –, deletion.
Intron and exon boundaries for this region were difficult to determine, so all positions were considered as noncoding