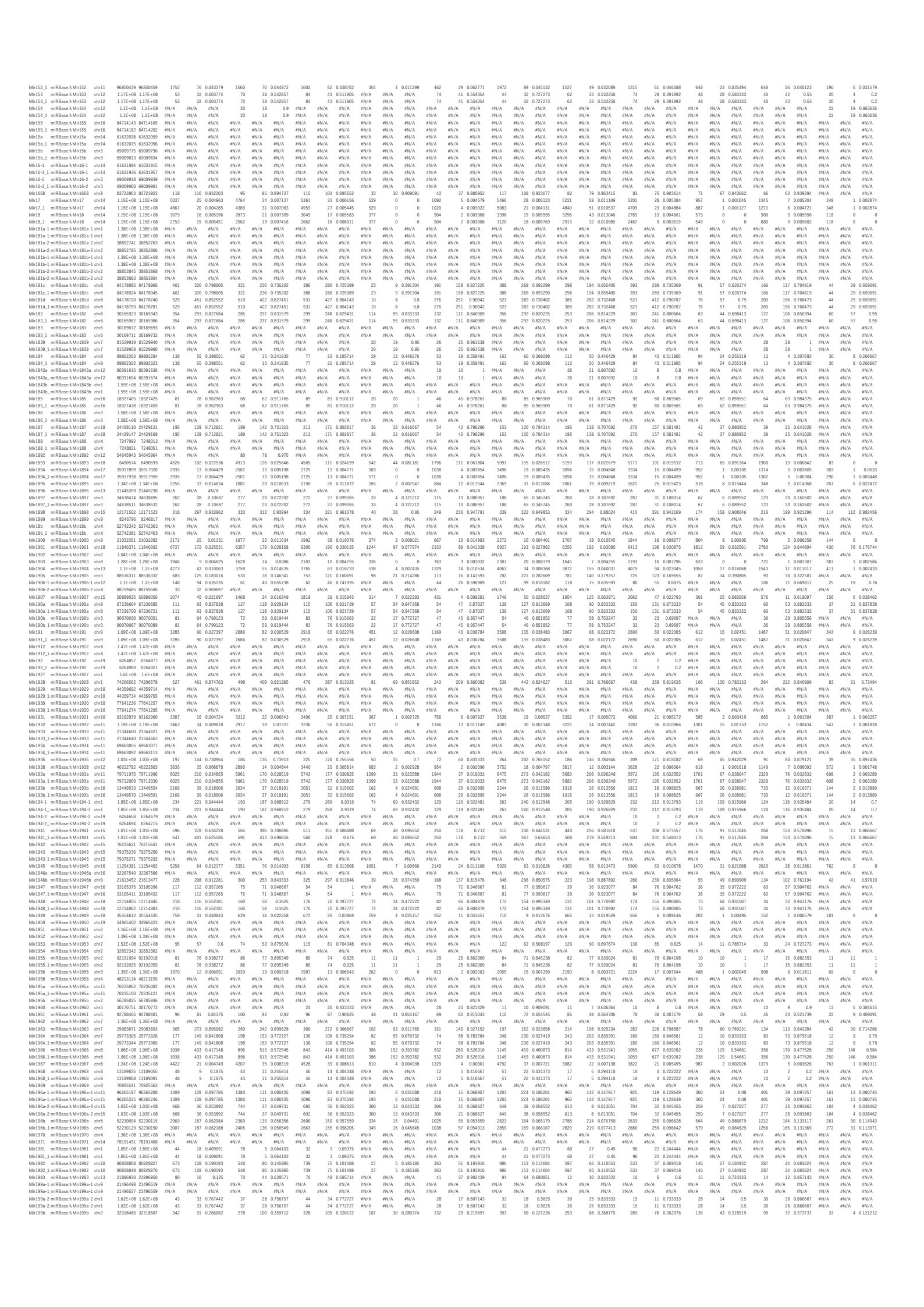
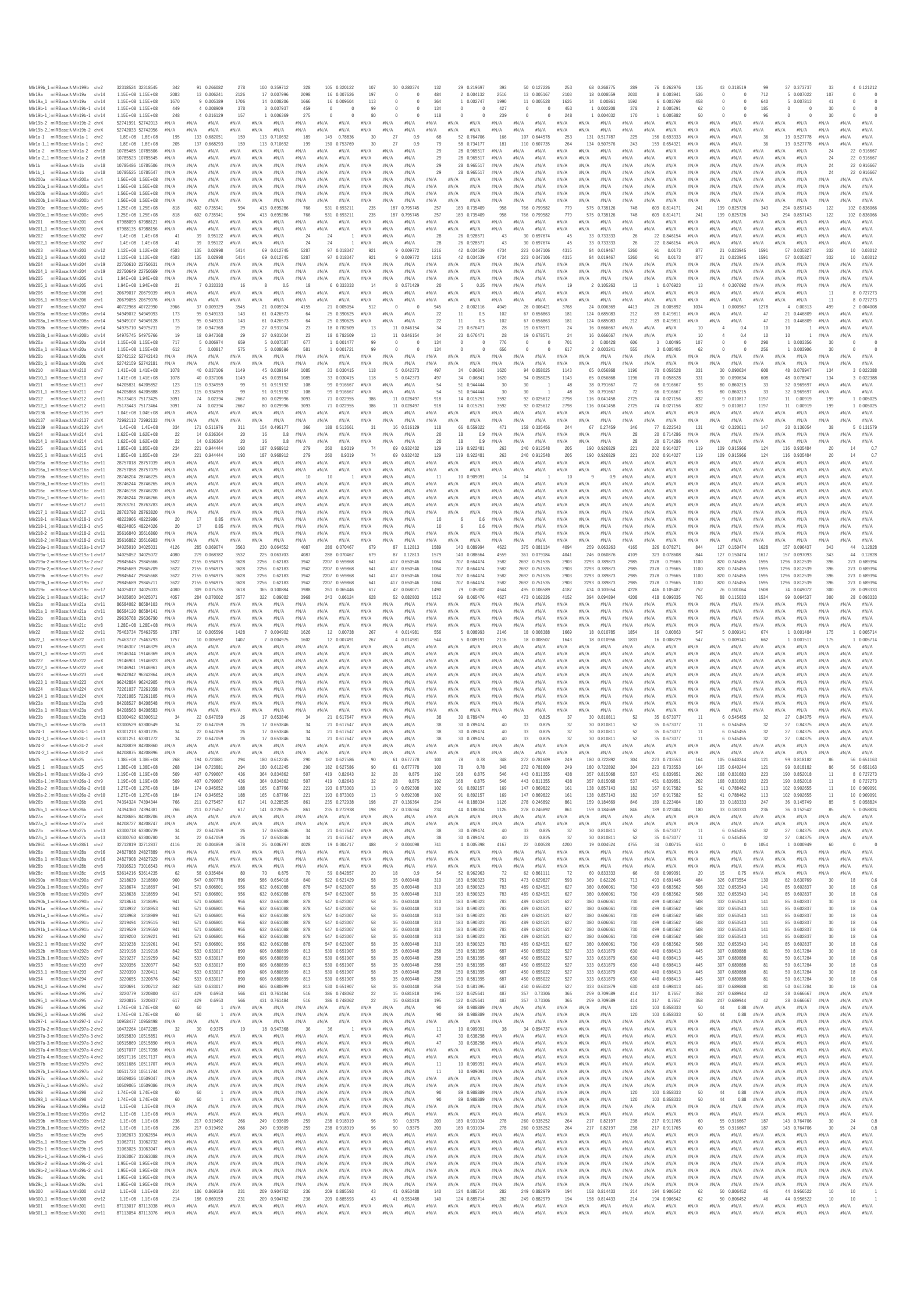
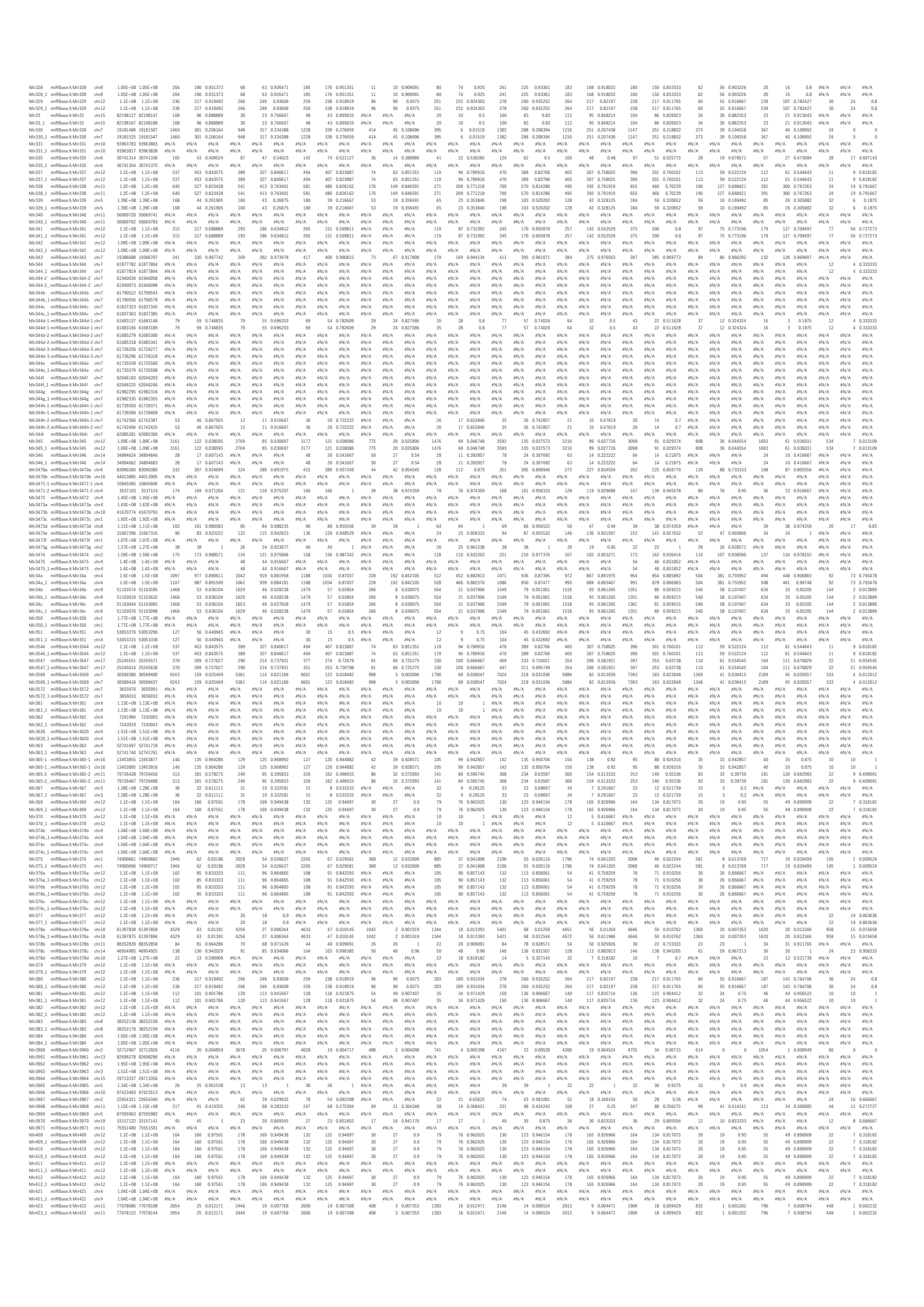
Transcript ID	Gene ID	Gene Name	Chromosome	Start	End	Non-Tumor 1 Promoter Coverage	Non-Tumor 1 Promoter Number Methylated	Non-Tumor 1 Promoter Fraction Methylated	Non-Tumor 2 Promoter Coverage	Non-Tumor 2 Promoter Number Methylated	Non-Tumor 2 Promoter Fraction Methylated	Non-Tumor 3 Promoter Coverage	Non-Tumor 3 Promoter Number Methylated	Non-Tumor 3 Promoter Fraction Methylated	Non-Tumor 4 Promoter Coverage	Non-Tumor 4 Promoter Number Methylated	Non-Tumor 4 Promoter Fraction Methylated	Non-Tumor 5 Promoter Coverage	Non-Tumor 5 Promoter Number Methylated	Non-Tumor 5 Promoter Fraction Methylated	HCC 1 Promoter Coverage	HCC 1 Promoter Number Methylated	HCC 1 Promoter Fraction Methylated	HCC 2 Promoter Coverage	HCC 2 Promoter Number Methylated	HCC 2 Promoter Fraction Methylated	HCC 3 Promoter Coverage	HCC 3 Promoter Number Methylated	HCC 3 Promoter Fraction Methylated	HCC 4 Promoter Coverage	HCC 4 Promoter Number Methylated	HCC 4 Promoter Fraction Methylated	HCC 5-1 Promoter Coverage	HCC 5-1 Promoter Number Methylated	HCC 5-1 Promoter Fraction Methylated	HCC 5-2 Promoter Coverage	HCC 5-2 Promoter Number Methylated	HCC 5-2 Promoter Fraction Methylated
Gm22650	miRBase:M	Gm22650	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm23363	miRBase:M	Gm23363	chr2	32318317	32318338	342	91	0.266082	278	100	0.359712	328	105	0.320122	107	30	0.280374	132	29	0.219697	417	58	0.139089	253	68	0.268775	289	76	0.262976	135	43	0.318519	99	37	0.373737	33	4	0.121212
Gm23450	miRBase:M	Gm23450	chr7	3415120	3415143	5658	109	0.019265	5580	116	0.020789	5470	106	0.019378	492	4	0.00813	1123	57	0.050757	5605	181	0.032293	4329	130	0.03003	4676	216	0.046193	1078	48	0.044527	1565	65	0.041534	421	17	0.04038
Gm24148	miRBase:M	Gm24148	chr1	86352062	86352087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1
Gm24195	miRBase:M	Gm24195	chr13	54578152	54578173	383	322	0.840731	294	252	0.857143	368	297	0.807065	85	70	0.823529	136	92	0.676471	514	376	0.731518	402	317	0.788557	329	260	0.790274	135	107	0.792593	103	81	0.786408	51	39	0.764706
Gm24195_	miRBase:M	Gm24195	chr13	54578188	54578210	383	322	0.840731	294	252	0.857143	368	297	0.807065	85	70	0.823529	136	92	0.676471	514	376	0.731518	402	317	0.788557	329	260	0.790274	135	107	0.792593	103	81	0.786408	51	39	0.764706
Gm24572	miRBase:M	Gm24572	chr16	18284562	18284583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm24572_	miRBase:M	Gm24572	chr16	18284602	18284623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm24627	miRBase:M	Gm24627	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm24627_	miRBase:M	Gm24627	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm25285	miRBase:M	Gm25285	chr2	10491349	10491372	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm25285_	miRBase:M	Gm25285	chr2	10491390	10491411	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm25500	miRBase:M	Gm25500	chr9	15312611	15312632	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm25500_	miRBase:M	Gm25500	chr9	15312648	15312669	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm25641	miRBase:M	Gm25641	chr3	88215613	88215633	812	23	0.028325	751	16	0.021305	732	18	0.02459	110	1	0.009091	397	19	0.047859	783	27	0.034483	438	12	0.027397	692	29	0.041908	184	5	0.027174	306	7	0.022876	56	9	0.160714
Gm25641_	miRBase:M	Gm25641	chr3	88215650	88215670	812	23	0.028325	751	16	0.021305	732	18	0.02459	110	1	0.009091	397	19	0.047859	783	27	0.034483	438	12	0.027397	692	29	0.041908	184	5	0.027174	306	7	0.022876	56	9	0.160714
Gm27740	miRBase:M	Gm27740	chr17	33886676	33886695	119	112	0.941176	165	160	0.969697	100	95	0.95	33	33	1	59	57	0.966102	110	105	0.954545	76	67	0.881579	117	109	0.931624	50	47	0.94	88	82	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A
Gm27740_	miRBase:M	Gm27740	chr17	33886708	33886728	119	112	0.941176	165	160	0.969697	100	95	0.95	33	33	1	59	57	0.966102	110	105	0.954545	76	67	0.881579	117	109	0.931624	50	47	0.94	88	82	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A
Gm27775	miRBase:M	Gm27775	chr17	26920967	26920987	54	51	0.944444	60	60	1	56	54	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	20	18	0.9	28	26	0.928571	68	65	0.955882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm27775_	miRBase:M	Gm27775	chr17	26921000	26921019	54	51	0.944444	60	60	1	56	54	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	20	18	0.9	28	26	0.928571	68	65	0.955882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm38670	miRBase:M	Gm38670	chr7	30552839	30552860	433	7	0.016166	244	0	0	293	8	0.027304	30	0	0	146	1	0.006849	616	4	0.006494	498	2	0.004016	473	4	0.008457	20	0	0	116	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Gm38670_	miRBase:M	Gm38670	chr7	30552871	30552892	433	7	0.016166	244	0	0	293	8	0.027304	30	0	0	146	1	0.006849	616	4	0.006494	498	2	0.004016	473	4	0.008457	20	0	0	116	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Gm38671	miRBase:M	Gm38671	chr8	12947953	12947975	83	16	0.192771	61	7	0.114754	86	19	0.22093	30	5	0.166667	20	10	0.5	108	33	0.305556	89	26	0.292135	57	10	0.175439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182
Gm38671_	miRBase:M	Gm38671	chr8	12948035	12948058	83	16	0.192771	61	7	0.114754	86	19	0.22093	30	5	0.166667	20	10	0.5	108	33	0.305556	89	26	0.292135	57	10	0.175439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182
Gm51264	miRBase:M	Gm51264	chr12	73045918	73045937	6154	107	0.017387	6096	114	0.018701	6248	112	0.017926	922	13	0.0141	1918	27	0.014077	5946	103	0.017323	5354	154	0.028764	5658	130	0.022976	1712	24	0.014019	1787	48	0.026861	430	24	0.055814
Gm51265	miRBase:M	Gm51265	chr1	1.35E+08	1.35E+08	54	51	0.944444	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	96	85	0.885417	72	61	0.847222	81	68	0.839506	80	69	0.8625	57	48	0.842105	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51266	miRBase:M	Gm51266	chr10	1.11E+08	1.11E+08	116	99	0.853448	132	118	0.893939	124	110	0.887097	20	20	1	58	57	0.982759	173	160	0.924855	136	123	0.904412	96	89	0.927083	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	44	40	0.909091
Gm51267	miRBase:M	Gm51267	chr12	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51268	miRBase:M	Gm51268	chr13	83738821	83738841	356	19	0.053371	404	28	0.069307	363	16	0.044077	76	3	0.039474	188	10	0.053191	379	37	0.097625	404	20	0.049505	315	18	0.057143	96	2	0.020833	157	15	0.095541	54	1	0.018519
Gm51268_	miRBase:M	Gm51268	chr13	83738856	83738876	356	19	0.053371	404	28	0.069307	363	16	0.044077	76	3	0.039474	188	10	0.053191	379	37	0.097625	404	20	0.049505	315	18	0.057143	96	2	0.020833	157	15	0.095541	54	1	0.018519
Gm51269	miRBase:M	Gm51269	chr16	57610786	57610809	20	8	0.4	17	6	0.352941	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	15	5	0.333333	34	11	0.323529	#N/A	#N/A	#N/A	17	6	0.352941	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51270	miRBase:M	Gm51270	chr17	87220142	87220159	90	85	0.944444	13	13	1	60	55	0.916667	10	9	0.9	42	40	0.952381	91	86	0.945055	65	61	0.938462	16	13	0.8125	15	14	0.933333	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51271	miRBase:M	Gm51271	chr19	3850796	3850816	2856	38	0.013305	2508	17	0.006778	3016	24	0.007958	461	4	0.008677	927	6	0.006472	2846	38	0.013352	2470	13	0.005263	2683	25	0.009318	987	6	0.006079	1024	16	0.015625	209	2	0.009569
Gm51272	miRBase:M	Gm51272	chr3	17795685	17795706	873	38	0.043528	653	19	0.029096	762	15	0.019685	105	3	0.028571	262	4	0.015267	913	44	0.048193	745	28	0.037584	577	21	0.036395	198	6	0.030303	225	7	0.031111	75	3	0.04
Gm51273	miRBase:M	Gm51273	chr3	55887284	55887305	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51274	miRBase:M	Gm51274	chr3	57317450	57317469	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51274_	miRBase:M	Gm51274	chr3	57317490	57317511	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51275	miRBase:M	Gm51275	chr3	1.17E+08	1.17E+08	10	7	0.7	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51276	miRBase:M	Gm51276	chr4	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	4	0.2	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	14	0	0	15	0	0	14	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51276_	miRBase:M	Gm51276	chr4	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	4	0.2	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	14	0	0	15	0	0	14	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51277	miRBase:M	Gm51277	chr5	21673874	21673891	408	141	0.345588	391	96	0.245524	342	121	0.353801	#N/A	#N/A	#N/A	250	105	0.42	384	147	0.382813	314	7	0.022293	342	152	0.444444	222	100	0.45045	245	118	0.481633	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51278	miRBase:M	Gm51278	chr6	99184962	99184982	33	23	0.69697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	11	10	0.909091	116	106	0.913793	81	57	0.703704	#N/A	#N/A	#N/A	33	32	0.969697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51278_	miRBase:M	Gm51278	chr6	99184999	99185019	33	23	0.69697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	11	10	0.909091	127	114	0.897638	81	57	0.703704	#N/A	#N/A	#N/A	44	36	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51279	miRBase:M	Gm51279	chr7	81613308	81613329	388	328	0.845361	223	202	0.90583	309	270	0.873786	16	15	0.9375	175	156	0.891429	418	368	0.880383	377	318	0.843501	330	292	0.884848	29	28	0.965517	45	42	0.933333	102	92	0.901961
Gm51279_	miRBase:M	Gm51279	chr7	81613348	81613368	388	328	0.845361	223	202	0.90583	309	270	0.873786	16	15	0.9375	175	156	0.891429	418	368	0.880383	377	318	0.843501	319	283	0.887147	29	28	0.965517	34	31	0.911765	102	92	0.901961
Gm51280	miRBase:M	Gm51280	chr9	74966743	74966765	90	53	0.588889	84	42	0.5	88	38	0.431818	#N/A	#N/A	#N/A	86	60	0.697674	114	88	0.77193	100	90	0.9	96	78	0.8125	20	18	0.9	44	34	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51280_	miRBase:M	Gm51280	chr9	74966781	74966802	90	53	0.588889	84	42	0.5	88	38	0.431818	#N/A	#N/A	#N/A	86	60	0.697674	114	88	0.77193	100	90	0.9	96	78	0.8125	20	18	0.9	44	34	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51281	miRBase:M	Gm51281	chr9	88325743	88325764	1296	18	0.013889	1193	6	0.005029	1370	7	0.005109	138	0	0	332	3	0.009036	1268	19	0.014984	1072	14	0.01306	1108	25	0.022563	476	8	0.016807	264	1	0.003788	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51281_	miRBase:M	Gm51281	chr9	88325782	88325802	1344	19	0.014137	1193	6	0.005029	1433	8	0.005583	138	0	0	362	3	0.008287	1310	19	0.014504	1072	14	0.01306	1162	26	0.022375	476	8	0.016807	264	1	0.003788	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51282	miRBase:M	Gm51282	chr1	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51283	miRBase:M	Gm51283	chr14	63150292	63150313	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51283_	miRBase:M	Gm51283	chr14	63150324	63150348	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51284	miRBase:M	Gm51284	chr17	80194913	80194932	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51285	miRBase:M	Gm51285	chr7	79505279	79505299	3349	122	0.036429	3553	141	0.039685	3607	114	0.031605	574	13	0.022648	1090	38	0.034862	2880	172	0.059722	2840	111	0.039085	2983	126	0.042239	1001	45	0.044955	1535	123	0.08013	280	12	0.042857
Gm51285_	miRBase:M	Gm51285	chr7	79505316	79505336	3349	122	0.036429	3553	141	0.039685	3607	114	0.031605	574	13	0.022648	1090	38	0.034862	2880	172	0.059722	2840	111	0.039085	2983	126	0.042239	1001	45	0.044955	1535	123	0.08013	280	12	0.042857
Gm51286	miRBase:M	Gm51286	chr9	14180055	14180072	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51287	miRBase:M	Gm51287	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	37	0.672727	84	75	0.892857	44	43	0.977273	60	38	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	44	40	0.909091
Gm51287_	miRBase:M	Gm51287	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	37	0.672727	84	75	0.892857	44	43	0.977273	60	38	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	44	40	0.909091
Gm51288	miRBase:M	Gm51288	chr11	86852604	86852625	73	21	0.287671	10	3	0.3	36	3	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	48	16	0.333333	41	10	0.243902	94	18	0.191489	50	21	0.42	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51288_	miRBase:M	Gm51288	chr11	86852636	86852657	73	21	0.287671	10	3	0.3	36	3	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	48	16	0.333333	41	10	0.243902	94	18	0.191489	50	21	0.42	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51289	miRBase:M	Gm51289	chr12	1.12E+08	1.12E+08	4503	135	0.02998	5414	69	0.012745	5287	97	0.018347	921	9	0.009772	1216	42	0.034539	4734	223	0.047106	4315	84	0.019467	5260	91	0.0173	877	21	0.023945	1591	57	0.035827	332	10	0.03012
Gm51289_	miRBase:M	Gm51289	chr12	1.12E+08	1.12E+08	4503	135	0.02998	5414	69	0.012745	5287	97	0.018347	921	9	0.009772	1216	42	0.034539	4734	223	0.047106	4315	84	0.019467	5260	91	0.0173	877	21	0.023945	1591	57	0.035827	332	10	0.03012
Gm51290	miRBase:M	Gm51290	chr15	83341804	83341824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	31	0.704545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51290_	miRBase:M	Gm51290	chr15	83341838	83341858	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	31	0.704545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51291	miRBase:M	Gm51291	chr17	26948060	26948081	5024	62	0.012341	5534	51	0.009216	5388	54	0.010022	1183	19	0.016061	1769	25	0.014132	5885	84	0.014274	4414	40	0.009062	5035	45	0.008937	1714	13	0.007585	1651	7	0.00424	315	3	0.009524
Gm51291_	miRBase:M	Gm51291	chr17	26948094	26948115	5024	62	0.012341	5534	51	0.009216	5388	54	0.010022	1183	19	0.016061	1769	25	0.014132	5885	84	0.014274	4414	40	0.009062	5035	45	0.008937	1714	13	0.007585	1651	7	0.00424	315	3	0.009524
Gm51292	miRBase:M	Gm51292	chr5	32092765	32092783	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51293	miRBase:M	Gm51293	chr5	77084517	77084537	89	75	0.842697	94	71	0.755319	95	72	0.757895	#N/A	#N/A	#N/A	52	47	0.903846	127	101	0.795276	97	66	0.680412	68	48	0.705882	32	28	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	19	12	0.631579
Gm51294	miRBase:M	Gm51294	chr5	1.26E+08	1.26E+08	150	137	0.913333	72	70	0.972222	90	87	0.966667	10	9	0.9	21	18	0.857143	111	102	0.918919	113	99	0.876106	109	99	0.908257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51294_	miRBase:M	Gm51294	chr5	1.26E+08	1.26E+08	150	137	0.913333	72	70	0.972222	90	87	0.966667	10	9	0.9	21	18	0.857143	111	102	0.918919	113	99	0.876106	109	99	0.908257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51295	miRBase:M	Gm51295	chr9	1.08E+08	1.08E+08	174	161	0.925287	82	75	0.914634	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	91	87	0.956044	148	131	0.885135	87	74	0.850575	125	111	0.888	20	18	0.9	94	92	0.978723	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51296	miRBase:M	Gm51296	chr15	1.02E+08	1.02E+08	427	401	0.93911	457	418	0.914661	447	420	0.939597	53	51	0.962264	199	188	0.944724	540	490	0.907407	376	333	0.885638	449	394	0.877506	159	129	0.811321	224	197	0.879464	41	35	0.853659
Gm51296_	miRBase:M	Gm51296	chr15	1.02E+08	1.02E+08	427	401	0.93911	467	428	0.916488	460	431	0.936957	53	51	0.962264	210	199	0.947619	540	490	0.907407	376	333	0.885638	449	394	0.877506	169	138	0.816568	234	206	0.880342	41	35	0.853659
Gm51297	miRBase:M	Gm51297	chr7	4917965	4917988	152	148	0.973684	40	38	0.95	64	60	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	40	35	0.875	171	157	0.918129	104	97	0.932692	148	133	0.898649	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm51297_	miRBase:M	Gm51297	chr7	4918009	4918030	177	173	0.977401	40	38	0.95	74	70	0.945946	#N/A	#N/A	#N/A	50	45	0.9	185	170	0.918919	119	112	0.941176	166	150	0.903614	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Gm7003	629785	Gm7003	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igha	238447	Igha	chr12	1.13E+08	1.13E+08	134	113	0.843284	86	60	0.697674	137	101	0.737226	#N/A	#N/A	#N/A	111	75	0.675676	138	92	0.666667	64	48	0.75	128	91	0.710938	31	27	0.870968	83	61	0.73494	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd	380797	Ighd	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd1-1	777657	Ighd1-1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd2-3	777679	Ighd2-3	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd2-4	777677	Ighd2-4	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd2-5	777675	Ighd2-5	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd2-6	777672	Ighd2-6	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd2-7	777667	Ighd2-7	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd2-8	777664	Ighd2-8	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd3-1	777681	Ighd3-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd3-2	777662	Ighd3-2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd4-1	777661	Ighd4-1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-1	777682	Ighd5-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-2	777676	Ighd5-2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-3	777674	Ighd5-3	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-4	777670	Ighd5-4	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-5	777665	Ighd5-5	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-6	777663	Ighd5-6	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-7	777673	Ighd5-7	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd5-8	777669	Ighd5-8	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd6-1	777680	Ighd6-1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighd6-2	777678	Ighd6-2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighe	380792	Ighe	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighg1	16017	Ighg1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	65	55	0.846154	52	45	0.865385	52	43	0.826923	#N/A	#N/A	#N/A	78	66	0.846154	87	64	0.735632	52	25	0.480769	52	27	0.519231	22	9	0.409091	55	31	0.563636	#N/A	#N/A	#N/A
Ighg2b	16016	Ighg2b	chr12	1.13E+08	1.13E+08	326	248	0.760736	310	229	0.73871	346	259	0.748555	69	51	0.73913	146	110	0.753425	239	172	0.719665	206	122	0.592233	236	123	0.521186	98	49	0.5	82	38	0.463415	26	13	0.5
Ighg2c	404711	Ighg2c	chr12	1.13E+08	1.13E+08	53	41	0.773585	87	76	0.873563	57	42	0.736842	#N/A	#N/A	#N/A	44	37	0.840909	57	44	0.77193	76	51	0.671053	69	30	0.434783	31	25	0.806452	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A
Ighg3	380795	Ighg3	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighj1	777648	Ighj1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighj2	777654	Ighj2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighj3	777655	Ighj3	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighj4	777656	Ighj4	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighm	16019	Ighm	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	12	0.521739	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-1	780834	Ighv1-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-10	637050	Ighv1-10	chr12	1.15E+08	1.15E+08	139	117	0.841727	139	116	0.834532	143	126	0.881119	28	28	1	76	66	0.868421	133	119	0.894737	139	93	0.669065	82	52	0.634146	84	53	0.630952	64	41	0.640625	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-11	629859	Ighv1-11	chr12	1.15E+08	1.15E+08	13	12	0.923077	20	18	0.9	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	17	11	0.647059	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4
Ighv1-12	629860	Ighv1-12	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-13	780865	Ighv1-13	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-14	629863	Ighv1-14	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-15	629865	Ighv1-15	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-16	629866	Ighv1-16	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-17	629869	Ighv1-17	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-17-1	780926	Ighv1-17-1	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-18	629871	Ighv1-18	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-19	382692	Ighv1-19	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-19-1	668493	Ighv1-19-1	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-2	238428	Ighv1-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-20	668497	Ighv1-20	chr12	1.15E+08	1.15E+08	152	131	0.861842	74	59	0.797297	132	106	0.80303	36	30	0.833333	38	37	0.973684	142	101	0.711268	88	50	0.568182	96	56	0.583333	54	27	0.5	52	18	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-21	668499	Ighv1-21	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-21-1	631595	Ighv1-21-1	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-22	780883	Ighv1-22	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-23	780884	Ighv1-23	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	28	0.875	27	23	0.851852	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	9	0.428571	20	9	0.45
Ighv1-24	780885	Ighv1-24	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-25	640497	Ighv1-25	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-26	629884	Ighv1-26	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-27	780886	Ighv1-27	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-28	668510	Ighv1-28	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-29	780887	Ighv1-29	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-3	780859	Ighv1-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-30	668511	Ighv1-30	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-31	629893	Ighv1-31	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-32	780888	Ighv1-32	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-33	641247	Ighv1-33	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-34	628614	Ighv1-34	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-35	668515	Ighv1-35	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-36	629897	Ighv1-36	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-37	668517	Ighv1-37	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-38	780890	Ighv1-38	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-39	780891	Ighv1-39	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-4	432702	Ighv1-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-40	780892	Ighv1-40	chr12	1.15E+08	1.15E+08	64	50	0.78125	40	33	0.825	64	56	0.875	23	19	0.826087	23	16	0.695652	54	45	0.833333	44	26	0.590909	48	34	0.708333	30	19	0.633333	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-41	629904	Ighv1-41	chr12	1.15E+08	1.15E+08	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7
Ighv1-42	629906	Ighv1-42	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-43	629908	Ighv1-43	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-44	668521	Ighv1-44	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-45	780894	Ighv1-45	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-46	668522	Ighv1-46	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-47	629915	Ighv1-47	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-48	780928	Ighv1-48	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

Ighv1-49	629925	Ighv1-49	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-5	668469	Ighv1-5	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-50	780929	Ighv1-50	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-51	780930	Ighv1-51	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-52	382696	Ighv1-52	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-53	780931	Ighv1-53	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-54	211331	Ighv1-54	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-55	780932	Ighv1-55	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-56	382695	Ighv1-56	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-57	780937	Ighv1-57	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-58	780939	Ighv1-58	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-59	432708	Ighv1-59	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-6	780861	Ighv1-6	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-60	780940	Ighv1-60	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-61	674018	Ighv1-61	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-62	668542	Ighv1-62	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-62-1	668544	Ighv1-62-1	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-62-2	238448	Ighv1-62-2	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-62-3	668549	Ighv1-62-3	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-63	780956	Ighv1-63	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-64	380823	Ighv1-64	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-65	780958	Ighv1-65	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-66	380824	Ighv1-66	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-67	435328	Ighv1-67	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-68	780959	Ighv1-68	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-69	619833	Ighv1-69	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-7	668474	Ighv1-7	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-70	638634	Ighv1-70	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-71	619886	Ighv1-71	chr12	1.16E+08	1.16E+08	30	18	0.6	32	17	0.53125	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	13	0.433333	32	8	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-72	619916	Ighv1-72	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-73	668577	Ighv1-73	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-74	100775173	Ighv1-74	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-75	622728	Ighv1-75	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-76	100775174	Ighv1-76	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-77	619994	Ighv1-77	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-78	213570	Ighv1-78	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-79	435331	Ighv1-79	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-8	780863	Ighv1-8	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-80	668589	Ighv1-80	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-81	668591	Ighv1-81	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-82	100775175	Ighv1-82	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-83	620140	Ighv1-83	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-84	434609	Ighv1-84	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-85	668597	Ighv1-85	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-86	668599	Ighv1-86	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv1-9	668478	Ighv1-9	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	30	19	0.633333	26	16	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv10-1	380808	Ighv10-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv10-2	780860	Ighv10-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv10-3	380809	Ighv10-3	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv10-4	780862	Ighv10-4	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv11-1	780804	Ighv11-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	4	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv11-2	780818	Ighv11-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv12-1	780823	Ighv12-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv12-2	780824	Ighv12-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv12-3	435321	Ighv12-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv13-1	780828	Ighv13-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv13-2	629842	Ighv13-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	152	107	0.703947	182	123	0.675824	192	128	0.666667	58	44	0.758621	78	53	0.679487	176	101	0.573864	142	87	0.612676	128	65	0.507813	74	23	0.310811	66	27	0.409091	64	21	0.328125
Ighv14-1	780801	Ighv14-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv14-2	668421	Ighv14-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv14-3	238418	Ighv14-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv14-4	629826	Ighv14-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv15-1	780827	Ighv15-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	15	13	0.866667	44	32	0.727273	55	38	0.690909	#N/A	#N/A	#N/A	26	19	0.730769	51	31	0.607843	55	26	0.472727	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
Ighv15-2	780864	Ighv15-2	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv16-1	629812	Ighv16-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-1	777684	Ighv2-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-2	777686	Ighv2-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-3	238412	Ighv2-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-4	668389	Ighv2-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-5	638605	Ighv2-5	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-6	630486	Ighv2-6	chr12	1.14E+08	1.14E+08	59	44	0.745763	57	48	0.842105	80	59	0.7375	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	102	77	0.754902	61	34	0.557377	52	30	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-6-8	791090	Ighv2-6-8	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-7	780793	Ighv2-7	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-8	780797	Ighv2-8	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-9	640046	Ighv2-9	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv2-9-1	791089	Ighv2-9-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv3-1	780803	Ighv3-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv3-2	780817	Ighv3-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	38	26	0.684211	30	19	0.633333	31	23	0.741935	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	31	23	0.741935	27	18	0.666667	34	28	0.823529	27	16	0.592593	16	15	0.9375	18	3	0.166667
Ighv3-3	668438	Ighv3-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	70	68	0.971429	72	70	0.972222	38	36	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	60	56	0.933333	34	34	1	62	42	0.677419	70	58	0.828571	60	52	0.866667	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv3-4	629833	Ighv3-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	38	18	0.473684	30	19	0.633333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	28	14	0.5	32	16	0.5	38	13	0.342105	29	16	0.551724	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv3-5	633457	Ighv3-5	chr12	1.14E+08	1.14E+08	31	14	0.451613	21	14	0.666667	27	19	0.703704	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	28	11	0.392857	24	4	0.166667	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0
Ighv3-6	780829	Ighv3-6	chr12	1.14E+08	1.14E+08	58	37	0.637931	70	53	0.757143	36	31	0.861111	48	40	0.833333	60	51	0.85	85	64	0.752941	66	39	0.590909	78	46	0.589744	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv3-7	780830	Ighv3-7	chr12	1.14E+08	1.14E+08	58	41	0.706897	58	44	0.758621	61	42	0.688525	#N/A	#N/A	#N/A	45	29	0.644444	62	32	0.516129	37	24	0.648649	33	8	0.242424	19	15	0.789474	29	11	0.37931	20	15	0.75
Ighv3-8	780831	Ighv3-8	chr12	1.14E+08	1.14E+08	53	43	0.811321	48	31	0.645833	67	50	0.746269	#N/A	#N/A	#N/A	29	20	0.689655	71	50	0.704225	51	28	0.54902	39	12	0.307692	12	6	0.5	13	5	0.384615	10	4	0.4
Ighv4-1	780802	Ighv4-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv4-2	668423	Ighv4-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	10	2	0.2	21	3	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-1	777683	Ighv5-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	158	110	0.696203	191	157	0.82199	196	141	0.719388	60	48	0.8	58	46	0.793103	166	114	0.686747	124	89	0.717742	150	85	0.566667	34	17	0.5	51	27	0.529412	44	25	0.568182
Ighv5-10	777783	Ighv5-10	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-11	777784	Ighv5-11	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-12	668395	Ighv5-12	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-12-4	628098	Ighv5-12-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-13	790900	Ighv5-13	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-15	780792	Ighv5-15	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-16	633568	Ighv5-16	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-17	780794	Ighv5-17	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-18	780796	Ighv5-18	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-19	780798	Ighv5-19	chr12	1.14E+08	1.14E+08	101	78	0.772277	49	37	0.755102	45	33	0.733333	20	16	0.8	70	53	0.757143	127	90	0.708661	51	28	0.54902	34	16	0.470588	52	31	0.596154	50	39	0.78	54	36	0.666667
Ighv5-2	777685	Ighv5-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-21	780832	Ighv5-21	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-3	777687	Ighv5-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-4	777688	Ighv5-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	76	59	0.776316	70	57	0.814286	94	77	0.819149	20	17	0.85	49	37	0.755102	94	71	0.755319	82	55	0.670732	54	36	0.666667	48	23	0.479167	34	17	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-5	777779	Ighv5-5	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-6	777780	Ighv5-6	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-7	777781	Ighv5-7	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-8	777782	Ighv5-8	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-9	544896	Ighv5-9	chr12	1.14E+08	1.14E+08	34	33	0.970588	44	38	0.863636	26	23	0.884615	20	14	0.7	58	50	0.862069	22	18	0.818182	64	36	0.5625	56	28	0.5	32	14	0.4375	30	12	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv5-9-1	641178	Ighv5-9-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-1	777689	Ighv6-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	9	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-2	780822	Ighv6-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-3	629845	Ighv6-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-4	628398	Ighv6-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-5	639510	Ighv6-5	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-6	238427	Ighv6-6	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv6-7	432701	Ighv6-7	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv7-1	780799	Ighv7-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv7-2	780800	Ighv7-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	11	5	0.454545	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv7-3	629822	Ighv7-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv7-4	632654	Ighv7-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-1	780833	Ighv8-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-10	780957	Ighv8-10	chr12	1.16E+08	1.16E+08	66	62	0.939394	79	75	0.949367	85	75	0.882353	#N/A	#N/A	#N/A	85	69	0.811765	91	76	0.835165	74	55	0.743243	35	25	0.714286	53	33	0.622642	13	3	0.230769	11	1	0.090909
Ighv8-11	636462	Ighv8-11	chr12	1.16E+08	1.16E+08	32	22	0.6875	24	18	0.75	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	22	8	0.363636	24	11	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-12	780960	Ighv8-12	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	17	17	1	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-13	100775172	Ighv8-13	chr12	1.16E+08	1.16E+08	16	4	0.25	16	4	0.25	19	3	0.157895	#N/A	#N/A	#N/A	16	4	0.25	25	0	0	10	0	0	20	1	0.05	16	0	0	12	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-14	668582	Ighv8-14	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-15	100775176	Ighv8-15	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-16	100775177	Ighv8-16	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-2	629849	Ighv8-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-3	780927	Ighv8-3	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-4	629919	Ighv8-4	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-5	640506	Ighv8-5	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-6	629930	Ighv8-6	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-7	780936	Ighv8-7	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-8	780938	Ighv8-8	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv8-9	432709	Ighv8-9	chr12	1.15E+08	1.15E+08	14	8	0.571429	11	4	0.363636	16	5	0.3125	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	20	4	0.2	22	2	0.090909	17	4	0.235294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv9-1	195180	Ighv9-1	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv9-2	629818	Ighv9-2	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv9-3	780825	Ighv9-3	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Ighv9-4	636260	Ighv9-4	chr12	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkc	16071	Igkc	chr6	70726435	70726754	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkj1	110759	Igkj1	chr6	70722562	70722599	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkj2	110760	Igkj2	chr6	70722916	70722954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkj3	110761	Igkj3	chr6	70723223	70723260	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkj4	110762	Igkj4	chr6	70723548	70723585	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkj5	110763	Igkj5	chr6	70723886	70723923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-108	628272	Igkv1-108	chr6	68312054	68312359	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-110	381777	Igkv1-110	chr6	68270527	68271265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-115	628206	Igkv1-115	chr6	68160797	68161716	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-117	16098	Igkv1-117	chr6	68121091	68121825	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-122	434024	Igkv1-122	chr6	68016742	68017488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-131	628056	Igkv1-131	chr6	67766036	67766772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-132	243423	Igkv1-132	chr6	67759700	67760413	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-133	628027	Igkv1-133	chr6	67724914	67725661	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-135	243420	Igkv1-135	chr6	67609745	67610508	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-136	692186	Igkv1-136	chr6	67593876	67594308	423	387	0.914894	568	540	0.950704	616	572	0.928571	150	134	0.893333	198	183	0.924242	402	370	0.920398	324	298	0.919753	347	318	0.916427	234	210	0.897436	205	181	0.882927	82	76	0.926829
Igkv1-35	620105	Igkv1-35	chr6	70010949	70011673	87	71	0.816092	99	79	0.79798	114	98	0.859649	#N/A	#N/A	#N/A	60	55	0.916667	48	30	0.625	61	38	0.622951	72	47	0.652778	48	29	0.604167	51	36	0.705882	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-88	692154	Igkv1-88	chr6	68862265	68863031	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv1-99	434028	Igkv1-99	chr6	68541658	68542422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv10-94	667550	Igkv10-94	chr6	68704508	68704978	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv10-95	434031	Igkv10-95	chr6	68680379	68680848	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv10-96	692165	Igkv10-96	chr6	68631965	68632430	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv11-10(	628293	Igkv11-10(	chr6	68339527	68339995	83	49	0.590361	70	48	0.685714	83	61	0.73494	29	16	0.551724	29	22	0.758621	70	46	0.657143	73	22	0.30137	66	27	0.409091	29	10	0.344828	30	9	0.3	13	7	0.538462

Igkv11-11	692173	Igkv11-11	chr6	68164459	68164923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv11-11	692174	Igkv11-11	chr6	68105414	68105880	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv11-12	243428	Igkv11-12	chr6	67913573	67914052	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-38	620050	Igkv12-38	chr6	69943186	69943648	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-40	435904	Igkv12-40	chr6	69879350	69879819	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-41	619960	Igkv12-41	chr6	69858420	69858884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-42	677861	Igkv12-42	chr6	69834792	69835245	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-44	545851	Igkv12-44	chr6	69814631	69815100	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-46	692245	Igkv12-46	chr6	69764523	69764992	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-47	434037	Igkv12-47	chr6	69750854	69751310	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-49	619824	Igkv12-49	chr6	69716498	69716956	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-66	692133	Igkv12-66	chr6	69334604	69335076	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-67	628551	Igkv12-67	chr6	69324177	69324646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-89	384411	Igkv12-89	chr6	68834846	68835307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv12-98	435900	Igkv12-98	chr6	68570763	68571235	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-54-	692105	Igkv13-54-	chr6	69617048	69617423	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667
Igkv13-55-	692112	Igkv13-55-	chr6	69599886	69600262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-56-	692113	Igkv13-56-	chr6	69581244	69581452	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-57-	692114	Igkv13-57-	chr6	69569737	69570109	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-57-	724106	Igkv13-57-	chr6	69523739	69524016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-61-	692118	Igkv13-61-	chr6	69409499	69409875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-62-	692119	Igkv13-62-	chr6	69392439	69392815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-64	628564	Igkv13-64	chr6	69362722	69363187	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-71-	692138	Igkv13-71-	chr6	69235927	69236158	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-73-	692139	Igkv13-73-	chr6	69190073	69190282	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-74-	692140	Igkv13-74-	chr6	69177416	69177787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-76	692142	Igkv13-76	chr6	69137866	69138332	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-78-	628498	Igkv13-78-	chr6	69051444	69051794	29	26	0.896552	29	21	0.724138	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	28	19	0.678571	25	15	0.6	29	16	0.551724	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-80-	692143	Igkv13-80-	chr6	69009143	69009513	44	34	0.772727	16	13	0.8125	43	36	0.837209	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	27	0.54	#N/A	#N/A	#N/A	12	5	0.416667	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-82	692144	Igkv13-82	chr6	68979198	68979663	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-84	692152	Igkv13-84	chr6	68939602	68940067	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-85	434036	Igkv13-85	chr6	68930269	68930734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-87	692153	Igkv13-87	chr6	68902801	68903266	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv13-89-	692155	Igkv13-89-	chr6	68810495	68810543	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-10	243439	Igkv14-10	chr6	68519012	68519477	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-11	545847	Igkv14-11	chr6	68256404	68256869	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-11	692175	Igkv14-11	chr6	68082547	68083145	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-11	692176	Igkv14-11	chr6	68066369	68066828	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-12	628127	Igkv14-12	chr6	67896177	67896642	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-12	692180	Igkv14-12	chr6	67876011	67876477	72	68	0.944444	78	74	0.948718	80	75	0.9375	14	14	1	30	25	0.833333	57	53	0.929825	65	57	0.876923	45	32	0.711111	23	16	0.695652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-13	628072	Igkv14-13	chr6	67791046	67791511	39	29	0.74359	22	13	0.590909	32	19	0.59375	#N/A	#N/A	#N/A	25	22	0.88	43	25	0.581395	23	10	0.434783	25	10	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv14-13	692185	Igkv14-13	chr6	67711174	67711628	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv15-10	692168	Igkv15-10	chr6	68481421	68481718	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv15-10	692167	Igkv15-10	chr6	68479082	68479573	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv15-10	692171	Igkv15-10	chr6	68466126	68466590	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv15-10	692169	Igkv15-10	chr6	68437468	68437925	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv15-97	692166	Igkv15-97	chr6	68591380	68591832	380	354	0.931579	309	303	0.980583	432	411	0.951389	106	103	0.971698	16	16	1	440	407	0.925	392	337	0.859694	291	255	0.876289	90	74	0.822222	159	141	0.886792	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv16-10	381778	Igkv16-10	chr6	68425605	68426072	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv17-12	667435	Igkv17-12	chr6	68036818	68037318	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv17-12	243433	Igkv17-12	chr6	67861159	67861659	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv17-13	692184	Igkv17-13	chr6	67720729	67721225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv18-36	620088	Igkv18-36	chr6	69992465	69992977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv19-93	692161	Igkv19-93	chr6	68736297	68736764	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-105	692170	Igkv2-105	chr6	68348661	68349441	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-107	628283	Igkv2-107	chr6	68326098	68326752	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-109	628268	Igkv2-109	chr6	68302439	68303158	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-112	381776	Igkv2-112	chr6	68219981	68220705	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-113	692172	Igkv2-113	chr6	68178801	68179564	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-116	434026	Igkv2-116	chr6	68151885	68152617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-137	692187	Igkv2-137	chr6	67555636	67556216	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-93-1	692162	Igkv2-93-1	chr6	68712925	68713508	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-95-1	692163	Igkv2-95-1	chr6	68670752	68671335	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv2-95-2	692164	Igkv2-95-2	chr6	68647999	68648531	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv20-10	724035	Igkv20-10	chr6	68474888	68475098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-1	108004	Igkv3-1	chr6	70703578	70704177	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-10	667924	Igkv3-10	chr6	70572633	70573230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-11	667917	Igkv3-11	chr6	70553274	70554440	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-12	667914	Igkv3-12	chr6	70518250	70518849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-12-1	667908	Igkv3-12-1	chr6	70497662	70498342	34	32	0.941176	18	17	0.944444	25	23	0.92	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	25	18	0.72	19	12	0.631579	10	7	0.7	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-2	626583	Igkv3-2	chr6	70698468	70699067	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-3	667946	Igkv3-3	chr6	70686946	70687534	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-4	626347	Igkv3-4	chr6	70671789	70672377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-5	667940	Igkv3-5	chr6	70663298	70663895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-6	667936	Igkv3-6	chr6	70642405	70643565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-7	108005	Igkv3-7	chr6	70607437	70608036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-8	108010	Igkv3-8	chr6	70588871	70589452	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv3-9	667928	Igkv3-9	chr6	70588189	70588777	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-50	381782	Igkv4-50	chr6	69700767	69701287	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	8	0.296296	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-51	619806	Igkv4-51	chr6	69681406	69681939	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-53	546213	Igkv4-53	chr6	69648824	69649354	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-54	385291	Igkv4-54	chr6	69631648	69632178	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-55	385253	Igkv4-55	chr6	69607275	69607801	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-56	619743	Igkv4-56	chr6	69587295	69587810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-57	235952	Igkv4-57	chr6	69575975	69576500	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-57-1	384514	Igkv4-57-1	chr6	69544368	69544892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-58	381831	Igkv4-58	chr6	69500254	69500758	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-59	667683	Igkv4-59	chr6	69438218	69438741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-60	385277	Igkv4-60	chr6	69463288	69463725	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-61	546244	Igkv4-61	chr6	69416893	69417425	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	52	47	0.903846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	72	56	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	40	33	0.825	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-62	636752	Igkv4-62	chr6	69399812	69400344	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-63	628571	Igkv4-63	chr6	69377944	69378472	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-65	667670	Igkv4-65	chr6	69342472	69343004	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-68	384515	Igkv4-68	chr6	69304834	69305363	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-69	628541	Igkv4-69	chr6	69283794	69284319	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-70	385120	Igkv4-70	chr6	69267888	69268412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-71	434586	Igkv4-71	chr6	69243160	69243688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-72	385109	Igkv4-72	chr6	69226854	69227383	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-73	628516	Igkv4-73	chr6	69197583	69198116	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	17	0.68	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-74	236047	Igkv4-74	chr6	69184826	69185361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-75	692141	Igkv4-75	chr6	69156118	69156659	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-77	667621	Igkv4-77	chr6	69110904	69111432	10	8	0.8	11	7	0.636364	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	15	11	0.733333	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-78	545849	Igkv4-78	chr6	69059690	69060224	32	25	0.78125	35	27	0.771429	25	18	0.72	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	28	16	0.571429	27	13	0.481481	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-79	213684	Igkv4-79	chr6	69042972	69043505	18	16	0.888889	20	13	0.65	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	17	7	0.411765	14	5	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-80	545848	Igkv4-80	chr6	69016558	69017080	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-81	243453	Igkv4-81	chr6	68990758	68991294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-83	692145	Igkv4-83	chr6	68961378	68962019	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-86	243451	Igkv4-86	chr6	68910411	68910938	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-90	434034	Igkv4-90	chr6	68807180	68807708	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-91	434033	Igkv4-91	chr6	68768555	68769103	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv4-92	384410	Igkv4-92	chr6	68755038	68755593	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv5-37	384417	Igkv5-37	chr6	69963312	69963861	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv5-39	620017	Igkv5-39	chr6	69900424	69900977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv5-40-1	619974	Igkv5-40-1	chr6	69868595	69869193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv5-43	381783	Igkv5-43	chr6	69823355	69823911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv5-45	545850	Igkv5-45	chr6	69775750	69776306	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv5-48	619846	Igkv5-48	chr6	69726573	69727125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-13	667899	Igkv6-13	chr6	70457503	70458036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-14	667881	Igkv6-14	chr6	70434952	70435476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-15	108022	Igkv6-15	chr6	70406469	70406992	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-17	667865	Igkv6-17	chr6	70371469	70371993	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-20	108024	Igkv6-20	chr6	70335841	70336479	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-23	637227	Igkv6-23	chr6	70260409	70260933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-25	381784	Igkv6-25	chr6	70215433	70215957	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-29	620191	Igkv6-29	chr6	70138462	70139082	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv6-32	434039	Igkv6-32	chr6	70074024	70074584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv7-33	243461	Igkv7-33	chr6	70058632	70059199	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-16	640340	Igkv8-16	chr6	70386672	70387238	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-18	667859	Igkv8-18	chr6	70355877	70356445	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-19	232065	Igkv8-19	chr6	70340876	70341448	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-21	620400	Igkv8-21	chr6	70314895	70315452	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-22	620387	Igkv8-22	chr6	70297554	70298119	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-23-1	434685	Igkv8-23-1	chr6	70240427	70240710	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-24	677858	Igkv8-24	chr6	70216858	70217421	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	23	0.676471
Igkv8-26	620240	Igkv8-26	chr6	70193228	70193797	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-27	434041	Igkv8-27	chr6	70171809	70172270	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-28	434040	Igkv8-28	chr6	70143593	70144161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-30	384419	Igkv8-30	chr6	70117061	70117617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-31	546905	Igkv8-31	chr6	70105860	70106179	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv8-34	620126	Igkv8-34	chr6	70044112	70044678	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv9-119	692177	Igkv9-119	chr6	68056345	68056810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv9-120	434025	Igkv9-120	chr6	68049983	68050454	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv9-123	628144	Igkv9-123	chr6	67954230	67954690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv9-124	243431	Igkv9-124	chr6	67942076	67942540	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv9-128	692181	Igkv9-128	chr6	67847409	67847874	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Igkv9-129	692182	Igkv9-129	chr6	67839793	67840265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglc1	110785	Iglc1	chr16	19061752	19062071	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglc2	110786	Iglc2	chr16	19198536	19198852	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818
Iglc3	110787	Iglc3	chr16	19065365	19065681	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglc4	404736	Iglc4	chr16	19194999	19195312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglj1	404737	Iglj1	chr16	19063225	19063262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglj2	404739	Iglj2	chr16	19200198	19200235	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818
Iglj3	404740	Iglj3	chr16	19067041	19067078	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglj3p	404741	Iglj3p	chr16	19066371	19066408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglj4	404742	Iglj4	chr16	19196495	19196536	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglv1	16142	Iglv1	chr16	19085017	19085460	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglv2	110612	Iglv2	chr16	19260403	19260844	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Iglv3	404743	Iglv3	chr16	19241208	19241679	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir100	miRBase:M	Mir100	chr9	41531437	41531458	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir100_1	miRBase:M	Mir100	chr9	41531471	41531492	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir101a	miRBase:M	Mir101a	chr4	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A







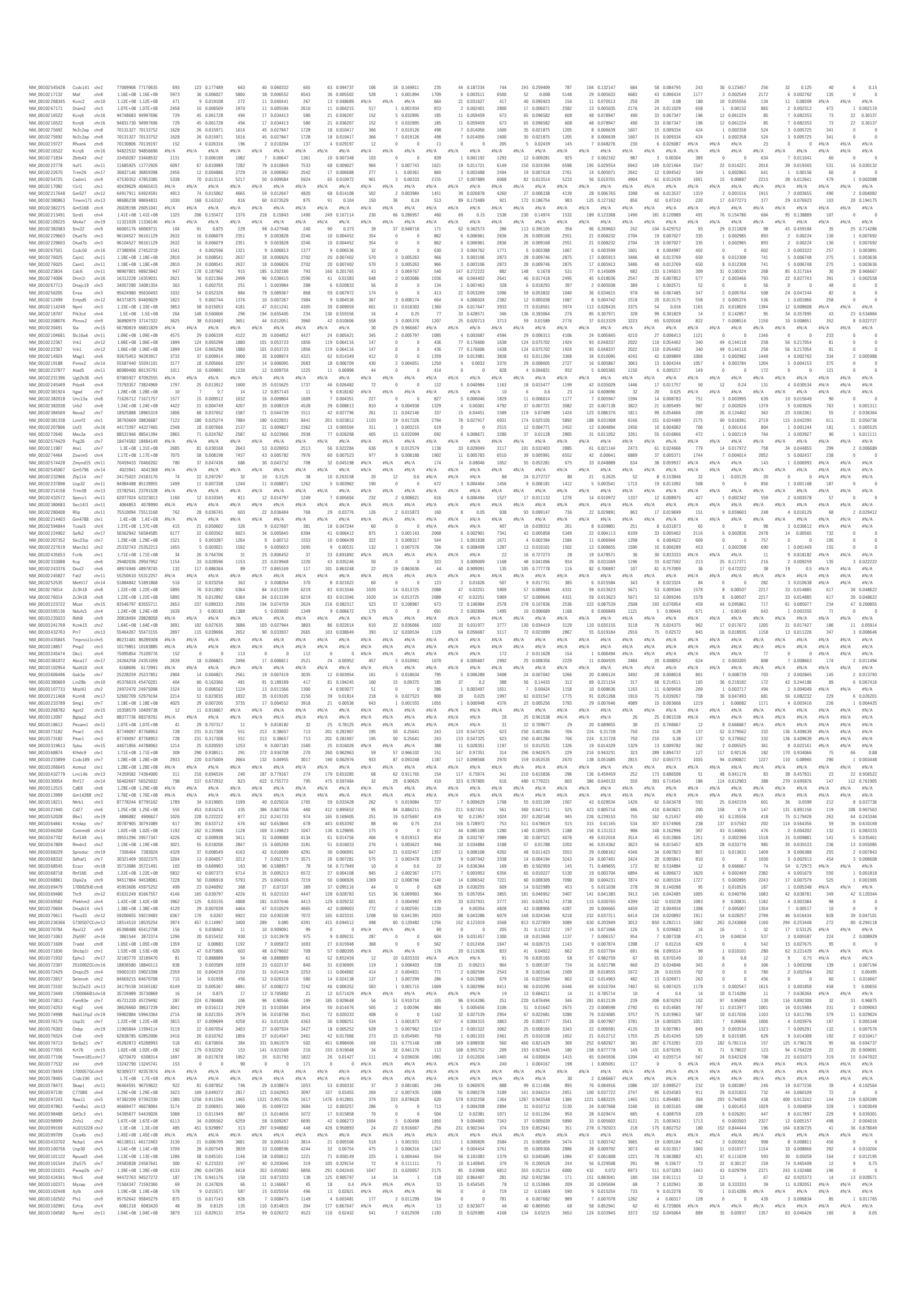
Mir425	miRBase:M	Mir425	chr9	1.09E+08	1.09E+08	2742	89	0.032458	2064	81	0.039244	2385	61	0.025577	451	12	0.026608	936	42	0.044872	2905	130	0.04475	2517	59	0.023441	2089	59	0.028243	534	15	0.02809	1145	29	0.025328	277	9	0.032491
Mir425_1	miRBase:M	Mir425	chr9	1.09E+08	1.09E+08	2805	89	0.031729	2106	82	0.038936	2406	61	0.025353	451	12	0.026608	936	42	0.044872	2981	130	0.04361	2575	59	0.022913	2191	59	0.026928	534	15	0.02809	1145	29	0.025328	277	9	0.032491
Mir429	miRBase:M	Mir429	chr4	1.56E+08	1.56E+08	10	5	0.5	10	9	0.9	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	25	25	1	38	36	0.947368	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir429_1	miRBase:M	Mir429	chr4	1.56E+08	1.56E+08	10	5	0.5	10	9	0.9	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	25	25	1	38	36	0.947368	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir431	miRBase:M	Mir431	chr12	1.1E+08	1.1E+08	438	391	0.892694	206	178	0.864078	310	274	0.883871	#N/A	#N/A	#N/A	117	99	0.846154	428	363	0.848131	378	307	0.812169	289	247	0.854671	54	41	0.759259	167	130	0.778443	53	31	0.584906
Mir431_1	miRBase:M	Mir431	chr12	1.1E+08	1.1E+08	438	391	0.892694	206	178	0.864078	310	274	0.883871	#N/A	#N/A	#N/A	117	99	0.846154	428	363	0.848131	378	307	0.812169	289	247	0.854671	54	41	0.759259	167	130	0.778443	53	31	0.584906
Mir432	miRBase:M	Mir432	chr12	1.1E+08	1.1E+08	621	597	0.961353	510	481	0.943137	649	625	0.96302	147	141	0.959184	420	397	0.945238	683	658	0.963397	549	508	0.925319	401	371	0.925187	184	169	0.918478	295	263	0.891525	82	75	0.914634
Mir433	miRBase:M	Mir433	chr12	1.1E+08	1.1E+08	607	558	0.919275	372	347	0.932796	429	386	0.899767	80	74	0.925	181	164	0.906077	613	552	0.900489	596	519	0.870805	479	424	0.885177	117	96	0.820513	245	201	0.820408	56	44	0.785714
Mir433_1	miRBase:M	Mir433	chr12	1.1E+08	1.1E+08	551	510	0.92559	348	329	0.945402	385	349	0.906494	80	74	0.925	157	148	0.942675	533	493	0.924953	545	480	0.880734	445	400	0.898876	117	96	0.820513	225	190	0.844444	36	29	0.805556
Mir434	miRBase:M	Mir434	chr12	1.1E+08	1.1E+08	752	716	0.952128	616	575	0.933442	743	712	0.958277	166	156	0.939759	478	451	0.943515	827	793	0.958888	697	642	0.92109	534	488	0.913858	204	179	0.877451	320	287	0.896875	95	82	0.863158
Mir434_1	miRBase:M	Mir434	chr12	1.1E+08	1.1E+08	716	680	0.949721	586	547	0.933447	743	712	0.958277	166	156	0.939759	478	451	0.943515	791	757	0.957016	655	600	0.916031	498	453	0.909639	204	179	0.877451	320	287	0.896875	95	82	0.863158
Mir448	miRBase:M	Mir448	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir448_1	miRBase:M	Mir448	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir449a	miRBase:M	Mir449a	chr13	1.13E+08	1.13E+08	62	2	0.032258	70	1	0.014286	47	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	46	1	0.021739	58	1	0.017241	11	0	0	50	1	0.02	49	2	0.040816	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir449a_1	miRBase:M	Mir449a	chr13	1.13E+08	1.13E+08	62	2	0.032258	70	1	0.014286	47	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	46	1	0.021739	58	1	0.017241	11	0	0	50	1	0.02	49	2	0.040816	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir449b	miRBase:M	Mir449b	chr13	1.13E+08	1.13E+08	62	2	0.032258	70	1	0.014286	47	0	0	12	0	0	57	1	0.017544	58	1	0.017241	11	0	0	50	1	0.02	62	5	0.080645	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir449c	miRBase:M	Mir449c	chr13	1.13E+08	1.13E+08	62	2	0.032258	70	1	0.014286	47	0	0	12	0	0	78	1	0.012821	58	1	0.017241	11	0	0	50	1	0.02	88	5	0.056818	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir449c_1	miRBase:M	Mir449c	chr13	1.13E+08	1.13E+08	62	2	0.032258	70	1	0.014286	47	0	0	12	0	0	78	1	0.012821	58	1	0.017241	11	0	0	50	1	0.02	88	5	0.056818	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir450-1	miRBase:M	Mir450-1	chrX	53048171	53048192	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir450-1_	miRBase:M	Mir450-1	chrX	53048206	53048227	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir450-2	miRBase:M	Mir450-2	chrX	53048304	53048325	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir450-2_	miRBase:M	Mir450-2	chrX	53048339	53048360	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir450b	miRBase:M	Mir450b	chrX	53048008	53048029	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir450b_1	miRBase:M	Mir450b	chrX	53048044	53048065	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir451a	miRBase:M	Mir451a	chr11	78073186	78073207	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir451b	miRBase:M	Mir451b	chr11	78073219	78073239	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir452	miRBase:M	Mir452	chrX	72262235	72262256	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir452_1	miRBase:M	Mir452	chrX	72262271	72262292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir453	miRBase:M	Mir453	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	30	1	39	38	0.974359	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir455	miRBase:M	Mir455	chr4	63256867	63256888	434	209	0.481567	278	109	0.392086	379	147	0.387863	49	29	0.591837	237	141	0.594937	510	289	0.566667	463	163	0.352052	422	156	0.369668	94	43	0.457447	244	100	0.409836	19	4	0.210526
Mir455_1	miRBase:M	Mir455	chr4	63256904	63256924	434	209	0.481567	278	109	0.392086	379	147	0.387863	49	29	0.591837	237	141	0.594937	510	289	0.566667	463	163	0.352052	422	156	0.369668	94	43	0.457447	244	100	0.409836	19	4	0.210526
Mir463	miRBase:M	Mir463	chrX	66799236	66799257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir463_1	miRBase:M	Mir463	chrX	66799273	66799294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465	miRBase:M	Mir465	chrX	66839063	66839084	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465_1	miRBase:M	Mir465	chrX	66839099	66839121	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465b-1	miRBase:M	Mir465b-1	chrX	66829212	66829233	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465b-1_	miRBase:M	Mir465b-1	chrX	66829249	66829270	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465b-2	miRBase:M	Mir465b-2	chrX	66835774	66835795	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465b-2_	miRBase:M	Mir465b-2	chrX	66835811	66835832	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465c-1	miRBase:M	Mir465c-1	chrX	66825965	66825986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465c-1_	miRBase:M	Mir465c-1	chrX	66826004	66826025	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465c-2	miRBase:M	Mir465c-2	chrX	66832527	66832548	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465c-2_	miRBase:M	Mir465c-2	chrX	66832566	66832587	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465d	miRBase:M	Mir465d	chrX	66822656	66822677	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir465d_1	miRBase:M	Mir465d	chrX	66822691	66822713	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466	miRBase:M	Mir466	chr2	10507928	10507949	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466_1	miRBase:M	Mir466	chr2	10507967	10507989	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-1	miRBase:M	Mir466b-1	chr2	10474228	10474249	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-1_	miRBase:M	Mir466b-1	chr2	10474269	10474290	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-2	miRBase:M	Mir466b-2	chr2	10498694	10498715	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-2_	miRBase:M	Mir466b-2	chr2	10498735	10498756	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-3	miRBase:M	Mir466b-3	chr2	10503574	10503595	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-3_	miRBase:M	Mir466b-3	chr2	10503615	10503636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-4	miRBase:M	Mir466b-4	chr2	10486436	10486457	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-4_	miRBase:M	Mir466b-4	chr2	10486477	10486498	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-5	miRBase:M	Mir466b-5	chr2	10488898	10488919	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-5_	miRBase:M	Mir466b-5	chr2	10488939	10488960	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-6	miRBase:M	Mir466b-6	chr2	10493811	10493832	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-6_	miRBase:M	Mir466b-6	chr2	10493852	10493873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-7	miRBase:M	Mir466b-7	chr2	10496279	10496300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-7_	miRBase:M	Mir466b-7	chr2	10496320	10496341	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-8	miRBase:M	Mir466b-8	chr2	10476640	10476661	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466b-8_	miRBase:M	Mir466b-8	chr2	10476681	10476702	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466c-1	miRBase:M	Mir466c-1	chr2	10481544	10481567	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466c-1_	miRBase:M	Mir466c-1	chr2	10481585	10481606	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466c-2	miRBase:M	Mir466c-2	chr2	10483979	10484002	29	22	0.758621	27	22	0.814815	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	24	12	0.5	12	8	0.666667	17	6	0.352941	11	3	0.272727	19	11	0.578947	11	4	0.363636
Mir466c-2_	miRBase:M	Mir466c-2	chr2	10484020	10484041	29	22	0.758621	27	22	0.814815	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	24	12	0.5	12	8	0.666667	17	6	0.352941	11	3	0.272727	19	11	0.578947	11	4	0.363636
Mir466d	miRBase:M	Mir466d	chr2	10511977	10511998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466d_1	miRBase:M	Mir466d	chr2	10512017	10512037	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466e	miRBase:M	Mir466e	chr2	10479099	10479120	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466e_1	miRBase:M	Mir466e	chr2	10479138	10479160	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-1	miRBase:M	Mir466f-1	chr2	10466954	10466975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-1_	miRBase:M	Mir466f-1	chr2	10466998	10467018	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-2	miRBase:M	Mir466f-2	chr2	10468685	10468706	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-2_	miRBase:M	Mir466f-2	chr2	10468729	10468749	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-3	miRBase:M	Mir466f-3	chr2	10471963	10471984	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-3_	miRBase:M	Mir466f-3	chr2	10472007	10472027	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466f-4	miRBase:M	Mir466f-4	chr13	71107108	71107129	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466g	miRBase:M	Mir466g	chr2	10514642	10514662	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466h	miRBase:M	Mir466h	chr2	10514901	10514922	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466h_1	miRBase:M	Mir466h	chr2	10514940	10514958	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466i	miRBase:M	Mir466i	chr13	17747525	17747544	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466i_1	miRBase:M	Mir466i	chr13	17747552	17747573	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466j	miRBase:M	Mir466j	chr10	60960802	60960824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466k	miRBase:M	Mir466k	chr3	85467396	85467418	38	36	0.947368	10	9	0.9	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	14	12	0.857143	13	11	0.846154	11	8	0.727273	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466l	miRBase:M	Mir466l	chr2	10516117	10516138	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466l_1	miRBase:M	Mir466l	chr2	10516156	10516177	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466m	miRBase:M	Mir466m	chr2	10466677	10466699	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466m_1	miRBase:M	Mir466m	chr2	10466713	10466734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466n	miRBase:M	Mir466n	chr2	10513759	10513780	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466n_1	miRBase:M	Mir466n	chr2	10513798	10513819	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466o	miRBase:M	Mir466o	chr2	10472553	10472574	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466o_1	miRBase:M	Mir466o	chr2	10472589	10472610	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466p	miRBase:M	Mir466p	chr2	10506020	10506040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466p_1	miRBase:M	Mir466p	chr2	10506059	10506080	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir466q	miRBase:M	Mir466q	chr3	28419988	28420007	76	54	0.710526	72	46	0.638889	62	45	0.725806	#N/A	#N/A	#N/A	32	24	0.75	54	39	0.722222	28	19	0.678571	52	34	0.653846	24	3	0.125	22	8	0.363636	30	17	0.566667
Mir467a-1	miRBase:M	Mir467a-1	chr2	10476355	10476376	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-1_	miRBase:M	Mir467a-1	chr2	10476390	10476411	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-10	miRBase:M	Mir467a-10	chr2	10503287	10503308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-10	miRBase:M	Mir467a-10	chr2	10503322	10503343	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-2	miRBase:M	Mir467a-2	chr2	10478812	10478833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-2_	miRBase:M	Mir467a-2	chr2	10478847	10478868	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-3	miRBase:M	Mir467a-3	chr2	10483692	10483713	29	22	0.758621	27	22	0.814815	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	24	12	0.5	12	8	0.666667	17	6	0.352941	11	3	0.272727	19	11	0.578947	11	4	0.363636
Mir467a-3_	miRBase:M	Mir467a-3	chr2	10483727	10483748	29	22	0.758621	27	22	0.814815	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	24	12	0.5	12	8	0.666667	17	6	0.352941	11	3	0.272727	19	11	0.578947	11	4	0.363636
Mir467a-4	miRBase:M	Mir467a-4	chr2	10486149	10486170	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-4_	miRBase:M	Mir467a-4	chr2	10486184	10486205	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-5	miRBase:M	Mir467a-5	chr2	10488613	10488634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-5_	miRBase:M	Mir467a-5	chr2	10488648	10488669	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-6	miRBase:M	Mir467a-6	chr2	10491062	10491083	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-6_	miRBase:M	Mir467a-6	chr2	10491097	10491118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-7	miRBase:M	Mir467a-7	chr2	10493524	10493545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-7_	miRBase:M	Mir467a-7	chr2	10493559	10493580	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-8	miRBase:M	Mir467a-8	chr2	10495994	10496015	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-8_	miRBase:M	Mir467a-8	chr2	10496029	10496050	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-9	miRBase:M	Mir467a-9	chr2	10498407	10498428	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467a-9_	miRBase:M	Mir467a-9	chr2	10498442	10498463	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467b	miRBase:M	Mir467b	chr2	10481256	10481276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467b_1	miRBase:M	Mir467b	chr2	10481293	10481314	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467c	miRBase:M	Mir467c	chr2	10473941	10473962	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467c_1	miRBase:M	Mir467c	chr2	10473977	10473998	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467d	miRBase:M	Mir467d	chr2	10507640	10507661	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467d_1	miRBase:M	Mir467d	chr2	10507676	10507697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467e	miRBase:M	Mir467e	chr2	10505731	10505752	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467e_1	miRBase:M	Mir467e	chr2	10505768	10505789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467f	miRBase:M	Mir467f	chr11	69635419	69635439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467g	miRBase:M	Mir467g	chr5	34732872	34732892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir467h	miRBase:M	Mir467h	chr9	1.15E+08	1.15E+08	168	143	0.85119	185	175	0.945946	219	194	0.885845	76	70	0.921053	86	78	0.906977	210	189	0.9	140	127	0.907143	136	126	0.926471	78	68	0.871795	68	65	0.955882	56	53	0.946429
Mir468	miRBase:M	Mir468	chr6	81896602	81896624	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir468_1	miRBase:M	Mir468	chr6	81896629	81896655	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir470	miRBase:M	Mir470	chrX	66813961	66813982	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir470_1	miRBase:M	Mir470	chrX	66813995	66814017	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir471	miRBase:M	Mir471	chrX	66792599	66792620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir471_1	miRBase:M	Mir471	chrX	66792634	66792655	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir483	miRBase:M	Mir483	chr7	1.43E+08	1.43E+08	286	75	0.262238	196	62	0.316327	292	95	0.325342	#N/A	#N/A	#N/A	110	42	0.381818	307	125	0.407166	291	103	0.353952	224	78	0.348214	48	28	0.583333	81	33	0.407407	#N/A	#N/A	#N/A
Mir483_1	miRBase:M	Mir483	chr7	1.43E+08	1.43E+08	286	75	0.262238	196	62	0.316327	292	95	0.325342	#N/A	#N/A	#N/A	110	42	0.381818	307	125	0.407166	291	103	0.353952	224	78	0.348214	48	28	0.583333	81	33	0.407407	#N/A	#N/A	#N/A
Mir484	miRBase:M	Mir484	chr16	14159630	14159651	1248	5	0.004006	1136	7	0.006162	1453	15	0.010323	157	5	0.031847	431	27	0.062645	1264	1	0.000791	1039	6	0.005775	1307	7	0.005356	248	0	0	373	3	0.008043	120	0	0
Mir485	miRBase:M	Mir485	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	30	1	39	38	0.974359	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir485_1	miRBase:M	Mir485	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	30	1	39	38	0.974359	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir486	miRBase:M	Mir486	chr8	23142587	23142608	467	303	0.648822	429	289	0.67366	428	330	0.771028	139	102	0.733813	165	125	0.757576	503	340	0.675944	315	198	0.628571	345	204	0.591304	166	92	0.554217	217	146	0.672811	32	12	0.375
Mir486_1	miRBase:M	Mir486	chr8	23142629	23142649	467	303	0.648822	429	289	0.67366	428	330	0.771028	139	102	0.733813	165	125	0.757576	503	340	0.675944	315	198	0.628571	345	204	0.591304	166	92	0.554217	217	146	0.672811	32	12	0.375
Mir487b	miRBase:M	Mir487b	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	60	51	0.85	36	24	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir487b_1	miRBase:M	Mir487b	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	60	51	0.85	36	24	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir488	miRBase:M	Mir488	chr1	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir488_1	miRBase:M	Mir488	chr1	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir489	miRBase:M	Mir489	chr6	3721922	3721944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir489_1	miRBase:M	Mir489	chr6	3721957	3721981	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir490	miRBase:M	Mir490	chr6	36421763	36421782	24	22	0.916667	23	22	0.956522	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	74	70	0.945946	54	53	0.981481	16	15	0.9375	15	13	0.866667	15	15	1	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
Mir490_1	miRBase:M	Mir490	chr6	36421800	36421821	24	22	0.916667	23	22	0.956522	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	74	70	0.945946	54	53	0.981481	16	15	0.9375	15	13	0.866667	15	15	1	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
Mir491	miRBase:M	Mir491	chr4	88122057	88122078	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir491_1	miRBase:M	Mir491	chr4	88122091	88122112	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir493	miRBase:M	Mir493	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir493_1	miRBase:M	Mir493	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir494	miRBase:M	Mir494	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	44	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A
Mir494_1	miRBase:M	Mir494	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	44	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A
Mir495	miRBase:M	Mir495	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	30	24	0.8	42	30	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A
Mir495_1	miRBase:M	Mir495	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	30	24	0.8	42	30	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A
Mir496a	miRBase:M	Mir496a	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636
Mir496a_1	miRBase:M	Mir496a	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636
Mir496b	miRBase:M	Mir496b	chr19	16314894	16314915	72	66	0.916667	46	38	0.826087	72	60	0.833333	10	9	0.9	71	62	0.873239	83	72	0.86747	47	42	0.893617	20	16	0.8	10	8	0.8	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A
Mir497	miRBase:M	Mir497	chr11	70234730	70234751	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	9	0.173077	52	4	0.076923	61	11	0.180328	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

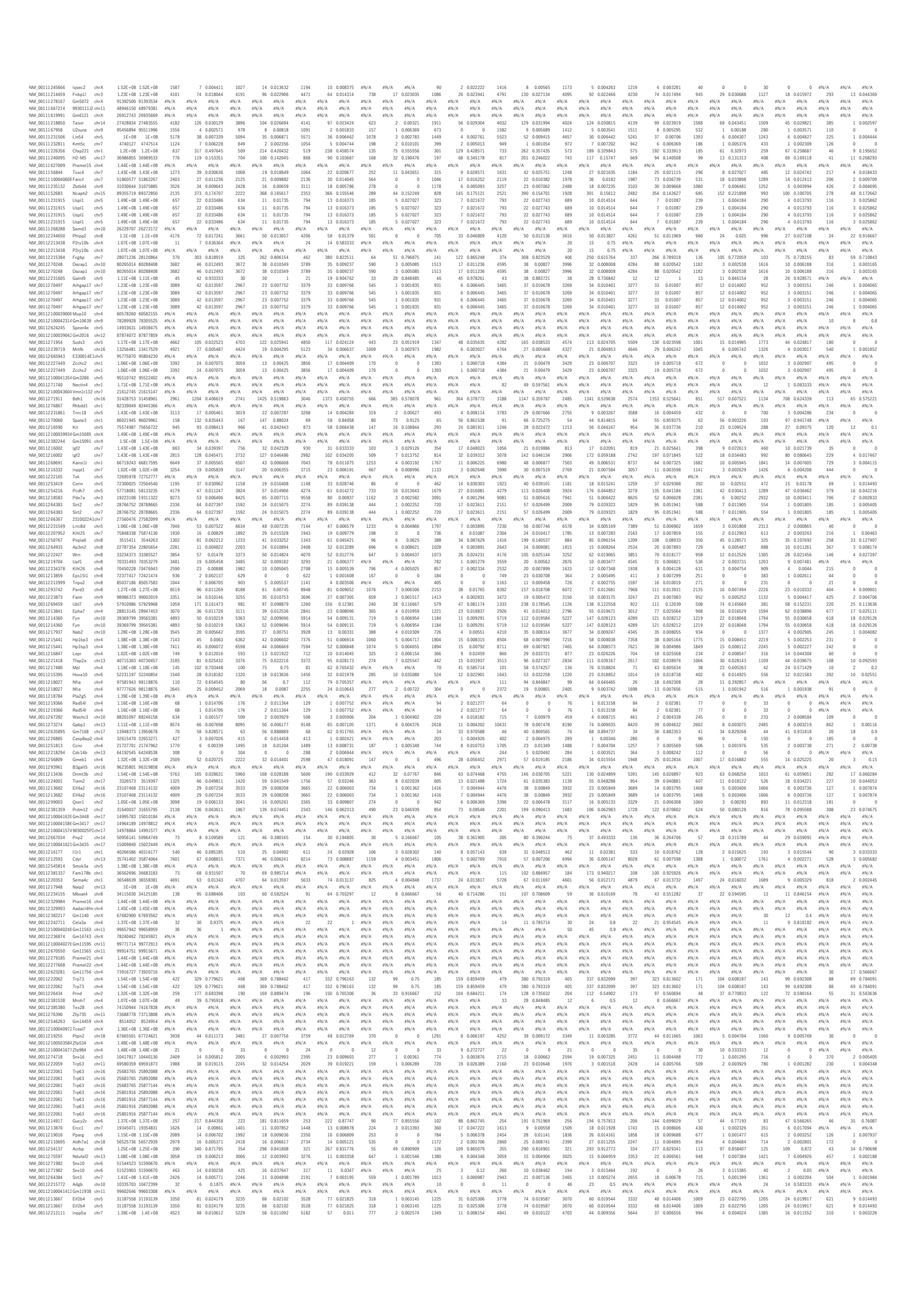
Mir6369	miRBase:M	Mir6369	chr13	58313119	58313141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6370	miRBase:M	Mir6370	chr6	19555438	19555458	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6371	miRBase:M	Mir6371	chr6	50572459	50572481	166	159	0.957831	95	88	0.926316	118	109	0.923729	33	29	0.878788	116	110	0.948276	194	182	0.938144	129	113	0.875969	119	109	0.915966	56	51	0.910714	76	73	0.960526	41	30	0.731707
Mir6372	miRBase:M	Mir6372	chr11	26202258	26202280	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6373	miRBase:M	Mir6373	chr6	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6374	miRBase:M	Mir6374	chr6	83401060	83401081	497	479	0.963783	459	452	0.984749	578	564	0.975779	78	73	0.935897	190	188	0.989474	540	523	0.968519	567	535	0.943563	512	499	0.974609	72	70	0.972222	162	160	0.987654	40	39	0.975
Mir6375	miRBase:M	Mir6375	chr6	85790203	85790225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6376	miRBase:M	Mir6376	chr6	88104204	88104225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6377	miRBase:M	Mir6377	chr3	57616699	57616721	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6378	miRBase:M	Mir6378	chr3	34922623	34922644	136	125	0.919118	124	105	0.846774	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	41	0.931818	104	87	0.836538	204	170	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6379	miRBase:M	Mir6379	chr3	46900700	46900721	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6380	miRBase:M	Mir6380	chr3	1.38E+08	1.38E+08	56	45	0.803571	58	45	0.775862	71	57	0.802817	26	22	0.846154	110	81	0.736364	82	67	0.817073	104	69	0.663462	66	37	0.560606	61	36	0.590164	50	34	0.68	56	45	0.803571
Mir6381	miRBase:M	Mir6381	chr3	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6382	miRBase:M	Mir6382	chrX	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6383	miRBase:M	Mir6383	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6384	miRBase:M	Mir6384	chrX	52378155	52378174	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6385	miRBase:M	Mir6385	chr9	58221155	58221175	687	522	0.759825	657	481	0.732116	727	553	0.76066	226	159	0.70354	350	298	0.851429	707	585	0.82744	610	508	0.832787	591	484	0.818951	235	167	0.710638	268	228	0.850746	127	107	0.84252
Mir6386	miRBase:M	Mir6386	chr9	92267334	92267357	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6387	miRBase:M	Mir6387	chr12	15801064	15801085	61	42	0.688525	70	51	0.728571	72	59	0.819444	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	60	37	0.616667	58	46	0.793103	73	60	0.821918	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6388	miRBase:M	Mir6388	chr12	1.16E+08	1.16E+08	53	47	0.886792	36	35	0.972222	72	68	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	36	31	0.861111	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6389	miRBase:M	Mir6389	chr7	57581070	57581090	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6390	miRBase:M	Mir6390	chr14	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6391	miRBase:M	Mir6391	chr14	1.19E+08	1.19E+08	726	535	0.736915	591	490	0.829103	603	458	0.759536	42	28	0.666667	451	353	0.782705	562	440	0.782918	709	585	0.825106	677	502	0.741507	198	141	0.712121	288	234	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6392	miRBase:M	Mir6392	chr15	84168285	84168307	1842	20	0.010858	1439	11	0.007644	1545	13	0.008414	183	3	0.016393	467	5	0.010707	1885	31	0.016446	1385	23	0.016606	1625	9	0.005538	718	7	0.009749	148	2	0.013514	175	3	0.017143
Mir6392_1	miRBase:M	Mir6392	chr15	84168334	84168356	1842	20	0.010858	1439	11	0.007644	1545	13	0.008414	183	3	0.016393	467	5	0.010707	1885	31	0.016446	1385	23	0.016606	1625	9	0.005538	718	7	0.009749	148	2	0.013514	175	3	0.017143
Mir6393	miRBase:M	Mir6393	chr15	87795919	87795940	82	62	0.756098	78	68	0.871795	78	57	0.730769	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	88	65	0.738636	58	36	0.62069	48	21	0.4375	20	8	0.4	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6394	miRBase:M	Mir6394	chr7	96305740	96305760	84	61	0.72619	85	74	0.870588	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	70	56	0.8	70	46	0.657143	64	42	0.65625	64	27	0.421875	54	28	0.518519	22	11	0.5	30	11	0.366667
Mir6395	miRBase:M	Mir6395	chr8	34166689	34166710	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6396	miRBase:M	Mir6396	chr8	1.23E+08	1.23E+08	241	224	0.929461	230	210	0.913043	242	224	0.92562	85	79	0.929412	111	104	0.936937	271	249	0.918819	175	153	0.874286	231	194	0.839827	101	82	0.811881	117	98	0.837607	60	51	0.85
Mir6397	miRBase:M	Mir6397	chr4	1.08E+08	1.08E+08	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6398	miRBase:M	Mir6398	chr4	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6399	miRBase:M	Mir6399	chr4	1.38E+08	1.38E+08	62	52	0.83871	114	100	0.877193	36	27	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	77	68	0.883117	49	36	0.734694	34	9	0.264706	100	68	0.68	35	18	0.514286	29	13	0.448276	10	7	0.7
Mir6400	miRBase:M	Mir6400	chr4	15942907	15942927	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6401	miRBase:M	Mir6401	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	44	0.88	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	23	0.657143	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6402	miRBase:M	Mir6402	chr4	91373285	91373307	1104	29	0.026268	820	17	0.020732	1024	31	0.030273	98	2	0.020408	515	11	0.021359	891	49	0.054994	865	64	0.073988	851	38	0.044653	284	16	0.056338	560	48	0.085714	121	15	0.123967
Mir6403	miRBase:M	Mir6403	chr4	1.35E+08	1.35E+08	164	146	0.890244	134	120	0.895522	130	102	0.784615	34	32	0.941176	40	37	0.925	275	244	0.887273	147	136	0.92517	107	90	0.841121	116	91	0.784483	52	38	0.730769	34	30	0.882353
Mir6404	miRBase:M	Mir6404	chr7	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6405	miRBase:M	Mir6405	chr19	44808501	44808523	226	10	0.044248	197	11	0.055838	222	9	0.040541	74	4	0.054054	76	4	0.052632	262	12	0.045802	198	12	0.060606	180	10	0.055556	57	7	0.122807	83	3	0.036145	36	2	0.055556
Mir6406	miRBase:M	Mir6406	chr11	68220917	68220938	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	13	7	0.538462	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6407	miRBase:M	Mir6407	chr19	53010679	53010701	660	611	0.925758	705	656	0.930496	807	739	0.915737	188	169	0.898936	395	377	0.95443	799	726	0.908636	603	559	0.927032	796	729	0.915829	288	260	0.902778	291	256	0.879725	190	170	0.894737
Mir6408	miRBase:M	Mir6408	chr10	60923077	60923100	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	62	49	0.790323	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7
Mir6409	miRBase:M	Mir6409	chr10	76008993	76009015	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6410	miRBase:M	Mir6410	chr10	78434803	78434824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6411	miRBase:M	Mir6411	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6412	miRBase:M	Mir6412	chr10	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6413	miRBase:M	Mir6413	chr10	20297593	20297613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6414	miRBase:M	Mir6414	chr5	41891400	41891421	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6415	miRBase:M	Mir6415	chr5	92458559	92458580	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6416	miRBase:M	Mir6416	chr7	64249989	64250009	62	53	0.854839	36	31	0.861111	39	33	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	91	70	0.769231	48	44	0.916667	68	50	0.735294	45	37	0.822222	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6416_1	miRBase:M	Mir6416	chr7	64250077	64250097	62	53	0.854839	36	31	0.861111	39	33	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	91	70	0.769231	48	44	0.916667	68	50	0.735294	45	37	0.822222	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6417	miRBase:M	Mir6417	chr5	52135972	52135993	93	87	0.935484	67	64	0.955224	98	89	0.908163	71	66	0.929577	73	69	0.945205	71	68	0.957746	71	68	0.957746	73	68	0.931507	27	21	0.777778	41	36	0.878049	11	10	0.909091
Mir6418	miRBase:M	Mir6418	chr5	1.38E+08	1.38E+08	2796	594	0.212446	2253	602	0.267199	2500	563	0.2252	667	156	0.233883	822	178	0.216545	3100	552	0.178065	2455	486	0.197963	2810	518	0.184342	953	171	0.179433	1037	133	0.128255	421	125	0.296912
Mir6418_1	miRBase:M	Mir6418	chr5	1.38E+08	1.38E+08	2903	594	0.204616	2358	602	0.255301	2600	564	0.216923	700	156	0.222857	859	178	0.207218	3215	552	0.171695	2556	487	0.190532	2932	518	0.176671	987	171	0.173252	1069	133	0.124415	431	125	0.290023
Mir6419	miRBase:M	Mir6419	chr2	17563541	17563562	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6420	miRBase:M	Mir6420	chr17	64440863	64440883	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	30	0.882353	14	12	0.857143	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	34	25	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6481	miRBase:M	Mir6481	chr3	99199367	99199385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6516	miRBase:M	Mir6516	chr11	1.17E+08	1.17E+08	668	6	0.008982	673	6	0.008915	641	5	0.0078	106	0	0	303	0	0	916	37	0.040393	723	30	0.041494	742	16	0.021563	279	18	0.064516	291	1	0.003436	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6516_1	miRBase:M	Mir6516	chr11	1.17E+08	1.17E+08	668	6	0.008982	673	6	0.008915	641	5	0.0078	106	0	0	303	0	0	916	37	0.040393	723	30	0.041494	742	16	0.021563	279	18	0.064516	291	1	0.003436	#N/A	#N/A	#N/A
Mir652	miRBase:M	Mir652	chrX	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	4	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	24	11	0.458333	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir652_1	miRBase:M	Mir652	chrX	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	4	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	24	11	0.458333	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir653	miRBase:M	Mir653	chr6	3721315	3721335	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir653_1	miRBase:M	Mir653	chr6	3721355	3721375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6537	miRBase:M	Mir6537	chr7	25097089	25097111	808	627	0.77599	710	517	0.728169	792	578	0.729798	30	13	0.433333	409	302	0.738386	856	621	0.725467	763	534	0.699869	772	541	0.700777	294	142	0.482993	507	329	0.648915	51	33	0.647059
Mir6537_1	miRBase:M	Mir6537	chr7	25097120	25097141	808	627	0.77599	710	517	0.728169	792	578	0.729798	30	13	0.433333	409	302	0.738386	856	621	0.725467	763	534	0.699869	772	541	0.700777	294	142	0.482993	507	329	0.648915	51	33	0.647059
Mir6538	miRBase:M	Mir6538	chr12	26414970	26414988	2302	13	0.005647	1868	10	0.005353	2228	18	0.008079	256	0	0	646	1	0.001548	2646	19	0.007181	1997	30	0.015023	1692	15	0.008865	567	6	0.010582	723	10	0.013831	80	2	0.025
Mir6539	miRBase:M	Mir6539	chr14	67859699	67859722	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir654	miRBase:M	Mir654	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir654_1	miRBase:M	Mir654	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6540	miRBase:M	Mir6540	chr16	42303386	42303406	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6540_1	miRBase:M	Mir6540	chr16	42303425	42303446	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6541	miRBase:M	Mir6541	chr14	62865610	62865630	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6546	miRBase:M	Mir6546	chr1	1.71E+08	1.71E+08	2571	180	0.070012	4122	282	0.068413	3812	246	0.064533	1484	112	0.075472	2893	256	0.088489	2844	296	0.104079	2873	285	0.099199	3222	339	0.105214	2207	273	0.123697	2728	327	0.119868	1545	220	0.142395
Mir6546_1	miRBase:M	Mir6546	chr1	1.71E+08	1.71E+08	2571	180	0.070012	4122	282	0.068413	3812	246	0.064533	1484	112	0.075472	2893	256	0.088489	2844	296	0.104079	2873	285	0.099199	3222	339	0.105214	2207	273	0.123697	2728	327	0.119868	1545	220	0.142395
Mir664	miRBase:M	Mir664	chr1	1.85E+08	1.85E+08	106	93	0.877358	75	60	0.8	88	73	0.829545	30	23	0.766667	42	34	0.809524	92	78	0.847826	62	51	0.822581	79	64	0.810127	36	27	0.75	27	22	0.814815	27	21	0.777778
Mir664_1	miRBase:M	Mir664	chr1	1.85E+08	1.85E+08	106	93	0.877358	75	60	0.8	88	73	0.829545	30	23	0.766667	42	34	0.809524	92	78	0.847826	62	51	0.822581	79	64	0.810127	36	27	0.75	27	22	0.814815	27	21	0.777778
Mir665	miRBase:M	Mir665	chr12	1.1E+08	1.1E+08	537	453	0.843575	389	327	0.840617	494	407	0.823887	74	63	0.851351	119	94	0.789916	470	389	0.82766	405	307	0.758025	396	301	0.760101	113	59	0.522124	112	61	0.544643	11	9	0.818182
Mir665_1	miRBase:M	Mir665	chr12	1.1E+08	1.1E+08	537	453	0.843575	389	327	0.840617	494	407	0.823887	74	63	0.851351	119	94	0.789916	470	389	0.82766	405	307	0.758025	396	301	0.760101	113	59	0.522124	112	61	0.544643	11	9	0.818182
Mir666	miRBase:M	Mir666	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir666_1	miRBase:M	Mir666	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir667	miRBase:M	Mir667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	40	33	0.825	82	47	0.573171	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A
Mir667_1	miRBase:M	Mir667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	40	33	0.825	82	47	0.573171	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A
Mir668	miRBase:M	Mir668	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	30	1	39	38	0.974359	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir668_1	miRBase:M	Mir668	chr12	1.1E+08	1.1E+08	30	30	1	39	38	0.974359	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10476872	10476895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1_	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10476908	10476930	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10498926	10498949	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10498962	10498984	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10501354	10501377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10501390	10501412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10503806	10503829	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-1	miRBase:M	Mir669a-1	chr2	10503842	10503864	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-2	miRBase:M	Mir669a-2	chr2	10510185	10510208	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-2	miRBase:M	Mir669a-2	chr2	10510221	10510243	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-3	miRBase:M	Mir669a-3	chr2	10474460	10474483	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-3	miRBase:M	Mir669a-3	chr2	10474496	10474518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-4	miRBase:M	Mir669a-4	chr2	10479330	10479353	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-4	miRBase:M	Mir669a-4	chr2	10479366	10479388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-5	miRBase:M	Mir669a-5	chr2	10481776	10481799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-5	miRBase:M	Mir669a-5	chr2	10481812	10481834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-6	miRBase:M	Mir669a-6	chr2	10484211	10484234	29	22	0.758621	27	22	0.814815	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	24	12	0.5	12	8	0.666667	17	6	0.352941	11	3	0.272727	19	11	0.578947	11	4	0.363636
Mir669a-6	miRBase:M	Mir669a-6	chr2	10484247	10484269	29	22	0.758621	27	22	0.814815	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	24	12	0.5	12	8	0.666667	17	6	0.352941	11	3	0.272727	19	11	0.578947	11	4	0.363636
Mir669a-7	miRBase:M	Mir669a-7	chr2	10486668	10486691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-7	miRBase:M	Mir669a-7	chr2	10486704	10486726	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-8	miRBase:M	Mir669a-8	chr2	10491581	10491604	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-8	miRBase:M	Mir669a-8	chr2	10491617	10491639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-9	miRBase:M	Mir669a-9	chr2	10494043	10494066	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669a-9	miRBase:M	Mir669a-9	chr2	10494079	10494101	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669b	miRBase:M	Mir669b	chr2	10467814	10467835	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669b_1	miRBase:M	Mir669b	chr2	10467851	10467873	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669c	miRBase:M	Mir669c	chr2	10509319	10509340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669c_1	miRBase:M	Mir669c	chr2	10509359	10509380	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669d	miRBase:M	Mir669d	chr2	10468384	10468405	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669d_1	miRBase:M	Mir669d	chr2	10468423	10468443	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669d-2	miRBase:M	Mir669d-2	chr2	10471658	10471679	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669d-2	miRBase:M	Mir669d-2	chr2	10471696	10471717	32	30	0.9375	19	18	0.947368	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669e	miRBase:M	Mir669e	chr2	10467537	10467558	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669e_1	miRBase:M	Mir669e	chr2	10467574	10467594	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669f	miRBase:M	Mir669f	chr2	10467248	10467271	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669f_1	miRBase:M	Mir669f	chr2	10467285	10467307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669g	miRBase:M	Mir669g	chr2	10477170	10477192	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669h	miRBase:M	Mir669h	chr2	10518174	10518197	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669h_1	miRBase:M	Mir669h	chr2	10518219	10518240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669i	miRBase:M	Mir669i	chr2	10517671	10517691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669j	miRBase:M	Mir669j	chr2	10477989	10478010	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669k	miRBase:M	Mir669k	chr2	10475318	10475342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669k_1	miRBase:M	Mir669k	chr2	10475364	10475384	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669l	miRBase:M	Mir669l	chr2	10468989	10469010	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669l_1	miRBase:M	Mir669l	chr2	10469027	10469048	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	43	35	0.813953	28	16	0.571429	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669m-1	miRBase:M	Mir669m-1	chr2	10512814	10512836	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669m-1	miRBase:M	Mir669m-1	chr2	10512847	10512868	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669m-2	miRBase:M	Mir669m-2	chr2	10513457	10513479	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669m-2	miRBase:M	Mir669m-2	chr2	10513490	10513511	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669n	miRBase:M	Mir669n	chr3	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669o	miRBase:M	Mir669o	chr2	10514318	10514340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669o_1	miRBase:M	Mir669o	chr2	10514355	10514377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669p-1	miRBase:M	Mir669p-1	chr2	10489130	10489153	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669p-1	miRBase:M	Mir669p-1	chr2	10489167	10489190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669p-2	miRBase:M	Mir669p-2	chr2	10496511	10496534	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir669p-2	miRBase:M	Mir669p-2	chr2	10496548	10496571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir670	miRBase:M	Mir670	chr2	94261316	94261340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir670_1	miRBase:M	Mir670	chr2	94261358	94261379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir671	miRBase:M	Mir671	chr5	24592132	24592154	1687	1082	0.641375	1260	865	0.686508	1550	1031	0.665161	168	116	0.690476	777	492	0.633205	1695	1017	0.6	1443	930	0.644491	1662	1169	0.703369	589	403	0.684211	799	571	0.714643	214	161	0.752336
Mir671_1	miRBase:M	Mir671	chr5	24592171	24592191	1687	1082	0.641375	1260	865	0.686508	1550	1031	0.665161	168	116	0.690476	777	492	0.633205	1695	1017	0.6	1443	930	0.644491	1662	1169	0.703369	589	403	0.684211	799	571	0.714643	214	161	0.752336
Mir6715	miRBase:M	Mir6715	chr19	55192678	55192700	322	259	0.804348	164	128	0.780488	290	220	0.758621	79	63	0.797468	166	146	0.879518	340	272	0.8	287	231	0.804878	298	232	0.778523	97	82	0.845361	189	157	0.830688	36	30	0.833333
Mir6715_1	miRBase:M	Mir6715	chr19	55192714	55192734	322	259	0.804348	164	128	0.780488	290	220	0.758621	79	63	0.797468	166	146	0.879518	340	272	0.8	287	231	0.804878	298	232	0.778523	97	82	0.845361	189	157	0.830688	36	30	0.833333
Mir672	miRBase:M	Mir672	chrX	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir672_1	miRBase:M	Mir672	chrX	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir673	miRBase:M	Mir673	chr12	1.1E+08	1.1E+08	53	48	0.90566	65	56	0.861538	70	61	0.871429	14	9	0.642857	11	11	1	66	49	0.742424	74	55	0.743243	79	45	0.56962	13	10	0.769231	25	18	0.72	#N/A	#N/A	#N/A
Mir673_1	miRBase:M	Mir673	chr12	1.1E+08	1.1E+08	53	48	0.90566	65	56	0.861538	70	61	0.871429	14	9	0.642857	11	11	1	66	49	0.742424	74	55	0.743243	79	45	0.56962	13	10	0.769231	25	18	0.72	#N/A	#N/A	#N/A
Mir674	miRBase:M	Mir674	chr2	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir674_1	miRBase:M	Mir674	chr2	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir675	miRBase:M	Mir675	chr7	1.43E+08	1.43E+08	473	266	0.562368	495	218	0.440404	510	287	0.562745	40	16	0.4	131	85	0.648855	592	320	0.540541	543	277	0.510129	516	262	0.507752	92	43	0.467391	297	157	0.52862	#N/A	#N/A	#N/A
Mir675_1	miRBase:M	Mir675	chr7	1.43E+08	1.43E+08	473	266	0.562368	495	218	0.440404	510	287	0.562745	40	16	0.4	131	85	0.648855	592	320	0.540541	543	277	0.510129	516	262	0.507752	92	43	0.467391	297	157	0.52862	#N/A	#N/A	#N/A
Mir676	miRBase:M	Mir676	chrX	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir676_1	miRBase:M	Mir676	chrX	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6769b	miRBase:M	Mir6769b	chr8	71631047	71631067	235	23	0.097872	124	5	0.040323	253	54	0.213439	21	1	0.047619	101	9	0.089109	261	26	0.099617	172	18	0.104651	212	14	0.066038	72	13	0.180556	112	29	0.258929	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6769b_	miRBase:M	Mir6769b	chr8	71631083	71631102	113	20	0.176991	#N/A	#N/A	#N/A	112	49	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	46	9	0.195652	133	26	0.195489	52	17	0.326923	56	13	0.232143	52	13	0.25	60	29	0.483333	#N/A	#N/A	#N/A
Mir677	miRBase:M	Mir677	chr10	1.28E+08	1.28E+08	2006	105	0.052343	2144	68	0.031716	2359	92	0.039	289	2	0.00692	882	38	0.043084	2543	122	0.047975	2144	62	0.028918	2249	94	0.041796	731	42	0.057456	903	62	0.06866	346	10	0.028902
Mir677_1	miRBase:M	Mir677	chr10	1.28E+08	1.28E+08	1724	101	0.058585	1804	66	0.036585	2074	92	0.044359	279	2	0.007168	793	38	0.047919	2248	121	0.053826	1708	61	0.035714	1856	93	0.050108	684	42	0.061404	821	62	0.075518	336	10	0.029762
Mir678	miRBase:M	Mir678	chr10	76207333	76207354	384	366	0.953125	392	374	0.954082	398	374	0.939698	39	37	0.948718	202	195	0.965347	329	314	0.954407	291	265	0.910653	437	379	0.867277	150	133	0.886667	223	207	0.928251	42	41	0.97619

Mir6964_1	miRBase:M	Mir6964	chr16	97877266	97877286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6965	miRBase:M	Mir6965	chr17	24240884	24240905	78	77	0.987179	64	62	0.96875	64	62	0.96875	28	27	0.964286	37	35	0.945946	66	62	0.939394	78	73	0.935897	44	43	0.977273	33	32	0.969697	23	23	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6965_1	miRBase:M	Mir6965	chr17	24240919	24240942	78	77	0.987179	64	62	0.96875	64	62	0.96875	28	27	0.964286	37	35	0.945946	66	62	0.939394	78	73	0.935897	44	43	0.977273	33	32	0.969697	23	23	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6966	miRBase:M	Mir6966	chr17	25780813	25780833	524	452	0.862595	438	363	0.828767	486	402	0.82716	105	82	0.780952	193	170	0.880829	595	502	0.843697	477	396	0.830189	472	378	0.800847	159	126	0.792453	144	116	0.805556	91	75	0.824176
Mir6966_1	miRBase:M	Mir6966	chr17	25780859	25780879	524	452	0.862595	438	363	0.828767	486	402	0.82716	105	82	0.780952	193	170	0.880829	595	502	0.843697	477	396	0.830189	472	378	0.800847	159	126	0.792453	144	116	0.805556	91	75	0.824176
Mir6968	miRBase:M	Mir6968	chr17	26935472	26935493	828	662	0.799517	543	462	0.850829	737	604	0.819539	227	148	0.651982	231	202	0.874459	969	740	0.763674	685	504	0.735766	712	525	0.73736	248	164	0.66129	204	176	0.862745	77	66	0.857143
Mir6968_1	miRBase:M	Mir6968	chr17	26935518	26935539	828	662	0.799517	543	462	0.850829	737	604	0.819539	227	148	0.651982	231	202	0.874459	969	740	0.763674	685	504	0.735766	712	525	0.73736	248	164	0.66129	204	176	0.862745	77	66	0.857143
Mir6969	miRBase:M	Mir6969	chr17	28558441	28558460	109	104	0.954128	36	34	0.944444	110	104	0.945455	#N/A	#N/A	#N/A	70	63	0.9	60	54	0.9	102	97	0.95098	81	73	0.901235	#N/A	#N/A	#N/A	60	58	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6969_1	miRBase:M	Mir6969	chr17	28558475	28558496	109	104	0.954128	36	34	0.944444	110	104	0.945455	#N/A	#N/A	#N/A	70	63	0.9	60	54	0.9	102	97	0.95098	81	73	0.901235	#N/A	#N/A	#N/A	60	58	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
Mir697	miRBase:M	Mir697	chr4	1.25E+08	1.25E+08	217	201	0.926267	205	194	0.946341	206	190	0.92233	39	36	0.923077	101	93	0.920792	268	247	0.921642	188	170	0.904255	204	183	0.897059	93	82	0.88172	143	132	0.923077	39	33	0.846154
Mir6970	miRBase:M	Mir6970	chr17	34845104	34845124	145	139	0.958621	146	138	0.945205	161	150	0.931677	26	25	0.961538	44	40	0.909091	229	220	0.960699	147	135	0.918367	149	130	0.872483	83	78	0.939759	65	57	0.876923	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6970_1	miRBase:M	Mir6970	chr17	34845143	34845167	145	139	0.958621	146	138	0.945205	161	150	0.931677	26	25	0.961538	44	40	0.909091	229	220	0.960699	147	135	0.918367	149	130	0.872483	83	78	0.939759	65	57	0.876923	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6971	miRBase:M	Mir6971	chr17	34841809	34841829	502	445	0.886454	395	345	0.873418	451	395	0.875831	86	77	0.895349	162	144	0.888889	525	463	0.881905	576	494	0.857639	459	394	0.858388	166	147	0.885542	193	163	0.84456	42	38	0.904762
Mir6971_1	miRBase:M	Mir6971	chr17	34841847	34841866	502	445	0.886454	395	345	0.873418	451	395	0.875831	86	77	0.895349	162	144	0.888889	525	463	0.881905	576	494	0.857639	459	394	0.858388	166	147	0.885542	193	163	0.84456	42	38	0.904762
Mir6972	miRBase:M	Mir6972	chr17	34857569	34857589	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6972_1	miRBase:M	Mir6972	chr17	34857605	34857627	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6973a	miRBase:M	Mir6973a	chr17	35194977	35194998	1045	132	0.126316	638	107	0.167712	979	163	0.166496	12	9	0.75	190	23	0.121053	1369	56	0.040906	1133	90	0.079435	924	109	0.117965	211	31	0.146919	281	20	0.071174	51	1	0.019608
Mir6973a_	miRBase:M	Mir6973a	chr17	35195024	35195045	1117	134	0.119964	678	107	0.157817	1063	164	0.15428	12	9	0.75	190	23	0.121053	1481	56	0.037812	1217	90	0.073952	924	109	0.117965	211	31	0.146919	281	20	0.071174	51	1	0.019608
Mir6973b	miRBase:M	Mir6973b	chr2	1.31E+08	1.31E+08	5000	154	0.0308	5288	113	0.021369	6060	155	0.025578	794	18	0.02267	1549	52	0.03357	5259	203	0.0386	4712	158	0.033531	4815	252	0.052336	1734	61	0.035179	1767	73	0.041313	394	11	0.027919
Mir6973b_	miRBase:M	Mir6973b	chr2	1.31E+08	1.31E+08	5000	154	0.0308	5288	113	0.021369	6060	155	0.025578	794	18	0.02267	1549	52	0.03357	5259	203	0.0386	4712	158	0.033531	4815	252	0.052336	1734	61	0.035179	1767	73	0.041313	394	11	0.027919
Mir6974	miRBase:M	Mir6974	chr17	35204475	35204496	111	68	0.612613	182	108	0.593407	151	61	0.403974	#N/A	#N/A	#N/A	93	55	0.591398	100	55	0.55	33	26	0.787879	164	109	0.664634	81	57	0.703704	78	56	0.717949	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6974_1	miRBase:M	Mir6974	chr17	35204534	35204557	111	68	0.612613	182	108	0.593407	151	61	0.403974	#N/A	#N/A	#N/A	93	55	0.591398	100	55	0.55	33	26	0.787879	164	109	0.664634	81	57	0.703704	78	56	0.717949	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6975	miRBase:M	Mir6975	chr17	35244080	35244102	1699	65	0.038258	1402	77	0.054922	1523	68	0.044649	200	1	0.005	355	35	0.098592	1855	21	0.011321	1485	52	0.035017	1698	74	0.043581	309	29	0.093851	634	14	0.022082	68	1	0.014706
Mir6975_1	miRBase:M	Mir6975	chr17	35244116	35244135	1639	65	0.039658	1366	77	0.056369	1479	68	0.045977	200	1	0.005	329	35	0.106383	1775	21	0.011831	1435	52	0.036237	1654	74	0.04474	287	29	0.101045	612	14	0.022876	68	1	0.014706
Mir6976	miRBase:M	Mir6976	chr17	46553827	46553847	5069	174	0.034326	5049	147	0.029115	5415	184	0.03398	538	33	0.061338	1262	111	0.087956	5788	224	0.038701	4843	138	0.028495	5637	107	0.018982	1071	44	0.041083	1808	68	0.037611	369	26	0.070461
Mir6976_1	miRBase:M	Mir6976	chr17	46553862	46553884	5239	175	0.033403	5208	148	0.028418	5568	184	0.033046	538	33	0.061338	1282	111	0.086583	5964	224	0.037559	4951	138	0.027873	5792	106	0.018301	1071	44	0.041083	1840	67	0.036413	369	26	0.070461
Mir6977	miRBase:M	Mir6977	chr17	56418850	56418871	520	488	0.938462	407	381	0.936118	612	573	0.936275	117	108	0.923077	135	132	0.977778	637	592	0.929356	574	536	0.933798	647	586	0.905719	162	146	0.901235	292	274	0.938356	60	55	0.916667
Mir6977_1	miRBase:M	Mir6977	chr17	56418885	56418909	520	488	0.938462	407	381	0.936118	612	573	0.936275	117	108	0.923077	135	132	0.977778	637	592	0.929356	574	536	0.933798	647	586	0.905719	162	146	0.901235	292	274	0.938356	60	55	0.916667
Mir6978	miRBase:M	Mir6978	chr17	57217172	57217194	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6978_1	miRBase:M	Mir6978	chr17	57217201	57217223	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6979	miRBase:M	Mir6979	chr18	37854605	37854625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6979_1	miRBase:M	Mir6979	chr18	37854641	37854660	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir698	miRBase:M	Mir698	chr4	1.25E+08	1.25E+08	447	228	0.510067	438	212	0.484018	511	242	0.473581	116	69	0.594828	137	93	0.678832	407	284	0.697789	385	172	0.446753	528	225	0.426136	142	96	0.676056	131	79	0.603053	64	38	0.59375
Mir698_1	miRBase:M	Mir698	chr4	1.25E+08	1.25E+08	447	228	0.510067	438	212	0.484018	511	242	0.473581	116	69	0.594828	137	93	0.678832	407	284	0.697789	385	172	0.446753	528	225	0.426136	142	96	0.676056	131	79	0.603053	64	38	0.59375
Mir6980	miRBase:M	Mir6980	chr18	37990887	37990906	238	189	0.794118	240	194	0.808333	262	201	0.767176	20	12	0.6	157	137	0.872611	419	318	0.75895	206	150	0.728155	326	255	0.782209	45	30	0.666667	112	81	0.723214	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6980_1	miRBase:M	Mir6980	chr18	37990919	37990940	238	189	0.794118	240	194	0.808333	262	201	0.767176	20	12	0.6	157	137	0.872611	419	318	0.75895	206	150	0.728155	326	255	0.782209	45	30	0.666667	112	81	0.723214	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6981	miRBase:M	Mir6981	chr18	37974503	37974524	82	78	0.95122	160	148	0.925	280	265	0.946429	#N/A	#N/A	#N/A	122	116	0.95082	232	209	0.900862	152	125	0.822368	262	240	0.916031	11	11	1	82	76	0.926829	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6981_1	miRBase:M	Mir6981	chr18	37974592	37974617	82	78	0.95122	160	148	0.925	280	265	0.946429	#N/A	#N/A	#N/A	122	116	0.95082	232	209	0.900862	152	125	0.822368	262	240	0.916031	11	11	1	82	76	0.926829	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6982	miRBase:M	Mir6982	chr18	60958078	60958102	150	139	0.926667	78	76	0.974359	150	137	0.913333	42	41	0.97619	48	44	0.916667	132	130	0.984848	84	80	0.952381	87	82	0.942529	39	35	0.897436	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6982_1	miRBase:M	Mir6982	chr18	60958120	60958140	182	171	0.93956	102	100	0.980392	186	172	0.924731	42	41	0.97619	65	61	0.938462	153	151	0.986928	98	90	0.918367	103	97	0.941748	39	35	0.897436	47	44	0.93617	12	10	0.833333
Mir6983	miRBase:M	Mir6983	chr18	61117473	61117494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6983_1	miRBase:M	Mir6983	chr18	61117509	61117531	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6984	miRBase:M	Mir6984	chr19	3288925	3288948	231	210	0.909091	201	188	0.935323	232	212	0.913793	91	80	0.879121	92	85	0.923913	248	220	0.887097	202	173	0.856436	206	181	0.878641	110	88	0.8	77	64	0.831169	40	36	0.9
Mir6984_1	miRBase:M	Mir6984	chr19	3288961	3288981	231	210	0.909091	201	188	0.935323	232	212	0.913793	91	80	0.879121	92	85	0.923913	248	220	0.887097	202	173	0.856436	206	181	0.878641	110	88	0.8	77	64	0.831169	40	36	0.9
Mir6985	miRBase:M	Mir6985	chr19	4263818	4263838	258	243	0.94186	227	209	0.920705	283	276	0.975265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	294	256	0.870748	272	235	0.863971	177	150	0.847458	97	88	0.907216	144	120	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6985_1	miRBase:M	Mir6985	chr19	4263852	4263873	258	243	0.94186	227	209	0.920705	283	276	0.975265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	294	256	0.870748	272	235	0.863971	177	150	0.847458	97	88	0.907216	144	120	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6986	miRBase:M	Mir6986	chr19	4623898	4623916	4230	34	0.008038	4108	29	0.007059	4782	73	0.015266	409	39	0.095355	1034	77	0.074468	4215	66	0.015658	3725	75	0.020134	4063	62	0.01526	755	3	0.003974	1213	3	0.002473	735	2	0.002721
Mir6986_1	miRBase:M	Mir6986	chr19	4623929	4623950	4335	34	0.007843	4183	29	0.006933	4866	73	0.015002	421	39	0.092637	1087	77	0.070837	4318	66	0.015285	3823	76	0.01988	4130	62	0.015012	767	3	0.003911	1223	3	0.002453	747	2	0.002677
Mir6987	miRBase:M	Mir6987	chr19	5679004	5679026	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6987_1	miRBase:M	Mir6987	chr19	5679050	5679071	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6988	miRBase:M	Mir6988	chr19	6051338	6051358	50	37	0.74	53	35	0.660377	53	40	0.754717	#N/A	#N/A	#N/A	75	59	0.786667	143	108	0.755245	93	70	0.752688	91	59	0.648352	43	28	0.651163	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6988_1	miRBase:M	Mir6988	chr19	6051371	6051392	50	37	0.74	53	35	0.660377	53	40	0.754717	#N/A	#N/A	#N/A	75	59	0.786667	143	108	0.755245	93	70	0.752688	91	59	0.648352	43	28	0.651163	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6989	miRBase:M	Mir6989	chr19	6346485	6346506	207	197	0.951691	143	135	0.944056	133	120	0.902256	79	77	0.974684	94	86	0.914894	212	196	0.924528	171	139	0.812865	174	159	0.913793	89	79	0.88764	51	47	0.921569	13	12	0.923077
Mir6989_1	miRBase:M	Mir6989	chr19	6346523	6346544	207	197	0.951691	143	135	0.944056	133	120	0.902256	79	77	0.974684	94	86	0.914894	212	196	0.924528	171	139	0.812865	174	159	0.913793	89	79	0.88764	51	47	0.921569	13	12	0.923077
Mir6990	miRBase:M	Mir6990	chr19	6914196	6914216	87	65	0.747126	177	165	0.932203	177	162	0.915254	#N/A	#N/A	#N/A	82	73	0.890244	196	172	0.877551	173	131	0.757225	199	169	0.849246	#N/A	#N/A	#N/A	55	48	0.872727	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6990_1	miRBase:M	Mir6990	chr19	6914261	6914281	87	65	0.747126	177	165	0.932203	177	162	0.915254	#N/A	#N/A	#N/A	72	67	0.930556	196	172	0.877551	161	129	0.801242	199	169	0.849246	#N/A	#N/A	#N/A	55	48	0.872727	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6991	miRBase:M	Mir6991	chr19	7422578	7422599	6249	2820	0.451272	5952	2162	0.363239	6897	2601	0.37712	1718	721	0.419674	2199	1018	0.462938	6483	3269	0.504242	5143	2352	0.457321	6021	2580	0.4285	1440	904	0.627778	2463	1347	0.546894	521	280	0.537428
Mir6991_1	miRBase:M	Mir6991	chr19	7422621	7422642	6249	2820	0.451272	5980	2166	0.362207	6897	2601	0.37712	1718	721	0.419674	2199	1018	0.462938	6509	3275	0.503149	5167	2352	0.455196	6021	2580	0.4285	1440	904	0.627778	2463	1347	0.546894	521	280	0.537428
Mir6992	miRBase:M	Mir6992	chr19	8742976	8742998	503	7	0.013917	408	3	0.007353	378	4	0.010582	13	1	0.076923	313	2	0.00639	500	8	0.016	372	2	0.005376	445	6	0.013483	153	3	0.019608	297	5	0.016835	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6992_1	miRBase:M	Mir6992	chr19	8743058	8743079	503	7	0.013917	408	3	0.007353	378	4	0.010582	13	1	0.076923	313	2	0.00639	500	8	0.016	372	2	0.005376	445	6	0.013483	153	3	0.019608	297	5	0.016835	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6993	miRBase:M	Mir6993	chr19	10191380	10191402	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6993_1	miRBase:M	Mir6993	chr19	10191419	10191439	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6994	miRBase:M	Mir6994	chr19	11923733	11923755	93	80	0.860215	36	35	0.972222	93	87	0.935484	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	118	102	0.864407	34	30	0.882353	79	59	0.746835	58	46	0.793103	60	54	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6994_1	miRBase:M	Mir6994	chr19	11923778	11923798	93	80	0.860215	36	35	0.972222	93	87	0.935484	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	118	102	0.864407	34	30	0.882353	79	59	0.746835	58	46	0.793103	60	54	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6995	miRBase:M	Mir6995	chr19	47273519	47273539	206	199	0.966019	101	100	0.990099	212	201	0.948113	22	20	0.909091	97	92	0.948454	243	228	0.938272	165	160	0.969697	212	197	0.929245	77	71	0.922078	89	77	0.865169	28	28	1
Mir6995_1	miRBase:M	Mir6995	chr19	47273562	47273584	206	199	0.966019	101	100	0.990099	212	201	0.948113	22	20	0.909091	97	92	0.948454	243	228	0.938272	165	160	0.969697	212	197	0.929245	77	71	0.922078	89	77	0.865169	28	28	1
Mir6996	miRBase:M	Mir6996	chr2	26470059	26470081	168	159	0.946429	136	130	0.955882	101	93	0.920792	11	11	1	58	57	0.982759	142	141	0.992958	190	170	0.894737	155	142	0.916129	56	53	0.946429	93	86	0.924731	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6996_1	miRBase:M	Mir6996	chr2	26470094	26470114	168	159	0.946429	136	130	0.955882	101	93	0.920792	11	11	1	58	57	0.982759	142	141	0.992958	190	170	0.894737	155	142	0.916129	56	53	0.946429	93	86	0.924731	#N/A	#N/A	#N/A
Mir6997	miRBase:M	Mir6997	chr2	29995955	29995976	244	236	0.967213	264	251	0.950758	294	273	0.928571	26	25	0.961538	115	112	0.973913	212	192	0.90566	190	177	0.931579	212	187	0.882075	122	112	0.918033	28	26	0.928571	52	46	0.884615
Mir6997_1	miRBase:M	Mir6997	chr2	29995996	29996018	244	236	0.967213	264	251	0.950758	294	273	0.928571	26	25	0.961538	115	112	0.973913	212	192	0.90566	190	177	0.931579	212	187	0.882075	122	112	0.918033	28	26	0.928571	52	46	0.884615
Mir6998	miRBase:M	Mir6998	chr2	31612426	31612447	162	158	0.975309	156	148	0.948718	150	144	0.96	58	55	0.948276	58	56	0.965517	128	120	0.9375	122	115	0.942623	170	165	0.970588	56	53	0.946429	74	70	0.945946	22	18	0.818182
Mir6998_1	miRBase:M	Mir6998	chr2	31612462	31612483	162	158	0.975309	156	148	0.948718	150	144	0.96	58	55	0.948276	58	56	0.965517	128	120	0.9375	122	115	0.942623	170	165	0.970588	56	53	0.946429	74	70	0.945946	22	18	0.818182
Mir6999	miRBase:M	Mir6999	chr2	91944872	91944893	540	481	0.890741	388	364	0.938144	517	472	0.912959	40	36	0.9	138	132	0.956522	753	665	0.883134	465	411	0.883871	490	460	0.938776	149	131	0.879195	336	305	0.907738	40	35	0.875
Mir6999_1	miRBase:M	Mir6999	chr2	91944908	91944930	519	461	0.888247	378	355	0.939153	503	458	0.910537	40	36	0.9	138	132	0.956522	738	651	0.882114	454	400	0.881057	476	451	0.947479	149	131	0.879195	336	305	0.907738	40	35	0.875
Mir7-1	miRBase:M	Mir7-1	chr13	58392800	58392821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7-1_1	miRBase:M	Mir7-1	chr13	58392841	58392863	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7-2	miRBase:M	Mir7-2	chr7	78888295	78888317	86	84	0.976744	108	96	0.888889	74	69	0.932432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	74	64	0.864865	142	131	0.922535	162	136	0.839506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7-2_1	miRBase:M	Mir7-2	chr7	78888335	78888356	86	84	0.976744	108	96	0.888889	74	69	0.932432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	74	64	0.864865	142	131	0.922535	162	136	0.839506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir700	miRBase:M	Mir700	chr4	1.35E+08	1.35E+08	87	63	0.724138	90	64	0.711111	85	54	0.635294	11	9	0.818182	36	27	0.75	87	63	0.724138	85	63	0.741176	60	47	0.783333	39	29	0.74359	27	20	0.740741	25	20	0.8
Mir700_1	miRBase:M	Mir700	chr4	1.35E+08	1.35E+08	87	63	0.724138	90	64	0.711111	85	54	0.635294	11	9	0.818182	36	27	0.75	87	63	0.724138	85	63	0.741176	60	47	0.783333	39	29	0.74359	27	20	0.740741	25	20	0.8
Mir7000	miRBase:M	Mir7000	chr2	92387384	92387405	2151	454	0.211065	2212	476	0.21519	2380	583	0.244958	274	69	0.251825	912	297	0.325658	2264	488	0.215548	2195	289	0.131663	2481	435	0.175333	597	175	0.293132	1010	363	0.359406	226	44	0.19469
Mir7000_1	miRBase:M	Mir7000	chr2	92387420	92387441	2151	454	0.211065	2212	476	0.21519	2380	583	0.244958	274	69	0.251825	912	297	0.325658	2264	488	0.215548	2195	289	0.131663	2481	435	0.175333	597	175	0.293132	1010	363	0.359406	226	44	0.19469
Mir7001	miRBase:M	Mir7001	chr2	93421929	93421948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7001_1	miRBase:M	Mir7001	chr2	93421980	93422002	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7002	miRBase:M	Mir7002	chr2	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	76	73	0.960526	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7002_1	miRBase:M	Mir7002	chr2	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	76	73	0.960526	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7003	miRBase:M	Mir7003	chr2	1.63E+08	1.63E+08	477	456	0.955975	533	516	0.968105	513	496	0.966862	115	112	0.973913	287	271	0.944251	473	456	0.964059	509	475	0.933202	500	467	0.934	171	159	0.929825	183	176	0.961749	60	56	0.933333
Mir7003_1	miRBase:M	Mir7003	chr2	1.63E+08	1.63E+08	460	439	0.954348	533	516	0.968105	498	482	0.967871	105	102	0.971429	287	271	0.944251	473	456	0.964059	499	465	0.931864	490	458	0.934694	171	159	0.929825	173	167	0.965318	50	46	0.92
Mir7004	miRBase:M	Mir7004	chr2	1.69E+08	1.69E+08	531	466	0.877589	403	366	0.908189	460	422	0.917391	149	133	0.892617	253	227	0.897233	493	393	0.79716	350	289	0.825714	310	277	0.893548	203	164	0.807882	221	196	0.886878	103	86	0.834951
Mir7004_1	miRBase:M	Mir7004	chr2	1.69E+08	1.69E+08	531	466	0.877589	403	366	0.908189	460	422	0.917391	149	133	0.892617	253	227	0.897233	493	393	0.79716	350	289	0.825714	310	277	0.893548	203	164	0.807882	221	196	0.886878	103	86	0.834951
Mir7005	miRBase:M	Mir7005	chr2	1.8E+08	1.8E+08	90	86	0.955556	83	78	0.939759	132	127	0.962121	25	25	1	102	93	0.911765	140	130	0.928571	123	115	0.934959	189	165	0.873016	29	23	0.793103	60	56	0.933333	24	23	0.958333
Mir7005_1	miRBase:M	Mir7005	chr2	1.8E+08	1.8E+08	90	86	0.955556	83	78	0.939759	132	127	0.962121	25	25	1	102	93	0.911765	140	130	0.928571	123	115	0.934959	189	165	0.873016	29	23	0.793103	60	56	0.933333	24	23	0.958333
Mir7006	miRBase:M	Mir7006	chr2	1.82E+08	1.82E+08	485	461	0.950515	541	519	0.959335	491	465	0.947047	149	142	0.95302	256	244	0.953125	611	584	0.95581	513	488	0.951267	597	567	0.949749	230	209	0.908696	234	222	0.948718	10	9	0.9
Mir7006_1	miRBase:M	Mir7006	chr2	1.82E+08	1.82E+08	485	461	0.950515	541	519	0.959335	491	465	0.947047	149	142	0.95302	256	244	0.953125	611	584	0.95581	513	488	0.951267	597	567	0.949749	230	209	0.908696	234	222	0.948718	10	9	0.9
Mir7007	miRBase:M	Mir7007	chr3	20222294	20222311	12	7	0.583333	10	7	0.7	14	6	0.428571	26	15	0.576923	51	38	0.745098	27	11	0.407407	10	5	0.5	23	13	0.565217	40	26	0.65	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7007_1	miRBase:M	Mir7007	chr3	20222332	20222354	12	7	0.583333	10	7	0.7	14	6	0.428571	26	15	0.576923	51	38	0.745098	27	11	0.407407	10	5	0.5	23	13	0.565217	40	26	0.65	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7008	miRBase:M	Mir7008	chr3	31038971	31038994	129	108	0.837209	67	54	0.80597	81	63	0.777778	20	18	0.9	90	78	0.866667	116	92	0.793103	64	61	0.953125	89	61	0.685393	50	32	0.64	76	44	0.578947	40	24	0.6
Mir7008_1	miRBase:M	Mir7008	chr3	31039007	31039028	129	108	0.837209	67	54	0.80597	81	63	0.777778	20	18	0.9	90	78	0.866667	116	92	0.793103	64	61	0.953125	89	61	0.685393	50	32	0.64	76	44	0.578947	40	24	0.6
Mir7009	miRBase:M	Mir7009	chr3	36475461	36475481	206	0	0	178	1	0.005618	266	3	0.011278	20	0	0	78	0	0	202	2	0.009901	230	0	0	280	1	0.003571	57	0	0	33	0	0	42	1	0.02381
Mir7009_1	miRBase:M	Mir7009	chr3	36475498	36475519	206	0	0	178	1	0.005618	266	3	0.011278	20	0	0	78	0	0	202	2	0.009901	230	0	0	280	1	0.003571	57	0	0	33	0	0	42	1	0.02381
Mir701	miRBase:M	Mir701	chr5	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir701_1	miRBase:M	Mir701	chr5	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7010	miRBase:M	Mir7010	chr3	82106248	82106268	90	65	0.722222	83	62	0.746988	85	69	0.811765	26	22	0.846154	41	32	0.780488	68	46	0.676471	99	70	0.707071	58	31	0.534483	37	20	0.540541	43	26	0.604651	30	14	0.466667
Mir7010_1	miRBase:M	Mir7010	chr3	82106284	82106305	90	65	0.722222	83	62	0.746988	85	69	0.811765	26	22	0.846154	41	32	0.780488	68	46	0.676471	99	70	0.707071	58	31	0.534483	37	20	0.540541	43	26	0.604651	30	14	0.466667
Mir7011	miRBase:M	Mir7011	chr3	88440879	88440899	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	4	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7011_1	miRBase:M	Mir7011	chr3	88440924	88440946	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	4	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7012	miRBase:M	Mir7012	chr3	90270154	90270176	130	124	0.953846	80	76	0.95	127	123	0.968504	40	37	0.925	60	60	1	177	170	0.960452	152	147	0.967105	125	118	0.944	50	47	0.94	62	57	0.919355	10	10	1
Mir7012_1	miRBase:M	Mir7012	chr3	90270191	90270212	130	124	0.953846	80	76	0.95	127	123	0.968504	40	37	0.925	60	60	1	177	170	0.960452	152	147	0.967105	125	118	0.944	50	47	0.94	62	57	0.919355	10	10	1
Mir7013	miRBase:M	Mir7013	chr3	95004173	95004194	46	43	0.934783	74	64	0.864865	89	85	0.955056	#N/A	#N/A	#N/A	54	49	0.907407	53	47	0.886792	54	46	0.851852	116	101	0.87069	66	60	0.909091	42	42	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7013_1	miRBase:M	Mir7013	chr3	95004213	95004236	46	43	0.934783	74	64	0.864865	89	85	0.955056	#N/A	#N/A	#N/A	54	49	0.907407	53	47	0.886792	54	46	0.851852	116	101	0.87069	66	60	0.909091	42	42	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7014	miRBase:M	Mir7014	chr3	95734911	95734931	831	747	0.898917	608	549	0.902961	795	724	0.910692	157	134	0.853503	348	319	0.916667	921	824	0.89468	816	758	0.928922	792	688	0.868687	143	119	0.832168	214	181	0.845794	13	9	0.692308
Mir7014_1	miRBase:M	Mir7014	chr3	95734947	95734968	831	747	0.898917	608	549	0.902961	795	724	0.910692	157	134	0.853503	348	319	0.916667	921	824	0.89468	816	758	0.928922	792	688	0.868687	143	119	0.832168	214	181	0.845794	13	9	0.692308
Mir7015	miRBase:M	Mir7015	chr4	1.21E+08	1.21E+08	226	76	0.336283	204	47	0.230392	218	55	0.252294	54	13	0.240741	84	38	0.452381	203	73	0.359606	168	62	0.369048	151	55	0.364238	83	40	0.481928	61	30	0.491803	26	8	0.307692
Mir7015_1	miRBase:M	Mir7015	chr4	1.21E+08	1.21E+08	226	76	0.336283	204	47	0.230392	218	55	0.252294	54	13	0.240741	84	38	0.452381	203	73	0.359606	168	62	0.369048	151	55	0.364238	83	40	0.481928	61	30	0.491803	26	8	0.307692
Mir7016	miRBase:M	Mir7016	chr4	1.3E+08	1.3E+08	10	8	0.8	17	12	0.705882	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7016_1	miRBase:M	Mir7016	chr4	1.3E+08	1.3E+08	10	8	0.8	17	12	0.705882	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7017	miRBase:M	Mir7017	chr4	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7017_1	miRBase:M	Mir7017	chr4	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7018	miRBase:M	Mir7018	chr4	1.38E+08	1.38E+08	378	335	0.886243	287	253	0.881533	364	335	0.92033	62	54	0.870968	154	143	0.928571	355	313	0.88169	312	277	0.887821	343	304	0.886297	151	128	0.847682	190	170	0.894737	62	58	0.935484
Mir7018_1	miRBase:M	Mir7018	chr4	1.38E+08	1.38E+08	423	380	0.898345	334	294	0.88024	364	335	0.92033	62	54	0.870968	154	143	0.928571	397	352	0.88665	312	277	0.887821	343	304	0.886297	181	155	0.856354	190	170	0.894737	95	88	0.926316
Mir7019	miRBase:M	Mir7019	chr4	1.38E+08	1.38E+08	535	494	0.923364	488	463	0.94877	526	484	0.920152	120	112	0.933333	252	238	0.944444	571	537	0.940455	534	488	0.913858	594	544	0.915825	134	130	0.970149	256	238	0.929688	50	46	0.92
Mir7019_1	miRBase:M	Mir7019	chr4	1.38E+08	1.38E+08	535	494	0.923364	488	463	0.94877	526	484	0.920152	120	112	0.933333	252	238	0.944444	571	537	0.940455	534	488	0.913858	594	544	0.915825	134	130	0.970149	256	238	0.929688	50	46	0.92
Mir702	miRBase:M	Mir702	chr5	1.37E+08	1.37E+08	854	778	0.911007	769	716	0.931079	849	787	0.926973	42	40	0.952381	445	432	0.970787	978	892	0.912065	855	783	0.915789	821	761	0.926918	168	153	0.910714	405	371	0.916049	106	97	0.915094
Mir702_1	miRBase:M	Mir702	chr5	1.37E+08	1.37E+08	824	749	0.908981	749	696	0.929239	807	747	0.925651	42	40	0.952381	445	432	0.970787	948	864	0.911392	819	751	0.916972	788	732	0.928934	168	153	0.910714	405	371	0.916049	106	97	0.915094
Mir7020	miRBase:M	Mir7020	chr4	1.4E+08	1.4E+08	169	132	0.781065	136	105	0.772059	178	137	0.769663	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	144	111	0.770833	#N/A	#N/A	#N/A	121	115	0.950413	107	82	0.766355	108	88	0.814815	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7020_1	miRBase:M	Mir7020	chr4	1.4E+08	1.4E+08	183	147	0.803279	130	98	0.753846	182	141	0.774725	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	152	121	0.796053	19	19	1	125	119	0.952	118	93	0.788136	121	101	0.834711	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7021	miRBase:M	Mir7021	chr4	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7021_1	miRBase:M	Mir7021	chr4	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7022	miRBase:M	Mir7022	chr4	1.48E+08	1.48E+08	101	80	0.792079	50	40	0.8	77	66	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	41	36	0.878049	105	90	0.857143	62	49	0.790323	84	73	0.869048	23	19	0.826087	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7022_1	miRBase:M	Mir7022	chr4	1.48E+08	1.48E+08	101	80	0.792079	50	40	0.8	77	66	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	41	36	0.878049	105	90	0.857143	62	49	0.790323	84	73	0.869048	23	19	0.826087	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7023	miRBase:M	Mir7023	chr4	1.5E+08	1.5E+08	532	497	0.934211	414	377	0.910628	628	574	0.914013	125	119	0.952	251	228	0.908367	681	631	0.926579	618	545	0.881877	611	525	0.859247	229	176	0.768559	271	220	0.811808	36	33	0.916667
Mir7023_1	miRBase:M	Mir7023	chr4	1.5E+08	1.5E+08	532	497	0.934211	414	377	0.910628	628	574	0.914013	125	119	0.952	251	228	0.908367	681	631	0.926579	618	545	0.881877	611	525	0.859247	229	176	0.768559	271	220	0.811808	36	33	0.916667
Mir7024	miRBase:M	Mir7024	chr5	33898910	33898932	112	98	0.875	64	55	0.859375	42	37	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A	106	94	0.886792	128	110	0.859375	32	30	0.9375	119	95	0.798319	52	41	0.788462	97	85	0.876289	10	10	1
Mir7024_1	miRBase:M	Mir7024	chr5	33898946	33898966	112	98	0.875	64	55	0.859375	42	37	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A	106	94	0.886792	128	110	0.859375	32	30	0.9375	119	95	0.798319	52	41	0.788462	97	85	0.876289	10	10	1
Mir7025	miRBase:M	Mir7025	chr5	75176836	75176859	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7025_1	miRBase:M	Mir7025	chr5	75176878	75176899	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7026	miRBase:M	Mir7026	chr5	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7026_1	miRBase:M	Mir7026	chr5	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7027	miRBase:M	Mir7027	chr5	1.14E+08	1.14E+08	324	301	0.929012	355	342	0.96338	414	389	0.939614	40	38	0.95	324	312	0.962963	439	400	0.911162	353	336	0.951841	425	379	0.891765	112	101	0.901786	198	180	0.909091	86	81	0.94186
Mir7027_1	miRBase:M	Mir7027	chr5	1.14E+08	1.14E+08	324	301	0.929012	355	342	0.96338	414	389	0.939614	40	38	0.95	324	312	0.962963	439	400	0.911162	353	336	0.951841	425	379	0.891765	112	101	0.901786	198	180	0.909091	86	81	0.94186
Mir7028	miRBase:M	Mir7028	chr5	1.15E+08	1.15E+08	429	383	0.892774	378	318	0.84127	315	281	0.892063	38	36	0.947368	138	130	0.942029	358	328	0.916201	390	326	0.835897	468	376	0.803419	78	74	0.948718	124	110	0.887097	20	20	1
Mir7028_1	miRBase:M	Mir7028	chr5	1.15E+08	1.15E+08	333	289	0.867868	289	234	0.809689	276	243	0.880435	38	36	0.947368	138	130	0.942029	327	298	0.911315	302	241	0.798013	362	276	0.762431	78	74	0.948718	134	120	0.895522	20	20	1
Mir7029	miRBase:M	Mir7029	chr5	1.16E+08	1.16E+08	143	134	0.937063	234	226	0.965812	156	137	0.878205	#N/A	#N/A	#N/A	93	80	0.860215	276	240	0.869565	339	309	0.911504	289	277	0.958478	85	74	0.870588	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7029_1	miRBase:M	Mir7029	chr5	1.16E+08	1.16E+08	126	118	0.936508	221	214	0.968326	142	126	0.887324	#N/A	#N/A	#N/A	74	69	0.932432	249	224	0.899598	321	294	0.915888	274	263	0.959854	85	74	0.870588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir703	miRBase:M	Mir703	chr5	98475616	98475636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7030	miRBase:M	Mir7030	chr5	1.16E+08	1.16E+08	234	215	0.918803	259	228	0.880309	216	197	0.912037	42	36	0.857143	102	93	0.911765	297	257	0.86532	248	199	0.802419	369	324	0.878049	94	69	0.734043	189	175	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7030_1	miRBase:M	Mir7030	chr5	1.16E+08	1.16E+08	234	215	0.918803	259	228	0.880309	216	197	0.912037	42	36	0.857143	102	93	0.911765	297	257	0.86532	248	199	0.802419	369	324	0.878049	94	69	0.734043	189	175	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7031	miRBase:M	Mir7031	chr5	1.22E+08	1.22E+08	405	315	0.777778	279	207	0.741935	321	251	0.781931	73	55	0.753425	166	121	0.728916	443	263	0.593679	304	226	0.743421	347	272	0.783862	126	84	0.666667	102	63	0.617647	11	9	0.818182
Mir7031_1	miRBase:M	Mir7031	chr5	1.22E+08	1.22E+08	405	315	0.777778	279	207	0.741935	321	251	0.781931	73	55	0.753425	166	121	0.728916	443	263	0.593679	304	226	0.743421	347	272	0.783862	126	84	0.666667	102	63	0.617647	11	9	0.818182
Mir7032	miRBase:M	Mir7032	chr5	1.24E+08	1.24E+08	43	42	0.976744	54	53	0.981481	51	46	0.901961	#N/A	#N/A	#N/A	27	25	0.925926	35	33	0.942857	27	24	0.888889	45	39	0.866667	31	25	0.806452	37	31	0.837838	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7032_1	miRBase:M	Mir7032	chr5	1.24E+08	1.24E+08	43	42	0.976744	54	53	0.981481	51	46	0.901961	#N/A	#N/A	#N/A	27	25	0.925926	35	33	0.942857	27	24	0.888889	45	39	0.866667	31	25	0.806452	37	31	0.837838	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7033	miRBase:M	Mir7033	chr5	1.35E+08	1.35E+08	346	325	0.939306	244	230	0.942623	301	269	0.893688	33	31	0.939394	111	106	0.954955	345	322	0.933333	327	300	0.917431	375	352	0.938667	120	103	0.858333	156	136	0.871795	33	32	0.969697
Mir7033_1	miRBase:M	Mir7033	chr5	1.35E+08	1.35E+08	346	325	0.939306	244	230	0.942623	301	269	0.893688	33	31	0.939394	111	106	0.954955	345	322	0.933333	327	300	0.917431	375	352	0.938667	120	103	0.858333	156	136	0.871795	33	32	0.969697
Mir7034	miRBase:M	Mir7034	chr5	1.36E+08	1.36E+08	767	661	0.861799	731	615	0.841313	876	757	0.864155	247	220	0.890688	263	226	0.859316	821	742	0.903776	650	562	0.864615	767	687	0.895698	304	277	0.911184	341	311	0.912023	120	112	0.933333
Mir7034_1	miRBase:M	Mir7034	chr5	1.36E+08	1.36E+08	767	661	0.861799	731	615	0.841313	876	757	0.864155	247	220	0.890688	263	226	0.859316	821	742	0.903776	650	562	0.864615	767	687	0.895698	304	277	0.911184	341	311	0.912023	120	112	0.933333
Mir7035	miRBase:M	Mir7035	chr5	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7035_1	miRBase:M	Mir7035	chr5	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7036	miRBase:M	Mir7036	chr5	1.37E+08	1.37E+08	158	155	0.981013	200	191	0.955	163	155	0.95092	70	66	0.942857	59	50	0.847458	259	236	0.911197	222	206	0.927928	267	252	0.94382	99	81	0.818182	136	125	0.919118	102	93	0.911765
Mir7036_1	miRBase:M	Mir7036	chr5	1.37E+08	1.37E+08	158	155	0.981013	200	191	0.955	163	155	0.95092	70	66	0.942857	59	50	0.847458	259	236	0.911197	222	206	0.927928	267	252	0.94382	99	81	0.818182	136	125	0.919118	102	93	0.911765
Mir7036b	miRBase:M	Mir7036b	chr5	34574151	34574172	2887	14	0.004849	2814	19	0.006752	3073	25	0.008135	510	1	0.001961	1055	22	0.020853	3224	25	0.007754	2464	22	0.008929	3172	59	0.0186	640	3	0.004688	1132	7	0.006184	137	1	0.007299

Mir7218_1	miRBase:M	Mir7218	chr17	27358132	27358155	423	343	0.810875	218	180	0.825688	310	263	0.848387	48	43	0.895833	142	123	0.866197	388	329	0.847938	320	247	0.771875	313	219	0.699681	27	13	0.481481	121	87	0.719008	12	10	0.833333
Mir7219	miRBase:M	Mir7219	chr18	68260920	68260940	140	127	0.907143	83	79	0.951807	98	97	0.989796	36	33	0.916667	119	108	0.907563	197	186	0.944162	242	217	0.896694	122	107	0.877049	50	44	0.88	79	70	0.886076	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7219_1	miRBase:M	Mir7219	chr18	68260951	68260973	140	127	0.907143	83	79	0.951807	98	97	0.989796	36	33	0.916667	119	108	0.907563	197	186	0.944162	242	217	0.896694	122	107	0.877049	50	44	0.88	79	70	0.886076	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7220	miRBase:M	Mir7220	chr18	60953873	60953894	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7220_1	miRBase:M	Mir7220	chr18	60953910	60953932	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7221	miRBase:M	Mir7221	chr2	92592206	92592226	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7221_1	miRBase:M	Mir7221	chr2	92592257	92592277	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7222	miRBase:M	Mir7222	chr2	92594602	92594628	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7222_1	miRBase:M	Mir7222	chr2	92594654	92594676	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7223	miRBase:M	Mir7223	chr11	1.08E+08	1.08E+08	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	25	0.78125	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	50	48	0.96	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7223_1	miRBase:M	Mir7223	chr11	1.08E+08	1.08E+08	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	50	48	0.96	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7224	miRBase:M	Mir7224	chr2	67675457	67675477	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7224_1	miRBase:M	Mir7224	chr2	67675496	67675516	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7225	miRBase:M	Mir7225	chr3	97690509	97690530	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7225_1	miRBase:M	Mir7225	chr3	97690543	97690562	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7226	miRBase:M	Mir7226	chr4	1.18E+08	1.18E+08	407	374	0.918919	417	389	0.932854	407	366	0.899263	54	52	0.962963	160	149	0.93125	428	367	0.857477	395	361	0.913924	482	417	0.865145	70	61	0.871429	204	184	0.901961	102	79	0.77451
Mir7226_1	miRBase:M	Mir7226	chr4	1.18E+08	1.18E+08	407	374	0.918919	417	389	0.932854	407	366	0.899263	54	52	0.962963	160	149	0.93125	428	367	0.857477	395	361	0.913924	482	417	0.865145	70	61	0.871429	204	184	0.901961	102	79	0.77451
Mir7227	miRBase:M	Mir7227	chr4	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7227_1	miRBase:M	Mir7227	chr4	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7228	miRBase:M	Mir7228	chr5	1.35E+08	1.35E+08	260	245	0.942308	282	273	0.968085	284	263	0.926056	32	31	0.96875	95	92	0.968421	228	220	0.964912	262	209	0.79771	242	237	0.979339	22	22	1	84	81	0.964286	22	22	1
Mir7228_1	miRBase:M	Mir7228	chr5	1.35E+08	1.35E+08	260	245	0.942308	282	273	0.968085	284	263	0.926056	32	31	0.96875	95	92	0.968421	228	220	0.964912	262	209	0.79771	242	237	0.979339	22	22	1	84	81	0.964286	22	22	1
Mir7229	miRBase:M	Mir7229	chr5	1.13E+08	1.13E+08	649	604	0.930663	532	482	0.906015	682	614	0.900293	207	186	0.898551	249	226	0.907631	624	581	0.93109	480	405	0.84375	562	472	0.839858	163	126	0.773006	294	243	0.826531	44	30	0.681818
Mir7229_1	miRBase:M	Mir7229	chr5	1.13E+08	1.13E+08	689	641	0.930334	565	513	0.907965	718	646	0.899721	224	202	0.901786	260	236	0.907692	661	609	0.921331	503	427	0.848907	592	501	0.846284	183	145	0.79235	310	259	0.835484	58	44	0.758621
Mir7230	miRBase:M	Mir7230	chr5	1.13E+08	1.13E+08	468	292	0.623932	317	193	0.608833	340	221	0.65	47	23	0.489362	251	177	0.705179	365	259	0.709589	274	144	0.525547	312	174	0.557692	95	47	0.494737	190	145	0.763158	37	15	0.405405
Mir7230_1	miRBase:M	Mir7230	chr5	1.13E+08	1.13E+08	402	267	0.664179	267	175	0.655431	304	206	0.677632	23	15	0.652174	231	168	0.727273	317	223	0.70347	239	141	0.589958	254	163	0.641732	95	47	0.494737	190	145	0.763158	37	15	0.405405
Mir7231	miRBase:M	Mir7231	chr6	1.23E+08	1.23E+08	206	186	0.902913	199	161	0.809045	240	204	0.85	59	44	0.745763	108	97	0.898148	238	209	0.878151	212	169	0.79717	222	174	0.783784	100	67	0.67	69	61	0.884058	36	31	0.861111
Mir7231_1	miRBase:M	Mir7231	chr6	1.23E+08	1.23E+08	206	186	0.902913	199	161	0.809045	240	204	0.85	59	44	0.745763	108	97	0.898148	238	209	0.878151	212	169	0.79717	222	174	0.783784	100	67	0.67	69	61	0.884058	36	31	0.861111
Mir7232	miRBase:M	Mir7232	chr6	81895590	81895611	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7232_1	miRBase:M	Mir7232	chr6	81895640	81895663	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7233	miRBase:M	Mir7233	chr6	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7233_1	miRBase:M	Mir7233	chr6	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7234	miRBase:M	Mir7234	chr7	73819590	73819612	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7234_1	miRBase:M	Mir7234	chr7	73819619	73819641	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7235	miRBase:M	Mir7235	chr11	97146364	97146386	539	306	0.567718	503	284	0.564612	527	277	0.525617	140	67	0.478571	171	114	0.666667	809	480	0.593325	501	274	0.546906	419	229	0.546539	193	92	0.476684	157	69	0.43949	34	6	0.176471
Mir7235_1	miRBase:M	Mir7235	chr11	97146402	97146419	539	306	0.567718	503	284	0.564612	527	277	0.525617	140	67	0.478571	171	114	0.666667	809	480	0.593325	501	274	0.546906	419	229	0.546539	193	92	0.476684	157	69	0.43949	34	6	0.176471
Mir7236	miRBase:M	Mir7236	chr11	1.21E+08	1.21E+08	2319	490	0.211298	2419	500	0.206697	2327	523	0.224753	632	164	0.259494	928	239	0.257543	2224	404	0.181655	2122	403	0.189915	2174	409	0.188132	743	162	0.218035	867	181	0.208766	336	107	0.318452
Mir7236_1	miRBase:M	Mir7236	chr11	1.21E+08	1.21E+08	2338	505	0.215997	2432	508	0.208882	2345	535	0.228145	643	173	0.269051	943	251	0.266172	2224	404	0.181655	2134	413	0.193533	2174	409	0.188132	743	162	0.218035	877	191	0.217788	336	107	0.318452
Mir7237	miRBase:M	Mir7237	chr8	1.22E+08	1.22E+08	76	71	0.934211	33	32	0.969697	46	40	0.869565	20	19	0.95	23	22	0.956522	98	92	0.938776	72	65	0.902778	58	54	0.931034	12	12	1	25	24	0.96	11	8	0.727273
Mir7237_1	miRBase:M	Mir7237	chr8	1.22E+08	1.22E+08	76	71	0.934211	33	32	0.969697	46	40	0.869565	20	19	0.95	23	22	0.956522	98	92	0.938776	72	65	0.902778	58	54	0.931034	12	12	1	25	24	0.96	11	8	0.727273
Mir7238	miRBase:M	Mir7238	chr8	11635694	11635708	3632	35	0.009637	3508	26	0.007412	3909	56	0.014326	432	1	0.002315	1222	5	0.004092	4060	50	0.012315	2774	22	0.007931	3620	37	0.010221	1267	3	0.002368	1288	18	0.013975	396	1	0.002525
Mir7238_1	miRBase:M	Mir7238	chr8	11635719	11635736	3632	35	0.009637	3508	26	0.007412	3909	56	0.014326	432	1	0.002315	1222	5	0.004092	4060	50	0.012315	2774	22	0.007931	3620	37	0.010221	1267	3	0.002368	1288	18	0.013975	396	1	0.002525
Mir7239	miRBase:M	Mir7239	chr11	46170087	46170106	114	106	0.929825	127	118	0.929134	129	120	0.930233	#N/A	#N/A	#N/A	112	104	0.928571	128	112	0.875	78	61	0.782051	130	118	0.907692	49	32	0.653061	49	40	0.816327	36	29	0.805556
Mir7239_1	miRBase:M	Mir7239	chr11	46170124	46170143	114	106	0.929825	127	118	0.929134	129	120	0.930233	#N/A	#N/A	#N/A	112	104	0.928571	128	112	0.875	78	61	0.782051	130	118	0.907692	49	32	0.653061	49	40	0.816327	36	29	0.805556
Mir7240	miRBase:M	Mir7240	chr8	70798135	70798155	2357	235	0.099703	2825	154	0.054513	2851	138	0.048404	305	18	0.059016	962	99	0.102911	2818	356	0.126331	1985	165	0.083123	2959	193	0.065225	687	51	0.074236	1515	125	0.082508	279	12	0.043011
Mir7240_1	miRBase:M	Mir7240	chr8	70798172	70798192	2357	235	0.099703	2825	154	0.054513	2851	138	0.048404	305	18	0.059016	962	99	0.102911	2818	356	0.126331	1985	165	0.083123	2959	193	0.065225	687	51	0.074236	1515	125	0.082508	279	12	0.043011
Mir7241	miRBase:M	Mir7241	chr9	67727717	67727738	135	121	0.896296	108	84	0.777778	143	117	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	73	64	0.876712	110	80	0.727273	42	19	0.452381	70	35	0.5	122	89	0.729508	32	21	0.65625	30	23	0.766667
Mir7241_1	miRBase:M	Mir7241	chr9	67727758	67727780	135	121	0.896296	108	84	0.777778	143	117	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	73	64	0.876712	110	80	0.727273	42	19	0.452381	70	35	0.5	122	89	0.729508	32	21	0.65625	30	23	0.766667
Mir7242	miRBase:M	Mir7242	chr9	67729499	67729520	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7242_1	miRBase:M	Mir7242	chr9	67729556	67729577	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7243	miRBase:M	Mir7243	chr9	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7243_1	miRBase:M	Mir7243	chr9	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir741	miRBase:M	Mir741	chrX	66796809	66796831	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir741_1	miRBase:M	Mir741	chrX	66796847	66796869	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir742	miRBase:M	Mir742	chrX	66780376	66780397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir742_1	miRBase:M	Mir742	chrX	66780412	66780432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir743	miRBase:M	Mir743	chrX	66776760	66776781	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir743_1	miRBase:M	Mir743	chrX	66776794	66776815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir743b	miRBase:M	Mir743b	chrX	66777266	66777287	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir743b_1	miRBase:M	Mir743b	chrX	66777302	66777322	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir744	miRBase:M	Mir744	chr11	65734742	65734763	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir744_1	miRBase:M	Mir744	chr11	65734799	65734820	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7578	miRBase:M	Mir7578	chr2	27450549	27450572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir758	miRBase:M	Mir758	chr12	1.1E+08	1.1E+08	236	217	0.919492	266	249	0.93609	259	238	0.918919	96	90	0.9375	251	232	0.924303	278	260	0.935252	264	217	0.82197	238	217	0.911765	60	55	0.916667	239	187	0.782427	30	24	0.8
Mir758_1	miRBase:M	Mir758	chr12	1.1E+08	1.1E+08	236	217	0.919492	266	249	0.93609	259	238	0.918919	96	90	0.9375	251	232	0.924303	278	260	0.935252	264	217	0.82197	238	217	0.911765	60	55	0.916667	239	187	0.782427	30	24	0.8
Mir759	miRBase:M	Mir759	chr14	79738460	79738481	266	223	0.838346	239	209	0.874477	254	203	0.799213	90	84	0.933333	135	109	0.807407	267	224	0.838951	238	172	0.722689	157	103	0.656051	131	92	0.70229	43	25	0.581395	12	4	0.333333
Mir760	miRBase:M	Mir760	chr3	1.22E+08	1.22E+08	4720	20	0.004237	4833	34	0.007035	4636	24	0.005177	368	1	0.002717	1305	5	0.003831	4925	32	0.006497	4934	33	0.006688	5110	30	0.005871	1327	4	0.003014	1715	6	0.003499	244	1	0.004098
Mir760_1	miRBase:M	Mir760	chr3	1.22E+08	1.22E+08	4720	20	0.004237	4833	34	0.007035	4636	24	0.005177	368	1	0.002717	1305	5	0.003831	4925	32	0.006497	4934	33	0.006688	5110	30	0.005871	1327	4	0.003014	1715	6	0.003499	244	1	0.004098
Mir761	miRBase:M	Mir761	chr4	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir762	miRBase:M	Mir762	chr7	1.28E+08	1.28E+08	3344	176	0.052632	2851	177	0.062083	3167	184	0.058099	315	37	0.11746	646	62	0.095975	3287	196	0.059629	2488	135	0.05426	2815	191	0.067851	760	58	0.076316	1252	69	0.055112	96	0	0
Mir763	miRBase:M	Mir763	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir764	miRBase:M	Mir764	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir764_1	miRBase:M	Mir764	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7646	miRBase:M	Mir7646	chrX	1.36E+08	1.36E+08	22	20	0.909091	28	25	0.892857	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	32	26	0.8125	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7646_1	miRBase:M	Mir7646	chrX	1.36E+08	1.36E+08	22	20	0.909091	28	25	0.892857	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	32	26	0.8125	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7647	miRBase:M	Mir7647	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5265	36	0.006838	4744	35	0.007378	5148	45	0.008741	960	3	0.003125	1432	7	0.004888	5277	27	0.005117	4415	23	0.00521	4539	29	0.006389	1379	6	0.004351	1925	9	0.004675	776	3	0.003866
Mir7647_1	miRBase:M	Mir7647	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5343	42	0.007861	4824	38	0.007877	5204	47	0.009032	980	3	0.003061	1432	7	0.004888	5357	28	0.005227	4469	29	0.006489	4601	31	0.006738	1379	6	0.004351	1945	9	0.004627	776	3	0.003866
Mir7648	miRBase:M	Mir7648	chr15	90224360	90224379	654	2	0.003058	330	2	0.006061	354	1	0.002825	160	0	0	270	0	0	603	10	0.016584	513	2	0.003899	226	1	0.004425	272	2	0.007353	268	0	0	120	1	0.008333
Mir7648_1	miRBase:M	Mir7648	chr15	90224392	90224412	654	2	0.003058	330	2	0.006061	354	1	0.002825	160	0	0	270	0	0	603	10	0.016584	513	2	0.003899	226	1	0.004425	272	2	0.007353	268	0	0	120	1	0.008333
Mir7649	miRBase:M	Mir7649	chr6	1.29E+08	1.29E+08	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7649_1	miRBase:M	Mir7649	chr6	1.29E+08	1.29E+08	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7651	miRBase:M	Mir7651	chr11	6401630	6401651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7651_1	miRBase:M	Mir7651	chr11	6401670	6401693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7652	miRBase:M	Mir7652	chr11	55501226	55501247	182	174	0.956044	128	116	0.90625	153	148	0.96732	13	12	0.923077	31	29	0.935484	174	166	0.954023	257	242	0.941634	138	128	0.927536	68	60	0.882353	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7652_1	miRBase:M	Mir7652	chr11	55501261	55501281	182	174	0.956044	128	116	0.90625	153	148	0.96732	13	12	0.923077	31	29	0.935484	174	166	0.954023	257	242	0.941634	138	128	0.927536	68	60	0.882353	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7653	miRBase:M	Mir7653	chr11	78178827	78178848	1049	19	0.018112	1118	15	0.013417	1219	14	0.011485	204	0	0	484	3	0.006198	1408	19	0.013494	1172	11	0.009386	1457	18	0.012354	356	0	0	486	1	0.002058	138	1	0.007246
Mir7653_1	miRBase:M	Mir7653	chr11	78178866	78178887	1049	19	0.018112	1118	15	0.013417	1219	14	0.011485	204	0	0	484	3	0.006198	1408	19	0.013494	1172	11	0.009386	1457	18	0.012354	356	0	0	486	1	0.002058	138	1	0.007246
Mir7654	miRBase:M	Mir7654	chr8	8690093	8690114	4513	22	0.004875	4541	25	0.005505	4781	37	0.007739	1157	5	0.004322	1630	6	0.003681	4621	37	0.008007	3736	24	0.006424	4636	30	0.006471	1897	7	0.00369	1637	5	0.003054	98	0	0
Mir7654_1	miRBase:M	Mir7654	chr8	8690141	8690162	4513	22	0.004875	4541	25	0.005505	4781	37	0.007739	1157	5	0.004322	1630	6	0.003681	4621	37	0.008007	3736	24	0.006424	4636	30	0.006471	1897	7	0.00369	1637	5	0.003054	98	0	0
Mir7655	miRBase:M	Mir7655	chr2	18057846	18057867	3794	38	0.010016	3077	22	0.00715	3359	39	0.011611	304	1	0.003289	1252	2	0.001597	4493	35	0.00779	4174	42	0.010062	4546	32	0.007039	575	3	0.005217	1300	5	0.003846	159	0	0
Mir7655_1	miRBase:M	Mir7655	chr2	18057882	18057903	3794	38	0.010016	3077	22	0.00715	3359	39	0.011611	304	1	0.003289	1252	2	0.001597	4493	35	0.00779	4174	42	0.010062	4546	32	0.007039	575	3	0.005217	1300	5	0.003846	159	0	0
Mir7656	miRBase:M	Mir7656	chr9	94751829	94751850	266	215	0.808271	256	209	0.816406	245	192	0.783673	121	89	0.735537	119	104	0.87395	284	246	0.866197	231	163	0.705628	203	161	0.793103	88	54	0.613636	151	118	0.781457	108	70	0.648148
Mir7656_1	miRBase:M	Mir7656	chr9	94751869	94751890	266	215	0.808271	256	209	0.816406	245	192	0.783673	121	89	0.735537	119	104	0.87395	284	246	0.866197	231	163	0.705628	203	161	0.793103	88	54	0.613636	151	118	0.781457	108	70	0.648148
Mir7657	miRBase:M	Mir7657	chr3	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7657_1	miRBase:M	Mir7657	chr3	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7658	miRBase:M	Mir7658	chr4	1.56E+08	1.56E+08	113	106	0.938053	98	96	0.979592	148	144	0.972973	22	22	1	92	90	0.978261	221	210	0.950226	107	99	0.925234	120	115	0.958333	59	54	0.915254	50	49	0.98	20	18	0.9
Mir7658_1	miRBase:M	Mir7658	chr4	1.56E+08	1.56E+08	113	106	0.938053	98	96	0.979592	148	144	0.972973	22	22	1	92	90	0.978261	221	210	0.950226	107	99	0.925234	120	115	0.958333	59	54	0.915254	50	49	0.98	20	18	0.9
Mir7659	miRBase:M	Mir7659	chr10	78340150	78340172	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7659_1	miRBase:M	Mir7659	chr10	78340186	78340207	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7660	miRBase:M	Mir7660	chr6	1.16E+08	1.16E+08	850	75	0.088235	857	76	0.088681	851	76	0.089307	180	23	0.127778	246	42	0.170732	780	81	0.103846	655	146	0.222901	861	102	0.118467	370	50	0.135135	282	36	0.12766	91	22	0.241758
Mir7660_1	miRBase:M	Mir7660	chr6	1.16E+08	1.16E+08	850	75	0.088235	857	76	0.088681	851	76	0.089307	180	23	0.127778	246	42	0.170732	780	81	0.103846	655	146	0.222901	861	102	0.118467	370	50	0.135135	282	36	0.12766	91	22	0.241758
Mir7661	miRBase:M	Mir7661	chr6	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	10	0.909091
Mir7661_1	miRBase:M	Mir7661	chr6	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	10	0.909091
Mir7662	miRBase:M	Mir7662	chr10	62194167	62194190	192	154	0.802083	221	174	0.78733	196	168	0.857143	23	19	0.826087	73	62	0.849315	206	142	0.68932	186	133	0.715054	182	148	0.813187	102	46	0.45098	80	61	0.7625	25	16	0.64
Mir7662_1	miRBase:M	Mir7662	chr10	62194206	62194227	192	154	0.802083	221	174	0.78733	196	168	0.857143	23	19	0.826087	73	62	0.849315	206	142	0.68932	186	133	0.715054	182	148	0.813187	102	46	0.45098	80	61	0.7625	25	16	0.64
Mir7663	miRBase:M	Mir7663	chr10	22729372	22729393	3224	25	0.007754	3029	18	0.005943	3384	14	0.004137	752	1	0.00133	1317	10	0.007593	3534	49	0.013865	3060	23	0.007516	2975	27	0.009076	627	2	0.00319	1213	4	0.003298	344	1	0.002907
Mir7663_1	miRBase:M	Mir7663	chr10	22729410	22729432	3283	26	0.00792	3097	18	0.005812	3458	14	0.004049	752	1	0.00133	1349	10	0.007413	3626	49	0.013514	3139	23	0.007327	3017	27	0.008949	652	2	0.003067	1249	4	0.003203	344	1	0.002907
Mir7664	miRBase:M	Mir7664	chr2	25059811	25059831	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7664_1	miRBase:M	Mir7664	chr2	25059851	25059873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7665	miRBase:M	Mir7665	chr2	1.2E+08	1.2E+08	325	303	0.932308	391	360	0.920716	355	339	0.95493	14	13	0.928571	127	118	0.929134	377	359	0.952255	387	348	0.899225	476	435	0.913866	24	23	0.958333	98	90	0.918367	11	11	1
Mir7665_1	miRBase:M	Mir7665	chr2	1.2E+08	1.2E+08	325	303	0.932308	391	360	0.920716	355	339	0.95493	14	13	0.928571	127	118	0.929134	377	359	0.952255	387	348	0.899225	476	435	0.913866	24	23	0.958333	98	90	0.918367	11	11	1
Mir7666	miRBase:M	Mir7666	chr8	40307875	40307893	2236	12	0.005367	1925	11	0.005714	1934	14	0.007239	470	3	0.006383	905	6	0.00663	2714	25	0.009211	2058	19	0.009232	2134	32	0.014995	575	1	0.001739	667	2	0.002999	273	4	0.014652
Mir7666_1	miRBase:M	Mir7666	chr8	40307908	40307929	2236	12	0.005367	1925	11	0.005714	1934	14	0.007239	470	3	0.006383	905	6	0.00663	2714	25	0.009211	2058	19	0.009232	2134	32	0.014995	575	1	0.001739	667	2	0.002999	273	4	0.014652
Mir7667	miRBase:M	Mir7667	chr17	29595538	29595559	86	85	0.988372	92	91	0.98913	92	89	0.967391	22	22	1	30	29	0.966667	143	139	0.972028	80	77	0.9625	76	74	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	34	33	0.970588	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7667_1	miRBase:M	Mir7667	chr17	29595579	29595600	86	85	0.988372	92	91	0.98913	92	89	0.967391	22	22	1	30	29	0.966667	143	139	0.972028	80	77	0.9625	76	74	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	34	33	0.970588	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7668	miRBase:M	Mir7668	chr7	29906509	29906532	550	101	0.183636	532	96	0.180451	564	75	0.132979	156	3	0.019231	386	22	0.056995	635	99	0.155906	544	51	0.09375	481	89	0.185031	240	17	0.070833	189	10	0.05291	154	1	0.006494
Mir7668_1	miRBase:M	Mir7668	chr7	29906546	29906567	550	101	0.183636	532	96	0.180451	564	75	0.132979	156	3	0.019231	386	22	0.056995	635	99	0.155906	544	51	0.09375	481	89	0.185031	240	17	0.070833	189	10	0.05291	154	1	0.006494
Mir7669	miRBase:M	Mir7669	chr3	90011153	90011175	38	35	0.921053	32	29	0.90625	35	31	0.885714	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	13	13	1	10	9	0.9	36	29	0.805556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
Mir7669_1	miRBase:M	Mir7669	chr3	90011188	90011210	38	35	0.921053	32	29	0.90625	35	31	0.885714	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	13	13	1	10	9	0.9	36	29	0.805556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
Mir767	miRBase:M	Mir767	chrX	72590050	72590070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7670	miRBase:M	Mir7670	chr6	38507325	38507346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7670_1	miRBase:M	Mir7670	chr6	38507371	38507393	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7671	miRBase:M	Mir7671	chr11	53763597	53763618	385	2	0.005195	449	8	0.017817	423	1	0.002364	70	0	0	149	3	0.020134	551	3	0.005445	364	1	0.002747	360	5	0.013889	175	1	0.005714	199	1	0.005025	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7671_1	miRBase:M	Mir7671	chr11	53763632	53763654	385	2	0.005195	449	8	0.017817	423	1	0.002364	70	0	0	149	3	0.020134	551	3	0.005445	364	1	0.002747	360	5	0.013889	175	1	0.005714	199	1	0.005025	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7672	miRBase:M	Mir7672	chr14	26669547	26669567	2147	18	0.008384	2465	10	0.004057	2175	17	0.007816	70	0	0	952	10	0.010504	2284	13	0.005692	2319	13	0.005606	2426	18	0.00742	683	2	0.002928	878	2	0.002278	255	1	0.003922
Mir7672_1	miRBase:M	Mir7672	chr14	26669587	26669608	2147	18	0.008384	2465	10	0.004057	2175	17	0.007816	70	0	0	952	10	0.010504	2284	13	0.005692	2319	13	0.005606	2426	18	0.00742	683	2	0.002928	878	2	0.002278	255	1	0.003922
Mir7673	miRBase:M	Mir7673	chrX	94274574	94274595	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7673_1	miRBase:M	Mir7673	chrX	94274615	94274637	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7674	miRBase:M	Mir7674	chr2	32050946	32050969	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7674_1	miRBase:M	Mir7674	chr2	32050988	32051008	99	88	0.888889	108	95	0.87963	79	71	0.898734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	74	66	0.891892	106	90	0.849057	113	94	0.831858	39	32	0.820513	34	30	0.882353	24	20	0.833333
Mir7675	miRBase:M	Mir7675	chr12	11299887	11299908	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7675_1	miRBase:M	Mir7675	chr12	11299924	11299944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7676-1	miRBase:M	Mir7676-1	chr15	78284788	78284809	219	179	0.817352	116	101	0.87069	192	153	0.796875	36	30	0.833333	149	133	0.892617	266	205	0.770677	151	87	0.576159	159	109	0.685535	24	23	0.958333	73	34	0.465753	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7676-1_	miRBase:M	Mir7676-1	chr15	78284827	78284849	219	179	0.817352	116	101	0.87069	192	153	0.796875	36	30	0.833333	149	133	0.892617	266	205	0.770677	151	87	0.576159	159	109	0.685535	24	23	0.958333	73	34	0.465753	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7676-2	miRBase:M	Mir7676-2	chr15	78348599	78348621	123	90	0.731707	54	50	0.925926	59	31	0.525424	39	14	0.358974	60	54	0.9	136	108	0.794118	53	42	0.792453	36	30	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	45	43	0.955556	10	10	1
Mir7676-2_	miRBase:M	Mir7676-2	chr15	78348639	78348660	136	99	0.727941	65	61	0.938462	70	40	0.571429	39	14	0.358974	60	54	0.9	146	115	0.787671	53	42	0.792453	36	30	0.833333	13	4	0.307692	45	43	0.955556	10	10	1
Mir7677	miRBase:M	Mir7677	chr17	27091245	27091269	846	778	0.919622	572	525	0.917832	779	713	0.915276	80	71	0.8875	339	308	0.908555	816	773	0.947304	561	478	0.85205	737	684	0.928087	273	244	0.893773	317	287	0.905363	59	51	0.864407
Mir7677_1	miRBase:M	Mir7677	chr17	27091289	27091311	600	552	0.92	438	397	0.906393	588	543	0.923469	16	15	0.9375	279	254	0.910394	636	603	0.948113	423	370	0.874704	598	554	0.926421	216	194	0.898148	217	197	0.907834	12	12	1
Mir7678	miRBase:M	Mir7678	chr2	1.64E+08	1.64E+08	643	559	0.869362	523	435	0.83174	596	502	0.842282	27	23	0.851852	210	187	0.890476	717	613	0.854951	580	496	0.855172	491	427	0.869654	176	150	0.852273	192	169	0.880208	91	84	0.923077
Mir7678_1	miRBase:M	Mir7678	chr2	1.64E+08	1.64E+08	643	559	0.869362	523	435	0.83174	596	502	0.842282	27	23	0.851852	210	187	0.890476	717	613	0.854951	580	496	0.855172	491	427	0.869654	176	150	0.852273	192	169	0.880208	91	84	0.923077
Mir7679	miRBase:M	Mir7679	chr11	82985003	82985026	31	29	0.935484	40	40	1	27	25	0.925926	12	12	1	34	33	0.970588	39	34	0.871795	36	34	0.944444	41	37	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7679_1	miRBase:M	Mir7679	chr11	82985046	82985065	31	29	0.935484	40	40	1	27	25	0.925926	12	12	1	34	33	0.970588	39	34	0.871795	36	34	0.944444	41	37	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7680	miRBase:M	Mir7680	chr16	21256013	21256034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7680_1	miRBase:M	Mir7680	chr16	21256047	21256066	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7681	miRBase:M	Mir7681	chr1	53849424	53849443	42	39	0.928571	45	41	0.911111	39	33	0.846154	12	11	0.916667	34	28	0.823529	35	24	0.685714	39	24	0.615385	30	13	0.433333	28	13	0.464286	13	11	0.846154	13	12	0.923077
Mir7681_1	miRBase:M	Mir7681	chr1	53849474	53849495	42	39	0.928571	45	41	0.911111	39	33	0.846154	12	11	0.916667	34	28	0.823529	35	24	0.685714	39	24	0.615385	30	13	0.433333	28	13	0.464286	13	11	0.846154	13	12	0.923077
Mir7682	miRBase:M	Mir7682	chr1	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7682_1	miRBase:M	Mir7682	chr1	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7683	miRBase:M	Mir7683	chr1	1.72E+08	1.72E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7683_1	miRBase:M	Mir7683	chr1	1.72E+08	1.72E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7684	miRBase:M	Mir7684	chr15	82393919	82393940	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	4	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7684_1	miRBase:M	Mir7684	chr15	82393958	82393978	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	4	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7685	miRBase:M	Mir7685	chr2	1.58E+08	1.58E+08	325	291	0.895385	334	287	0.859281	379	321	0.846966	30	28	0.933333	150	117	0.78	370	294	0.794595	298	226	0.758389	299	228	0.762542	109	82	0.752294	118	87	0.737288	63	51	0.809524
Mir7685_1	miRBase:M	Mir7685	chr2	1.58E+08	1.58E+08	325	291	0.895385	334	287	0.859281	379	321	0.846966	30	28	0.933333	150	117	0.78	370	294	0.794595	298	226	0.758389	299	228	0.762542	109	82	0.752294	118	87	0.737288	63	51	0.809524
Mir7686	miRBase:M	Mir7686	chr7	1.4E+08	1.4E+08	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	28	26	0.928571	43	30	0.697674	45	33	0.733333	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7686_1	miRBase:M	Mir7686	chr7	1.4E+08	1.4E+08	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	28	26	0.928571	43	30	0.697674	45	33	0.733333	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7687	miRBase:M	Mir7687	chr8	1.21E+08	1.21E+08	6106	97	0.015886	6096	109	0.017881	6234	107	0.017164	949	15	0.015806	1977	8	0.004047	7078	119	0.016813	4839	80	0.016532	7352	117	0.015914	1938	22	0.011352	2459	50	0.020333	244	2	0.008197
Mir7687_1	miRBase:M	Mir7687	chr8	1.21E+08	1.21E+08	6016	100	0.016622	6050	109	0.018017	6189	110	0.017773	962	16	0.016632	1977	8	0.004047	7021	122	0.017376	4824	84	0.017413	7300	118	0.016164	1938	22	0.011352	2459	51	0.02074	244	2	0.008197
Mir7688	miRBase:M	Mir7688	chr10	93433107	93433129	132	107	0.810606	159	63	0.396226	171	76	0.444444	22	10	0.454545	112	96	0.857143	249	101	0.405622	281	150	0.533808	201	92	0.457711	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	40	40	1
Mir7688_1	miRBase:M	Mir7688	chr10	93433142	93433162	132	107	0.810606	159	63	0.396226	171	76	0.444444	22	10	0.454545	112	96	0.857143	249	101	0.405622	281	150	0.533808	201	92	0.457711	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	40	40	1
Mir7689	miRBase:M	Mir7689	chr5	36301570	36301588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

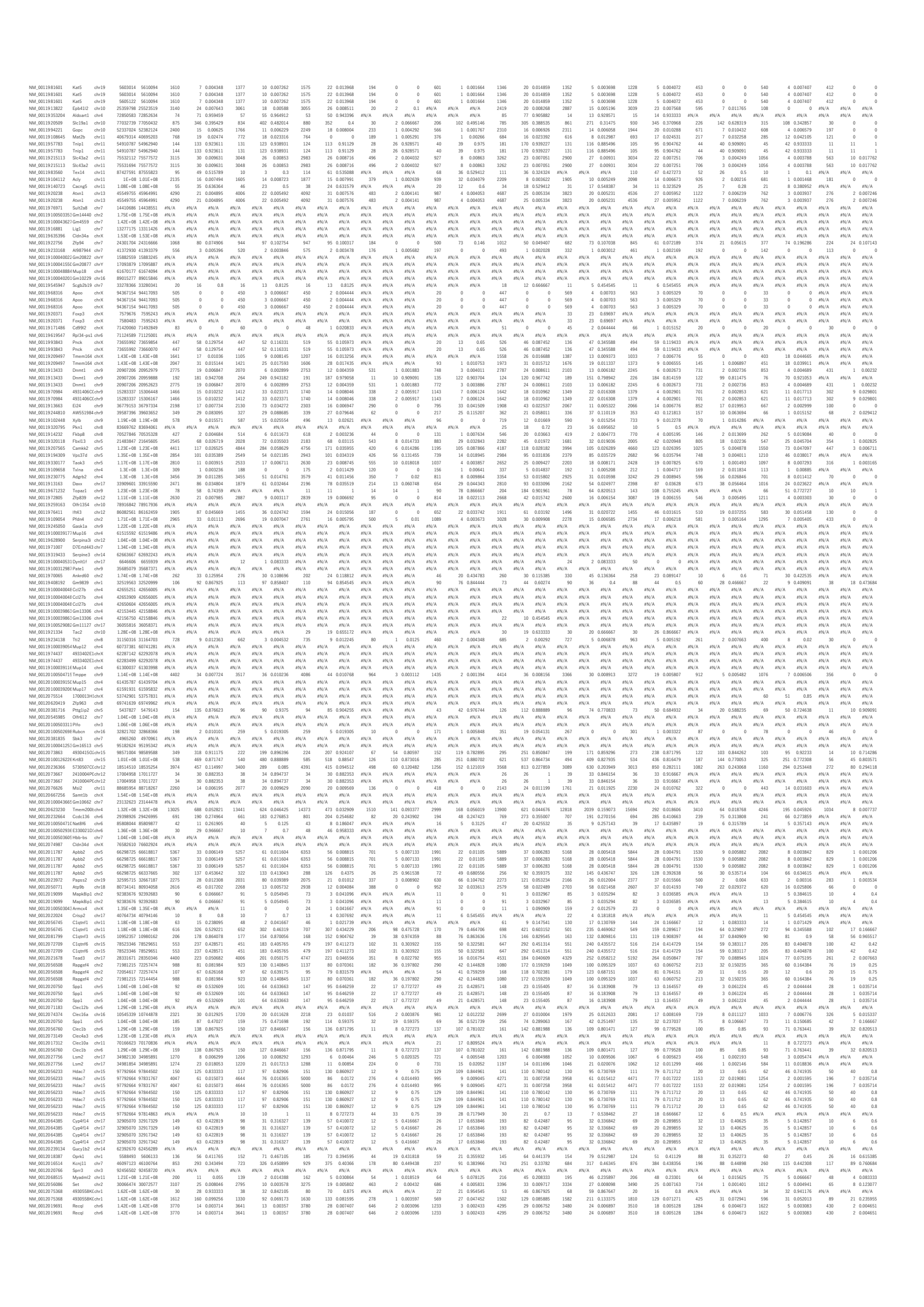
Mir7689_1	miRBase:M	Mir7689	chr5	36301606	36301628	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir770	miRBase:M	Mir770	chr12	1.1E+08	1.1E+08	27	26	0.962963	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	36	23	0.638889	52	42	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
Mir770_1	miRBase:M	Mir770	chr12	1.1E+08	1.1E+08	27	26	0.962963	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	36	23	0.638889	52	42	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7b	miRBase:M	Mir7b	chr17	56243017	56243040	721	6	0.008322	595	2	0.003361	598	1	0.001672	#N/A	#N/A	#N/A	409	4	0.00978	704	4	0.005682	543	4	0.007366	553	7	0.012658	299	2	0.006689	276	6	0.021739	210	2	0.009524
Mir7b_1	miRBase:M	Mir7b	chr17	56243055	56243076	759	42	0.055336	645	48	0.074419	622	25	0.040193	#N/A	#N/A	#N/A	433	27	0.062356	738	35	0.047425	575	29	0.050435	585	36	0.061538	319	14	0.043887	302	25	0.082781	210	2	0.009524
Mir7j	miRBase:M	Mir7j	chr3	1.4E+08	1.4E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	19	0.904762	22	19	0.863636	23	19	0.826087	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir7k	miRBase:M	Mir7k	chr5	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir802	miRBase:M	Mir802	chr16	93369737	93369758	128	64	0.5	156	50	0.320513	98	29	0.295918	20	4	0.2	98	48	0.489796	114	52	0.45614	94	42	0.446809	114	21	0.184211	58	17	0.293103	105	32	0.304762	40	11	0.275
Mir802_1	miRBase:M	Mir802	chr16	93369775	93369796	128	64	0.5	156	50	0.320513	98	29	0.295918	20	4	0.2	98	48	0.489796	114	52	0.45614	94	42	0.446809	114	21	0.184211	58	17	0.293103	105	32	0.304762	40	11	0.275
Mir804	miRBase:M	Mir804	chr11	50357799	50357820	714	38	0.053221	559	30	0.053667	594	33	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A	107	31	0.28972	732	46	0.062842	654	27	0.041284	546	38	0.069597	255	21	0.082353	113	11	0.097345	96	0	0
Mir8090	miRBase:M	Mir8090	chr19	47755062	47755081	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	32	26	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	23	0.534884	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8091	miRBase:M	Mir8091	chr19	41588691	41588712	231	225	0.974026	165	163	0.987879	180	173	0.961111	47	47	1	96	94	0.979167	245	239	0.97551	207	201	0.971014	165	159	0.963636	63	53	0.84127	81	80	0.987654	30	28	0.933333
Mir8092	miRBase:M	Mir8092	chr19	40894754	40894774	2754	32	0.011619	2608	31	0.011887	2724	20	0.007342	341	5	0.014663	848	5	0.005896	2822	23	0.00815	2061	28	0.013586	1935	35	0.018088	1127	23	0.020408	1091	12	0.010999	474	13	0.027426
Mir8093	miRBase:M	Mir8093	chr2	32687706	32687726	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8094	miRBase:M	Mir8094	chr17	35251314	35251334	144	123	0.854167	91	84	0.923077	132	112	0.848485	10	6	0.6	81	65	0.802469	174	122	0.701149	75	61	0.813333	109	100	0.917431	83	71	0.855422	66	61	0.924242	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8095	miRBase:M	Mir8095	chr16	22532128	22532149	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8096	miRBase:M	Mir8096	chr1	85751983	85752002	96	79	0.822917	101	84	0.831683	129	121	0.937984	11	10	0.909091	68	57	0.838235	119	92	0.773109	107	73	0.682243	137	102	0.744526	69	58	0.84058	39	26	0.666667	28	17	0.607143
Mir8097	miRBase:M	Mir8097	chr15	36240113	36240134	83	64	0.771084	72	63	0.875	84	64	0.761905	27	24	0.888889	43	30	0.697674	97	73	0.752577	68	51	0.75	56	42	0.75	32	28	0.875	30	18	0.6	23	21	0.913043
Mir8098	miRBase:M	Mir8098	chr14	62837797	62837817	1388	13	0.009366	1352	7	0.005178	1418	11	0.007757	392	2	0.005102	780	2	0.002564	2104	11	0.005228	1456	4	0.002747	1303	13	0.009977	856	1	0.001168	769	1	0.0013	229	2	0.008734
Mir8099-1	miRBase:M	Mir8099-1	chr3	95139131	95139151	657	278	0.423135	745	261	0.350336	569	248	0.435852	#N/A	#N/A	#N/A	217	119	0.548387	665	341	0.512782	448	173	0.386161	564	202	0.358156	127	62	0.488189	341	178	0.521994	154	95	0.616883
Mir8099-2	miRBase:M	Mir8099-2	chr12	93927373	93927393	23	19	0.826087	19	14	0.736842	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	16	16	1	10	7	0.7	14	9	0.642857	14	10	0.714286	11	6	0.545455	14	8	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8100	miRBase:M	Mir8100	chr11	46102300	46102322	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8101	miRBase:M	Mir8101	chr11	1.02E+08	1.02E+08	1779	9	0.005059	1776	13	0.00732	2291	5	0.002182	363	0	0	849	3	0.003534	1831	7	0.003823	2046	6	0.002933	2615	12	0.004589	569	3	0.005272	580	3	0.005172	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8102	miRBase:M	Mir8102	chr11	97744974	97744995	3798	29	0.007636	3684	39	0.010586	4175	47	0.011257	648	8	0.012346	1403	15	0.010691	4611	51	0.011061	3758	49	0.013039	4283	19	0.004436	1055	16	0.015166	1359	12	0.00883	370	3	0.008108
Mir8103	miRBase:M	Mir8103	chr11	97063829	97063849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8104	miRBase:M	Mir8104	chr10	1.23E+08	1.23E+08	6527	42	0.006435	6345	53	0.008353	7092	74	0.010434	1025	8	0.007805	2266	14	0.006178	6933	76	0.010962	5710	172	0.030123	6018	126	0.020937	1856	23	0.012392	2165	39	0.018014	538	15	0.027881
Mir8105	miRBase:M	Mir8105	chr10	1.28E+08	1.28E+08	4809	32	0.006654	4767	23	0.004825	4945	41	0.008291	715	2	0.002797	1364	11	0.008065	4632	30	0.006477	3894	20	0.005136	4930	38	0.007708	1145	3	0.00262	1626	8	0.00492	190	2	0.010526
Mir8106	miRBase:M	Mir8106	chr9	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8107	miRBase:M	Mir8107	chr9	1.11E+08	1.11E+08	227	192	0.845815	215	191	0.888372	182	150	0.824176	70	63	0.9	107	104	0.971963	319	260	0.815047	300	210	0.7	262	195	0.744275	55	47	0.854545	208	185	0.889423	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8108	miRBase:M	Mir8108	chr8	25159150	25159171	218	205	0.940367	187	165	0.882353	179	162	0.905028	69	61	0.884058	140	125	0.892857	225	204	0.906667	171	161	0.94152	137	115	0.839416	91	83	0.912088	95	78	0.821053	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8109	miRBase:M	Mir8109	chr8	85700935	85700955	6941	185	0.026653	6628	161	0.024291	7231	157	0.021712	829	15	0.018094	2119	59	0.027843	6550	136	0.020763	5932	128	0.021578	6311	131	0.020757	1725	31	0.017971	2222	55	0.024752	942	7	0.007431
Mir8110	miRBase:M	Mir8110	chr8	89024791	89024811	211	68	0.322275	310	113	0.364516	244	68	0.278689	14	7	0.5	142	46	0.323944	234	44	0.188034	134	19	0.141791	293	174	0.593857	30	3	0.1	218	90	0.412844	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8111	miRBase:M	Mir8111	chr8	84005704	84005724	557	72	0.129264	561	13	0.023173	541	45	0.083179	104	13	0.125	318	100	0.314465	666	63	0.094595	292	2	0.006849	650	44	0.067692	123	2	0.01626	309	14	0.045307	59	0	0
Mir8112	miRBase:M	Mir8112	chr6	71271745	71271764	1197	14	0.011696	957	4	0.00418	1336	23	0.017216	284	0	0	375	14	0.037333	1503	20	0.013307	1020	4	0.003922	1180	3	0.002542	307	2	0.006515	506	5	0.009881	54	0	0
Mir8113	miRBase:M	Mir8113	chr6	1.25E+08	1.25E+08	422	350	0.829384	350	317	0.905714	348	309	0.887931	73	62	0.849315	187	159	0.850267	439	292	0.665148	402	348	0.865672	367	307	0.836512	144	118	0.819444	107	94	0.878505	76	70	0.921053
Mir8114	miRBase:M	Mir8114	chr1	1.54E+08	1.54E+08	3484	119	0.034156	3409	122	0.035788	3484	100	0.028703	968	11	0.011364	1180	68	0.057627	3803	153	0.040231	3274	130	0.039707	3174	83	0.02615	1406	77	0.054765	1522	70	0.045992	582	1	0.001718
Mir8115	miRBase:M	Mir8115	chr5	1.23E+08	1.23E+08	666	631	0.947447	700	682	0.974286	621	591	0.951691	#N/A	#N/A	#N/A	194	184	0.948454	607	573	0.943987	570	529	0.92807	738	690	0.934959	88	81	0.920455	136	121	0.889706	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8116	miRBase:M	Mir8116	chr5	1.37E+08	1.37E+08	2121	59	0.027817	1830	50	0.027322	2013	29	0.014406	484	1	0.002066	608	24	0.039474	2347	63	0.026843	1579	31	0.019633	1990	80	0.040201	634	23	0.036278	867	17	0.019608	279	19	0.0681
Mir8117	miRBase:M	Mir8117	chr5	50252823	50252843	193	170	0.880829	166	155	0.933735	235	217	0.923404	32	28	0.875	75	68	0.906667	237	200	0.843882	206	166	0.805825	164	126	0.768293	70	55	0.785714	15	13	0.866667	20	11	0.55
Mir8118	miRBase:M	Mir8118	chr4	33438153	33438174	55	54	0.981818	36	36	1	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	71	70	0.985915	69	64	0.927536	65	61	0.938462	25	23	0.92	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8119	miRBase:M	Mir8119	chr4	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	16	1	0.0625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir8120	miRBase:M	Mir8120	chr3	65659328	65659349	3447	47	0.013635	3761	33	0.008774	3975	40	0.010063	643	8	0.012442	1437	8	0.005567	3774	49	0.012984	3391	20	0.005898	3041	18	0.005919	1153	5	0.004337	1439	6	0.00417	443	3	0.006772
Mir871	miRBase:M	Mir871	chrX	66810438	66810460	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir871_1	miRBase:M	Mir871	chrX	66810472	66810494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir872	miRBase:M	Mir872	chr4	94665167	94665187	39	34	0.871795	31	28	0.903226	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	17	11	0.647059	35	24	0.685714	22	17	0.772727	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir872_1	miRBase:M	Mir872	chr4	94665206	94665227	39	34	0.871795	31	28	0.903226	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	17	11	0.647059	35	24	0.685714	22	17	0.772727	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir873a	miRBase:M	Mir873a	chr4	36668520	36668540	94	81	0.861702	52	47	0.903846	79	73	0.924051	28	23	0.821429	46	40	0.869565	89	77	0.865169	78	47	0.602564	62	46	0.741935	45	31	0.688889	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7
Mir873a_1	miRBase:M	Mir873a	chr4	36668556	36668576	94	81	0.861702	52	47	0.903846	79	73	0.924051	28	23	0.821429	46	40	0.869565	89	77	0.865169	78	47	0.602564	62	46	0.741935	45	31	0.688889	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7
Mir873b	miRBase:M	Mir873b	chr4	36668565	36668586	94	81	0.861702	52	47	0.903846	79	73	0.924051	28	23	0.821429	46	40	0.869565	89	77	0.865169	78	47	0.602564	62	46	0.741935	45	31	0.688889	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7
Mir874	miRBase:M	Mir874	chr13	58023135	58023156	31	27	0.870968	25	23	0.92	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	18	15	0.833333	24	20	0.833333	33	32	0.969697	25	23	0.92	23	20	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A
Mir874_1	miRBase:M	Mir874	chr13	58023170	58023191	31	27	0.870968	25	23	0.92	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	18	15	0.833333	24	20	0.833333	33	32	0.969697	25	23	0.92	23	20	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A
Mir875	miRBase:M	Mir875	chr15	35660982	35661002	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir875_1	miRBase:M	Mir875	chr15	35661016	35661037	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir876	miRBase:M	Mir876	chr4	36645383	36645404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir876_1	miRBase:M	Mir876	chr4	36645422	36645443	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir877	miRBase:M	Mir877	chr17	35960731	35960752	240	231	0.9625	268	254	0.947761	298	283	0.949664	116	112	0.965517	106	101	0.95283	251	230	0.916335	221	211	0.954751	344	314	0.912791	46	44	0.956522	88	78	0.886364	13	13	1
Mir877_1	miRBase:M	Mir877	chr17	35960795	35960814	240	231	0.9625	268	254	0.947761	298	283	0.949664	116	112	0.965517	106	101	0.95283	251	230	0.916335	221	211	0.954751	344	314	0.912791	46	44	0.956522	88	78	0.886364	13	13	1
Mir878	miRBase:M	Mir878	chrX	66801518	66801539	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir878_1	miRBase:M	Mir878	chrX	66801554	66801575	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir879	miRBase:M	Mir879	chr5	9375714	9375734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir879_1	miRBase:M	Mir879	chr5	9375748	9375769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir880	miRBase:M	Mir880	chrX	66800540	66800561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir880_1	miRBase:M	Mir880	chrX	66800577	66800597	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir881	miRBase:M	Mir881	chrX	66801954	66801975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir881_1	miRBase:M	Mir881	chrX	66801986	66802007	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir882	miRBase:M	Mir882	chr12	1.1E+08	1.1E+08	23	20	0.869565	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
Mir883a	miRBase:M	Mir883a	chrX	66780768	66780789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir883a_1	miRBase:M	Mir883a	chrX	66780803	66780824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir883b	miRBase:M	Mir883b	chrX	66789900	66789921	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir883b_1	miRBase:M	Mir883b	chrX	66789936	66789957	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir9-1	miRBase:M	Mir9-1	chr3	88215613	88215635	1014	30	0.029586	937	22	0.023479	900	17	0.018889	110	1	0.009091	483	20	0.041408	937	32	0.034152	583	19	0.03259	892	37	0.04148	205	11	0.053659	399	6	0.015038	56	9	0.160714
Mir9-1_1	miRBase:M	Mir9-1	chr3	88215652	88215673	1014	30	0.029586	937	22	0.023479	900	17	0.018889	110	1	0.009091	483	20	0.041408	937	32	0.034152	583	19	0.03259	892	37	0.04148	205	11	0.053659	399	6	0.015038	56	9	0.160714
Mir9-2	miRBase:M	Mir9-2	chr13	83738821	83738843	389	22	0.056555	404	28	0.069307	363	16	0.044077	76	3	0.039474	199	11	0.055276	379	37	0.097625	437	24	0.05492	315	18	0.057143	96	2	0.020833	187	25	0.13369	54	1	0.018519
Mir9-2_1	miRBase:M	Mir9-2	chr13	83738858	83738879	389	22	0.056555	404	28	0.069307	363	16	0.044077	76	3	0.039474	199	11	0.055276	379	37	0.097625	437	24	0.05492	315	18	0.057143	96	2	0.020833	187	25	0.13369	54	1	0.018519
Mir9-3	miRBase:M	Mir9-3	chr7	79505279	79505301	3280	119	0.03628	3515	139	0.039545	3545	113	0.031876	562	13	0.023132	1074	37	0.034451	2814	171	0.060768	2768	109	0.039379	2923	125	0.042764	1001	45	0.044955	1499	120	0.080053	269	11	0.040892
Mir9-3_1	miRBase:M	Mir9-3	chr7	79505318	79505339	3280	119	0.03628	3515	139	0.039545	3545	113	0.031876	562	13	0.023132	1074	37	0.034451	2814	171	0.060768	2768	109	0.039379	2923	125	0.042764	1001	45	0.044955	1499	120	0.080053	269	11	0.040892
Mir92-1	miRBase:M	Mir92-1	chr14	1.15E+08	1.15E+08	92	0	0	69	0	0	72	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	54	0	0	87	0	0	72	0	0	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir92-1_1	miRBase:M	Mir92-1	chr14	1.15E+08	1.15E+08	31	0	0	23	0	0	24	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	18	0	0	29	0	0	24	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
Mir92-2	miRBase:M	Mir92-2	chrX	52741854	52741874	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir92-2_1	miRBase:M	Mir92-2	chrX	52741892	52741913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir92b	miRBase:M	Mir92b	chr3	89227126	89227147	818	128	0.156479	818	111	0.135697	680	131	0.192647	50	7	0.14	188	37	0.196809	835	86	0.102994	668	56	0.083832	689	69	0.100145	321	20	0.062305	220	59	0.268182	55	1	0.018182
Mir92b_1	miRBase:M	Mir92b	chr3	89227165	89227188	818	128	0.156479	830	118	0.142169	680	131	0.192647	50	7	0.14	188	37	0.196809	835	86	0.102994	681	65	0.095448	689	69	0.100145	321	20	0.062305	220	59	0.268182	55	1	0.018182
Mir93	miRBase:M	Mir93	chr5	1.38E+08	1.38E+08	268	194	0.723881	294	180	0.612245	290	182	0.627586	90	61	0.677778	100	78	0.78	348	272	0.781609	249	180	0.722892	304	223	0.733553	164	105	0.640244	121	99	0.818182	86	56	0.651163
Mir93_1	miRBase:M	Mir93	chr5	1.38E+08	1.38E+08	268	194	0.723881	294	180	0.612245	290	182	0.627586	90	61	0.677778	100	78	0.78	348	272	0.781609	249	180	0.722892	304	223	0.733553	164	105	0.640244	121	99	0.818182	86	56	0.651163
Mir96	miRBase:M	Mir96	chr6	30169465	30169486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir96_1	miRBase:M	Mir96	chr6	30169506	30169528	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir98	miRBase:M	Mir98	chrX	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir98_1	miRBase:M	Mir98	chrX	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mir99a	miRBase:M	Mir99a	chr16	77598940	77598961	30	29	0.966667	24	24	1	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	18	16	0.888889	37	30	0.810811	36	34	0.944444	27	25	0.925926	13	12	0.923077	22	20	0.909091	12	12	1
Mir99a_1	miRBase:M	Mir99a	chr16	77598977	77598997	30	29	0.966667	24	24	1	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	18	16	0.888889	37	30	0.810811	36	34	0.944444	27	25	0.925926	13	12	0.923077	22	20	0.909091	12	12	1
Mir99b	miRBase:M	Mir99b	chr17	17830194	17830215	1031	788	0.764306	879	656	0.746303	811	657	0.810111	236	181	0.766949	455	354	0.778022	1119	894	0.798928	966	755	0.781573	1011	745	0.736894	381	327	0.858268	320	284	0.8875	101	86	0.851485
Mir99b_1	miRBase:M	Mir99b	chr17	17830232	17830253	1031	788	0.764306	879	656	0.746303	811	657	0.810111	236	181	0.766949	455	354	0.778022	1119	894	0.798928	966	755	0.781573	1011	745	0.736894	381	327	0.858268	320	284	0.8875	101	86	0.851485
Mirlet7a-1	miRBase:M	Mirlet7a-1	chr13	48538188	48538209	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7a-1	miRBase:M	Mirlet7a-1	chr13	48538239	48538260	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7a-2	miRBase:M	Mirlet7a-2	chr9	41536732	41536753	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7a-2	miRBase:M	Mirlet7a-2	chr9	41536777	41536797	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7b	miRBase:M	Mirlet7b	chr15	85707325	85707346	145	24	0.165517	95	13	0.136842	156	13	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	50	19	0.38	224	95	0.424107	111	33	0.297297	173	36	0.208092	12	2	0.166667	37	13	0.351351	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7b_1	miRBase:M	Mirlet7b	chr15	85707379	85707400	145	24	0.165517	95	13	0.136842	156	13	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	50	19	0.38	224	95	0.424107	111	33	0.297297	173	36	0.208092	12	2	0.166667	37	13	0.351351	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7c-1	miRBase:M	Mirlet7c-1	chr16	77599672	77599693	30	29	0.966667	24	24	1	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	18	16	0.888889	37	30	0.810811	36	34	0.944444	27	25	0.925926	13	12	0.923077	22	20	0.909091	12	12	1
Mirlet7c-1	miRBase:M	Mirlet7c-1	chr16	77599717	77599738	30	29	0.966667	24	24	1	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	18	16	0.888889	37	30	0.810811	36	34	0.944444	27	25	0.925926	13	12	0.923077	22	20	0.909091	12	12	1
Mirlet7c-2	miRBase:M	Mirlet7c-2	chr15	85706616	85706637	211	80	0.379147	141	51	0.361702	176	31	0.176136	#N/A	#N/A	#N/A	110	61	0.554545	338	180	0.532544	153	72	0.470588	243	99	0.407407	36	24	0.666667	57	27	0.473684	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7c-2	miRBase:M	Mirlet7c-2	chr15	85706664	85706685	211	80	0.379147	141	51	0.361702	176	31	0.176136	#N/A	#N/A	#N/A	110	61	0.554545	338	180	0.532544	153	72	0.470588	243	99	0.407407	36	24	0.666667	57	27	0.473684	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7d	miRBase:M	Mirlet7d	chr13	48536024	48536045	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7d_1	miRBase:M	Mirlet7d	chr13	48536078	48536099	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7e	miRBase:M	Mirlet7e	chr17	17830366	17830387	1031	788	0.764306	879	656	0.746303	811	657	0.810111	236	181	0.766949	455	354	0.778022	1119	894	0.798928	966	755	0.781573	1011	745	0.736894	381	327	0.858268	320	284	0.8875	101	86	0.851485
Mirlet7e_1	miRBase:M	Mirlet7e	chr17	17830411	17830432	1031	788	0.764306	879	656	0.746303	811	657	0.810111	236	181	0.766949	455	354	0.778022	1119	894	0.798928	966	755	0.781573	1011	745	0.736894	381	327	0.858268	320	284	0.8875	101	86	0.851485
Mirlet7f-1	miRBase:M	Mirlet7f-1	chr13	48537833	48537854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7f-1_	miRBase:M	Mirlet7f-1	chr13	48537889	48537910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7f-2	miRBase:M	Mirlet7f-2	chrX	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7f-2_	miRBase:M	Mirlet7f-2	chrX	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7g	miRBase:M	Mirlet7g	chr9	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7g_1	miRBase:M	Mirlet7g	chr9	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
Mirlet7i	miRBase:M	Mirlet7i	chr10	1.23E+08	1.23E+08	8250	49	0.005939	8944	67	0.007491	9059	62	0.006844	911	3	0.003293	2157	6	0.002782	8918	61	0.00684	8281	59	0.007125	8895	36	0.004047	2313	4	0.001729	2461	8	0.003251	557	2	0.003591
Mirlet7i_1	miRBase:M	Mirlet7i	chr10	1.23E+08	1.23E+08	8250	49	0.005939	8944	67	0.007491	9059	62	0.006844	911	3	0.003293	2157	6	0.002782	8918	61	0.00684	8281	59	0.007125	8895	36	0.004047	2313	4	0.001729	2461	8	0.003251	557	2	0.003591
mt-Rnr1	mt-Rnr1	#N/A	chrM	70	1024	1136	7	0.006162	1037	13	0.012536	925	10	0.010811	1956	9	0.004601	1297	18	0.013878	412	3	0.007282	714	10	0.014006	479	6	0.012526	949	4	0.004215	516	8	0.015504	617	13	0.02107
mt-Rnr2	mt-Rnr2	#N/A	chrM	1094	2675	1913	15	0.007841	1783	21	0.011778	1505	17	0.011296	5131	33	0.006431	3067	20	0.006521	698	12	0.017192	1157	11	0.009507	825	10	0.012121	2178	10	0.004591	1256	13	0.01035	1745	15	0.008596
n-TAagc1(	102467231	n-TAagc1(	chr13	23285649	23285721	58	1	0.017241	74	1	0.013514	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	98	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	42	0	0	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAagc1	102467451	n-TAagc1	chr13	23299061	23299133	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	5	0.116279	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAagc1	102467232	n-TAagc1	chr13	23400795	23400867	83	73	0.879518	123	108	0.878049	69	60	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	115	74	0.643478	104	59	0.567308	124	107	0.862903	13	12	0.923077	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAagc1	102467452	n-TAagc1	chr13	23431412	23431484	252	14	0.055556	322	15	0.046584	172	16	0.093023	74	0	0	220	20	0.090909	421	14	0.033254	345	8	0.023188	367	11	0.029973	128	8	0.0625	151	4	0.02649	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAagc1	102467233	n-TAagc1	chr3	19628995	19629067	937	9	0.009605	1058	13	0.012287	1065	6	0.005634	131	0	0	577	5	0.008666	1125	9	0.008	1121	14	0.012489	1258	28	0.022258	350	1	0.002857	445	7	0.01573	53	0	0
n-TAagc1	102467453	n-TAagc1	chr5	30888515	30888587	2158	43	0.019926	2092	36	0.017208	2125	45	0.021176	243	0	0	862	30	0.034803	2407	46	0.019111	2285	68	0.029759	2736	60	0.02193	555	31	0.055856	927	32	0.03452	105	26	0.247619
n-TAagc1	102467419	n-TAagc1	chr13	21222586	21222657	421	37	0.087886	348	99	0.284483	250	36	0.144	#N/A	#N/A	#N/A	209	26	0.124402	475	67	0.141053	303	16	0.052805	350	39	0.111429	58	16	0.275862	104	21	0.201923	20	0	0
n-TAagc1	102467234	n-TAagc1	chr13	21234045	21234116	782	15	0.019182	741	12	0.016194	824	5	0.006068	109	0	0	573	9	0.015707	815	14	0.017178	728	6	0.008242	750	7	0.009333	181	1	0.005525	318	3	0.009434	116	0	0
n-TAagc1	102467454	n-TAagc1	chr13	21242570	21242641	120	10	0.083333	107	14	0.130841	162	14	0.08642	#N/A	#N/A	#N/A	137	17	0.124088	133	37	0.278195	100	23	0.23	139	34	0.244604	72	14	0.194444	85	25	0.294118	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAagc1	102467444	n-TAagc1	chr13	21259768	21259839	294	117	0.397959	216	107	0.49537	217	112	0.516129	51	24	0.470588	185	64	0.345946	180	103	0.572222	134	87	0.649254	244	103	0.422131	51	25	0.490196	72	43	0.597222	30	29	0.966667
n-TAagc7	102467635	n-TAagc7	chr13	23412941	23413013	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAagc8	102467230	n-TAagc8	chr4	1.33E+08	1.33E+08	367	35	0.095368	199	32	0.160804	146	15	0.10274	50	0	0	246	23	0.093496	230	15	0.065217	140	23	0.164286	256	29	0.113281	162	11	0.067901	207	19	0.091787	10	10	1
n-TAagc9	102467450	n-TAagc9	chr19	3576263	3576335	1590	18	0.011321	1316	15	0.011398	1240	2	0.001613	204	0	0	921	5	0.005429	1695	15	0.00885	1408	7	0.004972	1556	10	0.006427	512	1	0.001953	629	2	0.00318	183	3	0.016393
n-TAcgc1(	102467239	n-TAcgc1(	chr13	23438697	23438768	501	84	0.167665	505	55	0.108911	470	84	0.178723	137	25	0.182482	162	0	0	508	75	0.147638	463	90	0.194384	543	110	0.202578	187	13	0.069519	163	12	0.07362	136	0	0
n-TAcgc2	102467455	n-TAcgc2	chrX	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAcgc3	102467236	n-TAcgc3	chr4	1.32E+08	1.32E+08	80	74	0.925	101	96	0.950495	88	86	0.977273	#N/A	#N/A	#N/A	64	61	0.953125	90	79	0.877778	#N/A	#N/A	#N/A	70	62	0.885714	48	40	0.833333	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAcgc4	102467456	n-TAcgc4	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAcgc5	102467237	n-TAcgc5	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAcgc6	10246723	n-TAcgc6	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAcgc7	102467457	n-TAcgc7	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAcgc8	102467238	n-TAcgc8	chr2	57182078	57182149	657	2	0.003044	661	5	0.007564	662	5	0.007553	80	0	0	301	0	0	656	3	0.004573	657	1	0.001522	502	0	0	242	3	0.012397	319	1	0.003135	59	0	0
n-TAcgc9	102467458	n-TAcgc9	chr13	21254220	21254291	49	16	0.326531	53	19	0.358491	120	33	0.275	44	3	0.068182	64	17	0.265625	204	29	0.142157	81	24	0.296296	53	19	0.358491	26	11	0.423077	28	5	0.178571	40	2	0.05
n-TAtgc1	102467455	n-TAtgc1	chrX	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc10	102467463	n-TAtgc10	chr5	1.25E+08	1.25E+08	619	62	0.100162	680	31	0.045588	597	41	0.068677	58	1	0.017241	91	0	0	703	90	0.128023	684	49	0.071637	791	72	0.091024	102	6	0.058824	171	2	0.011696	31	0	0
n-TAtgc11	102467244	n-TAtgc11	chr13	21240945	21241016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc2	10246724	n-TAtgc2	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc3	102467460	n-TAtgc3	chrX	1.37E+08	1.37E+08	82	72	0.878049	60	51	0.85	63	54	0.857143	24	18	0.75	24	19	0.791667	42	36	0.857143	68	51	0.75	82	61	0.743902	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc4	102467241	n-TAtgc4	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	17	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc5	102467426	n-TAtgc5	chr5	1.52E+08	1.52E+08	661	322	0.487141	682	318	0.466276	750	364	0.485333	204	114	0.558824	299	157	0.525084	703	360	0.512091	693	229	0.330447	699	274	0.391989	270	84	0.311111	208	106	0.509615	167	53	0.317365
n-TAtgc6	102467461	n-TAtgc6	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc7	102467242	n-TAtgc7	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc8	102467462	n-TAtgc8	chrX	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TAtgc9	102467243	n-TAtgc9	chr11	48834429	48834500	40	21	0.525	41	27	0.658537	43	35	0.813953	10	4	0.4	23	15	0.652174	61	45	0.737705	31	17	0.548387	34	20	0.588235	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467487	n-TCgca1	chr6	48205068	48205139	39	36	0.923077	35	33	0.916667	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	33	31	0.939394	30	26	0.866667	48	39	0.8125	39	34	0.871795	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1(	102467491	n-TCgca1(	chr6	48139510	48139581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467271	n-TCgca1	chr6	48356851	48356922	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467424	n-TCgca1	chr6	48288876	48288947	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467492	n-TCgca1	chr6	48143356	48143427	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467272	n-TCgca1	chr6	48340613	48340684	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467412	n-TCgca1	chr6	48253080	48253151	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467493	n-TCgca1	chr6	48308729	48308800	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467273	n-TCgca1	chr6	48303465	48303536	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
n-TCgca1	102467494	n-TCgca1	chr11	97769829	97769900	352	266	0.755682	293	227	0.774744	432	352	0.814815	77	56	0.727273	176	131	0.744318	429	324	0.755245	323	237	0.733746	327	234	0.715596	111	87	0.783784	111	77	0.693694	91	52	0.571429
n-TCgca1	102467274	n-TCgca1	chr6	48363532	48363603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

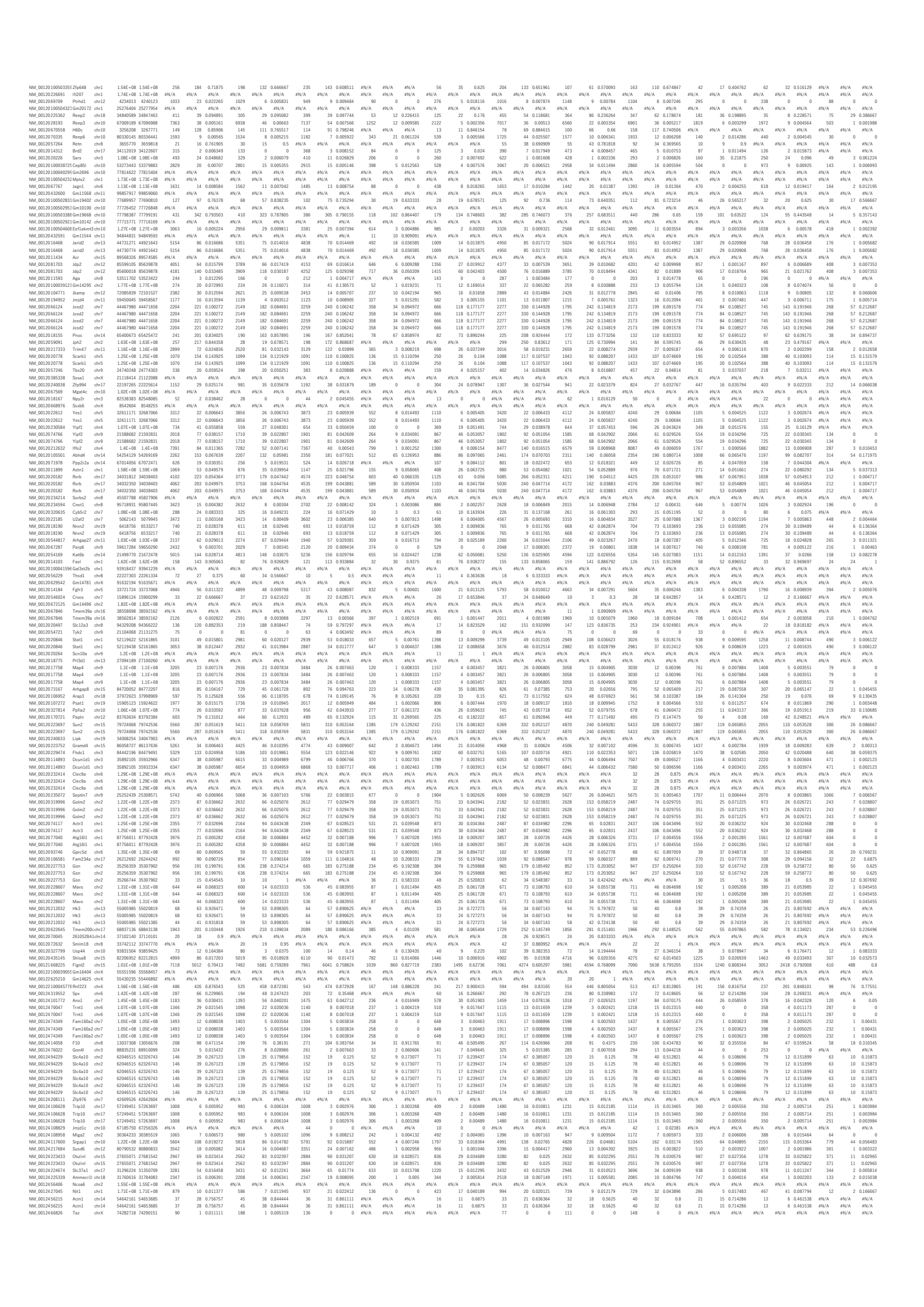


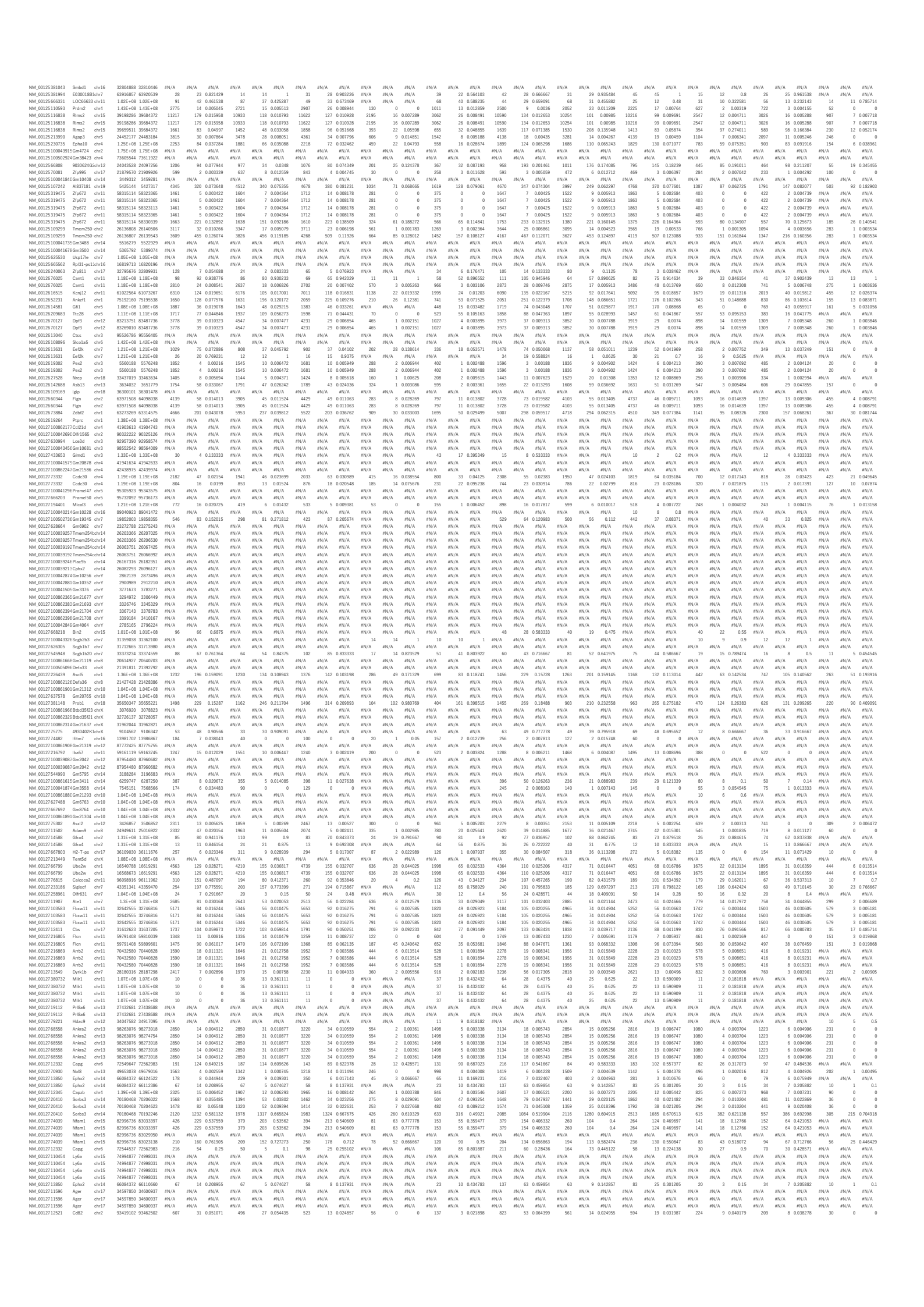


NM_0011674383	Ubap2l	chr3	90005994	90052515	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
NM_0011675786	Ckap5	chr2	91526762	91620665	3603	29	0.008049	3420	23	0.006725	3912	16	0.00409	818	2	0.002445	1057	5	0.00473	3479	26	0.007473	3165	16	0.005055	2761	13	0.004708	1265	3	0.002372	1163	1	0.00086	416	2	0.004808
NM_0011676688	Arfrp1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1877	10	0.005328	1531	3	0.00196	2078	13	0.006256	297	0	0	519	1	0.001927	1826	4	0.002191	1940	4	0.002062	1693	9	0.005316	291	1	0.003436	602	1	0.001661	241	1	0.004149
NM_0011676688	Arfrp1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1877	10	0.005328	1531	3	0.00196	2078	13	0.006256	297	0	0	519	1	0.001927	1826	4	0.002191	1940	4	0.002062	1693	9	0.005316	291	1	0.003436	602	1	0.001661	241	1	0.004149
NM_0011676688	Arfrp1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1877	10	0.005328	1531	3	0.00196	2078	13	0.006256	297	0	0	519	1	0.001927	1826	4	0.002191	1940	4	0.002062	1693	9	0.005316	291	1	0.003436	602	1	0.001661	241	1	0.004149
NM_0011618198	Musk	chr4	58285962	58356093	320	309	0.965625	364	351	0.964286	370	353	0.954054	81	79	0.975309	108	104	0.962963	263	247	0.939163	267	234	0.876404	247	221	0.894737	100	89	0.89	132	122	0.924242	39	35	0.897436
NM_0011676857	Spopl	chr2	23510054	23572104	1651	4	0.002423	1335	7	0.005243	1747	10	0.005724	302	1	0.003311	770	5	0.006494	1790	9	0.005028	1702	10	0.005875	1445	15	0.010381	425	2	0.004706	733	8	0.010914	237	2	0.008439
NM_0011676857	Spopl	chr2	23510054	23572104	1651	4	0.002423	1335	7	0.005243	1747	10	0.005724	302	1	0.003311	770	5	0.006494	1790	9	0.005028	1702	10	0.005875	1445	15	0.010381	425	2	0.004706	733	8	0.010914	237	2	0.008439
NM_00116242384	Lingo2	chr4	35706647	36951744	2444	114	0.046645	2572	82	0.031882	2595	82	0.031599	653	13	0.019908	1357	55	0.040531	2514	140	0.055688	2369	115	0.048544	2116	102	0.048204	563	25	0.044405	1125	100	0.088889	314	50	0.159236
NM_00116242384	Lingo2	chr4	35706647	36718963	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116242384	Lingo2	chr4	35706647	35845204	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	36	0.692308	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116320500	Tmem215	chr4	40473130	40475653	826	77	0.09322	767	44	0.057366	782	55	0.070332	#N/A	#N/A	#N/A	306	33	0.107843	770	103	0.133766	836	86	0.102871	801	132	0.164794	224	34	0.151786	210	20	0.095238	77	0	0
NM_0011677038	Arfgap2	chr2	91265115	91277371	2750	434	0.157818	2436	402	0.165025	2418	565	0.233664	485	156	0.321649	873	150	0.171821	3048	656	0.215223	2545	463	0.181925	2845	505	0.177504	725	235	0.324138	1276	228	0.178683	705	111	0.157447
NM_00116230623	Skint11	chr4	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116237890	Slfn14	chr11	83275112	83286726	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116544678	Cfap74	chr4	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	1	0.02381	20	0	0	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116118451	Mrps2	chr2	28468066	28471177	2968	70	0.023585	3240	63	0.019444	3341	55	0.016462	511	19	0.037182	971	37	0.038105	2787	65	0.023323	3338	84	0.025165	3111	83	0.02668	796	50	0.062814	1353	23	0.016999	318	20	0.062893
NM_00116269252	Gtf3c4	chr2	28822299	28840360	2848	14	0.004916	2410	16	0.006639	2726	12	0.004402	434	3	0.006912	947	7	0.007392	3424	27	0.007886	3058	30	0.00981	2803	17	0.006065	650	6	0.009231	1042	1	0.00096	223	1	0.004484
NM_00116100042786	Gm16381	chr12	87644118	87648983	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116100039139	Ccdc152	chr15	3280501	3303526	363	343	0.944904	217	208	0.958525	358	333	0.930168	#N/A	#N/A	#N/A	143	140	0.979021	349	324	0.928367	355	316	0.890141	435	397	0.912644	95	90	0.947368	209	202	0.966507	46	45	0.978261
NM_00116214804	Syde2	chr3	1.46E+08	1.46E+08	9629	90	0.009347	9401	94	0.009999	9897	106	0.01071	1717	20	0.011648	3238	36	0.011118	9995	132	0.013207	8860	74	0.008352	9739	81	0.008317	2742	6	0.002188	3902	17	0.004357	884	5	0.005656
NM_00116218476	Gcnt4	chr13	96924713	96950914	2708	32	0.011817	2509	17	0.006776	2653	29	0.010931	535	10	0.018692	955	10	0.010471	3146	26	0.008264	2509	29	0.011558	2662	19	0.007137	947	8	0.008448	878	7	0.007973	338	1	0.002959
NM_00116223825	Mroh2b	chr15	4898737	4962203	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	21	0.84	10	10	1	10	9	0.9	38	30	0.789474	33	17	0.515152	46	30	0.652174	21	15	0.714286	12	5	0.416667	10	4	0.4
NM_00116232156	Slc4a5	chr6	83237375	83304945	148	112	0.756757	122	89	0.729508	98	78	0.795918	64	49	0.765625	67	42	0.626866	188	126	0.670213	100	70	0.7	112	82	0.732143	70	46	0.657143	76	47	0.618421	28	13	0.464286
NM_0011674125	Armc8	chr9	99518245	99568899	1544	6	0.003886	1480	7	0.00473	1729	7	0.004049	270	2	0.007407	537	0	0	1475	8	0.005424	1580	5	0.003165	1704	6	0.003521	489	0	0	478	0	0	257	2	0.007782
NM_0011664818	Krt81	chr15	1.01E+08	1.01E+08	256	211	0.824219	237	186	0.78481	323	259	0.801858	10	8	0.8	97	71	0.731959	304	250	0.822368	236	165	0.699153	280	216	0.771429	22	18	0.818182	135	96	0.711111	50	37	0.74
NM_0011672315	Ccdc74a	chr16	17646470	17650738	3538	360	0.101752	3252	282	0.086716	3762	274	0.072834	567	97	0.171076	776	117	0.150773	3816	357	0.093553	3379	362	0.107132	3474	262	0.075417	486	93	0.191358	1392	133	0.095546	242	30	0.123967
NM_0011678382	Lce6a	chr3	92620085	92621660	76	50	0.657895	64	29	0.453125	64	28	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	84	63	0.75	60	39	0.65	62	15	0.241935	66	23	0.348485	36	8	0.222222	52	9	0.173077	24	9	0.375
NM_0011673712	Dmkn	chr7	30763756	30781066	240	203	0.845833	172	149	0.866279	243	210	0.864198	24	19	0.791667	22	20	0.909091	243	200	0.823045	206	172	0.834951	187	149	0.796791	38	35	0.921053	82	56	0.682927	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011673712	Dmkn	chr7	30763756	30781066	240	203	0.845833	172	149	0.866279	243	210	0.864198	24	19	0.791667	22	20	0.909091	243	200	0.823045	206	172	0.834951	187	149	0.796791	38	35	0.921053	82	56	0.682927	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011674008	Arsg	chr11	1.1E+08	1.1E+08	283	176	0.621908	248	147	0.592742	248	152	0.612903	#N/A	#N/A	#N/A	115	88	0.765217	287	207	0.721254	249	150	0.60241	255	186	0.729412	107	78	0.728972	72	53	0.736111	52	23	0.442308
NM_0011671995	Erv3	chr2	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116320752	Dpy19l2	chr9	24557048	24696293	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116667772	Myh15	chr16	49057400	49199561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116100037278	Niban3	chr8	71597708	71608146	479	124	0.258873	196	105	0.535714	245	56	0.228571	72	44	0.611111	211	97	0.459716	569	136	0.239016	337	35	0.103858	550	157	0.285455	30	2	0.066667	294	98	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011678251	Zfp712	chr13	67038594	67061170	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	36	0	0	39	0	0	45	2	0.044444	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011623945	Mgll	chr6	88724412	88828360	2758	31	0.01124	2455	34	0.013849	2900	31	0.01069	409	3	0.007335	702	7	0.009972	3222	25	0.007759	2989	22	0.00736	2626	16	0.006093	742	5	0.006739	1319	12	0.009098	71	0	0
NM_0011623945	Mgll	chr6	88724704	88766708	2758	31	0.01124	2455	34	0.013849	2900	31	0.01069	409	3	0.007335	702	7	0.009972	3222	25	0.007759	2989	22	0.00736	2626	16	0.006093	742	5	0.006739	1319	12	0.009098	71	0	0
NM_0011623945	Mgll	chr6	88724704	88828360	2758	31	0.01124	2455	34	0.013849	2900	31	0.01069	409	3	0.007335	702	7	0.009972	3222	25	0.007759	2989	22	0.00736	2626	16	0.006093	742	5	0.006739	1319	12	0.009098	71	0	0
NM_0011629873	Cspg5	chr9	1.1E+08	1.1E+08	54	16	0.296296	44	8	0.181818	44	12	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	41	8	0.195122	40	8	0.2	46	8	0.173913	#N/A	#N/A	#N/A	30	12	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116382077	Ccdc33	chr9	58028682	58118823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116380780	Serpina11	chr12	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011677877	6030458C	chr15	12819904	12824657	4556	38	0.008341	5003	35	0.006996	5495	40	0.007279	799	2	0.002503	1934	7	0.003619	4455	24	0.005387	4041	32	0.007919	4719	35	0.007417	1145	2	0.001747	2033	10	0.004919	368	1	0.002717
NM_0011614179	Fgf8	chr19	45736798	45742884	2672	289	0.108159	2254	271	0.120231	2484	277	0.111514	396	64	0.161616	586	79	0.134812	2682	316	0.117823	2691	214	0.079524	2366	332	0.140321	285	48	0.168421	828	139	0.167874	194	61	0.314433
NM_0011614179	Fgf8	chr19	45736798	45742884	2672	289	0.108159	2254	271	0.120231	2484	277	0.111514	396	64	0.161616	586	79	0.134812	2682	316	0.117823	2691	214	0.079524	2366	332	0.140321	285	48	0.168421	828	139	0.167874	194	61	0.314433
NM_0011614179	Fgf8	chr19	45736798	45742884	2672	289	0.108159	2254	271	0.120231	2484	277	0.111514	396	64	0.161616	586	79	0.134812	2682	316	0.117823	2691	214	0.079524	2366	332	0.140321	285	48	0.168421	828	139	0.167874	194	61	0.314433
NM_0011678323	Fam219b	chr9	57537528	57543187	2401	153	0.063723	2147	118	0.05496	2219	100	0.045065	500	14	0.028	651	25	0.038402	2376	163	0.068603	1995	107	0.053634	2146	144	0.067102	816	39	0.047794	551	33	0.059891	176	4	0.022727
NM_0011678755	Fam122b	chrX	53243415	53269805	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011614227	Fkbp2	chr19	6977737	6980464	2350	20	0.008511	1791	14	0.007817	2104	14	0.006654	252	0	0	460	2	0.004348	2848	20	0.007022	2241	14	0.006247	2384	19	0.00797	558	1	0.001792	930	3	0.003226	281	0	0
NM_0011667674	Trmt112	chr19	6909698	6911028	3402	46	0.013521	2340	32	0.013675	2958	23	0.007776	477	1	0.002096	1109	18	0.016231	3612	25	0.006921	2442	23	0.009419	2550	33	0.012941	654	4	0.006116	1212	9	0.007426	447	3	0.006711
NM_0011618139	Zfp638	chr6	83914353	83986871	1843	3	0.001628	1887	7	0.00371	2158	14	0.006487	383	0	0	730	0	0	1764	6	0.003401	1668	12	0.007194	1622	14	0.008631	603	1	0.001658	804	2	0.002488	152	0	0
NM_0011672925	Marchf1	chr8	65618040	66471637	231	10	0.04329	195	7	0.035897	230	11	0.047826	28	4	0.142857	113	12	0.106195	236	18	0.076271	158	2	0.012658	165	34	0.206061	75	6	0.08	103	11	0.106796	30	1	0.033333
NM_0011672925	Marchf1	chr8	66386301	66471637	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011673656	Ms4a6c	chr19	11469368	11472736	94	85	0.904255	#N/A	#N/A	#N/A	65	62	0.953846	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	90	77	0.855556	73	63	0.863014	78	72	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011678248	Armcx1	chrX	1.35E+08	1.35E+08	72	0	0	72	0	0	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	76	0	0	54	0	0	58	3	0.051724	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011678248	Armcx1	chrX	1.35E+08	1.35E+08	72	0	0	72	0	0	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	76	0	0	54	0	0	58	3	0.051724	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011678248	Armcx1	chrX	1.35E+08	1.35E+08	72	0	0	72	0	0	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	76	0	0	54	0	0	58	3	0.051724	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011678248	Armcx1	chrX	1.35E+08	1.35E+08	72	0	0	72	0	0	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	76	0	0	54	0	0	58	3	0.051724	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011619365	Rad52	chr6	1.2E+08	1.2E+08	1853	9	0.004857	1797	16	0.008904	2199	11	0.005002	186	4	0.021505	679	6	0.008837	1709	17	0.009947	1743	12	0.006885	1714	7	0.004084	387	0	0	661	4	0.006051	51	0	0
NM_0011619365	Rad52	chr6	1.2E+08	1.2E+08	1853	9	0.004857	1797	16	0.008904	2199	11	0.005002	186	4	0.021505	679	6	0.008837	1709	17	0.009947	1743	12	0.006885	1714	7	0.004084	387	0	0	661	4	0.006051	51	0	0
NM_0011619365	Rad52	chr6	1.2E+08	1.2E+08	1853	9	0.004857	1797	16	0.008904	2199	11	0.005002	186	4	0.021505	679	6	0.008837	1709	17	0.009947	1743	12	0.006885	1714	7	0.004084	387	0	0	661	4	0.006051	51	0	0
NM_0011619657	Rbmy	chrY	2830680	2841858	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011620688	Sp4	chr12	1.18E+08	1.18E+08	4541	29	0.006386	3882	50	0.01288	4646	38	0.008179	598	5	0.008361	1674	7	0.004182	5424	59	0.010878	5196	27	0.005196	5036	27	0.005361	1054	2	0.001898	1665	9	0.005405	446	6	0.013453
NM_0011619245	Ptp4a3	chr15	73724930	73758766	3532	278	0.078709	2403	209	0.086975	3381	228	0.067436	257	4	0.015564	1416	129	0.091102	3668	217	0.05916	3005	260	0.086522	2658	212	0.079759	803	52	0.064757	1570	143	0.091083	174	28	0.16092
NM_0011619245	Ptp4a3	chr15	73723145	73758766	157	139	0.88535	140	132	0.942857	164	143	0.871951	#N/A	#N/A	#N/A	120	110	0.916667	116	99	0.853448	146	125	0.856164	190	135	0.710526	36	26	0.722222	139	104	0.748201	36	22	0.611111
NM_0011619245	Ptp4a3	chr15	73723145	73758766	157	139	0.88535	140	132	0.942857	164	143	0.871951	#N/A	#N/A	#N/A	120	110	0.916667	116	99	0.853448	146	125	0.856164	190	135	0.710526	36	26	0.722222	139	104	0.748201	36	22	0.611111
NM_0011674145	F13a1	chr13	36867178	37050244	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011674356	4931428F	chr8	1.05E+08	1.05E+08	1191	166	0.139379	884	116	0.131222	988	108	0.109312	222	49	0.220721	426	35	0.08216	1478	222	0.150203	767	119	0.15515	961	83	0.086368	203	40	0.197044	207	22	0.10628	70	7	0.1
NM_0011667416	Armcx2	chrX	1.35E+08	1.35E+08	221	18	0.081448	154	2	0.012987	186	5	0.026882	64	0	0	64	2	0.03125	138	0	0	116	0	0	115	2	0.017391	56	4	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0
NM_0011667416	Armcx2	chrX	1.35E+08	1.35E+08	221	18	0.081448	154	2	0.012987	186	5	0.026882	64	0	0	64	2	0.03125	138	0	0	116	0	0	115	2	0.017391	56	4	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0
NM_0011619339	Rab3a	chr8	70754703	70758608	1480	282	0.190541	1168	231	0.197774	1186	268	0.22597	130	59	0.453846	543	80	0.14733	1958	297	0.151685	998	224	0.224449	1623	345	0.212569	317	114	0.359621	704	135	0.191761	100	55	0.55
NM_0011621929	Tnfaip3	chr10	19000910	19011963	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011619348	Kif20a	chr18	34625033	34633277	1168	12	0.010274	917	10	0.010905	1089	7	0.006428	243	2	0.00823	450	2	0.004444	1340	16	0.01194	1052	20	0.019011	1077	8	0.007428	375	2	0.005333	441	13	0.029478	146	0	0
NM_0011619348	Kif20a	chr18	34624624	34633277	1203	44	0.036575	963	56	0.058152	1134	50	0.044092	243	2	0.00823	492	40	0.081301	1377	50	0.036311	1088	55	0.050551	1119	46	0.041108	405	29	0.071605	480	51	0.10625	146	0	0
NM_0011675646	Rai14	chr15	10568978	10714631	2309	20	0.008662	2086	14	0.006711	2253	26	0.01154	248	2	0.008065	628	3	0.004777	2510	35	0.013944	2685	16	0.005959	2695	19	0.00705	630	3	0.004762	606	3	0.00495	110	1	0.009091
NM_0011619652	Rbm3	chrX	8142356	8145880	354	5	0.014124	330	2	0.006061	418	5	0.011962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	435	3	0.006897	326	0	0	542	4	0.00738	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011619652	Rbm3	chrX	8142356	8145880	354	5	0.014124	330	2	0.006061	418	5	0.011962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	435	3	0.006897	326	0	0	542	4	0.00738	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011619652	Rbm3	chrX	8142356	8145880	354	5	0.014124	330	2	0.006061	418	5	0.011962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	435	3	0.006897	326	0	0	542	4	0.00738	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011652666	Arhgef25	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1747	237	0.135661	1614	236	0.146221	1884	233	0.123673	123	11	0.089431	333	36	0.108108	1850	276	0.149189	1777	256	0.144063	1757	341	0.194081	366	20	0.054645	501	78	0.155689	21	1	0.047619
NM_0011619726	Rfx3	chr19	27761721	28011166	4180	32	0.007656	4386	36	0.008208	5226	45	0.008611	301	2	0.006645	1300	3	0.002308	4091	18	0.0044	4409	25	0.00567	5179	27	0.005213	1282	3	0.00234	1323	5	0.003779	460	2	0.004348
NM_0011670208	Med23	chr10	24869986	24913529	1786	19	0.010638	1514	9	0.005945	1659	11	0.006631	340	0	0	814	2	0.002457	1942	8	0.004119	1655	15	0.009063	1424	5	0.003511	506	3	0.005929	599	4	0.006678	278	2	0.007194
NM_0011698758	Hnrnpf	chr6	1.18E+08	1.18E+08	1788	7	0.003915	1791	12	0.0067	1662	11	0.006619	343	1	0.002915	898	8	0.008909	2076	8	0.003854	1651	15	0.009085	2149	9	0.004188	718	3	0.004178	769	3	0.003901	212	0	0
NM_0011698758	Hnrnpf	chr6	1.18E+08	1.18E+08	7922	48	0.006059	7851	51	0.006496	7989	52	0.006509	1286	8	0.006221	1679	8	0.004765	7907	53	0.006703	7211	61	0.008459	8977	51	0.005681	1827	5	0.002737	2514	11	0.004375	756	3	0.003968
NM_0011698758	Hnrnpf	chr6	1.18E+08	1.18E+08	7922	48	0.006059	7851	51	0.006496	7989	52	0.006509	1286	8	0.006221	1679	8	0.004765	7907	53	0.006703	7211	61	0.008459	8977	51	0.005681	1827	5	0.002737	2514	11	0.004375	756	3	0.003968
NM_0011698758	Hnrnpf	chr6	1.18E+08	1.18E+08	6461	44	0.00681	6569	46	0.007003	6687	47	0.007029	1102	8	0.00726	1483	7	0.00472	6608	46	0.006961	6122	53	0.008657	7572	50	0.006603	1638	4	0.002442	2053	8	0.003897	524	3	0.005725
NM_0011698758	Hnrnpf	chr6	1.18E+08	1.18E+08	6461	44	0.00681	6569	46	0.007003	6687	47	0.007029	1102	8	0.00726	1483	7	0.00472	6608	46	0.006961	6122	53	0.008657	7572	50	0.006603	1638	4	0.002442	2053	8	0.003897	524	3	0.005725
NM_0011698758	Hnrnpf	chr6	1.18E+08	1.18E+08	119	96	0.806723	72	56	0.777778	110	78	0.709091	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	103	56	0.543689	73	46	0.630137	66	48	0.727273	10	7	0.7	15	7	0.466667	13	11	0.846154
NM_00116102991	Ezhip	chrX	6081218	6083420	48	39	0.8125	135	110	0.814815	204	177	0.867647	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	46	40	0.869565	68	58	0.852941	62	45	0.725806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116209815	Tbc1d25	chrX	8154472	8176181	391	0	0	427	0	0	339	3	0.00885	#N/A	#N/A	#N/A	66	0	0	356	2	0.005618	194	1	0.005155	329	2	0.006079	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011620523	Slc25a14	chrX	48623578	48662298	245	0	0	60	0	0	288	2	0.006944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	219	1	0.004566	262	1	0.003817	172	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116102866	Pls3	chrX	75785654	75875170	80	0	0	99	0	0	121	2	0.016529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	80	2	0.025	78	2	0.025641	160	1	0.00625	45	5	0.111111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116102866	Pls3	chrX	75785654	75843021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116105727	Slc38a1	chr15	96571418	96642343	2822	68	0.024096	2518	55	0.021843	2881	68	0.023603	303	7	0.023102	1044	14	0.01341	2989	76	0.025427	2515	108	0.042942	2470	107	0.04332	684	16	0.023392	1039	34	0.032724	105	0	0
NM_00116210766	Brcc3	chrX	75416628	75454001	663	1	0.001508	615	2	0.003252	676	7	0.010355	#N/A	#N/A	#N/A	138	0	0	646	4	0.006192	459	1	0.002179	408	1	0.002451	84	1	0.011905	126	2	0.015873	150	2	0.013333
NM_00116105727	Slc38a1	chr15	96571418	96642913	1439	45	0.031272	1049	21	0.020019	1423	38	0.026704	182	5	0.027473	525	6	0.011429	1489	20	0.013432	1287	44	0.034188	1095	32	0.029224	450	9	0.02	479	9	0.018789	105	0	0
NM_00116210766	Brcc3	chrX	75416628	75455701	663	1	0.001508	615	2	0.003252	676	7	0.010355	#N/A	#N/A	#N/A	138	0	0	646	4	0.006192	459	1	0.002179	408	1	0.002451	84	1	0.011905	126	2	0.015873	150	2	0.013333
NM_0011620745	Spock1	chr13	57426091	57908332	4282	246	0.05745	4259	200	0.046959	4790	259	0.054071	518	27	0.052124	1810	105	0.058011	4379	351	0.080155	3815	359	0.094102	3709	272	0.073335	1388	96	0.069164	1455	91	0.062543	714	166	0.232493
NM_0011620745	Spock1	chr13	57421195	57908332	4282	246	0.05745	4259	200	0.046959	4790	259	0.054071	518	27	0.052124	1810	105	0.058011	4379	351	0.080155	3815	359	0.094102	3709	272	0.073335	1388	96	0.069164	1455	91	0.062543	714	166	0.232493
NM_0011620745	Spock1	chr13	57421195	57908332	4282	246	0.05745	4259	200	0.046959	4790	259	0.054071	518	27	0.052124	1810	105	0.058011	4379	351	0.080155	3815	359	0.094102	3709	272	0.073335	1388	96	0.069164	1455	91	0.062543	714	166	0.232493
NM_0011620745	Spock1	chr13	57426091	57908332	4282	246	0.05745	4259	200	0.046959	4790	259	0.054071	518	27	0.052124	1810	105	0.058011	4379	351	0.080155	3815	359	0.094102	3709	272	0.073335	1388	96	0.069164	1455	91	0.062543	714	166	0.232493
NM_00116106639	Vmac	chr17	56713932	56717699	2444	22	0.009002	1963	12	0.006113	2335	15	0.006424	473	1	0.002114	1025	4	0.003902	2499	11	0.004402	2252	14	0.006217	2368	19	0.008024	423	1	0.002364	903	6	0.006645	453	2	0.004415
NM_00116328573	4930407I1	chr15	82059151	82066538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116111241	Hmga1b	chr11	1.21E+08	1.21E+08	444	108	0.243243	254	79	0.311024	353	85	0.240793	76	20	0.263158	165	44	0.266667	515	130	0.252427	401	114	0.284289	359	54	0.150418	96	23	0.239583	116	35	0.301724	58	43	0.741379
NM_00116111241	Hmga1b	chr11	1.21E+08	1.21E+08	444	108	0.243243	254	79	0.311024	353	85	0.240793	76	20	0.263158	165	44	0.266667	515	130	0.252427	401	114	0.284289	359	54	0.150418	96	23	0.239583	116	35	0.301724	58	43	0.741379
NM_0011620832	Ssr4	chrX	73787023	73790828	546	2	0.003663	564	2	0.003546	498	2	0.004016	#N/A	#N/A	#N/A	99	3	0.030303	758	6	0.007916	591	7	0.011844	563	5	0.008881	94	0	0	80	0	0	72	0	0
NM_00116234814	Mthfsd	chr8	1.21E+08	1.21E+08	460	6	0.013043	367	14	0.038147	491	11	0.022403	153	13	0.084967	246	18	0.073171	519	23	0.044316	361	5	0.01385	556	19	0.034173	220	1	0.004545	249	0	0	76	7	0.092105
NM_00116240168	Rasgrp3	chr17	75435905	75529054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011669376	Zpbp2	chr11	98551097	98558665	360	0	0	371	1	0.002695	419	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	132	1	0.007576	390	3	0.007692	492	9	0.018293	460	2	0.004348	96	0	0	144	0	0	72	0	0
NM_0011669376	Zpbp2	chr11	98551097	98558665	360	0	0	371	1	0.002695	419	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	132	1	0.007576	390	3	0.007692	492	9	0.018293	460	2	0.004348	96	0	0	144	0	0	72	0	0
NM_0011673229	Zfp983	chr17	21650611	21664966	181	0	0	127	1	0.007874	138	0	0	48	0	0	98	0	0	197	0	0	153	0	0	143	0	0	88	1	0.011364	93	1	0.010753	24	0	0
NM_00116329260	Dennd1b	chr1	1.39E+08	1.39E+08	2628	13	0.004947	2285	5	0.002188	2604	13	0.004992	282	1	0.003546	330	1	0.00303	2626	16	0.006093	2318	13	0.005608	2668	10	0.003748	462	0	0	692	1	0.001445	80	0	0
NM_0011669806	Slc39a11	chr11	1.13E+08	1.14E+08	797	33	0.041405	695	28	0.040288	763	39	0.051114	166	6	0.036145	385	24	0.062338	811	17	0.020962	733	31	0.042292	643	22	0.034215	386	15	0.03886	273	18	0.065934	145	0	0
NM_0011674136	Sec14l1	chr11	1.17E+08	1.17E+08	4096	49	0.011963	4271	46	0.01077	4292	54	0.012582	656	10	0.015244	1413	22	0.01557	4375	41	0.009371	4113	30	0.007294	4848	22	0.004538	1194	8	0.0067	1308	15	0.011468	400	7	0.0175
NM_0011674136	Sec14l1	chr11	1.17E+08	1.17E+08	4096	49	0.011963	4271	46	0.01077	4292	54	0.012582	656	10	0.015244	1413	22	0.01557	4375	41	0.009371	4113	30	0.007294	4848	22	0.004538	1194	8	0.0067	1308	15	0.011468	400	7	0.0175
NM_0011654650	Sfmbt1	chr14	30715167	30822721	5558	82	0.014754	5208	55	0.010561	5747	77	0.013398	428	2	0.004673	1579	24	0.015199	5861	80	0.01365	5419	69	0.012733	4905	68	0.013863	1056	10	0.00947	1652	12	0.007264	99	0	0
NM_0011654650	Sfmbt1	chr14	30715615	30822721	7741	95	0.012272	6978	63	0.009028	7694	86	0.011178	746	3	0.004021	1750	25	0.014286	7985	86	0.01077	7158	76	0.010617	6744	78	0.011566	1461	10	0.006845	2050	14	0.006829	318	0	0
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556604	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011615361	Hmga1	chr17	27556574	27563672	10923	192	0.017578	10834	147	0.013568	12415	218	0.017559	1406	14	0.009957	2146	66	0.030755	12817	170	0.013264	10541	337	0.03197	12122	194	0.016004	2627	13	0.004949	3620	104	0.028729	281	9	0.032028
NM_0011674203	Eif4enif1	chr11	3202995	3244588	6547	53	0.008095	6200	42	0.006774	6347	69	0.010871	944	4	0.004237	1565	9	0.005751	5812	42	0.007226	5336	37	0.006934	6329	50	0.0079	1554	6	0.003861	1500	7	0.004667	465	0	0
NM_0011674203	Eif4enif1	chr11	3202353	3244588	6547	53	0.008095	6200	42	0.006774	6347	69	0.010871	944	4	0.004237	1565	9	0.005751	5836	66	0.011309	5336	37	0.006934	6329	50	0.0079	1554	6	0.003861	1500	7	0.004667	465	0	0
NM_0011674203	Eif4enif1	chr11	3203019	3244588	6547	53	0.008095	6200	42	0.006774	6347	69	0.010871	944	4	0.004237	1565	9	0.005751	5812	42	0.007226	5336	37	0.006934	6329	50	0.0079	1554	6	0.003861	1500	7	0.004667	465	0	0
NM_00116667118	Zbed6	chr1	1.34E+08	1.34E+08	992	6	0.006048	896	2	0.002232	928	13	0.014009	53	1	0.018868	351	0	0	1152	17	0.014757	1030	10	0.009709	772	3	0.003886	407	1	0.002457	356	1	0.002809	114	0	0
NM_0011674315	Rnf145	chr11	44519377	44554977	5713	28	0.004901	5771	38	0.006585	5687	25	0.004396	995	12	0.01206	1502	3	0.001997	5436	23	0.004231	5511	53	0.009617	5783	24	0.00415	1469	4	0.002723	1821	6	0.003295	326	1	0.003067
NM_0011676184	Abca6	chr11	1.1E+08	1.1E+08	45	6	0.133333	48	8	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	2	0.051282	81	6	0.074074	52	16	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	62	4	0.064516	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011676184	Abca6	chr11	1.1E+08	1.1E+08	45	6	0.133333	48	8	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	2	0.051282	81	6	0.074074	52	16	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	62	4	0.064516	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116213393	Depp1	chr6	1.17E+08	1.17E+08	198	28	0.141414	175	11	0.062857	137	8	0.058394	#N/A	#N/A	#N/A	20	1	0.05	241	24	0.099585	205	22	0.107317	130	4	0.030769	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116100042165	Thoc2l	chr5	1.05E+08	1.05E+08	2313	36	0.015564	2064	35	0.016957	2648	44	0.016616	387	1	0.002584	1023	37	0.036168	2207	44	0.019937	2283	15	0.00657	1942	26	0.013388	906	20	0.022075	975	21	0.021538	171	1	0.005848
NM_0011678755	Fam122b	chrX	53243415	53269805	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011621676	Tead1	chr7	1.13E+08	1.13E+08	3563	61	0.01712	3281	37	0.011277	3772	30	0.007953	791	6	0.007585	876	11	0.012557	3748	64	0.017076	3285	33	0.010046	3151	19	0.00603	1091	5	0.004583	1069	5	0.004677	250	1	0.004
NM_0011621676	Tead1	chr7	1.13E+08	1.13E+08	3563	61	0.01712	3281	37	0.011277	3772	30	0.007953	791	6	0.007585	876	11	0.012557	3748	64	0.017076	3285	33	0.010046	3151	19	0.00603	1091	5	0.004583	1069	5	0.004677	250	1	0.004
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69921386	3106	24	0.007727	3574	20	0.005596	3782	16	0.004231	682	2	0.002933	807	2	0.002478	3503	29	0.008279	3030	21	0.006931	3782	18	0.004759	794	0	0	809	3	0.003708	232	2	0.008621
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69920630	3344	25	0.007476	3756	21	0.005591	3930	16	0.004071	766	3	0.003916	807	2	0.002478	3781	29	0.00767	3184	21	0.006595	4005	19	0.004744	870	0	0	873	4	0.004582	232	2	0.008621
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69921386	3106	24	0.007727	3574	20	0.005596	3782	16	0.004231	682	2	0.002933	807	2	0.002478	3503	29	0.008279	3030	21	0.006931	3782	18	0.004759	794	0	0	809	3	0.003708	232	2	0.008621
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69920947	3344	25	0.007476	3756	21	0.005591	3930	16	0.004071	766	3	0.003916	807	2	0.002478	3781	29	0.00767	3184	21	0.006595	4005	19	0.004744	870	0	0	873	4	0.004582	232	2	0.008621
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69921958	203	1	0.004926	276	1	0.003623	317	0	0	108	1	0.009259	143	1	0.006993	300	0	0	236	3	0.012712	258	0	0	117	0	0	82	0	0	33	2	0.060606
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69920947	3344	25	0.007476	3756	21	0.005591	3930	16	0.004071	766	3	0.003916	807	2	0.002478	3781	29	0.00767	3184	21	0.006595	4005	19	0.004744	870	0	0	873	4	0.004582	232	2	0.008621
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69921275	3190	24	0.007524	3632	20	0.005507	3862	16	0.004143	716	2	0.002793	807	2	0.002478	3605	29	0.008044	3104	21	0.006765	3872	19	0.004907	837	0	0	809	3	0.003708	232	2	0.008621
NM_00116276770	Eif5a	chr11	69916712	69921085	3344	25	0.007476	3756	21	0.005591	3930	16	0.004071	766	3	0.003916	807	2	0.002478	3781	29	0.00767	3184	21	0.006595	4005	19	0.004744	870	0	0	873	4	0.004582	232	2	0.008621
NM_00116104418	Dgkz	chr2	91932827	91950348	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116100040894	Gm16430	chrX	54622211	54639016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116108699	Chn1	chr2	73610660	73775346	4473	54	0.012072	4913	51	0.010381	5529	89	0.016097	1171	8	0.006832	1425	18	0.012632	4948	64	0.012935	4575	37	0.008087	3682	45	0.012222	1285	17	0.01323	1447	9	0.00622	131	4	0.030534
NM_00116108699	Chn1	chr2	73610660	73660423	210	156	0.742857	213	155	0.7277	203	143	0.704433	50	35	0.7	89	66	0.741573	195	116	0.594872	161	104	0.645963	138	90	0.652174	84	36	0.428571	81	62	0.765432	91	58	0.637363
NM_00116207854	Fmr1nb	chrX	68761839	68804561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116207854	Fmr1nb	chrX	68761839	68804561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011619655	Rbmx	chrX	57386030	57393036	631	3	0.004754	469	3	0.006397	551	5	0.009074	26	0	0	183	1	0.005464	734	4	0.00545	633	4	0.006319	494	1	0.002024	110	3	0.027273	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0011612769	Ccr9	chr9	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116100040531	Dynlt1f	chr17	6648938	6655939	#N/A	#N/A	#N/A	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116100310872	Dynlt1a	chr17	6306344	6317474	758	4	0.005277	349	1	0.002865	502	10	0.01992	231	0	0	326	9	0.027607	637	4	0.006279	656	2	0.003049	502	1	0.001992	226	3	0.013274	281	2	0.007117	110	1	0.009091
NM_00116100040563	Dynlt1c	chr17	6601779	6607891	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	72	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116171283	Havcr1	chr11	46750511	46779578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00116171283	Havcr1	chr11	46740223	46779578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

NM_00117	64384	Sirt3	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2426	14	0.005771	2246	11	0.004898	2191	7	0.003195	559	1	0.001789	1013	1	0.000987	2943	21	0.007136	2465	13	0.005274	2655	18	0.00678	715	1	0.001399	1361	3	0.002204	504	1	0.001984
NM_00117	27103	Eif2ak4	chr2	1.18E+08	1.18E+08	1840	7	0.003804	1613	11	0.00682	1822	5	0.002744	370	0	0	952	4	0.004202	1902	13	0.006835	1683	11	0.006536	1932	9	0.004658	715	2	0.002797	767	7	0.009126	177	2	0.011299
NM_00117	223864	Rapgef3	chr15	97744770	97767666	2819	328	0.116353	2617	315	0.120367	2787	242	0.086832	445	30	0.067416	865	107	0.123699	2695	217	0.080519	2447	176	0.071925	2769	261	0.094258	803	73	0.090909	953	87	0.091291	271	12	0.04428
NM_00117	223864	Rapgef3	chr15	97744770	97767666	2819	328	0.116353	2617	315	0.120367	2787	242	0.086832	445	30	0.067416	865	107	0.123699	2695	217	0.080519	2447	176	0.071925	2769	261	0.094258	803	73	0.090909	953	87	0.091291	271	12	0.04428
NM_00117	226178	Wbp1l	chr19	46599106	46657389	111	109	0.981982	149	144	0.966443	105	100	0.952381	33	33	1	123	120	0.97561	159	124	0.779874	93	93	1	90	90	1	54	51	0.944444	72	66	0.916667	68	60	0.882353
NM_00117	226178	Wbp1l	chr19	46623401	46657389	357	143	0.40056	399	102	0.255639	392	104	0.265306	#N/A	#N/A	#N/A	152	52	0.342105	393	181	0.46056	459	153	0.333333	490	130	0.265306	84	15	0.178571	184	71	0.38587	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	628709	Gm10324	chr13	66113453	66122836	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
NM_00117	68149	Otub2	chr12	1.03E+08	1.03E+08	2413	17	0.007045	1919	5	0.002606	2769	21	0.007584	338	4	0.011834	652	9	0.013804	2694	50	0.01856	2180	12	0.005505	2070	12	0.005797	506	11	0.021739	850	4	0.004706	447	0	0
NM_00117	209630	Frmd4a	chr2	4400976	4614043	1122	12	0.010695	961	12	0.012487	989	7	0.007078	20	0	0	289	6	0.020761	1055	13	0.012322	971	6	0.006179	1071	5	0.004669	218	1	0.004587	114	5	0.04386	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	209630	Frmd4a	chr2	4559754	4614043	108	2	0.018519	135	0	0	181	1	0.005525	64	0	0	176	6	0.034091	160	3	0.01875	145	1	0.006897	176	0	0	86	0	0	181	0	0	11	0	0
NM_00117	117149	Tirap	chr9	35184391	35200291	1582	17	0.010746	1146	12	0.010471	1386	7	0.005051	167	0	0	452	4	0.00885	1611	10	0.006207	1185	6	0.005063	974	4	0.004107	410	0	0	276	0	0	98	0	0
NM_00117	117149	Tirap	chr9	35184391	35199965	1582	17	0.010746	1146	12	0.010471	1386	7	0.005051	167	0	0	452	4	0.00885	1611	10	0.006207	1185	6	0.005063	974	4	0.004107	410	0	0	276	0	0	98	0	0
NM_00117	117149	Tirap	chr9	35184391	35199905	1582	17	0.010746	1146	12	0.010471	1386	7	0.005051	167	0	0	452	4	0.00885	1611	10	0.006207	1185	6	0.005063	974	4	0.004107	410	0	0	276	0	0	98	0	0
NM_00117	209351	Wfdc6a	chr2	1.65E+08	1.65E+08	55	35	0.636364	41	27	0.658537	50	42	0.84	#N/A	#N/A	#N/A	34	23	0.676471	42	22	0.52381	58	31	0.534483	48	30	0.625	24	9	0.375	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	65973	Asph	chr4	9449085	9669162	2759	58	0.021022	2487	13	0.005227	2861	23	0.008039	560	1	0.001786	1266	4	0.00316	3381	59	0.01745	2568	22	0.008567	2742	49	0.01787	944	4	0.004237	914	1	0.001094	515	3	0.005825
NM_00117	65973	Asph	chr4	9575262	9669162	2759	58	0.021022	2487	13	0.005227	2861	23	0.008039	560	1	0.001786	1266	4	0.00316	3381	59	0.01745	2568	22	0.008567	2742	49	0.01787	944	4	0.004237	914	1	0.001094	515	3	0.005825
NM_00117	65973	Asph	chr4	9575262	9669162	2759	58	0.021022	2487	13	0.005227	2861	23	0.008039	560	1	0.001786	1266	4	0.00316	3381	59	0.01745	2568	22	0.008567	2742	49	0.01787	944	4	0.004237	914	1	0.001094	515	3	0.005825
NM_00117	65973	Asph	chr4	9575262	9643717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	65973	Asph	chr4	9575262	9643717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	65973	Asph	chr4	9575262	9643717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	65973	Asph	chr4	9620910	9669162	2759	58	0.021022	2487	13	0.005227	2861	23	0.008039	560	1	0.001786	1266	4	0.00316	3381	59	0.01745	2568	22	0.008567	2742	49	0.01787	944	4	0.004237	914	1	0.001094	515	3	0.005825
NM_00117	65973	Asph	chr4	9628645	9669162	2759	58	0.021022	2487	13	0.005227	2861	23	0.008039	560	1	0.001786	1266	4	0.00316	3381	59	0.01745	2568	22	0.008567	2742	49	0.01787	944	4	0.004237	914	1	0.001094	515	3	0.005825
NM_00117	257974	Olfr1053	chr2	86314343	86315285	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	666731	Trim43c	chr9	88839164	88848190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	68549	Sgo2a	chr1	57985340	58025897	62	56	0.903226	48	43	0.895833	46	43	0.934783	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	54	53	0.981481	87	73	0.83908	61	53	0.868852	36	31	0.861111	26	22	0.846154	20	17	0.85
NM_00117	68750	Rreb1	chr13	37826912	37935545	7862	68	0.008649	6755	30	0.004441	7440	44	0.005914	855	3	0.003509	1751	2	0.001142	7634	41	0.005371	6646	28	0.004213	7589	19	0.002504	1835	5	0.002725	2365	11	0.004651	554	2	0.00361
NM_00117	68750	Rreb1	chr13	37888871	37952002	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	78749	Filip1l	chr16	57549242	57572804	2243	23	0.010254	2658	24	0.009029	2415	19	0.007867	190	0	0	860	8	0.009302	1965	16	0.008142	2273	15	0.006599	2259	19	0.008411	470	3	0.006383	686	1	0.001458	312	1	0.003205
NM_00117	69097	Trim15	chr17	36860691	36867210	135	10	0.074074	74	9	0.121622	86	9	0.104651	#N/A	#N/A	#N/A	68	10	0.147059	188	48	0.255319	102	8	0.078431	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	209318	Gps1	chr11	1.21E+08	1.21E+08	7120	47	0.006601	7159	53	0.007403	7363	50	0.006791	1333	3	0.002251	2023	6	0.002966	7249	48	0.006622	6055	38	0.006276	7093	69	0.009728	2094	12	0.005731	2393	9	0.003761	130	1	0.007692
NM_00117	110094	Phka2	chrX	1.61E+08	1.61E+08	439	4	0.009112	276	0	0	272	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	347	2	0.005764	414	5	0.012077	336	5	0.014881	63	2	0.031746	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	110094	Phka2	chrX	1.61E+08	1.61E+08	439	4	0.009112	276	0	0	272	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	347	2	0.005764	414	5	0.012077	336	5	0.014881	63	2	0.031746	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	71306	Mfap3l	chr8	60655104	60676731	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	71306	Mfap3l	chr8	60655557	60676731	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	15569	Elavl2	chr4	91250686	91376496	336	10	0.029762	247	4	0.016194	257	11	0.042802	39	2	0.051282	136	5	0.036765	348	12	0.034483	382	12	0.031414	233	29	0.124464	178	2	0.011236	146	7	0.047945	20	1	0.05
NM_00117	107823	Nsd2	chr5	33843112	33877283	28	13	0.464286	35	9	0.257143	14	6	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A	17	8	0.470588	37	17	0.459459	16	3	0.1875	32	10	0.3125	10	1	0.1	14	1	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	72058	Igsf5	chr16	96361761	96422121	366	118	0.322404	282	46	0.163121	389	89	0.228792	119	27	0.226891	173	71	0.410405	381	134	0.351706	294	89	0.302721	339	65	0.19174	163	43	0.263804	171	54	0.315789	111	20	0.18018
NM_00117	72058	Igsf5	chr16	96361757	96404031	366	118	0.322404	282	46	0.163121	389	89	0.228792	119	27	0.226891	173	71	0.410405	381	134	0.351706	294	89	0.302721	339	65	0.19174	163	43	0.263804	171	54	0.315789	111	20	0.18018
NM_00117	12291	Cacna1g	chr11	94408391	94474198	7119	313	0.043967	6062	217	0.035797	6715	200	0.029784	1184	40	0.033784	1862	69	0.037057	6381	207	0.03244	5693	318	0.055858	6377	216	0.033872	1559	56	0.03592	2304	85	0.036892	316	19	0.060127
NM_00117	12291	Cacna1g	chr11	94408391	94474198	7119	313	0.043967	6062	217	0.035797	6715	200	0.029784	1184	40	0.033784	1862	69	0.037057	6381	207	0.03244	5693	318	0.055858	6377	216	0.033872	1559	56	0.03592	2304	85	0.036892	316	19	0.060127
NM_00117	328829	9830107B1	chr17	48125605	48146307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	328829	9830107B1	chr17	48125605	48146307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	78473	Skap1	chr11	96464591	96759622	922	81	0.087852	746	29	0.038874	1053	53	0.050332	37	3	0.081081	246	15	0.060976	888	99	0.111486	895	76	0.084916	1086	107	0.098527	232	19	0.081897	246	19	0.077236	39	4	0.102564
NM_00117	78473	Skap1	chr11	96464591	96759622	922	81	0.087852	746	29	0.038874	1053	53	0.050332	37	3	0.081081	246	15	0.060976	888	99	0.111486	895	76	0.084916	1086	107	0.098527	232	19	0.081897	246	19	0.077236	39	4	0.102564
NM_00117	74023	Rd3	chr1	1.92E+08	1.92E+08	32	28	0.875	27	21	0.777778	35	31	0.885714	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	53	46	0.867925	45	37	0.822222	29	24	0.827586	22	16	0.727273	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	101023	Zfp513	chr5	31198981	31202042	1230	58	0.047154	1108	85	0.076715	1129	85	0.075288	203	0	0	405	12	0.02963	1117	58	0.051925	1241	74	0.059629	1148	52	0.045296	294	18	0.061224	572	22	0.038462	238	0	0
NM_00117	100515	Zfp518b	chr5	38668484	38684826	3065	24	0.00783	3488	20	0.005734	4158	48	0.011544	573	3	0.005236	1164	7	0.006014	3315	56	0.016893	3464	137	0.03955	3312	98	0.029589	992	54	0.054435	1459	55	0.037697	356	11	0.030899
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	13607	Eda	chrX	99975606	1E+08	743	4	0.005384	629	2	0.00318	822	8	0.009732	20	0	0	30	0	0	733	13	0.017735	691	4	0.005789	681	5	0.007342	#N/A	#N/A	#N/A	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	66273	Aamdc	chr7	97550331	97579497	2931	19	0.006482	2183	9	0.004123	2862	15	0.005241	350	1	0.002857	978	2	0.002045	2962	12	0.004051	2351	7	0.002977	2478	19	0.007667	1073	6	0.005592	698	1	0.001433	243	1	0.004115
NM_00117	66273	Aamdc	chr7	97550331	97579497	2931	19	0.006482	2183	9	0.004123	2862	15	0.005241	350	1	0.002857	978	2	0.002045	2962	12	0.004051	2351	7	0.002977	2478	19	0.007667	1073	6	0.005592	698	1	0.001433	243	1	0.004115
NM_00117	66273	Aamdc	chr7	97550331	97579497	2931	19	0.006482	2183	9	0.004123	2862	15	0.005241	350	1	0.002857	978	2	0.002045	2962	12	0.004051	2351	7	0.002977	2478	19	0.007667	1073	6	0.005592	698	1	0.001433	243	1	0.004115
NM_00117	19893	Rpgr	chrX	10158216	10216795	270	0	0	328	0	0	351	2	0.005698	#N/A	#N/A	#N/A	113	3	0.026549	682	5	0.007331	441	1	0.002268	401	1	0.002494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	19893	Rpgr	chrX	10160609	10216795	270	0	0	328	0	0	351	2	0.005698	#N/A	#N/A	#N/A	113	3	0.026549	682	5	0.007331	441	1	0.002268	401	1	0.002494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	19893	Rpgr	chrX	10158216	10216453	270	0	0	328	0	0	351	2	0.005698	#N/A	#N/A	#N/A	113	3	0.026549	682	5	0.007331	441	1	0.002268	401	1	0.002494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	19893	Rpgr	chrX	10180966	10216795	270	0	0	328	0	0	351	2	0.005698	#N/A	#N/A	#N/A	113	3	0.026549	682	5	0.007331	441	1	0.002268	401	1	0.002494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	19893	Rpgr	chrX	10207001	10216795	270	0	0	328	0	0	351	2	0.005698	#N/A	#N/A	#N/A	113	3	0.026549	682	5	0.007331	441	1	0.002268	401	1	0.002494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	37	31	0.837838	23	19	0.826087	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	37	31	0.837838	23	19	0.826087	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	37	31	0.837838	23	19	0.826087	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	37	31	0.837838	23	19	0.826087	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	37	31	0.837838	23	19	0.826087	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	37	31	0.837838	23	19	0.826087	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	761	2	0.002628	995	15	0.015075	967	10	0.010341	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	774	12	0.015504	710	2	0.002817	687	6	0.008734	#N/A	#N/A	#N/A	167	1	0.005988	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	14758	Gpm6b	chrX	1.66E+08	1.66E+08	761	2	0.002628	995	15	0.015075	967	10	0.010341	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	774	12	0.015504	710	2	0.002817	687	6	0.008734	#N/A	#N/A	#N/A	167	1	0.005988	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	68511	Dcdc2c	chr12	28437795	28548337	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	56292	Naa10	chrX	73916870	73921944	210	3	0.014286	148	1	0.006757	177	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	83	1	0.012048	112	4	0.035714	162	0	0	153	2	0.013072	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	74910	4930480E1	chrX	78369643	78371128	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	225010	Lclat1	chr17	73107985	73243368	1872	78	0.041667	1286	70	0.054432	1668	51	0.030576	108	0	0	741	39	0.052632	1946	68	0.034943	1535	49	0.031922	1536	45	0.029297	677	10	0.014771	299	2	0.006689	110	2	0.018182
NM_00117	225010	Lclat1	chr17	73107985	73243368	1872	78	0.041667	1286	70	0.054432	1668	51	0.030576	108	0	0	741	39	0.052632	1946	68	0.034943	1535	49	0.031922	1536	45	0.029297	677	10	0.014771	299	2	0.006689	110	2	0.018182
NM_00117	16179	Irak1	chrX	74013914	74023921	581	3	0.005164	404	13	0.032178	450	3	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	671	4	0.005961	601	3	0.004992	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	16179	Irak1	chrX	74013914	74023921	581	3	0.005164	404	13	0.032178	450	3	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	671	4	0.005961	601	3	0.004992	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	16179	Irak1	chrX	74013914	74023918	581	3	0.005164	404	13	0.032178	450	3	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	671	4	0.005961	601	3	0.004992	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	16179	Irak1	chrX	74013914	74023921	581	3	0.005164	404	13	0.032178	450	3	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	671	4	0.005961	601	3	0.004992	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	233799	Acsm2	chr7	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	233799	Acsm2	chr7	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	10	8	0.8	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	18578	Pde4b	chr4	1.03E+08	1.03E+08	262	2	0.007634	205	1	0.004878	168	0	0	10	0	0	126	0	0	306	3	0.009804	284	4	0.014085	233	2	0.008584	38	1	0.026316	70	1	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	18578	Pde4b	chr4	1.03E+08	1.03E+08	182	70	0.384615	226	102	0.451327	158	59	0.373418	#N/A	#N/A	#N/A	32	14	0.4375	196	92	0.469388	197	94	0.477157	307	138	0.449511	#N/A	#N/A	#N/A	51	26	0.509804	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	18578	Pde4b	chr4	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	18578	Pde4b	chr4	1.02E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	88	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	70673	Prdm16	chr4	1.54E+08	1.55E+08	8443	128	0.01516	9018	108	0.011976	8944	94	0.01051	1165	21	0.018026	1822	30	0.016465	8164	161	0.019721	8748	186	0.021262	9423	151	0.016025	1974	29	0.014691	2005	23	0.011471	576	15	0.026042
NM_00117	94280	Sfxn3	chr19	45047576	45056383	291	54	0.185567	211	45	0.21327	290	72	0.248276	58	0	0	144	64	0.444444	303	68	0.224422	223	45	0.201794	337	69	0.204748	125	56	0.448	128	18	0.140625	33	0	0
NM_00117	94280	Sfxn3	chr19	45047576	45056383	291	54	0.185567	211	45	0.21327	290	72	0.248276	58	0	0	144	64	0.444444	303	68	0.224422	223	45	0.201794	337	69	0.204748	125	56	0.448	128	18	0.140625	33	0	0
NM_00117	226565	Fmo6	chr1	1.63E+08	1.63E+08	36	27	0.75	28	23	0.821429	39	26	0.666667	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	37	26	0.702703	39	32	0.820513	44	37	0.840909	24	19	0.791667	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	17342	Mitf	chr6	97929817	98021358	41	19	0.463415	#N/A	#N/A	#N/A	30	5	0.166667	23	2	0.086957	59	23	0.389831	49	11	0.22449	44	23	0.522727	24	11	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A	35	8	0.228571	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00117	232223	Txnrd3	chr6	89643988	89675529	4407	36	0.008169	4359	32	0.007341	4860	48	0.009877	827	3	0.003628	1465	9	0.006143	4428	27	0.006098	4503	30	0.006662	4571	24	0.00525	1071	2	0.001867	1531	4	0.002613	413	1	0.002421
NM_00117	232223	Txnrd3	chr6	89643988	89675529	4407	36	0.008169	4359	32	0.007341	4860	48	0.009877	827	3	0.003628	1465	9	0.006143	4428	27	0.006098	4503	30	0.006662	4571	24	0.00525	1071	2	0.001867	1531	4	0.002613	413	1	0.002421
NM_00117	232223	Txnrd3	chr6	89643988	89675529	4407	36	0.008169	4359	32	0.007341	4860	48	0.009877	827	3	0.003628	1465	9	0.006143	4428	27	0.006098	4503	30	0.006662	4571	24	0.00525	1071	2	0.001867	1531	4	0.002613	413	1	0.002421
NM_00118	211586	Tfdp2	chr9	96196275	96323646	1768	10	0.005656	1945	7	0.003599	2016	13	0.006448	312	1	0.003205	598	2	0.003344	2011	14	0.006962	1724	11	0.006381	1944	13	0.006687	443	3	0.006772	637	3	0.00471	211	0	0
NM_00118	211586	Tfdp2	chr9	96196275	96323646	1768	10	0.005656	1945	7	0.003599	2016	13	0.006448	312	1	0.003205	598	2	0.003344	2011	14	0.006962	1724	11	0.006381	1944	13	0.006687	443	3	0.006772	637	3	0.00471	211	0	0
NM_00118	211586	Tfdp2	chr9	96258705	96323646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	211586	Tfdp2	chr9	96259248	96323646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	211586	Tfdp2	chr9	96259248	96323646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	100135657	Rhox3e	chrX	37546975	37550897	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	434264	Sult2a5	chr7	13623967	13670807	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	638251	Sult2a7	chr7	14465051	14493023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	73614	Rhox13	chrX	38120840	38129966	349	338	0.968481	396	386	0.974747	415	402	0.968675	#N/A	#N/A	#N/A	44	40	0.909091	361	340	0.941828	302	278	0.92053	330	305	0.924242	90	82	0.911111	63	58	0.920635	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	232341	Wnk1	chr6	1.2E+08	1.2E+08	5062	34	0.006717	4622	28	0.006058	4744	30	0.006324	805	2	0.002484	1781	5	0.002807	5450	41	0.007523	4868	28	0.005752	5178	43	0.008304	1426	6	0.004208	1962	4	0.002039	513	0	0
NM_00118	232341	Wnk1	chr6	1.2E+08	1.2E+08	5062	34	0.006717	4622	28	0.006058	4744	30	0.006324	805	2	0.002484	1781	5	0.002807	5450	41	0.007523	4868	28	0.005752	5178	43	0.008304	1426	6	0.004208	1962	4	0.002039	513	0	0
NM_00118	545884	Gm5885	chr6	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	16334	Ins2	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	16334	Ins2	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	53604	Zpbp	chr11	11280040	11462419	1031	34	0.032978	974	29	0.029774	1214	62	0.051071	119	4	0.033613	542	16	0.02952	1268	62	0.048896	710	72	0.101408	720	48	0.066667	385	14	0.036364	475	36	0.075789	265	34	0.128302
NM_00118	68980	Wdr53	chr16	32247227	32257083	3118	18	0.005773	2503	24	0.009588	2862	19	0.006639	536	1	0.001866	1204	2	0.001661	3083	17	0.005514	2646	13	0.004913	2482	19	0.007655	941	4	0.004251	1357	5	0.003685	596	1	0.001678
NM_00118	22340	Vegfb	chr19	6982472	6987651	2479	249	0.100444	2452	204	0.083197	2680	199	0.074254	148	0	0	991	111	0.112008	3339	237	0.070979	2878	167	0.058026	3002	228	0.075949	649	32	0.049307	1023	79	0.077224	277	0	0
NM_00118	665780	Zscan4b	chr7	10900740	10905050	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00118	14976	Pfdn6	chr17	33938909	33940330	3151	29	0.009203	2869	22	0.007668	3243	11	0.003392	548	2	0.00365	961	14	0.014568	3620	25	0.006906	2611	17	0.006511	2932	19	0.00648	922	8	0.008677	1305	3	0.002299	418	1	0.002392
NM_00119	76561	Snx7	chr3	1.18E+08	1.18E+08	393	7	0.017812	304	2	0.006579	462	5	0.010823	150	0	0	148	1	0.006757	383	11	0.028721	424	3	0.007075	322	3	0.009317	120	0	0	100	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	56742	Psrc1	chr3	1.08E+08	1.08E+08	906	8	0.00883	762	7	0.009186	932	7	0.007511	77	1	0.012987	267	5	0.018727	843	14	0.016607	768	17	0.022135	931	9	0.009667	301	10	0.033223	219	1	0.004566	152	0	0
NM_00119	69482	Nup35	chr2	80639264	80660071	1869	15	0.008026	1503	4	0.002661	1791	8	0.004467	376	2	0.005319	452	1	0.002212	1785	24	0.013445	1789	8	0.004472	1668	14	0.008393	497	2	0.004024	760	15	0.019737	151	0	0
NM_00119	18183	Nrg3	chr14	38368951	39473088	7349	373	0.050755	7348	301	0.040964	7669	366	0.047725	1287	53	0.041181	2241	108	0.048193	7768	573	0.073764	6337	905	0.142812	6508	1070	0.164413	1695	199	0.117404	2057	476	0.231405	747	201	0.269076
NM_00119	18183	Nrg3	chr14	38368951	39473088	7349	373	0.050755	7348	301	0.040964	7669	366	0.047725	1287	53	0.041181	2241	108	0.048193	7768	573	0.073764	6337	905	0.142812	6508	1070	0.164413	1695	199	0.117404	2057	476	0.231405	747	201	0.269076
NM_00119	100043813	Rps27rt	chr9	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	66128	Mrps36	chr13	1.01E+08	1.01E+08	1757	7	0.003984	1674	9	0.005376	1911	12	0.006279	220	1	0.004545	674	2	0.002967	2116	3	0.001418	1790	14	0.007821	1704	14	0.008216	551	2	0.00363	663	2	0.003017	179	0	0
NM_00119	68526	Gpr155	chr2	73341506	73386480	1008	15	0.014881	729	7	0.009602	932	10	0.01073	114	0	0	374	15	0.040107	1221	11	0.009009	1088	7	0.006434	982	29	0.029532	459	7	0.015251	313	2	0.00639	155	0	0
NM_00119	665211	Gm14326	chr2	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	69810	Clec4b1	chr6	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	235312	C1qtnf5	chr9	44101770	44109187	101	99	0.980198	88	86	0.977273	123	121	0.98374	#N/A	#N/A	#N/A	59	52	0.881356	118	112	0.949153	117	107	0.91453	100	96	0.96	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	259172	Mfrp	chr9	44101770	44109187	101	99	0.980198	88	86	0.977273	123	121	0.98374	#N/A	#N/A	#N/A	59	52	0.881356	118	112	0.949153	117	107	0.91453	100	96	0.96	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	235312	C1qtnf5	chr9	44107309	44109187	611	425	0.695581	445	324	0.72809	549	369	0.672131	26	22	0.846154	248	205	0.826613	694	598	0.861671	507	438	0.863905	460	359	0.780435	225	188	0.835556	257	208	0.809339	26	19	0.730769
NM_00119	56620	Clec4n	chr6	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	56620	Clec4n	chr6	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	66433	Chchd7	chr4	3938888	3943526	2009	16	0.007964	1754	23	0.013113	2238	17	0.007596	299	2	0.006689	696	4	0.005747	2766	19	0.006869	2118	19	0.008971	1845	32	0.017344	644	1	0.001553	630	15	0.02381	110	0	0
NM_00119	66433	Chchd7	chr4	3938888	3943526	2009	16	0.007964	1754	23	0.013113	2238	17	0.007596	299	2	0.006689	696	4	0.005747	2766	19	0.006869	2118	19	0.008971	1845	32	0.017344	644	1	0.001553	630	15	0.02381	110	0	0
NM_00119	66433	Chchd7	chr4	3938888	3943526	2009	16	0.007964	1754	23	0.013113	2238	17	0.007596	299	2	0.006689	696	4	0.005747	2766	19	0.006869	2118	19	0.008971	1845	32	0.017344	644	1	0.001553	630	15	0.02381	110	0	0
NM_00119	16136	Igll1	chr16	16860671	16863985	111	93	0.837838	45	39	0.866667	58	43	0.741379	11	11	1	69	58	0.84058	154	118	0.766234	124	88	0.709677	106	79	0.745283	60	53	0.883333	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	19240	Tmsb10	chr6	72955747	72958748	1563	94	0.060141	1511	81	0.053607	1614	78	0.048327	165	10	0.060606	641	65	0.101404	1815	75	0.041322	1136	65	0.057218	1384	80	0.057803	411	45	0.109489	750	62	0.082667	105	0	0
NM_00119	102022	Ces2a	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	385354	Frmd7	chrX	50892643	50942769	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	24	2	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	22	10	0.454545	24	9	0.375	44	10	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8236043	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8243807	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	55	43	0.781818	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8243807	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	55	43	0.781818	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8243807	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	55	43	0.781818	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8243807	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	55	43	0.781818	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8243807	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	55	43	0.781818	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	12458	Ccr6	chr17	8245058	8257141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	55	43	0.781818	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	216527	Ccm2	chr11	6546887	6596761	2392	18	0.007525	2507	16	0.006382	2489	8	0.003214	317	1	0.003155	683	4	0.005857	2597	20	0.007701	2242	9	0.004014	2559	19	0.007425	792	1	0.001263	800	12	0.015	107	0	0
NM_00119	216527	Ccm2	chr11	6560183	6596734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	208151	Tmem132c	chr5	1.26E+08	1.26E+08	5236	222	0.042399	5660	188	0.033216	5344	174	0.03256	559	24	0.042934	1049	56	0.053384	4956	202	0.040759	3876	148	0.038184	4339	207	0.047707	1390	113	0.081295	1318	91	0.069044	241	26	0.107884
NM_00119	225058	Gm4832	chr17	88125512	88131183	12	9	0.75	17	17	1	17	17	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	37	34	0.918919	32	25	0.78125	40	33	0.825	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00119	69225	Naxd	chr8	11497506	11513287	1587	93	0.058601	1488	104	0.069892	1340	107	0.079851	120	1	0.008333	596	52	0.087248	1640	97	0.059146	1074	51	0.047486	1601	58	0.036227	282	32	0.113475	673	58	0.086181	105	0	0
NM_00119	225187	Ankrd29	chr18	12252357	12305720	1910	50	0.026178	1643	51	0.031041	2055	45	0.021898	644	10	0.015528	809	31	0.038319	2007	39	0.019432	1565	69	0.044089	1299	37	0.028483	686	6	0.008746	581	30	0.051635	323	1	0.003096
NM_00119	240444	Kcng2	chr18	80294544	80364254	1710	58	0.033918	2181	85	0.038973	1956	74	0.037832	291	25	0.085911	766	34	0.044386	1782	88	0.049383	1613	58	0.035958	2345	60	0.025586	419	4	0.009547	621	33	0.05314	235	34	0.144681

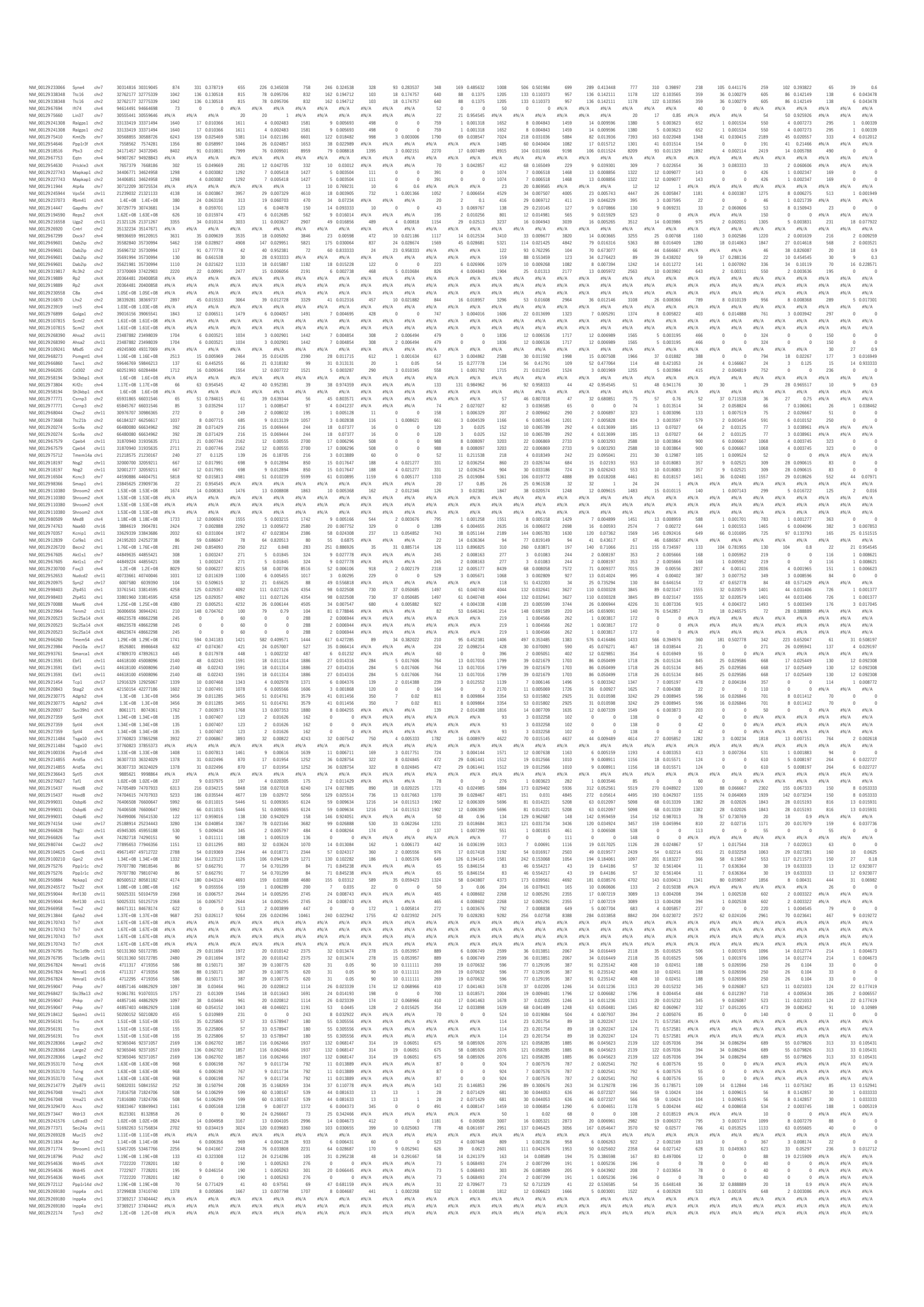






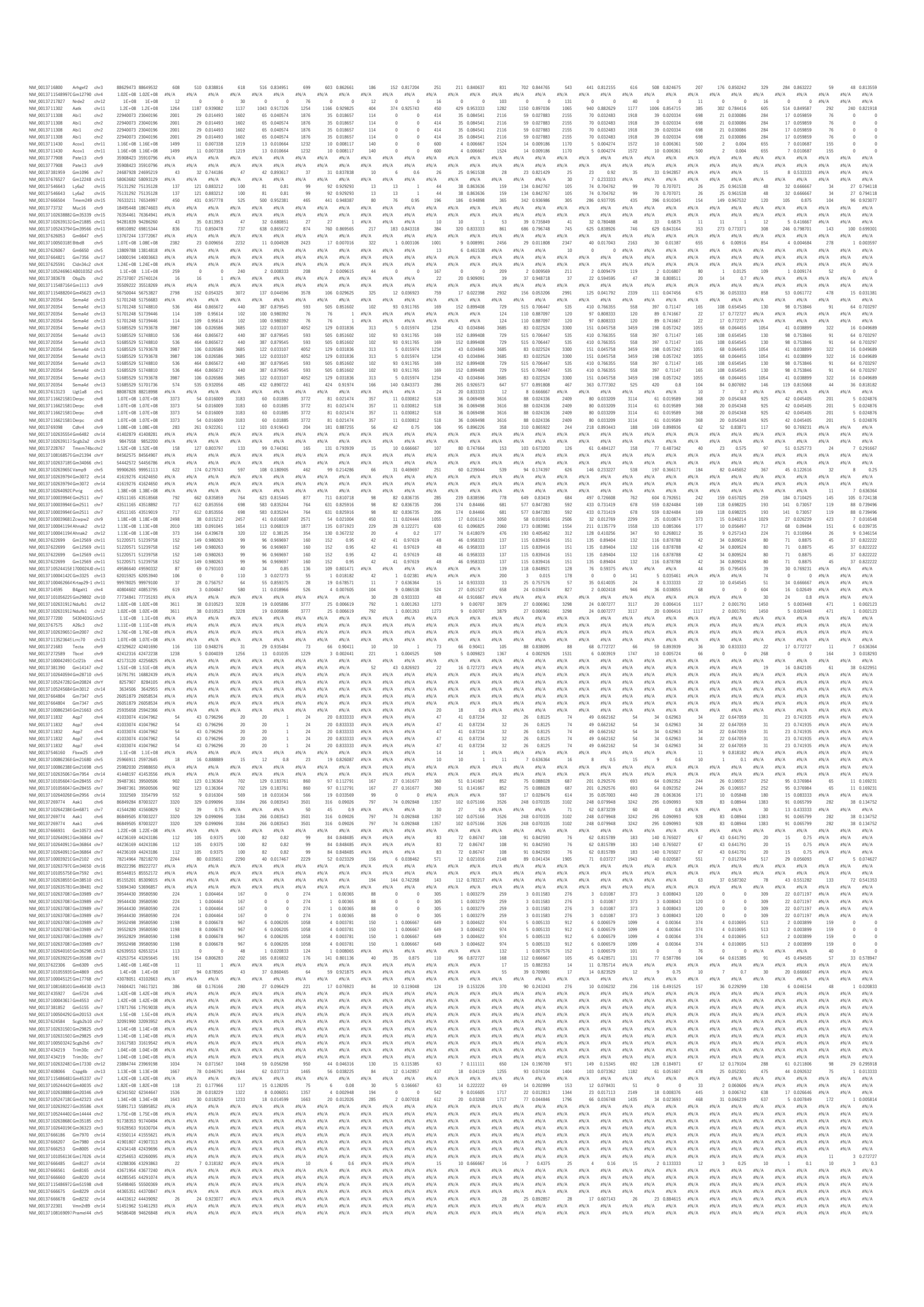
NM_0012712521	Cd82	chr2	93419102	93462950	714	134	0.187675	573	102	0.17801	635	124	0.195276	82	26	0.317073	174	39	0.224138	936	163	0.174145	643	92	0.143079	673	96	0.142645	267	48	0.179775	249	46	0.184739	56	25	0.446429
NM_0012712521	Cd82	chr2	93419102	93462502	607	31	0.051071	496	27	0.054435	523	13	0.024857	56	0	0	137	3	0.021898	823	53	0.064399	561	14	0.024955	594	19	0.031987	224	9	0.040179	209	8	0.038278	30	0	0
NM_0012768977	Haghl	chr17	25782787	25785586	532	142	0.266917	581	110	0.189329	649	145	0.223421	128	25	0.195313	235	38	0.161702	729	171	0.234568	604	226	0.374172	636	125	0.196541	275	55	0.2	311	71	0.228296	168	10	0.059524
NM_0012768977	Haghl	chr17	25782787	25785586	532	142	0.266917	581	110	0.189329	649	145	0.223421	128	25	0.195313	235	38	0.161702	729	171	0.234568	604	226	0.374172	636	125	0.196541	275	55	0.2	311	71	0.228296	168	10	0.059524
NM_0012768977	Haghl	chr17	25779843	25785586	532	142	0.266917	581	110	0.189329	649	145	0.223421	128	25	0.195313	235	38	0.161702	729	171	0.234568	604	226	0.374172	636	125	0.196541	275	55	0.2	311	71	0.228296	168	10	0.059524
NM_0012768977	Haghl	chr17	25782787	25785586	532	142	0.266917	581	110	0.189329	649	145	0.223421	128	25	0.195313	235	38	0.161702	729	171	0.234568	604	226	0.374172	636	125	0.196541	275	55	0.2	311	71	0.228296	168	10	0.059524
NM_0012768977	Haghl	chr17	25782787	25785586	532	142	0.266917	581	110	0.189329	649	145	0.223421	128	25	0.195313	235	38	0.161702	729	171	0.234568	604	226	0.374172	636	125	0.196541	275	55	0.2	311	71	0.228296	168	10	0.059524
NM_001271225887	Ndufs8	chr19	3908863	3912774	536	12	0.022388	475	15	0.031579	461	0	0	60	0	0	82	0	0	710	3	0.004225	577	8	0.013865	628	15	0.023885	114	0	0	148	1	0.006757	30	0	0
NM_001271225887	Ndufs8	chr19	3908863	3912774	536	12	0.022388	475	15	0.031579	461	0	0	60	0	0	82	0	0	710	3	0.004225	577	8	0.013865	628	15	0.023885	114	0	0	148	1	0.006757	30	0	0
NM_001271110454	Ly6a	chr15	74994877	74998031	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209224	Enox2	chrX	49009707	49288242	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209224	Enox2	chrX	49009707	49288242	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209224	Enox2	chrX	49009707	49288242	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209224	Enox2	chrX	49009707	49288242	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209224	Enox2	chrX	49009707	49288242	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012757783	Tnip1	chr11	54910787	54962940	144	133	0.923611	131	123	0.938931	124	113	0.91129	28	26	0.928571	40	39	0.975	181	170	0.939227	131	116	0.885496	105	95	0.904762	44	40	0.909091	45	42	0.933333	11	11	1
NM_0012757783	Tnip1	chr11	54910787	54962940	144	133	0.923611	131	123	0.938931	124	113	0.91129	28	26	0.928571	40	39	0.975	181	170	0.939227	131	116	0.885496	105	95	0.904762	44	40	0.909091	45	42	0.933333	11	11	1
NM_0012712521	Cd82	chr2	93419102	93461851	607	31	0.051071	496	27	0.054435	523	13	0.024857	56	0	0	137	3	0.021898	823	53	0.064399	561	14	0.024955	594	19	0.031987	224	9	0.040179	209	8	0.038278	30	0	0
NM_0012712521	Cd82	chr2	93419102	93452672	159	148	0.930818	129	110	0.852713	149	128	0.85906	50	42	0.84	77	75	0.974026	137	123	0.89781	127	120	0.944882	126	117	0.928571	51	50	0.980392	75	68	0.906667	61	61	1
NM_001271320806	Gfm2	chr13	97137937	97176451	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
NM_001271320806	Gfm2	chr13	97137937	97176451	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
NM_001271320806	Gfm2	chr13	97137937	97176451	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
NM_0012714391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
NM_0012714391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
NM_0012714391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
NM_0012714391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1839	5	0.002719	1536	9	0.005859	1669	13	0.007789	331	5	0.015106	418	0	0	1856	21	0.011315	1789	11	0.006149	1921	11	0.005726	612	3	0.004902	528	1	0.001894	123	0	0
NM_0012764706	Scube1	chr15	83602583	83725039	4353	124	0.028486	3911	69	0.017643	4152	86	0.020713	149	0	0	632	19	0.030063	3791	124	0.032709	3293	94	0.028545	3647	105	0.028791	979	29	0.029622	1046	69	0.065966	122	16	0.131148
NM_0012764706	Scube1	chr15	83602583	83725039	4353	124	0.028486	3911	69	0.017643	4152	86	0.020713	149	0	0	632	19	0.030063	3791	124	0.032709	3293	94	0.028545	3647	105	0.028791	979	29	0.029622	1046	69	0.065966	122	16	0.131148
NM_0012757757	Pglyrp2	chr17	32412459	32424167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012757757	Pglyrp2	chr17	32412459	32420975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012757757	Pglyrp2	chr17	32412459	32424167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012757757	Pglyrp2	chr17	32412459	32420975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012778785	Clip4	chr17	71781299	71864210	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012778785	Clip4	chr17	71769691	71850164	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012720168	Rtn3	chr19	7425895	7483291	1026	11	0.010721	630	1	0.001587	899	4	0.004449	98	1	0.010204	136	0	0	889	7	0.007874	710	6	0.008451	685	4	0.005839	330	1	0.00303	256	0	0	98	1	0.010204
NM_0012720168	Rtn3	chr19	7425895	7483291	1026	11	0.010721	630	1	0.001587	899	4	0.004449	98	1	0.010204	136	0	0	889	7	0.007874	710	6	0.008451	685	4	0.005839	330	1	0.00303	256	0	0	98	1	0.010204
NM_001271209446	Tfe3	chrX	7762661	7775202	321	2	0.006231	501	6	0.011976	423	3	0.007092	30	0	0	10	2	0.2	329	1	0.00304	312	1	0.003205	404	2	0.00495	#N/A	#N/A	#N/A	69	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209446	Tfe3	chrX	7762661	7775202	321	2	0.006231	501	6	0.011976	423	3	0.007092	30	0	0	10	2	0.2	329	1	0.00304	312	1	0.003205	404	2	0.00495	#N/A	#N/A	#N/A	69	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271209446	Tfe3	chrX	7764041	7775202	357	2	0.005602	553	6	0.01085	471	3	0.006369	54	0	0	10	2	0.2	373	2	0.005362	346	1	0.00289	442	2	0.004525	22	0	0	69	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012714391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
NM_0012712660	Chka	chr19	3851773	3894369	2856	38	0.013305	2508	17	0.006778	3016	24	0.007958	461	4	0.008677	927	6	0.006472	2846	38	0.013352	2470	13	0.005263	2683	25	0.009318	987	6	0.006079	1024	16	0.015625	209	2	0.009569
NM_0012716169	Il15ra	chr2	11705293	11733985	1770	12	0.00678	1550	13	0.008387	1651	13	0.007874	109	0	0	350	2	0.005714	1695	9	0.00531	1449	11	0.007591	1630	6	0.003681	476	2	0.004202	407	1	0.002457	101	1	0.009901
NM_0012716169	Il15ra	chr2	11705293	11733985	1770	12	0.00678	1550	13	0.008387	1651	13	0.007874	109	0	0	350	2	0.005714	1695	9	0.00531	1449	11	0.007591	1630	6	0.003681	476	2	0.004202	407	1	0.002457	101	1	0.009901
NM_0012716169	Il15ra	chr2	11705712	11733985	1856	15	0.008082	1600	14	0.00875	1711	14	0.008182	141	0	0	370	3	0.008108	1769	11	0.006218	1501	11	0.007328	1696	7	0.004127	510	3	0.005882	407	1	0.002457	121	1	0.008264
NM_0012716169	Il15ra	chr2	11705712	11733985	1856	15	0.008082	1600	14	0.00875	1711	14	0.008182	141	0	0	370	3	0.008108	1769	11	0.006218	1501	11	0.007328	1696	7	0.004127	510	3	0.005882	407	1	0.002457	121	1	0.008264
NM_0012716169	Il15ra	chr2	11705712	11733985	1856	15	0.008082	1600	14	0.00875	1711	14	0.008182	141	0	0	370	3	0.008108	1769	11	0.006218	1501	11	0.007328	1696	7	0.004127	510	3	0.005882	407	1	0.002457	121	1	0.008264
NM_0012712916	Crem	chr18	3266354	3327591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012712916	Crem	chr18	3266354	3327591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012712916	Crem	chr18	3266354	3327591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012712916	Crem	chr18	3266354	3327591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012716985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	93	40	0.430108	51	9	0.176471	73	23	0.315068	10	4	0.4	19	10	0.526316	101	28	0.277228	83	29	0.349398	62	11	0.177419	#N/A	#N/A	#N/A	15	7	0.466667	20	3	0.15
NM_0012716985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	98	90	0.918367	89	78	0.876404	45	35	0.777778	12	11	0.916667	26	22	0.846154	104	78	0.75	60	39	0.65	71	48	0.676056	10	5	0.5	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012716985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	98	90	0.918367	89	78	0.876404	45	35	0.777778	12	11	0.916667	26	22	0.846154	104	78	0.75	60	39	0.65	71	48	0.676056	10	5	0.5	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271224647	Ilrun	chr17	27751232	27820542	2571	14	0.005445	2244	16	0.00713	2301	7	0.003042	271	1	0.00369	452	3	0.006637	2524	23	0.009113	2159	26	0.012043	2457	27	0.010989	498	4	0.008032	600	0	0	189	0	0
NM_0012716985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	216	180	0.833333	116	94	0.810345	135	104	0.77037	43	32	0.744186	87	74	0.850575	232	167	0.719828	127	77	0.606299	102	76	0.745098	48	33	0.6875	56	43	0.767857	10	7	0.7
NM_0012718393	Orc2	chr1	58462771	58505109	2628	99	0.037671	2379	104	0.043716	2741	108	0.039402	759	21	0.027668	1189	27	0.022708	2828	113	0.039958	2083	146	0.070091	1827	103	0.056377	878	18	0.020501	965	38	0.039378	546	13	0.02381
NM_0012772999	Insig2	chr1	1.21E+08	1.21E+08	1640	10	0.006098	1652	10	0.006053	1686	6	0.003559	505	2	0.00396	614	0	0	2044	26	0.01272	1795	15	0.008357	1935	11	0.005685	456	4	0.008772	830	1	0.001205	193	3	0.015544
NM_0012772999	Insig2	chr1	1.21E+08	1.21E+08	1640	10	0.006098	1652	10	0.006053	1686	6	0.003559	505	2	0.00396	614	0	0	2044	26	0.01272	1795	15	0.008357	1935	11	0.005685	456	4	0.008772	830	1	0.001205	193	3	0.015544
NM_0012766722	Spag16	chr1	69826970	69926250	1098	81	0.07377	1063	48	0.045155	1265	53	0.041897	93	5	0.053763	357	23	0.064426	1110	114	0.102703	1006	114	0.11332	974	67	0.068789	519	43	0.082852	486	44	0.090535	180	20	0.111111
NM_0012771960	Myh14	chr7	44605803	44665503	491	402	0.818737	542	461	0.850554	428	368	0.859813	62	55	0.887097	128	106	0.828125	526	434	0.825095	522	480	0.91954	643	555	0.863142	112	104	0.928571	154	135	0.876623	102	88	0.862745
NM_0012771960	Myh14	chr7	44605803	44670843	685	88	0.128467	362	60	0.165746	535	75	0.140187	76	19	0.25	146	5	0.034247	776	100	0.128866	633	58	0.091627	431	55	0.12761	118	31	0.262712	165	38	0.230303	38	0	0
NM_0012718983	Cnot7	chr8	40492538	40515847	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012718983	Cnot7	chr8	40492538	40511754	4724	28	0.005927	4918	33	0.00671	5241	28	0.005342	764	5	0.006545	1048	2	0.001908	5467	22	0.004024	3872	8	0.002066	4297	30	0.006982	1313	4	0.003046	1716	11	0.00641	626	3	0.004792
NM_001271240215	Slc4a9	chr18	36528152	36544608	26	22	0.846154	36	26	0.722222	35	30	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	17	12	0.705882	36	29	0.805556	29	22	0.758621	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271240215	Slc4a9	chr18	36528152	36544608	26	22	0.846154	36	26	0.722222	35	30	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	17	12	0.705882	36	29	0.805556	29	22	0.758621	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271240215	Slc4a9	chr18	36528152	36544608	26	22	0.846154	36	26	0.722222	35	30	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	17	12	0.705882	36	29	0.805556	29	22	0.758621	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271240215	Slc4a9	chr18	36528152	36556272	26	22	0.846154	36	26	0.722222	35	30	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	17	12	0.705882	36	29	0.805556	29	22	0.758621	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271279618	Gm715	chrX	60548008	60549217	823	30	0.036452	872	27	0.030963	1045	24	0.022967	30	0	0	256	13	0.050781	364	16	0.043956	815	38	0.046626	849	26	0.030624	96	0	0	132	1	0.007576	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711634	Aire	chr10	78030022	78043610	228	75	0.328947	237	69	0.291139	237	89	0.375527	22	6	0.272727	62	18	0.290323	316	111	0.351266	302	48	0.15894	111	88	0.792793	84	26	0.309524	35	6	0.171429	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012770882	Armc3	chr2	19199118	19310243	151	47	0.311258	124	25	0.201613	150	43	0.286667	#N/A	#N/A	#N/A	28	17	0.607143	128	38	0.296875	142	14	0.098592	128	47	0.367188	40	14	0.35	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012770882	Armc3	chr2	19199118	19310243	151	47	0.311258	124	25	0.201613	150	43	0.286667	#N/A	#N/A	#N/A	28	17	0.607143	128	38	0.296875	142	14	0.098592	128	47	0.367188	40	14	0.35	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012770882	Armc3	chr2	19199118	19310243	151	47	0.311258	124	25	0.201613	150	43	0.286667	#N/A	#N/A	#N/A	28	17	0.607143	128	38	0.296875	142	14	0.098592	128	47	0.367188	40	14	0.35	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012712545	Cdc7	chr5	1.07E+08	1.07E+08	2661	54	0.020293	2535	57	0.022485	2702	58	0.021466	490	5	0.010204	849	39	0.045936	2478	50	0.020178	2317	28	0.012085	2127	55	0.025858	698	4	0.005731	1020	10	0.009804	434	3	0.006912
NM_0012712545	Cdc7	chr5	1.07E+08	1.07E+08	2661	54	0.020293	2535	57	0.022485	2702	58	0.021466	490	5	0.010204	849	39	0.045936	2478	50	0.020178	2317	28	0.012085	2127	55	0.025858	698	4	0.005731	1020	10	0.009804	434	3	0.006912
NM_0012712545	Cdc7	chr5	1.07E+08	1.07E+08	2661	54	0.020293	2535	57	0.022485	2702	58	0.021466	490	5	0.010204	849	39	0.045936	2478	50	0.020178	2317	28	0.012085	2127	55	0.025858	698	4	0.005731	1020	10	0.009804	434	3	0.006912
NM_0012773410	1700065D	chr9	95855418	95857882	1596	20	0.012531	1668	8	0.004796	1572	16	0.010178	346	2	0.00578	569	2	0.003515	1391	5	0.003595	1498	8	0.00534	1647	9	0.005464	413	1	0.002421	482	1	0.002075	245	1	0.004082
NM_0012774419	Tktl2	chr8	66511740	66519199	157	150	0.955414	235	217	0.923404	257	236	0.918288	46	45	0.978261	156	147	0.942308	236	229	0.970339	146	122	0.835616	151	136	0.900662	73	64	0.876712	165	154	0.933333	50	44	0.88
NM_0012773603	Trp53tg5	chr2	1.64E+08	1.64E+08	263	249	0.946768	292	267	0.914384	314	292	0.929936	70	61	0.871429	103	93	0.902913	317	283	0.892744	235	206	0.876596	273	235	0.860806	137	121	0.883212	93	84	0.903226	46	44	0.956522
NM_0012756546	Sec1	chr7	45677686	45694402	408	384	0.941176	263	247	0.939163	344	333	0.968023	110	103	0.936364	203	195	0.960591	421	404	0.95962	305	279	0.914754	326	293	0.898773	50	37	0.74	130	118	0.907692	33	30	0.909091
NM_0012713619	Phc1	chr6	1.22E+08	1.22E+08	3474	17	0.004893	3631	33	0.009088	3756	18	0.004792	493	3	0.006085	1025	3	0.002927	3694	36	0.009746	3593	24	0.00668	3398	18	0.005297	678	4	0.0059	1085	4	0.003687	143	0	0
NM_0012774644	4930426D	chr18	21651565	21656107	692	43	0.062139	627	28	0.044657	793	36	0.045397	85	1	0.011765	300	21	0.07	524	51	0.097328	560	65	0.116071	581	57	0.098107	337	26	0.077151	247	22	0.089069	130	15	0.115385
NM_001271381820	Smim10l1	chr6	1.33E+08	1.33E+08	869	5	0.005754	801	4	0.004994	955	6	0.006283	126	0	0	379	1	0.002639	748	3	0.004011	945	3	0.003175	784	7	0.008929	211	0	0	525	3	0.005714	261	0	0
NM_001271381820	Smim10l1	chr6	1.33E+08	1.33E+08	869	5	0.005754	801	4	0.004994	955	6	0.006283	126	0	0	379	1	0.002639	748	3	0.004011	945	3	0.003175	784	7	0.008929	211	0	0	525	3	0.005714	261	0	0
NM_0012713002	Dnajc5	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2804	20	0.007133	3391	20	0.005898	2963	26	0.008775	404	0	0	1175	3	0.002553	3572	14	0.003919	3111	21	0.00675	3062	12	0.003919	840	3	0.003571	705	2	0.002837	410	1	0.002439
NM_0012713002	Dnajc5	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2804	20	0.007133	3391	20	0.005898	2963	26	0.008775	404	0	0	1175	3	0.002553	3572	14	0.003919	3111	21	0.00675	3062	12	0.003919	840	3	0.003571	705	2	0.002837	410	1	0.002439
NM_0012713860	Eps8	chr6	1.37E+08	1.38E+08	187	173	0.925134	167	160	0.958084	175	163	0.931429	46	42	0.913043	111	101	0.90991	236	219	0.927966	189	170	0.899471	231	215	0.930736	77	71	0.922078	89	83	0.932584	55	50	0.909091
NM_0012713860	Eps8	chr6	1.37E+08	1.38E+08	3863	90	0.023298	4610	110	0.023861	4227	96	0.022711	586	15	0.025597	943	24	0.025451	3820	91	0.023822	3640	195	0.053571	3653	124	0.033945	739	32	0.043302	1043	26	0.024928	167	4	0.023952
NM_0012713860	Eps8	chr6	1.37E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271005028250	Rpl37rt	chr5	1.15E+08	1.15E+08	711	679	0.954993	630	604	0.95873	813	771	0.948339	134	133	0.992537	230	217	0.943478	739	711	0.962111	633	594	0.938389	645	615	0.953488	279	251	0.899642	258	249	0.965116	22	21	0.954545
NM_001271005028250	Rpl37rt	chr5	1.15E+08	1.15E+08	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	10	10	1
NM_0012713860	Eps8	chr6	1.37E+08	1.38E+08	187	173	0.925134	167	160	0.958084	175	163	0.931429	46	42	0.913043	111	101	0.90991	236	219	0.927966	189	170	0.899471	231	215	0.930736	77	71	0.922078	89	83	0.932584	55	50	0.909091
NM_0012720661	Sort1	chr3	1.08E+08	1.08E+08	6122	73	0.011924	6965	48	0.006892	6794	42	0.006182	921	9	0.009772	2072	8	0.003861	6459	55	0.008515	6320	35	0.005538	6792	61	0.008981	1765	8	0.004533	1877	3	0.001598	656	6	0.009146
NM_0012752683	Ncaph2	chr15	89355719	89372850	2135	373	0.174707	2222	368	0.165617	2353	366	0.155546	289	44	0.152249	828	145	0.175121	2521	390	0.154701	1928	301	0.15612	2482	354	0.142627	685	152	0.221898	993	100	0.100705	278	48	0.172662
NM_0012752683	Ncaph2	chr15	89355719	89372850	2135	373	0.174707	2222	368	0.165617	2353	366	0.155546	289	44	0.152249	828	145	0.175121	2521	390	0.154701	1928	301	0.15612	2482	354	0.142627	685	152	0.221898	993	100	0.100705	278	48	0.172662
NM_0012712703	Socs1	chr16	10783808	10785536	5227	81	0.015496	4887	67	0.01371	5623	111	0.01974	920	20	0.021739	1387	25	0.018025	5759	57	0.009898	4698	52	0.011069	5365	62	0.011556	1292	12	0.009288	2176	20	0.009191	275	3	0.010909
NM_0012712778	Ackr3	chr1	90203980	90215724	983	223	0.226857	726	157	0.216253	847	175	0.206612	174	37	0.212644	350	81	0.231429	1016	256	0.251969	812	181	0.222906	608	178	0.292763	320	68	0.2125	433	90	0.207852	89	16	0.179775
NM_0012714156	Fen1	chr19	10199132	10203921	1266	30	0.023697	1375	10	0.007273	1393	5	0.003589	140	0	0	558	0	0	1368	15	0.010965	1232	25	0.020292	1388	29	0.020893	417	1	0.002398	471	16	0.03397	33	1	0.030303
NM_0012714156	Fen1	chr19	10199132	10203921	1266	30	0.023697	1375	10	0.007273	1393	5	0.003589	140	0	0	558	0	0	1368	15	0.010965	1232	25	0.020292	1388	29	0.020893	417	1	0.002398	471	16	0.03397	33	1	0.030303
NM_0012714181	Fgfbp1	chr5	43978858	43981799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012714611	Gja3	chr14	57034460	57057723	3874	213	0.054982	3507	203	0.057884	4146	239	0.057646	644	103	0.159938	1276	139	0.108934	3933	261	0.066362	3840	193	0.05026	2947	255	0.086529	1201	82	0.068276	1463	142	0.097061	164	19	0.115854
NM_0012712393	Runx2	chr17	44603989	44814627	62	20	0.322581	76	20	0.263158	66	16	0.242424	#N/A	#N/A	#N/A	60	27	0.45	64	22	0.34375	26	9	0.346154	76	17	0.223684	24	6	0.25	20	3	0.15	20	12	0.6
NM_0012714613	Gja5	chr3	97032402	97053634	86	3	0.034884	84	2	0.02381	64	2	0.03125	#N/A	#N/A	#N/A	152	14	0.092105	90	8	0.088889	106	2	0.018868	134	7	0.052239	84	10	0.119048	26	0	0	30	3	0.1
NM_0012712393	Runx2	chr17	44603989	44736176	4405	56	0.012713	4118	63	0.015299	4716	65	0.013783	774	11	0.014212	1595	19	0.011912	5227	54	0.010331	4301	50	0.011625	3890	73	0.018766	1204	22	0.018272	1528	11	0.007199	495	1	0.00202
NM_0012712393	Runx2	chr17	44603989	44736176	4405	56	0.012713	4118	63	0.015299	4716	65	0.013783	774	11	0.014212	1595	19	0.011912	5227	54	0.010331	4301	50	0.011625	3890	73	0.018766	1204	22	0.018272	1528	11	0.007199	495	1	0.00202
NM_0012714623	Gjb6	chr14	57123301	57133611	2614	278	0.10635	2464	216	0.087662	2573	215	0.08356	368	23	0.0625	1111	92	0.082808	2327	261	0.112162	2297	171	0.074445	2720	197	0.072426	770	53	0.068831	901	75	0.083241	55	9	0.163636
NM_0012715953	Ifi47	chr11	49087017	49096987	287	58	0.202091	236	58	0.245763	245	55	0.22449	75	2	0.026667	169	61	0.360947	426	74	0.173709	288	65	0.225694	277	52	0.187726	138	40	0.289855	187	53	0.283422	11	0	0
NM_0012715953	Ifi47	chr11	49076587	49096987	96	55	0.572917	84	65	0.77381	85	63	0.741176	20	16	0.8	45	20	0.444444	84	26	0.309524	86	20	0.232558	86	36	0.418605	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271279561	Wnk3	chrX	1.51E+08	1.51E+08	104	80	0.769231	84	75	0.892857	96	86	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	102	76	0.745098	54	40	0.740741	86	61	0.709302	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_001271279561	Wnk3	chrX	1.51E+08	1.51E+08	104	80	0.769231	84	75	0.892857	96	86	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	102	76	0.745098	54	40	0.740741	86	61	0.709302	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716516	Kcnj15	chr16	95257558	95300260	138	27	0.195652	140	40	0.285714	178	47	0.264045	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	118	52	0.440678	132	51	0.386364	185	58	0.313514	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769
NM_0012716539	Kcns2	chr15	34838049	34843407	4000	299	0.07475	3628	238	0.065601	4138	226	0.054616	741	44	0.059379	1543	183	0.1186	4128	361	0.087452	3268	294	0.089963	3439	453	0.131724	1200	221	0.184167	1618	153	0.094561	296	55	0.185811
NM_0012718654	Pgf	chr12	85166639	85175982	855	27	0.031579	929	26	0.027987	899	30	0.03337	105	5	0.047619	303	3	0.009901	744	14	0.018817	774	41	0.052972	783	33	0.042146	111	4	0.036036	283	20	0.070671	105	1	0.009524
NM_0012716981	Lrrn3	chr12	41451668	41486057	506	273	0.539526	486	288	0.592593	450	260	0.577778	134	83	0.619403	232	128	0.551724	497	235	0.472837	413	234	0.566586	389	176	0.452442	169	86	0.508876	277	170	0.613718	147	91	0.619048
NM_0012716981	Lrrn3	chr12	41451668	41486057	506	273	0.539526	486	288	0.592593	450	260	0.577778	134	83	0.619403	232	128	0.551724	497	235	0.472837	413	234	0.566586	389	176	0.452442	169	86	0.508876	277	170	0.613718	147	91	0.619048
NM_0012717200	Mc2r	chr18	68406899	68429320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012717200	Mc2r	chr18	68406899	68427840	91	80	0.879121	105	95	0.904762	92	78	0.847826	13	12	0.923077	44	43	0.977273	66	56	0.848485	76	56	0.736842	67	42	0.626866	54	39	0.722222	17	9	0.529412	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012720930	Surf1	chr2	26913378	26916530	1331	57	0.042825	898	55	0.061247	1257	62	0.049324	92	16	0.173913	405	38	0.093827	1558	90	0.057766	1200	37	0.030833	1165	51	0.043777	339	15	0.044248	422	17	0.040284	154	10	0.064935
NM_0012780890	Trim2	chr3	84160439	84270783	541	277	0.512015	638	301	0.471787	509	276	0.54224	71	38	0.535211	178	115	0.646067	599	324	0.540902	511	327	0.639922	397	226	0.56927	280	161	0.575	229	149	0.650655	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012780890	Trim2	chr3	84160439	84304775	94	34	0.361702	82	24	0.292683	104	24	0.230769	20	1	0.05	96	3	0.03125	248	53	0.21371	142	10	0.070423	104	19	0.182692	#N/A	#N/A	#N/A	64	13	0.203125	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012780890	Trim2	chr3	84160439	84259779	2214	13	0.005872	1831	10	0.005461	2466	15	0.006083	304	1	0.003289	974	3	0.00308	2561	16	0.006248	2016	9	0.004464	1811	6	0.003313	1022	5	0.004892	971	2	0.00206	285	1	0.003509
NM_0012780890	Trim2	chr3	84160439	84212838	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012721877	Tk1	chr11	1.18E+08	1.18E+08	628	55	0.08758	612	43	0.070261	583	41	0.070326	38	12	0.315789	297	25	0.084175	607	59	0.097199	356	37	0.103933	593	37	0.062395	147	11	0.07483	269	38	0.141264	88	6	0.068182
NM_0012722433	Xbp1	chr11	5520641	5525993	3092	17	0.005498	2497	15	0.006007	2427	11	0.004532	710	1	0.001408	861	0	0	3130	16	0.005112	2850	14	0.004912	2821	20	0.00709	674	5	0.007418	1466	4	0.002729	416	4	0.009615
NM_0012713436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
NM_0012713436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
NM_0012713436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
NM_0012713436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
NM_0012713435	Dnmt3a	chr12	3807160	3914443	11365	94	0.008271	11853	101	0.008521	12901	69	0.005348	1485	2	0.001347	1790	21	0.011732	11747	118	0.010045	10607	92	0.008674	12889	106	0.008224	2221	9	0.004052	2598	14	0.005389	372	3	0.008065
NM_0012722419	Wnt5b	chr6	1.19E+08	1.19E+08	448	116	0.258929	323	70	0.216718	390	81	0.207692	72	1	0.013889	115	16	0.13913	508	138	0.271654	349	108	0.309456	289	93	0.321799	89	7	0.078652	105	0	0	33	0	0
NM_0012722419	Wnt5b	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012711549	Adra1a	chr14	66635251	66733462	516	30	0.05814	299	21	0.070234	518	33	0.063707	158	4	0.025316	148	8	0.054054	496	25	0.050403	459	19	0.041394	447	8	0.017897	134	7	0.052239	73	1	0.013699	99	3	0.030303
NM_0012711549	Adra1a	chr14	66635251	66733462	516	30	0.05814	299	21	0.070234	518	33	0.063707	158	4	0.025316	148	8	0.054054	496	25	0.050403	459	19	0.041394	447	8	0.017897	134	7	0.052239	73	1	0.013699	99	3	0.030303
NM_0012711549	Adra1a	chr14	66635251	66771168	516	30	0.05814	299	21	0.070234	518	33	0.063707	158	4	0.025316	148	8	0.054054	496	25	0.050403	459	19	0.041394	447	8	0.017897	134	7	0.052239	73	1	0.013699	99	3	0.030303
NM_0012759069	Tpm3	chr3	90079521	90100902	2354	7	0.002974	2101	6	0.002856	2413	16	0.006631	602	3	0.004983	894	3	0.003356	2656	16	0.006024	1967	16	0.008134	2105	14	0.006651	851	3	0.003525	848	2	0.002358	394	2	0.005076
NM_0012764095	Gpr35	chr1	92975347	92986391	87	77	0.885057	86	82	0.953488	111	105	0.945946	10	9	0.9	48	44	0.916667	106	89	0.839623	86	68	0.790698	89	73	0.820225	31	18	0.580645	42	36	0.857143	11	10	0.909091
NM_0012779362	Bhlhe41	chr6	1.46E+08	1.46E+08	4122	58	0.014071	3658	23	0.006288	4179	55	0.013161	795	6	0.007547	1086	13	0.011971	4352	45	0.01034	4255	40	0.009401	4342	37	0.008521	1000	6	0.006	1478	8	0.005413	405	4	0.009877
NM_0012720482	Skil	chr3	31095058	31122923	9880	58	0.00587	8645	77	0.008907	9581	85	0.008872	1311	1	0.000763	2070	18	0.008696	11358	88	0.007748	9225	55	0.005962	10641	67	0.006296	2404	12	0.004992	2636	14	0.005311	200	0	0
NM_0012769379	C8g	chr2	25498650	25501719	969	73	0.075335	991	106	0.106963	875	52	0.059429	108	2	0.018519	497	48	0.096579	1068	109	0.10206	1156	110	0.095156	948	76	0.080169	340	16	0.047059	558	65	0.116487	197	21	0.106599
NM_0012768098	Rchy1	chr5	91948842	91963068	2156	12	0.005566	1800	6	0.003333	1883	27	0.014339	461	1	0.002169	656	2	0.003049	1827	14	0.007663	1486	11	0.007402	1701	8	0.004703	808	0	0	593	2	0.003373	184	0	0
NM_001271211712	Pcdh9	chr14	93013700	93890669	1861	175	0.094035	1527	107	0.070072	1685	101	0.059941	265	28	0.10566	684	62	0.090643	1895	194	0.102375	1668	224	0.134293	1534	167	0.108866	585	62	0.105983	550	79	0.143636	337	53	0.15727
NM_001271211712	Pcdh9	chr14	93013700	93890669	1861	175	0.094035	1527	107	0.070072	1685	101	0.059941	265	28	0.10566	684	62	0.090643	1895	194	0.102375	1668	224	0.134293	1534	167	0.108866	585	62	0.105983	550	79	0.143636	337	53	0.15727
NM_001271211712	Pcdh9	chr14	93013700	93890669	1861	175	0.094035	1527	107	0.070072	1685	101	0.059941	265	28	0.10566	684	62	0.090643	1895	194	0.102375	1668	224	0.134293	1534	167	0.108866	585	62	0.105983	550	79	0.143636	337	53	0.15727
NM_0012711604	Agrp	chr8	1.06E+08	1.06E+08	61	54	0.885246	45	45	1	44	40	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	37	34	0.918919	89	81	0.910112	83	76	0.915663	60	51	0.85	32	27	0.84375	40	35	0.875	32	32	1

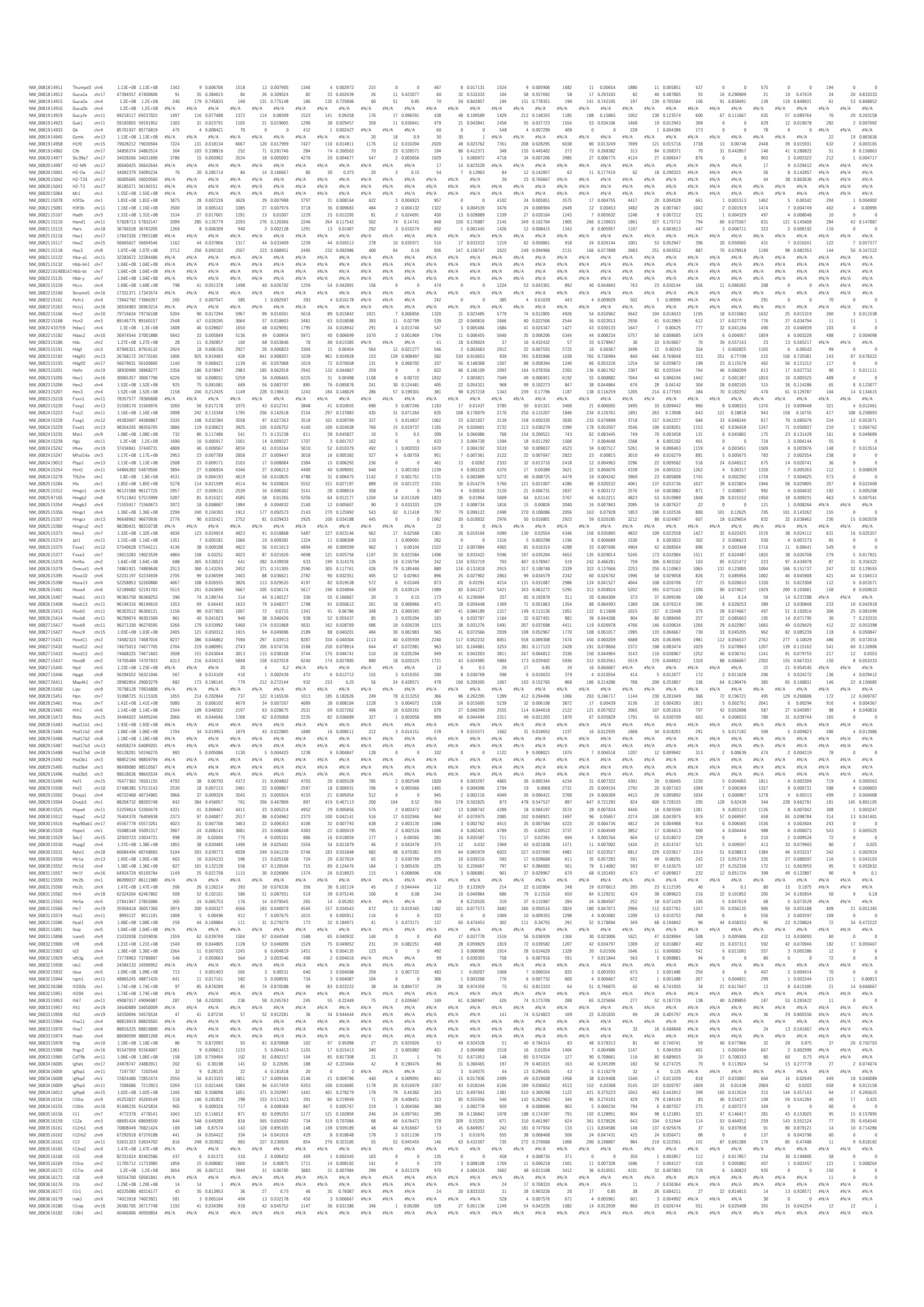
NM_0012824136	Zeb2	chr2	44983512	45110277	3854	38	0.00986	3802	42	0.011047	3679	37	0.010057	631	1	0.001585	1144	8	0.006993	4144	33	0.007963	4224	31	0.007339	4222	37	0.008764	824	2	0.002427	1402	13	0.009272	281	2	0.007117
NM_0012869719	Cad	chr5	31054780	31078479	2303	102	0.04429	2016	123	0.061012	2123	107	0.0504	343	17	0.049563	1010	74	0.073267	2419	126	0.052088	1961	94	0.047935	2040	146	0.071569	677	35	0.051699	799	71	0.088861	272	36	0.132353
NM_0012869719	Cad	chr5	31054780	31078479	2303	102	0.04429	2016	123	0.061012	2123	107	0.0504	343	17	0.049563	1010	74	0.073267	2419	126	0.052088	1961	94	0.047935	2040	146	0.071569	677	35	0.051699	799	71	0.088861	272	36	0.132353
NM_0012867144	Lrrc40	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
NM_0012867144	Lrrc40	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
NM_0012856070	Tcerg1	chr18	42511487	42575785	3071	14	0.004559	3086	20	0.006481	3414	24	0.00703	498	1	0.002008	1021	5	0.004897	3311	42	0.012685	2902	19	0.006547	2687	12	0.004466	791	6	0.007585	1184	2	0.001689	314	0	0
NM_0012870797	Ankib1	chr5	3689999	3803124	3672	21	0.005719	3977	38	0.009555	4554	24	0.00527	877	2	0.002281	1666	9	0.005402	4114	31	0.007535	3963	20	0.005047	3879	29	0.007476	1432	2	0.001397	1522	5	0.003285	618	3	0.004854
NM_0012870797	Ankib1	chr5	3689999	3803124	3672	21	0.005719	3977	38	0.009555	4554	24	0.00527	877	2	0.002281	1666	9	0.005402	4114	31	0.007535	3963	20	0.005047	3879	29	0.007476	1432	2	0.001397	1522	5	0.003285	618	3	0.004854
NM_0012870797	Ankib1	chr5	3689999	3772787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012894191	Adarb2	chr13	8202866	8760442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	3	0.107143	#N/A	#N/A	#N/A	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012866054	Cndp2	chr18	84667465	84682059	47	30	0.638298	86	50	0.581395	50	29	0.58	#N/A	#N/A	#N/A	101	83	0.821782	35	15	0.428571	60	30	0.5	62	40	0.645161	93	47	0.505376	51	31	0.607843	20	17	0.85
NM_0012867981	Hormad1	chr3	95559677	95587860	1479	1318	0.891143	1576	1408	0.893401	1569	1409	0.898024	83	78	0.939759	432	390	0.902778	1332	1199	0.90015	1377	1144	0.830792	1295	1141	0.881081	314	273	0.869427	417	313	0.7506	147	115	0.782313
NM_0012814200	Fhl2	chr1	43123071	43196761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012867981	Hormad1	chr3	95559677	95587860	1479	1318	0.891143	1576	1408	0.893401	1569	1409	0.898024	83	78	0.939759	432	390	0.902778	1332	1199	0.90015	1377	1144	0.830792	1295	1141	0.881081	314	273	0.869427	417	313	0.7506	147	115	0.782313
NM_0012871116	Stx18	chr5	38039230	38137770	1917	6	0.00313	1911	14	0.007326	2010	8	0.00398	341	1	0.002933	699	1	0.001431	2021	3	0.001484	1891	15	0.007932	1805	2	0.001108	610	2	0.003279	557	1	0.001795	463	0	0
NM_0012871116	Stx18	chr5	38039230	38137770	1917	6	0.00313	1911	14	0.007326	2010	8	0.00398	341	1	0.002933	699	1	0.001431	2021	3	0.001484	1891	15	0.007932	1805	2	0.001108	610	2	0.003279	557	1	0.001795	463	0	0
NM_0012867981	Hormad1	chr3	95559677	95585798	1479	1318	0.891143	1576	1408	0.893401	1569	1409	0.898024	83	78	0.939759	432	390	0.902778	1332	1199	0.90015	1377	1144	0.830792	1295	1141	0.881081	314	273	0.869427	417	313	0.7506	147	115	0.782313
NM_0012820399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1016	6	0.005906	1030	20	0.019417	1070	14	0.013084	124	0	0	350	4	0.011429	1039	4	0.00385	893	13	0.014558	1146	12	0.010471	231	2	0.008658	356	1	0.002809	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012820399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1016	6	0.005906	1030	20	0.019417	1070	14	0.013084	124	0	0	350	4	0.011429	1039	4	0.00385	893	13	0.014558	1146	12	0.010471	231	2	0.008658	356	1	0.002809	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012820399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1016	6	0.005906	1030	20	0.019417	1070	14	0.013084	124	0	0	350	4	0.011429	1039	4	0.00385	893	13	0.014558	1146	12	0.010471	231	2	0.008658	356	1	0.002809	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012820399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1016	6	0.005906	1030	20	0.019417	1070	14	0.013084	124	0	0	350	4	0.011429	1039	4	0.00385	893	13	0.014558	1146	12	0.010471	231	2	0.008658	356	1	0.002809	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012820399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1016	6	0.005906	1030	20	0.019417	1070	14	0.013084	124	0	0	350	4	0.011429	1039	4	0.00385	893	13	0.014558	1146	12	0.010471	231	2	0.008658	356	1	0.002809	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012872399	Brap	chr5	1.22E+08	1.22E+08	2358	12	0.005089	2391	30	0.012547	2799	15	0.005359	200	1	0.005	686	4	0.005831	2563	16	0.006243	2594	17	0.006554	2981	18	0.006038	453	2	0.004415	987	0	0	307	2	0.006515
NM_0012872399	Brap	chr5	1.22E+08	1.22E+08	2358	12	0.005089	2391	30	0.012547	2809	18	0.006408	200	1	0.005	686	4	0.005831	2579	23	0.008918	2610	21	0.008046	2993	22	0.00735	453	2	0.004415	987	0	0	307	2	0.006515
NM_0012872522	Atxn7l2	chr3	1.08E+08	1.08E+08	1605	18	0.011215	1199	36	0.030025	1173	13	0.011083	210	5	0.02381	555	3	0.005405	1560	44	0.028205	1242	6	0.004831	1229	6	0.004882	360	1	0.002778	757	32	0.042272	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128218038	Amph	chr13	18948351	19150919	2344	62	0.026451	2042	46	0.022527	2563	68	0.026531	493	11	0.022312	1218	47	0.038588	2501	75	0.029988	2044	105	0.05137	1691	63	0.037256	909	26	0.028603	845	40	0.047337	430	12	0.027907
NM_0012850935	St6galnac	chr2	32606985	32620809	1481	119	0.080351	1357	121	0.089167	1339	128	0.095594	113	30	0.265487	470	102	0.217021	1604	167	0.104115	1579	59	0.037365	1553	112	0.072118	200	12	0.06	336	71	0.21131	67	43	0.641791
NM_0012850935	St6galnac	chr2	32606985	32620809	1481	119	0.080351	1357	121	0.089167	1339	128	0.095594	113	30	0.265487	470	102	0.217021	1604	167	0.104115	1579	59	0.037365	1553	112	0.072118	200	12	0.06	336	71	0.21131	67	43	0.641791
NM_0012850935	St6galnac	chr2	32606985	32620809	1481	119	0.080351	1357	121	0.089167	1339	128	0.095594	113	30	0.265487	470	102	0.217021	1604	167	0.104115	1579	59	0.037365	1553	112	0.072118	200	12	0.06	336	71	0.21131	67	43	0.641791
NM_0012821804	Tgfb1i1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	280	6	0.021429	269	22	0.081784	330	21	0.063636	90	4	0.044444	138	17	0.123188	375	27	0.072	339	23	0.067847	305	55	0.180328	110	14	0.127273	90	6	0.066667	75	5	0.066667
NM_0012821804	Tgfb1i1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	280	6	0.021429	269	22	0.081784	330	21	0.063636	90	4	0.044444	138	17	0.123188	375	27	0.072	339	23	0.067847	305	55	0.180328	110	14	0.127273	90	6	0.066667	75	5	0.066667
NM_0012821804	Tgfb1i1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	280	6	0.021429	269	22	0.081784	330	21	0.063636	90	4	0.044444	138	17	0.123188	375	27	0.072	339	23	0.067847	305	55	0.180328	110	14	0.127273	90	6	0.066667	75	5	0.066667
NM_0012821804	Tgfb1i1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	280	6	0.021429	269	22	0.081784	330	21	0.063636	90	4	0.044444	138	17	0.123188	375	27	0.072	339	23	0.067847	305	55	0.180328	110	14	0.127273	90	6	0.066667	75	5	0.066667
NM_0012876571	Styxl1	chr5	1.36E+08	1.36E+08	4101	25	0.006096	3946	30	0.007603	4439	32	0.007209	656	1	0.001524	1334	13	0.009745	4432	57	0.012861	3669	31	0.008449	4166	43	0.010322	1156	8	0.00692	1572	17	0.010814	278	0	0
NM_0012876571	Styxl1	chr5	1.36E+08	1.36E+08	4101	25	0.006096	3946	30	0.007603	4439	32	0.007209	656	1	0.001524	1334	13	0.009745	4432	57	0.012861	3669	31	0.008449	4166	43	0.010322	1156	8	0.00692	1572	17	0.010814	278	0	0
NM_0012876571	Styxl1	chr5	1.36E+08	1.36E+08	4101	25	0.006096	3946	30	0.007603	4439	32	0.007209	668	12	0.017964	1371	35	0.025529	4432	57	0.012861	3669	31	0.008449	4166	43	0.010322	1156	8	0.00692	1572	17	0.010814	291	12	0.041237
NM_0012876571	Styxl1	chr5	1.36E+08	1.36E+08	4101	25	0.006096	3946	30	0.007603	4439	32	0.007209	668	12	0.017964	1371	35	0.025529	4432	57	0.012861	3669	31	0.008449	4166	43	0.010322	1156	8	0.00692	1572	17	0.010814	291	12	0.041237
NM_00128215494	Pomgnt2	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1579	72	0.045598	1310	33	0.025191	1595	57	0.035737	160	8	0.05	428	20	0.046729	1780	69	0.038764	1657	57	0.0344	1803	58	0.032169	368	15	0.040761	499	12	0.024048	189	8	0.042328
NM_00128215494	Pomgnt2	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1579	72	0.045598	1310	33	0.025191	1595	57	0.035737	160	8	0.05	428	20	0.046729	1780	69	0.038764	1657	57	0.0344	1803	58	0.032169	368	15	0.040761	499	12	0.024048	189	8	0.042328
NM_00128215494	Pomgnt2	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1579	72	0.045598	1310	33	0.025191	1595	57	0.035737	160	8	0.05	428	20	0.046729	1780	69	0.038764	1657	57	0.0344	1803	58	0.032169	368	15	0.040761	499	12	0.024048	189	8	0.042328
NM_0012893734	Mpv17l	chr16	13940665	13949619	1852	86	0.046436	1709	36	0.021065	1880	46	0.024468	469	15	0.031983	808	54	0.066832	2052	89	0.043372	1793	53	0.029559	1338	54	0.040359	591	9	0.015228	699	25	0.035765	311	5	0.016077
NM_0012893734	Mpv17l	chr16	13903161	13949619	2967	82	0.027637	2866	63	0.021982	3180	83	0.026101	331	11	0.033233	1008	52	0.051587	3148	78	0.024778	3003	38	0.012654	3195	79	0.024726	902	19	0.021064	1331	29	0.021788	217	6	0.02765
NM_0012893734	Mpv17l	chr16	13940629	13949619	1838	74	0.040261	1699	27	0.015892	1865	33	0.017694	469	15	0.031983	808	54	0.066832	2030	70	0.034483	1779	43	0.024171	1322	39	0.029501	591	9	0.015228	699	25	0.035765	311	5	0.016077
NM_00128140498	Rxfp2	chr5	1.5E+08	1.5E+08	367	193	0.525886	301	141	0.468439	345	198	0.573913	118	58	0.491525	177	107	0.60452	316	152	0.481013	265	128	0.483019	230	93	0.404348	181	85	0.469613	60	29	0.483333	52	27	0.519231
NM_0012893734	Mpv17l	chr16	13940629	13949619	1838	74	0.040261	1699	27	0.015892	1865	33	0.017694	469	15	0.031983	808	54	0.066832	2030	70	0.034483	1779	43	0.024171	1322	39	0.029501	591	9	0.015228	699	25	0.035765	311	5	0.016077
NM_00128140498	Rxfp2	chr5	1.5E+08	1.5E+08	367	193	0.525886	301	141	0.468439	345	198	0.573913	118	58	0.491525	177	107	0.60452	316	152	0.481013	265	128	0.483019	230	93	0.404348	181	85	0.469613	60	29	0.483333	52	27	0.519231
NM_0012893734	Mpv17l	chr16	13940665	13949619	1852	86	0.046436	1709	36	0.021065	1880	46	0.024468	469	15	0.031983	808	54	0.066832	2052	89	0.043372	1793	53	0.029559	1338	54	0.040359	591	9	0.015228	699	25	0.035765	311	5	0.016077
NM_0012872776	Sass6	chr3	1.17E+08	1.17E+08	1225	9	0.007347	1165	12	0.0103	1320	9	0.006818	327	1	0.003058	790	11	0.013924	1387	10	0.00721	1112	4	0.003597	971	3	0.00309	196	1	0.005102	373	0	0	262	1	0.003817
NM_00128231571	Rpap2	chr5	1.08E+08	1.08E+08	744	5	0.00672	787	9	0.011436	737	2	0.002714	156	1	0.00641	305	1	0.003279	886	9	0.010158	686	2	0.002915	577	7	0.012132	328	2	0.006098	312	1	0.003205	160	0	0
NM_00128231571	Rpap2	chr5	1.08E+08	1.08E+08	744	5	0.00672	787	9	0.011436	737	2	0.002714	156	1	0.00641	305	1	0.003279	886	9	0.010158	686	2	0.002915	577	7	0.012132	328	2	0.006098	312	1	0.003205	160	0	0
NM_0012872776	Sass6	chr3	1.17E+08	1.17E+08	1225	9	0.007347	1165	12	0.0103	1320	9	0.006818	327	1	0.003058	790	11	0.013924	1387	10	0.00721	1112	4	0.003597	971	3	0.00309	196	1	0.005102	373	0	0	262	1	0.003817
NM_00128104871	Spata7	chr12	98628142	98669819	583	6	0.010292	534	9	0.016854	651	6	0.009217	84	0	0	288	16	0.055556	613	9	0.014682	661	22	0.033283	397	2	0.005038	146	1	0.006849	121	5	0.041322	87	1	0.011494
NM_00128104871	Spata7	chr12	98628142	98669819	583	6	0.010292	534	9	0.016854	651	6	0.009217	84	0	0	288	16	0.055556	613	9	0.014682	661	22	0.033283	397	2	0.005038	146	1	0.006849	121	5	0.041322	87	1	0.011494
NM_00128104871	Spata7	chr12	98628142	98669819	583	6	0.010292	534	9	0.016854	651	6	0.009217	84	0	0	288	16	0.055556	613	9	0.014682	661	22	0.033283	397	2	0.005038	146	1	0.006849	121	5	0.041322	87	1	0.011494
NM_0012864930	Tsc1	chr2	28641233	28691172	1675	14	0.008358	1701	21	0.012346	1753	11	0.006275	299	4	0.013378	452	3	0.006637	1552	4	0.002577	1557	7	0.004496	1579	9	0.0057	542	1	0.001845	534	1	0.001873	22	1	0.045455
NM_0012864930	Tsc1	chr2	28641233	28691172	1675	14	0.008358	1701	21	0.012346	1753	11	0.006275	299	4	0.013378	452	3	0.006637	1552	4	0.002577	1557	7	0.004496	1579	9	0.0057	542	1	0.001845	534	1	0.001873	22	1	0.045455
NM_00128231600	Chfr	chr5	1.1E+08	1.1E+08	831	19	0.022864	787	7	0.008895	680	2	0.002941	242	1	0.004132	515	2	0.003883	754	11	0.014589	791	6	0.007585	771	14	0.018158	312	9	0.028846	378	1	0.002646	65	1	0.015385
NM_00128231600	Chfr	chr5	1.1E+08	1.1E+08	831	19	0.022864	787	7	0.008895	680	2	0.002941	242	1	0.004132	515	2	0.003883	754	11	0.014589	791	6	0.007585	771	14	0.018158	312	9	0.028846	378	1	0.002646	65	1	0.015385
NM_00128231600	Chfr	chr5	1.1E+08	1.1E+08	831	19	0.022864	787	7	0.008895	680	2	0.002941	242	1	0.004132	515	2	0.003883	754	11	0.014589	791	6	0.007585	771	14	0.018158	312	9	0.028846	378	1	0.002646	65	1	0.015385
NM_00128231600	Chfr	chr5	1.1E+08	1.1E+08	831	19	0.022864	787	7	0.008895	680	2	0.002941	242	1	0.004132	515	2	0.003883	754	11	0.014589	791	6	0.007585	771	14	0.018158	312	9	0.028846	378	1	0.002646	65	1	0.015385
NM_00128239759	Liph	chr16	21953817	21995542	81	61	0.753086	73	47	0.643836	78	52	0.666667	21	20	0.952381	42	22	0.52381	66	47	0.712121	73	47	0.643836	70	41	0.585714	40	30	0.75	19	13	0.684211	23	19	0.826087
NM_00128239759	Liph	chr16	21953817	21995542	81	61	0.753086	73	47	0.643836	78	52	0.666667	21	20	0.952381	42	22	0.52381	66	47	0.712121	73	47	0.643836	70	41	0.585714	40	30	0.75	19	13	0.684211	23	19	0.826087
NM_0012883671	Sytl2	chr7	90302355	90410719	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
NM_0012883671	Sytl2	chr7	90302355	90410719	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
NM_0012883671	Sytl2	chr7	90386981	90410719	542	395	0.728782	517	365	0.705996	610	435	0.713115	196	156	0.795918	231	161	0.69697	550	399	0.725455	468	316	0.675214	439	232	0.528474	198	93	0.469697	225	160	0.711111	171	106	0.619883
NM_0012883671	Sytl2	chr7	90386981	90410719	542	395	0.728782	517	365	0.705996	610	435	0.713115	196	156	0.795918	231	161	0.69697	550	399	0.725455	468	316	0.675214	439	232	0.528474	198	93	0.469697	225	160	0.711111	171	106	0.619883
NM_0012814663	Glycam1	chr15	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128231858	Radil	chr5	1.42E+08	1.43E+08	1008	34	0.03373	1113	44	0.039533	1156	32	0.027682	47	1	0.021277	242	9	0.03719	929	29	0.031216	1145	62	0.054148	1193	71	0.059514	188	14	0.074468	395	31	0.078481	40	3	0.075
NM_00128231866	Zfp12	chr5	1.43E+08	1.43E+08	546	114	0.208791	642	115	0.179128	713	65	0.091164	77	22	0.285714	152	39	0.256579	505	170	0.336634	611	138	0.225859	677	117	0.172821	185	36	0.194595	142	42	0.295775	26	5	0.192308
NM_00128231866	Zfp12	chr5	1.43E+08	1.43E+08	546	114	0.208791	642	115	0.179128	713	65	0.091164	77	22	0.285714	152	39	0.256579	505	170	0.336634	611	138	0.225859	677	117	0.172821	185	36	0.194595	142	42	0.295775	26	5	0.192308
NM_0012872512	Sting1	chr18	35733678	35740554	434	286	0.658986	434	306	0.705069	390	252	0.646154	88	61	0.693182	169	108	0.639053	502	306	0.609562	341	204	0.59824	337	171	0.507418	133	61	0.458647	119	76	0.638655	78	54	0.692308
NM_0012872512	Sting1	chr18	35733678	35740554	434	286	0.658986	434	306	0.705069	390	252	0.646154	88	61	0.693182	169	108	0.639053	502	306	0.609562	341	204	0.59824	337	171	0.507418	133	61	0.458647	119	76	0.638655	78	54	0.692308
NM_0012870789	Kynu	chr2	43555325	43680216	74	29	0.391892	45	11	0.244444	50	12	0.24	10	2	0.2	58	21	0.362069	51	15	0.294118	50	7	0.14	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	13	0.270833	13	0	0
NM_0012870789	Kynu	chr2	43555325	43636758	74	29	0.391892	45	11	0.244444	50	12	0.24	10	2	0.2	58	21	0.362069	51	15	0.294118	50	7	0.14	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	13	0.270833	13	0	0
NM_00128319653	Slc25a40	chr5	8422838	8454839	3244	31	0.009556	3203	17	0.005308	3505	31	0.008845	631	4	0.006339	1319	5	0.003791	3382	28	0.008279	3518	47	0.01336	3907	41	0.010494	655	6	0.00916	1162	24	0.020654	278	1	0.003597
NM_00128319653	Slc25a40	chr5	8422838	8454839	3244	31	0.009556	3203	17	0.005308	3505	31	0.008845	631	4	0.006339	1319	5	0.003791	3382	28	0.008279	3518	47	0.01336	3907	41	0.010494	655	6	0.00916	1162	24	0.020654	278	1	0.003597
NM_00128105245	Txndc5	chr13	38500266	38528824	3902	27	0.00692	3792	22	0.005802	4203	23	0.005472	868	2	0.002304	1285	2	0.001556	3968	31	0.007813	3558	27	0.007589	3810	20	0.005249	1260	3	0.002381	1501	15	0.009993	1104	1	0.000906
NM_00128105245	Txndc5	chr13	38500266	38527914	4174	29	0.006948	4104	24	0.005848	4504	25	0.005551	945	2	0.002116	1396	2	0.001433	4304	33	0.007667	3825	29	0.007582	4116	22	0.005345	1354	3	0.002216	1625	15	0.009231	1134	1	0.000882
NM_0012873182	Pear1	chr3	87749097	87768953	728	231	0.317308	551	213	0.38657	713	201	0.281907	195	50	0.25641	243	133	0.547325	623	250	0.401284	706	224	0.31728	750	210	0.28	137	52	0.379562	332	136	0.409639	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012873182	Pear1	chr3	87749097	87768953	728	231	0.317308	551	213	0.38657	713	201	0.281907	195	50	0.25641	243	133	0.547325	623	250	0.401284	706	224	0.31728	750	210	0.28	137	52	0.379562	332	136	0.409639	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012874002	Psd2	chr18	35964830	36014715	1260	104	0.08254	1067	86	0.0806	1347	145	0.107647	114	7	0.061404	344	40	0.116279	1351	124	0.091784	797	77	0.096612	896	86	0.095982	346	14	0.040462	611	38	0.062193	129	20	0.155039
NM_0012821422	Tfcp2	chr15	1.01E+08	1.01E+08	3331	26	0.007805	3033	23	0.007583	3187	45	0.01412	347	3	0.008646	639	3	0.004695	3297	62	0.018805	3078	39	0.012671	3401	53	0.015584	1198	2	0.001669	931	6	0.006445	201	0	0
NM_0012816634	Klra3	chr6	1.3E+08	1.3E+08	373	325	0.871314	430	357	0.830233	481	420	0.873181	112	85	0.758929	212	183	0.863208	330	209	0.633333	385	284	0.737662	285	191	0.670175	173	104	0.601156	40	24	0.6	130	76	0.584615
NM_0012816634	Klra3	chr6	1.3E+08	1.3E+08	373	325	0.871314	430	357	0.830233	481	420	0.873181	112	85	0.758929	212	183	0.863208	330	209	0.633333	385	284	0.737662	285	191	0.670175	173	104	0.601156	40	24	0.6	130	76	0.584615
NM_0012878656	Brd8	chr18	34598615	34624863	1255	90	0.071713	989	77	0.077856	1119	33	0.029491	243	2	0.00823	499	38	0.076152	1368	61	0.044591	1098	62	0.056466	1136	62	0.054577	399	21	0.052632	493	52	0.105477	146	0	0
NM_0012878656	Brd8	chr18	34598615	34624863	1255	90	0.071713	989	77	0.077856	1119	33	0.029491	243	2	0.00823	499	38	0.076152	1368	61	0.044591	1098	62	0.056466	1136	62	0.054577	399	21	0.052632	493	52	0.105477	146	0	0
NM_0012875812	Tasp1	chr2	1.4E+08	1.4E+08	826	4	0.004843	822	7	0.008516	856	4	0.004673	72	0	0	78	0	0	681	3	0.004405	432	2	0.00463	517	2	0.003868	72	0	0	183	1	0.005464	36	0	0
NM_0012822637	Zap70	chr1	36778984	36782820	314	293	0.933121	363	340	0.936639	299	275	0.919732	#N/A	#N/A	#N/A	183	169	0.923497	225	206	0.915556	238	220	0.92437	366	318	0.868852	#N/A	#N/A	#N/A	72	67	0.930556	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012878784	Celf3	chr3	94478466	94492198	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
NM_00128238555	Btn2a2	chr13	23477063	23488857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	4	0.166667	11	5	0.454545	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128238555	Btn2a2	chr13	23477063	23488857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	4	0.166667	11	5	0.454545	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012878784	Celf3	chr3	94478295	94492198	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
NM_0012822793	Zyx	chr6	42349828	42360213	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
NM_0012822793	Zyx	chr6	42349828	42358562	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
NM_0012822793	Zyx	chr6	42349828	42358562	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
NM_0012878784	Celf3	chr3	94478295	94492198	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
NM_0012880732	Mynn	chr3	30602087	30619873	2537	14	0.005518	2167	24	0.011075	2371	18	0.007592	505	3	0.005941	1069	6	0.005613	2502	20	0.007994	2167	30	0.013844	2336	19	0.008134	841	2	0.002378	1019	3	0.002944	354	0	0
NM_0012880732	Mynn	chr3	30602087	30619873	2537	14	0.005518	2167	24	0.011075	2371	18	0.007592	505	3	0.005941	1069	6	0.005613	2502	20	0.007994	2167	30	0.013844	2336	19	0.008134	841	2	0.002378	1019	3	0.002944	354	0	0
NM_0012880732	Mynn	chr3	30602087	30619873	2537	14	0.005518	2167	24	0.011075	2371	18	0.007592	505	3	0.005941	1069	6	0.005613	2502	20	0.007994	2167	30	0.013844	2336	19	0.008134	841	2	0.002378	1019	3	0.002944	354	0	0
NM_0012864213	St7	chr6	17693994	17943023	4779	116	0.024273	5146	62	0.012048	5060	39	0.007708	536	3	0.005597	1361	26	0.019104	4625	96	0.020757	5088	66	0.012972	5759	79	0.013718	1241	27	0.021757	1628	23	0.014128	415	7	0.016867
NM_0012864213	St7	chr6	17693994	17943023	4779	116	0.024273	5146	62	0.012048	5060	39	0.007708	536	3	0.005597	1361	26	0.019104	4625	96	0.020757	5088	66	0.012972	5759	79	0.013718	1241	27	0.021757	1628	23	0.014128	415	7	0.016867
NM_0012864213	St7	chr6	17693994	17943023	4779	116	0.024273	5146	62	0.012048	5060	39	0.007708	536	3	0.005597	1361	26	0.019104	4625	96	0.020757	5088	66	0.012972	5759	79	0.013718	1241	27	0.021757	1628	23	0.014128	415	7	0.016867
NM_0012864213	St7	chr6	17743592	17943023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012864213	St7	chr6	17743592	17943023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012874528	Mgme1	chr2	1.44E+08	1.44E+08	3361	36	0.010711	3002	16	0.00533	3034	21	0.006922	672	0	0	1084	6	0.005535	2846	30	0.010541	3224	23	0.007134	3506	26	0.007416	722	1	0.001385	1132	5	0.004417	510	5	0.009804
NM_0012874528	Mgme1	chr2	1.44E+08	1.44E+08	3361	36	0.010711	3002	16	0.00533	3034	21	0.006922	672	0	0	1084	6	0.005535	2846	30	0.010541	3224	23	0.007134	3506	26	0.007416	722	1	0.001385	1132	5	0.004417	510	5	0.009804
NM_0012816427	Itih4	chr14	30886476	30901986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012816427	Itih4	chr14	30886476	30901986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128210135	Zfp180	chr7	24081897	24107709	1524	546	0.358268	1399	542	0.38742	1364	544	0.398827	299	119	0.397993	738	247	0.334688	1363	481	0.352898	1133	397	0.350397	1269	464	0.365642	746	216	0.289544	676	188	0.278107	262	114	0.435115
NM_00128210135	Zfp180	chr7	24081897	24107709	1524	546	0.358268	1399	542	0.38742	1364	544	0.398827	299	119	0.397993	738	247	0.334688	1363	481	0.352898	1133	397	0.350397	1269	464	0.365642	746	216	0.289544	676	188	0.278107	262	114	0.435115
NM_00128210135	Zfp180	chr7	24081897	24107709	1524	546	0.358268	1399	542	0.38742	1364	544	0.398827	299	119	0.397993	738	247	0.334688	1363	481	0.352898	1133	397	0.350397	1269	464	0.365642	746	216	0.289544	676	188	0.278107	262	114	0.435115
NM_00128210135	Zfp180	chr7	24081897	24107709	1524	546	0.358268	1399	542	0.38742	1364	544	0.398827	299	119	0.397993	738	247	0.334688	1363	481	0.352898	1133	397	0.350397	1269	464	0.365642	746	216	0.289544	676	188	0.278107	262	114	0.435115
NM_00128117158	Scgb3a2	chr18	43764301	43767399	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128117158	Scgb3a2	chr18	43764301	43767399	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128235534	Pxylp1	chr9	96823343	96889474	3137	228	0.072681	2935	179	0.060988	3067	134	0.043691	665	1	0.001504	1079	113	0.104727	3256	149	0.045762	2842	129	0.045391	2853	106	0.037154	832	21	0.02524	958	8	0.008351	298	3	0.010067
NM_00128235534	Pxylp1	chr9	96823343	96889474	3137	228	0.072681	2935	179	0.060988	3067	134	0.043691	665	1	0.001504	1079	113	0.104727	3256	149	0.045762	2842	129	0.045391	2853	106	0.037154	832	21	0.02524	958	8	0.008351	298	3	0.010067
NM_00128235534	Pxylp1	chr9	96823343	96889474	3137	228	0.072681	2935	179	0.060988	3067	134	0.043691	665	1	0.001504	1079	113	0.104727	3256	149	0.045762	2842	129	0.045391	2853	106	0.037154	832	21	0.02524	958	8	0.008351	298	3	0.010067
NM_00128170461	Stard6	chr18	70472572	70501066	3499	161	0.046013	3496	135	0.038616	3461	142	0.041029	350	38	0.108571	1322	78	0.059002	3301	182	0.055135	3457	93	0.026902	3324	131	0.03941	1112	68	0.061151	1223	54	0.044154	511	55	0.107632
NM_00128170461	Stard6	chr18	70472628	70501066	3499	161	0.046013	3496	135	0.038616	3461	142	0.041029	350	38	0.108571	1322	78	0.059002	3301	182	0.055135	3457	93	0.026902	3324	131	0.03941	1112	68	0.061151	1223	54	0.044154	511	55	0.107632
NM_00128170461	Stard6	chr18	70472666	70501066	3481	143	0.04108	3496	135	0.038616	3449	131	0.037982	340	28	0.082353	1310	66	0.050382	3289	172	0.052296	3447	85	0.024659	3308	116	0.035067	1102	59	0.053539	1213	44	0.036274	511	55	0.107632
NM_0012876425	Gid8	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3521	19	0.005396	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1213	4	0.003298	423	3	0.007092
NM_0012876425	Gid8	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3521	19	0.005396	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1213	4	0.003298	423	3	0.007092
NM_0012854003	Nell2	chr15	95219440	95528252	4437	87	0.019608	4614	69	0.014954	5421	90	0.016602	713	8	0.01122	1493	26	0.017415	3742	224	0.059861	3863	323	0.083614	3564	245	0.068743	910	66	0.072527	1414	155	0.109618	749	70	0.093458
NM_00128225288	Fhod3	chr18	24708623	25133507	1969	20	0.010157	1610	12	0.007453	1796	19	0.010579	417	0	0	626	6	0.009585	1896	19	0.010021	1565	9	0.005751	1562	12	0.007682	644	5	0.007764	522	3	0.005747	228	7	0.030702
NM_00128225288	Fhod3	chr18	24708623	25133507	1969	20	0.010157	1610	12	0.007453	1796	19	0.010579	417	0	0	626	6	0.009585	1896	19	0.010021	1565	9	0.005751	1562	12	0.007682	644	5	0.007764	522	3	0.005747	228	7	0.030702
NM_0012876223	Agbl3	chr6	34780432	34859459	2026	24	0.011846	1459	5	0.003427	1642	16	0.009744	491	2	0.004073	795	3	0.003774	1677	13	0.007752	1912	8	0.004184	1382	6	0.004342	165	1	0.006061	870	3	0.003448	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012876223	Agbl3	chr6	34780432	34859459	2026	24	0.011846	1459	5	0.003427	1642	16	0.009744	491	2	0.004073	795	3	0.003774	1677	13	0.007752	1912	8	0.004184	1382	6	0.004342	165	1	0.006061	870	3	0.003448	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012876223	Agbl3	chr6	34780432	34785710	2026	24	0.011846	1459	5	0.003427	1642	16	0.009744	491	2	0.004073	795	3	0.003774	1677	13	0.007752	1912	8	0.004184	1382	6	0.004342	165	1	0.006061	870	3	0.003448	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012876654	Upp2	chr2	58755184	58791242	43	29	0.674419	76	49	0.644737	53	37	0.698113	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	74	59	0.797297	54	45	0.833333	50	38	0.76	12	11	0.916667	45	44	0.977778	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012876654	Upp2	chr2	58567334	58792971	8589	54	0.006287	8300	48	0.005783	8679	71	0.008181	1034	3	0.002901	2556	15	0.005869	7941	55	0.006926	7912	55	0.006951	8817	53	0.006011	1756	3	0.001708	2312	4	0.00173	364	0	0
NM_0012867246	Resf1	chr6	1.49E+08	1.49E+08	2177	17	0.007809	1767	8	0.004527	2282	13	0.005697	507	0	0	827	2	0.002418	2093	12	0.005733	1900	10	0.005263	2019	11	0.005448	724	0	0	850	4	0.004706	328	0	0
NM_0012867246	Resf1	chr6	1.49E+08	1.49E+08	2177	17	0.007809	1767	8	0.004527	2282	13	0.005697	507	0	0	827	2	0.002418	2093	12	0.005733	1900	10	0.005263	2019	11	0.005448	724	0	0	850	4	0.004706	328	0	0
NM_00128330277	Fam71f1	chr6	29319140	29336022	12	4	0.333333	11	7	0.636364	27	12	0.444444	11	6	0.545455	11	9	0.818182	33	15	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128330277	Fam71f1	chr6	29319140	29336022	12	4	0.333333	11	7	0.636364	27	12	0.444444	11	6	0.545455	11	9	0.818182	33	15	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128330277	Fam71f1	chr6	29319140	29336022	12	4	0.333333	11	7	0.636364	27	12	0.444444	11	6	0.545455	11	9	0.818182	33	15	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128338363	Tmem241	chr18	11981303	12121537	1101	3	0.002725	824	8	0.009709	984	6	0.006098	230	0	0	475	1	0.002105	1079	24	0.022243	946	10	0.010571	836	7	0.008373	491	16	0.032587	598	14	0.023411	192	2	0.010417
NM_00128338363	Tmem241	chr18	11981303	12121537	1101	3	0.002725	824	8	0.009709	984	6	0.006098	230	0	0	475	1	0.002105	1079	24	0.022243	946	10	0.010571	836	7	0.008373	491	16	0.032587	598	14	0.023411	192	2	0.010417
NM_00128214597	Sidt2	chr9	45937857	45955249	3654	16	0.004379	3659	18	0.004919	3657	26	0.00711	177	0	0	766	3	0.003916	3606	18	0.004992	3344	9	0.002691	4365	16	0.003666	424	1	0.002358	890	2	0.002247	82	0	0
NM_00128233071	Arhgap33	chr7	30522226	30535060	1148	129	0.112369	1019	188	0.184495	1463	162	0.110731	191	22	0.115183	715	65	0.090909	1590	96	0.060377	1068	85	0.079588	1183	129	0.109045	495	25	0.050505	745	80	0.107383	60	24	0.4
NM_0012872844	Kctd17	chr15	78428564	78439303	1435	114	0.079443	1195	87	0.072803	1291	97	0.075136	247	17	0.068826	196	9	0.045918	1690	96	0.056805	1280	313	0.244531	1298	167	0.128659	193	20	0.103627	408	22	0.053922	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012872844	Kctd17	chr15	78428564	78439303	1435	114	0.079443	1195	87	0.072803	1291	97	0.075136	247	17	0.068826	196	9	0.045918	1690	96	0.056805	1280	313	0.244531	1298	167	0.128659	193	20	0.103627	408	22	0.053922	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012872844	Kctd17	chr15	78428564	78439303	1435	114	0.079443	1195	87	0.072803	1291	97	0.075136	247	17	0.068826	196	9	0.045918	1690	96	0.056805	1280	313	0.244531	1298	167	0.128659	193	20	0.103627	408	22	0.053922	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128330369	Fbxo41	chr6	85469574	85502994	1383	24	0.017354	1318	23	0.017451	1437	18	0.012526	208	1	0.004808	333	2	0.006006	1444	48	0.033241	1228	27	0.021987	1212	51	0.042079	450	3	0.006667	374	3	0.008021	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128330369	Fbxo41	chr6	85469574	85502994	1383	24	0.017354	1318	23	0.017451	1437	18	0.012526	208	1	0.004808	333	2	0.006006	1444	48	0.033241	1228	27	0.021987	1212	51	0.042079	450	3	0.006667	374	3	0.008021	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012880708	Pacsin3	chr2	91256165	91264680	1873	130	0.069407	1661	169	0.101746	1693	159	0.093916	373	26	0.069705	579	40	0.069085	2170	140	0.064516	1652	237	0.143462	1661	203	0.122216	382	12	0.031414	559	90	0.161002	163	6	0.03681
NM_0012880708	Pacsin3	chr2	91256813	91264680	2472	164	0.066343	2310	186	0.080519	2285	205	0.089716	523	42	0.080306	759	73	0.096179	2781	196	0.070478	2200	261	0.118636	2348	214	0.091141	543	19	0.034991	796	103	0.129397	274	12	0.043796
NM_00128272322	Arntl2	chr6	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128272322	Arntl2	chr6	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128272322	Arntl2	chr6	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128233071	Arhgap33	chr7	30522226	30535060	1148	129	0.112369	1019	188	0.184495	1463	162	0.110731	191	22	0.115183	715	65	0.090909	1590	96	0.060377	1068	85	0.079588	1183	129	0.109045	495	25	0.050505	745	80	0.107383	60	24	0.4
NM_00128546336	Prrg1	chrX	78449610	78583897	296	3	0.010135	304	1	0.003289	272	1	0.003676	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	350	1	0.002857	294	0	0	350	5	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A	32	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128382207	Jade3	chrX	20425688	20519939	1958	9	0.004597	1775	3	0.00169	1930	11	0.005699	#N/A	#N/A	#N/A	472	2	0.004237	1664	13	0.007813	1751	10	0.005711	1739	14	0.008051	168	0	0	196	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128243621	Iqsec3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	1518	35	0.023057	1184	33	0.027872	1323	33	0.024943	110	0	0	590	23	0.038983	1616	50	0.030941	1439	31	0.021543	1343	36	0.026806	449	21	0.046771	503	25	0.049702	111	3	0.027027
NM_0012871704	Arhgef3	chr14	27143993	27403911	188	177	0.941489	48	44	0.916667	194	192	0.989691	30	27	0.9	128	127	0.992188	233	222	0.95279	182	160	0.879121	139	129	0.928058	74	67	0.905405	83	77	0.927711	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012871704	Arhgef3	chr14	27336037	27403911	1120	21	0.01875	1084	22	0.020295	1078	15	0.013915	208	1	0.004808	485	0	0	1005	11	0.010945	965	20	0.020725	957	31	0.032393	448	16	0.035714	430	11	0.025581	154	1	0.006494
NM_0012871704	Arhgef3	chr14	27361389	27403911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00128227606	Tbpl2	chr2	24071366	24096595	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0012868744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3426	30	0.008757	3639	22	0.006046	701	0	0	1321	13	0.009841	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
NM_0012868744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3426	30	0.008757	3639	22	0.006046	701	0	0	1321	13	0.009841	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
NM_0012843967	Ntn5	chr7	45684022	45694556	277	193	0.696751	156	126	0.807692	160	135	0.84375	36	28	0.777778	94	68	0.723404	337	195	0.578635	277	155	0.559567	195	137	0.702564	56	50	0.892857	119	62	0.521008	54	39	0.722222

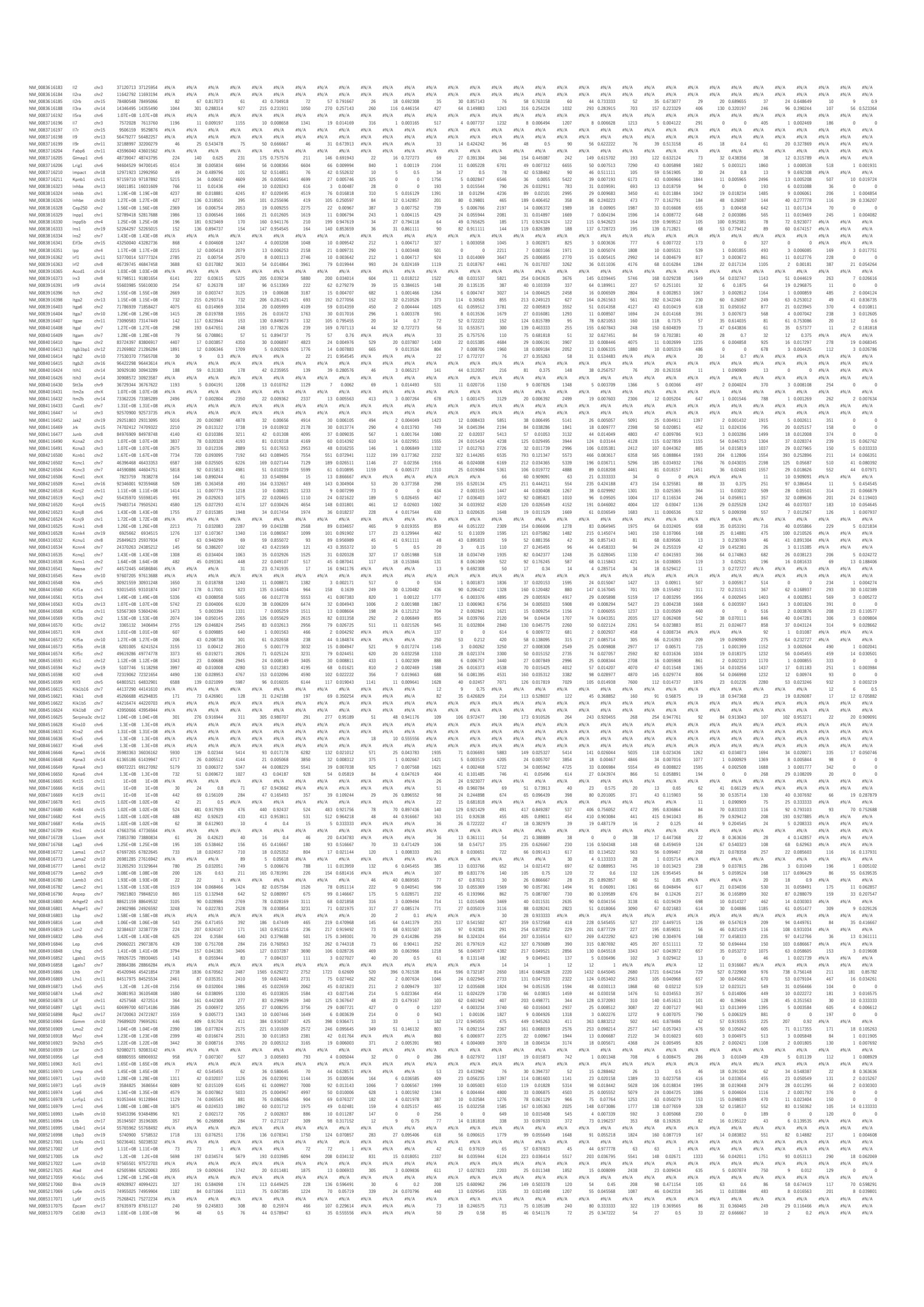


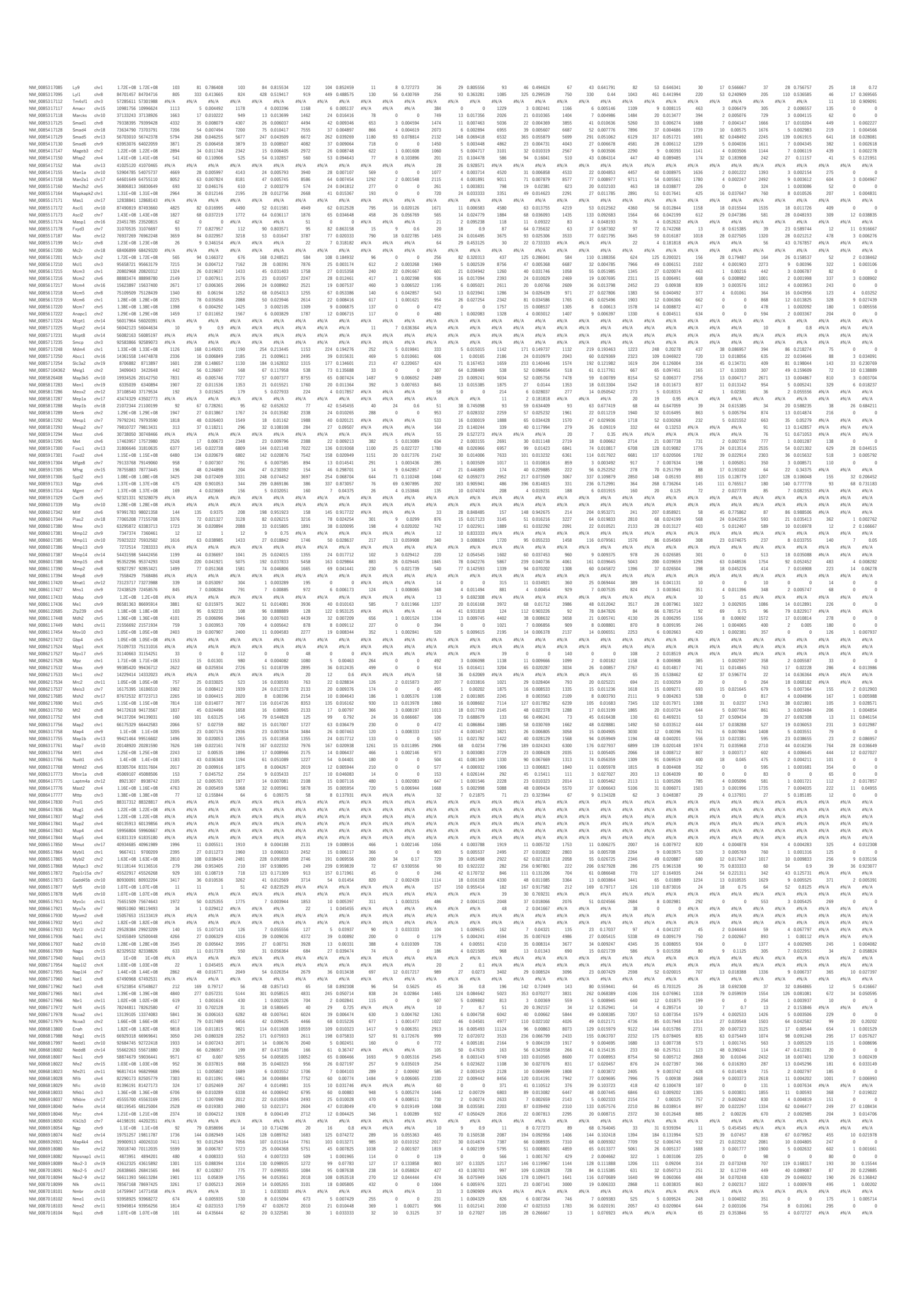
NM_00135 14450	Gart	chr16	91621395	91646972	3702	31	0.008374	3104	39	0.012564	3541	29	0.00819	742	3	0.004043	1206	5	0.004146	4433	17	0.003835	3719	12	0.003227	3410	18	0.005279	1104	2	0.001812	1431	4	0.002795	572	2	0.003497
NM_00135 70598	Filip1	chr9	79815051	80012851	258	243	0.94186	202	190	0.940594	218	211	0.96789	40	37	0.925	80	74	0.925	194	181	0.93299	162	145	0.895062	194	179	0.92268	44	41	0.931818	79	75	0.949367	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 70598	Filip1	chr9	79815051	79962081	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 70598	Filip1	chr9	79815051	79830982	136	43	0.316176	130	29	0.223077	123	24	0.195122	37	11	0.297297	48	9	0.1875	118	54	0.457627	95	34	0.357895	78	25	0.320513	45	11	0.244444	42	13	0.309524	28	13	0.464286
NM_00135 234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_00135 234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_00135 234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_00135 16497	Kcnab1	chr3	64949212	65378225	514	116	0.225681	488	90	0.184426	479	103	0.215031	26	6	0.230769	238	42	0.176471	470	97	0.206383	386	127	0.329016	425	33	0.077647	139	25	0.179856	119	12	0.10084	82	14	0.170732
NM_00135 70989	Jhy	chr9	40894851	40964553	2241	122	0.05444	2070	75	0.036232	2415	71	0.0294	588	13	0.022109	851	24	0.028202	2568	99	0.038551	2279	101	0.044318	1830	81	0.044262	667	26	0.038981	587	27	0.045997	100	9	0.09
NM_00135 70989	Jhy	chr9	40894851	40963034	2241	122	0.05444	2070	75	0.036232	2415	71	0.0294	588	13	0.022109	851	24	0.028202	2568	99	0.038551	2279	101	0.044318	1830	81	0.044262	667	26	0.038981	587	27	0.045997	100	9	0.09
NM_00135 244551	Nanos3	chr8	84173759	84176552	186	169	0.908602	273	240	0.879121	215	201	0.934884	24	21	0.875	100	94	0.94	169	137	0.810651	167	132	0.790419	212	161	0.759434	37	22	0.594595	80	63	0.7875	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 18479	Pak1	chr7	97842939	97912381	449	77	0.171492	374	33	0.088235	495	57	0.115152	124	13	0.104839	110	10	0.090909	491	95	0.193483	372	112	0.301075	427	61	0.142857	132	19	0.143939	154	14	0.090909	88	11	0.125
NM_00135 18479	Pak1	chr7	97842939	97912381	449	77	0.171492	374	33	0.088235	495	57	0.115152	124	13	0.104839	110	10	0.090909	491	95	0.193483	372	112	0.301075	427	61	0.142857	132	19	0.143939	154	14	0.090909	88	11	0.125
NM_00135 18479	Pak1	chr7	97788541	97912381	5720	62	0.010839	5977	59	0.009871	6326	62	0.009801	800	6	0.0075	1842	14	0.0076	5785	62	0.010717	5449	58	0.010644	5501	44	0.007999	1593	16	0.010044	1828	19	0.010394	377	5	0.013263
NM_00135 18479	Pak1	chr7	97788541	97912381	5720	62	0.010839	5977	59	0.009871	6326	62	0.009801	800	6	0.0075	1842	14	0.0076	5785	62	0.010717	5449	58	0.010644	5501	44	0.007999	1593	16	0.010044	1828	19	0.010394	377	5	0.013263
NM_00135 244556	Zfp791	chr8	85108553	85119691	1436	94	0.06546	1633	65	0.039804	1630	65	0.039877	105	21	0.2	534	33	0.061798	1301	99	0.076095	916	41	0.04476	830	52	0.062651	638	49	0.076803	474	13	0.027426	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 17827	Mtx1	chr3	89209081	89213907	2359	18	0.00763	1672	22	0.013158	2207	24	0.010874	496	3	0.006048	989	1	0.001011	2920	17	0.005822	2279	17	0.007459	2136	11	0.00515	974	6	0.00616	903	3	0.003322	246	0	0
NM_00135 383295	Ypel5	chr17	72837536	72850444	4871	65	0.013344	4340	95	0.021889	4384	72	0.016423	676	35	0.051775	1253	62	0.049481	4815	77	0.015992	5080	91	0.017913	5026	56	0.011142	1101	6	0.00545	1206	33	0.027363	366	8	0.021858
NM_00135 383295	Ypel5	chr17	72837536	72850444	4871	65	0.013344	4340	95	0.021889	4384	72	0.016423	676	35	0.051775	1253	62	0.049481	4815	77	0.015992	5080	91	0.017913	5026	56	0.011142	1101	6	0.00545	1206	33	0.027363	366	8	0.021858
NM_00135 383295	Ypel5	chr17	72838048	72850444	4827	32	0.006629	4248	22	0.005179	4309	24	0.00557	636	2	0.003145	1160	3	0.002586	4747	27	0.005688	4990	36	0.007214	4982	38	0.007627	1101	6	0.00545	1151	3	0.002606	356	0	0
NM_00135 383295	Ypel5	chr17	72838048	72850444	4827	32	0.006629	4248	22	0.005179	4309	24	0.00557	636	2	0.003145	1160	3	0.002586	4747	27	0.005688	4990	36	0.007214	4982	38	0.007627	1101	6	0.00545	1151	3	0.002606	356	0	0
NM_00135 244668	Sipa1l2	chr8	1.25E+08	1.26E+08	7349	46	0.006259	7135	56	0.007849	7716	61	0.007906	959	1	0.001043	2279	7	0.003072	7252	62	0.008549	5711	64	0.011206	7702	58	0.007531	2058	6	0.002915	3082	20	0.006489	488	3	0.006148
NM_00135 270084	Lpcat2	chr8	92855333	92919279	1085	41	0.037788	1007	50	0.049652	1254	30	0.023923	116	2	0.017241	468	30	0.064103	1413	77	0.054494	981	29	0.029562	1271	38	0.029898	264	13	0.049242	267	15	0.05618	160	13	0.08125
NM_00135 270084	Lpcat2	chr8	92855333	92919279	1085	41	0.037788	1007	50	0.049652	1254	30	0.023923	116	2	0.017241	468	30	0.064103	1413	77	0.054494	981	29	0.029562	1271	38	0.029898	264	13	0.049242	267	15	0.05618	160	13	0.08125
NM_00135 76187	Adhfe1	chr1	9547948	9577970	1166	109	0.093482	1061	94	0.088596	1126	97	0.086146	182	27	0.148352	702	52	0.074074	1184	137	0.115709	1228	134	0.109121	1129	137	0.121346	489	36	0.07362	509	60	0.117878	235	23	0.097872
NM_00135 76187	Adhfe1	chr1	9547948	9577970	1166	109	0.093482	1061	94	0.088596	1126	97	0.086146	182	27	0.148352	702	52	0.074074	1184	137	0.115709	1228	134	0.109121	1129	137	0.121346	489	36	0.07362	509	60	0.117878	235	23	0.097872
NM_00135 76187	Adhfe1	chr1	9547948	9577970	1166	109	0.093482	1061	94	0.088596	1126	97	0.086146	182	27	0.148352	702	52	0.074074	1184	137	0.115709	1228	134	0.109121	1129	137	0.121346	489	36	0.07362	509	60	0.117878	235	23	0.097872
NM_00135 277978	Exoc3l	chr8	1.05E+08	1.05E+08	3311	272	0.08215	3550	277	0.078028	3550	263	0.074085	561	62	0.110517	968	55	0.056818	3477	249	0.071613	2666	185	0.069392	3628	226	0.062293	1132	100	0.088339	1233	74	0.060016	70	11	0.157143
NM_00135 386612	Thoc6	chr17	23668618	23673877	850	5	0.005882	754	4	0.005305	686	4	0.005831	183	1	0.005464	512	4	0.007813	1038	11	0.010597	644	2	0.003106	649	2	0.003082	360	2	0.005556	251	3	0.011952	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 330836	Slc7a6	chr8	1.06E+08	1.06E+08	4072	70	0.017191	5129	98	0.019107	5229	82	0.015682	400	15	0.0375	1138	3	0.002636	4281	59	0.013782	3731	55	0.014741	4532	32	0.007061	1026	32	0.031189	905	38	0.041989	128	0	0
NM_00135 330836	Slc7a6	chr8	1.06E+08	1.06E+08	4072	70	0.017191	5129	98	0.019107	5219	81	0.01552	400	15	0.0375	1138	3	0.002636	4281	59	0.013782	3731	55	0.014741	4532	32	0.007061	1026	32	0.031189	905	38	0.041989	128	0	0
NM_00135 71687	Tmem25	chr9	44793772	44799247	2061	129	0.062591	2303	91	0.039514	2550	123	0.048235	390	22	0.05641	801	55	0.068664	2526	169	0.066904	2137	142	0.066448	2287	155	0.067774	538	44	0.081784	831	34	0.040915	271	16	0.059041
NM_00135 71687	Tmem25	chr9	44793772	44799247	2061	129	0.062591	2303	91	0.039514	2550	123	0.048235	390	22	0.05641	801	55	0.068664	2526	169	0.066904	2137	142	0.066448	2287	155	0.067774	538	44	0.081784	831	34	0.040915	271	16	0.059041
NM_00135 71687	Tmem25	chr9	44793772	44799247	2061	129	0.062591	2303	91	0.039514	2550	123	0.048235	390	22	0.05641	801	55	0.068664	2526	169	0.066904	2137	142	0.066448	2287	155	0.067774	538	44	0.081784	831	34	0.040915	271	16	0.059041
NM_00135 71687	Tmem25	chr9	44793772	44799247	2061	129	0.062591	2303	91	0.039514	2550	123	0.048235	390	22	0.05641	801	55	0.068664	2526	169	0.066904	2137	142	0.066448	2287	155	0.067774	538	44	0.081784	831	34	0.040915	271	16	0.059041
NM_00135 76709	Arpc2	chr1	74236517	74268209	1471	38	0.025833	1402	25	0.017832	1331	37	0.027799	110	0	0	784	26	0.033163	1682	39	0.023187	1354	11	0.008124	1594	39	0.024467	519	8	0.015414	692	12	0.017341	194	5	0.025773
NM_00135 76816	Sdccag8	chr1	1.77E+08	1.77E+08	1400	10	0.007143	1265	6	0.004743	1239	7	0.00565	84	1	0.011905	237	0	0	1863	13	0.006978	1622	19	0.011714	1615	8	0.004954	59	0	0	454	1	0.002203	152	1	0.006579
NM_00135 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
NM_00135 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
NM_00135 71732	Vps11	chr9	44347749	44361670	532	3	0.005639	629	17	0.027027	534	16	0.029963	72	0	0	266	13	0.048872	690	31	0.044928	802	21	0.026185	501	24	0.047904	208	1	0.004808	347	31	0.089337	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 18733	Pirb	chr7	3712507	3720382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 98366	Smap1	chr1	23845625	23922381	6062	40	0.006598	6153	41	0.006663	6571	37	0.005631	750	1	0.001333	1642	6	0.003654	5949	43	0.007228	5691	34	0.005974	6389	36	0.005635	1122	2	0.001783	1848	2	0.001082	347	0	0
NM_00135 16210	Impact	chr18	12974460	12992950	1404	716	0.509972	1046	497	0.475143	1208	615	0.509106	116	65	0.560345	603	300	0.497512	1337	541	0.404637	1153	573	0.496964	986	432	0.438134	303	159	0.524752	397	235	0.59194	53	41	0.773585
NM_00135 71785	Pdgfd	chr9	6168486	6378845	738	61	0.082656	588	30	0.05102	769	14	0.018205	104	0	0	316	3	0.009494	688	58	0.084302	654	58	0.088685	710	59	0.083099	125	6	0.048	256	9	0.035156	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 71785	Pdgfd	chr9	6168486	6378845	738	61	0.082656	588	30	0.05102	769	14	0.018205	104	0	0	316	3	0.009494	688	58	0.084302	654	58	0.088685	710	59	0.083099	125	6	0.048	256	9	0.035156	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 72560	Naalad2	chr9	18321951	18397538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 72560	Naalad2	chr9	18321951	18392123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 226551	Suco	chr1	1.62E+08	1.62E+08	2263	16	0.00707	1758	6	0.003413	2177	16	0.00735	562	2	0.003559	790	0	0	2247	7	0.003115	2077	9	0.004333	2006	14	0.006979	656	3	0.004573	649	2	0.003082	497	0	0
NM_00135 226551	Suco	chr1	1.62E+08	1.62E+08	2263	16	0.00707	1758	6	0.003413	2177	16	0.00735	562	2	0.003559	790	0	0	2247	7	0.003115	2077	9	0.004333	2006	14	0.006979	656	3	0.004573	649	2	0.003082	497	0	0
NM_00135 208624	Alg3	chr16	20605458	20610761	1283	32	0.024942	965	19	0.019689	1352	34	0.025148	393	1	0.002545	742	25	0.033693	1424	8	0.005618	1263	43	0.034046	993	48	0.048338	637	20	0.031397	393	28	0.071247	52	0	0
NM_00135 208624	Alg3	chr16	20605458	20610761	1283	32	0.024942	965	19	0.019689	1352	34	0.025148	393	1	0.002545	742	25	0.033693	1424	8	0.005618	1263	43	0.034046	993	48	0.048338	637	20	0.031397	393	28	0.071247	52	0	0
NM_00135 208624	Alg3	chr16	20605458	20610761	1283	32	0.024942	965	19	0.019689	1352	34	0.025148	393	1	0.002545	742	25	0.033693	1424	8	0.005618	1263	43	0.034046	993	48	0.048338	637	20	0.031397	393	28	0.071247	52	0	0
NM_00135 208624	Alg3	chr16	20605458	20610761	1283	32	0.024942	965	19	0.019689	1352	34	0.025148	393	1	0.002545	742	25	0.033693	1424	8	0.005618	1263	43	0.034046	993	48	0.048338	637	20	0.031397	393	28	0.071247	52	0	0
NM_00135 72565	Uaca	chr9	60794442	60880431	1903	18	0.009459	1712	15	0.008762	2089	16	0.007659	434	3	0.006912	722	15	0.020776	1955	28	0.014322	2166	22	0.010157	2065	23	0.011138	811	2	0.002466	819	3	0.003663	282	2	0.007092
NM_00135 72565	Uaca	chr9	60794442	60880431	1903	18	0.009459	1712	15	0.008762	2089	16	0.007659	434	3	0.006912	722	15	0.020776	1955	28	0.014322	2166	22	0.010157	2065	23	0.011138	811	2	0.002466	819	3	0.003663	282	2	0.007092
NM_00135 72774	Neil1	chr9	57142788	57148305	1021	6	0.005877	1137	10	0.008795	978	11	0.011247	39	0	0	218	1	0.004587	1048	7	0.006679	1068	10	0.009363	1102	11	0.009982	318	2	0.006289	351	1	0.002849	88	0	0
NM_00135 226591	Tiprl	chr1	1.65E+08	1.65E+08	604	12	0.019868	420	8	0.019048	598	1	0.001672	98	1	0.010204	245	4	0.016327	589	15	0.025467	438	10	0.022831	462	6	0.012987	279	0	0	192	6	0.03125	179	0	0
NM_00135 226591	Tiprl	chr1	1.65E+08	1.65E+08	604	12	0.019868	420	8	0.019048	598	1	0.001672	98	1	0.010204	245	4	0.016327	589	15	0.025467	438	10	0.022831	462	6	0.012987	279	0	0	192	6	0.03125	179	0	0
NM_00135 72828	Ubash3b	chr9	41013626	41079506	180	126	0.7	182	114	0.626374	156	90	0.576923	28	15	0.535714	70	47	0.671429	152	107	0.703947	112	66	0.589286	126	70	0.555556	32	13	0.40625	32	10	0.3125	29	9	0.310345
NM_00135 224090	Tmem44	chr16	30511855	30550578	830	42	0.050602	541	32	0.05915	641	42	0.065523	124	14	0.112903	229	24	0.104803	786	42	0.053435	484	25	0.051653	518	31	0.059846	354	23	0.064972	354	20	0.056497	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 224090	Tmem44	chr16	30511855	30550578	830	42	0.050602	541	32	0.05915	641	42	0.065523	124	14	0.112903	229	24	0.104803	786	42	0.053435	484	25	0.051653	518	31	0.059846	354	23	0.064972	354	20	0.056497	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 224090	Tmem44	chr16	30511855	30550578	830	42	0.050602	541	32	0.05915	641	42	0.065523	124	14	0.112903	229	24	0.104803	786	42	0.053435	484	25	0.051653	518	31	0.059846	354	23	0.064972	354	20	0.056497	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 106143	Cggbp1	chr16	64852001	64859491	4249	32	0.007531	4619	25	0.005412	5215	32	0.006136	365	2	0.005479	983	6	0.006104	4665	18	0.003859	5069	26	0.005129	5684	34	0.005982	1047	4	0.00382	1249	4	0.003203	168	1	0.005952
NM_00135 73503	Mbd3l1	chr9	18478359	18485298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 73503	Mbd3l1	chr9	18478359	18485298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 17190	Mbd1	chr18	74268175	74281234	1853	99	0.053427	1635	46	0.028135	1886	93	0.049311	421	31	0.073634	961	49	0.050989	2164	94	0.043438	1808	78	0.043142	1800	42	0.023333	564	19	0.033688	905	39	0.043094	419	18	0.042959
NM_00135 17190	Mbd1	chr18	74268175	74281234	1853	99	0.053427	1635	46	0.028135	1886	93	0.049311	421	31	0.073634	961	49	0.050989	2164	94	0.043438	1808	78	0.043142	1800	42	0.023333	564	19	0.033688	905	39	0.043094	419	18	0.042959
NM_00135 17190	Mbd1	chr18	74268175	74282737	1853	99	0.053427	1635	46	0.028135	1886	93	0.049311	421	31	0.073634	961	49	0.050989	2164	94	0.043438	1808	78	0.043142	1800	42	0.023333	564	19	0.033688	905	39	0.043094	419	18	0.042959
NM_00135 75826	Senp2	chr16	22009484	22049269	3063	131	0.042769	2619	104	0.03971	2962	123	0.041526	430	8	0.018605	1209	61	0.050455	3007	164	0.054539	2658	126	0.047404	2612	141	0.053982	788	36	0.045685	645	17	0.026357	227	0	0
NM_00135 226971	Plekhb2	chr1	34849989	34879554	1100	20	0.018182	1222	8	0.006547	1271	26	0.020456	264	3	0.011364	399	1	0.002506	1273	19	0.014925	1219	18	0.014766	1219	12	0.009844	350	2	0.005714	335	2	0.00597	169	1	0.005917
NM_00135 240880	Scyl3	chr1	1.64E+08	1.64E+08	3794	26	0.006853	4128	43	0.010417	4185	36	0.008602	547	1	0.001828	1461	4	0.002738	3864	21	0.005435	4321	28	0.00648	4340	38	0.008756	1135	2	0.001762	1503	5	0.003327	426	8	0.018779
NM_00135 271639	Adcy10	chr1	1.65E+08	1.66E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 100039795	Ildr2	chr1	1.66E+08	1.66E+08	1472	7	0.004755	1790	19	0.010615	1911	20	0.010466	242	0	0	639	12	0.018779	1640	28	0.017073	1454	25	0.017194	1568	13	0.008291	434	1	0.002304	781	3	0.003841	486	0	0
NM_00135 100039795	Ildr2	chr1	1.66E+08	1.66E+08	1472	7	0.004755	1790	19	0.010615	1911	20	0.010466	242	0	0	639	12	0.018779	1640	28	0.017073	1454	25	0.017194	1568	13	0.008291	434	1	0.002304	781	3	0.003841	486	0	0
NM_00135 100039795	Ildr2	chr1	1.66E+08	1.66E+08	1472	7	0.004755	1790	19	0.010615	1911	20	0.010466	242	0	0	639	12	0.018779	1640	28	0.017073	1454	25	0.017194	1568	13	0.008291	434	1	0.002304	781	3	0.003841	486	0	0
NM_00135 100039795	Ildr2	chr1	1.66E+08	1.66E+08	1472	7	0.004755	1790	19	0.010615	1911	20	0.010466	242	0	0	639	12	0.018779	1640	28	0.017073	1454	25	0.017194	1568	13	0.008291	434	1	0.002304	781	3	0.003841	486	0	0
NM_00135 100039795	Ildr2	chr1	1.66E+08	1.66E+08	1472	7	0.004755	1790	19	0.010615	1911	20	0.010466	242	0	0	639	12	0.018779	1640	28	0.017073	1454	25	0.017194	1568	13	0.008291	434	1	0.002304	781	3	0.003841	486	0	0
NM_00135 54613	St3gal6	chr16	58469742	58524253	1627	11	0.006761	1530	11	0.00719	1728	15	0.008681	267	1	0.003745	492	0	0	1818	18	0.009901	1509	13	0.008615	1278	13	0.010172	533	3	0.005629	744	6	0.008065	195	1	0.005128
NM_00135 54613	St3gal6	chr16	58469742	58524253	1627	11	0.006761	1530	11	0.00719	1728	15	0.008681	267	1	0.003745	492	0	0	1818	18	0.009901	1509	13	0.008615	1278	13	0.010172	533	3	0.005629	744	6	0.008065	195	1	0.005128
NM_00135 54613	St3gal6	chr16	58469742	58524253	1627	11	0.006761	1530	11	0.00719	1728	15	0.008681	267	1	0.003745	492	0	0	1818	18	0.009901	1509	13	0.008615	1278	13	0.010172	533	3	0.005629	744	6	0.008065	195	1	0.005128
NM_00135 19024	Ppfibp2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 19024	Ppfibp2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 19024	Ppfibp2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	35	16	0.457143	46	17	0.369565	34	18	0.529412	#N/A	#N/A	#N/A	54	35	0.648148	52	36	0.692308	48	25	0.520833	44	29	0.659091	#N/A	#N/A	#N/A	50	38	0.76	10	7	0.7
NM_00135 74020	Cpne4	chr9	1.05E+08	1.05E+08	82	73	0.890244	120	108	0.9	105	88	0.838095	32	27	0.84375	54	39	0.722222	108	87	0.805556	65	57	0.876923	55	36	0.654545	38	32	0.842105	50	33	0.66	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 52662	Ldlrad4	chr18	68227946	68255549	61	23	0.377049	86	33	0.383721	59	15	0.254237	#N/A	#N/A	#N/A	105	40	0.380952	67	27	0.402985	95	27	0.284211	46	17	0.369565	32	10	0.3125	39	13	0.333333	22	4	0.181818
NM_00135 74080	Nmnat3	chr9	98296570	98411428	119	1	0.008403	66	0	0	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	177	0	0	124	0	0	80	18	0.225	100	1	0.01	100	0	0	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 74080	Nmnat3	chr9	98296570	98411428	119	1	0.008403	66	0	0	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	177	0	0	124	0	0	80	18	0.225	100	1	0.01	100	0	0	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 59057	Zfp24	chr18	24009717	24020370	3549	147	0.04142	3322	130	0.039133	3335	140	0.041979	564	49	0.086879	934	59	0.063169	3430	142	0.041399	3510	113	0.032194	3182	111	0.034884	1044	57	0.054598	1427	67	0.046952	671	31	0.0462
NM_00135 59057	Zfp24	chr18	24009717	24020370	3549	147	0.04142	3322	130	0.039133	3335	140	0.041979	564	49	0.086879	934	59	0.063169	3430	142	0.041399	3510	113	0.032194	3182	111	0.034884	1044	57	0.054598	1427	67	0.046952	671	31	0.0462
NM_00135 74080	Nmnat3	chr9	98296570	98420533	119	1	0.008403	66	0	0	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	177	0	0	124	0	0	80	18	0.225	100	1	0.01	100	0	0	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 19771	Rlbp1	chr7	79374870	79387027	183	174	0.95082	112	109	0.973214	112	108	0.964286	11	11	1	108	105	0.972222	176	163	0.926136	176	164	0.931818	139	133	0.956835	78	74	0.948718	78	76	0.974359	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 74080	Nmnat3	chr9	98296570	98420533	119	1	0.008403	66	0	0	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	177	0	0	124	0	0	80	18	0.225	100	1	0.01	100	0	0	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 74080	Nmnat3	chr9	98296570	98420533	119	1	0.008403	66	0	0	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	177	0	0	124	0	0	80	18	0.225	100	1	0.01	100	0	0	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 74286	Tbc1d21	chr9	58359716	58370455	165	123	0.745455	112	86	0.767857	157	123	0.783439	40	32	0.8	22	17	0.772727	112	82	0.732143	157	96	0.611465	120	76	0.633333	58	29	0.5	56	27	0.482143	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 66306	Fam53c	chr18	34759327	34773760	1934	82	0.042399	1542	82	0.053178	1834	89	0.048528	434	37	0.085253	770	31	0.04026	2124	85	0.040019	1823	77	0.042238	1670	74	0.044311	570	28	0.049123	625	31	0.0496	263	14	0.053232
NM_00135 66306	Fam53c	chr18	34759327	34773760	1934	82	0.042399	1542	82	0.053178	1834	89	0.048528	434	37	0.085253	770	31	0.04026	2124	85	0.040019	1823	77	0.042238	1670	74	0.044311	570	28	0.049123	625	31	0.0496	263	14	0.053232
NM_00135 67393	Cxxc5	chr18	35830314	35861693	4810	69	0.014345	4276	34	0.007951	4421	43	0.009726	550	9	0.016364	1120	5	0.004464	5296	64	0.012085	3749	43	0.01147	4417	50	0.01132	1243	9	0.007241	1350	11	0.008148	335	8	0.023881
NM_00135 67393	Cxxc5	chr18	35854687	35861693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 70762	Dclk2	chr3	86786150	86920884	4952	221	0.044628	4217	169	0.040076	4809	186	0.038677	790	44	0.055696	1872	126	0.067308	4798	222	0.046269	4291	146	0.034025	4061	166	0.040877	1180	33	0.027966	1669	104	0.062313	299	36	0.120401
NM_00135 67453	Slc25a46	chr18	31580164	31610532	2063	11	0.005332	1908	6	0.003145	2225	13	0.005843	224	8	0.035714	648	3	0.00463	2109	8	0.003793	2056	3	0.001459	1958	8	0.004086	642	0	0	652	27	0.041411	96	1	0.010417
NM_00135 67665	Dctn4	chr18	60526154	60558766	923	29	0.031419	1014	44	0.043393	949	20	0.021075	250	0	0	369	43	0.116531	1005	58	0.057711	1092	51	0.046703	1120	42	0.0375	199	43	0.21608	327	18	0.055046	207	5	0.024155
NM_00135 67804	Snx2	chr18	53176292	53220866	1871	81	0.043292	1478	51	0.034506	2145	63	0.029371	136	8	0.058824	716	31	0.043296	1823	83	0.045529	1944	64	0.032922	1964	24	0.01222	459	5	0.010893	376	15	0.039894	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 98682	Mfsd6	chr1	52656286	52727358	5331	51	0.009567	5218	39	0.007474	5959	27	0.004531	1047	3	0.002865	1646	8	0.00486	5021	32	0.006373	5075	45	0.008867	5205	33	0.00634	1078	3	0.002783	1505	5	0.003322	547	3	0.005484
NM_00135 74443	P4htm	chr9	1.09E+08	1.09E+08	2336	412	0.17637	2190	353	0.161187	2446	418	0.170891	311	42	0.135048	767	102	0.132986	2347	412	0.175543	2221	385	0.173345	2067	351	0.169811	599	125	0.208681	600	61	0.101667	269	23	0.085502
NM_00135 13175	Dclk1	chr3	55242364	55539068	634	15	0.023659	674	15	0.022255	735	24	0.032653	93	0	0	232	3	0.012931	649	12	0.01849	735	8	0.010884	660	11	0.016667	128	1	0.007813	288	7	0.024306	80	0	0
NM_00135 20128	Trim30a	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 13175	Dclk1	chr3	55461728	55539068	45	38	0.844444	43	39	0.906977	17	17	1	24	22	0.916667	47	42	0.893617	50	42	0.84	44	33	0.75	56	44	0.785714	39	32	0.820513	40	19	0.475	33	25	0.757576
NM_00135 13175	Dclk1	chr3	55242364	55539068	634	15	0.023659	674	15	0.022255	735	24	0.032653	93	0	0	232	3	0.012931	649	12	0.01849	735	8	0.010884	660	11	0.016667	128	1	0.007813	288	7	0.024306	80	0	0
NM_00135 67869	Paip2	chr18	35598617	35617186	63	0	0	219	0	0	54	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	151	5	0.033113	175	0	0	150	0	0	135	0	0	56	0	0	150	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 67869	Paip2	chr18	35598617	35617186	63	0	0	219	0	0	54	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	151	5	0.033113	175	0	0	150	0	0	135	0	0	56	0	0	150	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 67869	Paip2	chr18	35598617	35617186	63	0	0	219	0	0	54	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	151	5	0.033113	175	0	0	150	0	0	135	0	0	56	0	0	150	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 67869	Paip2	chr18	35609063	35617186	10	6	0.6	10	2	0.2	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 107508	Eprs	chr1	1.85E+08	1.85E+08	3054	28	0.009168	2442	10	0.004095	3055	18	0.005892	455	1	0.002198	1015	16	0.015764	3577	27	0.007548	2957	26	0.008793	2596	21	0.008089	847	1	0.001181	1021	12	0.011753	182	0	0
NM_00135 13175	Dclk1	chr3	55242364	55539068	634	15	0.023659	674	15	0.022255	735	24	0.032653	93	0	0	232	3	0.012931	649	12	0.01849	735	8	0.010884	660	11	0.016667	128	1	0.007813	288	7	0.024306	80	0	0
NM_00135 13175	Dclk1	chr3	55461728	55539068	45	38	0.844444	43	39	0.906977	17	17	1	24	22	0.916667	47	42	0.893617	50	42	0.84	44	33	0.75	56	44	0.785714	39	32	0.820513	40	19	0.475	33	25	0.757576
NM_00135 75033	Mei4	chr9	81863670	82206007	1693	32	0.018901	1769	18	0.010175	1744	25	0.014335	132	3	0.022727	664	5	0.00753	1719	54	0.031414	1608	97	0.060323	1486	93	0.062584	567	25	0.044092	620	21	0.033871	189	8	0.042328
NM_00135 212933	Pm20d1	chr1	1.32E+08	1.32E+08	236	9	0.038136	223	3	0.013453	215	7	0.032558	22	15	0.681818	106	29	0.273585	199	10	0.050251	236	5	0.021186	231	8	0.034632	39	0	0	70	18	0.257143	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 75033	Mei4	chr9	81863670	82029183	1693	32	0.018901	1769	18	0.010175	1744	25	0.014335	132	3	0.022727	664	5	0.00753	1719	54	0.031414	1608	97	0.060323	1486	93	0.062584	567	25	0.044092	620	21	0.033871	189	8	0.042328
NM_00135 69241	Polr2d	chr18	31789125	31796709	1118	6	0.005367	958	4	0.004175	1208	5	0.004139	275	1	0.003636	378	1	0.002646	1210	11	0.009091	861	17	0.019744	818	6	0.007335	363	3	0.008264	498	4	0.008032	209	1	0.004785
NM_00135 226412	R3hdm1	chr1	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 76863	Dcun1d5	chr9	7184505	7208205	2437	34	0.013952	2565	29	0.011306	2851	26	0.00912	616	3	0.00487	1091	17	0.015582	2467	19	0.007702	2563	24	0.009364	2304	15	0.00651	815	9	0.011043	1016	5	0.004921	310	0	0
NM_00135 76863	Dcun1d5	chr9	7176590	7208205	402	7	0.017413	303	3	0.009901	453	4	0.00883	20	1	0.05	215	6	0.027907	516	5	0.00969	445	2	0.004494	472	5	0.010593	44	0	0	22	0	0	107	0	0
NM_00135 83493	Sacm1l	chr9	1.24E+08	1.24E+08	2856	22	0.007703	2328	19	0.008162	2842	25	0.008797	472	4	0.008475	1005	2	0.00199	3473	41	0.011805	2906	17	0.00585	2564	14	0.00546	929	1	0.001076	1136	4	0.003521	376	1	0.00266
NM_00135 213464	Rbbp5	chr1	1.32E+08	1.33E+08	1417	14	0.00988	1385	7	0.005054	1372	10	0.007289	195	5	0.025641	547	1	0.001828	1338	6	0.004484	1062	22	0.020716	1302	34	0.026114	420	3	0.007143	478	8	0.016736	154	1	0.006494
NM_00135 213464	Rbbp5	chr1	1.32E+08	1.33E+08	1417	14	0.00988	1385	7	0.005054	1372	10	0.007289	195	5	0.025641	547	1	0.001828	1338	6	0.004484	1062	22	0.020716	1302	34	0.026114	420	3	0.007143	478	8	0.016736	154	1	0.006494
NM_00135 381269	Mreg	chr1	72159233	72212314	4258	28	0.006576	4472	25	0.00559	5027	45	0.008952	620	4	0.006452	1127	4	0.003549	4493	43	0.00957	3742	28	0.007483	4073	33	0.008102	920	6	0.006522	1348	6	0.004451	423	1	0.002364
NM_00135 80288	Bcl9l	chr9	44482825	44511906	3193	68	0.021297	3312	73	0.022041	3261	72	0.022079	460	1	0.002174	548	28	0.051095	3600	86	0.023889	3326	61	0.01834	4378	64	0.014619	411	34	0.082725	1042	2	0.001919	149	0	0
NM_00135 20209	Saa2	chr7	46751833	46754313	177	105	0.59322	116	78	0.672414	157	110	0.700637	13	12	0.923077	53	37	0.698113	176	85	0.482955	101	67	0.663366	133	79	0.593985	45	27	0.6	58	38	0.655172	48	34	0.708333
NM_00135 74934	Armc4	chr18	7088233	7297936	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 20208	Saa1	chr7	46740497	46742980	307	259	0.843648	266	232	0.87218	275	229	0.832727	45	42	0.933333	99	92	0.929293	320	256	0.8	264	209	0.791667	248	197	0.794355	95	84	0.884211	115	99	0.86087	36	34	0.944444
NM_00135 93836	Rnf111	chr9	70425424	70503378	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
NM_00135 93687	Csnk1a1	chr18	61555273	61590320	4022	22	0.00547	2903	18	0.0062	3789	32	0.008446	589	0	0	1250	13	0.0104	4204	22	0.005233	4089	12	0.002935	3772	20	0.005302	1143	1	0.000875	1245	7	0.005622	474	2	0.004219
NM_00135 93687	Csnk1a1	chr18	61555273	61590320	4022	22	0.00547	2903	18	0.0062	3789	32	0.008446	589	0	0	1250	13	0.0104	4204	22	0.005233	4089	12	0.002935	3772	20	0.005302	1143	1	0.000875	1245	7	0.005622	474	2	0.004219
NM_00135 93687	Csnk1a1	chr18	61555273	61590320	4022	22	0.00547	2903	18	0.0062	3789	32	0.008446	589	0	0	1250	13	0.0104	4204	22	0.005233	4089	12	0.002935	3772	20	0.005302	1143	1	0.000875	1245	7	0.005622	474	2	0.004219
NM_00135 104444	Rexo2	chr9	48468512	48480611	2040	42	0.020588	1877	22	0.011721	2016	21	0.010417	265	5	0.018868	328	12	0.036585	2339	37	0.015819	1975	26	0.013165	2073	21	0.01013	345	1	0.002899	479	11	0.022965	130	0	0
NM_00135 104444	Rexo2	chr9	48474161	48480611	2040	42	0.020588	1877	22	0.011721	2016	21	0.010417	265	5	0.018868	328	12	0.036585	2339	37	0.015819	1975	26	0.013165	2073	21	0.01013	345	1	0.002899	479	11	0.022965	130	0	0
NM_00135 104444	Rexo2	chr9	48474161	48480611	2040	42	0.020588	1877	22	0.011721	2016	21	0.010417	265	5	0.018868	328	12	0.036585	2339	37	0.015819	1975	26	0.013165	2073	21	0.01013	345	1	0.002899	479	11	0.022965	130	0	0
NM_00135 207259	Zbtb7c	chr18	76059326	76148564	1743	97	0.055651	1871	67	0.03581	1790	114	0.063687	255	45	0.176471	679	41	0.060383	1735	113	0.06513	1787	86	0.048125	1811	90	0.049696	465	46	0.098925	660	29	0.043939	110	12	0.109091
NM_00135 225372	Apbb3	chr18	36671154	36679366	980	12	0.012245	788	4	0.005076	837	4	0.004779	188	0	0	503	3	0.005964	1143	16	0.013998	865	9	0.010405	854	7	0.008197	252	0	0	326	0	0	89	0	0
NM_00135 20713	Serpini1	chr3	75557493	75642523	1811	148	0.081723	1564	105	0.067136	1966	142	0.072228	459	54	0.117647	541	60	0.110906	1907	124	0.065024	1597	100	0.062617	1673	133	0.079498	554	31	0.055957	578	41	0.070934	157	31	0.197452
NM_00135 53311	Mybph	chr1	1.34E+08	1.34E+08	161	141	0.875776	146	128	0.876712	152	137	0.901316	36	29	0.805556	96	85	0.885417	158	118	0.746835	141	116	0.822695	151	115	0.761589	32	26	0.8125	77	62	0.805195	27	23	0.851852
NM_00135 113868	Acaa1a	chr9	1.19E+08	1.19E+08	1552	33	0.021263	1449	22	0.015183	1279	15	0.011728	187	0	0	576	17	0.029514	1898	25	0.013172	1444	28	0.019391	1527	33	0.021611	630	8	0.012698	618	21	0.033981	239	0	0
NM_00135 225497	Fam170a	chr18	50278369	50283020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 225651	Mppe1	chr18	67225048	67245830	1436	10	0.006964	1165	4	0.003433	1392	9	0.006466	124	1	0.008065	551	2	0.00363	1525	5	0.003279	1098	11	0.010018	1058	5	0.004726	308	1	0.003247	452	0	0	121	1	0.008264
NM_00135 22596	Xrcc5	chr1	72307421	72394953	276	1	0.003623	357	2	0.005602	256	6	0.023438	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	245	0	0	292	1	0.003425	374	2	0.005348	36	1	0.027778	86	2	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 22596	Xrcc5	chr1	72307421	72394953	276	1	0.003623	357	2	0.005602	256	6	0.023438	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	245	0	0	292	1	0.003425	374	2	0.005348	36	1	0.027778	86	2	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 54610	Tbc1d8	chr1	39371495	39478755	3229	18	0.005574	2830	18	0.00636	3483	27	0.007752	698	2	0.002865	1384	9	0.006503	3527	32	0.009073	3036	22	0.007246	2968	25	0.008423	985	12	0.012183	844	5	0.005924	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 54610	Tbc1d8	chr1	39373312	39478755	3229	18	0.005574	2830	18	0.00636	3483	27	0.007752	698	2	0.002865	1384	9	0.006503	3527	32	0.009073	3036	22	0.007246	2968	25	0.008423	985	12	0.012183	844	5	0.005924	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 225659	Cep76	chr18	67616964	67641355	5797	29	0.005003	5609	41	0.00731	6181	41	0.006633	919	1	0.001088	2214	10	0.004517	5267	38	0.007215	4985	22	0.004413	5367	37	0.006894	2042	7	0.003428	2332	7	0.003002	594	4	0.006734
NM_00135 67792	Rgs8	chr1	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00135 208084	Pif1	chr9	65587174	65595967	1151	20	0.017376	1117	19	0.01701	1457	20	0.013727	70	2	0.028571	444	3	0.006757	1514	9	0.005945	1116	8	0.007168	1138	5	0.004394	334	2	0.005988	234	2	0.008547	77	1	0.012987
NM_00135 208084	Pif1	chr9	65587174	65595967	1151	20	0.017376	1117	19	0.01701	1457	20	0.013727	70	2	0.028571	444	3	0.006757	1514	9	0.005945	1116	8	0.007168	1138	5	0.004394	334	2	0.005988	234	2	0.008547	77	1	0.012987
NM_00135 69276	Sec62	chr3	30792876	30821263	4654	26	0.005587	4187	24	0.005732	4481	23	0.005133	521	2	0.003839	1666	2	0.0012	4131	18	0.004357	4075	15	0.003681	4631	22	0.004751	903	2	0.002215	1663	6	0.003608	308	1	0.003247
NM_00135 15356	Hmgcl	chr4	1.36E+08	1.36E+08	2077	28	0.013481	1729	6	0.00347	1873	17	0.009076	477	4	0.008386	748	24	0.032086	2231	23	0.010309	1912	31	0.016213	1661	6	0.003612	698	6	0.008596	620	17	0.027419	155	0	0
NM_00135 15356	Hmgcl	chr4	1.36E+08	1.36E+08	2077	28	0.013481	1729	6	0.00347	1873	17	0.009076	477	4	0.008386	748	24	0.032086	2231	23	0.010309	1912	31	0.016213	1661	6	0.003612	698	6	0.008596	620	17	0.027419	155	0	0
NM_00135 225745	Haus1	chr18	77757277	77773885	2240	15	0.006696	1894	12	0.006336	2274	29	0.012753	312	1	0.003205	989	2	0.002022	2254	12	0.005324	1949	13	0.00667	2005	14	0.006983	531	1	0.001883	928	2	0.002155	264	1	0.003788
NM_00135 225745	Haus1	chr18	77757277	77773885	2240	15	0.006696	1894	12	0.006336	2274	29	0.012753	312	1	0.003205	989	2	0.002022	2254	12	0.005324	1949	13	0.00667	2005	14	0.006983	531	1	0.001883	928	2	0.002155	264	1	0.003788
NM_00135 225745	Haus1	chr18	77757277	77773621	2240	15	0.006696	1894	12	0.006336	2274	29	0.012753	312	1	0.003205	989	2	0.002022	2254	12	0.005324	1949	13	0.00667	2005	14	0.006983	531	1	0.001883	928	2	0.002155	264	1	0.003788
NM_00135 26381	Esrrg	chr1	1.88E+08	1.88E+08	2662	512	0.192337	2387	380	0.159196	2776	460	0.165706	449	92	0.2049	943	170	0.180276	2595	497	0.191522	2556	394	0.154147	2602	412	0.15834	612	147	0.240196	834	183	0.219424	147	18	0.122449
NM_00135 26381	Esrrg	chr1	1.88E+08	1.88E+08	2662	512	0.192337	2387	380	0.159196	2776	460	0.165706	449	92	0.2049	943	170	0.180276	2595	497	0.191522	2556	394	0.154147	2602	412	0.15834	612	147	0.240196	834	183	0.219424	147	18	0.122449

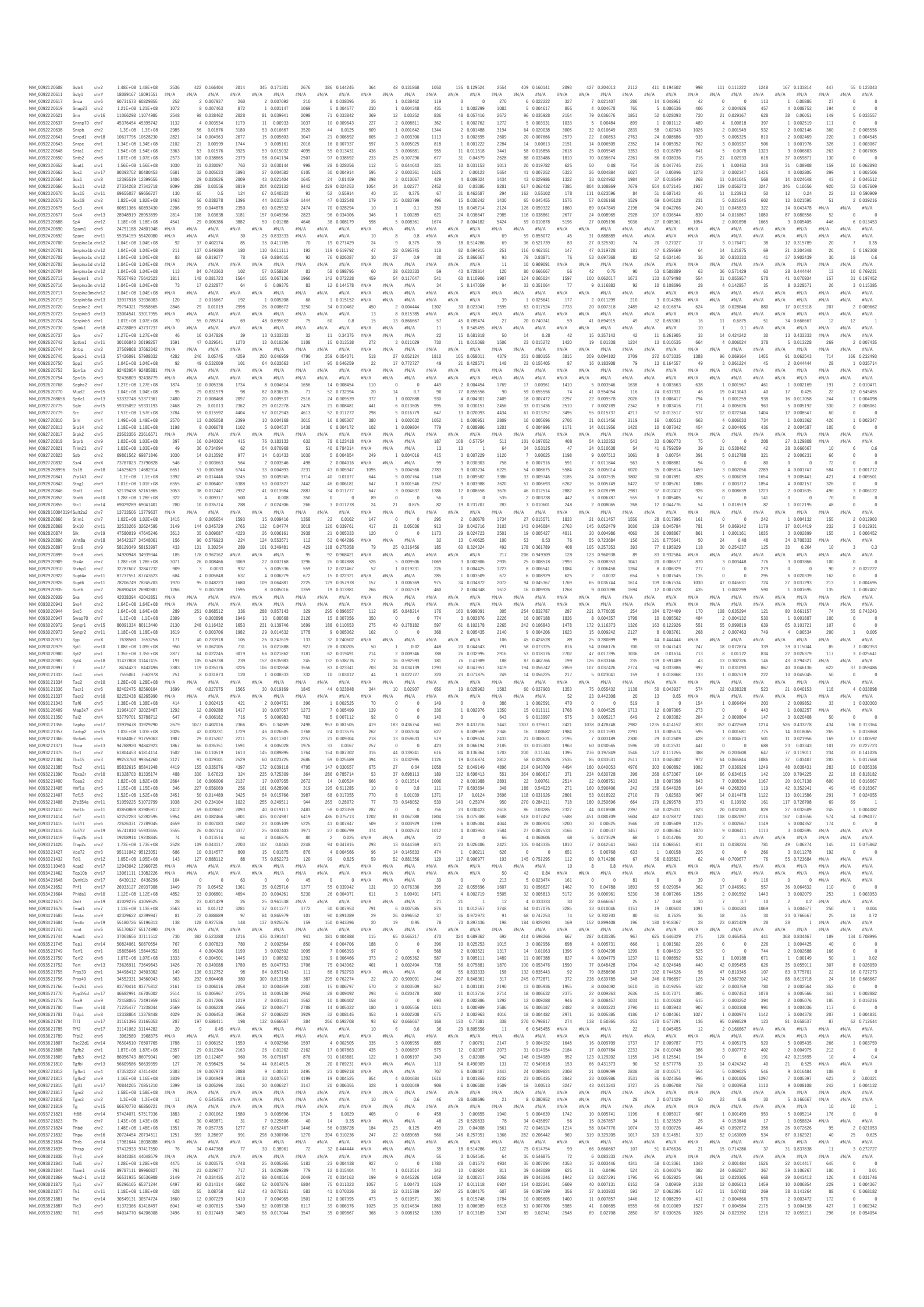
NM_00137115489303	Gm21763	chrY	19514195	19516527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013713098	Cyp2c39	chr19	39347346	39569568	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013721380	Tbx1	chr16	18580979	18588899	4041	278	0.068795	4046	216	0.053386	4144	211	0.050917	622	24	0.038585	1456	62	0.042582	4058	274	0.067521	4035	336	0.083271	4508	281	0.062334	1059	56	0.05288	1773	179	0.100959	256	25	0.097656
NM_00137234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_00137234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_00137234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_00137234875	Ttc13	chr8	1.25E+08	1.25E+08	3202	106	0.033104	2798	155	0.055397	3430	125	0.036443	389	1	0.002571	744	29	0.038978	3355	98	0.02921	2717	84	0.030916	2890	100	0.034602	896	2	0.002232	934	25	0.026767	371	1	0.002695
NM_0013754525	Syt7	chr19	10389023	10451617	6101	184	0.030159	5513	157	0.028478	6557	189	0.028824	1026	25	0.024366	2414	64	0.026512	6264	215	0.034323	5058	136	0.026888	5114	150	0.029331	1407	57	0.040512	2015	74	0.036725	188	3	0.015957
NM_0013771089	Septin12	chr16	4987318	4997813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013772199	Mms19	chr19	41944201	41981130	6694	35	0.005229	6343	39	0.006149	6875	53	0.007709	943	2	0.002121	1738	9	0.005178	7364	50	0.00679	6548	48	0.00733	7505	49	0.006529	1581	4	0.00253	2353	13	0.005525	380	1	0.002632
NM_0013776872	Ccdc116	chr16	17139064	17144446	113	68	0.60177	74	31	0.418919	138	88	0.637681	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	139	105	0.755396	77	45	0.584416	68	22	0.323529	#N/A	#N/A	#N/A	26	11	0.423077	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013726931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.11E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NM_0013726931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.11E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NM_0013726931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.11E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NM_0013726931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.11E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NM_0013726931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.11E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NM_0013726931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.11E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NM_00137224020	Pi4ka	chr16	17280352	17405865	2218	28	0.012624	2139	10	0.004675	2488	16	0.006431	339	1	0.00295	673	10	0.014859	2904	31	0.010675	2612	16	0.006126	2347	17	0.007243	737	10	0.013569	1149	13	0.011314	172	3	0.017442
NM_0013768511	Dcdc2c	chr12	28469868	28552399	910	648	0.712088	822	489	0.594891	765	397	0.518954	137	102	0.744526	210	139	0.661905	809	615	0.760198	852	542	0.63615	834	514	0.616307	245	168	0.685714	414	225	0.543478	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013768511	Dcdc2c	chr12	28513930	28552399	910	648	0.712088	822	489	0.594891	765	397	0.518954	137	102	0.744526	210	139	0.661905	809	615	0.760198	852	542	0.63615	834	514	0.616307	245	168	0.685714	414	225	0.543478	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013768511	Dcdc2c	chr12	28516036	28552399	910	648	0.712088	822	489	0.594891	765	397	0.518954	137	102	0.744526	210	139	0.661905	809	615	0.760198	852	542	0.63615	834	514	0.616307	245	168	0.685714	414	225	0.543478	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013766314	Tpd52l2	chr2	1.81E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013766314	Tpd52l2	chr2	1.81E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013766314	Tpd52l2	chr2	1.81E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137214290	Tut7	chr13	59771876	59823110	2689	17	0.006322	3376	22	0.006517	2691	20	0.007432	527	1	0.001898	831	3	0.00361	3257	38	0.011667	3272	14	0.004279	3965	26	0.006557	760	0	0	802	5	0.006234	406	2	0.004926
NM_00137214290	Tut7	chr13	59771876	59823110	2689	17	0.006322	3376	22	0.006517	2691	20	0.007432	527	1	0.001898	831	3	0.00361	3257	38	0.011667	3272	14	0.004279	3965	26	0.006557	760	0	0	802	5	0.006234	406	2	0.004926
NM_00137214290	Tut7	chr13	59771876	59823110	2689	17	0.006322	3376	22	0.006517	2691	20	0.007432	527	1	0.001898	831	3	0.00361	3257	38	0.011667	3272	14	0.004279	3965	26	0.006557	760	0	0	802	5	0.006234	406	2	0.004926
NM_00137380863	Tmem171	chr13	98686238	98694842	1030	168	0.163107	816	60	0.073529	875	91	0.104	150	36	0.24	513	89	0.173489	921	172	0.186754	983	125	0.127162	856	62	0.07243	220	17	0.077273	377	29	0.076923	103	20	0.194175
NM_0013775645	Ccdc172	chr19	58511985	58553104	39	34	0.871795	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013775645	Ccdc172	chr19	58511985	58553104	39	34	0.871795	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013778306	Tsga10ip	chr19	5390047	5402506	27	24	0.888889	11	11	1	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	37	27	0.72973	48	40	0.833333	32	28	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013713654	Egr2	chr10	67535499	67542188	3240	68	0.020988	2937	57	0.019408	3248	70	0.021552	943	13	0.013786	1149	24	0.020888	3762	65	0.017278	3194	169	0.052912	3053	111	0.036358	960	17	0.017708	1152	12	0.010417	364	5	0.013736
NM_0013713654	Egr2	chr10	67537211	67542188	4683	63	0.013453	3806	64	0.016816	4561	69	0.015128	1157	13	0.011236	1437	24	0.016701	5234	52	0.009935	4339	168	0.038719	4227	118	0.027916	1390	19	0.013669	1578	14	0.008872	557	5	0.008977
NM_0013713654	Egr2	chr10	67537566	67542188	4573	58	0.012683	3806	64	0.016816	4346	58	0.013346	1168	13	0.01113	1437	24	0.016701	5081	51	0.010037	4026	154	0.038251	4043	102	0.025229	1390	19	0.013669	1588	14	0.008816	557	5	0.008977
NM_0013713654	Egr2	chr10	67537870	67542188	4875	49	0.010051	4082	47	0.011514	4553	36	0.007907	1127	8	0.007098	1483	13	0.008766	5405	44	0.008141	4192	116	0.027672	4184	68	0.016252	1531	18	0.011757	1593	13	0.008161	662	10	0.015106
NM_00137217944	Rapgef5	chr12	1.18E+08	1.18E+08	2907	41	0.014104	3134	43	0.01372	2940	60	0.020408	683	3	0.004392	1337	23	0.017203	3067	75	0.024454	3090	111	0.035922	2980	129	0.043289	809	29	0.035847	1212	59	0.04868	273	16	0.058608
NM_0013783674	Cnnm1	chr19	43440413	43497210	7249	85	0.011726	7365	169	0.022946	8003	156	0.019493	824	8	0.009709	2025	132	0.065185	6879	113	0.016427	7113	328	0.046113	7070	158	0.022348	1582	77	0.048673	2371	81	0.034163	493	11	0.022312
NM_00137666190	Gm7972	chr9	75468573	75486681	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137115486031	Gm51425	chr17	17005116	17041555	289	2	0.00692	330	7	0.021212	342	1	0.002924	75	0	0	155	1	0.006452	319	4	0.012539	328	2	0.006098	267	3	0.011236	152	1	0.006579	97	3	0.030928	10	0	0
NM_00137115486031	Gm51425	chr17	17005116	17041555	289	2	0.00692	330	7	0.021212	342	1	0.002924	75	0	0	155	1	0.006452	319	4	0.012539	328	2	0.006098	267	3	0.011236	152	1	0.006579	97	3	0.030928	10	0	0
NM_00137218461	Pde8b	chr13	95024454	95223092	3627	108	0.029777	2857	88	0.030802	3837	89	0.023195	210	15	0.071429	1047	29	0.027698	3828	129	0.033699	2910	67	0.023024	3186	94	0.029504	557	34	0.061041	1193	52	0.043588	269	17	0.063197
NM_00137218461	Pde8b	chr13	95024454	95223092	3627	108	0.029777	2857	88	0.030802	3837	89	0.023195	210	15	0.071429	1047	29	0.027698	3828	129	0.033699	2910	67	0.023024	3186	94	0.029504	557	34	0.061041	1193	52	0.043588	269	17	0.063197
NM_00137218461	Pde8b	chr13	95024454	95250289	60	14	0.233333	64	12	0.1875	68	12	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	33	8	0.242424	71	19	0.267606	54	5	0.092593	44	11	0.25	20	5	0.25	39	19	0.487179	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137218461	Pde8b	chr13	95024454	95250289	60	14	0.233333	64	12	0.1875	68	12	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	33	8	0.242424	71	19	0.267606	54	5	0.092593	44	11	0.25	20	5	0.25	39	19	0.487179	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137218461	Pde8b	chr13	95024454	95250289	60	14	0.233333	64	12	0.1875	68	12	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	33	8	0.242424	71	19	0.267606	54	5	0.092593	44	11	0.25	20	5	0.25	39	19	0.487179	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137435684	Shf	chr2	1.22E+08	1.22E+08	956	11	0.011506	657	11	0.016743	789	22	0.027883	192	2	0.010417	465	5	0.010753	1233	23	0.018654	982	13	0.013238	729	4	0.005487	198	1	0.005051	203	0	0	68	0	0
NM_0013770615	Ankrd24	chr10	81633699	81647610	93	84	0.903226	81	79	0.975309	72	64	0.888889	15	15	1	34	32	0.941176	76	64	0.842105	109	100	0.917431	125	113	0.904	12	9	0.75	41	40	0.97561	10	10	1
NM_0013771448	Tmem80	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	225	1	0.004444	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	951	16	0.016824	60	0	0
NM_0013771448	Tmem80	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	225	1	0.004444	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	951	16	0.016824	60	0	0
NM_00137380753	Atxn7l1	chr12	33146971	33368275	3279	69	0.021043	2798	57	0.020372	3463	69	0.019925	522	16	0.030651	1164	52	0.044674	3665	91	0.024829	3171	72	0.022706	2969	54	0.018188	933	32	0.034298	1355	31	0.022878	361	9	0.024931
NM_00137380753	Atxn7l1	chr12	33146968	33376408	3279	69	0.021043	2798	57	0.020372	3463	69	0.019925	522	16	0.030651	1164	52	0.044674	3665	91	0.024829	3171	72	0.022706	2969	54	0.018188	933	32	0.034298	1355	31	0.022878	361	9	0.024931
NM_00137380753	Atxn7l1	chr12	33315405	33368275	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137380753	Atxn7l1	chr12	33314297	33368275	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137380753	Atxn7l1	chr12	33315405	33368275	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013773430	Zfp974	chr7	27905414	27929458	596	4	0.006711	405	2	0.004938	564	3	0.005319	114	3	0.026316	269	2	0.007435	583	4	0.006861	581	3	0.005164	406	3	0.007389	291	0	0	213	0	0	149	0	0
NM_0013713139	Dgka	chr10	1.29E+08	1.29E+08	1794	75	0.041806	1659	32	0.019289	1923	77	0.040042	179	2	0.011173	360	7	0.019444	1942	86	0.044284	1879	73	0.03885	1584	62	0.039141	502	0	0	344	7	0.020349	109	0	0
NM_0013771130	Sh2d6	chr6	72513641	72520036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9
NM_00137544736	Glipr1l3	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137666584	BC024063	chr10	82083320	82113133	1470	76	0.051701	1431	34	0.02376	1303	104	0.079816	273	9	0.032967	551	31	0.056261	1252	101	0.080671	1294	80	0.061824	1089	54	0.049587	520	134	0.257692	606	56	0.092409	320	10	0.03125
NM_00137666584	BC024063	chr10	82083320	82113133	1470	76	0.051701	1431	34	0.02376	1303	104	0.079816	273	9	0.032967	551	31	0.056261	1252	101	0.080671	1294	80	0.061824	1089	54	0.049587	520	134	0.257692	606	56	0.092409	320	10	0.03125
NM_00137238722	Zfp72	chr13	74369324	74390829	313	1	0.003195	272	2	0.007353	264	5	0.018939	28	1	0.035714	99	1	0.010101	249	3	0.012048	261	2	0.007663	225	4	0.017778	148	0	0	94	0	0	63	0	0
NM_0013775645	Ccdc172	chr19	58511985	58553104	39	34	0.871795	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137107392	Brms1	chr19	5041363	5049912	2068	279	0.134913	2256	266	0.117908	2306	207	0.089766	171	29	0.169591	583	60	0.102916	2218	197	0.088819	2265	153	0.06755	2398	335	0.1397	635	116	0.182677	860	137	0.159302	188	40	0.212766
NM_00137107392	Brms1	chr19	5041363	5049912	2068	279	0.134913	2256	266	0.117908	2306	207	0.089766	171	29	0.169591	583	60	0.102916	2218	197	0.088819	2265	153	0.06755	2398	335	0.1397	635	116	0.182677	860	137	0.159302	188	40	0.212766
NM_00137225870	Rin1	chr19	5050815	5057071	590	63	0.10678	576	60	0.104167	736	90	0.122283	60	6	0.1	204	18	0.088235	654	43	0.065749	529	75	0.141777	654	95	0.14526	94	8	0.085106	228	42	0.184211	120	16	0.133333
NM_00137225870	Rin1	chr19	5050815	5057071	590	63	0.10678	576	60	0.104167	736	90	0.122283	60	6	0.1	204	18	0.088235	654	43	0.065749	529	75	0.141777	654	95	0.14526	94	8	0.085106	228	42	0.184211	120	16	0.133333
NM_0013720866	Stim1	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1415	8	0.005654	1593	15	0.009416	1358	22	0.0162	147	0	0	295	2	0.00678	1734	27	0.015571	1833	21	0.011457	1556	28	0.017995	161	0	0	242	1	0.004132	155	2	0.012903
NM_0013720866	Stim1	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1415	8	0.005654	1593	15	0.009416	1358	22	0.0162	147	0	0	295	2	0.00678	1734	27	0.015571	1833	21	0.011457	1556	28	0.017995	161	0	0	242	1	0.004132	155	2	0.012903
NM_00137102641157	Gm38538	chr12	22698332	22745734	1541	228	0.147956	1338	112	0.083707	1576	229	0.145305	306	43	0.140523	635	83	0.130709	1397	368	0.263422	1186	358	0.301855	1179	437	0.370653	363	197	0.5427	701	204	0.291013	55	13	0.236364
NM_0013727389	Dusp13	chr14	21733395	21741498	116	101	0.87069	92	90	0.978261	131	122	0.931298	15	15	1	57	52	0.912281	114	87	0.763158	127	109	0.858268	106	85	0.801887	42	31	0.738095	37	34	0.918919	17	17	1
NM_0013727389	Dusp13	chr14	21733395	21741498	116	101	0.87069	92	90	0.978261	131	122	0.931298	15	15	1	57	52	0.912281	114	87	0.763158	127	109	0.858268	106	85	0.801887	42	31	0.738095	37	34	0.918919	17	17	1
NM_0013727389	Dusp13	chr14	21733395	21741498	116	101	0.87069	92	90	0.978261	131	122	0.931298	15	15	1	57	52	0.912281	114	87	0.763158	127	109	0.858268	106	85	0.801887	42	31	0.738095	37	34	0.918919	17	17	1
NM_0013727389	Dusp13	chr14	21733395	21740442	116	101	0.87069	92	90	0.978261	131	122	0.931298	15	15	1	57	52	0.912281	114	87	0.763158	127	109	0.858268	106	85	0.801887	42	31	0.738095	37	34	0.918919	17	17	1
NM_0013770021	Nt5dc2	chr14	31131089	31139124	4032	59	0.014633	3416	43	0.012588	3693	27	0.007311	762	5	0.006562	1290	17	0.013178	4682	48	0.010252	3801	34	0.008945	3964	64	0.016145	1275	5	0.003922	1779	17	0.009556	244	0	0
NM_0013767943	Mesd	chr7	83883866	83900311	8672	133	0.015337	8322	163	0.019587	8962	157	0.017518	1322	34	0.025719	2793	72	0.025779	10045	226	0.022499	7809	84	0.010757	8682	90	0.010366	2298	7	0.003046	2619	10	0.003818	732	1	0.001366
NM_00137546250	Gm5930	chr14	44330780	44384541	15	14	0.933333	13	11	0.846154	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137624286	Cfhr3	chr1	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137624286	Cfhr3	chr1	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137268747	Carmil3	chr14	55491069	55508264	3677	42	0.011422	3275	28	0.00855	3480	32	0.009195	627	5	0.007974	897	8	0.008919	3747	30	0.008006	2795	11	0.003936	2825	17	0.006018	834	3	0.003597	1019	3	0.002944	572	3	0.005245
NM_00137268747	Carmil3	chr14	55491069	55508264	3677	42	0.011422	3275	28	0.00855	3480	32	0.009195	627	5	0.007974	897	8	0.008919	3747	30	0.008006	2795	11	0.003936	2825	17	0.006018	834	3	0.003597	1019	3	0.002944	572	3	0.005245
NM_00137268747	Carmil3	chr14	55491069	55508264	3677	42	0.011422	3275	28	0.00855	3480	32	0.009195	627	5	0.007974	897	8	0.008919	3747	30	0.008006	2795	11	0.003936	2825	17	0.006018	834	3	0.003597	1019	3	0.002944	572	3	0.005245
NM_00137230085	Phf24	chr4	42930808	42944752	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100039441	Gm2237	chr14	19563801	19585798	329	2	0.006079	495	8	0.016162	590	2	0.00339	154	1	0.006494	222	0	0	478	39	0.08159	510	6	0.011765	552	9	0.016304	96	2	0.020833	102	2	0.019608	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100039441	Gm2237	chr14	19563801	19585798	329	2	0.006079	495	8	0.016162	590	2	0.00339	154	1	0.006494	222	0	0	478	39	0.08159	510	6	0.011765	552	9	0.016304	96	2	0.020833	102	2	0.019608	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100039441	Gm2237	chr14	19563801	19585798	329	2	0.006079	495	8	0.016162	590	2	0.00339	154	1	0.006494	222	0	0	478	39	0.08159	510	6	0.011765	552	9	0.016304	96	2	0.020833	102	2	0.019608	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100039441	Gm2237	chr14	19563801	19585798	329	2	0.006079	495	8	0.016162	590	2	0.00339	154	1	0.006494	222	0	0	478	39	0.08159	510	6	0.011765	552	9	0.016304	96	2	0.020833	102	2	0.019608	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770088	Meaf6	chr4	1.25E+08	1.25E+08	4380	23	0.005251	4232	26	0.006144	4505	34	0.007547	680	4	0.005882	922	4	0.004338	4108	23	0.005599	3744	26	0.006944	4226	31	0.007336	915	4	0.004372	1493	5	0.003349	176	3	0.017045
NM_00137100040545	Gm2832	chr14	41264670	41288486	178	6	0.033708	124	4	0.032258	265	4	0.015094	#N/A	#N/A	#N/A	52	3	0.057692	199	4	0.020101	249	4	0.016064	147	6	0.040816	40	4	0.1	55	1	0.018182	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100040545	Gm2832	chr14	41264670	41288486	178	6	0.033708	124	4	0.032258	265	4	0.015094	#N/A	#N/A	#N/A	52	3	0.057692	199	4	0.020101	249	4	0.016064	147	6	0.040816	40	4	0.1	55	1	0.018182	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137228866	Pcif1	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3675	35	0.009524	3562	20	0.005615	3938	36	0.009142	921	3	0.003257	1564	18	0.011509	3901	24	0.006152	3707	14	0.003777	4644	36	0.007752	1374	5	0.003639	1582	7	0.004425	424	3	0.007075
NM_00137228866	Pcif1	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3675	35	0.009524	3562	20	0.005615	3938	36	0.009142	921	3	0.003257	1564	18	0.011509	3901	24	0.006152	3707	14	0.003777	4644	36	0.007752	1374	5	0.003639	1582	7	0.004425	424	3	0.007075
NM_00137228866	Pcif1	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3988	143	0.035858	3764	90	0.023911	4146	99	0.023878	990	16	0.016162	1748	92	0.052632	4182	132	0.031564	3927	85	0.021645	4818	87	0.018057	1420	8	0.005634	1781	84	0.047165	466	19	0.040773
NM_00137100043403	Gm14410	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091
NM_00137225995	D030056L	chr19	18713235	18718429	1013	6	0.005923	1033	3	0.002904	1173	10	0.008525	139	0	0	464	0	0	1429	9	0.006298	920	4	0.004348	713	6	0.008415	271	0	0	558	0	0	164	1	0.006098
NM_00137381213	Ms4a12	chr19	11214028	11232453	238	211	0.886555	126	116	0.920635	113	96	0.849558	41	40	0.97561	51	47	0.921569	297	250	0.841751	115	85	0.73913	129	103	0.79845	56	44	0.785714	63	51	0.809524	30	23	0.766667
NM_0013710004087	Gm3005	chr14	3571791	3594220	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013710004087	Gm3005	chr14	3571791	3594220	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013710004087	Gm3005	chr14	3571791	3594220	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013717069	Ly6e	chr15	74955025	74959904	1182	84	0.071066	1113	75	0.067385	1224	70	0.05719	339	24	0.070796	440	13	0.029545	1535	33	0.021498	1207	55	0.045568	1087	46	0.042318	345	11	0.031884	483	8	0.016563	201	8	0.039801
NM_00137381218	4430402I1	chr19	28923057	28967832	593	459	0.77403	409	353	0.863081	477	376	0.78826	89	75	0.842697	126	114	0.904762	613	529	0.862969	480	415	0.864583	471	409	0.868365	128	95	0.742188	152	129	0.848684	103	90	0.873786
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_0013710004210	Gm3667	chr14	6868500	6889931	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
NM_00137381218	4430402I1	chr19	28923057	28963886	2567	27	0.010518	2910	41	0.014089	2643	28	0.010594	426	2	0.004695	1156	16	0.013841	2437	37	0.015183	2567	53	0.020647	2551	31	0.012152	388	13	0.033505	1166	23	0.019726	653	22	0.033691
NM_00137381218	4430402I1	chr19	28923057	28967832	593	459	0.77403	409	353	0.863081	477	376	0.78826	89	75	0.842697	126	114	0.904762	613	529	0.862969	480	415	0.864583	471	409	0.868365	128	95	0.742188	152	129	0.848684	103	90	0.873786
NM_00137381218	4430402I1	chr19	28923057	28963886	2567	27	0.010518	2910	41	0.014089	2643	28	0.010594	426	2	0.004695	1156	16	0.013841	2437	37	0.015183	2567	53	0.020647	2551	31	0.012152	388	13	0.033505	1166	23	0.019726	653	22	0.033691
NM_00137100169868	Gm3173	chr14	4498863	4520509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	9	0.081818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100169868	Gm3173	chr14	4498693	4520509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	9	0.081818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100169868	Gm3173	chr14	4498863	4520509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	9	0.081818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100169868	Gm3173	chr14	4498863	4520509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	9	0.081818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137100169868	Gm3173	chr14	4498548	4520509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	9	0.081818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013772301	Shisal1	chr15	84379203	84446574	3272	131	0.040037	3467	101	0.029132	3976	117	0.029427	744	40	0.053763	1212	82	0.067657	4092	271	0.066227	2779	146	0.052537	2490	114	0.045783	637	43	0.067504	1176	45	0.038265	160	0	0
NM_0013772301	Shisal1	chr15	84379203	84482860	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013772301	Shisal1	chr15	84379203	84444325	1184	254	0.214527	1052	218	0.207224	1156	244	0.211073	290	79	0.272414	376	109	0.289894	1402	265	0.189016	1179	199	0.168787	964	145	0.150415	174	70	0.402299	244	64	0.262295	65	36	0.553846
NM_00137102631856	Gm30083	chr14	33988417	34015199	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137102631856	Gm30083	chr14	33988417	34016903	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013756323	Dnajb5	chr4	42949890	42959422	2742	225	0.082057	2445	205	0.083845	2521	199	0.078937	582	44	0.075601	928	134	0.144397	2591	182	0.070243	2654	151	0.056895	2893	141	0.048738	802	71	0.088529	1083	109	0.100646	206	38	0.184466
NM_0013756323	Dnajb5	chr4	42949890	42959422	2742	225	0.082057	2445	205	0.083845	2521	199	0.078937	582	44	0.075601	928	134	0.144397	2591	182	0.070243	2654	151	0.056895	2893	141	0.048738	802	71	0.088529	1083	109	0.100646	206	38	0.184466
NM_0013756323	Dnajb5	chr4	42949890	42959422	2742	225	0.082057	2445	205	0.083845	2521	199	0.078937	582	44	0.075601	928	134	0.144397	2591	182	0.070243	2654	151	0.056895	2893	141	0.048738	802	71	0.088529	1083	109	0.100646	206	38	0.184466
NM_0013718639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013718639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013718639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013718639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013718639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013718286	Odf2	chr2	29889817	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
NM_0013718286	Odf2	chr2	29889817	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
NM_0013718286	Odf2	chr2	29889817	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
NM_0013718286	Odf2	chr2	29889817	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
NM_00137108168152	Gm8126	chr14	43209293	43266470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137108168152	Gm8126	chr14	43258621	43266470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	40	34	0.85	73	58	0.794521	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	58	17	0.293103	60	26	0.433333
NM_00137108168152	Gm8126	chr14	43258621	43266470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	40	34	0.85	73	58	0.794521	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	58	17	0.293103	60	26	0.433333
NM_00137108168152	Gm8126	chr14	43209293	43266470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137115486427	LOC11548	chr14	41962711	41967905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	11	5	0.454545
NM_00137115488284	Gm3752	chr14	7466363	7488882	579	7	0.01209	384	10	0.026042	562	7	0.012456	172	2	0.011628	461	8	0.017354	512	9	0.017578	466	28	0.060086	496	13	0.02621	189	7	0.037037	161	1	0.006211	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137115488284	Gm3752	chr14	7466310	7488650	579	7	0.01209	384	10	0.026042	562	7	0.012456	172	2	0.011628	461	8	0.017354	512	9	0.017578	466	28	0.060086	496	13	0.02621	189	7	0.037037	161	1	0.006211	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137115488284	Gm3752	chr14	7466511	7488808	579	7	0.01209	384	10	0.026042	562	7	0.012456	172	2	0.011628	461	8	0.017354	512	9	0.017578	466	28	0.060086	496	13	0.02621	189	7	0.037037	161	1	0.006211	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137115488284	Gm3752	chr14	7466364	7488757	579	7	0.01209	384	10	0.026042	562	7	0.012456	172	2	0.011628	461	8	0.017354	512	9	0.017578	466	28	0.060086	496	13	0.02621	189	7	0.037037	161	1	0.006211	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137115488284	Gm3752	chr14	7466511	7488641	579	7	0.01209	384	10	0.026042	562	7	0.012456	172	2	0.011628	461	8	0.017354	512	9	0.017578	466	28	0.060086	496	13	0.02621	189	7	0.037037	161	1	0.006211	#N/A	#N/A	#N/A
NM_0013770435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2718	28	0.010302	2404	20	0.008319	2928	20	0.006831	474	4	0.008439	969	2	0.002064	2890	28	0.009689	2311	16	0.006923	2798	12	0.004289	595	0	0	914	7	0.007659	124	0	0
NM_00137380785	Begain	chr12	1.09E+08	1.09E+08	4287	62	0.014462	3980	54	0.013568	4997	60	0.012007	575	9	0.015652	1223	10	0.008177	4319	157	0.036351	3873	543	0.140201	3722	267	0.071736	966	77	0.07971	1279	111	0.086787	337	32	0.094955
NM_00137380785	Begain	chr12	1.09E+08	1.09E+08	9204	431	0.046827	10578	387	0.036585	10736	381	0.035488	1239	27	0.021792	2143	95	0.04433	9041	539	0.059617	9267	647	0.069818	10445	804	0.076975	1346	77	0.057207	3009	287	0.095381	191	25	0.13089
NM_00137380785	Begain	chr12	1.09E+08	1.09E+08	5784	181	0.031293	6634	192	0.028942	6825	191	0.027985	902	20	0.022173	1452	47	0.032369	5648	239	0.042316	5850	364	0.062222	6737	434	0.06442	663	33	0.049774	1840	195	0.105978	98	18	0.183673
NM_00137380785	Begain	chr12	1.09E+08	1.09E+08	9204	431	0.046827	10578	387	0.036585	10736	381	0.035488	1239	27	0.021792	2143	95	0.04433	9041	539	0.059617	9267	647	0.069818	10445	804	0.076975	1346	77	0.057207	3009	287	0.095381	191	25	0.13089
NM_00137195726	Scml1	chrX	1.62E+08	1.62E+08	70	69	0.985714	72	71	0.986111	78	74	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	91	88	0.967033	29	26	0.896552	104	95	0.913462	10	7	0.7	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137195726	Scml1	chrX	1.62E+08	1.62E+08	70	69	0.985714	72	71	0.986111	78	74	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	91	88	0.967033	29	26	0.896552	104	95	0.913462	10	7	0.7	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137195726	Scml1	chrX	1.62E+08	1.62E+08	70	69	0.985714	72	71	0.986111	78	74	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	91	88	0.967033	29	26	0.896552	104	95	0.913462	10	7	0.7	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137218304	Prss47	chr13	65044613	65052396	311	262	0.842444	281	240	0.854093	227	181	0.797357	#N/A	#N/A	#N/A	107	93	0.869159	275	215	0.781818	206	136	0.660194	181	102	0.563536	136	84	0.617647	100	53	0.53	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137218304	Prss47	chr13	65044613	65052396	311	262	0.842444	281	240	0.854093	227	181	0.797357	#N/A	#N/A	#N/A	107	93	0.869159	275	215	0.781818	206	136	0.660194	181	102	0.563536	136	84	0.617647	100	53	0.53	#N/A	#N/A	#N/A
NM_00137328110	Prpf39	chr12	65036334	65063386	1816	15	0.00826	1389	20	0.014399	1454	7	0.004814	380	1	0.002632	563	3	0.005329	1638	15	0.009158	1675	14	0.008358	1534	17	0.011082	518	1	0.001931	332	2	0.006024	59	0	0
NM_00137328110	Prpf39	chr12	65036334	65063386	1816	15	0.00826	1389	20	0.014399	1454	7	0.004814	380	1	0.002632	563	3	0.005329	1638	15	0.009158	1675	14	0.008358	1534	17	0.011082	518	1	0.001931	332	2	0.006024	59	0	0

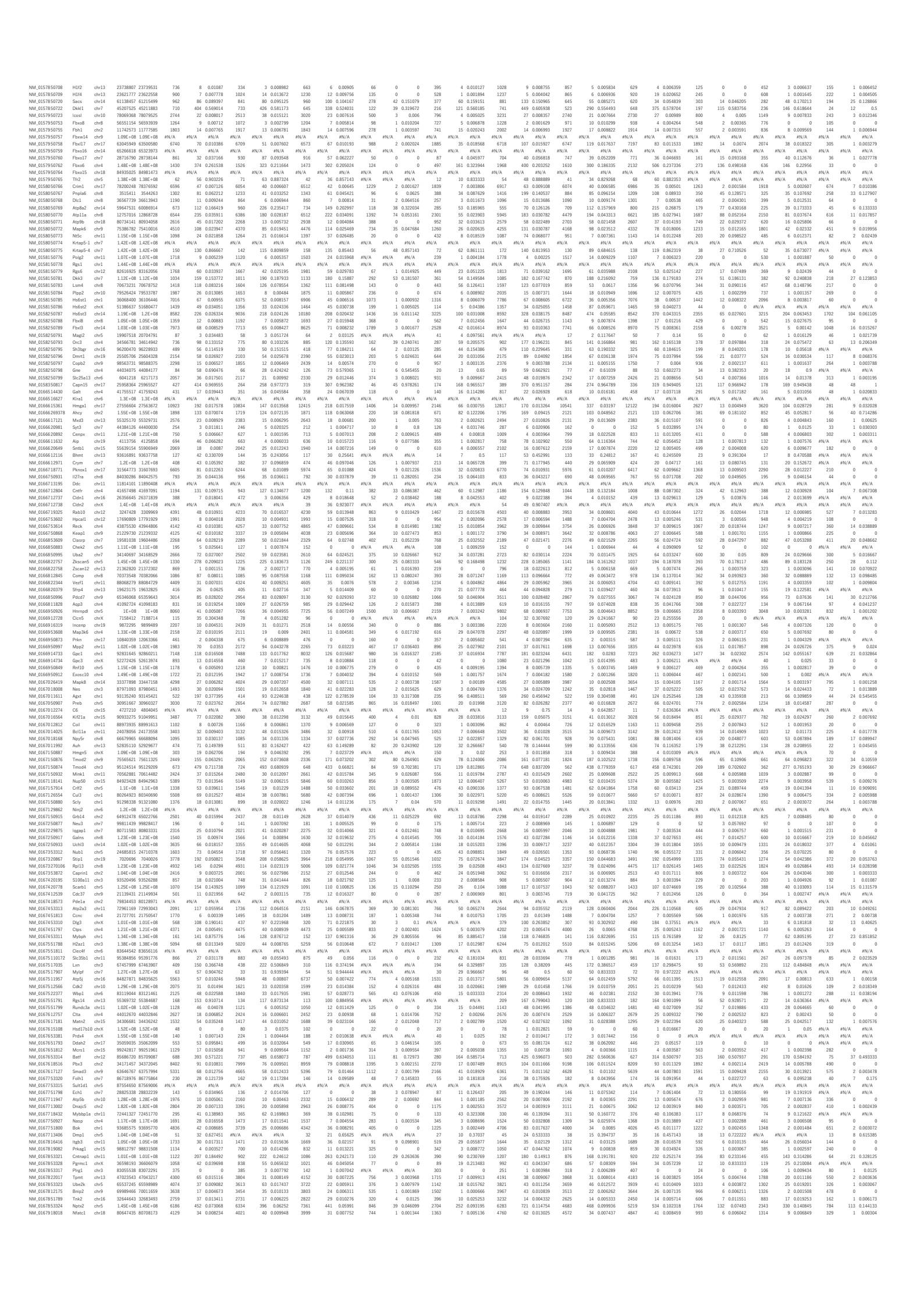


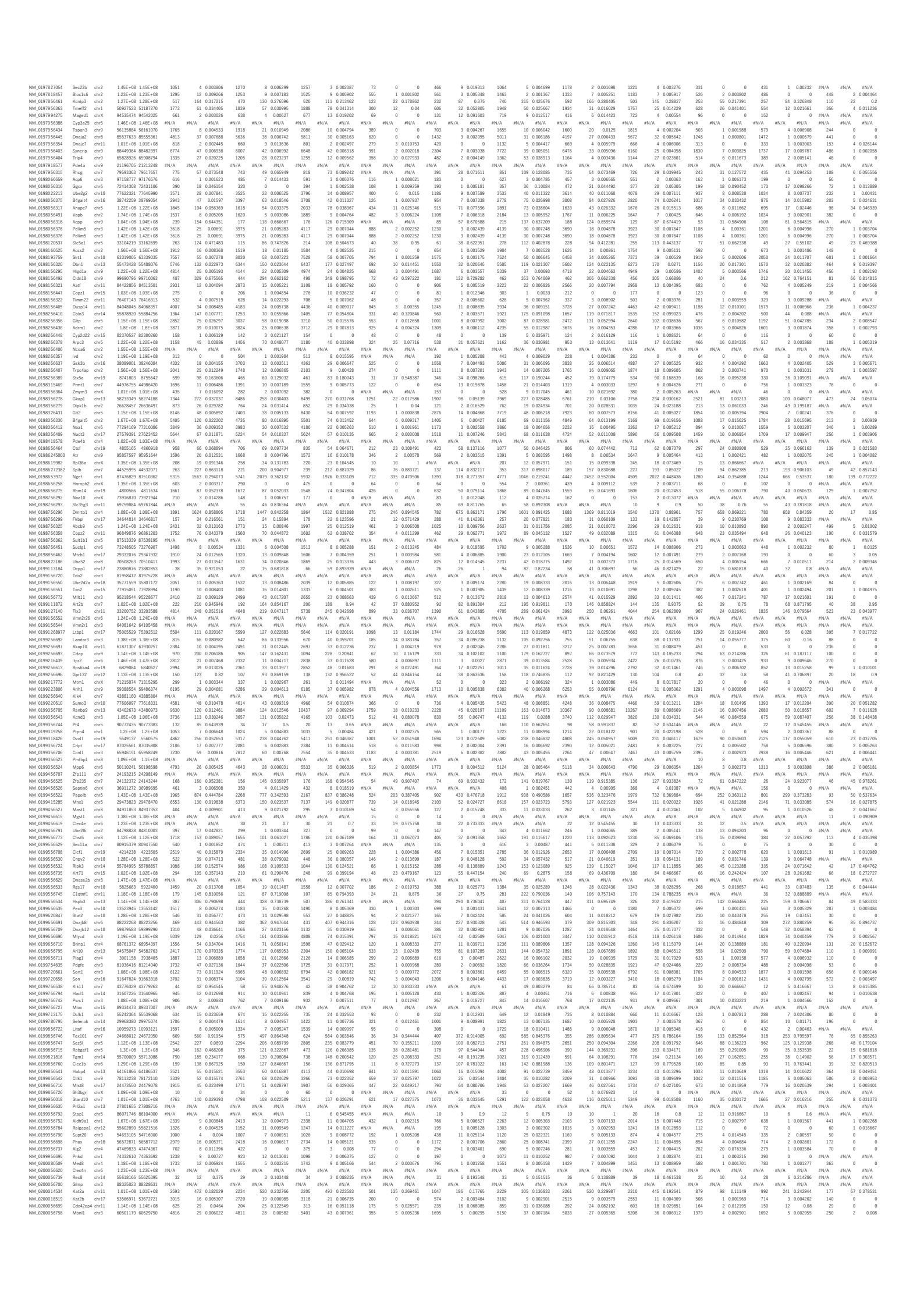


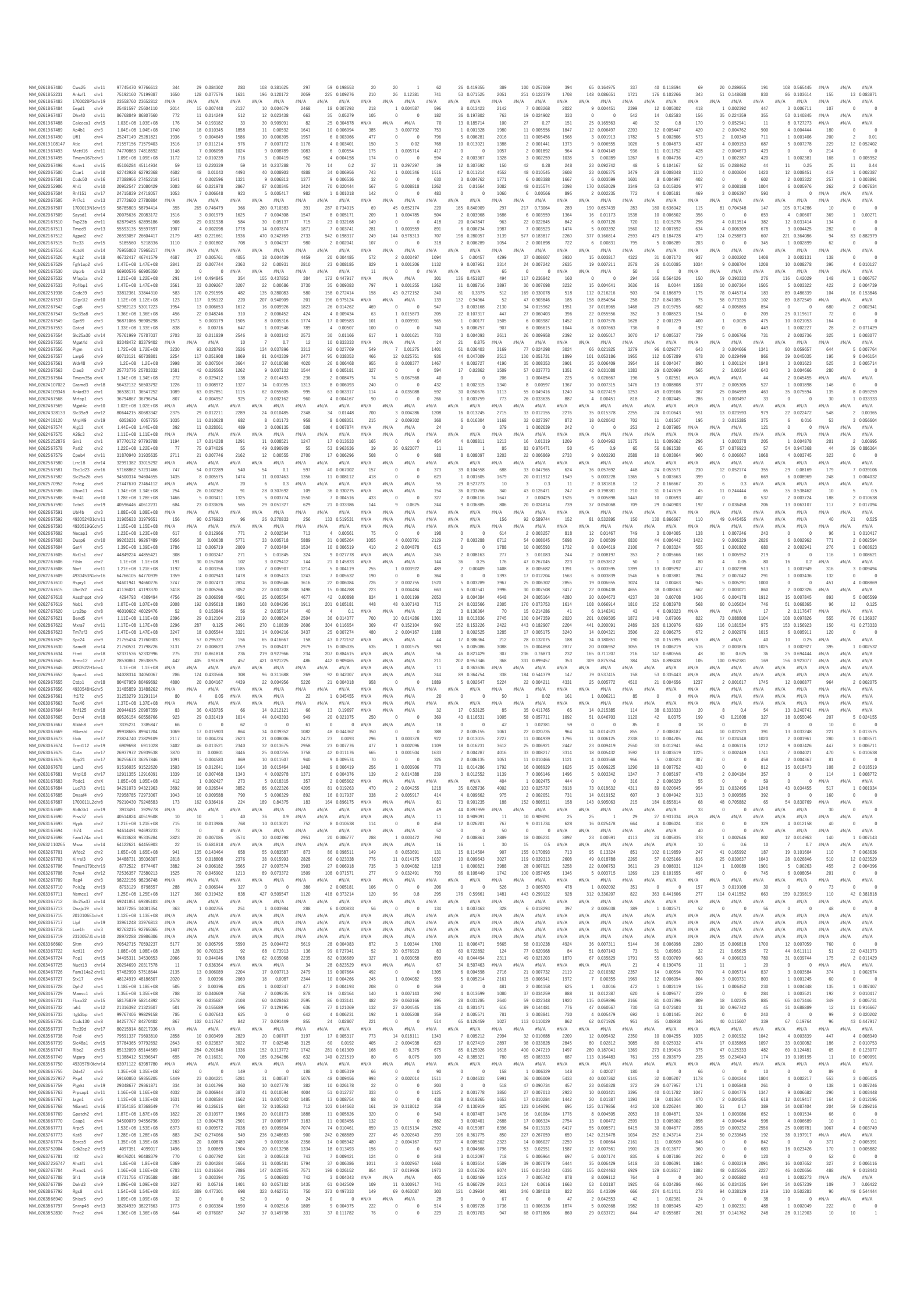


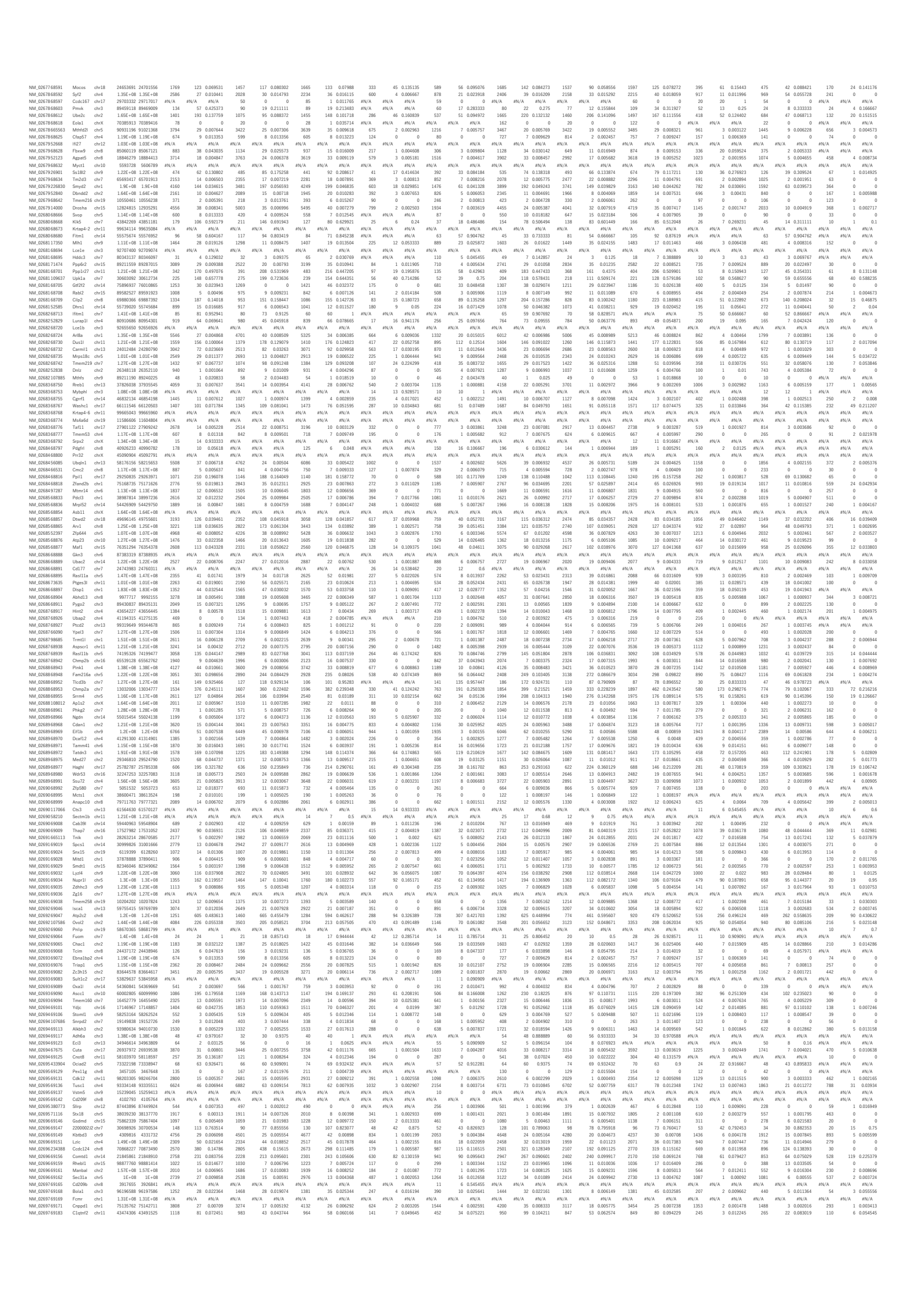


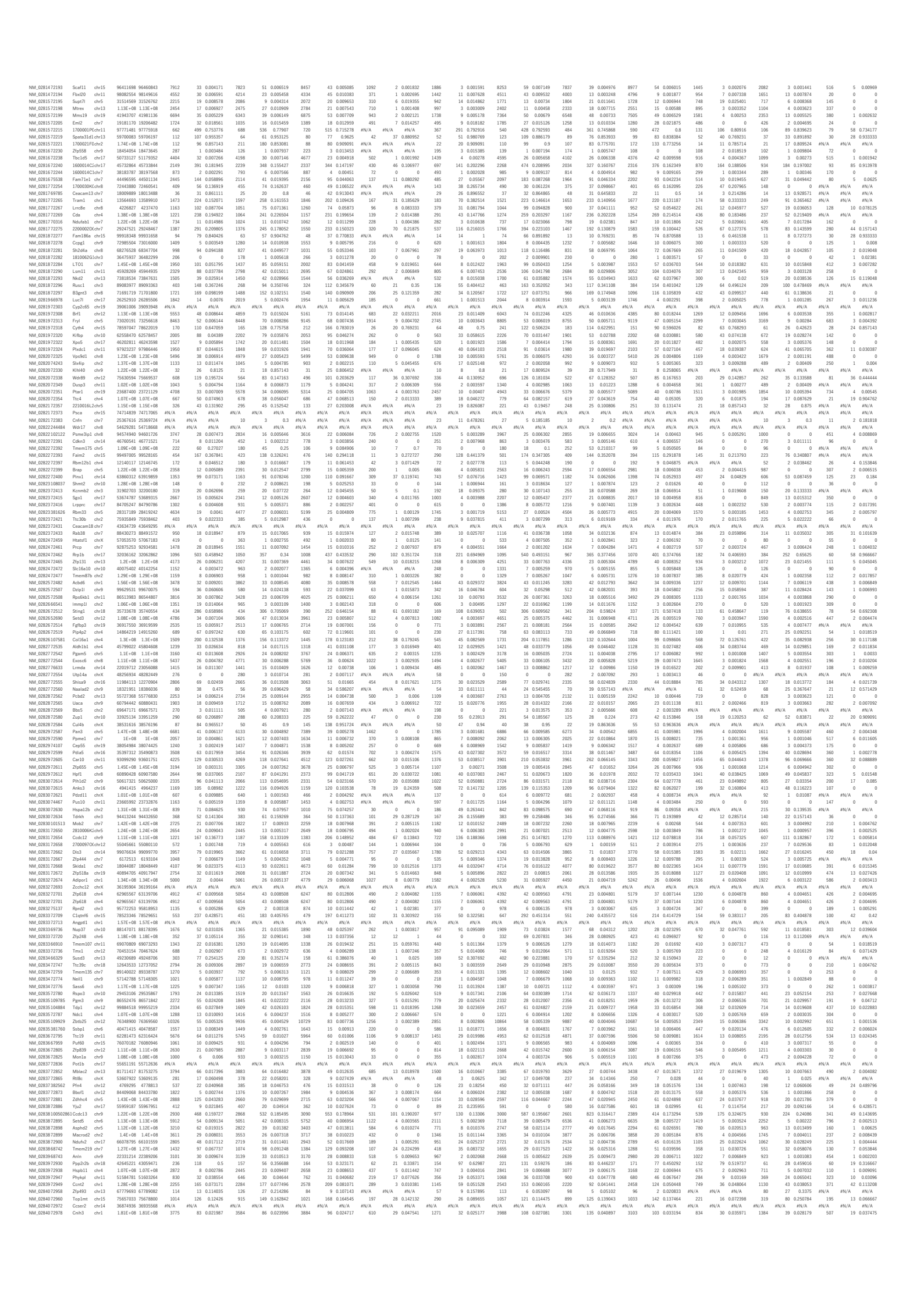


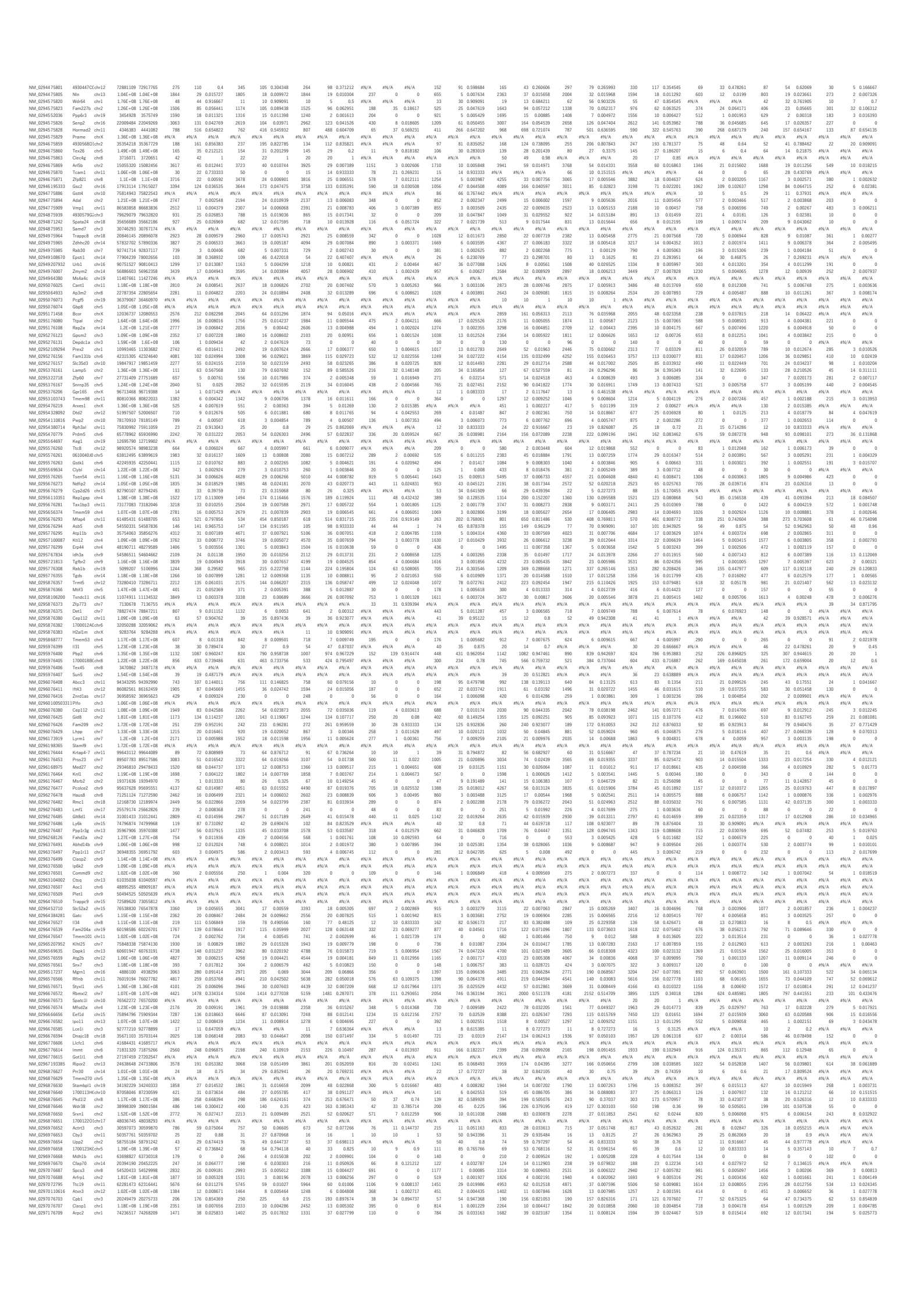






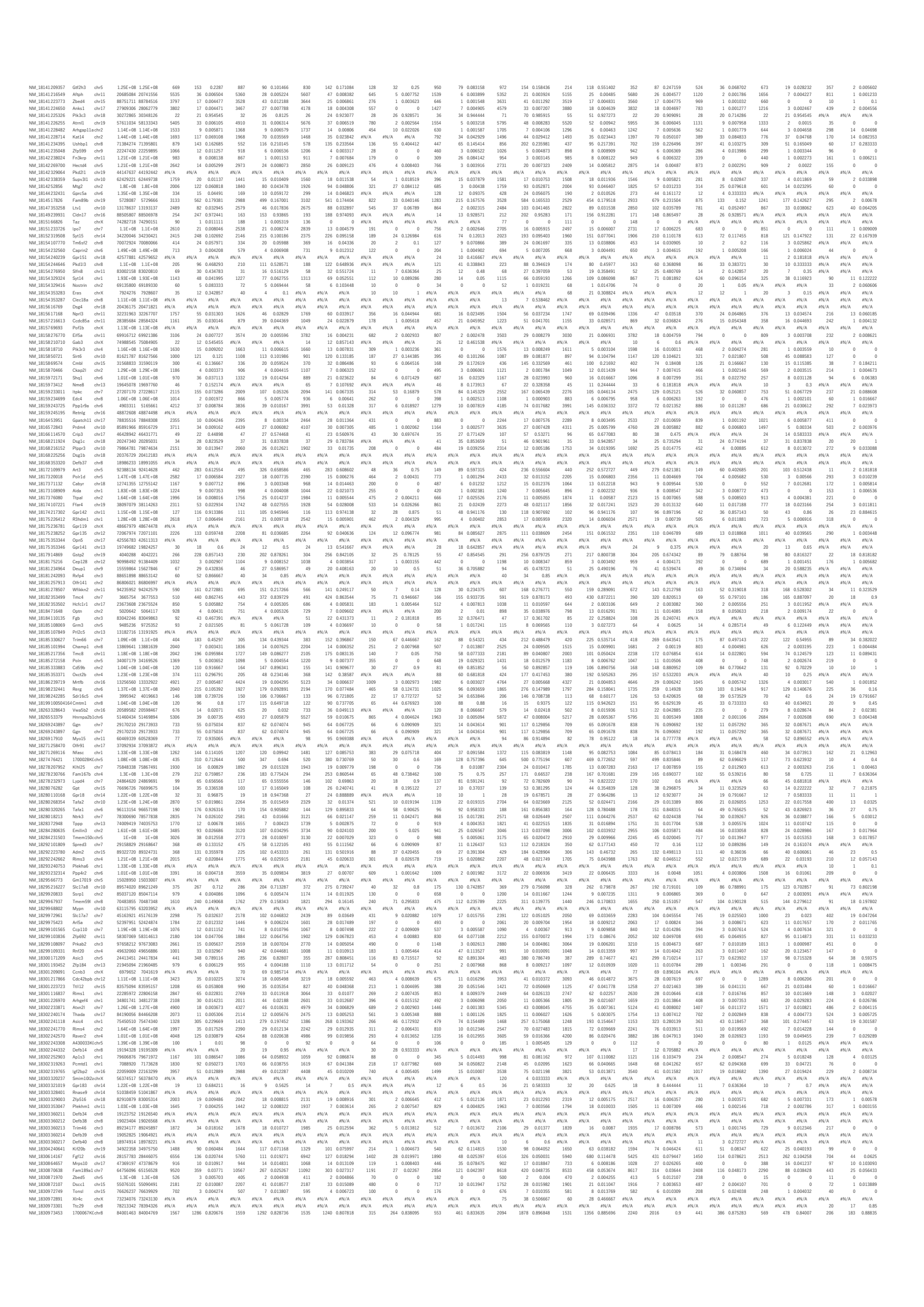


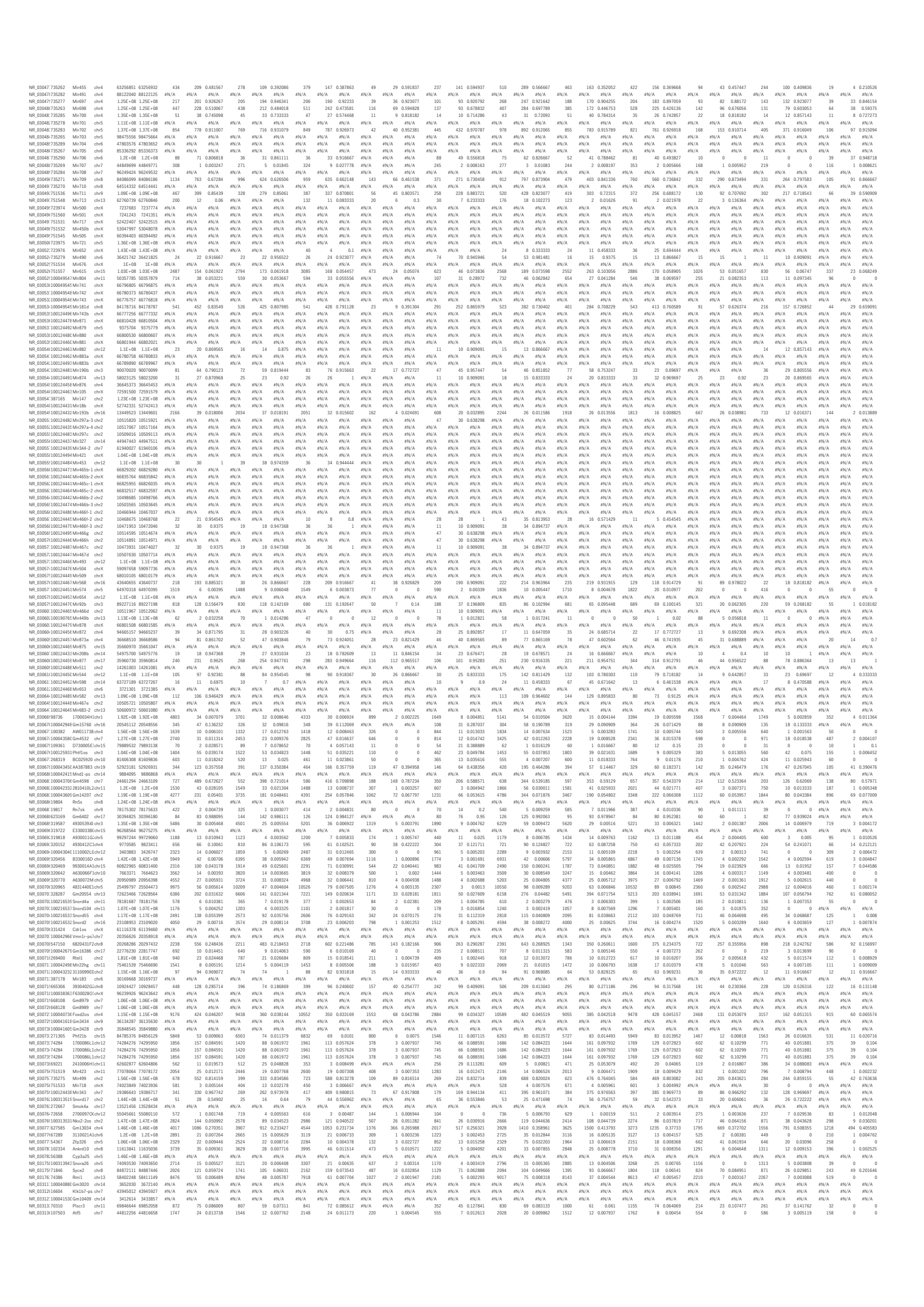


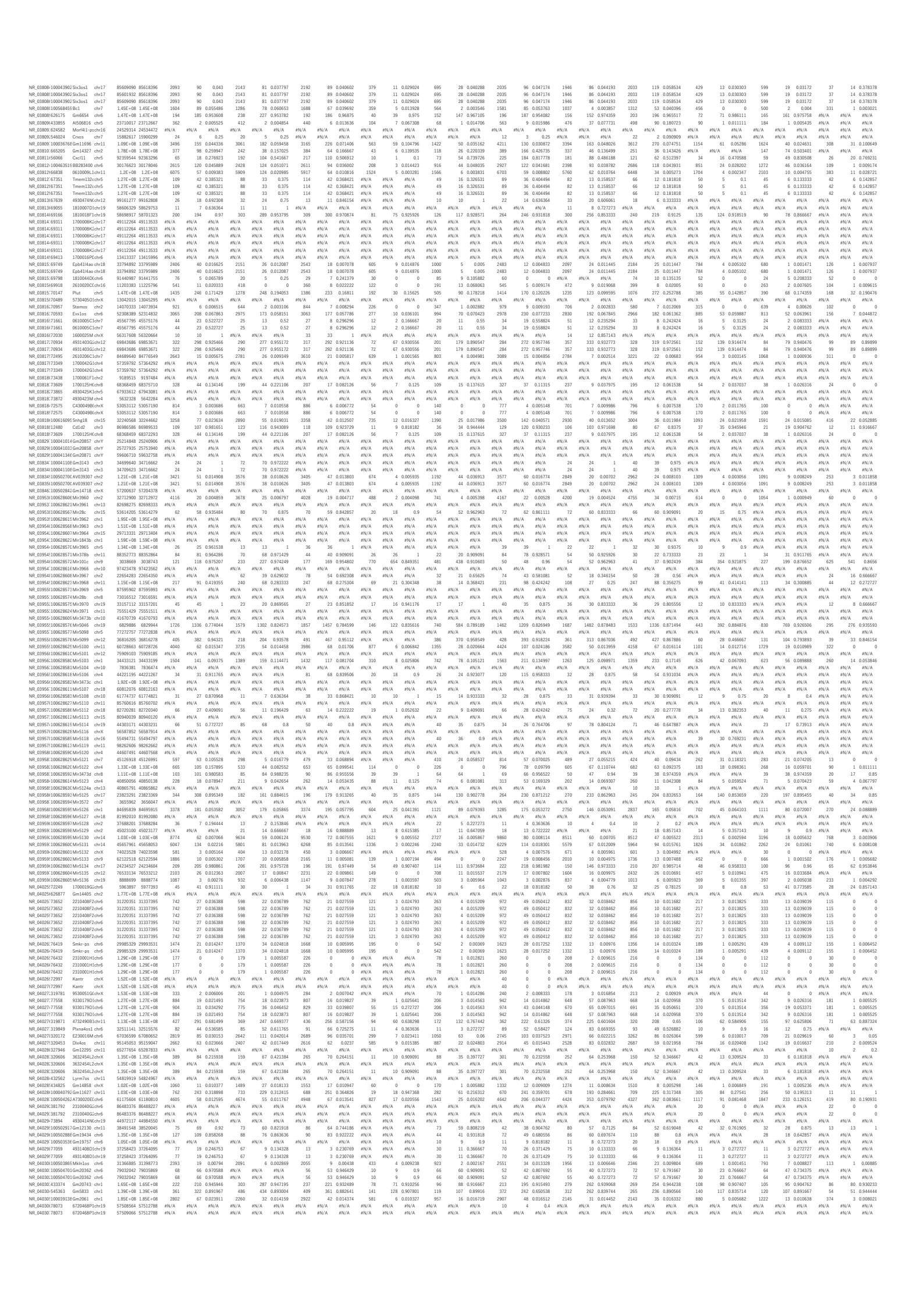


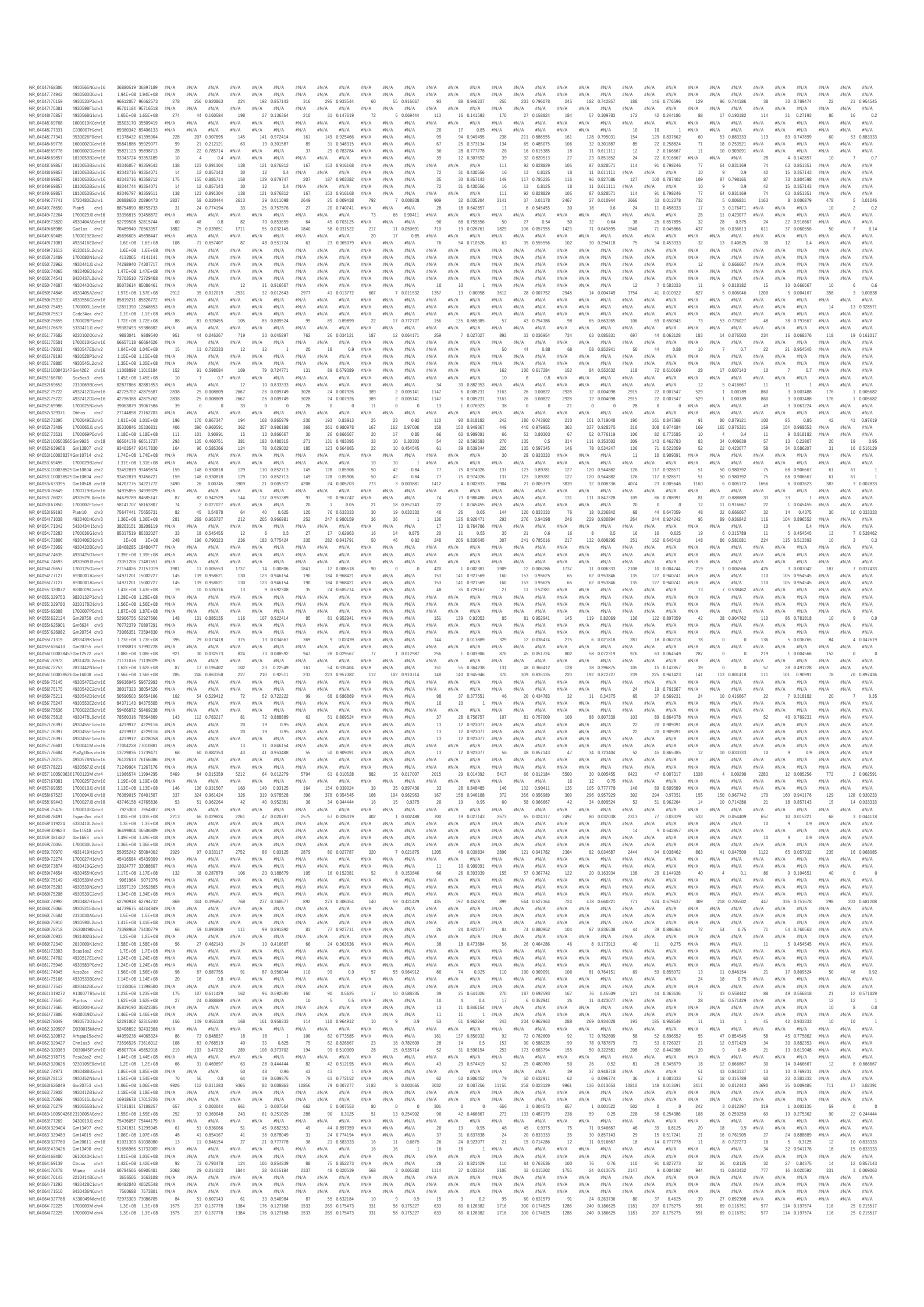
NM_14641	258409	Olfr1431	chr19	12209568	12210506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14641	258410	Olfr291	chr7	84853571	84857318	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14641	258411	Olfr290	chr7	84915781	84916728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14641	258412	Olfr877	chr9	37854820	37855755	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14641	258413	Olfr881	chr9	37992492	37993439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14641	258414	Olfr883	chr9	38025808	38026737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14642	258662	Olfr738	chr14	50413546	50414481	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14642	258415	Olfr887	chr9	38084838	38085767	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14642	258416	Olfr888	chr9	38108688	38109632	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14642	258417	Olfr470	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14642	258418	Olfr469	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14642	258421	Olfr223	chr11	59589128	59590087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258422	Olfr742	chr14	50515121	50516240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258423	Olfr1510	chr14	52409889	52410927	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258424	Olfr1512	chr14	52372110	52373051	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258425	Olfr994	chr2	85429883	85430827	45	34	0.755556	50	30	0.6	55	33	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	58	50	0.862069	40	24	0.6	44	22	0.5	46	30	0.652174	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258426	Olfr995	chr2	85438209	85439156	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258427	Olfr993	chr2	85413933	85414877	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258428	Olfr998	chr2	85590510	85591521	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258429	Olfr996	chr2	85579215	85580282	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258430	Olfr938	chr9	39077796	39078743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14643	258431	Olfr937	chr9	39059729	39060664	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258432	Olfr919	chr9	38697429	38698376	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258433	Olfr933	chr9	38975678	38976604	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258434	Olfr934	chr9	38982110	38983042	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258435	Olfr382	chr11	73516259	73517197	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258436	Olfr458	chr6	42460076	42461017	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258437	Olfr450	chr6	42817473	42818405	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258438	Olfr215	chr6	1.17E+08	1.17E+08	95	77	0.810526	58	46	0.793103	63	52	0.825397	36	33	0.916667	48	39	0.8125	84	68	0.809524	83	50	0.60241	52	31	0.596154	41	19	0.463415	12	10	0.833333	26	16	0.615385
NM_14644	258439	Olfr1309	chr2	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258440	Olfr1317	chr2	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14644	258441	Olfr1310	chr2	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258442	Olfr1314	chr2	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258443	Olfr164	chr16	19285794	19286741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258444	Olfr694	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	7	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258445	Olfr693	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258446	Olfr1231	chr2	89302649	89303590	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258447	Olfr1241	chr2	89482189	89483133	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258448	Olfr92	chr17	37111042	37111980	24	12	0.5	15	9	0.6	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	17	11	0.647059	14	5	0.357143	11	6	0.545455	15	5	0.333333	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258449	Olfr282	chr15	98437470	98438397	37	30	0.810811	15	14	0.933333	15	12	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	17	12	0.705882	13	6	0.461538	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	20	10	0.5
NM_14645	258450	Olfr1199	chr2	88755741	88760485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14645	258451	Olfr1215	chr2	89001348	89002290	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258453	Olfr1209	chr2	88909459	88910391	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258454	Olfr1202	chr2	88814795	88818102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258455	Olfr1204	chr2	88851952	88852881	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091
NM_14646	258456	Olfr1196	chr2	88700383	88701327	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258457	Olfr108	chr17	37445480	37446517	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258458	Olfr165	chr16	19407076	19408017	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258459	Olfr1388	chr11	49443853	49444788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258460	Olfr1391	chr11	49327413	49328348	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14646	258461	Olfr1381	chr11	49551749	49552684	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258462	Olfr1392	chr11	49293297	49294322	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258463	Olfr1393	chr11	49280150	49281085	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258464	Olfr1384	chr11	49513618	49514651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258465	Olfr1387	chr11	49459681	49460616	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258466	Olfr1261	chr2	89993395	89994315	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258468	Olfr1254	chr2	89788406	89789350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258469	Olfr90	chr17	37085191	37086236	32	17	0.53125	18	15	0.833333	23	14	0.608696	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	18	13	0.722222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	8	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14647	258471	Olfr891	chr9	38179871	38180821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258474	Olfr890	chr9	38143137	38144081	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258475	Olfr889	chr9	38115798	38116727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258478	Olfr183	chr16	58995404	59000616	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258479	Olfr203	chr16	59303155	59304075	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258480	Olfr130	chr17	38067173	38068126	11	5	0.454545	16	7	0.4375	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	23	4	0.173913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	4	0.266667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258481	Olfr137	chr17	38304521	38305459	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14648	258482	Olfr266	chr3	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258483	Olfr1411	chr1	92596521	92597492	67	57	0.850746	64	48	0.75	86	74	0.860465	18	17	0.944444	43	37	0.860465	89	67	0.752809	68	45	0.661765	57	37	0.649123	28	16	0.571429	28	14	0.5	19	18	0.947368
NM_14649	258484	Olfr1410	chr1	92607839	92608807	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258485	Olfr724	chr14	49960091	49961096	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258486	Olfr730	chr14	50186262	50187218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258487	Olfr722	chr14	49894258	49901941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258488	Olfr474	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258489	Olfr486	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258490	Olfr492	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258491	Olfr490	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14649	258492	Olfr484	chr7	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258493	Olfr319	chr11	58701703	58702623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258494	Olfr318	chr11	58720069	58721094	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258495	Olfr328	chr11	58551305	58552237	90	77	0.855556	69	65	0.942029	59	50	0.847458	25	21	0.84	18	17	0.944444	103	96	0.932039	52	41	0.788462	45	40	0.888889	20	15	0.75	17	13	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	235248	Olfr952	chr9	39426093	39427148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258497	Olfr961	chr9	39646728	39647672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258498	Olfr148	chr9	39613569	39614501	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258499	Olfr945	chr9	39257720	39258679	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258500	Olfr944	chr9	39217359	39218294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14650	258501	Olfr959	chr9	39572322	39573257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258503	Olfr98	chr17	37262733	37263662	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258504	Olfr107	chr17	37405477	37406509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258505	Olfr97	chr17	37231436	37232368	26	21	0.807692	39	32	0.820513	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	51	46	0.901961	53	44	0.830189	#N/A	#N/A	#N/A	24	14	0.583333	22	17	0.772727	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258506	Olfr95	chr17	37210913	37211851	24	4	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	24	4	0.166667	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	20	2	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258507	Olfr96	chr17	37225091	37226141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258508	Olfr99	chr17	37279501	37280418	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258509	Olfr1375	chr11	51048109	51049050	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258511	Olfr523	chr7	1.4E+08	1.4E+08	54	33	0.611111	54	37	0.685185	30	27	0.9	11	11	1	33	14	0.424242	95	60	0.631579	67	44	0.656716	70	48	0.685714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14651	258512	Olfr530	chr7	1.4E+08	1.4E+08	53	33	0.622642	22	13	0.590909	32	24	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	35	24	0.685714	12	11	0.916667	28	9	0.321429	32	11	0.34375	20	3	0.15	24	5	0.208333	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258513	Olfr536	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258515	Olfr854	chr9	19566435	19567382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258516	Olfr850	chr9	19477301	19478248	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258517	Olfr855	chr9	19584511	19585502	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258518	Olfr847	chr9	19374941	19375879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258519	Olfr859	chr9	19808320	19809249	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258520	Olfr849	chr9	19440915	19441853	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258521	Olfr860	chr9	19845623	19849747	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14652	258522	Olfr1183	chr2	88461342	88462253	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258523	Olfr1186	chr2	88525501	88526590	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258524	Olfr1168	chr2	88184879	88185817	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258525	Olfr1170	chr2	88224080	88225030	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258526	Olfr1367	chr13	21346930	21347880	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258527	Olfr1368	chr13	21142111	21143055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258528	Olfr1370	chr13	21072349	21073299	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258529	Olfr313	chr11	58816928	58818001	11	9	0.818182	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258530	Olfr311	chr11	58841116	58842042	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258531	Olfr315	chr11	58778089	58779086	174	155	0.890805	64	60	0.9375	84	77	0.916667	30	28	0.933333	128	113	0.882813	231	209	0.904762	183	137	0.748634	145	117	0.806897	22	16	0.727273	53	32	0.603774	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14653	258532	Olfr373	chr8	72099762	72100706	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258533	Olfr1364	chr13	21573510	21574454	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258534	Olfr1361	chr13	21658368	21659321	30	20	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	71	0.946667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	218066	Olfr11	chr13	21638580	21639521	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258536	Olfr1360	chr13	21674001	21674980	15	12	0.8	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258537	Olfr777	chr10	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258538	Olfr775	chr10	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258540	Olfr771	chr10	1.29E+08	1.29E+08	53	51	0.962264	61	56	0.918033	54	47	0.87037	#N/A	#N/A	#N/A	46	44	0.956522	36	34	0.944444	13	13	1	41	31	0.756098	12	12	1	44	37	0.840909	20	10	0.5
NM_14654	258541	Olfr800	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14654	258542	Olfr786	chr10	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258543	Olfr810	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258544	Olfr788	chr10	1.29E+08	1.29E+08	99	65	0.656566	93	74	0.795699	82	55	0.670732	16	14	0.875	43	36	0.837209	62	35	0.564516	65	36	0.553846	60	25	0.416667	31	9	0.290323	18	9	0.5	27	10	0.37037
NM_14655	258545	Olfr811	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258546	Olfr806	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258547	Olfr803	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258548	Olfr805	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258549	Olfr798	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258550	Olfr869	chr9	20129120	20138089	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258551	Olfr866	chr9	20026959	20028035	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14655	258552	Olfr868	chr9	20098626	20101690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258553	Olfr872	chr9	20237162	20260913	770	685	0.88961	665	577	0.867669	747	654	0.875502	110	104	0.945455	303	271	0.894389	700	574	0.82	634	487	0.768139	515	405	0.786408	243	188	0.773663	223	181	0.811659	76	61	0.802632
NM_14656	258554	Olfr873	chr9	20300211	20301170	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258555	Olfr862	chr9	19883383	19884303	59	52	0.881356	30	26	0.866667	61	46	0.754098	#N/A	#N/A	#N/A	45	35	0.777778	79	57	0.721519	76	44	0.578947	33	17	0.515152	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	18315	Olfr18	chr9	20313892	20336094	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258557	Olfr836	chr9	19120957	19121911	27	21	0.777778	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636
NM_14656	258558	Olfr837	chr9	19136928	19137967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258559	Olfr830	chr9	18875329	18876276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258560	Olfr843	chr9	19248357	19249463	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258561	Olfr1012	chr2	85759439	85760374	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14656	258562	Olfr1014	chr2	85776586	85777503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14657	258563	Olfr1006	chr2	85674211	85678741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14657	258564	Olfr1015	chr2	85785474	85786489	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14657	258565	Olfr1009	chr2	85721407	85722351	40	40	1	30	29	0.966667	29	28	0.965517	15	14	0.933333	10	10	1	37	34	0.918919	36	33	0.916667	40	28	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	10	8	0.8
NM_14657	258566	Olfr1002	chr2	85647363	85648319	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14657	258568	Olfr1457	chr19	13094693	13095646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14657	258569	Olfr459	chr6	41771353	41772297	82	67	0.817073	46	40	0.869565	78	64	0.820513	12	9	0.75	10	10	1	79	55	0.696203	42	38	0.904762	36	34	0.944444	31	26	0.83871	20	14	0.7	21	14	0.666667
NM_14657	258570	Olfr1043	chr2	86162003	86162947	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14657	258571	Olfr1033	chr2	86020640	86044808	233	2	0.008584	180	0	0	234	2	0.008547	111	0	0	134	2	0.014925	199	5	0.025126	184	2	0.01087	55	0	0	58	2	0.034483	45	0	0	72	0	0
NM_14657	258572	Olfr1032	chr2	86007778	86008710	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258573	Olfr1020	chr2	85849420	85850498	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258575	Olfr1046	chr2	86216758	86217708	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	18352	Olfr52	chr2	86181150	86182109	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258577	Olfr1026	chr2	85923270	85924193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258579	Olfr1018	chr2	85822973	85823908	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258580	Olfr1023	chr2	85886802	85887737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258581	Olfr1030	chr2	85979312	85984798	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	9	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14658	258582	Olfr1022	chr2	85868594	85869541	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14659	258583	Olfr1085	chr2	86657515	86658456	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

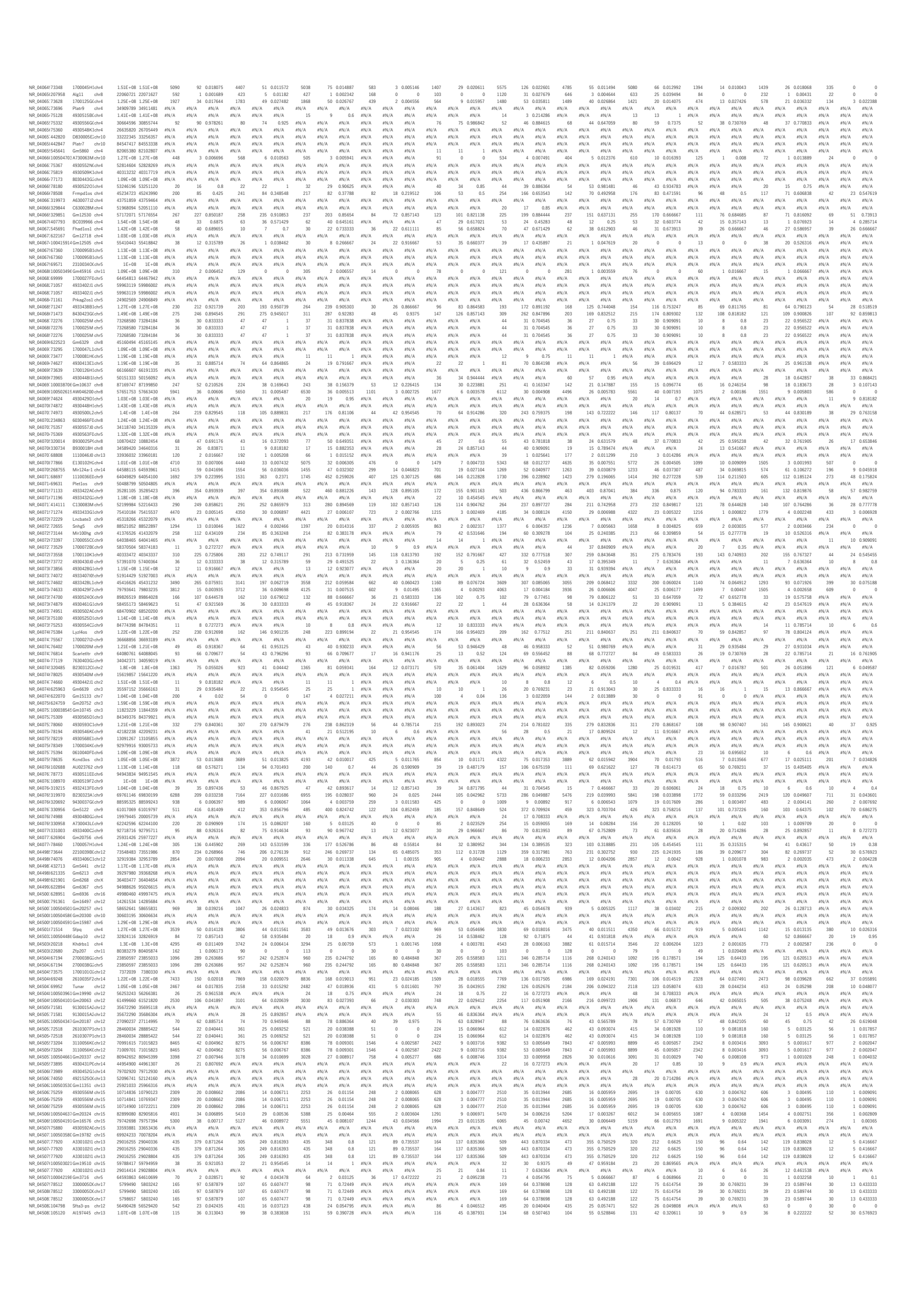
NM_14693 18345	Olfr46	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14693 258937	Olfr167	chr16	19514696	19515634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14693 258938	Olfr1417	chr19	11828077	11829024	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14693 258939	Olfr63	chr17	33268726	33269676	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	37	0.672727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14693 258940	Olfr346	chr2	36688004	36688933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14693 258941	Olfr354	chr2	36906948	36907901	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258942	Olfr352	chr2	36869568	36870515	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258943	Olfr353	chr2	36889911	36890846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258944	Olfr351	chr2	36859414	36860346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258945	Olfr347	chr2	36734323	36735261	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258946	Olfr348	chr2	36786527	36787468	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258947	Olfr345	chr2	36640041	36640976	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 18350	Olfr50	chr2	36793238	36794176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258949	Olfr338	chr2	36376778	36377698	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258950	Olfr342	chr2	36527414	36528352	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14694 258951	Olfr339	chr2	36421400	36422329	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727
NM_14695 258952	Olfr341	chr2	36479187	36480128	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258953	Olfr340	chr2	36452587	36453525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258954	Olfr522	chr7	1.4E+08	1.4E+08	128	104	0.8125	81	68	0.839506	70	53	0.757143	20	14	0.7	49	46	0.938776	154	126	0.818182	160	110	0.6875	101	73	0.722772	24	15	0.625	68	44	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258955	Olfr531	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258956	Olfr535	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 18361	Olfr60	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258958	Olfr525	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258959	Olfr170	chr16	19605725	19606666	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14695 258960	Olfr171	chr16	19624157	19625101	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258962	Olfr53	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258963	Olfr539	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258964	Olfr541	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 18344	Olfr45	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 18362	Olfr61	chr7	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258967	Olfr1250	chr2	89656495	89657439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258968	Olfr1247	chr2	89609089	89610153	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	40	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	64	58	0.90625	48	42	0.875	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	47	0.691176	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258969	Olfr1226	chr2	89193100	89194032	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258970	Olfr1242	chr2	89493294	89494346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14696 258971	Olfr1243	chr2	89527491	89528408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258972	Olfr1239	chr2	89417494	89418411	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258973	Olfr1228	chr2	89248721	89249692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258974	Olfr1233	chr2	89339306	89342391	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258975	Olfr1234	chr2	89362483	89363427	51	40	0.784314	56	48	0.857143	55	42	0.763636	#N/A	#N/A	#N/A	36	33	0.916667	18	5	0.277778	26	14	0.538462	40	22	0.55	26	18	0.692308	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258976	Olfr1262	chr2	90002408	90003322	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258979	Olfr1255	chr2	89816328	89817260	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14697 258980	Olfr1258	chr2	89929811	89930746	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258982	Olfr1272	chr2	90281647	90282573	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258983	Olfr1260	chr2	89977780	89978712	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258984	Olfr1257	chr2	89880828	89881757	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258985	Olfr1256	chr2	89835023	89835943	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 406186	Olfr142	chr2	90252069	90252986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258987	Olfr1270	chr2	90149019	90150036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258988	Olfr38	chr6	42762054	42763007	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258989	Olfr457	chr6	42471235	42472176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258990	Olfr447	chr6	42911525	42912457	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14698 258991	Olfr1496	chr19	13780548	13781614	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258992	Olfr1494	chr19	13749108	13750055	79	68	0.860759	131	123	0.938931	78	69	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	32	24	0.75	77	67	0.87013	38	37	0.973684	81	54	0.666667	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258993	Olfr206	chr16	59344722	59345726	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258994	Olfr204	chr16	59314488	59315405	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258996	Olfr201	chr16	59268739	59269665	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258997	Olfr202	chr16	59283572	59284495	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258998	Olfr177	chr16	58872219	58873148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 258999	Olfr178	chr16	58889259	58890218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 259000	Olfr195	chr16	59148852	59149778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14699 259001	Olfr181	chr16	58925557	58928644	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259002	Olfr173	chr16	58796779	58797942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259003	Olfr172	chr16	58760152	58761240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259004	Olfr175	chr16	58823781	58826761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259005	Olfr139	chr11	74044325	74045272	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259006	Olfr399	chr11	74053776	74054778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259007	Olfr395	chr11	73906552	73907490	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259008	Olfr392	chr11	73814142	73816877	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259009	Olfr394	chr11	73887438	73888370	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259010	Olfr393	chr11	73847185	73848123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14700 259011	Olfr389	chr11	73776387	73780589	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259012	Olfr1052	chr2	86297818	86298756	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259013	Olfr1044	chr2	86170871	86171815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259014	Olfr1047	chr2	86228010	86228969	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259016	Olfr1048	chr2	86235871	86236833	53	46	0.867925	50	44	0.88	50	41	0.82	#N/A	#N/A	#N/A	55	52	0.945455	47	41	0.87234	26	22	0.846154	54	46	0.851852	37	22	0.594595	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259017	Olfr1019	chr2	85840857	85841789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259018	Olfr1049	chr2	86254765	86255691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259019	Olfr1045	chr2	86197803	86198750	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259020	Olfr1056	chr2	86355359	86356437	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14701 259021	Olfr1054	chr2	86332416	86333354	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259024	Olfr381	chr11	73485887	73486822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259025	Olfr385	chr11	73588798	73589736	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259026	Olfr378	chr11	73425037	73428477	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259027	Olfr380	chr11	73453275	73454210	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259028	Olfr532	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 18330	Olfr31	chr14	14328113	14329066	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259030	Olfr1124	chr2	87434489	87435445	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14702 259031	Olfr1120	chr2	87357446	87358390	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259032	Olfr1134	chr2	87655925	87658457	33	22	0.666667	22	18	0.818182	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	31	28	0.903226	#N/A	#N/A	#N/A	28	14	0.5	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455
NM_14703 259033	Olfr1122	chr2	87387707	87388687	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259034	Olfr705	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259035	Olfr714	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259036	Olfr713	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259037	Olfr711	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259038	Olfr283	chr15	98378096	98379197	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259039	Olfr1413	chr1	92573125	92574206	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14703 259040	Olfr1416	chr1	92479681	92480619	106	89	0.839623	105	91	0.866667	91	77	0.846154	24	17	0.708333	55	50	0.909091	153	115	0.751634	122	75	0.614754	99	62	0.626263	36	20	0.555556	36	29	0.805556	34	20	0.588235
NM_14703 259041	Olfr1414	chr1	92511048	92518515	60	50	0.833333	49	38	0.77551	49	42	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	15	8	0.533333	10	7	0.7	17	7	0.411765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259042	Olfr1351	chr10	79017324	79018283	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 18357	Olfr57	chr10	79034723	79035802	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259044	Olfr1353	chr10	78963309	78970612	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259045	Olfr669	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259046	Olfr679	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259047	Olfr683	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259048	Olfr600	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259049	Olfr618	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259050	Olfr652	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14704 259051	Olfr658	chr7	1.05E+08	1.05E+08	124	44	0.354839	102	46	0.45098	46	39	0.847826	#N/A	#N/A	#N/A	41	14	0.341463	136	73	0.536765	114	54	0.473684	41	25	0.609756	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259052	Olfr659	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259053	Olfr362	chr2	37104695	37105648	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259054	Olfr589	chr7	1.03E+08	1.03E+08	10	8	0.8	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259055	Olfr582	chr7	1.03E+08	1.03E+08	12	11	0.916667	30	28	0.933333	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	10	8	0.8	34	21	0.617647	13	8	0.615385	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259056	Olfr584	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259057	Olfr649	chr7	1.04E+08	1.04E+08	46	34	0.73913	39	22	0.564103	50	28	0.56	15	15	1	36	28	0.777778	34	21	0.617647	17	8	0.470588	34	20	0.588235	10	1	0.1	21	7	0.333333	11	8	0.727273
NM_14705 259058	Olfr646	chr7	1.04E+08	1.04E+08	89	79	0.88764	28	25	0.892857	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	56	52	0.928571	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	33	32	0.969697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14705 259061	Olfr668	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259062	Olfr667	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259063	Olfr691	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259064	Olfr124	chr17	37805069	37806190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259066	Olfr520	chr7	99735145	99736095	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625
NM_14706 259068	Olfr1390	chr11	49340534	49341469	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259069	Olfr1389	chr11	49430427	49431499	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259070	Olfr829	chr9	18856627	18857592	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259071	Olfr166	chr16	19486840	19487778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14706 259072	Olfr686	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259073	Olfr603	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259074	Olfr1352	chr10	78981050	78984721	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259075	Olfr641	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 18332	Olfr33	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 57250	Olfr653	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259078	Olfr656	chr7	1.05E+08	1.05E+08	78	76	0.974359	40	38	0.95	62	59	0.951613	40	37	0.925	42	37	0.880952	87	73	0.83908	79	58	0.734177	68	46	0.676471	56	37	0.660714	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259080	Olfr619	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259081	Olfr643	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	24	0.571429	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259082	Olfr1062	chr2	86422719	86423674	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14707 259083	Olfr547	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259084	Olfr615	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259085	Olfr610	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259086	Olfr609	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259087	Olfr622	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259088	Olfr639	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259089	Olfr571	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259091	Olfr585	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259092	Olfr569	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14708 259093	Olfr572	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259095	Olfr568	chr7	1.03E+08	1.03E+08	80	72	0.9	86	78	0.906977	66	55	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	34	31	0.911765	34	27	0.794118	74	37	0.5	54	36	0.666667	22	15	0.681818	27	21	0.777778	23	11	0.478261
NM_14709 259096	Olfr561	chr7	1.03E+08	1.03E+08	101	89	0.881188	102	87	0.852941	103	86	0.834951	30	28	0.933333	27	22	0.814815	84	72	0.857143	86	62	0.72093	95	61	0.642105	69	61	0.884058	10	5	0.5	30	23	0.766667
NM_14709 259097	Olfr558	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259098	Olfr606	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259099	Olfr676	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259100	Olfr666	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259159	Olfr628	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259102	Olfr630	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14709 259103	Olfr616	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14710 259104	Olfr613	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14710 259105	Olfr549	chr7	1.03E+08	1.03E+08	129	121	0.937984	117	108	0.923077	102	92	0.901961	#N/A	#N/A	#N/A	73	71	0.972603	51	51	1	122	99	0.811475	111	91	0.81982	33	29	0.878788	74	68	0.918919	30	25	0.833333
NM_14710 259106	Olfr552	chr7	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14710 259107	Olfr555	chr7	1.03E+08	1.03E+08	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14710 259108	Olfr550	chr7	1.03E+08	1.03E+08	207	191	0.922705	170	160	0.941176	203	193	0.950739	42	36	0.857143	131	125	0.954198	227	210	0.92511	216	191	0.884259	192	159	0.828125	131	110	0.839695	122	103	0.844262	21	13	0.619048
NM_14710 259109	Olfr978	chr9	39993812	39994747	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NM_14710 259110	Olfr980	chr9	40005994	40007029	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

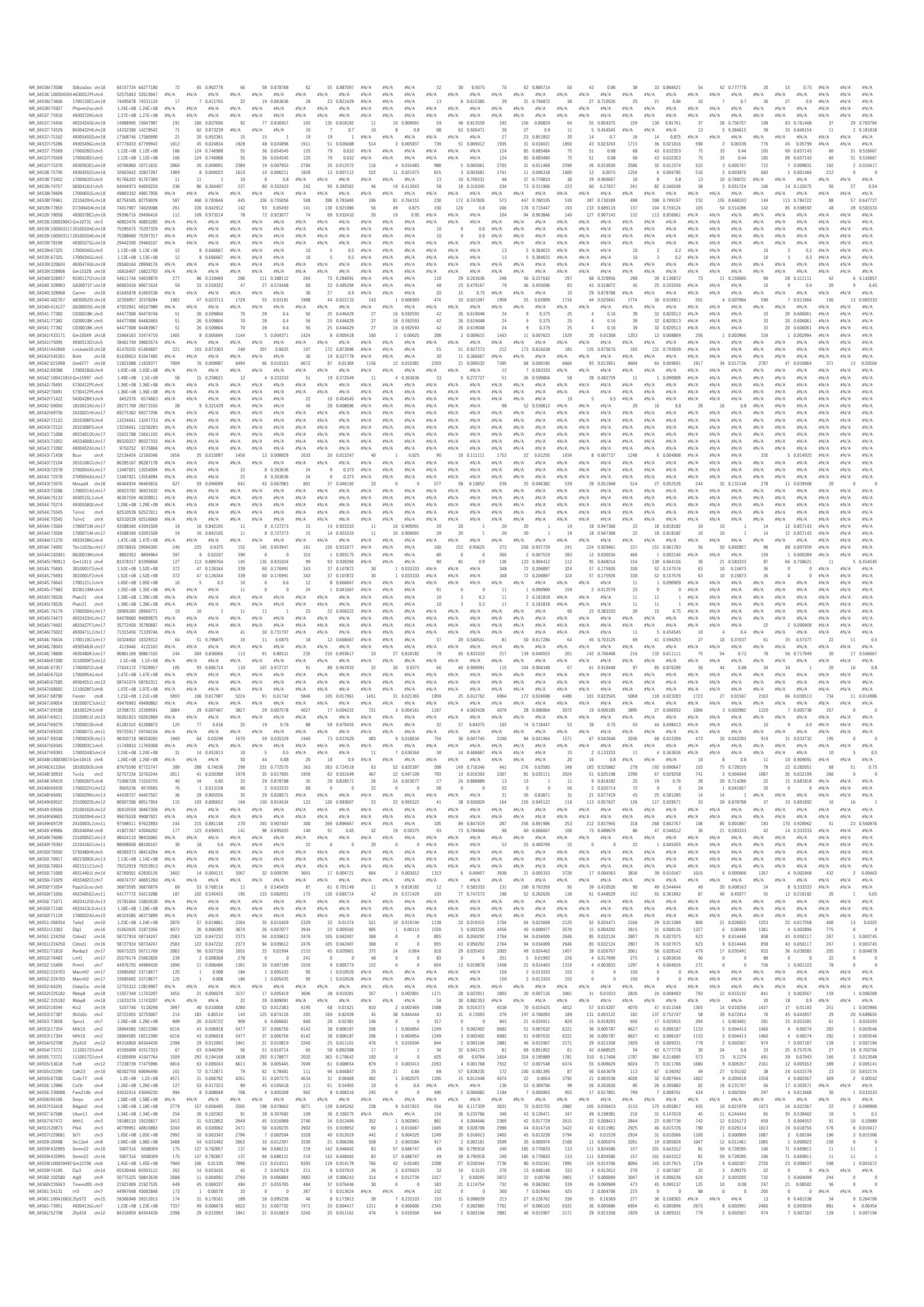


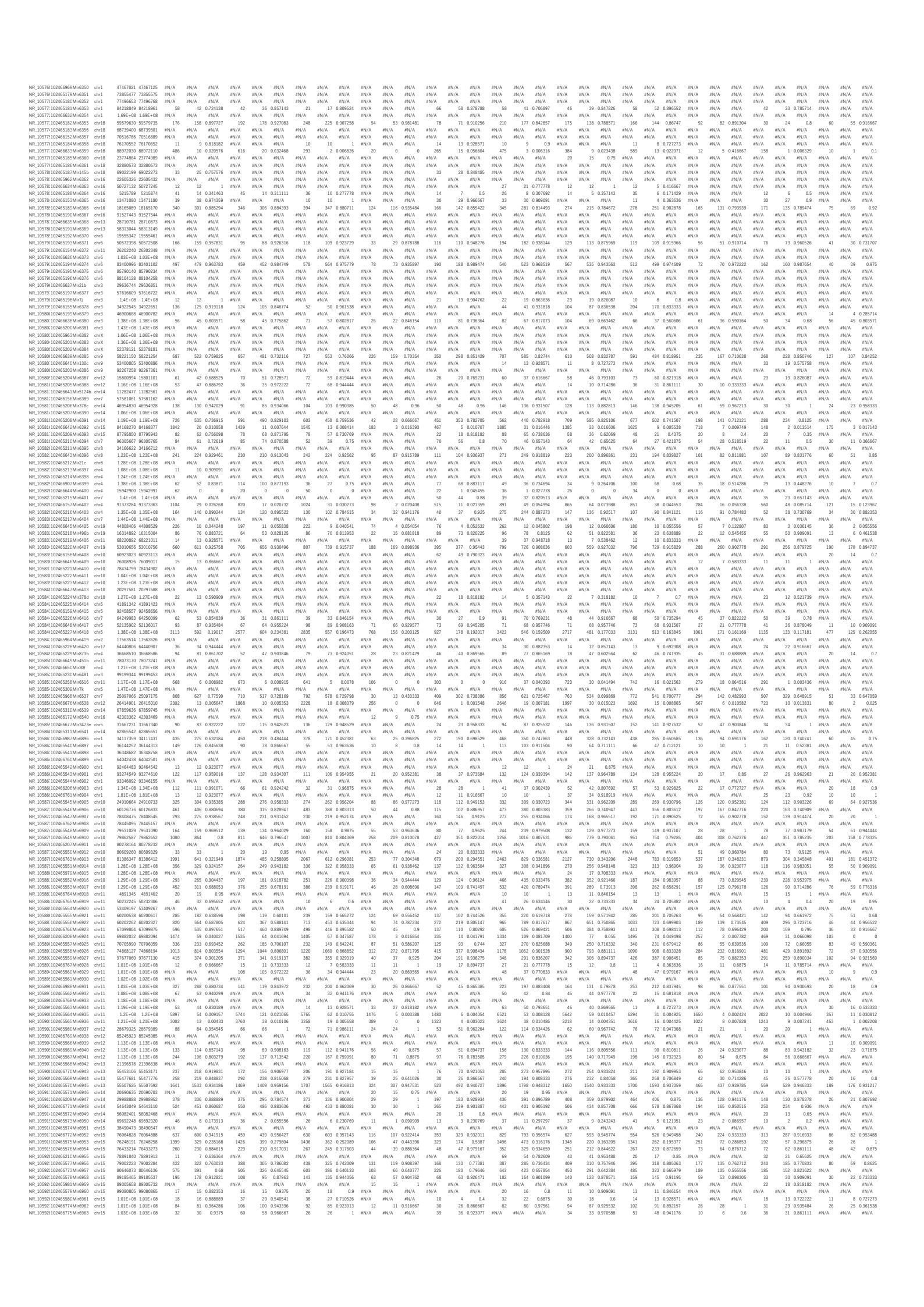


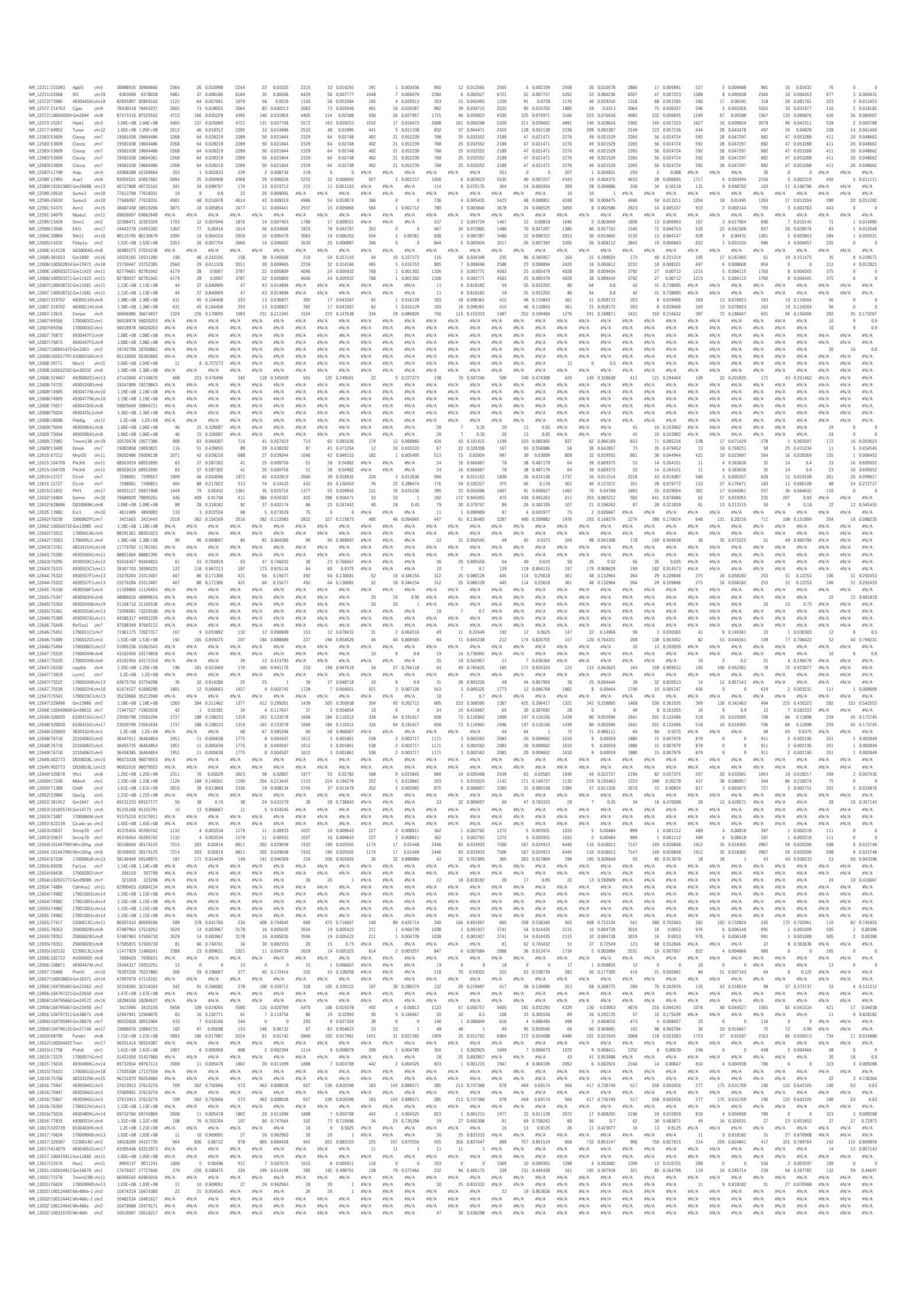


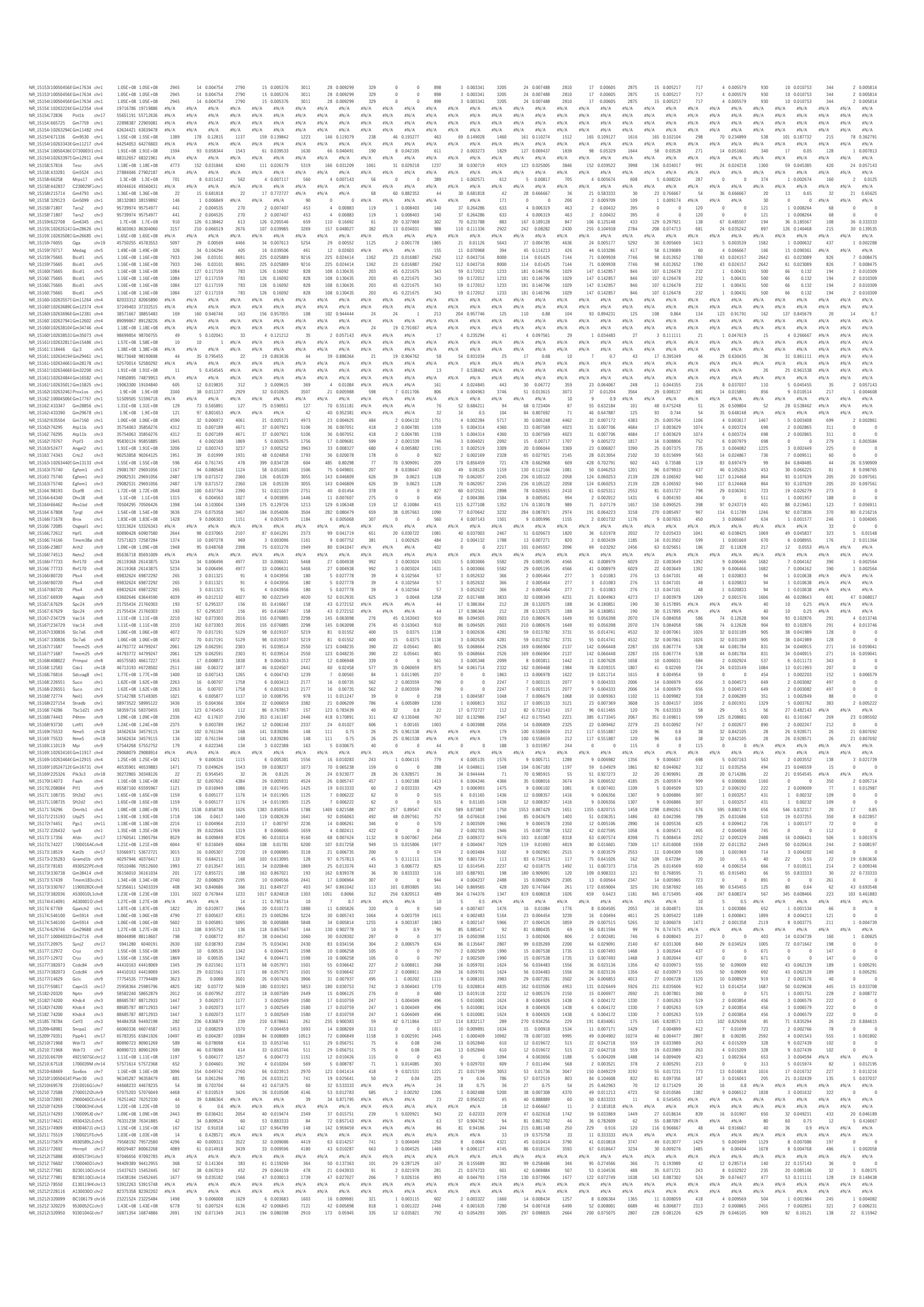


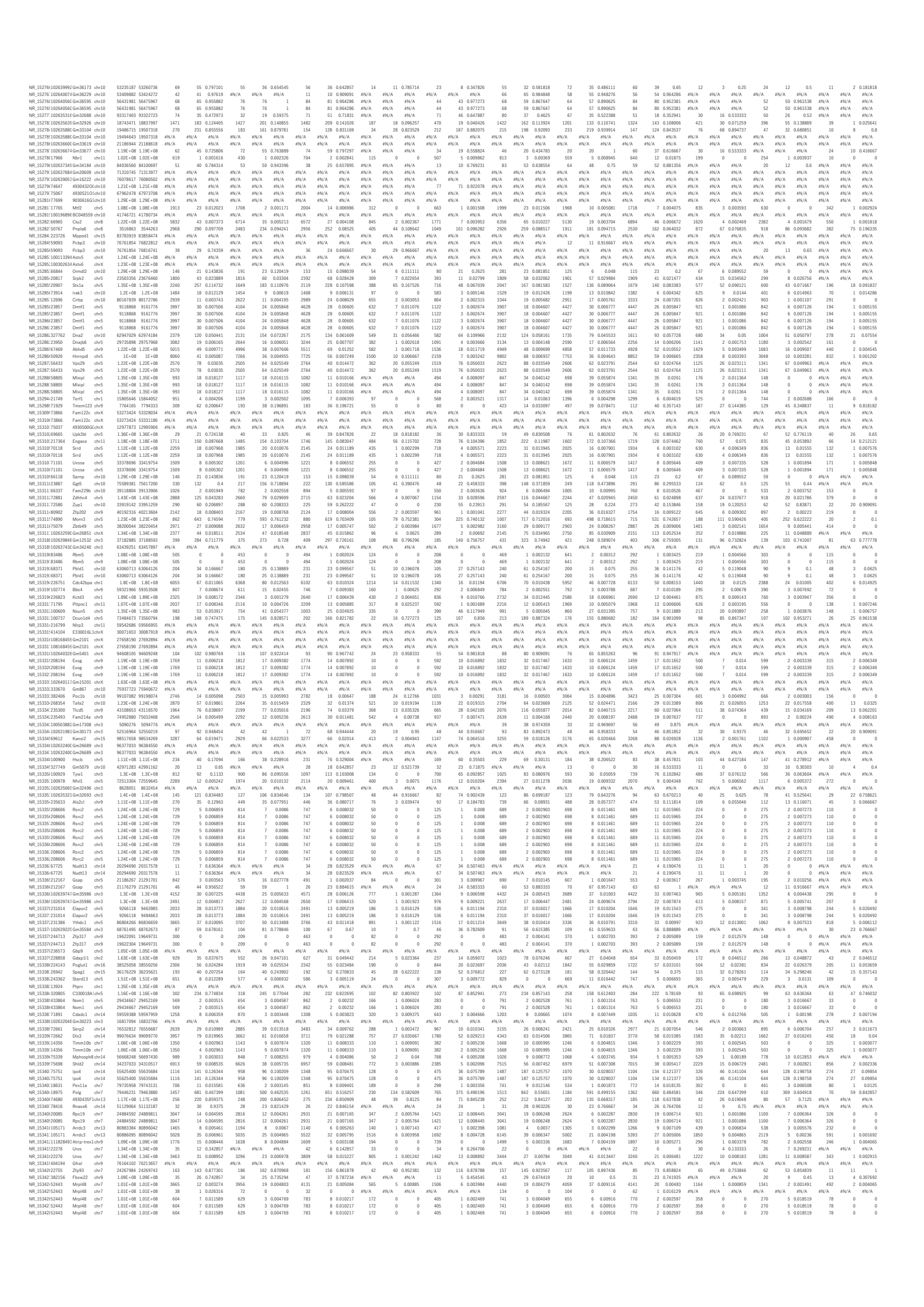


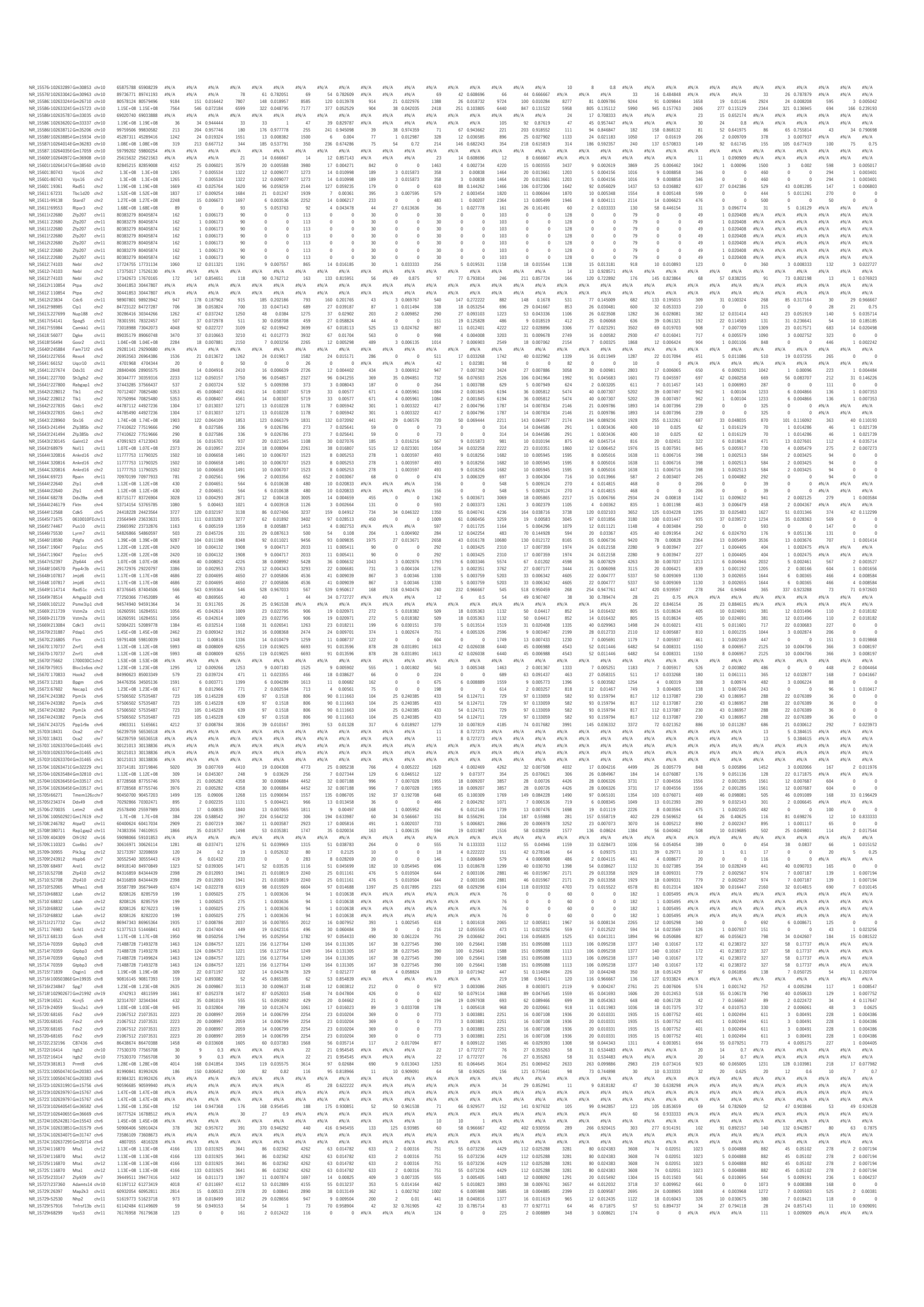








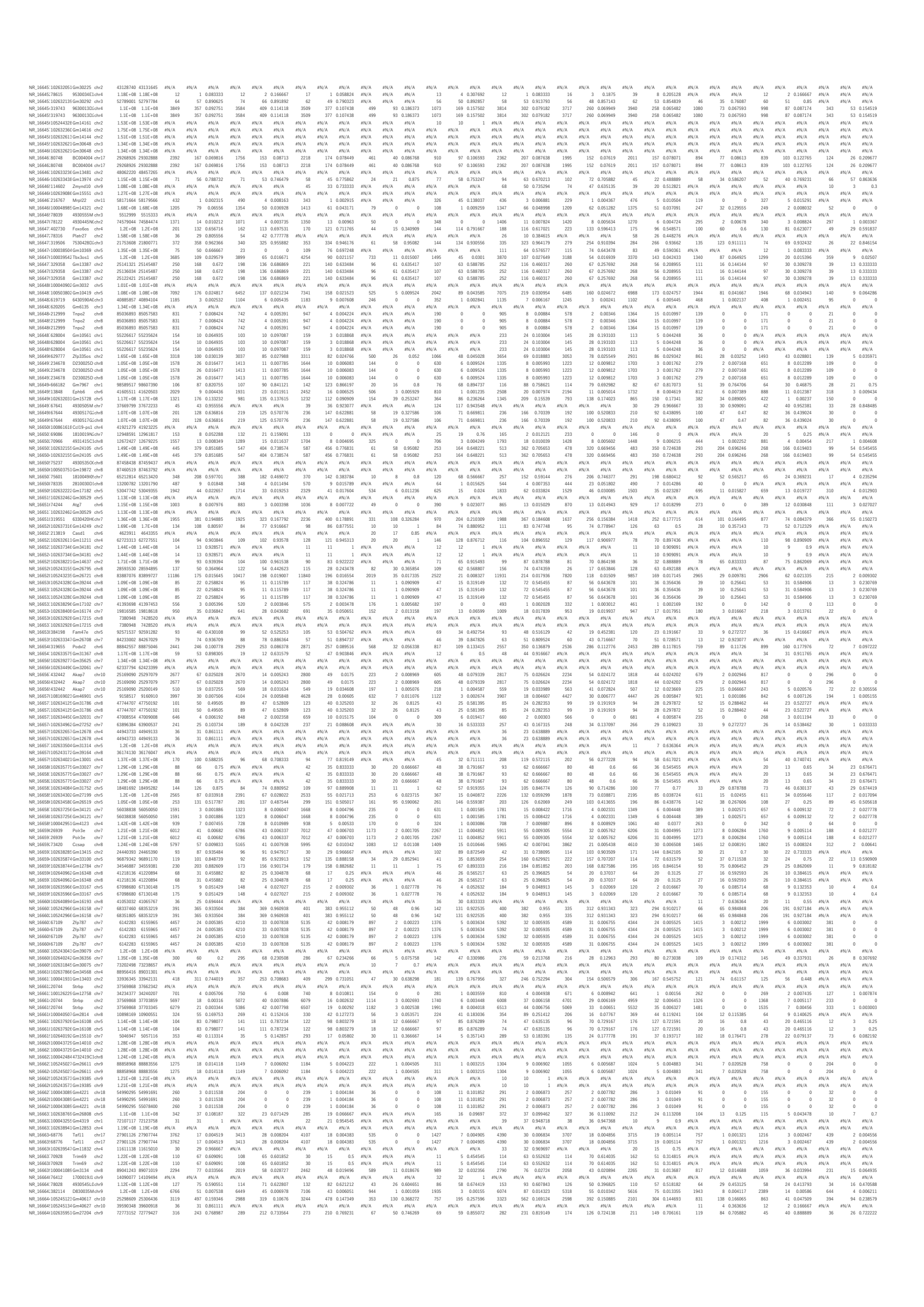


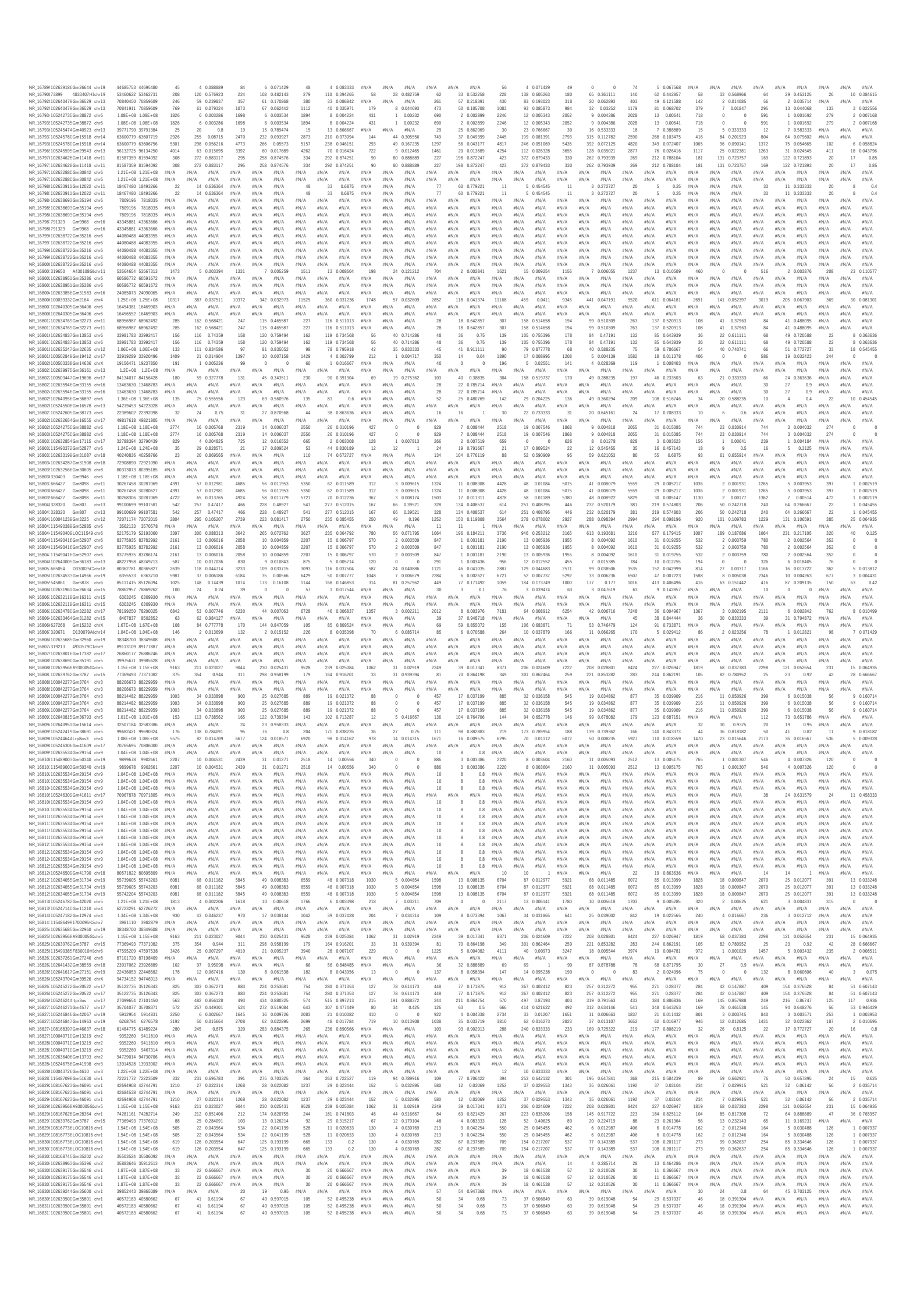


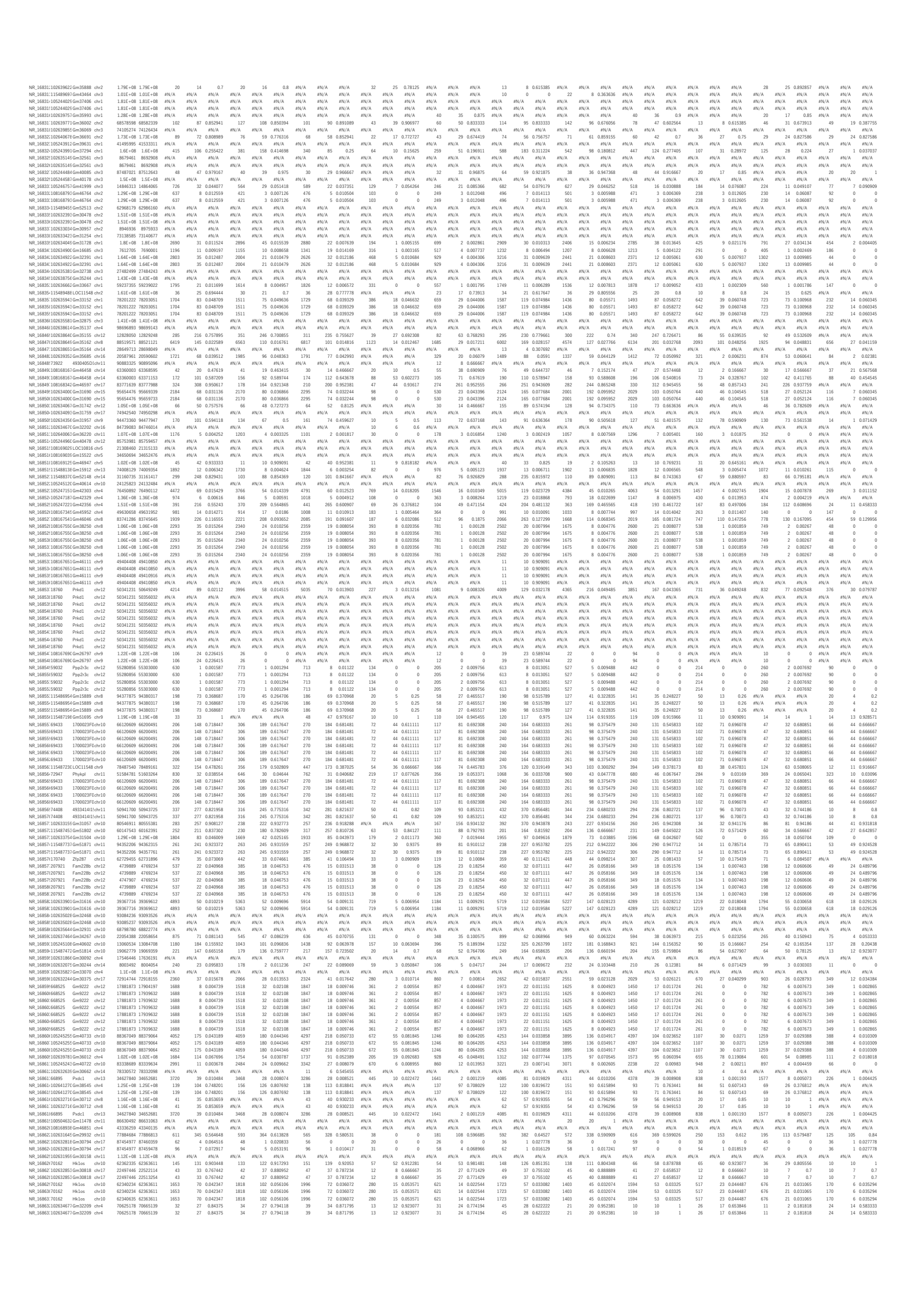
NR_16348	54614	Prpf40b	chr15	99295238	99317018	2765	113	0.040868	3167	137	0.043259	2563	94	0.036676	352	0	0	691	73	0.105644	2939	102	0.034706	2711	102	0.037624	2734	71	0.025969	674	21	0.031157	871	46	0.052813	174	21	0.12069
NR_16360	101055731	Gm29719	chr17	6356813	6426942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16360	102635661	Gm5915	chr8	1.06E+08	1.06E+08	33	32	0.969697	11	10	0.909091	29	29	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	49	47	0.959184	42	38	0.904762	42	40	0.952381	13	12	0.923077	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16369	545758	Slc10a4l	chr5	72581638	72587550	585	117	0.2	482	89	0.184647	383	54	0.140992	#N/A	#N/A	#N/A	131	25	0.19084	365	38	0.10411	477	38	0.079665	420	32	0.07619	153	13	0.084967	111	16	0.144144	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16369	625931	Gm6637	chr6	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16373	239760	Ndufa11b	chr16	22053687	22054353	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16373	101055843	Gm12551	chr4	86626857	86632221	12	8	0.666667	10	10	1	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16379	328918	Zscan30	chr18	23932591	23987252	220	6	0.027273	267	12	0.044944	232	8	0.034483	#N/A	#N/A	#N/A	192	5	0.026042	223	6	0.026906	201	19	0.094527	182	2	0.010989	174	27	0.155172	199	16	0.080402	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16379	105243101	Gm2431	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16380	108168478	Gm14853	chrX	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16380	14789	P3h3	chr6	1.25E+08	1.25E+08	5742	381	0.066353	5541	273	0.049269	5596	301	0.053788	900	49	0.054444	1011	92	0.090999	5198	422	0.081185	4924	244	0.049553	5291	282	0.053298	1372	45	0.032799	1899	162	0.085308	40	14	0.35
NR_16380	14789	P3h3	chr6	1.25E+08	1.25E+08	5742	381	0.066353	5541	273	0.049269	5596	301	0.053788	900	49	0.054444	1011	92	0.090999	5198	422	0.081185	4924	244	0.049553	5291	282	0.053298	1372	45	0.032799	1899	162	0.085308	40	14	0.35
NR_16380	14789	P3h3	chr6	1.25E+08	1.25E+08	5742	381	0.066353	5541	273	0.049269	5596	301	0.053788	900	49	0.054444	1011	92	0.090999	5198	422	0.081185	4924	244	0.049553	5291	282	0.053298	1372	45	0.032799	1899	162	0.085308	40	14	0.35
NR_16381	360216	Zranb1	chr7	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16382	72025	1600012P1	chr1	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16382	433931	Pigg	chr5	1.08E+08	1.08E+08	910	3	0.003297	1022	7	0.006849	826	7	0.008475	230	0	0	526	2	0.003802	837	8	0.009558	1026	9	0.008772	786	4	0.005089	395	2	0.005063	257	0	0	60	0	0
NR_16383	140703	Emid1	chr11	5106265	5152230	1651	159	0.096305	2101	176	0.08377	1902	136	0.071504	418	38	0.090909	440	51	0.115909	1884	163	0.086518	1776	117	0.065878	1761	95	0.053947	715	40	0.055944	552	27	0.048913	267	16	0.059925
NR_16383	246788	Trpv3	chr11	73267520	73300368	156	101	0.647436	152	102	0.671053	168	110	0.654762	16	15	0.9375	90	60	0.666667	167	117	0.700599	123	72	0.585366	131	53	0.40458	63	26	0.412698	63	31	0.492063	22	16	0.727273
NR_16383	114654	Ly6g6d	chr17	35071342	35081239	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16384	114654	Ly6g6d	chr17	35071342	35081239	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16384	114654	Ly6g6d	chr17	35071342	35078056	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	8	0.205128	14	13	0.928571	48	15	0.3125	33	4	0.121212	56	42	0.75	32	6	0.1875	30	25	0.833333	50	2	0.04	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16384	114654	Ly6g6d	chr17	35071342	35078056	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	8	0.205128	14	13	0.928571	48	15	0.3125	33	4	0.121212	56	42	0.75	32	6	0.1875	30	25	0.833333	50	2	0.04	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16384	18722	Pira1	chr7	3731626	3739917	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16384	77580	5730596B2	chr6	52177155	52180851	4101	460	0.112168	4255	369	0.086722	4234	300	0.070855	888	72	0.081081	1213	234	0.19291	4317	1203	0.278666	3595	712	0.198053	3919	766	0.195458	1079	190	0.176089	1219	306	0.251025	365	51	0.139726
NR_16385	105247048	Gm9057	chr5	22563779	22564453	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16385	330602	Gm5115	chr7	99929640	99932892	32	29	0.90625	31	30	0.967742	34	34	1	10	9	0.9	41	40	0.97561	36	33	0.916667	30	28	0.933333	25	23	0.92	23	22	0.956522	33	32	0.969697	10	10	1
NR_16385	10004318	Gm28269	chrX	21743434	21745111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16386	229861	Gm567	chr3	1.37E+08	1.37E+08	224	208	0.928571	138	131	0.949275	196	179	0.913265	68	59	0.867647	124	115	0.927419	248	208	0.83871	214	170	0.794393	164	141	0.859756	92	70	0.76087	76	49	0.644737	80	71	0.8875
NR_16386	69972	2810425M	chr10	77515898	77516941	1985	137	0.069018	2312	155	0.067042	2181	186	0.085282	306	28	0.091503	526	111	0.211027	2162	156	0.072155	2099	172	0.081944	2480	145	0.058468	477	46	0.096436	637	72	0.11303	206	5	0.024272
NR_16391	102638890	Gm15270	chr10	24331688	24595803	1332	19	0.014264	712	9	0.01264	1247	9	0.007217	126	0	0	244	4	0.016393	1367	18	0.013168	1272	18	0.014151	865	3	0.003468	426	3	0.007042	346	8	0.023121	139	1	0.007194
NR_16391	73792	4930401G	chr5	1.15E+08	1.15E+08	36	0	0	30	3	0.1	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	33	13	0.393939	22	1	0.045455	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16396	621875	A530040E1	chr1	85106093	85114038	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	17	0.53125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	57	23	0.403509
NR_16412	319317	Snhg11	chr2	1.58E+08	1.58E+08	247	51	0.206478	160	28	0.175	204	41	0.20098	#N/A	#N/A	#N/A	50	14	0.28	254	51	0.200787	278	87	0.31295	278	45	0.161871	44	12	0.272727	76	12	0.157895	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16416	71227	Daw1	chr1	83159755	83210574	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16416	71227	Daw1	chr1	83159755	83210574	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16416	170833	Hook2	chr8	84990623	85003349	579	23	0.039724	471	11	0.023355	466	18	0.038627	66	0	0	224	0	0	689	63	0.091437	463	27	0.058315	511	17	0.033268	180	11	0.061111	365	12	0.032877	168	7	0.041667
NR_16416	228788	Ccm2l	chr2	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	13	4	0.307692	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16417	672498	Gm9564	chr8	1.12E+08	1.12E+08	101	56	0.554455	121	64	0.528926	70	41	0.585714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	47	0.546512	40	19	0.475	74	35	0.472973	#N/A	#N/A	#N/A	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16417	672498	Gm9564	chr8	1.12E+08	1.12E+08	19	18	0.947368	30	27	0.9	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	28	27	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	23	16	0.695652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16417	672498	Gm9564	chr8	1.12E+08	1.12E+08	19	18	0.947368	30	27	0.9	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	28	27	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	23	16	0.695652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16417	76900	Ssbp4	chr8	70597490	70608314	4263	75	0.017593	3717	64	0.017218	4109	72	0.017523	770	11	0.014286	1088	12	0.011029	4610	58	0.012581	3491	20	0.005729	4193	63	0.015025	893	9	0.010078	1425	6	0.004211	340	3	0.008824
NR_16417	76900	Ssbp4	chr8	70597490	70608314	4263	75	0.017593	3717	64	0.017218	4109	72	0.017523	770	11	0.014286	1088	12	0.011029	4610	58	0.012581	3491	20	0.005729	4193	63	0.015025	893	9	0.010078	1425	6	0.004211	340	3	0.008824
NR_16417	76900	Ssbp4	chr8	70597490	70608314	4263	75	0.017593	3717	64	0.017218	4109	72	0.017523	770	11	0.014286	1088	12	0.011029	4610	58	0.012581	3491	20	0.005729	4193	63	0.015025	893	9	0.010078	1425	6	0.004211	340	3	0.008824
NR_16417	115490363	Gm43868	chr6	1.13E+08	1.13E+08	1342	9	0.006706	1518	12	0.007905	1346	4	0.002972	215	0	0	467	8	0.017131	1524	9	0.005906	1682	11	0.00654	1880	11	0.005851	437	0	0	575	0	0	194	0	0
NR_16418	76921	1700013D2	chr6	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16418	22221	Ubp1	chr9	1.14E+08	1.14E+08	5808	45	0.007748	6436	41	0.00637	6305	52	0.008247	593	2	0.003373	1003	10	0.00997	6198	49	0.007906	6291	44	0.006994	6776	31	0.004575	875	3	0.003429	983	3	0.003052	414	2	0.004831
NR_16418	115487084	LOC11548	chr1	30949871	30951338	7105	38	0.005348	6918	49	0.007083	6832	35	0.005123	1510	4	0.002649	2255	8	0.003548	7042	35	0.00497	5964	32	0.005366	7032	42	0.005973	1896	4	0.00211	2732	7	0.002562	784	2	0.002551
NR_16418	17188	Maz	chr7	1.27E+08	1.27E+08	4596	32	0.006963	4576	32	0.006993	4818	27	0.005604	648	0	0	658	3	0.004559	5346	33	0.006173	4585	34	0.007415	5084	37	0.007278	635	0	0	988	4	0.004049	266	1	0.003759
NR_16418	100039904	Gm20819	chrY	88534803	88578064	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16418	100861598	Gm21064	chrY	4341127	4381724	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16418	108168506	Gm21679	chrY	29628678	29684609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16418	100041631	Gm20879	chrY	89998183	90000534	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16419	10004207	Gm20901	chrY	38774736	38800793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16419	105244208	Rps6-ps4	chr2	75190995	75191854	72	61	0.847222	60	57	0.95	87	79	0.908046	39	35	0.897436	48	44	0.916667	87	75	0.862069	69	48	0.695652	84	69	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	51	35	0.686275	30	22	0.733333
NR_16419	115489289	Gm28371	chrY	39988161	39990502	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16419	105242869	Gm38958	chr11	95823955	95824411	3142	51	0.016232	2997	79	0.02636	3353	74	0.02207	567	5	0.008818	1071	16	0.014939	3624	87	0.024007	3315	51	0.015385	3299	76	0.023037	876	6	0.006849	1066	12	0.011257	377	7	0.018568
NR_16419	100504404	H2-Ea	chr17	34341952	34344645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45
NR_16419	72199	Mms19	chr19	41944201	41981130	6694	35	0.005229	6343	39	0.006149	6875	53	0.007709	943	2	0.002121	1738	9	0.005178	7364	50	0.00679	6548	48	0.00733	7505	49	0.006529	1581	4	0.00253	2353	13	0.005525	380	1	0.002632
NR_16419	26931	Ppp2r5c	chr12	1.1E+08	1.1E+08	4183	19	0.004542	2735	31	0.011335	3335	25	0.007496	1004	1	0.000996	951	3	0.003155	4240	43	0.010142	3595	29	0.008067	3545	32	0.009027	889	7	0.007874	1328	5	0.003765	456	0	0
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16420	70881	Nt5c1b	chr12	10369973	10390170	44	39	0.886364	33	31	0.939394	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	41	36	0.878049	45	42	0.933333	25	21	0.84	11	10	0.909091	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16431	108168307	Gm46567	chr16	29813550	29815033	1410	88	0.062411	1134	82	0.07231	1324	80	0.060423	317	11	0.0347	668	55	0.082335	1306	71	0.054364	1448	112	0.077348	1228	86	0.070033	595	22	0.036975	719	34	0.047288	263	10	0.038023
NR_16431	619325	I920046F2	chr12	3363509	3365573	2835	188	0.066314	2580	85	0.032946	3056	145	0.047448	511	11	0.021526	956	31	0.032427	2938	201	0.068414	2332	102	0.043739	2312	82	0.035467	866	22	0.025404	873	39	0.044674	314	9	0.028662
NR_16431	102633986	Gm31679	chr12	69622309	69625296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16431	10050414	4930412M	chr11	60112217	60115232	1718	12	0.006985	1348	11	0.00816	1499	16	0.010674	403	12	0.029777	843	19	0.022539	1934	22	0.011375	1405	12	0.008541	1769	21	0.011871	630	36	0.057143	658	13	0.019757	250	0	0
NR_16431	10050414	4930412M	chr11	60112217	60115232	1718	12	0.006985	1348	11	0.00816	1499	16	0.010674	403	12	0.029777	843	19	0.022539	1934	22	0.011375	1405	12	0.008541	1769	21	0.011871	630	36	0.057143	658	13	0.019757	250	0	0
NR_16431	10050414	4930412M	chr11	60112217	60115232	1718	12	0.006985	1348	11	0.00816	1499	16	0.010674	403	12	0.029777	843	19	0.022539	1934	22	0.011375	1405	12	0.008541	1769	21	0.011871	630	36	0.057143	658	13	0.019757	250	0	0
NR_16431	10050414	4930412M	chr11	60112217	60115232	1718	12	0.006985	1348	11	0.00816	1499	16	0.010674	403	12	0.029777	843	19	0.022539	1934	22	0.011375	1405	12	0.008541	1769	21	0.011871	630	36	0.057143	658	13	0.019757	250	0	0
NR_16431	544736	Glipr1l3	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16431	102638978	Gm35410	chr3	84582415	84584616	3138	29	0.009242	3136	16	0.005102	3195	21	0.006573	469	2	0.004264	1124	6	0.005338	3314	21	0.006337	3034	18	0.005933	3300	25	0.007576	993	4	0.004028	1007	6	0.005958	392	1	0.002551
NR_16432	67943	Mesd	chr7	83892266	83900311	594	18	0.030303	409	10	0.02445	552	4	0.007246	44	0	0	246	5	0.020325	720	20	0.027778	722	16	0.022161	444	12	0.027027	235	13	0.055319	289	14	0.048443	85	0	0
NR_16432	67943	Mesd	chr7	83884389	83900311	8672	133	0.015337	8322	163	0.019587	8962	157	0.017518	1322	34	0.025719	2793	72	0.025779	10045	226	0.022499	7809	84	0.010757	8682	90	0.010366	2298	7	0.003046	2619	10	0.003818	732	1	0.001366
NR_16432	67943	Mesd	chr7	83889342	83900311	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16432	268747	Carmil3	chr14	55491069	55508264	3677	42	0.011422	3275	28	0.00855	3480	32	0.009195	627	5	0.007974	897	8	0.008919	3747	30	0.008006	2795	11	0.003936	2825	17	0.006018	834	3	0.003597	1019	3	0.002944	572	3	0.005245
NR_16432	102634284	Gm38462	chr2	74703003	74712058	1719	53	0.030832	1926	59	0.030633	2006	45	0.022433	176	8	0.045455	526	12	0.022814	1738	65	0.037399	1897	114	0.060095	1926	75	0.038941	598	33	0.055184	628	45	0.071656	50	5	0.1
NR_16432	102634284	Gm38462	chr2	74703003	74705601	5891	161	0.02733	5537	115	0.020769	5970	155	0.025963	866	17	0.01963	1619	32	0.019765	5576	128	0.022956	5503	272	0.049428	5091	222	0.043606	1300	86	0.066154	2217	146	0.065855	150	8	0.053333
NR_16432	667006	Gm8417	chr14	49802785	49807293	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16433	100039484	Gm2260	chr14	26016431	26026559	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16433	100039503	Gm2274	chr14	26156043	26166186	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16433	72834	Cerox1	chr17	25570829	25575034	1180	195	0.165254	1106	170	0.153707	1021	148	0.144956	206	14	0.067961	521	102	0.195777	1236	151	0.122168	1182	199	0.168359	784	135	0.172194	352	62	0.176136	644	51	0.079193	92	25	0.271739
NR_16433	72834	Cerox1	chr17	25570829	25575034	1180	195	0.165254	1106	170	0.153707	1021	148	0.144956	206	14	0.067961	521	102	0.195777	1236	151	0.122168	1182	199	0.168359	784	135	0.172194	352	62	0.176136	644	51	0.079193	92	25	0.271739
NR_16433	72834	Cerox1	chr17	25570829	25575034	1180	195	0.165254	1106	170	0.153707	1021	148	0.144956	206	14	0.067961	521	102	0.195777	1236	151	0.122168	1182	199	0.168359	784	135	0.172194	352	62	0.176136	644	51	0.079193	92	25	0.271739
NR_16433	72834	Cerox1	chr17	25570829	25575034	1180	195	0.165254	1106	170	0.153707	1021	148	0.144956	206	14	0.067961	521	102	0.195777	1236	151	0.122168	1182	199	0.168359	784	135	0.172194	352	62	0.176136	644	51	0.079193	92	25	0.271739
NR_16433	70088	Meaf6	chr4	1.25E+08	1.25E+08	4380	23	0.005251	4232	26	0.006144	4505	34	0.007547	680	4	0.005882	922	4	0.004338	4108	23	0.005599	3744	26	0.006944	4226	31	0.007336	915	4	0.004372	1493	5	0.003349	176	3	0.017045
NR_16434	433202	Gm9925	chr18	74065054	74068514	3720	29	0.007796	3324	24	0.00722	3500	35	0.01	471	4	0.008493	1314	21	0.015982	3610	41	0.011357	3252	46	0.014145	2896	35	0.012086	1276	13	0.010188	1317	18	0.013667	130	5	0.038462
NR_16434	67747	Ribc2	chr15	85132098	85144570	1407	284	0.201848	1336	152	0.113772	1742	281	0.161309	168	63	0.375	675	85	0.125926	1618	400	0.247219	1497	280	0.187041	1369	273	0.199416	375	47	0.125333	482	60	0.124481	65	8	0.123077
NR_16434	791292	Gm9936	chr5	1.15E+08	1.15E+08	156	125	0.801282	129	98	0.75969	158	126	0.797468	26	16	0.615385	76	61	0.802632	177	124	0.700565	166	107	0.644578	169	117	0.692308	100	66	0.66	119	87	0.731092	11	5	0.454545
NR_16435	70936	4931400O	chrX	62467991	62468813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16435	70936	4931400O	chrX	62446491	62468813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16435	75204	Orly	chrY	78564705	78575409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16435	75204	Orly	chrY	78570686	78575409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16435	75204	Orly	chrY	78570686	78575409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16435	102632557	Gm28840	chrY	70801931	70812605	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16435	286951	Eif2c5	chrX	1.41E+08	1.41E+08	87	80	0.91954	110	105	0.954545	75	67	0.893333	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333	56	49	0.875	98	95	0.969388	74	67	0.905405	22	18	0.818182	50	48	0.96	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16436	626215	Gm6657	chr12	78197056	78209027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16436	626215	Gm6657	chr12	78197056	78209027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16436	102637882	Rhox11-ps	chrX	37940596	37945664	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16436	100042024	Gm3629	chr14	6682912	6684232	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16436	102634296	Gm4779	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16436	102634296	Gm4779	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16462	100042165	Thoc2l	chr5	1.05E+08	1.05E+08	2313	36	0.015564	2064	35	0.016957	2648	44	0.016616	387	1	0.002584	1023	37	0.036168	2207	44	0.019937	2283	15	0.00657	1942	26	0.013388	906	20	0.022075	975	21	0.021538	171	1	0.005848
NR_16503	16599	Klf3	chr5	64803521	64832901	6588	139	0.021099	5987	96	0.016035	6144	117	0.019043	1141	11	0.009641	1628	40	0.02457	7071	126	0.017819	7029	105	0.014938	7600	112	0.014737	1876	23	0.01226	2280	53	0.023246	932	3	0.003219
NR_16503	74549	Mau2	chr8	70014527	70042734	1131	6	0.005305	1112	6	0.005396	1079	9	0.008341	163	0	0	734	2	0.002725	1009	6	0.005946	735	3	0.004082	1030	8	0.007767	464	4	0.008621	733	2	0.002729	244	3	0.012295
NR_16503	74549	Mau2	chr8	70014527	70029513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16503	116972	Tlcd3a	chr11	76202092	76209417	4028	29	0.0072	3461	16	0.004623	3881	21	0.005411	520	14	0.026923	1152	15	0.013021	3904	23	0.005891	3559	26	0.007305	3572	24	0.006719	880	4	0.004545	1044	6	0.005747	247	2	0.008097
NR_16504	628416	Gm6878	chr14	67304872	67314711	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	77	67	0.87013	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16504	76785	2410124H	chr16	92478742	92497370	143	93	0.65035	108	57	0.527778	85	35	0.411765	28	16	0.571429	61	41	0.672131	108	64	0.592593	148	45	0.304054	99	28	0.282828	37	15	0.405405	25	16	0.64	17	2	0.117647
NR_16504	217449	Trappc12	chr12	28690628	28750400	1968	13	0.006606	1611	12	0.007449	1919	19	0.009901	478	6	0.012552	896	11	0.012277	2207	25	0.011328	1713	7	0.004086	1765	22	0.012465	732	4	0.005464	706	7	0.009915	256	0	0
NR_16504	26992	Brd7	chr8	88330598	88362172	4664	52	0.011149	4637	29	0.006254	4707	31	0.006586	848	2	0.002358	1124	5	0.004448	4675	49	0.010481	3275	24	0.007328	3750	38	0.010133	1125	1	0.000889	1246	5	0.004013	452	3	0.006637
NR_16504	26992	Brd7	chr8	88330598	88362172	4664	52	0.011149	4637	29	0.006254	4707	31	0.006586	848	2	0.002358	1124	5	0.004448	4675	49	0.010481	3275	24	0.007328	3750	38	0.010133	1125	1	0.000889	1246	5	0.004013	452	3	0.006637
NR_16504	26992	Brd7	chr8	88330598	88362172	4664	52	0.011149	4637	29	0.006254	4707	31	0.006586	848	2	0.002358	1124	5	0.004448	4675	49	0.010481	3275	24	0.007328	3750	38	0.010133	1125	1	0.000889	1246	5	0.004013	452	3	0.006637
NR_16504	76386	1700010D	chrX	95732586	95733265	20	18	0.9	51	47	0.921569	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16504	546347	Gm5941	chrX	92489949	92490681	11	11	1	37	31	0.837838	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	11	9	0.818182	18	14	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16504	238386	Btbd7	chr12	1.03E+08	1.03E+08	6802	56	0.008233	6992	62	0.008867	7125	52	0.007298	722	4	0.00554	2024	29	0.014328	7006	65	0.009278	6551	30	0.004579	7336	50	0.006816	1333	6	0.004501	1999	14	0.007004	487	3	0.00616
NR_16504	67528	Nudt7	chr8	1.14E+08	1.14E+08	309	52	0.168285	213	31	0.14554	275	29	0.105455	70	7	0.1	103	11	0.106796	359	29	0.08078	193	35	0.181347	213	16	0.075117	88	13	0.147727	106	10	0.09434	13	0	0
NR_16505	234373	Sugp2	chr8	70234205	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
NR_16505	234373	Sugp2	chr8	70234205	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
NR_16505	67072	Cdc37l1	chr19	28990367	29020237	1778	10	0.005624	1815	19	0.010468	2154	12	0.005571	494	1	0.002024	710	2	0.002817	1981	12	0.006058	1883	15	0.007966	1738	8	0.004603	509	1	0.001965	748	5	0.006684	44	0	0
NR_16505	67072	Cdc37l1	chr19	28990367	29020237	1778	10	0.005624	1815	19	0.010468	2154	12	0.005571	494	1	0.002024	710	2	0.002817	1981	12	0.006058	1883	15	0.007966	1738	8	0.004603	509	1	0.001965	748	5	0.006684	44	0	0
NR_16505	67072	Cdc37l1	chr19	28990367	29015766	1778	10	0.005624	1815	19	0.010468	2154	12	0.005571	494	1	0.002024	710	2	0.002817	1981	12	0.006058	1883	15	0.007966	1738	8	0.004603	509	1	0.001965	748	5	0.006684	44	0	0
NR_16505	102632555	Gm12873	chr4	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16505	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16505	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46937368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961882	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46937368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16506	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961882	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961882	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46937368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	47015174	1694	58	0.034238	1383	55	0.039769	1708	52	0.030445	219	8	0.03653	349	7	0.020057	1663	60	0.036079	1075	49	0.045581	1452	128	0.088154	594	63	0.106061	560	41	0.073214	145	15	0.103448
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16507	76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16507	19134	Prpf4b	chr13	34875529	34906064	1919	38	0.019802	1887	15	0.007949	1848	18	0.00974	348	5	0.014368	692	3	0.004335	2602	24	0.009224	2293	10	0.004361	2154	22	0.010214	703	0	0	603	6	0.00995	151	0	0
NR_16509	19134	Prpf4b	chr13	34875529	34906064	1919	38	0.019802	1887	15	0.007949	1848	18	0.00974	348	5	0.014368	692	3	0.004335	2602	24	0.009224	2293	10	0.004361	2154	22	0.010214	703	0	0	603	6	0.00995	151	0	0
NR_16508	75678	Ippk	chr13	49421242	49464574	2914	16	0.005491	2302	11	0.004778	3118	22	0.007056	576	2	0.003472	942	4	0.004246	3285	20	0.006088	2566	18	0.007015	2464	11	0.004464	922	2	0.002169	995	7	0.007035	315	0	0
NR_16508	71901	Fam219a	chr4	41517691	41569538	3156	104	0.032953	2648	99	0.037387	3273	136	0.041552	1132	32	0.028269	566	14	0.024735	3323	93	0.027987	3236	101	0.031211	3481	124	0.035622	1387	20	0.01442	1011	10	0.009891	409	5	0.012225
NR_16508	71901	Fam219a	chr4	41517691	41569538	3156	104	0.032953	2648	99	0.037387	3273	136	0.041552	1132	32	0.028269	566	14	0.024735	3323	93	0.027987	3236	101	0.031211	3481	124	0.035622	1387	20	0.01442	1011	10	0.009891	409	5	0.012225
NR_16508	72787	Ndc1	chr4	1.07E+08	1.07E+08	1288	13	0.010093	1416	6	0.004237	1516	8	0.005277	300	2	0.006667	574	0	0	1221	6	0.004914	1202	8	0.006656	1326	4	0.003017	520	3	0.005769	659	2	0.003035	304	0	0
NR_16508	269423	Abhd18	chr3	40894259	40938138	1185	3	0.002532	1104	6	0.005435	1183	9	0.007608	246	0	0	352	1	0.002841	1135	7	0.006167	1245	3	0.00241	1102	6	0.005445	468	1	0.002137	408	1	0.002451	95	0	0
NR_16516	115487162	1700023A	chr9	31385003	31386048	2694	19	0.007053	2651	11	0.004149	3232	25	0.007735	912	0	0	1076	2	0.001859	3038	34	0.011192	2358	17	0.007209	2291	13	0.005674	977	1	0.001024	1281	5	0.003903	342	2	0.005848
NR_16516	115489693	6430573P	chr3	79286855	79289843	6266	54	0.008618	5995	20	0.003336	5473	21	0.003837	1043	1	0.000959	1888	8	0.004237	6461	30	0.004643	6559	39	0.005946	7129	52	0.007294	1730	6	0.003468	1496	7	0.004679	520	2	0.003846
NR_16516	115489693	6430573P	chr3	79286855	79289843	6266	54	0.008618	5995	20	0.003336	5473	21	0.003837	1043	1	0.000959	1888	8	0.004237	6461	30	0.004643	6559	39	0.005946	7129	52	0.007294	1730	6	0.003468	1496	7	0.004679	520	2	0.003846
NR_16517	115489693	6430573P	chr3	79286855	79289843	6266	54	0.008618	5995	20	0.003336	5473	21	0.003837	1043	1	0.000959	1888	8	0.004237	6461	30	0.004643	6559	39	0.005946	7129	52	0.007294	1730	6	0.003468	1496	7	0.004679	520	2	0.003846
NR_16517	115489693	6430573P	chr3	79287424	79289843	6311	60	0.009507	6027	23	0.003816	5484	21	0.003829	1043	1	0.000959	1902	10	0.005258	6495	33	0.005081	6607	47	0.007114	7143	52	0.00728	1730	6	0.003468	1496	7	0.004679	520	2	0.003846
NR_16517	115489902	4933427I0	chr4	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16517	115490342	6530409C1	chr6	28215499	28234935	1348	153	0.113501	1477	184	0.124577	1526	163	0.106815	347	18	0.051873	348	16	0.045977	1421	172	0.121042	1535	208	0.135505	1540	294	0.190909	337	6	0.017804	508	44	0.086614	213	14	0.065728

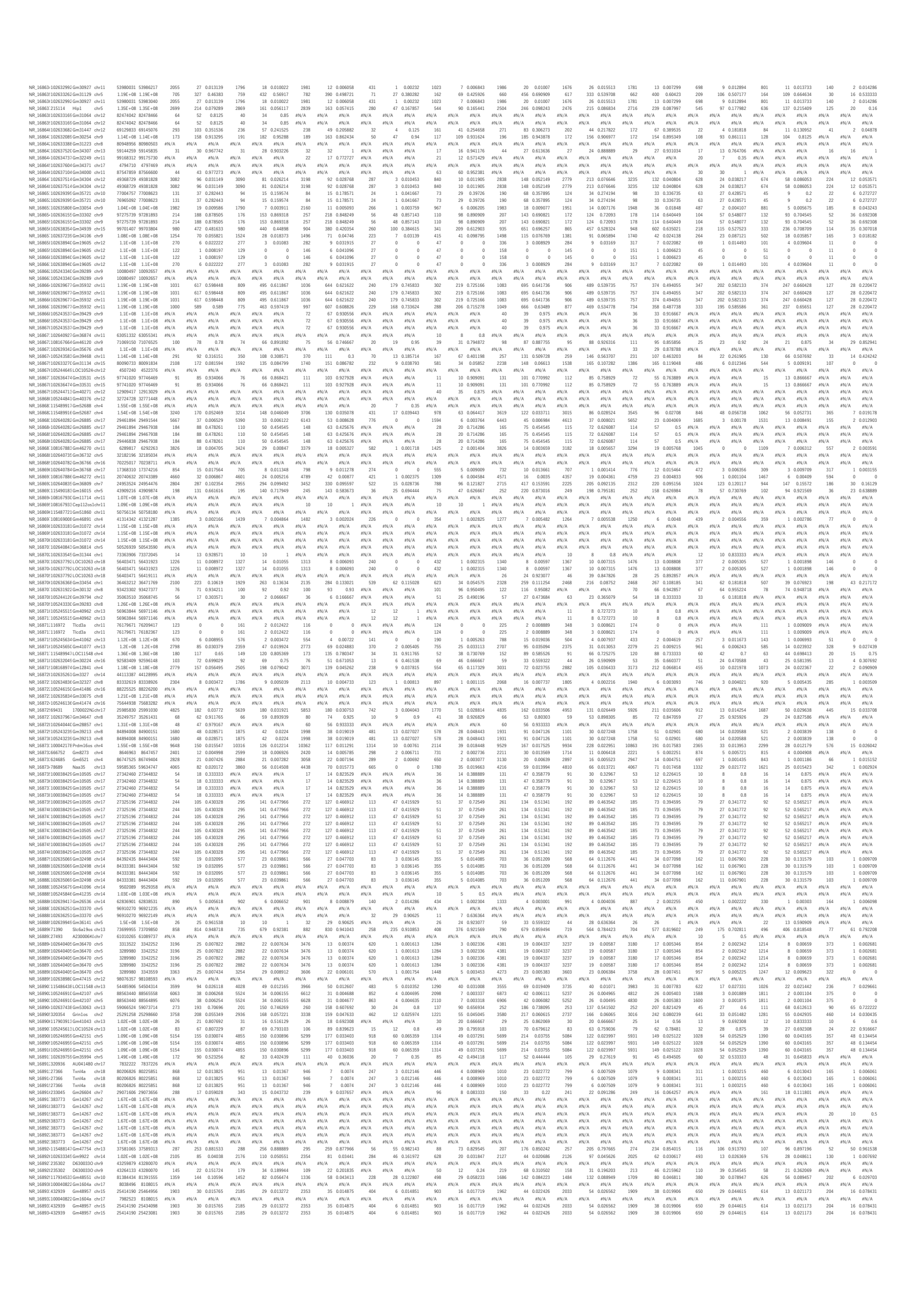
NR_16517	115490342	6530409C1	chr6	28215499	28218234	1348	153	0.113501	1477	184	0.124577	1526	163	0.106815	347	18	0.051873	348	16	0.045977	1421	172	0.121042	1535	208	0.135505	1540	294	0.190909	337	6	0.017804	508	44	0.086614	213	14	0.065728
NR_16517	115488923	C330008A	chr18	35910333	35918520	61	59	0.967213	60	60	1	85	84	0.988235	#N/A	#N/A	#N/A	39	35	0.897436	59	57	0.966102	51	47	0.921569	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16517	115488923	C330008A	chr18	35913132	35918520	67	65	0.970149	54	53	0.981481	61	60	0.983607	#N/A	#N/A	#N/A	39	38	0.974359	64	59	0.921875	63	61	0.968254	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16517	115487119	6030442K2	chr1	1.32E+08	1.32E+08	1417	14	0.00988	1385	7	0.005054	1372	10	0.007289	195	5	0.025641	547	1	0.001828	1338	6	0.004484	1042	14	0.013436	1281	13	0.010148	420	3	0.007143	478	8	0.016736	154	1	0.006494
NR_16517	115488623	6720473M	chr16	3625035	3633188	300	186	0.62	304	93	0.305921	256	148	0.578125	48	27	0.5625	84	45	0.535714	320	200	0.625	318	168	0.528302	332	182	0.548193	108	51	0.472222	143	37	0.258741	56	36	0.642857
NR_16517	115487221	LOC11548	chr9	59662568	59664353	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16518	115486514	D530033B	chr7	38182572	38183782	873	2	0.002291	793	6	0.007566	887	4	0.00451	72	0	0	439	1	0.002278	985	9	0.009137	814	4	0.004914	982	9	0.009165	299	1	0.003344	289	1	0.00346	170	0	0
NR_16524	115489913	C630004L	chr4	1.41E+08	1.41E+08	336	209	0.622024	183	124	0.677596	245	172	0.702041	106	72	0.679245	120	75	0.625	384	210	0.546875	265	146	0.550943	232	139	0.599138	52	46	0.884615	97	61	0.628866	44	31	0.704545
NR_16524	115489913	C630004L	chr4	1.41E+08	1.41E+08	277	46	0.166065	193	24	0.124352	258	35	0.135659	34	2	0.058824	84	11	0.130952	340	62	0.182353	191	56	0.293194	275	59	0.214545	83	24	0.289157	32	4	0.125	48	11	0.229167
NR_16524	791413	Gm12592	chr11	3305420	3331190	1890	98	0.051852	1669	67	0.040144	2083	104	0.049928	269	8	0.02974	800	19	0.02375	2060	140	0.067961	1487	135	0.090787	1492	149	0.099866	479	41	0.085595	594	87	0.146465	105	2	0.019048
NR_16525	76952	Nt5c2	chr19	46886831	46962351	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
NR_16525	115486483	Gm14372	chr7	1.44E+08	1.44E+08	206	136	0.660194	114	94	0.824561	257	185	0.719844	11	8	0.727273	80	65	0.8125	243	179	0.736626	205	135	0.658537	156	113	0.724359	58	41	0.706897	108	88	0.814815	30	21	0.7
NR_16525	115486483	Gm14372	chr7	1.44E+08	1.44E+08	206	136	0.660194	114	94	0.824561	257	185	0.719844	11	8	0.727273	80	65	0.8125	243	179	0.736626	205	135	0.658537	156	113	0.724359	58	41	0.706897	108	88	0.814815	30	21	0.7
NR_16525	115487379	Gm16254	chr10	7595961	7608675	235	206	0.876596	218	189	0.866972	211	184	0.872038	50	41	0.82	60	48	0.8	250	212	0.848	226	178	0.787611	251	200	0.796813	62	54	0.870968	52	44	0.846154	28	27	0.964286
NR_16525	115487731	Gm12299	chr11	67002086	67012198	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16525	102640140	Gm16214	chr9	42022615	42038956	66	60	0.909091	56	49	0.875	42	40	0.952381	11	11	1	37	32	0.864865	63	56	0.888889	46	38	0.826087	43	32	0.744186	45	34	0.755556	48	40	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16526	217827	Nrde2	chr12	1E+08	1E+08	12	0	0	30	0	0	76	0	0	12	0	0	16	0	0	103	0	0	131	0	0	40	0	0	11	0	0	16	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16526	217827	Nrde2	chr12	1E+08	1E+08	12	0	0	30	0	0	76	0	0	12	0	0	16	0	0	103	0	0	131	0	0	40	0	0	11	0	0	16	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16526	115487470	Gm16271	chr10	86972141	87031885	120	106	0.883333	135	124	0.918519	140	127	0.907143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	155	136	0.877419	150	113	0.753333	195	146	0.748718	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16526	115489941	Gm12867	chr4	1.19E+08	1.19E+08	338	316	0.934911	253	246	0.972332	316	292	0.924051	46	45	0.978261	118	109	0.923729	371	352	0.948787	317	296	0.933754	275	253	0.92	75	61	0.813333	86	78	0.906977	14	12	0.857143
NR_16526	115490136	Gm15860	chr5	1.23E+08	1.23E+08	8207	113	0.013769	8210	94	0.011449	8417	84	0.00998	1148	16	0.013937	2416	43	0.017798	7409	102	0.013767	7195	85	0.011814	7980	75	0.009398	1850	20	0.010811	2666	24	0.009002	476	8	0.016807
NR_16526	115490136	Gm15860	chr5	1.23E+08	1.23E+08	8207	113	0.013769	8210	94	0.011449	8417	84	0.00998	1148	16	0.013937	2416	43	0.017798	7409	102	0.013767	7195	85	0.011814	7980	75	0.009398	1850	20	0.010811	2666	24	0.009002	476	8	0.016807
NR_16526	115490136	Gm15860	chr5	1.23E+08	1.23E+08	7810	128	0.016389	7939	105	0.013226	8068	103	0.012766	999	16	0.016016	2294	51	0.022232	7042	149	0.021159	6873	114	0.016587	7693	105	0.013649	1655	23	0.013897	2591	33	0.012736	415	12	0.028916
NR_16526	115490136	Gm15860	chr5	1.23E+08	1.23E+08	8207	113	0.013769	8210	94	0.011449	8417	84	0.00998	1148	16	0.013937	2416	43	0.017798	7409	102	0.013767	7195	85	0.011814	7980	75	0.009398	1850	20	0.010811	2666	24	0.009002	476	8	0.016807
NR_16527	115488632	Gm15798	chr16	18943572	18945867	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16527	115489985	Gm12446	chr4	46298624	46343481	8030	463	0.057659	8131	471	0.057926	9083	509	0.056039	1181	66	0.055885	2257	136	0.060257	7692	718	0.093344	7319	855	0.116819	7452	709	0.095142	2000	136	0.068	2136	310	0.145131	790	105	0.132911
NR_16527	115488653	Gm16139	chr16	16542239	16542772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16527	115490207	Gm13842	chr5	1.16E+08	1.16E+08	643	263	0.40902	701	240	0.342368	700	234	0.334286	88	11	0.125	264	82	0.310606	663	329	0.496229	545	165	0.302752	579	244	0.421416	281	65	0.231317	263	106	0.403042	76	20	0.263158
NR_16527	115490207	Gm13842	chr5	1.16E+08	1.16E+08	643	263	0.40902	701	240	0.342368	700	234	0.334286	88	11	0.125	264	82	0.310606	663	329	0.496229	545	165	0.302752	579	244	0.421416	281	65	0.231317	263	106	0.403042	76	20	0.263158
NR_16527	102638742	Gm35234	chr18	59825431	59864721	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16528	100047482	Pitpnm2os	chr5	1.24E+08	1.24E+08	459	411	0.895425	374	331	0.885027	371	327	0.881402	93	84	0.903226	270	229	0.848148	551	478	0.867514	388	334	0.860825	382	324	0.848168	103	89	0.864078	159	138	0.867925	66	59	0.893939
NR_16528	100047482	Pitpnm2os	chr5	1.24E+08	1.24E+08	459	411	0.895425	374	331	0.885027	371	327	0.881402	93	84	0.903226	270	229	0.848148	551	478	0.867514	388	334	0.860825	382	324	0.848168	103	89	0.864078	159	138	0.867925	66	59	0.893939
NR_16528	115490137	LOC11549	chr5	1.24E+08	1.24E+08	48	45	0.9375	26	25	0.961538	48	47	0.979167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	48	0.923077	34	32	0.941176	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16529	115490137	LOC11549	chr5	1.24E+08	1.24E+08	48	45	0.9375	26	25	0.961538	48	47	0.979167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	48	0.923077	34	32	0.941176	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16529	115490216	Gm10858	chr5	1.47E+08	1.47E+08	261	225	0.862069	222	199	0.896396	281	251	0.893238	118	109	0.923729	134	119	0.88806	318	261	0.820755	219	175	0.799087	188	158	0.840426	99	87	0.878788	75	65	0.866667	34	22	0.647059
NR_16529	115489912	Gm9867	chr4	1.4E+08	1.4E+08	310	136	0.43871	228	98	0.429825	264	120	0.454545	56	38	0.678571	129	68	0.527132	283	149	0.526502	178	59	0.331461	195	91	0.466667	112	45	0.401786	128	68	0.53125	69	44	0.637681
NR_16529	102636101	Gm14541	chrX	36838991	36839351	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16530	269630	5031425E2	chr5	23382302	23433336	1403	12	0.008553	1360	5	0.003676	1372	6	0.004373	70	0	0	879	10	0.011377	1898	7	0.003688	1503	9	0.005988	1809	7	0.00387	260	2	0.007692	624	2	0.003205	44	0	0
NR_16530	269630	5031425E2	chr5	23399740	23433336	1403	12	0.008553	1360	5	0.003676	1372	6	0.004373	70	0	0	879	10	0.011377	1898	7	0.003688	1503	9	0.005988	1809	7	0.00387	260	2	0.007692	624	2	0.003205	44	0	0
NR_16530	11302	Aatk	chr11	1.2E+08	1.2E+08	1322	336	0.25416	1529	389	0.254415	1470	370	0.251701	277	78	0.281588	726	144	0.198347	1379	327	0.237128	1357	266	0.196021	1179	461	0.391009	417	67	0.160671	471	139	0.295117	171	65	0.380117
NR_16530	11302	Aatk	chr11	1.2E+08	1.2E+08	1264	1187	0.939082	1137	1043	0.917326	1254	1166	0.929825	404	374	0.925743	450	429	0.953333	1282	1150	0.897036	1065	940	0.882629	1177	1006	0.854715	385	302	0.784416	605	514	0.849587	292	240	0.821918
NR_16530	105243545	Gm39436	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16531	115489687	Gm16016	chr3	57527512	57530031	141	131	0.929078	165	157	0.951515	171	162	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	78	74	0.948718	177	172	0.971751	150	136	0.906667	95	91	0.957895	126	120	0.952381	104	103	0.990385	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16532	108167440	AU020206	chr7	75769038	75782120	708	16	0.022599	877	6	0.006842	791	24	0.030341	10	0	0	167	7	0.041916	826	20	0.024213	772	23	0.029793	993	7	0.007049	197	11	0.055838	193	17	0.088083	11	1	0.090909
NR_16541	115486641	Gm26230	chr7	59368236	59368314	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16543	108169082	Gm26597	chr5	1.47E+08	1.47E+08	1552	13	0.008376	1572	38	0.024173	1522	15	0.009855	189	2	0.010582	441	3	0.006803	1178	25	0.021222	1502	26	0.01731	1677	32	0.019082	209	4	0.019139	246	3	0.012195	56	2	0.035714
NR_16543	108169082	Gm26597	chr5	1.47E+08	1.47E+08	1672	14	0.008373	1686	39	0.023132	1649	16	0.009703	235	2	0.008511	503	4	0.007952	1298	26	0.020031	1599	26	0.01626	1774	33	0.018602	257	7	0.027237	297	3	0.010101	70	2	0.028571
NR_16544	115487218	BC049987	chr9	44670568	44672260	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	61	34	0.557377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	41	23	0.560976	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16545	434879	Gm5646	chrX	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16545	442803	A830005F2	chr13	48513570	48514839	908	162	0.178414	819	154	0.188034	911	254	0.278814	267	1	0.003745	237	0	0	903	206	0.228128	819	189	0.230769	694	171	0.246398	307	0	0	154	1	0.006494	50	0	0
NR_16546	115489452	A430018G	chr2	52425012	52433990	1772	11	0.006208	1446	9	0.006224	1591	18	0.011314	197	0	0	493	0	0	2048	11	0.005371	1943	8	0.004117	2051	8	0.003901	346	3	0.008671	610	1	0.001639	170	2	0.011765
NR_16546	115489452	A430018G	chr2	52425012	52434890	1772	11	0.006208	1446	9	0.006224	1591	18	0.011314	197	0	0	493	0	0	2048	11	0.005371	1943	8	0.004117	2051	8	0.003901	346	3	0.008671	610	1	0.001639	170	2	0.011765
NR_16546	115487348	A430027H	chr1	1.89E+08	1.89E+08	2688	119	0.044271	2319	95	0.040966	2426	63	0.025969	396	15	0.037879	1369	50	0.036523	2366	161	0.068047	2688	242	0.09003	2522	115	0.045599	418	30	0.07177	808	58	0.071782	504	32	0.063492
NR_16546	100534279	Gm21011	chr5	64896250	64904197	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16546	115489151	Gm52456	chrX	1.64E+08	1.64E+08	2013	55	0.027322	1564	44	0.028133	1980	75	0.037879	121	10	0.082645	295	16	0.054237	2159	44	0.02038	2194	34	0.015497	1638	54	0.032967	379	5	0.013193	475	20	0.042105	10	0	0
NR_16547	108167409	Gm45972	chr7	16921673	16924518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16547	108167636	Gm46100	chr9	4796304	4800157	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
NR_16547	115487094	Gm51627	chr1	64956579	64967601	1068	27	0.025281	1066	19	0.017824	1418	35	0.024683	265	9	0.033962	481	1	0.002079	1152	30	0.026042	974	27	0.027721	971	27	0.027806	294	0	0	483	1	0.00207	98	0	0
NR_16547	115487147	Gm51663	chr1	1.64E+08	1.64E+08	1086	6	0.005525	1000	6	0.006	973	5	0.005139	130	0	0	413	2	0.004843	996	11	0.011044	983	5	0.005086	670	3	0.004478	363	0	0	473	1	0.002114	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16547	108167347	Gm2619	chr1	85313407	85327379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	8	0.421053	28	14	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	0	0	15	5	0.333333	22	5	0.227273
NR_16547	115489464	Gm52520	chr2	85958281	85964241	51	36	0.705882	54	38	0.703704	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	57	44	0.77193	84	64	0.761905	39	27	0.692308	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	51	43	0.843137	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16548	115489528	Gm52562	chr2	1.3E+08	1.3E+08	370	51	0.137838	377	111	0.29443	363	63	0.173554	84	29	0.345238	187	20	0.106952	541	63	0.116451	383	55	0.143603	407	93	0.228501	167	31	0.185629	19	4	0.210526	10	3	0.3
NR_16548	115487454	Gm51803	chr10	60687157	60689242	4601	134	0.029124	3775	92	0.024371	4581	98	0.021393	757	21	0.027741	1575	47	0.029841	4699	176	0.037455	3830	101	0.026371	3753	108	0.028777	1252	29	0.023163	1660	71	0.042771	451	7	0.015521
NR_16549	115486606	Gm24027	chr7	59460677	59460755	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16549	102640133	Gm19378	chr15	89767615	89769242	164	122	0.743902	321	237	0.738318	213	161	0.755869	#N/A	#N/A	#N/A	182	132	0.725275	132	113	0.856061	292	192	0.657534	112	66	0.589286	76	65	0.855263	283	205	0.724382	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16549	115487469	4930555G	chr10	87230628	87298424	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	45	0.9375	39	27	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	36	30	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16549	102640526	Gm10353	chr19	8936063	8942390	4316	92	0.021316	5078	111	0.021859	5104	122	0.023903	940	37	0.039362	1554	28	0.018018	4894	103	0.021046	3945	88	0.022307	4377	105	0.023989	1711	60	0.035067	1395	53	0.037993	646	18	0.027864
NR_16550	105247277	Gm2309	chrX	35162846	35178956	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16561	115488352	Gm7991	chr14	42067038	42071347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16561	102636988	Gm11728	chr11	1.17E+08	1.17E+08	86	32	0.372093	99	36	0.363636	93	41	0.44086	10	0	0	65	33	0.507692	92	26	0.282609	83	18	0.216867	74	12	0.162162	18	3	0.166667	70	22	0.314286	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16562	102636988	Gm11728	chr11	1.17E+08	1.17E+08	86	32	0.372093	99	36	0.363636	93	41	0.44086	10	0	0	65	33	0.507692	92	26	0.282609	83	18	0.216867	74	12	0.162162	18	3	0.166667	70	22	0.314286	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16562	102642034	Gm8749	chrX	78357647	78369555	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16563	115488304	5830448L	chr14	34672971	34674668	5526	42	0.0076	5210	30	0.005758	6082	31	0.005097	586	4	0.006826	1888	6	0.003178	5558	36	0.006477	5053	37	0.007322	5042	29	0.005752	1593	6	0.003766	1634	4	0.002448	364	0	0
NR_16564	102634968	Gm3521	chr5	65837300	65858201	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16564	102641016	F930026P1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2636	25	0.009484	2377	26	0.010938	2657	28	0.010538	162	5	0.030864	1284	19	0.014798	3311	59	0.017819	2482	33	0.013296	2787	34	0.012199	992	3	0.003024	1104	5	0.004529	105	1	0.009524
NR_16564	105246710	Gm19497	chr1	1.34E+08	1.34E+08	520	103	0.198077	443	84	0.189616	581	113	0.194492	58	16	0.275862	209	41	0.196172	743	154	0.207268	541	111	0.205176	553	68	0.122966	271	68	0.250923	244	37	0.151639	47	15	0.319149
NR_16565	102638085	Gm17695	chr5	27952036	27977335	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16565	102638085	Gm17695	chr5	27952036	27977335	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16565	115488122	Gm36445	chr13	65241515	65250166	2601	24	0.009227	2578	24	0.00931	2568	48	0.018692	227	12	0.052863	808	10	0.012376	2587	56	0.021647	2698	73	0.027057	2207	35	0.015859	403	14	0.034739	969	16	0.016512	154	1	0.006494
NR_16565	115489522	D930003E	chr2	84838850	84840208	2960	41	0.013851	2287	8	0.003498	2562	24	0.009368	290	1	0.003448	1075	7	0.006512	2923	52	0.01779	2377	43	0.01809	2307	40	0.017339	872	12	0.013761	1085	16	0.014747	433	4	0.009238
NR_16565	100040926	Gm3045	chr13	56426586	56434268	80	74	0.925	76	70	0.921053	92	79	0.858696	#N/A	#N/A	#N/A	28	22	0.785714	92	80	0.869565	48	31	0.645833	76	61	0.802632	46	27	0.586957	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16565	100040926	Gm3045	chr13	56426586	56434268	80	74	0.925	76	70	0.921053	92	79	0.858696	#N/A	#N/A	#N/A	28	22	0.785714	92	80	0.869565	48	31	0.645833	76	61	0.802632	46	27	0.586957	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16565	100040926	Gm3045	chr13	56426586	56434268	80	74	0.925	76	70	0.921053	92	79	0.858696	#N/A	#N/A	#N/A	28	22	0.785714	92	80	0.869565	48	31	0.645833	76	61	0.802632	46	27	0.586957	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16579	115488895	Gm26533	chr18	31781234	31789080	1118	6	0.005367	958	4	0.004175	1208	5	0.004139	275	1	0.003636	378	1	0.002646	1210	11	0.009091	861	17	0.019744	818	6	0.007335	363	3	0.008264	498	4	0.008032	209	1	0.004785
NR_16579	14595	B4galt1	chr4	40804602	40853984	619	3	0.004847	580	11	0.018966	526	4	0.007605	104	9	0.086538	524	27	0.051527	658	24	0.036474	827	2	0.002418	946	36	0.038055	68	0	0	604	16	0.02649	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16579	115488900	57305520	chr18	77745070	77750570	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16579	115488899	6330525I2	chr18	13973027	13999463	2129	42	0.019728	2315	38	0.016415	2604	34	0.013057	225	1	0.004444	606	10	0.016502	2208	14	0.006341	2528	37	0.014636	2235	31	0.01387	449	7	0.01559	570	6	0.010526	51	0	0
NR_16579	115488899	6330525I2	chr18	13973027	13999463	2129	42	0.019728	2315	38	0.016415	2604	34	0.013057	225	1	0.004444	606	10	0.016502	2208	14	0.006341	2528	37	0.014636	2235	31	0.01387	449	7	0.01559	570	6	0.010526	51	0	0
NR_16579	115488899	6330525I2	chr18	13973027	13999463	2129	42	0.019728	2315	38	0.016415	2604	34	0.013057	225	1	0.004444	606	10	0.016502	2208	14	0.006341	2528	37	0.014636	2235	31	0.01387	449	7	0.01559	570	6	0.010526	51	0	0
NR_16579	115488899	6330525I2	chr18	13973027	13999463	2129	42	0.019728	2315	38	0.016415	2604	34	0.013057	225	1	0.004444	606	10	0.016502	2208	14	0.006341	2528	37	0.014636	2235	31	0.01387	449	7	0.01559	570	6	0.010526	51	0	0
NR_16579	115488899	6330525I2	chr18	13973027	13999463	2129	42	0.019728	2315	38	0.016415	2604	34	0.013057	225	1	0.004444	606	10	0.016502	2208	14	0.006341	2528	37	0.014636	2235	31	0.01387	449	7	0.01559	570	6	0.010526	51	0	0
NR_16580	115488784	Gm5817	chr17	86165467	86167485	8093	79	0.009762	7124	84	0.011791	8167	59	0.007224	1484	6	0.004043	2690	16	0.005948	8591	60	0.006984	7100	39	0.005493	7649	68	0.00889	2452	20	0.008157	2333	8	0.003429	325	1	0.003077
NR_16580	108167617	Gm26788	chr1	34165845	34178164	407	379	0.931204	477	453	0.949686	283	269	0.95053	#N/A	#N/A	#N/A	214	199	0.929907	264	240	0.909091	371	347	0.93531	281	256	0.911032	35	35	1	310	301	0.970968	48	48	1
NR_16580	116707477	Ipo11-Irrc7	chr13	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16580	108168725	Gm13351	chr2	18175783	18179481	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16581	102640250	Gm2885	chr17	6798383	6828016	2595	17	0.006551	2566	13	0.005066	2844	20	0.007032	734	2	0.002725	1482	4	0.002699	2977	13	0.004367	2373	15	0.006321	2415	16	0.006625	972	8	0.00823	1065	1	0.000939	163	0	0
NR_16581	102640250	Gm2885	chr17	6798383	6828016	2595	17	0.006551	2566	13	0.005066	2844	20	0.007032	734	2	0.002725	1482	4	0.002699	2977	13	0.004367	2373	15	0.006321	2415	16	0.006625	972	8	0.00823	1065	1	0.000939	163	0	0
NR_16581	73187	3110067G1	chr3	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16581	100416360	BC023719	chr17	36111397	36117093	257	6	0.023346	311	9	0.028939	294	5	0.017007	87	2	0.022989	126	1	0.007937	325	2	0.006154	285	7	0.024561	272	5	0.018382	135	0	0	144	3	0.020833	10	0	0
NR_16581	108169076	Gm36266	chr5	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	39	0.8125	18	5	0.277778	11	3	0.272727	10	1	0.1	22	21	0.954545	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16582	102639549	Gm38521	chr2	1.05E+08	1.05E+08	1941	11	0.005667	2357	17	0.007213	2449	13	0.005308	303	1	0.0033	764	5	0.006545	2419	16	0.006614	2102	7	0.00333	2367	15	0.006337	586	3	0.005119	867	3	0.00346	127	1	0.007874
NR_16582	102639145	Gm17315	chr17	79354699	79358020	3796	143	0.037671	3371	118	0.035004	3889	104	0.026742	988	29	0.029352	1224	37	0.030229	4161	80	0.019226	3300	107	0.032424	3233	121	0.037427	1016	78	0.076772	1540	43	0.027922	549	21	0.038251
NR_16582	115487829	Gm17586	chr11	1.21E+08	1.21E+08	4358	57	0.013079	4242	38	0.008958	4835	43	0.008893	626	2	0.003195	1386	0	0	5072	37	0.007295	4589	41	0.008934	5089	50	0.009825	897	4	0.004459	1179	4	0.003393	521	2	0.003839
NR_16582	101056032	Gm9831	chr3	55377454	55403219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16582	101056032	Gm9831	chr3	55380261	55403219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16582	101056032	Gm9831	chr3	55391809	55403219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16582	108167931	Gm11650	chr11	1.08E+08	1.08E+08	5178	118	0.022789	6105	128	0.020966	6000	129	0.0215	1086	27	0.024862	1134	22	0.0194	5474	100	0.018268	5127	140	0.027306	5673	175	0.030848	1061	34	0.032045	1588	95	0.059824	262	5	0.019084
NR_16582	101056047	Gm28455	chr7	39487361	39500506	902	123	0.136364	702	129	0.183761	860	97	0.112791	167	27	0.161677	360	51	0.141667	852	75	0.088028	687	201	0.292576	693	64	0.092352	244	26	0.106557	252	95	0.376984	65	11	0.169231
NR_16583	102640913	Gm36864	chr7	44236169	44243186	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16583	102632688	Gm30694	chr1	1.57E+08	1.57E+08	61	57	0.934426	55	52	0.945455	75	71	0.946667	15	14	0.933333	38	37	0.973684	91	80	0.879121	63	52	0.825397	41	35	0.853659	39	31	0.794872	18	16	0.888889	14	13	0.928571
NR_16583	102639087	Gm35486	chr3	84809785	84814433	5311	38	0.007155	5572	39	0.006999	5694	36	0.006322	589	1	0.001698	1352	4	0.002959	5705	45	0.007888	5497	37	0.006731	6753	35	0.005183	950	2	0.002105	1129	3	0.002657	354	3	0.008475
NR_16583	108167575	Gm46065	chr8	1.22E+08	1.22E+08	6354	157	0.024709	7136	148	0.02074	8072	139	0.01722	528	11	0.020833	1851	28	0.015127	6608	136	0.020581	4965	94	0.018933	6604	156	0.023622	1259	37	0.029388	2040	47	0.023039	261	10	0.038314
NR_16583	636187	Gm20764	chr4	34310975	34320901	56	48	0.857143	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	39	30	0.769231	30	22	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	30	20	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16583	105243194	Gm2921	chr8	57799868	57802908	#N/A	#N/A	#N/A	49	6	0.122449	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	17	0.303571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16583	666009	Gm7889	chr1	93975335	93987027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16583	666513	Gm11787	chr4	3496884	3511900	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16583	100169871	Gm10910	chr9	31280929	31281725	2622	18	0.006865	2851	18	0.006314	2929	24	0.008194	279	1	0.003584	577	13	0.02253	2929	20	0.006828	2664	31	0.011637	3263	23	0.007049	505	1	0.00198	540	1	0.001852	95	0	0
NR_16604	101056232	Gm29804	chr4	41890443	41893163	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16604	101056225	Gm29801	chr4	41887301	41889643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16604	102634681	Gm32211	chr2	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16604	102640387	Gm36457	chr16	65562808	65563519	1940	9	0.004639	1996	6	0.003006	2123	16	0.007537	330	0	0	842	37	0.043943	2074	7	0.003375	2324	17	0.007315	1993	6	0.003011	844	14	0.016588	980	2	0.002041	130	1	0.007692
NR_16604	102637782	Gm34507	chr17	4908322	4913471	3854	29	0.007525	3818	43	0.011262	3942	42	0.010654	626	1	0.001597	1328	8	0.006024	4140	31	0.007488	3560	25	0.007022	3941	28	0.007105	1164	8	0.006873	1525	18	0.011803	287	1	0.003484
NR_16605	14455	Gas5	chr1	1.61E+08	1.61E+08	1771	20	0.011293	1721	26	0.015107	1924	18	0.009356	247	1	0.004049	807	7	0.008674	2033	27	0.013281	1743	7	0.004016	2154	17	0.007892	489	9	0.018405	850	10	0.011765	189	1	0.005291
NR_16605	14455	Gas5	chr1	1.61E+08	1.61E+08	1771	20	0.011293	1721	26	0.015107	1924	18	0.009356	247	1	0.004049	807	7	0.008674	2033	27	0.013281	1743	7	0.004016	2154	17	0.007892	489	9	0.018405	850	10	0.011765	189	1	0.005291
NR_16605	14455	Gas5	chr1	1.61E+08	1.61E+08	1809	49	0.027087	1761	57	0.032368	1970	52	0.026396	263	13	0.04943	831	26	0.031288	2075	62	0.02988	1789	43	0.024036	2189	47	0.021471	506	23	0.045455	868	22	0.025346	189	1	0.005291
NR_16605	666647	Gm8212	chr14	44197623	44203139	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16605	14455	Gas5	chr1	1.61E+08	1.61E+08	1771	20	0.011293	1721	26	0.015107	1924	18	0.009356	247	1	0.004049	807	7	0.008674	2033	27	0.013281	1743	7	0.004016	2154	17	0.007892	489	9	0.018405	850	10	0.011765	189	1	0.005291
NR_16605	115490402	1700095J0	chr6	30304615	30331805	2981	22	0.00738	2164	19	0.00878	2866	13	0.004536	346	0	0	881	1	0.001135	3353	24	0.007158	2204	8	0.00363	2830	6	0.00212	743	0	0	763	1	0.001311	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16605	108168747	Gm46735	chr2	36191946	36193729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16606	108168756	Gm46741	chr2	52694576	52699141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16606	108168923	Gm46840	chr4	3231182	3253019	988	15	0.015182	828	5	0.006039	885	6	0.00678	44	2	0.045455	274	6	0.021898	941	18	0.019129	773	5	0.006468	598	9	0.01505	278	1	0.003597	340	2	0.005882	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16606	108168923	Gm46840	chr4	3231182	3258873	988	15	0.015182	828	5	0.006039	885	6	0.00678	44	2	0.045455	274	6	0.021898	941	18	0.019129	773	5	0.006468	598	9	0.01505	278	1	0.003597	340	2	0.005882	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16606	108168925	Gm46841	chr4	8717210	8731950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16607	105245043	Gm2396	chr9	88877283	88937342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16607	102636691	Gm29243	chr8	34216830	34226150	311	68	0.21865	322	70	0.217391	367	68	0.185286	62	8	0.129032	181	61	0.337017	313	72	0.230032	338	43	0.127219	286	81	0.283217	166	62	0.373494	95	9	0.094737	34	11	0.323529
NR_16607	102638502	Gm10612	chr8	1.23E+08	1.23E+08	168	111	0.660714	115	90	0.782609	152	116	0.763158	61	49	0.803279	70	54	0.771429	176	95	0.539773	139	91	0.654676	148	88	0.594595	71	44	0.619718	52	32	0.615385	34	22	0.647059
NR_16607	102638993	Gm19765	chr7	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16607	102639138	Gm35521	chr8	64408625	64421029	53	41	0.773585	10	8	0.8	45	38	0.844444	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	74	55	0.743243	56	34	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16607	102639138	Gm35521	chr8	64408625	64421029	53	41	0.773585	10	8	0.8	45	38	0.844444	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	74	55	0.743243	56	34	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16607	102631513	Gm11998	chr11	11557410	11579460	57	22	0.385965	30	22	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	17	0.566667	76	37	0.486842	79	32	0.405063	34	0	0	20	1	0.05	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16607	102631513	Gm11998	chr11	11557410	11579460	57	22	0.385965	30	22	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	17	0.566667	76	37	0.486842	79	32	0.405063	34	0	0	20	1	0.05	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	66334	1700025K	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	71638	4930431F1	chr10	44730734	44738900	52	47	0.903846	45	42	0.933333	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	47	42	0.893617	63	52	0.825397	77	69	0.896104	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	73256	1700021G1	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	102636980	Gm29538	chr1	88443969	88462440	203	107	0.527094	264	148	0.560606	199	98	0.492462	72	39	0.541667	97	44	0.453608	201	96	0.477612	189	98	0.518519	174	86	0.494253	73	30	0.410959	37	23	0.621622	20	8	0.4
NR_16608	102636980	Gm29538	chr1	88443969	88462619	203	107	0.527094	264	148	0.560606	199	98	0.492462	72	39	0.541667	97	44	0.453608	201	96	0.477612	189	98	0.518519	174	86	0.494253	73	30	0.410959	37	23	0.621622	20	8	0.4
NR_16608	73605	1700124M	chr10	19086626	19087207	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	102637001	4930529I2	chr2	1.69E+08	1.69E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	102637193	Gm13348	chr2	19634758	19637029	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	102637193	Gm13348	chr2	19634033	19637029	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16608	102637193	Gm13348	chr2	19634033	19637029	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16609	102637193	Gm13348	chr2	19634758	19637029	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16609	102637193	Gm13348	chr2	19634033	19637029	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16609	68241	Mcrip2	chr17	25863698	25868739	1336	38	0.028443	1105	49	0.044344	1341	31	0.023117	418	10	0.023923	463	26	0.056156	1529	38	0.024853	1044	24	0.022989	1046	39	0.037285	478	3	0.006276	535	15	0.028037	259	0	0
NR_16609	68241	Mcrip2	chr17	25863698	25868739	1336	38	0.028443	1105	49	0.044344	1341	31	0.023117	418	10	0.023923	463	26	0.056156	1529	38	0.024853	1044	24	0.022989	1046	39	0.037285	478	3	0.006276	535	15	0.028037	259	0	0
NR_16609	68241	Mcrip2	chr17	25863698	25868739	1336	38	0.028443	1105	49	0.044344	1341	31	0.023117	418	10	0.023923	463	26	0.056156	1529	38	0.024853	1044	24	0.022989	1046	39	0.037285	478	3	0.006276	535	15	0.028037	259	0	0
NR_16609	68241	Mcrip2	chr17	25863698	25868739	1336	38	0.028443	1105	49	0.044344	1341	31	0.023117	418	10	0.023923	463	26	0.056156	1529	38	0.024853	1044	24	0.022989	1046	39	0.037285	478	3	0.006276	535	15	0.028037	259	0	0
NR_16609	75189	4930533K1	chr10	70868641	70934240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16609	75189	4930533K1	chr10	70868641	70934240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16609	320949	D830039M	chr10	61475227	61476681	825	107	0.129697	716	128	0.178771	733	124	0.169168	256	25	0.097656	284	42	0.147887	893	97	0.108623	624	53	0.084936	623	101	0.162119	138	29	0.210145	333	29	0.087087	69	4	0.057971

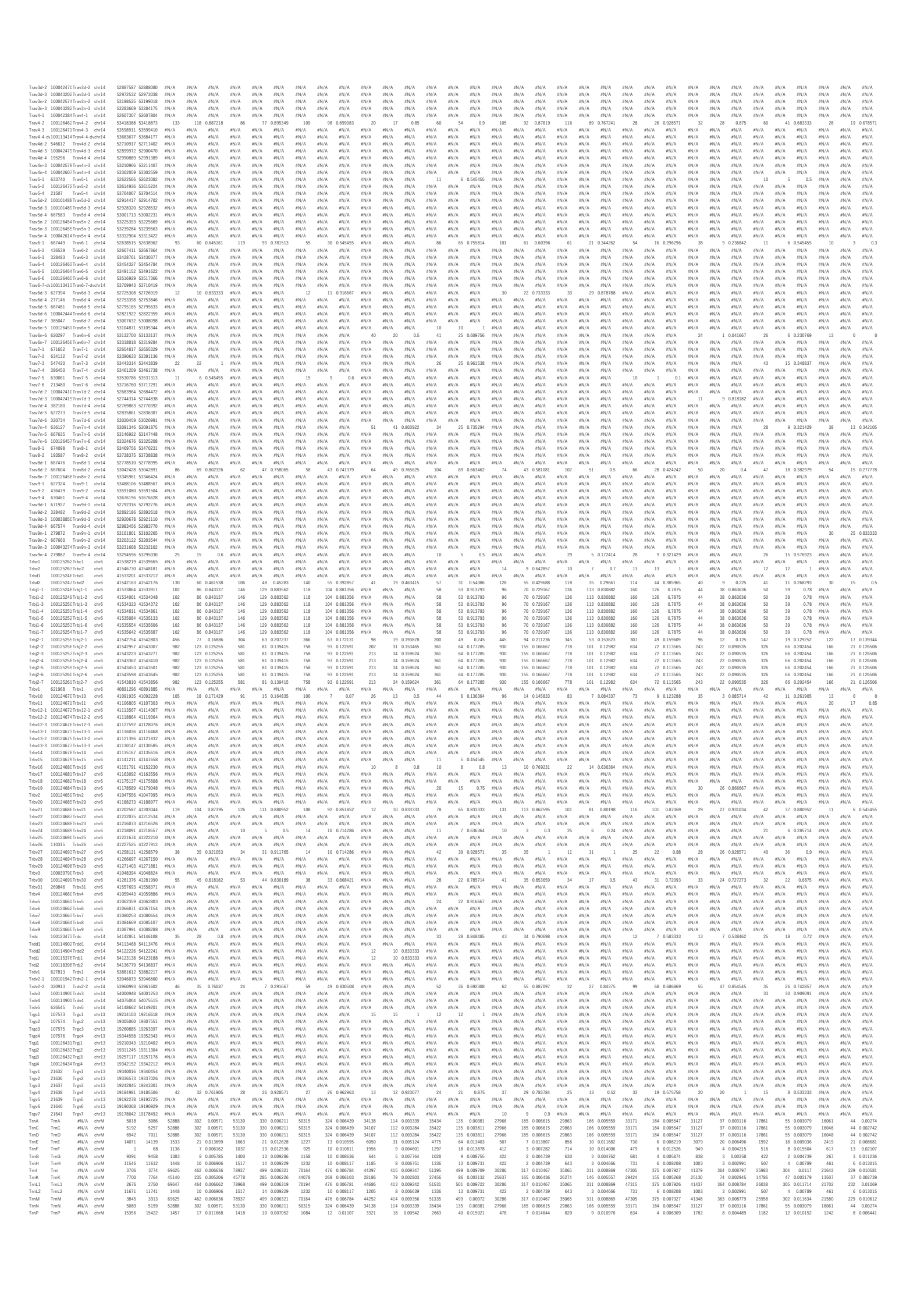
NR_16610	100040846	5930403N	chr10	37139532	37151985	1100	7	0.006364	472	3	0.006356	884	11	0.012443	78	0	0	464	6	0.012931	1424	10	0.007022	941	4	0.004251	1021	9	0.008815	212	1	0.004717	473	1	0.002114	20	0	0
NR_16610	100040846	5930403N	chr10	37139532	37151985	1100	7	0.006364	472	3	0.006356	884	11	0.012443	78	0	0	464	6	0.012931	1424	10	0.007022	941	4	0.004251	1021	9	0.008815	212	1	0.004717	473	1	0.002114	20	0	0
NR_16610	100040846	5930403N	chr10	37141070	37151985	1605	28	0.017445	1285	18	0.014008	1437	31	0.021573	72	6	0.083333	558	9	0.016129	1799	25	0.013897	1555	11	0.007074	1533	23	0.015003	416	2	0.004808	579	4	0.006908	139	0	0
NR_16610	100040846	5930403N	chr10	37142470	37151985	1473	27	0.01833	1235	18	0.014575	1368	29	0.021199	72	6	0.083333	488	9	0.018443	1646	24	0.014581	1475	9	0.006102	1444	23	0.015928	353	2	0.005666	514	3	0.005837	119	0	0
NR_16610	102632785	Gm30769	chr10	89257120	89259135	388	42	0.108247	285	26	0.091228	414	32	0.077295	94	11	0.117021	186	34	0.182796	475	54	0.113684	453	21	0.046358	370	21	0.056757	127	15	0.11811	161	37	0.229814	40	2	0.05
NR_16610	102636919	Gm15199	chr10	42740019	42754525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	15	0.714286	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	25	7	0.28	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16610	102634061	Gm31739	chr3	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16611	641387	1700120B2	chr10	63242231	63244153	2858	16	0.005598	3043	31	0.010187	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1076	1	0.000929	198	1	0.005051
NR_16611	102634128	4930598N(	chr10	10235003	10258707	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16611	102634282	Gm31904	chr10	10230734	10234878	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16611	115487091	1700126A(	chr1	57127315	57129400	81	65	0.802469	65	41	0.630769	88	59	0.670455	#N/A	#N/A	#N/A	15	11	0.733333	93	57	0.612903	57	32	0.561404	60	32	0.533333	53	21	0.396226	15	8	0.533333	10	4	0.4
NR_16611	108168895	Gm43568	chr3	1.23E+08	1.23E+08	35	2	0.057143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16611	108168861	Gm15462	chr3	30686085	30692366	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16611	108168754	Gm13522	chr2	52378594	52390308	257	169	0.657588	218	165	0.756881	252	203	0.805556	22	17	0.772727	98	73	0.744898	274	154	0.562044	189	110	0.582011	210	176	0.838095	72	47	0.652778	58	42	0.724138	10	2	0.2
NR_16611	108168741	Gm46732	chr2	25356471	25358001	241	0	0	200	0	0	238	1	0.004202	26	0	0	120	1	0.008333	262	7	0.026718	208	2	0.009615	221	2	0.00905	104	0	0	122	0	0	72	0	0
NR_16611	108167726	Gm37120	chr1	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16612	102641120	Gm29483	chr1	92714234	92730743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16612	102642414	Platr3	chr2	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16612	14226	Fkbp1b	chr12	4833176	4841573	2602	115	0.044197	2445	90	0.03681	3056	104	0.034031	310	28	0.090323	636	33	0.051887	2553	121	0.047395	2526	71	0.028108	2642	109	0.041257	833	32	0.038415	674	27	0.040059	302	11	0.036424
NR_16612	105244102	Gm13421	chr2	27540426	27546090	1046	24	0.022945	856	12	0.014019	974	22	0.022587	168	0	0	623	3	0.004815	979	31	0.031665	855	11	0.012865	1022	13	0.01272	364	3	0.008242	604	5	0.008278	198	0	0
NR_16612	105244102	Gm13421	chr2	27540426	27546090	1046	24	0.022945	856	12	0.014019	974	22	0.022587	168	0	0	623	3	0.004815	979	31	0.031665	855	11	0.012865	1022	13	0.01272	364	3	0.008242	604	5	0.008278	198	0	0
NR_16612	105244487	Gm19439	chr3	88030858	88033152	174	88	0.505747	147	88	0.598639	155	95	0.612903	#N/A	#N/A	#N/A	38	15	0.394737	124	59	0.475806	64	24	0.375	84	24	0.285714	74	54	0.72973	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16613	105244210	Gm39859	chr2	75647965	75658937	4383	45	0.010267	3973	28	0.007048	4420	23	0.005204	739	2	0.002706	1613	2	0.00124	5122	44	0.00859	3831	18	0.004699	4791	40	0.008349	1320	1	0.000758	1522	8	0.005256	310	0	0
NR_16613	105244227	Gm39874	chr2	91070351	91071623	2268	416	0.183422	1932	311	0.160973	2165	383	0.176905	322	108	0.335404	930	196	0.210753	2582	512	0.198296	2261	364	0.160991	2321	424	0.18268	672	139	0.206845	901	148	0.164262	428	78	0.182243
NR_16613	14534	Kat2a	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2593	472	0.182029	2234	520	0.232766	2205	493	0.223583	501	135	0.269461	1047	186	0.17765	2229	305	0.136833	2261	520	0.229987	2310	445	0.192641	879	98	0.11149	992	241	0.242944	177	67	0.378531
NR_16613	14534	Kat2a	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2593	472	0.182029	2234	520	0.232766	2205	493	0.223583	501	135	0.269461	1047	186	0.17765	2229	305	0.136833	2261	520	0.229987	2310	445	0.192641	879	98	0.11149	992	241	0.242944	177	67	0.378531
NR_16613	105244259	4930527A(	chr2	1.05E+08	1.06E+08	68	58	0.852941	68	53	0.779412	99	87	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	60	54	0.9	80	68	0.85	64	45	0.703125	96	73	0.760417	58	35	0.603448	28	17	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16613	16897	Llgl1	chr11	60699700	60714186	3586	25	0.006972	3255	27	0.008295	3756	29	0.007721	427	0	0	1237	4	0.003234	3740	60	0.016043	2937	25	0.008512	3087	22	0.007127	963	13	0.013499	1395	5	0.003584	605	4	0.006612
NR_16613	16897	Llgl1	chr11	60699700	60714186	3586	25	0.006972	3255	27	0.008295	3756	29	0.007721	427	0	0	1237	4	0.003234	3740	60	0.016043	2937	25	0.008512	3087	22	0.007127	963	13	0.013499	1395	5	0.003584	605	4	0.006612
NR_16613	102637643	Gm34403	chr2	1.7E+08	1.7E+08	227	8	0.035242	320	19	0.059375	274	11	0.040146	#N/A	#N/A	#N/A	44	2	0.045455	312	7	0.022436	241	5	0.020747	296	10	0.033784	55	0	0	163	13	0.079755	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16613	102638052	Gm13869	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16613	73225	Fam118a	chr15	85037089	85062830	191	1	0.005236	285	3	0.010526	293	2	0.006826	18	12	0.666667	113	11	0.097345	277	0	0	302	1	0.003311	436	3	0.006881	67	10	0.149254	132	10	0.075758	17	13	0.764706
NR_16614	73225	Fam118a	chr15	85037089	85062830	191	1	0.005236	285	3	0.010526	293	2	0.006826	18	12	0.666667	113	11	0.097345	277	0	0	302	1	0.003311	436	3	0.006881	67	10	0.149254	132	10	0.075758	17	13	0.764706
NR_16614	73225	Fam118a	chr15	85042725	85062830	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16614	73225	Fam118a	chr15	85042725	85062830	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16614	105244210	Gm39859	chr2	75647965	75658937	4383	45	0.010267	3973	28	0.007048	4420	23	0.005204	739	2	0.002706	1613	2	0.00124	5122	44	0.00859	3831	18	0.004699	4791	40	0.008349	1320	1	0.000758	1522	8	0.005256	310	0	0
NR_16614	74760	Rab3il1	chr19	10018251	10038380	1550	22	0.014194	1437	21	0.014614	1865	11	0.005898	173	0	0	609	2	0.003284	1975	12	0.006076	1548	13	0.008398	1916	11	0.005741	663	2	0.003017	625	4	0.0064	266	1	0.003759
NR_16614	18746	Pkm	chr9	59656576	59679372	1651	27	0.016354	1023	19	0.018573	1518	15	0.009881	247	12	0.048583	438	5	0.011416	1842	20	0.010858	1609	20	0.01243	1555	26	0.01672	543	10	0.018416	511	6	0.011742	207	4	0.019324
NR_16614	18746	Pkm	chr9	59656576	59679372	1651	27	0.016354	1023	19	0.018573	1518	15	0.009881	247	12	0.048583	438	5	0.011416	1842	20	0.010858	1609	20	0.01243	1555	26	0.01672	543	10	0.018416	511	6	0.011742	207	4	0.019324
NR_16614	69476	1700029M	chr1	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16614	69476	1700029M	chr1	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16615	70800	Mir205hg	chr1	1.94E+08	1.94E+08	264	181	0.685606	221	143	0.647059	204	128	0.627451	94	57	0.606383	147	102	0.693878	286	211	0.737762	222	119	0.536036	289	150	0.519031	137	77	0.562044	85	68	0.8	61	34	0.557377
NR_16615	73611	1700112D2	chr3	28702223	28781122	4024	138	0.034294	4233	132	0.031184	4148	141	0.033992	539	21	0.038961	1083	48	0.044321	3849	149	0.038711	4597	395	0.085926	4111	533	0.129652	503	45	0.089463	1240	103	0.083065	313	17	0.054313
NR_16615	73611	1700112D2	chr3	28738778	28781122	4024	138	0.034294	4233	132	0.031184	4148	141	0.033992	539	21	0.038961	1083	48	0.044321	3849	149	0.038711	4597	395	0.085926	4111	533	0.129652	503	45	0.089463	1240	103	0.083065	313	17	0.054313
NR_16615	105244374	Gm14250	chr2	1.69E+08	1.69E+08	303	271	0.894389	242	214	0.884298	236	207	0.877119	#N/A	#N/A	#N/A	92	82	0.891304	226	187	0.827434	168	141	0.839286	231	180	0.779221	81	69	0.851852	44	37	0.840909	84	68	0.809524
NR_16615	19157	Cyth1	chr11	1.18E+08	1.18E+08	50	14	0.28	60	54	0.9	85	41	0.482353	#N/A	#N/A	#N/A	32	3	0.09375	104	40	0.384615	127	91	0.716535	142	88	0.619718	45	9	0.2	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16615	108168739	Gm13291	chr2	11384935	11387703	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16615	102639365	Gm35695	chr2	1.79E+08	1.79E+08	35	30	0.857143	29	28	0.965517	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	38	37	0.973684	41	36	0.878049	39	31	0.794872	32	28	0.875	22	20	0.909091	13	13	1	10	10	1
NR_16615	102639375	Gm29514	chr1	1.46E+08	1.46E+08	85	1	0.011765	173	5	0.028902	89	2	0.022472	36	4	0.111111	78	2	0.025641	42	0	0	26	2	0.076923	63	2	0.031746	#N/A	#N/A	#N/A	104	3	0.028846	55	2	0.036364
NR_16615	102639375	Gm29514	chr1	1.46E+08	1.46E+08	85	1	0.011765	173	5	0.028902	89	2	0.022472	36	4	0.111111	78	2	0.025641	42	0	0	26	2	0.076923	63	2	0.031746	#N/A	#N/A	#N/A	104	3	0.028846	55	2	0.036364
NR_16616	102639375	Gm29514	chr1	1.46E+08	1.46E+08	85	1	0.011765	173	5	0.028902	89	2	0.022472	36	4	0.111111	78	2	0.025641	42	0	0	26	2	0.076923	63	2	0.031746	#N/A	#N/A	#N/A	104	3	0.028846	55	2	0.036364
NR_16616	102639424	Gm35742	chr1	1.73E+08	1.73E+08	311	266	0.855305	366	311	0.849727	336	287	0.854167	75	49	0.653333	172	140	0.813953	224	173	0.772321	256	178	0.695313	240	171	0.7125	70	35	0.5	104	56	0.538462	44	37	0.840909
NR_16616	19358	Rad23a	chr8	84834927	84840652	1725	15	0.008696	1816	5	0.002753	1938	7	0.003612	363	0	0	695	1	0.001439	1909	19	0.009953	1534	10	0.006519	1934	17	0.00879	551	2	0.00363	870	2	0.002299	392	5	0.012755
NR_16616	19358	Rad23a	chr8	84834927	84840652	1725	15	0.008696	1816	5	0.002753	1938	7	0.003612	363	0	0	695	1	0.001439	1909	19	0.009953	1534	10	0.006519	1934	17	0.00879	551	2	0.00363	870	2	0.002299	392	5	0.012755
NR_16616	102639473	Gm14273	chr2	1.72E+08	1.72E+08	32	12	0.375	22	15	0.681818	23	10	0.434783	12	1	0.083333	32	10	0.3125	27	14	0.518519	20	0	0	12	0	0	24	10	0.416667	12	0	0	12	2	0.166667
NR_16616	102639518	Gm16316	chr2	1.64E+08	1.64E+08	42	21	0.5	38	22	0.578947	54	34	0.62963	11	10	0.909091	32	21	0.65625	39	26	0.666667	20	6	0.3	33	25	0.757576	24	9	0.375	28	14	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16616	21341	Taf1c	chr8	1.2E+08	1.2E+08	689	48	0.069666	683	16	0.023426	669	23	0.03438	91	20	0.21978	291	24	0.082474	711	67	0.094233	591	57	0.096447	648	51	0.078704	204	15	0.073529	426	10	0.023474	138	18	0.130435
NR_16617	102640163	Gm29480	chr1	92844677	92848797	750	261	0.348	557	201	0.360862	761	276	0.362681	169	52	0.307692	323	136	0.421053	953	320	0.335782	614	141	0.229642	579	153	0.264249	215	68	0.316279	336	84	0.25	49	22	0.44898
NR_16617	102641286	Gm14244	chr2	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16617	102641286	Gm14244	chr2	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16617	21423	Tcf3	chr10	80409541	80433635	2571	80	0.031116	2124	75	0.035311	2390	63	0.02636	326	5	0.015337	595	44	0.07395	2870	113	0.039373	1729	49	0.02834	2495	71	0.028457	1228	3	0.002443	941	24	0.025505	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16617	105244117	Gm13524	chr2	32845936	32850445	318	1	0.003145	254	4	0.015748	322	9	0.02795	52	1	0.019231	142	1	0.007042	404	4	0.009901	278	2	0.007194	267	1	0.003745	138	0	0	142	0	0	40	1	0.025
NR_16617	105244117	Gm13524	chr2	32845936	32850445	318	1	0.003145	254	4	0.015748	322	9	0.02795	52	1	0.019231	142	1	0.007042	404	4	0.009901	278	2	0.007194	267	1	0.003745	138	0	0	142	0	0	40	1	0.025
NR_16617	105244278	Gm39918	chr2	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	1	0.019231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16617	105244278	Gm39918	chr2	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	1	0.019231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16617	105244370	Gm14261	chr2	1.69E+08	1.69E+08	4275	110	0.025731	4024	77	0.019135	4709	124	0.026333	469	15	0.031983	1339	43	0.032114	3721	132	0.035474	3408	63	0.018486	4289	89	0.020751	1143	55	0.048119	1422	41	0.028833	64	0	0
NR_16617	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14542809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14535787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14535787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14542809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14535787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14542809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14535787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102634777	Gm13266	chr2	14512594	14573286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	102635610	Gm32900	chr3	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16618	26919	Zfp346	chr13	55105322	55135068	2272	21	0.009243	2456	17	0.006922	2405	12	0.00499	282	1	0.003546	712	2	0.002809	2299	13	0.005655	2280	7	0.00307	2325	11	0.004731	727	5	0.006878	839	5	0.005959	248	1	0.004032
NR_16618	26919	Zfp346	chr13	55105322	55135068	2272	21	0.009243	2456	17	0.006922	2405	12	0.00499	282	1	0.003546	712	2	0.002809	2299	13	0.005655	2280	7	0.00307	2325	11	0.004731	727	5	0.006878	839	5	0.005959	248	1	0.004032
NR_16619	26919	Zfp346	chr13	55105322	55135068	2272	21	0.009243	2456	17	0.006922	2405	12	0.00499	282	1	0.003546	712	2	0.002809	2299	13	0.005655	2280	7	0.00307	2325	11	0.004731	727	5	0.006878	839	5	0.005959	248	1	0.004032
NR_16619	12593	Cdyl	chr13	35741462	35874064	7601	67	0.008815	7371	46	0.006241	8214	73	0.008887	1159	4	0.003451	1806	5	0.002769	7910	57	0.007206	6994	36	0.005147	8028	61	0.007598	1388	1	0.00072	1761	4	0.002271	528	3	0.005682
NR_16619	320961	A630026N	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
NR_16619	50721	Sirt6	chr10	81621787	81627566	1000	121	0.121	1108	113	0.101986	901	120	0.133185	187	27	0.144385	395	40	0.101266	1087	89	0.081877	897	94	0.104794	1147	120	0.104621	321	7	0.021807	508	45	0.088583	127	0	0
NR_16619	102635671	Gm32950	chr3	28790639	28805351	1896	19	0.010021	1784	7	0.003924	1979	14	0.007074	646	3	0.004644	915	1	0.001093	1835	9	0.004905	1834	9	0.004907	1473	0	0	546	0	0	823	3	0.003645	284	1	0.003521
NR_16619	102635955	Gm14062	chr2	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16619	102635958	Gm20389	chr3	1.55E+08	1.55E+08	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	10	4	0.4	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727
NR_16619	102636022	Gm13572	chr2	60037141	60038842	332	23	0.069277	401	13	0.032419	441	19	0.043084	#N/A	#N/A	#N/A	61	9	0.147541	385	16	0.041558	507	15	0.029586	454	11	0.024229	59	7	0.118644	71	2	0.028169	46	6	0.130435
NR_16619	102636087	Gm13609	chr2	32016913	32017351	369	358	0.97019	284	263	0.926056	354	343	0.968927	94	91	0.968085	176	169	0.960227	425	412	0.969412	262	252	0.961832	264	246	0.931818	145	134	0.924138	78	74	0.948718	104	100	0.961538
NR_16620	102636140	Gm28867	chr1	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16620	67548	4933424M	chr4	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16620	67548	4933424M	chr4	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16620	56354	Dnajc7	chr11	1.01E+08	1.01E+08	818	2	0.002445	660	9	0.013636	801	2	0.002497	279	3	0.010753	420	0	0	1132	5	0.004417	669	4	0.005979	666	4	0.006006	313	0	0	333	1	0.003003	153	4	0.026144
NR_16620	56354	Dnajc7	chr11	1.01E+08	1.01E+08	818	2	0.002445	660	9	0.013636	801	2	0.002497	279	3	0.010753	420	0	0	1132	5	0.004417	669	4	0.005979	666	4	0.006006	313	0	0	333	1	0.003003	153	4	0.026144
NR_16620	105244359	Gm14268	chr2	1.66E+08	1.66E+08	283	244	0.862191	188	150	0.797872	236	198	0.838983	68	56	0.823529	35	29	0.828571	348	274	0.787356	239	176	0.736402	241	171	0.709544	91	55	0.604396	87	62	0.712644	43	32	0.744186
NR_16620	69402	1700019F(	chr5	73912889	73920417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16620	102632645	Gm30667	chr3	18341661	18461344	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16620	66320	Tmem208	chr8	1.05E+08	1.05E+08	1011	2	0.001978	784	1	0.001276	845	4	0.004734	#N/A	#N/A	#N/A	213	0	0	843	5	0.005931	626	6	0.009585	1038	7	0.006744	165	0	0	217	3	0.013825	75	0	0
NR_16620	66320	Tmem208	chr8	1.05E+08	1.05E+08	1011	2	0.001978	784	1	0.001276	845	4	0.004734	#N/A	#N/A	#N/A	213	0	0	843	5	0.005931	626	6	0.009585	1038	7	0.006744	165	0	0	217	3	0.013825	75	0	0
NR_16621	102632812	Gm30789	chr3	18621538	18643095	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16621	102633065	Gm13470	chr2	46419533	46442905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16621	56233	Hdac7	chr15	97792681	97831495	4242	134	0.031589	4844	183	0.037779	5202	164	0.031526	289	11	0.038062	1069	34	0.031805	4525	137	0.030276	4114	132	0.032086	4654	178	0.038247	1244	75	0.060289	1367	65	0.047549	206	9	0.043689
NR_16621	102633071	Gm14167	chr2	1.52E+08	1.52E+08	3353	26	0.007754	2666	16	0.006002	3630	25	0.006887	346	0	0	844	5	0.005924	3517	26	0.007393	3205	26	0.008112	2843	19	0.006683	652	1	0.001534	986	4	0.004057	335	0	0
NR_16636	102638008	Gm38505	chr3	34298173	34351698	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16636	102638008	Gm38505	chr3	34298173	34351698	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16639	100503289	Gm14133	chr2	1.5E+08	1.5E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16639	69984	Gm42262	chr4	22769755	22835496	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16639	69984	Gm42262	chr4	22782554	22836262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16639	102633119	Gm31026	chr3	53924835	53943551	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16639	70248	Dazap1	chr10	80265014	80288408	3682	46	0.012493	3672	38	0.010349	3789	35	0.009237	590	3	0.005085	1513	17	0.011236	4595	38	0.00827	3996	32	0.008008	4284	88	0.020542	1182	3	0.002538	1616	10	0.006188	316	1	0.003165
NR_16639	70248	Dazap1	chr10	80265014	80288408	3682	46	0.012493	3672	38	0.010349	3789	35	0.009237	590	3	0.005085	1513	17	0.011236	4595	38	0.00827	3996	32	0.008008	4284	88	0.020542	1182	3	0.002538	1616	10	0.006188	316	1	0.003165
NR_16639	70248	Dazap1	chr10	80265014	80288408	3682	46	0.012493	3672	38	0.010349	3789	35	0.009237	590	3	0.005085	1513	17	0.011236	4595	38	0.00827	3996	32	0.008008	4284	88	0.020542	1182	3	0.002538	1616	10	0.006188	316	1	0.003165
NR_16639	70248	Dazap1	chr10	80265014	80288408	3682	46	0.012493	3672	38	0.010349	3789	35	0.009237	590	3	0.005085	1513	17	0.011236	4595	38	0.00827	3996	32	0.008008	4284	88	0.020542	1182	3	0.002538	1616	10	0.006188	316	1	0.003165
NR_16640	70248	Dazap1	chr10	80265014	80288408	3682	46	0.012493	3672	38	0.010349	3789	35	0.009237	590	3	0.005085	1513	17	0.011236	4595	38	0.00827	3996	32	0.008008	4284	88	0.020542	1182	3	0.002538	1616	10	0.006188	316	1	0.003165
NR_16640	70248	Dazap1	chr10	80265014	80288408	3682	46	0.012493	3672	38	0.010349	3789	35	0.009237	590	3	0.005085	1513	17	0.011236	4595	38	0.00827	3996	32	0.008008	4284	88	0.020542	1182	3	0.002538	1616	10	0.006188	316	1	0.003165
NR_16640	100504589	Gm11454	chr2	1.63E+08	1.63E+08	304	128	0.421053	328	142	0.432927	315	126	0.4	35	13	0.371429	188	67	0.356383	232	77	0.331897	190	111	0.584211	287	173	0.602787	94	57	0.606383	50	4	0.08	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16640	100504653	4930555A(	chr3	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16640	100504653	4930555A(	chr3	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16640	100504653	4930555A(	chr3	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16640	100504653	4930555A(	chr3	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16640	70796	Zdhhc1	chr8	1.05E+08	1.05E+08	761	1	0.001314	604	2	0.003311	795	4	0.005031	150	2	0.013333	242	16	0.066116	924	29	0.031385	595	32	0.053782	455	1	0.002198	254	0	0	259	0	0	51	0	0
NR_16640	70796	Zdhhc1	chr8	1.05E+08	1.05E+08	761	1	0.001314	604	2	0.003311	795	4	0.005031	150	2	0.013333	242	16	0.066116	924	29	0.031385	595	32	0.053782	455	1	0.002198	254	0	0	259	0	0	51	0	0
NR_16640	70796	Zdhhc1	chr8	1.05E+08	1.05E+08	761	1	0.001314	604	2	0.003311	795	4	0.005031	150	2	0.013333	242	16	0.066116	924	29	0.031385	595	32	0.053782	455	1	0.002198	254	0	0	259	0	0	51	0	0
NR_16641	70258	1500035N2	chr5	24985842	24998168	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16641	73396	1700048F(	chr5	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16641	17237	Mgrn1	chr16	4886250	4938296	3063	280	0.091414	2971	205	0.069	3044	209	0.06866	356	0	0	1397	135	0.096636	3485	231	0.066284	2771	190	0.068567	3204	247	0.077091	892	57	0.063901	1500	161	0.107333	522	34	0.065134
NR_16641	72552	Hsdl1	chr8	1.2E+08	1.2E+08	3136	42	0.013393	3117	43	0.013795	3258	40	0.012277	519	10	0.019268	1482	41	0.027665	3673	42	0.011435	2844	30	0.010549	3154	20	0.006341	909	2	0.0022	1483	3	0.002023	381	1	0.002625
NR_16641	72552	Hsdl1	chr8	1.2E+08	1.2E+08	3136	42	0.013393	3117	43	0.013795	3258	40	0.012277	519	10	0.019268	1482	41	0.027665	3673	42	0.011435	2844	30	0.010549	3154	20	0.006341	909	2	0.0022	1483	3	0.002023	381	1	0.002625
NR_16641	102631658	Gm14437	chr2	1.65E+08	1.65E+08	48	37	0.770833	30	17	0.566667	39	27	0.692308	36	24	0.666667	22	16	0.727273	51	42	0.823529	33	17	0.515152	38	36	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16641	102631658	Gm14437	chr2	1.65E+08	1.65E+08	48	37	0.770833	30	17	0.566667	39	27	0.692308	36	24	0.666667	22	16	0.727273	51	42	0.823529	33	17	0.515152	38	36	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16641	102631675	1700040K(	chr1	1.53E+08	1.53E+08	52	40	0.769231	135	97	0.718519	121	97	0.801653	#N/A	#N/A	#N/A	52	42	0.807692	48	42	0.875	96	85	0.885417	183	159	0.868852	40	25	0.625	68	48	0.705882	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16641	224023	Klhl22	chr16	17759641	17793382	2611	29	0.011107	2734	27	0.009876	2887	41	0.014202	596	3	0.005034	842	27	0.032067	2707	55	0.020318	2089	22	0.010531	2113	38	0.017984	655	6	0.00916	753	43	0.057105	64	0	0
NR_16641	224023	Klhl22	chr16	17763903	17793382	25	17	0.68	#N/A	#N/A	#N/A	21	21	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	12	12	1	14	12	0.857143	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16642	102631784	Gm13267	chr2	5895464	5900571	75	0	0	180	0	0	150	1	0.006667	16	5	0.3125	125	0	0	285	1	0.003509	252	0	0	232	1	0.00431	70	0	0	95	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	102631833	Gm14040	chr2	1.29E+08	1.3E+08	473	411	0.868922	327	278	0.850153	472	398	0.84322	149	136	0.912752	240	197	0.820833	487	411	0.843943	380	309	0.813158	347	278	0.801153	205	144	0.702439	174	140	0.804598	35	33	0.942857
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16642	72612	Hpf1	chr8	60890428	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
NR_16643	73488	1700080G1	chr4	1.27E+08	1.27E+08	40	29	0.725	45	35	0.777778	38	32	0.842105	#N/A	#N/A	#N/A	17	14	0.823529	39	26	0.666667	28	18	0.642857	12	8	0.666667	26	12	0.461538	25	15	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16643	73488	1700080G1	chr4	1.27E+08	1.27E+08	40	29	0.725	45	35	0.777778	38	32	0.842105	#N/A	#N/A	#N/A	17	14	0.823529	39	26	0.666667	28	18	0.642857	12	8	0.666667	26	12	0.461538	25	15	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16643	102634680	Gm14210	chr2	1.36E+08	1.36E+08	141	136	0.964539	126	114	0.904762	124	115	0.927419	25	24	0.96	83	80	0.963855	152	114	0.75	96	70	0.729167	98	74	0.755102	80	49	0.6125	49	33	0.673469	45	34	0.755556
NR_16643	207965	Vcpkmt	chr12	69576735	69583017	2282	27	0.011832	2183	12	0.005497	2598	17	0.006543	506	2	0.003953	872	7	0.008028	2453	21	0.008561	2287	7	0.003061	2430	14	0.005761	578	2	0.00346	730	6	0.008219	298	0	0
NR_16643	207965	Vcpkmt	chr12	69576735	69583017	2282	27	0.011832	2183	12	0.005497	2598	17	0.006543	506	2	0.003953	872	7	0.008028	2453	21	0.008561	2287	7	0.003061	2430	14	0.005761	578	2	0.00346	730	6	0.008219	298	0	0
NR_16643	207965	Vcpkmt	chr12	69576735	69583017	2282	27	0.011832	2183	12	0.005497	2598	17	0.006543	506	2	0.003953	872	7	0.008028	2453	21	0.008561	2287	7	0.003061	2430	14	0.005761	578	2	0.00346	730	6	0.008219	298	0	0
NR_16643	75640	1700016B(	chr5	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16643	207965	Vcpkmt	chr12	69576735	69583017	2282	27	0.011832	2183	12	0.005497	2598	17	0.006543	506	2	0.003953	872	7	0.008028	2453	21	0.008561	2287	7	0.003061	2430	14	0.005761	578	2	0.00346	730	6	0.008219	298	0	0
NR_16643	102634726	Gm29012	chr1	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16643	102633942	Gm14487	chr2	30534729	30539020	52	32	0.615385	111	74	0.666667	105	60	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	70	42	0.6	96	58	0.604167	114	38	0.333333	36	13	0.361111	42	9	0.214286	50	13	0.26	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16644	26426	Nubp2	chr17	24882617	24886328	1617	513	0.317254	1688	489	0.289692	1615	557	0.344892	434	186	0.428571	764	236	0.308901	1840	557	0.302717	1601	422	0.263585	2166	490	0.226223	434	144	0.331797	805	233	0.289441	194	40	0.206186
NR_16644	26426	Nubp2	chr17	24882617	24886328	1617	513	0.317254	1688	489	0.289692	1615	557	0.344892	434	186	0.428571	764	236	0.308901	1840	557	0.302717	1601	422	0.263585	2166	490	0.226223	434	144	0.331797	805	233	0.289441	194	40	0.206186
NR_16644	26426	Nubp2	chr17	24882617	24886328	1617	513	0.317254	1688	489	0.289692	1615	557	0.344892	434	186	0.428571	764	236	0.308901	1840	557	0.302717	1601	422	0.263585	2166	490	0.226223	434	144	0.331797	805	233	0.289441	194	40	0.206186
NR_16644	102631935	Gm13923	chr2	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
NR_16644	97761	Sgsm2	chr11	74849264	74897069	6377	152	0.023836	5628	144	0.025586	6189	208	0.033608	1162	6	0.005164	1900	62	0.032632	6422	179	0.027873	5382	118	0.021925	5362	119	0.022193	1410	42	0.029787	1938	41	0.021156	686	33	0.048105
NR_16644	76410	1700021L2	chr4	1.24E+08	1.24E+08	83	74	0.891566	86	75	0.872093	112	96	0.857143	30	29	0.966667	97	84	0.865979	158	134	0.848101	164	144	0.878049	105	96	0.914286	46	39	0.847826	88	78	0.886364	56	46	0.821429
NR_16644	102632008	Gm30189	chr2	1.74E+08	1.74E+08	2590	1348	0.520463	2591	1122	0.433037	2514	1088	0.432776	553	278	0.502712	830	419	0.504819	3005	1385	0.460899	2846	1308	0.459592	2704	1181	0.43676	616	335	0.543831	914	451	0.493435	169	74	0.43787
NR_16644	102632008	Gm30189	chr2	1.74E+08	1.74E+08	2590	1348	0.520463	2591	1122	0.433037	2514	1088	0.432776	553	278	0.502712	830	419	0.504819	3005	1385	0.460899	2846	1308	0.459592	2704	1181	0.43676	616	335	0.543831	914	451	0.493435	169	74	0.43787
NR_16644	103080	Septin10	chr10	59201895	59221500	3543	21	0.005927	2809	19	0.006764	3530	29	0.008215	666	1	0.001502	1174	5	0.004259	3784	28	0.0074	3103	33	0.010635	3018	16	0.005302	806	3	0.003722	1202	5	0.00416	288	0	0
NR_16645	103080	Septin10	chr10	59201895	59221500	3543	21	0.005927	2809	19	0.006764	3530	29	0.008215	666	1	0.001502	1174	5	0.004259	3784	28	0.0074	3103	33	0.010635	3018	16	0.005302	806	3	0.003722	1202	5	0.00416	288	0	0











XM_00649 12823	Col19a1	chr1	24257683	24587922	334	12	0.035928	340	11	0.032353	404	8	0.019802	60	0	0	107	6	0.056075	350	31	0.088571	297	15	0.050505	253	8	0.031621	77	10	0.12987	160	12	0.075	119	18	0.151261
XM_00649 12823	Col19a1	chr1	24257683	24587735	987	22	0.02229	1093	29	0.026532	1130	25	0.022124	232	5	0.021552	413	8	0.01937	993	94	0.094663	968	54	0.055785	1025	42	0.040976	267	21	0.078652	407	51	0.125307	155	25	0.16129
XM_00649 12839	Col9a1	chr1	24177589	24210535	112	96	0.857143	72	59	0.819444	117	102	0.871795	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	215	169	0.786047	217	161	0.741935	78	52	0.666667	10	8	0.8	11	9	0.818182	42	26	0.619048
XM_00649 12912	Creb1	chr1	64532816	64602970	5988	138	0.023046	6568	127	0.019336	5862	112	0.019106	825	15	0.018182	2171	19	0.008752	6073	136	0.022394	5518	108	0.019572	6050	126	0.020826	1346	48	0.035661	1722	41	0.02381	655	18	0.027481
XM_00649 12912	Creb1	chr1	64532794	64602970	5988	138	0.023046	6568	127	0.019336	5862	112	0.019106	825	15	0.018182	2171	19	0.008752	6073	136	0.022394	5518	108	0.019572	6050	126	0.020826	1346	48	0.035661	1722	41	0.02381	655	18	0.027481
XM_00649 12912	Creb1	chr1	64532870	64602970	5988	138	0.023046	6568	127	0.019336	5862	112	0.019106	825	15	0.018182	2171	19	0.008752	6073	136	0.022394	5518	108	0.019572	6050	126	0.020826	1346	48	0.035661	1722	41	0.02381	655	18	0.027481
XM_00649 12912	Creb1	chr1	64532932	64602970	5988	138	0.023046	6568	127	0.019336	5862	112	0.019106	825	15	0.018182	2171	19	0.008752	6073	136	0.022394	5518	108	0.019572	6050	126	0.020826	1346	48	0.035661	1722	41	0.02381	655	18	0.027481
XM_00649 12912	Creb1	chr1	64532932	64602970	5988	138	0.023046	6568	127	0.019336	5862	112	0.019106	825	15	0.018182	2171	19	0.008752	6073	136	0.022394	5518	108	0.019572	6050	126	0.020826	1346	48	0.035661	1722	41	0.02381	655	18	0.027481
XM_00649 12912	Creb1	chr1	64575024	64602970	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12958	Cryba2	chr1	74889934	74898842	1663	58	0.034877	1816	51	0.028084	1936	62	0.032025	368	12	0.032609	695	26	0.03741	1706	45	0.026377	1485	67	0.045118	1788	42	0.02349	581	8	0.013769	595	17	0.028571	105	1	0.009524
XM_00649 13518	Dst	chr1	33907888	34308652	4294	48	0.011178	5391	67	0.012428	5257	77	0.014647	754	4	0.005305	1378	13	0.009434	4582	48	0.010476	4264	77	0.018058	4058	88	0.021686	996	15	0.01506	1097	19	0.01732	207	4	0.019324
XM_00649 13518	Dst	chr1	34117569	34308656	435	275	0.632184	450	218	0.484444	378	171	0.452381	63	25	0.396825	272	190	0.698529	468	350	0.747863	448	328	0.732143	438	285	0.650685	136	94	0.691176	162	120	0.740741	60	45	0.75
XM_00649 13518	Dst	chr1	34005693	34308656	776	16	0.020619	793	17	0.021438	690	17	0.024638	227	2	0.008811	415	9	0.021687	764	16	0.020942	465	11	0.023656	660	13	0.019697	261	7	0.02682	353	4	0.011331	151	3	0.019868
XM_00649 13518	Dst	chr1	34010944	34308652	2326	24	0.010318	2824	28	0.009915	2416	19	0.007864	340	2	0.005882	671	1	0.00149	2235	18	0.008054	2795	20	0.007156	3279	24	0.007319	221	1	0.004525	574	4	0.006969	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13518	Dst	chr1	34088628	34308656	203	152	0.748768	191	134	0.701571	179	118	0.659218	21	20	0.952381	121	91	0.752066	232	194	0.836207	166	143	0.861446	174	120	0.689655	77	60	0.779221	83	70	0.843373	62	52	0.83871
XM_00649 13518	Dst	chr1	34160171	34308656	206	155	0.752427	161	132	0.819876	185	155	0.837838	#N/A	#N/A	#N/A	214	180	0.841121	192	169	0.880208	165	141	0.854545	166	142	0.855422	124	95	0.766129	111	94	0.846847	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13518	Dst	chr1	33907888	34308652	4294	48	0.011178	5391	67	0.012428	5257	77	0.014647	754	4	0.005305	1378	13	0.009434	4582	48	0.010476	4264	77	0.018058	4058	88	0.021686	996	15	0.01506	1097	19	0.01732	207	4	0.019324
XM_00649 13518	Dst	chr1	34010944	34308652	2326	24	0.010318	2824	28	0.009915	2416	19	0.007864	340	2	0.005882	671	1	0.00149	2235	18	0.008054	2795	20	0.007156	3279	24	0.007319	221	1	0.004525	574	4	0.006969	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13518	Dst	chr1	34160330	34308656	206	155	0.752427	161	132	0.819876	185	155	0.837838	#N/A	#N/A	#N/A	214	180	0.841121	192	169	0.880208	165	141	0.854545	166	142	0.855422	124	95	0.766129	111	94	0.846847	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13518	Dst	chr1	34156916	34183904	160	154	0.9625	241	231	0.958506	155	144	0.929032	55	52	0.945455	255	241	0.945098	186	162	0.870968	155	154	0.993548	144	137	0.951389	84	68	0.809524	127	118	0.929134	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13518	Dst	chr1	34010944	34308652	2326	24	0.010318	2824	28	0.009915	2416	19	0.007864	340	2	0.005882	671	1	0.00149	2235	18	0.008054	2795	20	0.007156	3279	24	0.007319	221	1	0.004525	574	4	0.006969	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13518	Dst	chr1	33907888	34308652	4294	48	0.011178	5391	67	0.012428	5257	77	0.014647	754	4	0.005305	1378	13	0.009434	4582	48	0.010476	4264	77	0.018058	4058	88	0.021686	996	15	0.01506	1097	19	0.01732	207	4	0.019324
XM_00649 13518	Dst	chr1	33907888	34308652	4294	48	0.011178	5391	67	0.012428	5257	77	0.014647	754	4	0.005305	1378	13	0.009434	4582	48	0.010476	4264	77	0.018058	4058	88	0.021686	996	15	0.01506	1097	19	0.01732	207	4	0.019324
XM_00649 13869	Erbb4	chr1	68031884	69108576	2297	34	0.014802	2389	24	0.010046	2341	18	0.007689	427	2	0.004684	893	9	0.010078	2500	46	0.0184	2235	28	0.012528	2720	20	0.007353	520	4	0.007692	740	3	0.004054	318	2	0.006289
XM_00649 13869	Erbb4	chr1	68031884	69108576	2297	34	0.014802	2389	24	0.010046	2341	18	0.007689	427	2	0.004684	893	9	0.010078	2500	46	0.0184	2235	28	0.012528	2720	20	0.007353	520	4	0.007692	740	3	0.004054	318	2	0.006289
XM_00649 13869	Erbb4	chr1	68040041	69108576	2297	34	0.014802	2389	24	0.010046	2341	18	0.007689	427	2	0.004684	893	9	0.010078	2500	46	0.0184	2235	28	0.012528	2720	20	0.007353	520	4	0.007692	740	3	0.004054	318	2	0.006289
XM_00649 13869	Erbb4	chr1	68105446	69108576	2297	34	0.014802	2389	24	0.010046	2341	18	0.007689	427	2	0.004684	893	9	0.010078	2500	46	0.0184	2235	28	0.012528	2720	20	0.007353	520	4	0.007692	740	3	0.004054	318	2	0.006289
XM_00649 14268	Fn1	chr1	71585519	71653280	1856	20	0.010776	1783	11	0.006169	1923	17	0.00884	280	0	0	803	15	0.01868	2001	25	0.012494	1953	11	0.005632	1920	12	0.00625	616	5	0.008117	798	1	0.001253	208	1	0.004808
XM_00649 14268	Fn1	chr1	71585519	71653280	1856	20	0.010776	1783	11	0.006169	1923	17	0.00884	280	0	0	803	15	0.01868	2001	25	0.012494	1953	11	0.005632	1920	12	0.00625	616	5	0.008117	798	1	0.001253	208	1	0.004808
XM_00649 14268	Fn1	chr1	71585519	71653280	1856	20	0.010776	1783	11	0.006169	1923	17	0.00884	280	0	0	803	15	0.01868	2001	25	0.012494	1953	11	0.005632	1920	12	0.00625	616	5	0.008117	798	1	0.001253	208	1	0.004808
XM_00649 14660	Gls	chr1	52185280	52235009	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14660	Gls	chr1	52164530	52232811	5148	47	0.00913	4256	35	0.008224	4633	42	0.009065	584	1	0.001712	1724	6	0.00348	5694	37	0.006498	5252	30	0.005712	4430	20	0.004515	1383	2	0.001446	1477	8	0.005416	380	2	0.005263
XM_00649 14660	Gls	chr1	52164530	52219456	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14660	Gls	chr1	52200101	52235009	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16174	Il18rap	chr1	40515388	40551707	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16174	Il18rap	chr1	40525343	40551707	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40222480	40316201	120	61	0.508333	73	34	0.465753	91	50	0.549451	#N/A	#N/A	#N/A	54	32	0.592593	61	37	0.606557	70	42	0.6	68	29	0.426471	61	43	0.704918	28	20	0.714286	13	3	0.230769
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40266523	40316201	540	46	0.085185	510	25	0.04902	611	24	0.03928	106	3	0.028302	140	8	0.057143	639	31	0.048513	462	11	0.02381	533	10	0.018762	128	2	0.015625	193	3	0.015544	90	3	0.033333
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40266523	40316201	540	46	0.085185	510	25	0.04902	611	24	0.03928	106	3	0.028302	140	8	0.057143	639	31	0.048513	462	11	0.02381	533	10	0.018762	128	2	0.015625	193	3	0.015544	90	3	0.033333
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40225014	40316201	43	35	0.813953	36	27	0.75	46	35	0.76087	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	31	28	0.903226	20	17	0.85	38	26	0.684211	27	22	0.814815	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40266523	40316201	540	46	0.085185	510	25	0.04902	611	24	0.03928	106	3	0.028302	140	8	0.057143	639	31	0.048513	462	11	0.02381	533	10	0.018762	128	2	0.015625	193	3	0.015544	90	3	0.033333
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40247484	40316201	28	27	0.964286	13	13	1	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	31	30	0.967742	44	40	0.909091	19	19	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40224478	40316201	43	35	0.813953	36	27	0.75	46	35	0.76087	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	31	28	0.903226	20	17	0.85	38	26	0.684211	27	22	0.814815	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16177	Il1r1	chr1	40247356	40316201	28	27	0.964286	13	13	1	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	31	30	0.967742	44	40	0.909091	19	19	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1
XM_00649 16178	Il1r2	chr1	40106022	40125230	13	12	0.923077	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16182	Il18r1	chr1	40465557	40500117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16182	Il18r1	chr1	40465817	40500117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16182	Il18r1	chr1	40465561	40500117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16182	Il18r1	chr1	40465817	40500117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16182	Il18r1	chr1	40465817	40500117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16182	Il18r1	chr1	40465561	40500117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16764	Aff3	chr1	38175393	38630178	72	20	0.277778	86	18	0.209302	98	29	0.295918	26	6	0.230769	40	8	0.2	84	57	0.678571	54	14	0.259259	76	24	0.315789	54	5	0.092593	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5
XM_00649 17082	Il1rl1	chr1	40429533	40465418	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17082	Il1rl1	chr1	40404864	40465418	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17756	Map2	chr1	66302118	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66381064	66442583	99	82	0.828283	81	70	0.864198	85	64	0.752941	28	22	0.785714	93	71	0.763441	134	96	0.716418	79	36	0.455696	80	44	0.55	55	23	0.418182	37	19	0.513514	44	23	0.522727
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17756	Map2	chr1	66175202	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_00649 17901	Myl1	chr1	66924295	66947932	14	11	0.785714	67	63	0.940299	52	49	0.942308	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	76	71	0.934211	98	89	0.908163	64	57	0.890625	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17912	Myo1b	chr1	51749989	51916063	4994	73	0.014618	4843	36	0.007433	5116	40	0.007819	601	6	0.009983	2173	31	0.014266	4834	72	0.014894	4820	46	0.009544	5256	34	0.006469	1238	4	0.003231	1776	10	0.005631	747	2	0.002677
XM_00649 17912	Myo1b	chr1	51749874	51896855	26	10	0.384615	46	29	0.630435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	48	16	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	24	4	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17912	Myo1b	chr1	51749989	51916063	4994	73	0.014618	4843	36	0.007433	5116	40	0.007819	601	6	0.009983	2173	31	0.014266	4834	72	0.014894	4820	46	0.009544	5256	34	0.006469	1238	4	0.003231	1776	10	0.005631	747	2	0.002677
XM_00649 17912	Myo1b	chr1	51749989	51916063	4994	73	0.014618	4843	36	0.007433	5116	40	0.007819	601	6	0.009983	2173	31	0.014266	4834	72	0.014894	4820	46	0.009544	5256	34	0.006469	1238	4	0.003231	1776	10	0.005631	747	2	0.002677
XM_00649 17912	Myo1b	chr1	51749874	51879603	384	77	0.200521	311	53	0.170418	389	103	0.264781	52	24	0.461538	152	41	0.269737	431	134	0.310905	293	107	0.365188	317	99	0.312303	124	22	0.177419	157	69	0.43949	116	50	0.431034
XM_00649 17936	Nab1	chr1	52457294	52500401	4266	27	0.006329	4316	39	0.009036	4372	39	0.00892	200	0	0	1179	5	0.004241	4594	35	0.007619	4986	27	0.005415	5338	49	0.009179	750	2	0.002667	893	1	0.00112	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17936	Nab1	chr1	52457294	52500712	4266	27	0.006329	4316	39	0.009036	4372	39	0.00892	200	0	0	1179	5	0.004241	4594	35	0.007619	4986	27	0.005415	5338	49	0.009179	750	2	0.002667	893	1	0.00112	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18173	Slc11a1	chr1	74375014	74386057	176	158	0.897727	146	132	0.90411	188	168	0.893617	#N/A	#N/A	#N/A	53	43	0.811321	242	198	0.818182	114	100	0.877193	121	101	0.834711	104	88	0.846154	60	57	0.95	48	41	0.854167
XM_00649 18173	Slc11a1	chr1	74375159	74386057	176	158	0.897727	146	132	0.90411	188	168	0.893617	#N/A	#N/A	#N/A	53	43	0.811321	242	198	0.818182	114	100	0.877193	121	101	0.834711	104	88	0.846154	60	57	0.95	48	41	0.854167
XM_00649 18711	Pikfyve	chr1	65186640	65278684	1344	14	0.010417	1149	11	0.009574	1178	9	0.00764	231	1	0.004329	591	6	0.010152	1605	8	0.004984	1325	8	0.006038	1105	13	0.011765	469	3	0.006397	617	2	0.003241	55	0	0
XM_00649 18711	Pikfyve	chr1	65186640	65278684	1344	14	0.010417	1149	11	0.009574	1178	9	0.00764	231	1	0.004329	591	6	0.010152	1605	8	0.004984	1325	8	0.006038	1105	13	0.011765	469	3	0.006397	617	2	0.003241	55	0	0
XM_00649 18711	Pikfyve	chr1	65186640	65278684	1344	14	0.010417	1149	11	0.009574	1178	9	0.00764	231	1	0.004329	591	6	0.010152	1605	8	0.004984	1325	8	0.006038	1105	13	0.011765	469	3	0.006397	617	2	0.003241	55	0	0
XM_00649 18711	Pikfyve	chr1	65186640	65278684	1344	14	0.010417	1149	11	0.009574	1178	9	0.00764	231	1	0.004329	591	6	0.010152	1605	8	0.004984	1325	8	0.006038	1105	13	0.011765	469	3	0.006397	617	2	0.003241	55	0	0
XM_00649 18711	Pikfyve	chr1	65186640	65278684	1344	14	0.010417	1149	11	0.009574	1178	9	0.00764	231	1	0.004329	591	6	0.010152	1605	8	0.004984	1325	8	0.006038	1105	13	0.011765	469	3	0.006397	617	2	0.003241	55	0	0
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74541976	74565977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74544371	74565974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74541976	74565974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74543805	74565974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74541975	74565974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74541977	74565977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74541976	74565974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18802	Plcd4	chr1	74541975	74562796	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19076	Prim2	chr1	33571023	33669808	1359	6	0.004415	1258	5	0.003975	1311	6	0.004577	341	0	0	444	1	0.002252	1575	8	0.005079	1087	13	0.01196	1137	12	0.010554	457	2	0.004376	619	2	0.003231	155	0	0
XM_00649 19076	Prim2	chr1	33613512	33669803	1359	6	0.004415	1258	5	0.003975	1311	6	0.004577	341	0	0	444	1	0.002252	1575	8	0.005079	1087	13	0.01196	1137	12	0.010554	457	2	0.004376	619	2	0.003231	155	0	0
XM_00649 19243	Ptp4a1	chr1	30940303	30949877	7072	37	0.005232	6877	48	0.00698	6802	34	0.004999	1510	4	0.002649	2255	8	0.003548	7018	35	0.004987	5922	32	0.005404	6993	41	0.005863	1896	4	0.00211	2732	7	0.002562	784	2	0.002551
XM_00649 19243	Ptp4a1	chr1	30940303	30949354	7105	38	0.005348	6918	49	0.007083	6832	35	0.005123	1510	4	0.002649	2255	8	0.003548	7042	35	0.00497	5964	32	0.005366	7032	42	0.005973	1896	4	0.00211	2732	7	0.002562	784	2	0.002551
XM_00649 19253	Ptpn18	chr1	34459729	34473784	1105	16	0.01448	1081	26	0.024052	925	17	0.018378	158	3	0.018987	421	3	0.007126	1119	14	0.012511	1026	26	0.025341	810	27	0.033333	284	2	0.007042	376	22	0.058511	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19335	Rab23	chr1	33720166	33742564	5020	39	0.007769	4410	19	0.004308	4773	25	0.005238	766	4	0.005222	1620	4	0.002469	4262	32	0.007508	4032	17	0.004216	4499	26	0.005779	848	5	0.005896	1452	3	0.002066	167	2	0.011976
XM_00649 19335	Rab23	chr1	33720085	33742564	5020	39	0.007769	4410	19	0.004308	4773	25	0.005238	766	4	0.005222	1620	4	0.002469	4262	32	0.007508	4032	17	0.004216	4499	26	0.005779	848	5	0.005896	1452	3	0.002066	167	2	0.011976
XM_00649 20353	Sema4c	chr1	36548653	36558347	4726	67	0.014177	4741	68	0.014343	5659	76	0.01343	825	4	0.004848	1754	24	0.013683	5774	68	0.011777	4632	58	0.012522	4910	68	0.013849	1512	25	0.016534	1703	9	0.005285	830	2	0.00241
XM_00649 20353	Sema4c	chr1	36548653	36560699	34	29	0.852941	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	35	0.875	39	33	0.846154	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	17	0.62963	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20353	Sema4c	chr1	36548653	36557534	6836	96	0.014043	6773	94	0.013879	7892	110	0.013938	1231	6	0.004874	2385	26	0.010901	8117	88	0.010841	6693	71	0.010608	6978	74	0.010605	1825	26	0.014247	2331	12	0.005148	1085	5	0.004608
XM_00649 20353	Sema4c	chr1	36548653	36558347	4726	67	0.014177	4741	68	0.014343	5659	76	0.01343	825	4	0.004848	1754	24	0.013683	5774	68	0.011777	4632	58	0.012522	4910	68	0.013849	1512	25	0.016534	1703	9	0.005285	830	2	0.00241
XM_00649 20353	Sema4c	chr1	36548653	36556785	6857	98	0.014292	6830	111	0.016252	7949	128	0.016103	1313	39	0.029703	2398	21	0.008757	8214	94	0.011444	6737	84	0.012468	7058	80	0.011335	1850	32	0.017297	2390	36	0.015063	1095	8	0.007306
XM_00649 20353	Sema4c	chr1	36548653	36556785	6857	98	0.014292	6830	111	0.016252	7949	128	0.016103	1313	39	0.029703	2398	21	0.008757	8214	94	0.011444	6737	84	0.012468	7058	80	0.011335	1850	32	0.017297	2390	36	0.015063	1095	8	0.007306
XM_00649 20849	Stat4	chr1	51987106	52107189	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20849	Stat4	chr1	52008225	52107189	207	11	0.05314	223	13	0.058296	204	9	0.044118	35	2	0.057143	82	2	0.02439	281	14	0.049822	216	6	0.027778	214	5	0.023364	77	1	0.012987	74	3	0.040541	32	2	0.0625
XM_00649 210933	Adgrb3	chr1	25067676	25834772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 210933	Adgrb3	chr1	25067547	25532639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 211383	Amer3	chr1	34578907	34590944	2249	66	0.029346	2081	98	0.047093	2331	120	0.05148	399	3	0.007519	921	27	0.029316	2299	119	0.051762	1862	111	0.059613	1662	87	0.052347	849	38	0.044759	811	55	0.067818	107	1	0.009346
XM_00649 211383	Amer3	chr1	34579769	34590944	2249	66	0.029346	2081	98	0.047093	2331	120	0.05148	399	3	0.007519	921	27	0.029316	2299	119	0.051762	1862	111	0.059613	1662	87	0.052347	849	38	0.044759	811	55	0.067818	107	1	0.009346
XM_00649 211484	Tsga10	chr1	37754570	37864978	3932	27	0.006867	3893	32	0.00822	4243	32	0.007542	750	4	0.005333	1782	16	0.008979	4622	70	0.015145	4637	44	0.009489	4614	27	0.005852	1282	3	0.00234	1818	13	0.007151	764	2	0.002618
XM_00649 211484	Tsga10	chr1	37757366	37864976	3932	27	0.006867	3893	32	0.00822	4243	32	0.007542	750	4	0.005333	1782	16	0.008979	4622	70	0.015145	4637	44	0.009489	4614	27	0.005852	1282	3	0.00234	1818	13	0.007151	764	2	0.002618
XM_00649 212712	Satb2	chr1	56793992	56978654	777	37	0.047619	604	22	0.036424	847	38	0.044864	220	7	0.031818	335	12	0.035821	981	50	0.050968	688	26	0.037791	751	53	0.070573	278	12	0.043165	204	23	0.112745	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 213056	Fam126b	chr1	58527671	58586320	581	5	0.008606	556	3	0.005396	504	2	0.003968	211	0	0	286	1	0.003497	752	8	0.010638	517	4	0.007737	501	9	0.017964	276	1	0.003623	270	0	0	196	10	0.05102
XM_00649 213056	Fam126b	chr1	58527671	58586320	581	5	0.008606	556	3	0.005396	504	2	0.003968	211	0	0	286	1	0.003497	752	8	0.010638	517	4	0.007737	501	9	0.017964	276	1	0.003623	270	0	0	196	10	0.05102
XM_00649 213109	Phf3	chr1	30802342	30873901	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_00649 213109	Phf3	chr1	30803102	30873579	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_00649 213109	Phf3	chr1	30802342	30873901	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_00649 213109	Phf3	chr1	30802342	30873666	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_00649 213109	Phf3	chr1	30802342	30873654	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_00649 213527	Pth2r	chr1	65311697	65389625	296	18	0.060811	306	16	0.052288	329	15	0.045593	36	4	0.111111	114	2	0.017544	238	8	0.033613	312	13	0.041667	317	14	0.044164	69	4	0.057971	117	4	0.034188	21	0	0
XM_00649 213527	Pth2r	chr1	65334405	65389625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 214469	Fam168b	chr1	34813224	34843035	4084	38	0.009305	4066	16	0.003935	4612	45	0.009757	873	3	0.003436	1352	3	0.002219	3872	54	0.013946	4041	27	0.006682	4280	26	0.006075	968	2	0.002066	1275	4	0.003137	467	3	0.006424
XM_00649 214854	Neurl3	chr1	36265790	36274458	572	205	0.358392	482	157	0.325726	572	203	0.354895	131	32	0.244275	196	75	0.382653	604	142	0.235099	492	85	0.172764	522	136	0.260536	220	35	0.159091	120	21	0.175	106	5	0.04717
XM_00649 214854	Neurl3	chr1	36265790	36274674	292	184	0.630137	208	129	0.620192	259	166	0.640927	37	21	0.567568	78	53	0.679487	294	127	0.431973	251	72	0.286853	299	129	0.431438	104	35	0.336538	42	21	0.5	10	2	0.2
XM_00649 214854	Neurl3	chr1	36264602	36274457	572	205	0.358392	482	157	0.325726	572	203	0.354895	131	32	0.244275	196	75	0.382653	604	142	0.235099	492	85	0.172764	522	136	0.260536	220	35	0.159091	120	21	0.175	106	5	0.04717
XM_00649 214895	Lman2l	chr1	36418900	36445271	971	43	0.044284	576	6	0.010417	763	19	0.024902	30	0	0	536	9	0.016791	737	30	0.040706	469	4	0.008529	773	8	0.010349	311	30	0.096463	498	0	0	15	0	0
XM_00649 214895	Lman2l	chr1	36418900	36445270	971	43	0.044284	576	6	0.010417	763	19	0.024902	30	0	0	536	9	0.016791	737	30	0.040706	469	4	0.008529	773	8	0.010349	311	30	0.096463	498	0	0	15	0	0
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34543952	34560993	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34536448	34560993	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34543877	34560993	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34552331	34561004	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34552331	34560986	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34552331	34560988	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21756	Prss40	chr1	34543865	34560983	363	292	0.804408	380	309	0.813158	387	295	0.762274	22	20	0.909091	244	207	0.848361	317	245	0.772871	372	238	0.639785	348	246	0.706897	126	74	0.587302	142	88	0.619718	24	16	0.666667
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74108416	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74124530	3615	84	0.023237	3006	85	0.028277	3419	58	0.016964	321	1	0.003115	864	30	0.034722	3103	60	0.019336	3036	30	0.009881	3443	69	0.020041	792	15	0.018939	638	17	0.026646	132	2	0.015152
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74091346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74026922	855	309	0.361404	878	299	0.340547	966	342	0.354037	190	43	0.226316	345	138	0.4	959	433	0.451512	781	335	0.428937	920	430	0.467391	314	123	0.39172	363	170	0.46832	156	55	0.352564
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74037185	572	66	0.115385	357	57	0.159664	420	63	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	172	11	0.063953	572	43	0.075175	595	68	0.114286	593	50	0.084317	96	1	0.010417	108	2	0.018519	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74069070	758	65	0.085752	591	30	0.050761	591	37	0.062606	183	3	0.016393	312	47	0.150641	888	113	0.127252	542	37	0.068266	589	42	0.071307	164	15	0.091463	201	16	0.079602	160	6	0.0375
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74037184	572	66	0.115385	357	57	0.159664	420	63	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	172	11	0.063953	572	43	0.075175	595	68	0.114286	593	50	0.084317	96	1	0.010417	108	2	0.018519	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74108190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74016421	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74030852	98	47	0.479592	73	32	0.438356	94	52	0.553191	#N/A	#N/A	#N/A	21	13	0.619048	106	53	0.5	68	48	0.705882	80	45	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	28	16	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	74001845	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	73998507	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21961	Tns1	chr1	73910232	73963049	88	62	0.704545	49	38	0.77551	54	41	0.759259	33	24	0.727273	41	33	0.804878	151	110	0.728477	89	66	0.741573	71	51	0.71831	34	24	0.705882	33	29	0.878788	20	19	0.95
XM_00649 22420	Wnt6	chr1	74754342	74785322	42	40	0.952381	22	22	1	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 22420	Wnt6	chr1	74754342	74785322	42	40	0.952381	22	22	1	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 22420	Wnt6	chr1	74772146	74785322	2436	68	0.027915	2476	52	0.021002	2567	53	0.020647	241	9	0.037344	835	17	0.020359	2449	51	0.020825	2571	58	0.022559	2440	63	0.02582	696	19	0.027299	810	14	0.017284	203	4	0.019704
XM_00649 22592	Ercc5	chr1	44146948	44181178	466	4	0.008584	501	3	0.005988	300	1	0.003333	39	1	0.025641	157	2	0.012739	333	1	0.003003	453	4	0.00883	488	2	0.004098	106	0	0	210	2	0.009524	39	0	0
XM_00649 22596	Xrcc5	chr1	72307417	72394953	276	1	0.003623	357	2	0.005602	256	6	0.023438	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	245	0	0	292	1	0.003425	374	2	0.005348	36	1	0.027778	86	2	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 22596	Xrcc5	chr1	72307417	72394942	276	1	0.003623	357	2	0.005602	256	6	0.023438	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	245	0	0	292	1	0.003425	374	2	0.005348	36	1	0.027778	86	2	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 22637	Zap70	chr1	36767299	36782821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226971	Plekhb2	chr1	34851077	34879585	1100	20	0.018182	1222	8	0.006547	1271	26	0.020456	264	3	0.011364	399	1	0.002506	1273	19	0.014925	1219	18	0.014766	1219	12	0.009844	350	2	0.005714	335	2	0.00597	169	1	0.005917
XM_00649 226976	Kansl3	chr1	36337996	36369193	3975	59	0.014843	4436	69	0.015555	4522	73	0.016143	623	8	0.012841	1243	45	0.036203	4137	96	0.023205	4013	61	0.015201	4472	89	0.019902	979	31	0.031665	1041	48	0.04611	399	23	0.057644
XM_00649 227058	Dnah7b	chr1	46066564	46373551	400	8	0.02	438	2	0.004566	393	9	0.022901	#N/A	#N/A	#N/A	268	1	0.003731	342	7	0.020468	259	39	0.150579	415	6	0.014458	234	3	0.012821	215	12	0.055814	63	3	0.047619

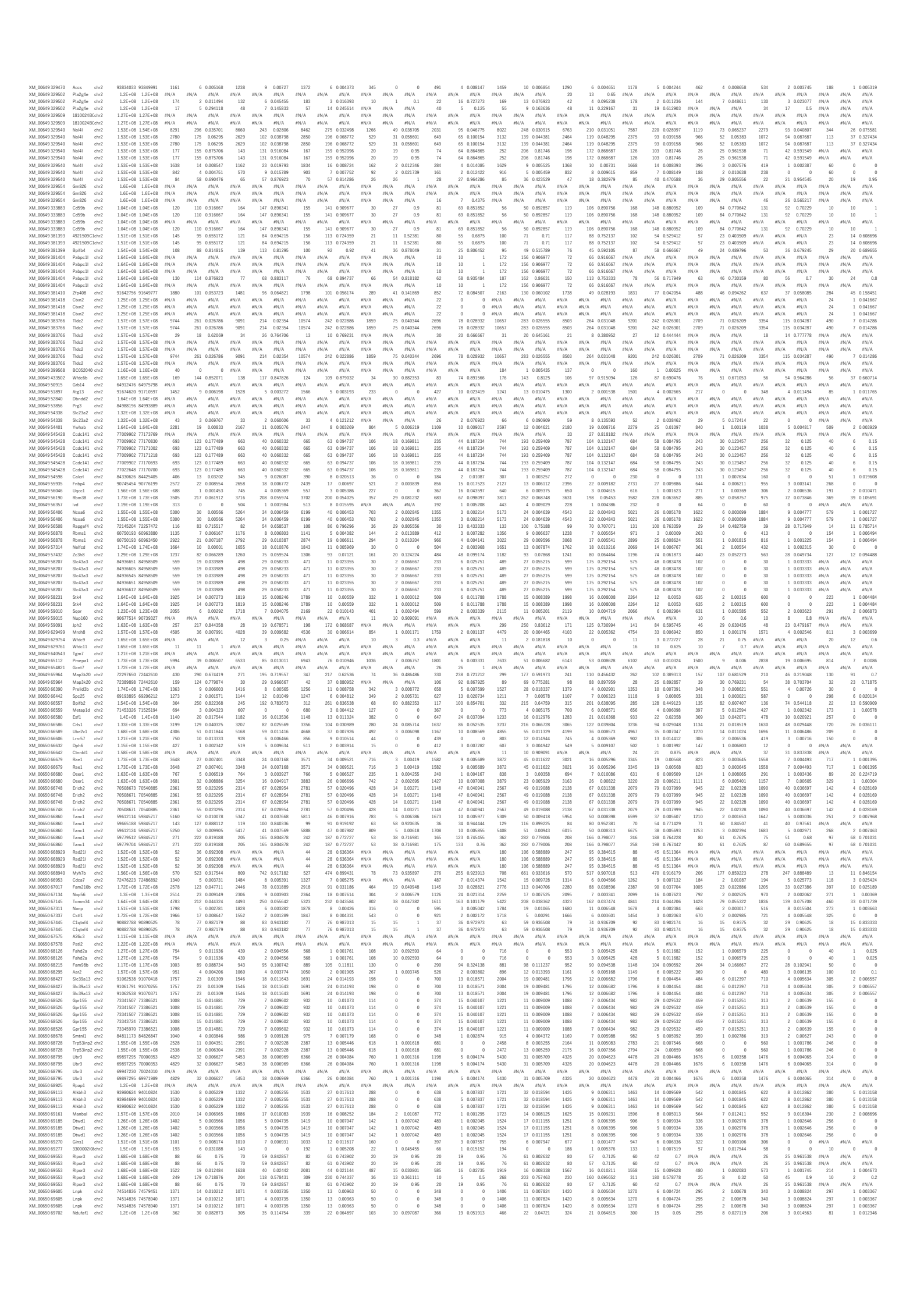
XM_00649 74577	Glb1l	chr1	75196971	75210794	1097	21	0.019143	864	8	0.009259	1012	13	0.012846	278	10	0.035971	595	6	0.010084	1204	19	0.015781	1002	19	0.018962	1099	19	0.017288	390	3	0.007692	529	11	0.020794	256	4	0.015625
XM_00649 74577	Glb1l	chr1	75196971	75210827	1087	16	0.014719	864	8	0.009259	1000	7	0.007	266	1	0.003759	595	6	0.010084	1191	9	0.007557	990	13	0.013131	1099	19	0.017288	390	3	0.007692	529	11	0.020794	256	4	0.015625
XM_00649 74577	Glb1l	chr1	75196971	75210795	1097	21	0.019143	864	8	0.009259	1012	13	0.012846	278	10	0.035971	595	6	0.010084	1204	19	0.015781	1002	19	0.018962	1099	19	0.017288	390	3	0.007692	529	11	0.020794	256	4	0.015625
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724934	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724918	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724996	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724996	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724924	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724996	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724918	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724901	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724918	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724918	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 75734	Mff	chr1	82724896	82752390	2142	11	0.005135	2166	14	0.006464	2410	17	0.007054	148	0	0	814	3	0.003686	1726	7	0.004056	1913	14	0.007318	2256	8	0.003546	317	3	0.009464	705	2	0.002837	252	3	0.011905
XM_00649 76867	Rhbdd1	chr1	82316529	82445366	1764	40	0.022676	1650	38	0.02303	1745	38	0.021777	300	3	0.01	678	11	0.016224	1810	65	0.035912	2171	40	0.018425	1770	41	0.023164	444	11	0.024775	636	21	0.033019	133	15	0.112782
XM_00649 77629	Sphkap	chr1	83255442	83408385	69	4	0.057971	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	2	0.026667	72	3	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 77629	Sphkap	chr1	83255442	83407717	335	38	0.113433	272	33	0.121324	295	25	0.084746	76	13	0.171053	75	6	0.08	215	26	0.12093	264	14	0.05303	269	19	0.070632	98	1	0.010204	86	7	0.081395	24	9	0.375
XM_00649 77629	Sphkap	chr1	83255442	83408411	69	4	0.057971	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	2	0.026667	72	3	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 80721	Slc19a3	chr1	83012523	83038508	644	11	0.017081	500	9	0.018	678	12	0.017699	95	2	0.021053	191	2	0.010471	674	18	0.026706	612	11	0.017974	601	3	0.004992	171	3	0.017544	213	3	0.014085	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 80721	Slc19a3	chr1	83012523	83027344	164	140	0.853659	115	98	0.852174	95	87	0.915789	50	44	0.88	110	94	0.854545	151	122	0.807947	126	112	0.888889	134	122	0.910448	136	111	0.816176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 98733	Obsl1	chr1	75485825	75506486	5149	161	0.031268	5723	237	0.041412	6115	230	0.037612	1013	51	0.050346	1291	73	0.056545	4677	257	0.05495	4427	220	0.049695	4843	428	0.088375	1429	113	0.079076	1535	95	0.061889	516	62	0.120155
XM_00649 100039795	Ildr2	chr1	1.66E+08	1.66E+08	156	1	0.00641	256	3	0.011719	380	2	0.005263	68	0	0	48	0	0	385	3	0.007792	120	0	0	257	2	0.007782	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	48	0	0
XM_00649 100040462	Mndal	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 100040462	Mndal	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 100040462	Mndal	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 103967	Dnm3	chr1	1.62E+08	1.62E+08	424	3	0.007075	492	4	0.00813	514	2	0.003891	44	0	0	207	0	0	681	7	0.010279	510	6	0.011765	350	5	0.014286	98	0	0	182	1	0.005495	47	0	0
XM_00649 103967	Dnm3	chr1	1.62E+08	1.62E+08	424	3	0.007075	492	4	0.00813	514	2	0.003891	44	0	0	207	0	0	681	7	0.010279	510	6	0.011765	350	5	0.014286	98	0	0	182	1	0.005495	47	0	0
XM_00649 103967	Dnm3	chr1	1.62E+08	1.62E+08	424	3	0.007075	492	4	0.00813	514	2	0.003891	44	0	0	207	0	0	681	7	0.010279	510	6	0.011765	350	5	0.014286	98	0	0	182	1	0.005495	47	0	0
XM_00649 103967	Dnm3	chr1	1.62E+08	1.62E+08	424	3	0.007075	492	4	0.00813	514	2	0.003891	44	0	0	207	0	0	681	7	0.010279	510	6	0.011765	350	5	0.014286	98	0	0	182	1	0.005495	47	0	0
XM_00649 103967	Dnm3	chr1	1.62E+08	1.62E+08	424	3	0.007075	492	4	0.00813	514	2	0.003891	44	0	0	207	0	0	681	7	0.010279	510	6	0.011765	350	5	0.014286	98	0	0	182	1	0.005495	47	0	0
XM_00649 107652	Uap1	chr1	1.7E+08	1.7E+08	5392	114	0.021142	4567	81	0.017736	5039	129	0.0256	996	33	0.033133	2407	66	0.02742	5739	163	0.028402	4980	105	0.021084	5449	115	0.021105	1993	27	0.013547	2253	77	0.034177	650	24	0.036923
XM_00649 107652	Uap1	chr1	1.7E+08	1.7E+08	5392	114	0.021142	4567	81	0.017736	5039	129	0.0256	996	33	0.033133	2407	66	0.02742	5739	163	0.028402	4980	105	0.021084	5449	115	0.021105	1993	27	0.013547	2253	77	0.034177	650	24	0.036923
XM_00649 107652	Uap1	chr1	1.7E+08	1.7E+08	5392	114	0.021142	4567	81	0.017736	5039	129	0.0256	996	33	0.033133	2407	66	0.02742	5739	163	0.028402	4980	105	0.021084	5449	115	0.021105	1993	27	0.013547	2253	77	0.034177	650	24	0.036923
XM_00649 110648	Lmx1a	chr1	1.68E+08	1.68E+08	4558	82	0.01799	5273	86	0.01631	5277	79	0.014971	926	22	0.023758	1886	40	0.021209	4514	133	0.029464	4611	168	0.036435	4735	109	0.02302	1381	17	0.01231	1618	49	0.030284	429	16	0.037296
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	18	18	1	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	18	18	1	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2485	11	0.004427	2296	12	0.005226	2070	5	0.002415	304	0	0	561	16	0.02852	2571	29	0.01128	2360	18	0.007627	2195	7	0.003189	862	2	0.00232	768	0	0	208	0	0
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2485	11	0.004427	2296	12	0.005226	2070	5	0.002415	304	0	0	561	16	0.02852	2571	29	0.01128	2360	18	0.007627	2195	7	0.003189	862	2	0.00232	768	0	0	208	0	0
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	18	18	1	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	18	18	1	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2485	11	0.004427	2296	12	0.005226	2070	5	0.002415	304	0	0	561	16	0.02852	2571	29	0.01128	2360	18	0.007627	2195	7	0.003189	862	2	0.00232	768	0	0	208	0	0
XM_00649 11352	Abl2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	18	18	1	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 11905	Serpinc1	chr1	1.61E+08	1.61E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12355	Nr1i3	chr1	1.71E+08	1.71E+08	67	29	0.432836	52	15	0.288462	21	4	0.190476	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	90	61	0.677778	43	34	0.790698	54	39	0.722222	12	8	0.666667	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12355	Nr1i3	chr1	1.71E+08	1.71E+08	67	29	0.432836	52	15	0.288462	21	4	0.190476	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	90	61	0.677778	43	34	0.790698	54	39	0.722222	12	8	0.666667	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12506	Cd48	chr1	1.72E+08	1.72E+08	79	60	0.759494	87	76	0.873563	95	77	0.810526	#N/A	#N/A	#N/A	18	14	0.777778	102	47	0.460784	95	54	0.568421	54	20	0.37037	12	6	0.5	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12506	Cd48	chr1	1.72E+08	1.72E+08	351	273	0.777778	282	210	0.744681	286	219	0.765734	132	98	0.742424	175	142	0.811429	308	233	0.756494	295	203	0.688136	275	202	0.734545	60	48	0.8	171	132	0.77193	79	65	0.822785
XM_00649 13603	Opn3	chr1	1.76E+08	1.76E+08	2360	15	0.006356	2218	14	0.006312	2043	17	0.008321	322	0	0	942	2	0.002123	2613	11	0.00421	2390	17	0.007113	2701	18	0.006664	773	0	0	837	2	0.002389	177	1	0.00565
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	9980	123	0.012325	9987	117	0.011715	10745	116	0.010796	1417	9	0.006351	2931	16	0.005459	11290	96	0.008503	8228	132	0.016043	9343	147	0.015734	2746	21	0.007647	3174	17	0.005356	664	1	0.001506
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	40	32	0.8	33	28	0.848485	48	41	0.854167	20	17	0.85	16	15	0.9375	52	49	0.942308	50	35	0.7	42	29	0.690476	32	29	0.90625	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	9980	123	0.012325	9987	117	0.011715	10745	116	0.010796	1417	9	0.006351	2931	16	0.005459	11290	96	0.008503	8228	132	0.016043	9343	147	0.015734	2746	21	0.007647	3174	17	0.005356	664	1	0.001506
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	9980	123	0.012325	9987	117	0.011715	10745	116	0.010796	1417	9	0.006351	2931	16	0.005459	11290	96	0.008503	8228	132	0.016043	9343	147	0.015734	2746	21	0.007647	3174	17	0.005356	664	1	0.001506
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	40	32	0.8	33	28	0.848485	48	41	0.854167	20	17	0.85	16	15	0.9375	52	49	0.942308	50	35	0.7	42	29	0.690476	32	29	0.90625	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	9980	123	0.012325	9987	117	0.011715	10745	116	0.010796	1417	9	0.006351	2931	16	0.005459	11290	96	0.008503	8228	132	0.016043	9343	147	0.015734	2746	21	0.007647	3174	17	0.005356	664	1	0.001506
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	9980	123	0.012325	9987	117	0.011715	10745	116	0.010796	1417	9	0.006351	2931	16	0.005459	11290	96	0.008503	8228	132	0.016043	9343	147	0.015734	2746	21	0.007647	3174	17	0.005356	664	1	0.001506
XM_00649 13800	Enah	chr1	1.82E+08	1.82E+08	9980	123	0.012325	9987	117	0.011715	10745	116	0.010796	1417	9	0.006351	2931	16	0.005459	11290	96	0.008503	8228	132	0.016043	9343	147	0.015734	2746	21	0.007647	3174	17	0.005356	664	1	0.001506
XM_00649 14125	Fcer1a	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14131	Fcgr3	chr1	1.71E+08	1.71E+08	846	71	0.083924	1119	122	0.109026	1004	93	0.092629	419	46	0.109785	881	93	0.105562	884	78	0.088235	823	141	0.171324	850	153	0.18	745	134	0.179866	1019	160	0.157017	494	94	0.190283
XM_00649 14131	Fcgr3	chr1	1.71E+08	1.71E+08	846	71	0.083924	1119	122	0.109026	1004	93	0.092629	419	46	0.109785	881	93	0.105562	884	78	0.088235	823	141	0.171324	850	153	0.18	745	134	0.179866	1019	160	0.157017	494	94	0.190283
XM_00649 14131	Fcgr3	chr1	1.71E+08	1.71E+08	2571	180	0.070012	4122	282	0.068413	3812	246	0.064533	1484	112	0.075472	2893	256	0.088489	2844	296	0.104079	2873	285	0.099199	3222	339	0.105214	2207	273	0.123697	2728	327	0.119868	1525	207	0.135738
XM_00649 14261	Fmo1	chr1	1.63E+08	1.63E+08	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	8	0.266667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 15278	Tfb2m	chr1	1.8E+08	1.8E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 15490	Hsd17b7	chr1	1.7E+08	1.7E+08	1237	11	0.008892	1444	21	0.014543	1203	18	0.014963	186	3	0.016129	597	7	0.011725	1207	16	0.013256	1448	12	0.008287	1504	11	0.007314	436	2	0.004587	414	7	0.016908	135	0	0
XM_00649 15950	Ifi203	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 15950	Ifi203	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 15951	Ifi204	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	27	0.794118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16429	Itln1	chr1	1.72E+08	1.72E+08	108	96	0.888889	96	89	0.927083	126	115	0.912698	#N/A	#N/A	#N/A	96	85	0.885417	132	113	0.856061	#N/A	#N/A	#N/A	126	116	0.920635	#N/A	#N/A	#N/A	90	79	0.877778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16513	Kcnj10	chr1	1.72E+08	1.72E+08	786	106	0.13486	573	58	0.101222	818	89	0.108802	64	11	0.171875	495	56	0.113131	877	131	0.149373	589	100	0.169779	721	101	0.140083	194	40	0.206186	238	43	0.180672	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16579	Kifap3	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16579	Kifap3	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16589	Uhmk1	chr1	1.7E+08	1.7E+08	2629	9	0.003423	2397	13	0.005423	2744	10	0.003644	398	0	0	1175	7	0.005957	2977	31	0.010413	2473	22	0.008896	2300	9	0.003913	830	2	0.00241	1257	14	0.011138	512	2	0.003906
XM_00649 170484	Nphs2	chr1	1.56E+08	1.56E+08	648	93	0.143519	608	49	0.080592	706	107	0.151558	132	24	0.181818	379	120	0.316623	712	168	0.235955	585	85	0.145299	589	96	0.162988	129	8	0.062016	202	81	0.40099	78	8	0.102564
XM_00649 170484	Nphs2	chr1	1.56E+08	1.56E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 170725	Capn8	chr1	1.83E+08	1.83E+08	229	85	0.371179	170	60	0.352941	207	71	0.342995	38	3	0.078947	49	33	0.673469	199	64	0.321608	208	59	0.283654	179	53	0.296089	22	5	0.227273	35	20	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 170725	Capn8	chr1	1.83E+08	1.83E+08	229	85	0.371179	170	60	0.352941	207	71	0.342995	38	3	0.078947	49	33	0.673469	199	64	0.321608	208	59	0.283654	179	53	0.296089	22	5	0.227273	35	20	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 171567	Nme7	chr1	1.64E+08	1.64E+08	1184	12	0.010135	1164	9	0.007732	1017	4	0.003933	236	2	0.008475	643	5	0.007776	1355	5	0.00369	1127	9	0.007986	1150	8	0.006957	407	4	0.009828	585	0	0	224	1	0.004464
XM_00649 171567	Nme7	chr1	1.64E+08	1.64E+08	14	14	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	40	0.930233	22	22	1	32	32	1	36	35	0.972222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18106	Cd244a	chr1	1.72E+08	1.72E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18214	Ddr2	chr1	1.7E+08	1.7E+08	128	109	0.851563	120	111	0.925	160	147	0.91875	60	53	0.883333	78	69	0.884615	148	121	0.817568	173	155	0.895954	188	163	0.867021	58	52	0.896552	58	56	0.965517	40	35	0.875
XM_00649 18214	Ddr2	chr1	1.7E+08	1.7E+08	128	109	0.851563	120	111	0.925	182	166	0.912088	60	53	0.883333	78	69	0.884615	148	121	0.817568	173	155	0.895954	188	163	0.867021	58	52	0.896552	58	56	0.965517	40	35	0.875
XM_00649 18214	Ddr2	chr1	1.7E+08	1.7E+08	128	109	0.851563	120	111	0.925	182	166	0.912088	60	53	0.883333	78	69	0.884615	148	121	0.817568	173	155	0.895954	188	163	0.867021	58	52	0.896552	58	56	0.965517	40	35	0.875
XM_00649 18514	Pbx1	chr1	1.68E+08	1.68E+08	507	3	0.005917	502	0	0	543	2	0.003683	164	0	0	205	2	0.009756	580	2	0.003448	469	2	0.004264	403	1	0.002481	158	0	0	221	0	0	77	0	0
XM_00649 18514	Pbx1	chr1	1.68E+08	1.68E+08	507	3	0.005917	502	0	0	543	2	0.003683	164	0	0	205	2	0.009756	580	2	0.003448	469	2	0.004264	403	1	0.002481	158	0	0	221	0	0	77	0	0
XM_00649 18611	Pea15a	chr1	1.72E+08	1.72E+08	859	119	0.138533	604	82	0.135762	573	109	0.190227	105	28	0.266667	247	23	0.093117	764	159	0.208115	677	133	0.196455	674	158	0.234421	175	0	0	329	37	0.112462	171	17	0.099415
XM_00649 18933	Prrx1	chr1	1.63E+08	1.63E+08	501	39	0.077844	521	37	0.071017	614	36	0.058632	122	7	0.057377	243	16	0.065844	564	39	0.069149	417	45	0.107914	492	140	0.284553	240	12	0.05	210	21	0.1	72	4	0.055556
XM_00649 18986	Pou2f1	chr1	1.66E+08	1.66E+08	7673	28	0.003649	7160	32	0.004469	7365	44	0.005974	1243	5	0.004023	2500	10	0.004	8326	71	0.008528	8075	60	0.00743	8234	35	0.004251	1794	6	0.003344	2599	8	0.003078	425	1	0.002353
XM_00649 19044	Ppox	chr1	1.71E+08	1.71E+08	116	2	0.017241	128	17	0.132813	56	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	236	27	0.114407	176	16	0.090909	193	32	0.165803	20	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19044	Ppox	chr1	1.71E+08	1.71E+08	116	2	0.017241	128	17	0.132813	56	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	236	27	0.114407	176	16	0.090909	193	32	0.165803	20	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19165	Psen2	chr1	1.8E+08	1.8E+08	2690	31	0.011524	2896	45	0.015539	2880	22	0.007639	194	1	0.005155	699	2	0.002861	2909	30	0.010313	2406	15	0.006234	2785	38	0.013645	425	9	0.021176	791	27	0.034134	454	2	0.004405
XM_00649 20339	Sele	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20343	Sell	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	24	0.727273	30	20	0.666667	33	31	0.939394
XM_00649 20343	Sell	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	24	0.727273	30	20	0.666667	33	31	0.939394
XM_00649 20652	Soat1	chr1	1.56E+08	1.56E+08	1030	31	0.030097	763	23	0.030144	998	28	0.028056	112	5	0.044643	321	10	0.031153	1011	20	0.019782	625	50	0.08	754	36	0.047745	216	1	0.00463	348	31	0.08908	159	10	0.062893
XM_00649 208795	Tmem63a	chr1	1.81E+08	1.81E+08	1685	17	0.010089	2017	15	0.007437	1958	29	0.014811	518	23	0.044402	571	7	0.012259	2274	22	0.009675	1653	11	0.006655	1883	7	0.003717	567	3	0.005291	868	3	0.003456	76	0	0
XM_00649 208795	Tmem63a	chr1	1.81E+08	1.81E+08	133	101	0.759398	108	89	0.824074	137	108	0.788321	12	10	0.833333	70	48	0.685714	165	121	0.733333	101	66	0.653465	98	72	0.734694	40	31	0.775	37	28	0.756757	34	27	0.794118
XM_00649 208795	Tmem63a	chr1	1.81E+08	1.81E+08	133	101	0.759398	108	89	0.824074	137	108	0.788321	12	10	0.833333	70	48	0.685714	165	121	0.733333	101	66	0.653465	98	72	0.734694	40	31	0.775	37	28	0.756757	34	27	0.794118
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_00649 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	3676	220	0.059848	2798	122	0.043603	3484	164	0.047072	732	35	0.047814	870	69	0.07931	3651	282	0.077239	3245	198	0.061017	3126	222	0.071017	1010	112	0.110891	1010	105	0.10396	408	56	0.137255
XM_00649 215015	Fam20b	chr1	1.57E+08	1.57E+08	4433	41	0.009249	3953	29	0.007336	4492	52	0.011576	659	1	0.001517	982	24	0.02444	4308	50	0.011606	4400	43	0.009773	3963	52	0.013121	1192	15	0.012584	1673	13	0.00777	96	0	0
XM_00649 215015	Fam20b	chr1	1.57E+08	1.57E+08	5076	128	0.025217	4574	72	0.015741	5108	90	0.017619	889	21	0.023622	1209	37	0.030604	4886	141	0.028858	4901	80	0.016323	4410	53	0.012018	1390	21	0.015108	1940	45	0.023196	270	10	0.037037
XM_00649 21945	Dedd	chr1	1.71E+08	1.71E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21945	Dedd	chr1	1.71E+08	1.71E+08	1906	27	0.014166	1897	19	0.010016	1942	16	0.008239	480	0	0	252	1	0.003968	2093	20	0.009556	1979	17	0.00859	2050	14	0.006829	514	1	0.001946	531	3	0.00565	48	0	0
XM_00649 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	21	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	33	0.970588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	6044	52	0.008604	6397	38	0.00594	6788	49	0.007219	563	1	0.001776	1614	7	0.004337	5934	49	0.008257	5790	50	0.008636	6632	54	0.008142	1412	7	0.004958	1137	5	0.004398	747	2	0.002677
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	6044	52	0.008604	6397	38	0.00594	6788	49	0.007219	563	1	0.001776	1614	7	0.004337	5934	49	0.008257	5790	50	0.008636	6632	54	0.008142	1412	7	0.004958	1137	5	0.004398	747	2	0.002677
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	6044	52	0.008604	6397	38	0.00594	6788	49	0.007219	563	1	0.001776	1614	7	0.004337	5934	49	0.008257	5790	50	0.008636	6632	54	0.008142	1412	7	0.004958	1137	5	0.004398	747	2	0.002677
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	54	21	0.388889	33	19	0.575758	60	19	0.316667	#N/A	#N/A	#N/A	42	20	0.47619	#N/A	#N/A	#N/A	38	9	0.236842	57	33	0.578947	28	10	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226525	Rasal2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226539	Dars2	chr1	1.61E+08	1.61E+08	1176	7	0.005952	1562	10	0.006402	1104	7	0.006341	136	1	0.007353	434	3	0.006912	1291	12	0.009295	1373	14	0.010197	1523	4	0.002626	425	1	0.002353	473	7	0.014799	215	0	0
XM_00649 226539	Dars2	chr1	1.61E+08	1.61E+08	1176	7	0.005952	1562	10	0.006402	1104	7	0.006341	136	1	0.007353	434	3	0.006912	1291	12	0.009295	1373	14	0.010197	1523	4	0.002626	425	1	0.002353	473	7	0.014799	215	0	0
XM_00649 226551	Suco	chr1	1.62E+08	1.62E+08	2263	16	0.00707	1758	6	0.003413	2177	16	0.00735	562	2	0.003559	790	0	0	2247	7	0.003115	2077	9	0.004333	2006	14	0.006979	656	3	0.004573	649	2	0.003082	497	0	0
XM_00649 226551	Suco	chr1	1.62E+08	1.62E+08	2263	16	0.00707	1758	6	0.003413	2177	16	0.00735	562	2	0.003559	790	0	0	2247	7	0.003115	2077	9	0.004333	2006	14	0.006979	656	3	0.004573	649	2	0.003082	497	0	0
XM_00649 226551	Suco	chr1	1.62E+08	1.62E+08	2263	16	0.00707	1758	6	0.003413	2177	16	0.00735	562	2	0.003559	790	0	0	2247	7	0.003115	2077	9	0.004333	2006	14	0.006979	656	3	0.004573	649	2	0.003082	497	0	0
XM_00649 226551	Suco	chr1	1.62E+08	1.62E+08	2263	16	0.00707	1758	6	0.003413	2177	16	0.00735	562	2	0.003559	790	0	0	2247	7	0.003115	2077	9	0.004333	2006	14	0.006979	656	3	0.004573	649	2	0.003082	497	0	0
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226562	Prrc2c	chr1	1.63E+08	1.63E+08	1149	7	0.006092	977	10	0.010235	1299	8	0.006159	142	0	0	407	2	0.004914	1320	9	0.006818	1207	11	0.009114	1293	4	0.003094	210	0	0	352	1	0.002841	100	1	0.01
XM_00649 226564	Fmo4	chr1	1.63E+08	1.63E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226564	Fmo4	chr1	1.63E+08	1.63E+08	44	33	0.75	62	53	0.854839	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	52	45	0.865385	24	18	0.75	78	71	0.910256	20	19	0.95	40	36	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226564	Fmo4	chr1	1.63E+08	1.63E+08	44	33	0.75	62	53	0.854839	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	52	45	0.865385	24	18	0.75	78	71	0.910256	20	19	0.95	40	36	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226564	Fmo4	chr1	1.63E+08	1.63E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226564	Fmo4	chr1	1.63E+08	1.63E+08	44	33	0.75	62	53	0.854839	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	52	45	0.865385	24	18	0.75	78	71	0.910256	20	19	0.95	40	36	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226565	Fmo6	chr1	1.63E+08	1.63E+08	36	27	0.75	28	23	0.821429	39	26	0.666667	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	37	26	0.702703	39	32	0.820513	44	37	0.840909	24	19	0.791667	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226594	Rcsd1	chr1	1.66E+08	1.66E+08	30	27	0.9	35	32	0.914286	37	34	0.918919	#N/A	#N/A	#N/A	32	29	0.90625	31	23	0.741935	30	17	0.566667	35	28	0.8	23	15	0.652174	18	10	0.555556	10	5	0.5
XM_00649 226594	Rcsd1	chr1	1.66E+08	1.66E+08	716	25	0.034916	538	15	0.027881	1038	33	0.031792	120	1	0.008333	238	3	0.012605	862	26	0.030162	823	19	0.023086	838	15	0.0179	207	2	0.009662	120	1	0.008333	50	0	0
XM_00649 226594	Rcsd1	chr1	1.66E+08	1.66E+08	30	27	0.9	35	32	0.914286	37	34	0.918919	#N/A	#N/A	#N/A	32	29	0.90625	31	23	0.741935	30	17	0.566667	35	28	0.8	23	15	0.652174	18	10	0.555556	10	5	0.5
XM_00649 226594	Rcsd1	chr1	1.66E+08	1.66E+08	30	27	0.9	35	32	0.914286	37	34	0.918919	#N/A	#N/A	#N/A	32	29	0.90625	31	23	0.741935	30	17	0.566667	35	28	0.8	23	15	0.652174	18	10	0.555556	10	5	0.5
XM_00649 226601	Gm4846	chr1	1.66E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226601	Gm4846	chr1	1.66E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226601	Gm4846	chr1	1.66E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226601	Gm4846	chr1	1.66E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226610	Fam78b	chr1	1.67E+08	1.67E+08	1215	50	0.041152	1192	79	0.066275	1449	82	0.056591	259	31	0.119691	285	23	0.080702	1224	85	0.069444	1298	143	0.110169	1110	80	0.072072	490	65	0.132653	599	65	0.108514	177	56	0.316384
XM_00649 226641	Atf6	chr1	1.71E+08	1.71E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226691	Ifi207	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 226744	Cnst	chr1	1.8E+08	1.8E+08	4565	31	0.006791	4658	61	0.013096	4811	39	0.008106	1159	6	0.005177	1744	13	0.007454	5305	64	0.012064	4489	23	0.005124	3992	31	0.007766	1761	8	0.004543	1772	14	0.007901	573	0	0
XM_00649 226751	Cdc42bpa	chr1	1.8E+08	1.8E+08	6034	67	0.011104	6346	80	0.012606	6080	62	0.010197	1214	14	0.011532	1340	16	0.01194	6688	70	0.010467	5931	46	0.007756	6118	49	0.008009	1428	18	0.012605	2376	24	0.010101	402	6	0.014925
XM_00649 226751	Cdc42bpa	chr1	1.8E+08	1.8E+08	6034	67	0.011104	6346	80	0.012606	6080	62	0.010197	1214	14	0.011532	1340	16	0.01194	6688	70	0.010467	5931	46	0.007756	6118	49	0.008009	1428	18	0.012605	2376	24	0.010101	402	6	0.014925
XM_00649 226751	Cdc42bpa	chr1	1.8E+08	1.8E+08	6034	67	0.011104	6346	80	0.012606	6080	62	0.010197	1214	14	0.011532	1340	16	0.01194	6688	70	0.010467	5931	46	0.007756	6118	49	0.008009	1428	18	0.012605	2376	24	0.010101	402	6	0.014925
XM_00649 226751	Cdc42bpa	chr1	1.8E+08	1.8E+08	6034	67	0.011104	6346	80	0.012606	6080	62	0.010197	1214	14	0.011532	1340	16	0.01194	6688	70	0.010467	5931	46	0.007756	6118	49	0.008009	1428	18	0.012605	2376	24	0.010101	402	6	0.014925
XM_00649 226751	Cdc42bpa	chr1	1.8E+08	1.8E+08	6034	67	0.011104	6346	80	0.012606	6080	62	0.010197	1214	14	0.011532	1340	16	0.01194	6688	70	0.010467	5931	46	0.007756	6118	49	0.008009	1428	18	0.012605	2376	24	0.010101	402	6	0.014925
XM_00649 226751	Cdc42bpa	chr1	1.8E+08	1.8E+08	6034	67	0.011104	6346	80	0.012606	6080	62	0.010197	1214	14	0.011532	1340	16	0.01194	6688	70	0.010467	5931	46	0.007756	6118	49	0.008009	1428	18	0.012605	2376	24	0.010101	402	6	0.014925

XM_00649 19730	Ralgds	chr2	28513089	28553073	5891	127	0.021558	6573	138	0.020995	5990	155	0.025876	705	28	0.039716	1825	33	0.018082	5544	128	0.023088	4513	206	0.045646	5531	188	0.03399	1432	89	0.062151	1801	47	0.026097	964	44	0.045643
XM_00649 19730	Ralgds	chr2	28513273	28553073	5891	127	0.021558	6573	138	0.020995	5990	155	0.025876	705	28	0.039716	1825	33	0.018082	5544	128	0.023088	4513	206	0.045646	5531	188	0.03399	1432	89	0.062151	1801	47	0.026097	964	44	0.045643
XM_00649 20181	Rxra	chr2	27676445	27762959	3676	31	0.008433	3257	31	0.009518	3802	27	0.007102	447	3	0.006711	713	2	0.002805	4168	87	0.020873	3527	30	0.008506	4007	36	0.008984	853	4	0.004689	1066	3	0.002814	564	1	0.001773
XM_00649 20204	Prrx2	chr2	30845064	30881251	3254	57	0.017517	3545	80	0.022567	3562	73	0.020494	626	11	0.017572	844	40	0.047393	3296	119	0.036104	3203	66	0.020606	3024	125	0.041336	1056	58	0.054924	1192	53	0.044463	120	7	0.058333
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20740	Sptan1	chr2	29965655	30031451	2659	17	0.006393	2337	6	0.002567	2550	13	0.005098	359	2	0.005571	778	4	0.005141	2943	27	0.009174	2256	16	0.007092	2233	10	0.004478	736	1	0.001359	878	2	0.002278	216	0	0
XM_00649 20930	Surf1	chr2	26913383	26916354	1306	33	0.025268	871	36	0.041332	1217	32	0.026294	80	7	0.0875	389	25	0.064267	1517	54	0.035597	1174	21	0.017888	1137	29	0.025506	325	4	0.012308	407	2	0.004914	140	0	0
XM_00649 20930	Surf1	chr2	26913383	26916543	1331	57	0.042825	898	55	0.061247	1257	62	0.049324	92	16	0.173913	405	38	0.093827	1558	90	0.057766	1200	37	0.030833	1165	51	0.043777	339	15	0.044248	422	17	0.040284	154	10	0.064935
XM_00649 20930	Surf1	chr2	26913383	26916543	1331	57	0.042825	898	55	0.061247	1257	62	0.049324	92	16	0.173913	405	38	0.093827	1558	90	0.057766	1200	37	0.030833	1165	51	0.043777	339	15	0.044248	422	17	0.040284	154	10	0.064935
XM_00649 20930	Surf1	chr2	26913383	26916360	1306	33	0.025268	871	36	0.041332	1217	32	0.026294	80	7	0.0875	389	25	0.064267	1517	54	0.035597	1174	21	0.017888	1137	29	0.025506	325	4	0.012308	407	2	0.004914	140	0	0
XM_00649 20930	Surf1	chr2	26913383	26916610	1301	51	0.039201	856	43	0.050234	1257	62	0.049324	92	16	0.173913	369	30	0.081301	1558	90	0.057766	1200	37	0.030833	1165	51	0.043777	339	15	0.044248	422	17	0.040284	154	10	0.064935
XM_00649 20931	Surf2	chr2	26916372	26920187	1259	11	0.008737	838	18	0.02148	1188	12	0.010101	70	1	0.014286	370	9	0.024324	1471	16	0.010877	1137	4	0.003518	1097	4	0.003646	315	0	0	392	0	0	140	0	0
XM_00649 20932	Surf4	chr2	26920826	26933776	924	6	0.006494	742	6	0.008086	880	5	0.005682	345	1	0.002899	433	3	0.006928	1436	14	0.009749	896	7	0.007813	953	7	0.007345	238	0	0	374	3	0.008021	80	0	0
XM_00649 215632	Psd4	chr2	24385469	24408756	183	152	0.830601	115	93	0.808696	164	128	0.780488	30	20	0.666667	99	80	0.808081	173	82	0.473988	149	81	0.543624	171	113	0.660819	57	43	0.754386	21	14	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 215632	Psd4	chr2	24384896	24408756	68	52	0.764706	47	35	0.744681	83	54	0.650602	30	20	0.666667	19	12	0.631579	103	39	0.378641	104	51	0.490385	83	44	0.53012	11	6	0.545455	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 215632	Psd4	chr2	24367559	24408756	1433	12	0.008374	1630	29	0.017791	1488	10	0.00672	327	1	0.003058	572	12	0.020979	1293	27	0.020882	1537	31	0.020169	1577	20	0.012682	250	5	0.02	448	12	0.026786	209	8	0.038278
XM_00649 215632	Psd4	chr2	24384896	24408756	68	52	0.764706	47	35	0.744681	83	54	0.650602	30	20	0.666667	19	12	0.631579	103	39	0.378641	104	51	0.490385	83	44	0.53012	11	6	0.545455	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 215705	Arrdc1	chr2	24925352	24935302	1445	239	0.165398	1028	198	0.192607	1325	199	0.150189	246	36	0.146341	555	169	0.304505	1588	240	0.151134	988	162	0.163968	1200	205	0.170833	577	137	0.237435	639	160	0.250391	125	2	0.016
XM_00649 215705	Arrdc1	chr2	24925352	24935302	1445	239	0.165398	1028	198	0.192607	1325	199	0.150189	246	36	0.146341	555	169	0.304505	1588	240	0.151134	988	162	0.163968	1200	205	0.170833	577	137	0.237435	639	160	0.250391	125	2	0.016
XM_00649 215705	Arrdc1	chr2	24925352	24935243	1445	239	0.165398	1028	198	0.192607	1325	199	0.150189	246	36	0.146341	555	169	0.304505	1588	240	0.151134	988	162	0.163968	1200	205	0.170833	577	137	0.237435	639	160	0.250391	125	2	0.016
XM_00649 215705	Arrdc1	chr2	24925352	24935335	1445	239	0.165398	1028	198	0.192607	1325	199	0.150189	246	36	0.146341	555	169	0.304505	1588	240	0.151134	988	162	0.163968	1200	205	0.170833	577	137	0.237435	639	160	0.250391	125	2	0.016
XM_00649 215705	Arrdc1	chr2	24925352	24935165	1445	239	0.165398	1028	198	0.192607	1325	199	0.150189	246	36	0.146341	555	169	0.304505	1588	240	0.151134	988	162	0.163968	1200	205	0.170833	577	137	0.237435	639	160	0.250391	125	2	0.016
XM_00649 22030	Traf2	chr2	25518858	25546861	3252	17	0.005228	2724	12	0.004405	2740	13	0.004745	412	2	0.004854	1257	18	0.01432	3445	21	0.006096	2500	8	0.0032	2737	19	0.006942	966	3	0.003106	1376	4	0.002907	253	0	0
XM_00649 22030	Traf2	chr2	25518858	25546861	3252	17	0.005228	2724	12	0.004405	2740	13	0.004745	412	2	0.004854	1257	18	0.01432	3445	21	0.006096	2500	8	0.0032	2737	19	0.006942	966	3	0.003106	1376	4	0.002907	253	0	0
XM_00649 22130	Ttf1	chr2	29060310	29087656	1271	8	0.006294	938	4	0.004264	1133	5	0.004413	253	1	0.003953	598	0	0	1144	7	0.006119	1179	6	0.005089	1076	8	0.007435	314	5	0.015924	403	2	0.004963	248	1	0.004032
XM_00649 22325	Vav2	chr2	27262104	27427607	3522	53	0.015048	3198	44	0.013759	3652	65	0.017798	581	3	0.005164	611	3	0.00491	3469	50	0.014413	3039	48	0.015795	4090	54	0.013203	901	2	0.00222	1072	27	0.025187	70	0	0
XM_00649 22325	Vav2	chr2	27262104	27427607	3522	53	0.015048	3198	44	0.013759	3652	65	0.017798	581	3	0.005164	611	3	0.00491	3469	50	0.014413	3039	48	0.015795	4090	54	0.013203	901	2	0.00222	1072	27	0.025187	70	0	0
XM_00649 22325	Vav2	chr2	27262104	27427607	3522	53	0.015048	3198	44	0.013759	3652	65	0.017798	581	3	0.005164	611	3	0.00491	3469	50	0.014413	3039	48	0.015795	4090	54	0.013203	901	2	0.00222	1072	27	0.025187	70	0	0
XM_00649 227619	Man1b1	chr2	25332730	25352212	1655	5	0.003021	1592	9	0.005653	1695	9	0.00531	132	1	0.007576	706	6	0.008499	1287	13	0.010101	1502	13	0.008655	1590	10	0.006289	453	1	0.002208	690	1	0.001449	155	0	0
XM_00649 227622	Paxx	chr2	25459477	25462654	154	145	0.941558	160	148	0.925	164	157	0.957317	52	50	0.961538	64	61	0.953125	162	160	0.987654	126	125	0.992063	200	191	0.955	56	55	0.982143	56	55	0.982143	20	19	0.95
XM_00649 227622	Paxx	chr2	25459482	25462654	154	145	0.941558	160	148	0.925	164	157	0.957317	52	50	0.961538	64	61	0.953125	162	160	0.987654	126	125	0.992063	200	191	0.955	56	55	0.982143	56	55	0.982143	20	19	0.95
XM_00649 227622	Paxx	chr2	25455120	25462654	154	145	0.941558	160	148	0.925	164	157	0.957317	52	50	0.961538	64	61	0.953125	162	160	0.987654	126	125	0.992063	200	191	0.955	56	55	0.982143	56	55	0.982143	20	19	0.95
XM_00649 227622	Paxx	chr2	25459482	25462654	154	145	0.941558	160	148	0.925	164	157	0.957317	52	50	0.961538	64	61	0.953125	162	160	0.987654	126	125	0.992063	200	191	0.955	56	55	0.982143	56	55	0.982143	20	19	0.95
XM_00649 227622	Paxx	chr2	25455120	25462654	154	145	0.941558	160	148	0.925	164	157	0.957317	52	50	0.961538	64	61	0.953125	162	160	0.987654	126	125	0.992063	200	191	0.955	56	55	0.982143	56	55	0.982143	20	19	0.95
XM_00649 227627	Obp2a	chr2	25698798	25703326	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227627	Obp2a	chr2	25697577	25703326	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227627	Obp2a	chr2	25700008	25703326	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227631	Sohlh1	chr2	25842999	25846639	344	315	0.915698	259	249	0.96139	280	268	0.957143	30	30	1	78	72	0.923077	345	315	0.913043	340	304	0.894118	254	233	0.917323	107	96	0.897196	107	90	0.841121	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227631	Sohlh1	chr2	25842999	25845607	312	287	0.919872	248	239	0.96371	280	268	0.957143	30	30	1	82	73	0.890244	312	287	0.919872	340	304	0.894118	229	219	0.956332	96	90	0.9375	120	102	0.85	23	13	0.565217
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877824	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877825	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877823	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877825	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877825	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877824	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877680	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877681	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877823	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877682	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25863829	25918273	732	23	0.031421	835	25	0.02994	923	25	0.027086	84	0	0	247	8	0.032389	846	24	0.028369	838	45	0.053699	954	43	0.045073	#N/A	#N/A	#N/A	285	25	0.087719	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25863791	25918273	732	23	0.031421	835	25	0.02994	923	25	0.027086	84	0	0	247	8	0.032389	846	24	0.028369	838	45	0.053699	954	43	0.045073	#N/A	#N/A	#N/A	285	25	0.087719	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877853	25918273	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877671	25907606	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25877667	25905704	1537	57	0.037085	1431	63	0.044025	1463	53	0.036227	230	24	0.104348	571	33	0.057793	1486	97	0.065276	1263	43	0.034046	1223	47	0.03843	381	16	0.041995	571	15	0.02627	33	1	0.030303
XM_00649 227632	Kcnt1	chr2	25894346	25918273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227634	Camsap1	chr2	25926924	25983307	5333	127	0.023814	5955	104	0.017464	5798	122	0.021042	431	17	0.039443	1423	40	0.02811	5856	124	0.021175	4918	120	0.0244	5704	140	0.024544	1150	13	0.011304	1655	52	0.03142	326	9	0.027607
XM_00649 227634	Camsap1	chr2	25926923	25983289	5333	127	0.023814	5955	104	0.017464	5798	122	0.021042	431	17	0.039443	1423	40	0.02811	5856	124	0.021175	4918	120	0.0244	5704	140	0.024544	1150	13	0.011304	1655	52	0.03142	326	9	0.027607
XM_00649 227634	Camsap1	chr2	25926924	25983051	5333	127	0.023814	5955	104	0.017464	5798	122	0.021042	431	17	0.039443	1423	40	0.02811	5856	124	0.021175	4918	120	0.0244	5704	140	0.024544	1150	13	0.011304	1655	52	0.03142	326	9	0.027607
XM_00649 227634	Camsap1	chr2	25926924	25983562	5333	127	0.023814	5955	104	0.017464	5798	122	0.021042	401	17	0.042394	1423	40	0.02811	5844	124	0.021218	4918	120	0.0244	5694	140	0.024587	1150	13	0.011304	1655	52	0.03142	326	9	0.027607
XM_00649 227644	Snapc4	chr2	26362765	26380656	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_00649 227648	Sec16a	chr2	26412562	26445291	3362	33	0.009816	2711	18	0.00664	3122	17	0.005445	775	0	0	838	14	0.016706	3870	42	0.010853	3180	24	0.007547	3205	25	0.0078	1132	9	0.007951	1421	17	0.011963	557	5	0.008977
XM_00649 227648	Sec16a	chr2	26412562	26446293	1719	33	0.019197	1246	9	0.007223	1598	11	0.006884	369	0	0	371	12	0.032345	1984	36	0.018145	1435	16	0.01115	1622	29	0.017879	577	16	0.02773	692	21	0.030347	286	2	0.006993
XM_00649 227648	Sec16a	chr2	26409431	26445291	3362	33	0.009816	2711	18	0.00664	3122	17	0.005445	775	0	0	838	14	0.016706	3870	42	0.010853	3180	24	0.007547	3205	25	0.0078	1132	9	0.007951	1421	17	0.011963	557	5	0.008977
XM_00649 227648	Sec16a	chr2	26412562	26445291	3362	33	0.009816	2711	18	0.00664	3122	17	0.005445	775	0	0	838	14	0.016706	3870	42	0.010853	3180	24	0.007547	3205	25	0.0078	1132	9	0.007951	1421	17	0.011963	557	5	0.008977
XM_00649 227648	Sec16a	chr2	26409431	26445291	3362	33	0.009816	2711	18	0.00664	3122	17	0.005445	775	0	0	838	14	0.016706	3870	42	0.010853	3180	24	0.007547	3205	25	0.0078	1132	9	0.007951	1421	17	0.011963	557	5	0.008977
XM_00649 227648	Sec16a	chr2	26412562	26445291	3362	33	0.009816	2711	18	0.00664	3122	17	0.005445	775	0	0	838	14	0.016706	3870	42	0.010853	3180	24	0.007547	3205	25	0.0078	1132	9	0.007951	1421	17	0.011963	557	5	0.008977
XM_00649 227659	Slc2a6	chr2	27021363	27027990	599	21	0.035058	612	10	0.01634	603	18	0.029851	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	551	2	0.00363	678	14	0.020649	603	9	0.014925	60	1	0.016667	168	11	0.065476	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227671	Gbgt1	chr2	28479363	28506030	70	56	0.8	91	71	0.78022	53	36	0.679245	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	64	46	0.71875	65	38	0.584615	108	55	0.509259	36	27	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227671	Gbgt1	chr2	28498376	28506030	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227682	Trub2	chr2	29776110	29787671	1151	121	0.105126	1006	71	0.070577	1091	101	0.092576	245	29	0.118367	504	72	0.142857	1212	115	0.094884	1124	81	0.072064	1029	48	0.046647	390	29	0.074359	489	75	0.153374	152	36	0.236842
XM_00649 227682	Trub2	chr2	29761223	29787671	1151	121	0.105126	1006	71	0.070577	1091	101	0.092576	245	29	0.118367	504	72	0.142857	1212	115	0.094884	1124	81	0.072064	1029	48	0.046647	390	29	0.074359	489	75	0.153374	152	36	0.236842
XM_00649 227693	Zer1	chr2	30097285	30126287	92	84	0.913043	126	122	0.968254	174	165	0.948276	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	149	132	0.885906	123	101	0.821138	162	111	0.685185	60	50	0.833333	86	69	0.802326	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227693	Zer1	chr2	30097285	30126287	92	84	0.913043	126	122	0.968254	174	165	0.948276	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	149	132	0.885906	123	101	0.821138	162	111	0.685185	60	50	0.833333	86	69	0.802326	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227699	Nup188	chr2	30286412	30344263	1262	47	0.037242	1250	48	0.0384	1275	37	0.02902	203	2	0.009852	290	27	0.093103	1223	53	0.043336	1106	26	0.023508	1282	36	0.028081	382	12	0.031414	443	23	0.051919	140	5	0.035714
XM_00649 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359358	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_00649 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359358	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_00649 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359358	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_00649 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359342	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_00649 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359305	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_00649 227707	BC005624	chr2	30970693	30981939	1494	10	0.006693	1420	4	0.002817	1810	11	0.006077	246	0	0	653	2	0.003063	2009	14	0.006969	1500	6	0.004	1764	5	0.002834	593	1	0.001686	640	2	0.003125	156	1	0.00641
XM_00649 227715	Exosc2	chr2	31670719	31681349	950	8	0.008421	953	13	0.013641	973	5	0.005139	211	0	0	322	0	0	918	4	0.004357	780	4	0.005128	885	3	0.00339	347	2	0.005764	296	0	0	153	1	0.006536
XM_00649 227720	Nup214	chr2	31974408	32052371	1543	4	0.002592	1448	11	0.007597	1293	11	0.008507	297	0	0	472	0	0	1494	12	0.008032	1577	8	0.005073	1626	9	0.005535	323	2	0.006192	461	0	0	28	1	0.035714
XM_00649 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32234537	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32232781	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32232763	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32234537	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32232817	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32232781	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227731	Slc25a25	chr2	32414487	32425948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961650	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961632	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961499	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961654	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961630	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961650	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961650	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961650	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227738	Lrsam1	chr2	32925215	32961632	3004	74	0.024634	2709	77	0.028424	3344	67	0.020036	732	4	0.005464	1409	59	0.041874	3152	64	0.020305	2801	51	0.018208	2837	54	0.019034	834	11	0.013189	1357	28	0.020634	441	18	0.040816
XM_00649 227743	Mapkap1	chr2	34415052	34624949	160	154	0.9625	150	145	0.966667	135	129	0.955556	#N/A	#N/A	#N/A	110	106	0.963636	95	84	0.884211	70	65	0.928571	205	194	0.946341	55	50	0.909091	125	117	0.936	50	49	0.98
XM_00649 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_00649 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_00649 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_00649 227746	Rabepk	chr2	34777892	34800196	1465	20	0.013652	1285	14	0.010895	1115	19	0.01704	92	2	0.021739	284	6	0.021127	1309	23	0.017571	1245	12	0.009639	1343	9	0.006701	207	2	0.009662	284	5	0.017606	32	0	0
XM_00649 227746	Rabepk	chr2	34777892	34800196	1465	20	0.013652	1285	14	0.010895	1115	19	0.01704	92	2	0.021739	284	6	0.021127	1309	23	0.017571	1245	12	0.009639	1343	9	0.006701	207	2	0.009662	284	5	0.017606	32	0	0
XM_00649 227746	Rabepk	chr2	34777892	34799764	1277	8	0.006265	1152	7	0.006076	986	11	0.011156	68	1	0.014706	183	1	0.005464	1132	10	0.008834	1135	7	0.006167	1258	8	0.006359	145	0	0	215	2	0.009302	10	0	0
XM_00649 227746	Rabepk	chr2	34777892	34800196	1465	20	0.013652	1285	14	0.010895	1115	19	0.01704	92	2	0.021739	284	6	0.021127	1309	23	0.017571	1245	12	0.009639	1343	9	0.006701	207	2	0.009662	284	5	0.017606	32	0	0
XM_00649 227753	Gsn	chr2	35282389	35307897	1325	125	0.09434	1076	58	0.053903	1267	83	0.065509	285	9	0.031579	531	31	0.05838	1549	140	0.090381	1287	139	0.108003	1275	105	0.082353	515	34	0.066019	518	51	0.098456	128	11	0.085938
XM_00649 227800	Rabgap1	chr2	37443276	37573420	537	2	0.003724	532	5	0.009398	373	3	0.008043	187	0	0	264	1	0.003788	629	5	0.007949	624	2	0.003205	611	7	0.011457	143	1	0.006993	287	0	0	111	0	0
XM_00649 227800	Rabgap1	chr2	37443263	37555083	537	2	0.003724	532	5	0.009398	373	3	0.008043	187	0	0	264	1	0.003788	629	5	0.007949	624	2	0.003205	611	7	0.011457	143	1	0.006993	287	0	0	111	0	0
XM_00649 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287410	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_00649 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287404	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_00649 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287404	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_00649 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287404	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_00649 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287410	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_00649 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38243492	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227867	Epc2	chr2	49450755	49551947	2436	13	0.005337	1952	5	0.002561	2525	17	0.006733	190	2	0.010526	763	0	0	2461	22	0.008939	2521	13	0.005157	2599	18	0.006926	709	2	0.002821	816	4	0.004902	140	0	0
XM_00649 227929	Cytip	chr2	58132718	58195549	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227929	Cytip	chr2	58132718	58160652	94	44	0.468085	56	40	0.714286	52	36	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	40	20	0.5	70	27	0.385714	62	26	0.419355	88	37	0.420455	32	7	0.21875	26	5	0.192308	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24976240	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24975990	25054057	1524	10	0.006562	1124	13	0.011566	1300	4	0.003077	51	0	0	286	1	0.003497	1651	7	0.00424	1158	10	0.008636	1163	11	0.009458	269	1	0.003717	494	2	0.004049	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241274	Pnpla7	chr2	24982122	25054057	287	273	0.95122	291	280	0.962199	323	308	0.95356	129	125	0.968992	141	132	0.93617	388	365	0.940722	280	263	0.939286	281	262	0.932384	148	131	0.885135	78	73	0.935897	106	97	0.915094
XM_00649 241289	Ppp1r26	chr2	28446946	28455508	4542	107	0.023558	4510	110	0.02439	4583	103	0.022474	653	7	0.01072	1227	34	0.02771	4292	63	0.014678	4091	86	0.021022	4317	78	0.018068	1168	16	0.013699	1553	8	0.005151	88	4	0.045455
XM_00649 241289	Ppp1r26	chr2	28446577	28455508	4542	107	0.023558	4510	110	0.02439	4583	103	0.022474	653	7	0.01072	1227	34	0.02771	4292	63	0.014678	4091	86	0.021022	4317	78	0.018068	1168	16	0.013699	1553	8	0.005151	88	4	0.045455
XM_00649 241308	Ralgps1	chr2	33133419	33371496	1640	17	0.010366	1611	4	0.002483	1581	9	0.005693	498	0	0	759	1	0.001318	1652	8	0.004843	1459	14	0.009596	1380	5	0.003623	652	1	0.001534	550	4	0.007273	295	1	0.00339
XM_00649 241308	Ralgps1	chr2	33133419	33371496	1640	17	0.010366	1611	4	0.002483	1581	9	0.005693	498	0	0	759	1	0.001318	1652	8	0.004843	1459	14	0.009596	1380	5	0.003623	652	1	0.001534	550	4	0.007273	295	1	0.00339
XM_00649 241308	Ralgps1	chr2	33133419	33371497	1640	17	0.010366	1611	4	0.002483	1581	9	0.005693	498	0	0	759	1	0.001318	1652	8	0.004843	1459	14	0.009596	1380	5	0.003623	652	1	0.001534	550	4	0.007273	295	1	0.00339
XM_00649 241308	Ralgps1	chr2	33133419	33371497	1640	17	0.010366	1611	4	0.002483	1581	9	0.005693	498	0	0	759	1	0.001318	1652	8	0.004843	1459	14	0.009596	1380	5	0.003623	652	1	0.001534	550	4	0.007273	295	1	0.00339
XM_00649 241308	Ralgps1	chr2	33133419	33371495	1640	17	0.010366	1611	4	0.002483	1581	9	0.005693	498	0	0	759	1	0.001318	1652	8	0.004843	1459	14	0.009596	1380	5	0.003623	652	1	0.001534	550	4	0.007273	295	1	0.00339
XM_00649 241311	Zbtb34	chr2	33406109	33430856	2791	40	0.014332	2698	71	0.026316	3013	73	0.024228	304	0	0	741	22	0.02969	2659	43	0.016171	2601	44	0.016917	2881	64	0.022215	543	11	0.020258	712	7	0.009831	129	9	0.069767
XM_00649 241311	Zbtb34	chr2	33406109	33431221	2791	40	0.014332	2698	71	0.026316	3013	73	0.024228	304	0	0	741	22	0.02969	2659	43	0.016171	2601	44	0.016917	2881	64	0.022215	543	11	0.020258	712	7	0.009831	129	9	0.069767
XM_00649 241391	Galnt5	chr2	57997850	58041027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 241391	Galnt5	chr2	57997878	58041027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 26360	Angptl2	chr2	33215951	33247725	284	177	0.623239	293	195	0.665529	289	186	0.643599	81	59	0.728395	140	94	0.671429	435	324	0.744828	267	215	0.805243	363	224	0.61708	99	31	0.313131	127	88	0.692913	28	22	0.785714
XM_00649 263803	Pkn3	chr2	30078197	30091023	1692	192	0.113475	1811	227	0.125345	1878	292	0.155485	321	90	0.280374	426	129	0.302817	1803	185	0.102607	1883	207	0.109931	2103	208	0.098906	431	68	0.157773	701	104	0.148359	108	18	0.166667
XM_00649 263803	Pkn3	chr2	30077555	30091023	1535	112	0.072964	1667	134	0.080384	1690	184	0.108876	261	53	0.203065	326	64	0.196319	1607	119	0.074051	1737	113	0.065055	1948	136	0.069815	364	27	0.074176	598	48	0.080268	108	18	0.166667
XM_00649 263803	Pkn3	chr2	30078413	30091023	1692	192	0.113475	1811	227	0.125345	1878	292	0.155485	321	90	0.280374	426	129	0.302817	1803	185	0.102607	1883	207	0.109931	2103	208	0.098906	431	68	0.157773	701	104	0.148359	108	18	0.166667
XM_00649 26428	Orc4	chr2	48902874	48950096	759	1	0.001318	702	7	0.009972	691	3	0.004342	#N/A	#N/A	#N/A	161	0	0	795	3	0.003774	698	5	0.007163	654	2	0.003058	147	0	0	148	1	0.006757	99	0	0
XM_00649 26428	Orc4	chr2	48902824	48949288	1225	6	0.004898	1142	10	0.008757	1187	6	0.005055	97	2	0.020619	382	0	0	1313	9	0.006855	1121	6	0.005352	1088	2	0.001838	361	1	0.00277	361	1	0.00277	239	0	0
XM_00649 26428	Orc4	chr2	48902824	48949427	1225	6	0.004898	1142	10	0.008757	1187	6	0.005055	97	2	0.020619	382	0	0	1313	9	0.006855	1121	6	0.005352	1088	2	0.001838	361	1	0.00277	361	1	0.00277	239	0	0
XM_00649 26920	Cntrl	chr2	35109480	35178814	2272	13	0.005722	2221	10	0.004502	2308	18	0.007799	384	1	0.002604	682	1	0.001466	2303	14	0.006079	2302	26	0.011295	2194	11	0.005014	311	0	0	698	3	0.004298	187	0	0
XM_00649 26920	Cntrl	chr2	35132038	35178822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 26920	Cntrl	chr2	35132038	35178822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 26920	Cntrl	chr2	35132038	35178822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 26920	Cntrl	chr2	35109476	35160572	2272	13	0.005722	2221	10	0.004502	2308	18	0.007799	384	1	0.002604	682	1	0.001466	2303	14	0.006079	2302	26	0.011295	2194	11	0.005014	311	0	0	698	3	0.004298	187	0	0
XM_00649 26920	Cntrl	chr2	35109476	35160241	2272	13	0.005722	2221	10	0.004502	2308	18	0.007799	384	1	0.002604	682	1	0.001466	2303	14	0.006079	2302	26	0.011295	2194	11	0.005014	311	0	0	698	3	0.004298	187	0	0
XM_00649 269252	Gtf3c4	chr2	28822299	28840341	2848	14	0.004916	2410	16	0.006639	2726	12	0.004402	434	3	0.006912	947	7	0.007392	3424	27	0.007886	3058	30	0.00981	2803	17	0.006065	650	6	0.009231	1042	1	0.00096	223	1	0.004484
XM_00649 269254	Setx	chr2	29124982	29182471	2149	66	0.030712	1440	65	0.045139	2014	70	0.034757	413	34	0.082324	658	54	0.082067	1939	65	0.033522	1801	33	0.018323	1603	45	0.028072	535	3	0.005607	647	14	0.021638	110	0	0

XM_00649 76117	Arhgap15	chr2	43748798	44248964	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545
XM_00649 76117	Arhgap15	chr2	44173235	44387623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 76654	Upp2	chr2	58567510	58791404	8589	54	0.006287	8300	48	0.005783	8679	71	0.008181	1034	3	0.002901	2556	15	0.005869	7941	55	0.006926	7912	55	0.006951	8817	53	0.006011	1756	3	0.001708	2312	4	0.00173	364	0	0
XM_00649 76654	Upp2	chr2	58567199	58791404	8589	54	0.006287	8300	48	0.005783	8679	71	0.008181	1034	3	0.002901	2556	15	0.005869	7941	55	0.006926	7912	55	0.006951	8817	53	0.006011	1756	3	0.001708	2312	4	0.00173	364	0	0
XM_00649 76654	Upp2	chr2	58754902	58791404	28	17	0.607143	20	20	1	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	40	0.784314	37	32	0.864865	33	25	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 76654	Upp2	chr2	58754968	58791404	28	17	0.607143	20	20	1	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	40	0.784314	37	32	0.864865	33	25	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 76857	Spopl	chr2	23507466	23572125	1651	4	0.002423	1335	7	0.005243	1747	10	0.005724	302	1	0.003311	770	5	0.006494	1790	9	0.005028	1702	10	0.005875	1445	15	0.010381	425	2	0.004706	733	8	0.010914	237	2	0.008439
XM_00649 76857	Spopl	chr2	23510598	23572089	1651	4	0.002423	1335	7	0.005243	1747	10	0.005724	302	1	0.003311	770	5	0.006494	1790	9	0.005028	1702	10	0.005875	1445	15	0.010381	425	2	0.004706	733	8	0.010914	237	2	0.008439
XM_00649 76857	Spopl	chr2	23515008	23572130	1651	4	0.002423	1335	7	0.005243	1747	10	0.005724	302	1	0.003311	770	5	0.006494	1790	9	0.005028	1702	10	0.005875	1445	15	0.010381	425	2	0.004706	733	8	0.010914	237	2	0.008439
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919642	4989	336	0.067348	4603	312	0.067782	4583	292	0.063714	361	9	0.024931	1486	125	0.084118	4650	300	0.064516	4045	251	0.062052	4200	280	0.066667	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919633	4976	324	0.065113	4586	298	0.06498	4564	274	0.060035	361	9	0.024931	1474	113	0.076662	4623	274	0.059269	4030	238	0.059057	4183	265	0.063352	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919633	4976	324	0.065113	4586	298	0.06498	4564	274	0.060035	361	9	0.024931	1474	113	0.076662	4623	274	0.059269	4030	238	0.059057	4183	265	0.063352	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919642	4989	336	0.067348	4603	312	0.067782	4583	292	0.063714	361	9	0.024931	1486	125	0.084118	4650	300	0.064516	4045	251	0.062052	4200	280	0.066667	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919642	4989	336	0.067348	4603	312	0.067782	4583	292	0.063714	361	9	0.024931	1486	125	0.084118	4650	300	0.064516	4045	251	0.062052	4200	280	0.066667	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919642	4989	336	0.067348	4603	312	0.067782	4583	292	0.063714	361	9	0.024931	1486	125	0.084118	4650	300	0.064516	4045	251	0.062052	4200	280	0.066667	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919642	4989	336	0.067348	4603	312	0.067782	4583	292	0.063714	361	9	0.024931	1486	125	0.084118	4650	300	0.064516	4045	251	0.062052	4200	280	0.066667	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77683	Ehmt1	chr2	24790769	24919642	4989	336	0.067348	4603	312	0.067782	4583	292	0.063714	361	9	0.024931	1486	125	0.084118	4650	300	0.064516	4045	251	0.062052	4200	280	0.066667	1555	66	0.042444	1431	155	0.108316	210	0	0
XM_00649 77794	Adamtsl2	chr2	27079336	27102796	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255425	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244819	25255425	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244819	25255425	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255426	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255426	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255423	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255425	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255413	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255425	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255425	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255509	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 78797	Ndor1	chr2	25244813	25255423	2916	34	0.01166	2690	36	0.013383	2863	29	0.010129	762	2	0.002625	1297	21	0.016191	2991	23	0.00769	2240	27	0.012054	2040	23	0.011275	1047	8	0.007641	1159	15	0.012942	490	4	0.008163
XM_00649 80908	Abo	chr2	26842496	26857104	445	355	0.797753	330	290	0.878788	492	399	0.810976	39	30	0.769231	98	81	0.826531	564	460	0.815603	577	423	0.733102	327	247	0.755352	52	34	0.653846	203	153	0.753695	11	8	0.727273
XM_00649 80908	Abo	chr2	26842496	26857098	445	355	0.797753	330	290	0.878788	492	399	0.810976	39	30	0.769231	98	81	0.826531	564	460	0.815603	577	423	0.733102	327	247	0.755352	52	34	0.653846	203	153	0.753695	11	8	0.727273
XM_00649 94217	Lrp1b	chr2	40595290	42653532	472	14	0.029661	564	14	0.024823	576	20	0.034722	65	3	0.046154	152	5	0.032895	622	40	0.064309	602	19	0.031561	540	19	0.035185	107	1	0.009346	174	13	0.074713	10	0	0
XM_00649 94217	Lrp1b	chr2	40595290	42653532	472	14	0.029661	564	14	0.024823	576	20	0.034722	65	3	0.046154	152	5	0.032895	622	40	0.064309	602	19	0.031561	540	19	0.035185	107	1	0.009346	174	13	0.074713	10	0	0
XM_00649 94217	Lrp1b	chr2	40595290	42653532	472	14	0.029661	564	14	0.024823	576	20	0.034722	65	3	0.046154	152	5	0.032895	622	40	0.064309	602	19	0.031561	540	19	0.035185	107	1	0.009346	174	13	0.074713	10	0	0
XM_00649 94217	Lrp1b	chr2	40595290	42653532	472	14	0.029661	564	14	0.024823	576	20	0.034722	65	3	0.046154	152	5	0.032895	622	40	0.064309	602	19	0.031561	540	19	0.035185	107	1	0.009346	174	13	0.074713	10	0	0
XM_00649 94217	Lrp1b	chr2	40595290	42653532	472	14	0.029661	564	14	0.024823	576	20	0.034722	65	3	0.046154	152	5	0.032895	622	40	0.064309	602	19	0.031561	540	19	0.035185	107	1	0.009346	174	13	0.074713	10	0	0
XM_00649 94217	Lrp1b	chr2	40595290	42653532	472	14	0.029661	564	14	0.024823	576	20	0.034722	65	3	0.046154	152	5	0.032895	622	40	0.064309	602	19	0.031561	540	19	0.035185	107	1	0.009346	174	13	0.074713	10	0	0
XM_00649 98766	Ubac1	chr2	25998541	26021781	2648	18	0.006798	2730	15	0.005495	2618	16	0.006112	306	0	0	659	5	0.007587	2729	16	0.005863	2821	14	0.004963	3450	22	0.006377	696	8	0.011494	735	3	0.004082	312	2	0.00641
XM_00649 98970	Fibcd1	chr2	31813290	31846647	3501	137	0.039132	3891	118	0.030326	4038	175	0.043338	602	19	0.031561	1262	44	0.034865	3837	135	0.035184	3048	105	0.034449	3249	115	0.035396	851	43	0.050529	1146	39	0.034031	187	9	0.048128
XM_00649 98970	Fibcd1	chr2	31813290	31846964	3259	132	0.040503	3550	115	0.032394	3686	167	0.045307	602	19	0.031561	1138	42	0.036907	3573	134	0.037503	2806	98	0.034925	3084	114	0.036965	851	43	0.050529	1146	39	0.034031	187	9	0.048128
XM_00649 99011	Pomt1	chr2	32242919	32255005	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 99151	Cercam	chr2	29869129	29882833	1296	205	0.158179	1026	173	0.168616	1159	146	0.125971	150	7	0.046667	531	108	0.20339	1222	126	0.10311	1024	186	0.181641	814	121	0.148649	395	45	0.113924	281	21	0.074733	150	15	0.1
XM_00649 99151	Cercam	chr2	29845094	29882833	1734	1315	0.758362	1542	1241	0.804799	1880	1383	0.735638	336	259	0.770833	536	427	0.796642	1631	1376	0.843654	1421	1236	0.86981	1405	1245	0.886121	424	391	0.92217	688	613	0.890988	87	78	0.896552
XM_00649 99151	Cercam	chr2	29871304	29882833	876	39	0.044521	677	37	0.054653	871	40	0.045924	150	7	0.046667	257	4	0.015564	779	11	0.014121	537	51	0.094972	623	33	0.05297	275	4	0.014545	167	0	0	140	9	0.064286
XM_00649 99326	Garnl3	chr2	32986372	33131859	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	1	0.022727	48	0	0	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 99326	Garnl3	chr2	32986372	33131689	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	1	0.022727	48	0	0	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 99326	Garnl3	chr2	32986372	33130502	3049	89	0.02919	2968	124	0.041779	3220	95	0.029503	345	15	0.043478	778	36	0.046272	3107	78	0.025105	2653	78	0.029401	3076	109	0.035436	1125	23	0.020444	986	34	0.034483	217	4	0.018433
XM_00649 99326	Garnl3	chr2	32986225	33130608	3049	89	0.02919	2968	124	0.041779	3220	95	0.029503	345	15	0.043478	778	36	0.046272	3107	78	0.025105	2653	78	0.029401	3076	109	0.035436	1125	23	0.020444	986	34	0.034483	217	4	0.018433
XM_00649 99326	Garnl3	chr2	32986228	33130532	3049	89	0.02919	2968	124	0.041779	3220	95	0.029503	345	15	0.043478	778	36	0.046272	3107	78	0.025105	2653	78	0.029401	3076	109	0.035436	1125	23	0.020444	986	34	0.034483	217	4	0.018433
XM_00649 99326	Garnl3	chr2	32986225	33086794	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 99412	Golga2	chr2	32288287	32307401	741	7	0.009447	509	4	0.007859	722	8	0.01108	65	0	0	195	0	0	666	5	0.007508	655	1	0.001527	766	1	0.001305	142	0	0	266	2	0.007519	75	1	0.013333
XM_00649 433415	Gm13420	chr2	29745246	29751726	312	19	0.060897	286	24	0.083916	313	11	0.035144	66	7	0.106061	124	16	0.129032	380	37	0.097368	204	12	0.058824	234	12	0.051282	139	18	0.129496	190	5	0.026316	20	0	0
XM_00649 665700	Hmcn2	chr2	31314262	31460738	1917	245	0.127804	1505	202	0.134219	1990	254	0.127638	145	11	0.075862	504	80	0.15873	1668	282	0.169065	1809	289	0.159757	1637	153	0.093464	405	72	0.177778	731	114	0.155951	186	15	0.080645
XM_00649 665700	Hmcn2	chr2	31314261	31460738	1917	245	0.127804	1505	202	0.134219	1990	254	0.127638	145	11	0.075862	504	80	0.15873	1668	282	0.169065	1809	289	0.159757	1637	153	0.093464	405	72	0.177778	731	114	0.155951	186	15	0.080645
XM_00649 665700	Hmcn2	chr2	31314571	31460738	1779	240	0.134907	1377	187	0.135802	1923	256	0.133125	127	11	0.086614	488	80	0.163934	1557	266	0.170841	1700	289	0.17	1568	147	0.09375	384	69	0.179688	661	106	0.160363	153	7	0.045752
XM_00649 102637973	Gm34653	chr2	34826316	34839731	1793	173	0.096486	2473	214	0.086535	2097	189	0.090129	103	14	0.135922	501	69	0.137725	1574	198	0.125794	1785	144	0.080672	2159	170	0.07874	304	58	0.190789	532	59	0.110902	226	63	0.278761
XM_00649 102636769	Lcn15	chr2	25644144	25648801	18	17	0.944444	28	26	0.928571	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	22	17	0.772727	24	16	0.666667	26	19	0.730769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
XM_00649 100043757	Zfp831	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 100043757	Zfp831	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 100043757	Zfp831	chr2	1.75E+08	1.75E+08	89	61	0.685393	46	36	0.782609	58	53	0.913793	16	15	0.9375	35	26	0.742857	97	64	0.659794	76	44	0.578947	53	32	0.603774	29	16	0.551724	30	14	0.466667	15	8	0.533333
XM_00649 100043899	R3hdml	chr2	1.63E+08	1.64E+08	119	93	0.781513	68	50	0.735294	66	42	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	69	49	0.710145	128	117	0.914063	163	114	0.699387	102	73	0.715686	41	31	0.756098	74	55	0.743243	12	0	0
XM_00649 100043899	R3hdml	chr2	1.63E+08	1.64E+08	315	274	0.869841	310	262	0.845161	321	272	0.847352	54	51	0.944444	163	144	0.883436	430	371	0.862791	303	234	0.772277	401	335	0.835411	150	118	0.786667	175	160	0.914286	102	90	0.882353
XM_00649 100270744	Btbd18	chr2	84659072	84668789	583	557	0.955403	401	389	0.970075	618	602	0.97411	72	70	0.972222	210	199	0.947619	542	523	0.964945	546	532	0.974359	572	551	0.963287	243	236	0.971193	223	206	0.923767	171	164	0.959064
XM_00649 101113	Snx21	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3589	21	0.005851	2866	16	0.005583	3743	12	0.003206	514	14	0.027237	1427	30	0.021023	4190	40	0.009547	3502	18	0.00514	3614	32	0.008854	1051	32	0.030447	1572	25	0.015903	292	1	0.003425
XM_00649 101113	Snx21	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3589	21	0.005851	2866	16	0.005583	3743	12	0.003206	494	1	0.002024	1393	2	0.001436	4190	40	0.009547	3502	18	0.00514	3614	32	0.008854	1021	5	0.004897	1552	5	0.003222	292	1	0.003425
XM_00649 101113	Snx21	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3589	21	0.005851	2866	16	0.005583	3743	12	0.003206	514	14	0.027237	1427	30	0.021023	4190	40	0.009547	3502	18	0.00514	3614	32	0.008854	1051	32	0.030447	1572	25	0.015903	292	1	0.003425
XM_00649 101113	Snx21	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3644	62	0.017014	2920	63	0.021575	3809	55	0.014439	508	13	0.025591	1424	23	0.016152	4249	85	0.020005	3553	64	0.018013	3686	92	0.024959	1042	18	0.017274	1574	25	0.015883	309	16	0.05178
XM_00649 101113	Snx21	chr2	1.65E+08	1.65E+08	3747	142	0.037897	3009	136	0.045198	3931	149	0.037904	533	33	0.061914	1473	58	0.039375	4358	175	0.040156	3645	149	0.040878	3794	179	0.04718	1083	47	0.043398	1611	60	0.037244	337	40	0.118694
XM_00649 104010	Cdh22	chr2	1.65E+08	1.65E+08	5578	132	0.023664	5955	161	0.027036	5838	126	0.021583	808	30	0.037129	1559	38	0.024375	5437	148	0.027221	5401	184	0.034068	6000	210	0.035	1109	50	0.045086	2027	84	0.041441	229	7	0.030568
XM_00649 104010	Cdh22	chr2	1.65E+08	1.65E+08	837	122	0.145759	578	80	0.138408	977	175	0.17912	#N/A	#N/A	#N/A	98	19	0.193878	904	194	0.214602	679	68	0.100147	788	121	0.153553	93	17	0.182796	16	6	0.375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91950422	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91950214	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91976443	3238	182	0.056208	3282	196	0.05972	3581	164	0.045797	498	13	0.026104	1285	73	0.056809	3869	216	0.055828	3083	241	0.078171	3396	126	0.037102	809	90	0.111248	1028	54	0.052529	421	49	0.11639
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91965610	295	117	0.39661	247	134	0.54251	274	126	0.459854	60	20	0.333333	102	23	0.22549	318	152	0.477987	188	109	0.579787	187	104	0.55615	60	24	0.4	79	38	0.481013	40	22	0.55
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91976269	3238	182	0.056208	3282	196	0.05972	3581	164	0.045797	498	13	0.026104	1285	73	0.056809	3869	216	0.055828	3083	241	0.078171	3396	126	0.037102	809	90	0.111248	1028	54	0.052529	421	49	0.11639
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91963729	5177	162	0.031292	4356	152	0.034894	5194	153	0.029457	697	21	0.030129	1488	29	0.019489	5207	170	0.032648	4270	142	0.033255	4883	131	0.026828	1471	26	0.017675	2042	47	0.023017	288	23	0.079861
XM_00649 104418	Dgkz	chr2	91932823	91965610	295	117	0.39661	247	134	0.54251	274	126	0.459854	60	20	0.333333	102	23	0.22549	318	152	0.477987	188	109	0.579787	187	104	0.55615	60	24	0.4	79	38	0.481013	40	22	0.55
XM_00649 107586	Ovol2	chr2	1.44E+08	1.44E+08	6427	190	0.029563	6360	183	0.028774	6430	179	0.027838	901	34	0.037736	1683	40	0.023767	5462	181	0.033138	5334	180	0.033746	5851	282	0.048197	1291	30	0.023238	1733	68	0.039238	479	30	0.06263
XM_00649 107723	Slc12a6	chr2	1.12E+08	1.12E+08	57	23	0.403509	61	14	0.229508	68	33	0.485294	22	1	0.045455	42	10	0.238095	42	8	0.190476	38	12	0.315789	40	17	0.425	15	4	0.266667	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 108011	Ap4e1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1604	3	0.00187	1525	10	0.006557	1769	16	0.009045	286	1	0.003497	540	7	0.012963	1450	4	0.002759	1480	5	0.003378	1366	10	0.007321	500	2	0.004	294	1	0.003401	126	0	0
XM_00649 108011	Ap4e1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	36	29	0.805556	30	19	0.633333	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A	27	23	0.851852	24	20	0.833333	33	20	0.606061	27	19	0.703704	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 108011	Ap4e1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1604	3	0.00187	1525	10	0.006557	1769	16	0.009045	286	1	0.003497	540	7	0.012963	1450	4	0.002759	1480	5	0.003378	1366	10	0.007321	500	2	0.004	294	1	0.003401	126	0	0
XM_00649 108011	Ap4e1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1604	3	0.00187	1525	10	0.006557	1769	16	0.009045	286	1	0.003497	540	7	0.012963	1450	4	0.002759	1480	5	0.003378	1366	10	0.007321	500	2	0.004	294	1	0.003401	126	0	0
XM_00649 108699	Chn1	chr2	73610705	73775367	4473	54	0.012072	4913	51	0.010381	5529	89	0.016097	1171	8	0.006832	1425	18	0.012632	4948	64	0.012935	4575	37	0.008087	3682	45	0.012222	1285	17	0.01323	1447	9	0.00622	131	4	0.030534
XM_00649 108699	Chn1	chr2	73610705	73775367	4473	54	0.012072	4913	51	0.010381	5529	89	0.016097	1171	8	0.006832	1425	18	0.012632	4948	64	0.012935	4575	37	0.008087	3682	45	0.012222	1285	17	0.01323	1447	9	0.00622	131	4	0.030534
XM_00649 108699	Chn1	chr2	73610705	73637824	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	23	0.657143	10	6	0.6	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 108699	Chn1	chr2	73610705	73775246	4473	54	0.012072	4913	51	0.010381	5529	89	0.016097	1171	8	0.006832	1425	18	0.012632	4948	64	0.012935	4575	37	0.008087	3682	45	0.012222	1285	17	0.01323	1447	9	0.00622	131	4	0.030534
XM_00649 108832	Tmem74b	chr2	1.52E+08	1.52E+08	5552	93	0.016751	6304	111	0.017608	6221	141	0.022665	1047	21	0.020057	1779	36	0.020236	5569	98	0.017597	5184	139	0.026813	5731	174	0.030361	1369	25	0.018262	2301	86	0.037375	646	9	0.013932
XM_00649 108832	Tmem74b	chr2	1.52E+08	1.52E+08	5624	97	0.017248	6342	114	0.017975	6286	145	0.023067	1047	21	0.020057	1779	36	0.020236	5647	102	0.018063	5280	143	0.027083	5796	178	0.030711	1399	33	0.023588	2317	92	0.039707	686	10	0.014577
XM_00649 108832	Tmem74b	chr2	1.52E+08	1.52E+08	5552	93	0.016751	6304	111	0.017608	6221	141	0.022665	1047	21	0.020057	1779	36	0.020236	5569	98	0.017597	5184	139	0.026813	5731	174	0.030361	1369	25	0.018262	2301	86	0.037375	646	9	0.013932
XM_00649 109275	Actr5	chr2	1.59E+08	1.59E+08	3662	93	0.025396	3752	76	0.020256	4216	125	0.029649	699	55	0.078684	1323	41	0.03099	3202	22	0.006871	3260	113	0.034663	3455	79	0.022865	1103	1	0.000907	1517	58	0.038233	599	3	0.005008
XM_00649 109778	Blvra	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1550	24	0.015484	1178	5	0.004244	1554	6	0.003861	281	0	0	474	5	0.010549	1387	8	0.005768	1415	14	0.009894	1106	5	0.004521	350	2	0.005714	480	3	0.00625	152	2	0.013158
XM_00649 109778	Blvra	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1550	24	0.015484	1178	5	0.004244	1554	6	0.003861	281	0	0	474	5	0.010549	1387	8	0.005768	1415	14	0.009894	1106	5	0.004521	350	2	0.005714	480	3	0.00625	152	2	0.013158
XM_00649 109778	Blvra	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 109778	Blvra	chr2	1.27E+08	1.27E+08	1550	24	0.015484	1178	5	0.004244	1554	6	0.003861	281	0	0	474	5	0.010549	1387	8	0.005768	1415	14	0.009894	1106	5	0.004521	350	2	0.005714	480	3	0.00625	152	2	0.013158
XM_00649 110751	Adam33	chr2	1.31E+08	1.31E+08	432	159	0.368056	274	109	0.39781	369	136	0.368564	34	26	0.764706	75	40	0.533333	436	167	0.383028	457	79	0.172867	371	94	0.253369	94	52	0.553191	155	103	0.664516	42	27	0.642857
XM_00649 110876	Scn2a	chr2	65682105	65767189	27	23	0.851852	45	36	0.8	29	24	0.827586	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	31	28	0.903226	24	16	0.666667	32	23	0.71875	13	5	0.384615	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 11981	Atp9a	chr2	1.69E+08	1.69E+08	183	148	0.808743	255	218	0.854902	221	192	0.868778	48	39	0.8125	154	136	0.883117	158	140	0.886076	185	162	0.875676	193	153	0.792746	76	56	0.736842	63	48	0.761905	10	7	0.7
XM_00649 11990	Atrn	chr2	1.31E+08	1.31E+08	3763	24	0.006378	3395	27	0.007953	4108	35	0.00852	544	0	0	1190	4	0.003361	3940	18	0.004569	3757	19	0.005057	3641	22	0.006042	1123	2	0.001781	915	4	0.004372	289	0	0
XM_00649 12048	Bcl2l1	chr2	1.53E+08	1.53E+08	1971	9	0.004566	1560	3	0.001923	1860	12	0.006452	318	1	0.003145	1002	2	0.001996	2186	12	0.005489	1866	10	0.005359	2375	17	0.007158	626	3	0.004792	688	2	0.002907	313	1	0.003195
XM_00649 12048	Bcl2l1	chr2	1.53E+08	1.53E+08	70	63	0.9	109	96	0.880734	100	93	0.93	17	16	0.941176	36	32	0.888889	65	58	0.892308	67	58	0.865672	98	77	0.785714	21	16	0.761905	36	33	0.916667	10	6	0.6
XM_00649 12125	Bcl2l11	chr2	1.28E+08	1.28E+08	6976	36	0.005161	5939	48	0.008082	7059	47	0.006658	1041	2	0.001921	3121	11	0.003525	8245	52	0.006307	7253	48	0.006618	7519	39	0.005187	1910	5	0.002618	3014	11	0.00365	466	0	0
XM_00649 12125	Bcl2l11	chr2	1.28E+08	1.28E+08	6976	36	0.005161	5939	48	0.008082	7059	47	0.006658	1041	2	0.001921	3121	11	0.003525	8245	52	0.006307	7253	48	0.006618	7519	39	0.005187	1910	5	0.002618	3014	11	0.00365	466	0	0
XM_00649 12125	Bcl2l11	chr2	1.28E+08	1.28E+08	6976	36	0.005161	5939	48	0.008082	7059	47	0.006658	1041	2	0.001921	3121	11	0.003525	8245	52	0.006307	7253	48	0.006618	7519	39	0.005187	1910	5	0.002618	3014	11	0.00365	466	0	0
XM_00649 12125	Bcl2l11	chr2	1.28E+08	1.28E+08	6976	36	0.005161	5939	48	0.008082	7059	47	0.006658	1041	2	0.001921	3121	11	0.003525	8245	52	0.006307	7253	48	0.006618	7519	39	0.005187	1910	5	0.002618	3014	11	0.00365	466	0	0
XM_00649 12235	Bub1	chr2	1.28E+08	1.28E+08	777	5	0.006435	523	5	0.00956	754	9	0.011936	123	0	0	483	26	0.05383	934	1	0.001071	595	7	0.011765	477	0	0	203	0	0	208	15	0.072115	118	3	0.025424
XM_00649 12236	Bub1b	chr2	1.19E+08	1.19E+08	269	0	0	240	0	0	270	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	216	2	0.009259	216	4	0.018519	315	1	0.003175	236	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	55	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12258	Serping1	chr2	84765360	84775444	91	28	0.307692	69	11	0.15942	90	20	0.222222	48	3	0.0625	68	9	0.132353	120	45	0.375	132	21	0.159091	56	5	0.089286	48	6	0.125	44	15	0.340909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650757	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650005	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84658972	627	570	0.909091	401	389	0.970075	678	618	0.911504	72	70	0.972222	262	229	0.874046	542	523	0.964945	602	556	0.923588	624	557	0.892628	243	236	0.971193	223	206	0.923767	171	164	0.959064
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12388	Ctnnd1	chr2	84587096	84650757	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12396	Cbfa2t2	chr2	1.54E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	41	0.953488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12396	Cbfa2t2	chr2	1.54E+08	1.55E+08	2243	29	0.012929	2148	12	0.005587	2007	13	0.006477	#N/A	#N/A	#N/A	423	1	0.002364	2138	17	0.007951	2023	8	0.003955	2338	16	0.006843	755	3	0.003974	652	1	0.001534	294	1	0.003401
XM_00649 12396	Cbfa2t2	chr2	1.54E+08	1.55E+08	2243	29	0.012929	2148	12	0.005587	2007	13	0.006477	#N/A	#N/A	#N/A	423	1	0.002364	2138	17	0.007951	2023	8	0.003955	2338	16	0.006843	755	3	0.003974	652	1	0.001534	294	1	0.003401
XM_00649 12505	Cd44	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12505	Cd44	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12505	Cd44	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12505	Cd44	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12505	Cd44	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 12509	Cd59a	chr2	1.04E+08	1.04E+08	477	117	0.245283	396	44	0.111111	447	53	0.118568	38	9	0.236842	163	46	0.282209	377	100	0.265252	359	39	0.108635	412	55	0.133495	103	12	0.116505	149	21	0.14094	51	3	0.058824
XM_00649 12509	Cd59a	chr2	1.04E+08	1.04E+08	477	117	0.245283	396	44	0.111111	447	53	0.118568	38	9	0.236842	163	46	0.282209	377	100	0.265252	359	39	0.108635	412	55	0.133495	103	12	0.116505	149	21	0.14094	51	3	0.058824
XM_00649 12672	Chrm4	chr2	91922367	91929835	2904	82	0.028237	2990	93	0.031104	3395	82	0.024153	495	11	0.022222	890	25	0.02809	3151	101	0.032053	2296	89	0.038763	2769	121	0.043698	927	34	0.036677	1443	27	0.018711	397	5	0.012594
XM_00649 12716	Ckmt1	chr2	1.21E+08	1.21E+08	499	8	0.016032	336	9	0.026786	460	16	0.034783	42	1	0.02381	124	10	0.080645	561	31	0.055258	367	15	0.040872	450	16	0.035556	104	3	0.028846	83	0	0	48	3	0.0625
XM_00649 12995	Csnk2a1	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1177	10	0.008496	923	9	0.009751	805	3	0.003727	134	1	0.007463	386	3	0.007772	1126	15	0.013321	790	12	0.01519	842	5	0.005938	349	2	0.005731	356	3	0.008427	173	1	0.00578
XM_00649 13012	Cst8	chr2	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13012	Cst8	chr2	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13046	Celf1	chr2	90940364	91019497	4414	27	0.006117	3790	23	0.006069	4393	40	0.009105	744	22	0.02957	1149	2	0.001741	4906	86	0.01753	4189	58	0.013846	4469	57	0.012755	1365	4	0.00293	1583	5	0.003159	180	0	0
XM_00649 13390	Dlx1	chr2	71528113	71533981	806	56	0.069479	695	44	0.063309	800	53	0.06625	151	5	0.033113	257	14	0.054475	919	85	0.092492	802	50	0.062344	721	84	0.116505	153	10	0.065359	433	35	0.080831	55	6	0.109091
XM_00649 13427	Dync1i2	chr2	71211742	71263294	1503	8	0.005323	1143	6	0.005249	1558	9	0.005777	190	1	0.005263	446	1	0.002242	1511	4	0.002647	1206	3	0.002488	1012	8	0.007905	580	0	0	480	1	0.002083	165	0	0
XM_00649 13427	Dync1i2	chr2	71211749	71263303	1503	8	0.005323	1143	6	0.005249	1558	9	0.005777	190	1	0.005263	446	1	0.002242	1511	4	0.002647	1206	3	0.002488	1012	8	0.007905	580	0	0	480	1	0.002083	165	0	0
XM_00649 13427	Dync1i2	chr2	71211747	71263303	1503	8	0.005323	1143	6	0.005249	1558	9	0.005777	190	1	0.005263	446	1	0.002242	1511	4	0.002647	1206	3	0.002488	1012	8	0.007905	580	0	0	480	1	0.002083	165	0	0
XM_00649 13427	Dync1i2	chr2	71211744	71263294	1503	8	0.005323	1143	6	0.005249	1558	9	0.005777	190	1	0.005263	446	1	0.002242	1511	4	0.002647	1206	3	0.002488	1012	8	0.007905	580	0	0	480	1	0.002083	165	0	0
XM_00649 13427	Dync1i2	chr2	71211739	71258127	1503	8	0.005323	1143	6	0.005249	1558	9	0.005777	190	1	0.005263	446	1	0.002242	1511	4	0.002647	1206	3	0.002488	1012	8	0.007905	580	0	0	480	1	0.002083	165	0	0
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13482	Dpp4	chr2	62341669	62412312	81	24	0.296296	114	21	0.184211	96	22	0.229167	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	42	11	0.261905	105	7	0.066667	102	12	0.117647	#N/A	#N/A	#N/A	36	2	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13482	Dpp4	chr2	62342139	62412312	81	24	0.296296	114	21	0.184211	96	22	0.229167	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	42	11	0.261905	105	7	0.066667	102	12	0.117647	#N/A	#N/A	#N/A	36	2	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	33	19	0.575758	38	14	0.368421	39	22	0.564103	22	6	0.272727	30	17	0.566667	56	25	0.446429	19	10	0.526316	33	18	0.545455	26	13	0.5	15	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	286	122	0.426573	308	107	0.347403	239	69	0.288703	62	22	0.354839	132	56	0.424242	257	119	0.463035	224	83	0.370536	257	65	0.252918	92	28	0.304348	63	35	0.555556	59	21	0.355932
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	39	22	0.564103	38	21	0.552632	41	27	0.658537	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	42	7	0.166667	25	6	0.24	33	13	0.393939	20	11	0.55	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13661	Ehf	chr2	1.03E+08	1.03E+08	286	122	0.426573	308	107	0.347403	239	69	0.288703	62	22	0.354839	132	56	0.424242	257	119	0.463035	224	83	0.370536	257	65	0.252918	92	28	0.304348	63	35	0.555556	59	21	0.355932
XM_00649 13711	Elf5	chr2	1.03E+08	1.03E+08	244	159	0.651639	257	147	0.571984	173	121	0.699422	99	75	0.757576	69	39	0.565217	228	133	0.583333	252	109	0.43254	218	112	0.513761	84	56	0.666667	92	59	0.641304	66	34	0.515152

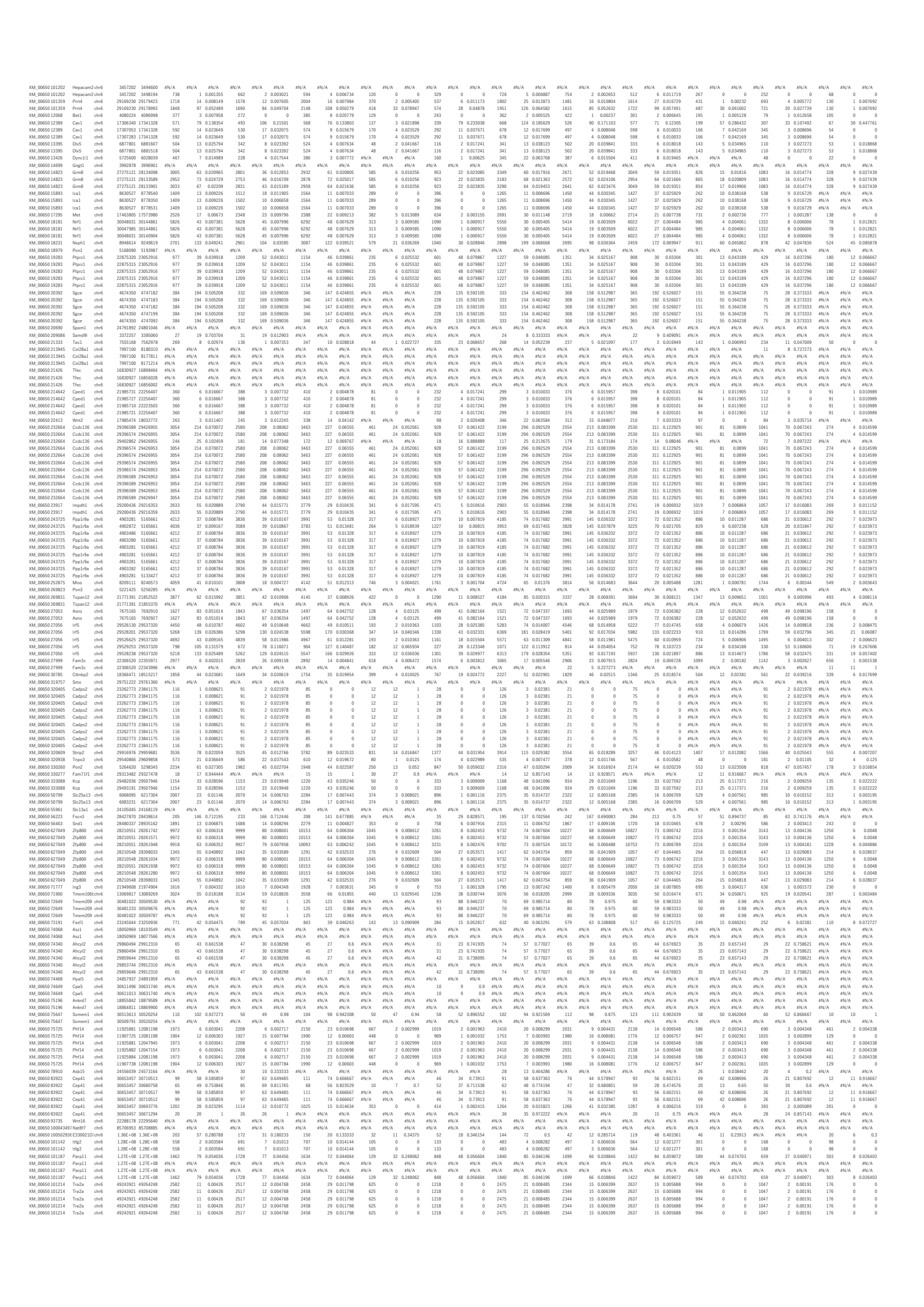
XM_00649 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	1360	14	0.010294	989	5	0.005056	1230	23	0.018699	#N/A	#N/A	#N/A	346	4	0.011561	1685	18	0.010682	1146	7	0.006108	1182	12	0.010152	409	3	0.007335	370	1	0.002703	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	357	240	0.672269	229	135	0.58952	286	170	0.594406	51	21	0.411765	163	102	0.625767	368	262	0.711957	226	159	0.70354	348	188	0.54023	83	36	0.433735	91	63	0.692308	22	3	0.136364
XM_00649 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	3434	304	0.088526	2936	385	0.131131	3389	273	0.080555	713	59	0.082749	971	90	0.092688	3540	260	0.073446	3058	230	0.075213	2897	320	0.110459	697	44	0.063128	1116	101	0.090502	169	2	0.011834
XM_00649 13828	Epb42	chr2	1.21E+08	1.21E+08	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	30	26	0.866667	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14029	Evx2	chr2	74652989	74661520	563	46	0.081705	345	26	0.075362	481	43	0.089397	40	2	0.05	203	24	0.118227	628	46	0.073248	541	37	0.068392	350	27	0.077143	126	10	0.079365	160	14	0.0875	59	10	0.169492
XM_00649 14029	Evx2	chr2	74652989	74661520	563	46	0.081705	345	26	0.075362	481	43	0.089397	40	2	0.05	203	24	0.118227	628	46	0.073248	541	37	0.068392	350	27	0.077143	126	10	0.079365	160	14	0.0875	59	10	0.169492
XM_00649 14043	Ext2	chr2	93695633	93822469	3136	46	0.014668	3264	148	0.045343	3549	126	0.035503	524	0	0	1080	78	0.072222	3258	138	0.042357	3331	120	0.036025	3265	97	0.029709	882	23	0.026077	1252	72	0.057508	352	0	0
XM_00649 14043	Ext2	chr2	93695633	93822541	3136	46	0.014668	3264	148	0.045343	3549	126	0.035503	524	0	0	1080	78	0.072222	3258	138	0.042357	3331	120	0.036025	3265	97	0.029709	882	23	0.026077	1252	72	0.057508	352	0	0
XM_00649 14043	Ext2	chr2	93695632	93820149	336	2	0.005952	260	1	0.003846	250	3	0.012	23	0	0	155	31	0.2	408	11	0.026961	245	2	0.008163	224	1	0.004464	146	0	0	146	4	0.027397	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 140476	Strc	chr2	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14049	Eya2	chr2	1.66E+08	1.66E+08	98	70	0.714286	133	99	0.744361	132	102	0.772727	24	14	0.583333	64	50	0.78125	95	73	0.768421	86	57	0.662791	86	70	0.813953	33	25	0.757576	45	28	0.622222	30	15	0.5
XM_00649 14089	Fap	chr2	62500943	62575509	73	66	0.90411	74	67	0.905405	75	62	0.826667	44	38	0.863636	13	12	0.923077	87	47	0.54023	55	38	0.690909	11	9	0.818182	12	11	0.916667	22	20	0.909091	20	18	0.9
XM_00649 14118	Fbn1	chr2	1.25E+08	1.26E+08	2581	136	0.052693	2925	166	0.056752	3545	115	0.03244	500	3	0.006	1012	138	0.136364	2740	100	0.036496	2402	97	0.040383	2615	138	0.052772	738	39	0.052846	938	49	0.052239	251	15	0.059761
XM_00649 14260	Fmn1	chr2	1.13E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
XM_00649 14391	Gabpb1	chr2	1.27E+08	1.27E+08	4326	24	0.005548	4438	24	0.005408	4242	25	0.005893	804	6	0.007463	1075	2	0.00186	4755	44	0.009253	4735	27	0.005702	4903	27	0.005507	1081	4	0.0037	1373	4	0.002913	156	0	0
XM_00649 14415	Gad1	chr2	70562803	70602014	2676	103	0.03849	2347	83	0.035364	2797	97	0.03468	431	24	0.055684	803	38	0.047323	2643	145	0.054862	2115	129	0.060993	2196	91	0.041439	645	27	0.04186	825	33	0.04	148	2	0.013514
XM_00649 14415	Gad1	chr2	70562326	70602014	1565	62	0.039617	1368	50	0.03655	1614	65	0.040273	297	16	0.053872	415	27	0.06506	1567	75	0.047862	1318	73	0.055387	1300	43	0.033077	342	20	0.05848	503	18	0.035785	148	2	0.013514
XM_00649 14601	Ghrh	chr2	1.57E+08	1.57E+08	450	305	0.677778	505	363	0.718812	492	367	0.745935	67	60	0.895522	172	110	0.639535	377	292	0.774536	536	423	0.789179	438	323	0.737443	157	105	0.66879	169	127	0.751479	72	44	0.611111
XM_00649 14683	Gnas	chr2	1.74E+08	1.74E+08	8828	1299	0.147145	8482	1068	0.125914	8854	1036	0.117009	1126	260	0.230906	2205	369	0.167347	9487	1352	0.142511	8052	1234	0.153254	8967	1126	0.125572	2105	299	0.142043	2724	424	0.155653	502	50	0.099602
XM_00649 14683	Gnas	chr2	1.74E+08	1.74E+08	2800	1338	0.477857	2638	1238	0.469295	2901	1276	0.439848	759	386	0.508564	1284	639	0.497664	2805	1307	0.465954	2553	1254	0.491187	2489	1205	0.48413	897	462	0.51505	1349	657	0.487027	464	262	0.564655
XM_00649 14683	Gnas	chr2	1.74E+08	1.74E+08	2800	1338	0.477857	2638	1238	0.469295	2901	1276	0.439848	759	386	0.508564	1284	639	0.497664	2779	1294	0.465635	2553	1254	0.491187	2489	1205	0.48413	897	462	0.51505	1349	657	0.487027	464	262	0.564655
XM_00649 14683	Gnas	chr2	1.74E+08	1.74E+08	2051	965	0.470502	2029	954	0.470182	2334	1021	0.437446	535	277	0.517757	942	479	0.508493	2086	976	0.467881	1815	907	0.499725	1841	899	0.488322	656	347	0.528963	938	451	0.48081	444	255	0.574324
XM_00649 14683	Gnas	chr2	1.74E+08	1.74E+08	1088	622	0.571691	1037	583	0.562199	1005	536	0.533333	97	21	0.216495	425	184	0.432941	913	501	0.54874	940	488	0.519149	911	492	0.540066	401	240	0.598504	405	169	0.417284	98	40	0.408163
XM_00649 14854	Gss	chr2	1.56E+08	1.56E+08	1245	4	0.003213	772	7	0.009067	901	2	0.00222	#N/A	#N/A	#N/A	359	3	0.008357	1178	9	0.00764	995	2	0.00201	1014	5	0.004931	299	1	0.003344	400	1	0.0025	60	0	0
XM_00649 14950	H13	chr2	1.53E+08	1.53E+08	163	0	0	78	0	0	128	3	0.023438	115	0	0	105	3	0.028571	247	2	0.008097	235	2	0.008511	164	2	0.012195	19	0	0	58	2	0.034483	23	0	0
XM_00649 15186	Hdc	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 15378	Hnf4a	chr2	1.64E+08	1.64E+08	688	365	0.530523	641	282	0.439938	633	199	0.314376	126	19	0.150794	242	134	0.553719	703	407	0.578947	519	242	0.466281	759	306	0.403162	163	85	0.521472	223	97	0.434978	87	31	0.356322
XM_00649 15378	Hnf4a	chr2	1.64E+08	1.64E+08	202	79	0.391089	236	53	0.224576	247	60	0.242915	56	17	0.303571	157	82	0.522293	255	141	0.552941	221	57	0.257919	245	57	0.232653	52	34	0.653846	89	57	0.640449	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 15430	Hoxd10	chr2	74684273	74695103	5701	288	0.050517	5370	210	0.039106	5748	251	0.043667	851	38	0.044653	1626	79	0.048585	5841	511	0.087485	5401	327	0.060544	4608	305	0.066189	1557	104	0.066795	1991	169	0.084882	327	30	0.091743
XM_00649 16175	Il1a	chr2	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16175	Il1a	chr2	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16176	Il1b	chr2	1.29E+08	1.29E+08	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16328	Cep250	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2369	16	0.006754	2053	19	0.009255	2275	22	0.00967	387	3	0.007752	739	5	0.006766	2197	14	0.006372	1989	18	0.00905	1987	33	0.016608	655	3	0.00458	642	11	0.017134	70	0	0
XM_00649 16328	Cep250	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2369	16	0.006754	2053	19	0.009255	2275	22	0.00967	387	3	0.007752	739	5	0.006766	2197	14	0.006372	1989	18	0.00905	1987	33	0.016608	655	3	0.00458	642	11	0.017134	70	0	0
XM_00649 16328	Cep250	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2369	16	0.006754	2053	19	0.009255	2275	22	0.00967	387	3	0.007752	739	5	0.006766	2197	14	0.006372	1989	18	0.00905	1987	33	0.016608	655	3	0.00458	642	11	0.017134	70	0	0
XM_00649 16328	Cep250	chr2	1.56E+08	1.56E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16328	Cep250	chr2	1.56E+08	1.56E+08	39	35	0.897436	46	44	0.956522	28	28	1	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	32	32	1	24	18	0.75	28	28	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16410	Itgav	chr2	83722303	83806908	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	20	18	0.9
XM_00649 16420	Itgb6	chr2	60598292	60705615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16420	Itgb6	chr2	60598292	60676061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16420	Itgb6	chr2	60598292	60673703	47	28	0.595745	90	67	0.744444	89	62	0.696629	10	6	0.6	12	2	0.166667	60	36	0.6	57	31	0.54386	111	82	0.738739	14	6	0.428571	33	24	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16420	Itgb6	chr2	60598292	60673749	47	28	0.595745	90	67	0.744444	89	62	0.696629	10	6	0.6	12	2	0.166667	60	36	0.6	57	31	0.54386	111	82	0.738739	14	6	0.428571	33	24	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 16492	Kcna4	chr2	1.07E+08	1.07E+08	413	11	0.026634	169	3	0.017751	287	11	0.038328	#N/A	#N/A	#N/A	85	4	0.047059	573	26	0.045375	436	20	0.045872	432	18	0.041667	77	2	0.025974	92	6	0.065217	58	4	0.068966
XM_00649 16558	Kif16b	chr2	1.43E+08	1.43E+08	1914	49	0.025601	1909	57	0.029859	2127	69	0.03244	309	8	0.02589	336	17	0.050595	2100	44	0.020952	2002	13	0.006494	1987	74	0.037242	416	5	0.012019	282	8	0.028369	62	4	0.064516
XM_00649 16558	Kif16b	chr2	1.43E+08	1.43E+08	1914	49	0.025601	1909	57	0.029859	2127	69	0.03244	309	8	0.02589	336	17	0.050595	2100	44	0.020952	2002	13	0.006494	1987	74	0.037242	416	5	0.012019	282	8	0.028369	62	4	0.064516
XM_00649 16558	Kif16b	chr2	1.43E+08	1.43E+08	1914	49	0.025601	1909	57	0.029859	2127	69	0.03244	309	8	0.02589	336	17	0.050595	2100	44	0.020952	2002	13	0.006494	1987	74	0.037242	416	5	0.012019	282	8	0.028369	62	4	0.064516
XM_00649 16558	Kif16b	chr2	1.43E+08	1.43E+08	1914	49	0.025601	1909	57	0.029859	2127	69	0.03244	309	8	0.02589	336	17	0.050595	2100	44	0.020952	2002	13	0.006494	1987	74	0.037242	416	5	0.012019	282	8	0.028369	62	4	0.064516
XM_00649 16558	Kif16b	chr2	1.43E+08	1.43E+08	1914	49	0.025601	1909	57	0.029859	2127	69	0.03244	309	8	0.02589	336	17	0.050595	2100	44	0.020952	2002	13	0.006494	1987	74	0.037242	416	5	0.012019	282	8	0.028369	62	4	0.064516
XM_00649 16909	Lmo2	chr2	1.04E+08	1.04E+08	1814	97	0.053473	1669	106	0.063511	1965	108	0.054962	284	35	0.123239	551	32	0.058076	1767	85	0.048104	2073	138	0.06657	2124	88	0.041431	318	30	0.09434	425	39	0.091765	128	15	0.117188
XM_00649 170442	Bbox1	chr2	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 170442	Bbox1	chr2	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 170738	Kcnh7	chr2	62693410	63184170	635	41	0.064567	957	21	0.021944	774	21	0.027132	60	2	0.033333	353	11	0.031161	604	21	0.034768	830	27	0.03253	799	29	0.036295	236	10	0.042373	344	7	0.020349	164	15	0.091463
XM_00649 170738	Kcnh7	chr2	62761897	63184170	635	41	0.064567	957	21	0.021944	774	21	0.027132	60	2	0.033333	353	11	0.031161	604	21	0.034768	830	27	0.03253	799	29	0.036295	236	10	0.042373	344	7	0.020349	164	15	0.091463
XM_00649 170738	Kcnh7	chr2	62761897	63184170	635	41	0.064567	957	21	0.021944	774	21	0.027132	60	2	0.033333	353	11	0.031161	604	21	0.034768	830	27	0.03253	799	29	0.036295	236	10	0.042373	344	7	0.020349	164	15	0.091463
XM_00649 170738	Kcnh7	chr2	62761897	63184170	635	41	0.064567	957	21	0.021944	774	21	0.027132	60	2	0.033333	353	11	0.031161	604	21	0.034768	830	27	0.03253	799	29	0.036295	236	10	0.042373	344	7	0.020349	164	15	0.091463
XM_00649 170789	Acot8	chr2	1.65E+08	1.65E+08	915	35	0.038251	753	15	0.01992	786	15	0.019084	20	20	1	237	19	0.080169	1050	41	0.039048	903	40	0.044297	698	3	0.004298	268	17	0.063433	254	0	0	92	0	0
XM_00649 170789	Acot8	chr2	1.65E+08	1.65E+08	212	191	0.900943	191	176	0.921466	203	184	0.906404	44	36	0.818182	152	140	0.921053	231	207	0.896104	199	181	0.909548	202	183	0.905941	75	61	0.813333	83	76	0.915663	46	43	0.934783
XM_00649 170791	Rbm39	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2630	10	0.003802	2443	14	0.005731	2360	14	0.005932	656	2	0.003049	1038	2	0.001927	2880	31	0.010764	2325	10	0.004301	2514	12	0.004773	865	2	0.002312	999	4	0.004004	294	2	0.006803
XM_00649 170791	Rbm39	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2630	10	0.003802	2443	14	0.005731	2360	14	0.005932	656	2	0.003049	1038	2	0.001927	2880	31	0.010764	2325	10	0.004301	2514	12	0.004773	865	2	0.002312	999	4	0.004004	294	2	0.006803
XM_00649 170791	Rbm39	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2630	10	0.003802	2443	14	0.005731	2360	14	0.005932	656	2	0.003049	1038	2	0.001927	2880	31	0.010764	2325	10	0.004301	2514	12	0.004773	865	2	0.002312	999	4	0.004004	294	2	0.006803
XM_00649 170791	Rbm39	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2630	10	0.003802	2443	14	0.005731	2360	14	0.005932	656	2	0.003049	1038	2	0.001927	2880	31	0.010764	2325	10	0.004301	2514	12	0.004773	865	2	0.002312	999	4	0.004004	294	2	0.006803
XM_00649 17151	Ccndbp1	chr2	1.21E+08	1.21E+08	1252	6	0.004792	1327	12	0.009043	1110	6	0.005405	222	0	0	709	3	0.004231	1152	9	0.007813	1255	8	0.006375	1200	17	0.014167	564	2	0.003546	684	0	0	218	1	0.004587
XM_00649 171543	Bmf	chr2	1.19E+08	1.19E+08	2207	8	0.003625	1517	6	0.003955	2062	4	0.00194	349	0	0	721	2	0.002774	2032	11	0.005413	1914	13	0.006792	2304	19	0.008247	436	0	0	689	2	0.002903	40	0	0
XM_00649 17289	Mertk	chr2	1.29E+08	1.29E+08	60	12	0.2	30	3	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	3	0.1	42	13	0.309524	36	7	0.194444	33	12	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 17395	Mmp9	chr2	1.65E+08	1.65E+08	379	134	0.353562	233	97	0.416309	399	113	0.283208	#N/A	#N/A	#N/A	32	16	0.5	368	105	0.285326	254	40	0.15748	219	66	0.30137	73	26	0.356164	100	17	0.17	40	3	0.075
XM_00649 17536	Meis2	chr2	1.16E+08	1.16E+08	3113	45	0.014456	2427	28	0.011537	2892	44	0.015214	517	3	0.005803	867	5	0.005767	3044	35	0.011498	2436	20	0.00821	2419	41	0.016949	855	15	0.017544	945	6	0.006349	283	7	0.024735
XM_00649 17536	Meis2	chr2	1.16E+08	1.16E+08	1830	31	0.01694	1323	17	0.01285	1540	36	0.023377	224	2	0.008929	393	4	0.010178	1808	29	0.01604	1213	9	0.00742	1260	33	0.02619	444	13	0.029279	444	5	0.011261	106	7	0.066038
XM_00649 17754	Map1a	chr2	1.21E+08	1.21E+08	1687	17	0.010077	1752	21	0.011986	2011	24	0.011934	285	1	0.003509	546	13	0.02381	1469	23	0.015657	1456	13	0.008929	1523	16	0.010506	276	0	0	740	27	0.036486	99	0	0
XM_00649 17865	Mybl2	chr2	1.63E+08	1.63E+08	2766	102	0.036876	2423	219	0.090384	2692	187	0.069465	187	32	0.171123	712	39	0.054775	2875	60	0.02087	2033	55	0.027054	2325	49	0.021075	670	10	0.014925	998	8	0.008016	256	9	0.035156
XM_00649 17865	Mybl2	chr2	1.63E+08	1.63E+08	2678	77	0.028753	2307	170	0.073689	2584	153	0.059211	161	19	0.118012	678	39	0.057522	2781	51	0.018339	1983	48	0.024206	2283	45	0.019711	650	7	0.010769	960	4	0.004167	256	9	0.035156
XM_00649 17865	Mybl2	chr2	1.63E+08	1.63E+08	2766	102	0.036876	2423	219	0.090384	2692	187	0.069465	187	32	0.171123	712	39	0.054775	2875	60	0.02087	2033	55	0.027054	2325	49	0.021075	670	10	0.014925	998	8	0.008016	256	9	0.035156
XM_00649 17865	Mybl2	chr2	1.63E+08	1.63E+08	2810	108	0.038434	2481	228	0.091898	2746	191	0.069556	200	34	0.17	729	39	0.053498	2922	62	0.021218	2058	55	0.026725	2346	49	0.020887	680	12	0.017647	1017	10	0.009833	256	9	0.035156
XM_00649 17868	Mybpc3	chr2	91118114	91136516	279	266	0.953405	210	197	0.938095	249	239	0.959839	72	67	0.930556	90	83	0.922222	282	256	0.907801	222	206	0.927928	286	275	0.961538	90	75	0.833333	60	54	0.9	39	36	0.923077
XM_00649 17876	Myef2	chr2	1.25E+08	1.25E+08	3315	38	0.011463	3612	37	0.010244	3795	39	0.010277	666	2	0.003003	1440	19	0.013194	3149	39	0.012385	3364	30	0.008918	3514	32	0.009106	1273	8	0.006284	1325	29	0.021887	401	2	0.004988
XM_00649 18041	Nfs1	chr2	1.56E+08	1.56E+08	2034	11	0.005408	1747	10	0.005724	1672	9	0.005383	265	0	0	1148	1	0.000871	1859	7	0.003765	1437	12	0.008351	1433	4	0.002791	501	2	0.003992	868	3	0.003456	230	0	0
XM_00649 18088	Nkx2-2	chr2	1.47E+08	1.47E+08	3601	83	0.023049	2766	66	0.023861	3747	65	0.017347	687	24	0.034934	1006	22	0.021869	3822	141	0.036892	3107	66	0.021242	2649	61	0.023028	1117	18	0.016115	1172	30	0.025597	144	2	0.013889
XM_00649 18088	Nkx2-2	chr2	1.47E+08	1.47E+08	3601	83	0.023049	2766	66	0.023861	3747	65	0.017347	687	24	0.034934	1006	22	0.021869	3822	141	0.036892	3107	66	0.021242	2649	61	0.023028	1117	18	0.016115	1172	30	0.025597	144	2	0.013889
XM_00649 18088	Nkx2-2	chr2	1.47E+08	1.47E+08	2503	48	0.019177	1977	46	0.023268	2632	45	0.017097	465	17	0.036559	807	18	0.022305	2462	107	0.043461	1942	52	0.026777	1796	43	0.023942	840	10	0.011905	843	25	0.029656	94	2	0.021277
XM_00649 18429	Oxt	chr2	1.31E+08	1.31E+08	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18503	Pax1	chr2	1.47E+08	1.47E+08	1906	72	0.037775	1884	63	0.033439	2115	57	0.02695	573	19	0.033159	804	29	0.03607	1846	77	0.041712	1561	45	0.028828	1560	46	0.029487	611	38	0.062193	698	28	0.040115	220	5	0.022727
XM_00649 18573	Pde1a	chr2	79834453	80196522	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18769	Pkig	chr2	1.64E+08	1.64E+08	2628	15	0.005708	2781	24	0.00863	2910	16	0.005498	534	4	0.007491	1209	7	0.00579	2409	5	0.002076	2448	10	0.004085	2486	13	0.005229	758	2	0.002639	1226	8	0.006525	378	1	0.002646
XM_00649 18769	Pkig	chr2	1.64E+08	1.64E+08	2628	15	0.005708	2781	24	0.00863	2910	16	0.005498	534	4	0.007491	1209	7	0.00579	2409	5	0.002076	2448	10	0.004085	2486	13	0.005229	758	2	0.002639	1226	8	0.006525	378	1	0.002646
XM_00649 18779	Pla2r1	chr2	60418565	60553326	471	74	0.157113	523	66	0.126195	477	72	0.150943	131	18	0.137405	204	45	0.220588	461	66	0.143167	453	93	0.205298	398	78	0.19598	172	46	0.267442	132	18	0.136364	96	15	0.15625
XM_00649 18795	Plcb1	chr2	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18796	Plcb2	chr2	1.19E+08	1.19E+08	133	43	0.323308	112	24	0.214286	105	31	0.295238	48	14	0.291667	58	14	0.241379	163	14	0.08589	194	75	0.386598	167	83	0.497006	12	0	0	88	19	0.215909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	6083	93	0.015289	5502	80	0.01454	5732	77	0.013433	678	15	0.022124	1721	15	0.008716	5859	63	0.010753	5523	33	0.005975	6215	71	0.011424	1000	7	0.007	1879	9	0.00479	612	4	0.006536
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	39	38	0.974359	36	36	1	39	36	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	36	34	0.944444	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	6083	93	0.015289	5502	80	0.01454	5732	77	0.013433	678	15	0.022124	1721	15	0.008716	5859	63	0.010753	5523	33	0.005975	6215	71	0.011424	1000	7	0.007	1879	9	0.00479	612	4	0.006536
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	6083	93	0.015289	5502	80	0.01454	5732	77	0.013433	678	15	0.022124	1721	15	0.008716	5859	63	0.010753	5523	33	0.005975	6215	71	0.011424	1000	7	0.007	1879	9	0.00479	612	4	0.006536
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	6083	93	0.015289	5502	80	0.01454	5732	77	0.013433	678	15	0.022124	1721	15	0.008716	5859	63	0.010753	5523	33	0.005975	6215	71	0.011424	1000	7	0.007	1879	9	0.00479	612	4	0.006536
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	6083	93	0.015289	5502	80	0.01454	5732	77	0.013433	678	15	0.022124	1721	15	0.008716	5859	63	0.010753	5523	33	0.005975	6215	71	0.011424	1000	7	0.007	1879	9	0.00479	612	4	0.006536
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	44	39	0.886364	40	36	0.9	47	43	0.914894	#N/A	#N/A	#N/A	70	60	0.857143	43	37	0.860465	11	10	0.909091	39	26	0.666667	37	28	0.756757	42	40	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	56	38	0.678571	33	23	0.69697	50	37	0.74	30	18	0.6	62	56	0.903226	55	40	0.727273	68	40	0.588235	50	35	0.7	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	56	38	0.678571	33	23	0.69697	50	37	0.74	30	18	0.6	62	56	0.903226	55	40	0.727273	68	40	0.588235	50	35	0.7	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 18798	Plcb4	chr2	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19099	Mapk8ip1	chr2	92383671	92401346	3241	193	0.05955	3288	130	0.039538	3476	198	0.056962	641	21	0.032761	924	110	0.119048	2719	163	0.059949	3096	215	0.069444	3309	222	0.06709	134	35	0.261194	1065	58	0.05446	193	3	0.015544
XM_00649 19099	Mapk8ip1	chr2	92383671	92392745	90	6	0.066667	91	5	0.054945	73	3	0.041096	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	91	3	0.032967	85	3	0.035294	82	3	0.036585	#N/A	#N/A	#N/A	13	5	0.384615	10	4	0.4
XM_00649 19124	Procr	chr2	1.56E+08	1.56E+08	96	7	0.072917	60	0	0	136	1	0.007353	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	72	1	0.013889	247	3	0.012146	188	7	0.037234	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 192201	Wfdc15b	chr2	1.64E+08	1.64E+08	98	87	0.887755	131	108	0.824427	95	83	0.873684	#N/A	#N/A	#N/A	113	96	0.849558	68	51	0.75	129	115	0.891473	80	69	0.8625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 192285	Phf21a	chr2	92183751	92363099	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_00649 192285	Phf21a	chr2	92185004	92363099	5650	53	0.009381	6630	45	0.006787	6741	38	0.005637	578	11	0.019031	1004	3	0.002988	6337	49	0.007732	6228	43	0.006904	7221	86	0.01191	1210	10	0.008264	1615	10	0.006192	354	0	0
XM_00649 192285	Phf21a	chr2	92183760	92363099	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_00649 192285	Phf21a	chr2	92183759	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_00649 192285	Phf21a	chr2	92183757	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_00649 19246	Ptpn1	chr2	1.68E+08	1.68E+08	460	270	0.586957	165	72	0.436364	228	112	0.491228	51	38	0.745098	159	87	0.54717	568	317	0.558099	424	283	0.667453	377	220	0.583554	117	47	0.401709	135	118	0.874074	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19261	Sirpa	chr2	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19262	Ptpra	chr2	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19271	Ptprj	chr2	90432889	90580694	7407	43	0.005805	7275	49	0.006735	8450	51	0.006036	1210	4	0.003306	1802	4	0.00222	8113	63	0.007765	7117	35	0.004918	8280	54	0.006522	1821	6	0.003295	2012	2	0.000994	147	0	0
XM_00649 19271	Ptprj	chr2	90432889	90479122	168	126	0.75	186	149	0.801075	208	184	0.884615	22	19	0.863636	55	43	0.781818	244	154	0.631148	154	112	0.727273	210	153	0.728571	59	44	0.745763	84	65	0.77381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19271	Ptprj	chr2	90432889	90479122	168	126	0.75	186	149	0.801075	208	184	0.884615	22	19	0.863636	55	43	0.781818	244	154	0.631148	154	112	0.727273	210	153	0.728571	59	44	0.745763	84	65	0.77381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19271	Ptprj	chr2	90432889	90479178	168	126	0.75	186	149	0.801075	208	184	0.884615	22	19	0.863636	55	43	0.781818	244	154	0.631148	154	112	0.727273	210	153	0.728571	59	44	0.745763	84	65	0.77381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19383	Raly	chr2	1.55E+08	1.55E+08	4080	21	0.005147	3740	19	0.00508	4339	23	0.005301	829	1	0.001206	1424	3	0.002107	4404	24	0.00545	4190	31	0.007399	4832	26	0.005381	966	0	0	1707	5	0.002929	304	0	0
XM_00649 19383	Raly	chr2	1.55E+08	1.55E+08	3828	21	0.005486	3635	19	0.005227	4085	23	0.00563	808	1	0.001238	1411	3	0.002126	4290	24	0.005594	4138	31	0.007492	4542	23	0.005064	868	0	0	1609	4	0.002486	293	0	0
XM_00649 19383	Raly	chr2	1.55E+08	1.55E+08	3839	21	0.00547	3635	19	0.005227	4096	23	0.005615	808	1	0.001238	1411	3	0.002126	4290	24	0.005594	4138	31	0.007492	4558	23	0.005046	881	0	0	1623	4	0.002465	293	0	0
XM_00649 19383	Raly	chr2	1.55E+08	1.55E+08	3584	20	0.00558	3430	19	0.005539	3807	20	0.005253	796	1	0.001256	1309	3	0.002292	4018	22	0.005475	3944	31	0.00786	4298	20	0.004653	826	0	0	1557	4	0.002569	293	0	0
XM_00649 19400	Rapsn	chr2	91035472	91045729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 19650	Rbl1	chr2	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	34	33	0.970588	47	40	0.851064	10	10	1	44	43	0.977273	41	38	0.926829	48	45	0.9375	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20014	Rpn2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	4505	36	0.007991	4028	39	0.009682	4536	30	0.006614	854	1	0.001171	1759	2	0.001137	4479	20	0.004465	4103	22	0.005362	4754	33	0.006942	850	1	0.001176	1571	4	0.002546	811	3	0.003699
XM_00649 20014	Rpn2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	4505	36	0.007991	4028	39	0.009682	4536	30	0.006614	854	1	0.001171	1759	2	0.001137	4479	20	0.004465	4103	22	0.005362	4754	33	0.006942	850	1	0.001176	1571	4	0.002546	811	3	0.003699
XM_00649 20017	Polr1b	chr2	1.29E+08	1.29E+08	637	8	0.012559	421	3	0.007126	476	5	0.010504	103	0	0	249	3	0.012048	496	7	0.014113	501	3	0.005988	471	3	0.006369	238	3	0.012605	230	14	0.06087	92	0	0
XM_00649 20265	Scn1a	chr2	66270781	66410148	15	0	0	14	0	0	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	15	1	0.066667	17	0	0	13	0	0	10	0	0	12	0	0
XM_00649 20265	Scn1a	chr2	66270897	66410148	15	0	0	14	0	0	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	15	1	0.066667	17	0	0	13	0	0	10	0	0	12	0	0
XM_00649 20269	Scn3a	chr2	65484473	65567591	159	137	0.861635	165	134	0.812121	117	102	0.871795	#N/A	#N/A	#N/A	57	48	0.842105	156	137	0.878205	98	88	0.897959	167	139	0.832335	22	17	0.772727	74	63	0.851351	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20274	Scn9a	chr2	66480080	66635087	392	28	0.071429	216	15	0.069444	244	18	0.07377	16	0	0	120	3	0.025	152	10	0.065789	292	4	0.013699	185	13	0.07027	64	2	0.03125	77	3	0.038961	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20274	Scn9a	chr2	66480080	66635087	392	28	0.071429	216	15	0.069444	244	18	0.07377	16	0	0	120	3	0.025	152	10	0.065789	292	4	0.013699	185	13	0.07027	64	2	0.03125	77	3	0.038961	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20274	Scn9a	chr2	66480537	66563616	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20402	Zfp106	chr2	1.21E+08	1.21E+08	41	0	0	120	0	0	142	1	0.007042	#N/A	#N/A	#N/A	48	0	0	117	1	0.008547	171	1	0.005848	141	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20402	Zfp106	chr2	1.21E+08	1.21E+08	41	0	0	120	0	0	142	1	0.007042	#N/A	#N/A	#N/A	48	0	0	117	1	0.008547	171	1	0.005848	141	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20511	Slc1a2	chr2	1.03E+08	1.03E+08	4547	119	0.026171	5122	76	0.014838	5083	85	0.016722	826	10	0.012107	1733	44	0.025389	4669	119	0.025487	4702	109	0.023182	4203	103	0.024506	1536	23	0.014974	1425	67	0.047018	462	9	0.019481
XM_00649 20612	Siglec1	chr2	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20612	Siglec1	chr2	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20612	Siglec1	chr2	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20619	Snap23	chr2	1.21E+08	1.21E+08	1072	8	0.007463	872	1	0.001147	1069	5	0.004677	230	1	0.004348	435	1	0.002299	1083	5	0.004617	855	4	0.004678	765	5	0.006536	406	2	0.004926	457	4	0.008753	194	0	0
XM_00649 20619	Snap23	chr2	1.21E+08	1.21E+08	1072	8	0.007463	872	1	0.001147	1069	5	0.004677	230	1	0.004348	435	1	0.002299	1083	5	0.004617	855	4	0.004678	765	5	0.006536	406	2	0.004926	457	4	0.008753	194	0	0
XM_00649 20619	Snap23	chr2	1.21E+08	1.21E+08	1072	8	0.007463	872	1	0.001147	1069	5	0.004677	230	1	0.004348	435	1	0.002299	1083	5	0.004617	855	4	0.004678	765	5	0.006536	406	2	0.004926	457	4	0.008753	194	0	0
XM_00649 20619	Snap23	chr2	1.21E+08	1.21E+08	1072	8	0.007463	872	1	0.001147	1069	5	0.004677	230	1	0.004348	435	1	0.002299	1083	5	0.004617	855	4	0.004678	765	5	0.006536	406	2	0.004926	457	4	0.008753	194	0	0
XM_00649 20638	Snrpb	chr2	1.3E+08	1.3E+08	2985	56	0.01876	3180	53	0.016667	3520	44	0.0125	609	1	0.001642	1344	2	0.001488	3194	64	0.020038	3005	32	0.010649	2839	58	0.02043	1026	2	0.001949	932	2	0.002146	360	2	0.005556
XM_00649 207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_00649 20732	Spint1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	2827	85	0.030067	2662	70	0.026296	3531	113	0.032002	503	11	0.021869	991	29	0.029263	3234	80	0.024737	2744	115	0.04191	2638	81	0.030705	977	34	0.0348	1139	37	0.032485	403	7	0.01737
XM_00649 20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_00649 20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	28	22	0.785714	20	17	0.85	10	9	0.9	83	69	0.831325	10	5	0.5	20	12	0.6	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_00649 20833	Ssrp1	chr2	85037191	85047109	979	4	0.004086	1096	6	0.005474	1174	14	0.011925	130	0	0	658	0	0	1200	14	0.011667	1244	9	0.007235	1311	9	0.006865	369	0	0	647	2	0.003091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 20853	Stau1	chr2	1.67E+08	1.67E+08	3203	19	0.005932	2865	16	0.005585	3343	20	0.005983	607	1	0.001647	1033	2	0.001936	3287	46	0.013995	2880	29	0.010069	3310	49	0.014804	972	3	0.003086	951	3	0.003155	135	0	0
XM_00649 20853	Stau1	chr2	1.67E+08	1.67E+08	3203	19	0.005932	2865	16	0.005585	3343	20	0.005983	607	1	0.001647	1033	2	0.001936	3287	46	0.013995	2880	29	0.010069	3310	49	0.014804	972	3	0.003086	951	3	0.003155	135	0	0
XM_00649 20878	Aurka	chr2	1.72E+08	1.72E+08	1966	17	0.008647	1552	2	0.001289	1847	8	0.004331	543	0	0	921	2	0.002172	1718	5	0.00291	1666	6	0.003601	1454	3	0.002063	670	2	0.002985	721	4	0.005548	325	0	0
XM_00649 209351	Wfdc6a	chr2	1.65E+08	1.65E+08	82	54	0.658537	60	40	0.666667	73	62	0.849315	#N/A	#N/A	#N/A	34	23	0.676471	67	39	0.58209	79	46	0.582278	65	42	0.646154	24	9	0.375	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 211499	Tmem87a	chr2	1.2E+08	1.2E+08	324	0	0	186	0	0	224	1	0.004464	114	0	0	190	0	0	348	1	0.002874	236	1	0.004237	200	0	0	52	0	0	200	0	0	48	0	0
XM_00649 212670	Catsper2	chr2	1.21E+08	1.21E+08	3681	20	0.005433	3840	27	0.007031	4212	33	0.007835	555	2	0.003604	1509	14	0.009278	3739	30	0.008024	3321	16	0.004818	3217	23	0.00715	1148	4	0.003484	1290	17	0.013178	200	0	0
XM_00649 212670	Catsper2	chr2	1.21E+08	1.21E+08	3718	20	0.005379	3864	27	0.006988	4239	33	0.007785	555	2	0.003604	1489	3	0.002015	3781	30	0.007934	3349	16	0.004778	3235	23	0.00711	1159	4	0.003451	1290	17	0.013178	200	0	0

XM_00649 212670	Catsper2	chr2	1.21E+08	1.21E+08	3718	20	0.005379	3864	27	0.006988	4239	33	0.007785	555	2	0.003604	1489	3	0.002015	3781	30	0.007934	3349	16	0.004778	3235	23	0.00711	1159	4	0.003451	1290	17	0.013178	200	0	0
XM_00649 21353	Tank	chr2	61593049	61654132	2228	15	0.006732	2303	21	0.009119	2432	14	0.005757	428	2	0.004673	654	0	0	2627	12	0.004568	2293	8	0.003489	2520	20	0.007937	483	2	0.004141	783	4	0.005109	114	0	0
XM_00649 213696	Duoxa1	chr2	1.22E+08	1.22E+08	620	103	0.166129	490	67	0.136735	539	76	0.141002	99	1	0.010101	247	44	0.178138	705	87	0.123404	659	96	0.145675	405	142	0.350617	282	33	0.117021	224	36	0.160714	60	2	0.033333
XM_00649 213696	Duoxa1	chr2	1.22E+08	1.22E+08	620	103	0.166129	490	67	0.136735	539	76	0.141002	99	1	0.010101	247	44	0.178138	705	87	0.123404	659	96	0.145675	405	142	0.350617	282	33	0.117021	224	36	0.160714	60	2	0.033333
XM_00649 213696	Duoxa1	chr2	1.22E+08	1.22E+08	620	103	0.166129	490	67	0.136735	539	76	0.141002	99	1	0.010101	247	44	0.178138	705	87	0.123404	659	96	0.145675	405	142	0.350617	282	33	0.117021	224	36	0.160714	60	2	0.033333
XM_00649 21375	Tbr1	chr2	61802863	61814114	143	56	0.391608	92	45	0.48913	148	54	0.364865	50	17	0.34	70	42	0.6	155	86	0.554839	143	84	0.587413	149	73	0.489933	81	51	0.62963	58	24	0.413793	47	22	0.468085
XM_00649 213788	Chrm5	chr2	1.12E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21407	Tcf15	chr2	1.52E+08	1.52E+08	3451	50	0.014489	3425	54	0.015766	3987	68	0.017055	770	8	0.01039	1371	17	0.0124	3636	113	0.031078	2801	53	0.018922	2710	70	0.02583	967	14	0.014478	1122	13	0.011586	291	7	0.024055
XM_00649 21420	Tfap2c	chr2	1.73E+08	1.73E+08	3845	165	0.042913	3614	157	0.043442	3733	162	0.043397	556	26	0.046763	1436	73	0.050836	3660	173	0.047268	2960	167	0.056419	2910	187	0.064261	1281	71	0.055425	1647	109	0.066181	209	13	0.062201
XM_00649 21420	Tfap2c	chr2	1.73E+08	1.73E+08	386	47	0.121762	337	28	0.083086	375	39	0.104	12	0	0	165	20	0.121212	446	45	0.100897	272	42	0.154412	210	11	0.052381	77	6	0.077922	48	9	0.1875	21	2	0.095238
XM_00649 214239	Ccdc9b	chr2	1.19E+08	1.19E+08	981	253	0.2579	813	211	0.259533	854	215	0.251756	339	148	0.436578	445	168	0.377528	1099	291	0.264786	958	182	0.189979	984	169	0.171748	272	40	0.147059	325	75	0.230769	120	24	0.2
XM_00649 214240	Disp2	chr2	1.19E+08	1.19E+08	469	45	0.095949	346	25	0.072254	433	27	0.062356	44	11	0.25	274	33	0.120438	392	23	0.058673	357	23	0.064426	288	29	0.100694	42	21	0.5	248	17	0.068548	14	10	0.714286
XM_00649 214585	Spg11	chr2	1.22E+08	1.22E+08	219	1	0.004566	178	0	0	205	0	0	80	0	0	149	0	0	239	1	0.004184	201	0	0	182	1	0.005495	107	1	0.009346	111	0	0	16	0	0
XM_00649 214593	Duox2	chr2	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	1	0.058824	40	0	0	40	0	0	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 214968	Sema6d	chr2	1.25E+08	1.25E+08	3049	35	0.011479	2793	21	0.007519	3519	34	0.009662	281	2	0.007117	1256	14	0.011146	3006	53	0.017631	2846	62	0.021785	2756	61	0.022134	924	6	0.006494	1155	7	0.006061	548	2	0.00365
XM_00649 214968	Sema6d	chr2	1.24E+08	1.25E+08	1838	54	0.02938	1748	40	0.022883	1934	38	0.019648	397	7	0.017632	881	27	0.030647	1999	167	0.083542	1964	144	0.07332	1656	122	0.073671	577	57	0.098787	901	128	0.142064	351	37	0.105413
XM_00649 214968	Sema6d	chr2	1.25E+08	1.25E+08	34	31	0.911765	38	36	0.947368	32	31	0.96875	10	9	0.9	31	30	0.967742	30	24	0.8	26	20	0.769231	27	24	0.888889	11	11	1	13	9	0.692308	23	20	0.869565
XM_00649 214968	Sema6d	chr2	1.25E+08	1.25E+08	3181	89	0.027979	2900	66	0.022759	3630	69	0.019008	314	12	0.038217	1317	39	0.029613	3160	117	0.037025	2896	94	0.032459	2808	68	0.024217	947	22	0.023231	1262	47	0.037242	548	2	0.00365
XM_00649 215280	Wipf1	chr2	73429610	73487397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 215280	Wipf1	chr2	73429610	73452705	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 215456	Gpat2	chr2	1.27E+08	1.27E+08	672	588	0.875	737	610	0.82768	654	562	0.859327	222	190	0.855856	363	321	0.884298	714	618	0.865546	557	333	0.597846	594	454	0.76431	222	157	0.707207	195	174	0.892308	137	113	0.824818
XM_00649 215456	Gpat2	chr2	1.27E+08	1.27E+08	672	588	0.875	737	610	0.82768	654	562	0.859327	222	190	0.855856	363	321	0.884298	714	618	0.865546	557	333	0.597846	594	454	0.76431	222	157	0.707207	195	174	0.892308	137	113	0.824818
XM_00649 215456	Gpat2	chr2	1.27E+08	1.27E+08	672	588	0.875	737	610	0.82768	654	562	0.859327	222	190	0.855856	363	321	0.884298	714	618	0.865546	557	333	0.597846	594	454	0.76431	222	157	0.707207	195	174	0.892308	137	113	0.824818
XM_00649 215456	Gpat2	chr2	1.27E+08	1.27E+08	672	588	0.875	737	610	0.82768	654	562	0.859327	222	190	0.855856	363	321	0.884298	714	618	0.865546	557	333	0.597846	594	454	0.76431	222	157	0.707207	195	174	0.892308	137	113	0.824818
XM_00649 215456	Gpat2	chr2	1.27E+08	1.27E+08	672	588	0.875	737	610	0.82768	654	562	0.859327	222	190	0.855856	363	321	0.884298	714	618	0.865546	557	333	0.597846	594	454	0.76431	222	157	0.707207	195	174	0.892308	137	113	0.824818
XM_00649 215653	Rassf2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	1424	64	0.044944	1406	46	0.032717	1646	34	0.020656	240	7	0.029167	584	28	0.047945	1795	70	0.038997	1280	53	0.041406	1178	63	0.05348	392	5	0.012755	659	43	0.06525	166	4	0.024096
XM_00649 215653	Rassf2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	1145	61	0.053275	1153	42	0.036427	1255	30	0.023904	175	6	0.034286	494	28	0.05668	1445	65	0.044983	1080	50	0.046296	1001	59	0.058941	282	4	0.014184	563	42	0.0746	111	4	0.036036
XM_00649 215653	Rassf2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	52	26	0.5	70	48	0.685714	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	33	18	0.545455	92	18	0.195652	44	14	0.318182	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 215653	Rassf2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	142	102	0.71831	86	73	0.848837	128	100	0.78125	14	13	0.928571	63	49	0.777778	181	97	0.535912	90	57	0.633333	89	57	0.640449	61	43	0.704918	60	27	0.45	10	4	0.4
XM_00649 215653	Rassf2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	2068	81	0.039168	2120	69	0.032547	2401	71	0.029571	457	18	0.039387	786	8	0.010178	2542	85	0.033438	1817	90	0.049532	1515	41	0.027063	672	11	0.016369	852	57	0.066901	200	8	0.04
XM_00649 21788	Tfpi	chr2	84432855	84474986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21788	Tfpi	chr2	84432855	84474986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21788	Tfpi	chr2	84440720	84475021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21788	Tfpi	chr2	84440720	84475010	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21818	Tgm3	chr2	1.3E+08	1.3E+08	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	46	28	0.608696	21	8	0.380952	#N/A	#N/A	#N/A	28	2	0.071429	50	23	0.46	30	5	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21939	Cd40	chr2	1.65E+08	1.65E+08	237	190	0.801688	165	149	0.90303	200	171	0.855	30	29	0.966667	77	68	0.883117	184	145	0.788043	183	158	0.863388	172	136	0.790698	82	70	0.853659	42	37	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 21939	Cd40	chr2	1.65E+08	1.65E+08	237	190	0.801688	165	149	0.90303	200	171	0.855	30	29	0.966667	77	68	0.883117	184	145	0.788043	183	158	0.863388	172	136	0.790698	82	70	0.853659	42	37	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 22174	Tyro3	chr2	1.2E+08	1.2E+08	5147	92	0.017874	5047	81	0.016049	4906	59	0.012026	387	13	0.033592	849	5	0.005889	4743	66	0.013915	4010	48	0.01197	4959	113	0.022787	1388	20	0.014409	1211	16	0.013212	70	0	0
XM_00649 22193	Ube2e3	chr2	78868236	78921288	3607	20	0.005545	3052	16	0.005242	3735	10	0.002677	440	3	0.006818	821	2	0.002436	4191	20	0.004772	3734	19	0.005088	3546	16	0.004512	741	2	0.002699	1248	5	0.004006	220	2	0.009091
XM_00649 22193	Ube2e3	chr2	78868446	78921288	4619	32	0.006928	4194	23	0.005484	5013	20	0.00399	480	3	0.00625	997	4	0.004012	5281	35	0.006628	4969	28	0.005635	4944	24	0.004854	1001	2	0.001998	1486	6	0.004038	220	2	0.009091
XM_00649 22222	Ubr1	chr2	1.21E+08	1.21E+08	2337	167	0.071459	2626	146	0.055598	2484	140	0.056361	561	29	0.051693	951	55	0.057834	2507	166	0.066215	2391	155	0.064826	2072	141	0.06805	583	52	0.089194	860	41	0.047674	410	28	0.068293
XM_00649 22259	Nr1h3	chr2	91184092	91195123	434	20	0.046083	430	5	0.011628	408	7	0.017157	56	3	0.053571	285	6	0.021053	581	23	0.039587	555	9	0.016216	577	11	0.019064	142	0	0	150	3	0.02	64	2	0.03125
XM_00649 22259	Nr1h3	chr2	91184092	91202829	1505	4	0.002658	1495	3	0.002007	1529	12	0.007848	284	2	0.007042	557	1	0.001795	1634	17	0.010404	1336	4	0.002994	1381	3	0.002172	664	2	0.003012	445	2	0.004494	176	0	0
XM_00649 22403	Ccn5	chr2	1.64E+08	1.64E+08	32	24	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	78	30	0.384615	62	21	0.33871	40	13	0.325	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 227937	Pkp4	chr2	59161308	59355205	5717	25	0.004373	5513	33	0.005986	5333	53	0.009938	1108	3	0.002708	1511	7	0.004633	6361	42	0.006603	5768	49	0.008495	6390	32	0.005008	1292	7	0.005418	1925	4	0.002078	578	3	0.00519
XM_00649 227937	Pkp4	chr2	59160852	59355205	5489	23	0.00419	5321	32	0.006014	5108	48	0.009397	1003	2	0.001994	1511	7	0.004633	6049	36	0.005951	5469	41	0.007497	6185	32	0.005174	1195	5	0.004184	1823	4	0.002194	567	3	0.005291
XM_00649 227937	Pkp4	chr2	59160852	59355198	5489	23	0.00419	5321	32	0.006014	5108	48	0.009397	1003	2	0.001994	1511	7	0.004633	6049	36	0.005951	5469	41	0.007497	6185	32	0.005174	1195	5	0.004184	1823	4	0.002194	567	3	0.005291
XM_00649 227937	Pkp4	chr2	59161671	59355205	5876	62	0.010551	5614	43	0.007659	5444	68	0.012491	1138	7	0.006151	1511	7	0.004633	6528	86	0.013174	5912	62	0.010487	6519	38	0.005829	1328	14	0.010542	1988	10	0.00503	617	5	0.008104
XM_00649 227937	Pkp4	chr2	59161046	59355205	5717	25	0.004373	5513	33	0.005986	5333	53	0.009938	1108	3	0.002708	1511	7	0.004633	6361	42	0.006603	5768	49	0.008495	6390	32	0.005008	1292	7	0.005418	1925	4	0.002078	578	3	0.00519
XM_00649 227937	Pkp4	chr2	59161046	59355205	5717	25	0.004373	5513	33	0.005986	5333	53	0.009938	1108	3	0.002708	1511	7	0.004633	6361	42	0.006603	5768	49	0.008495	6390	32	0.005008	1292	7	0.005418	1925	4	0.002078	578	3	0.00519
XM_00649 228005	Ppig	chr2	69722778	69754012	2511	14	0.005575	2404	18	0.007488	2428	4	0.001647	559	0	0	647	0	0	2563	16	0.006243	1992	29	0.014558	2300	8	0.003478	913	2	0.002191	889	4	0.004499	334	1	0.002994
XM_00649 228005	Ppig	chr2	69722810	69754009	2511	14	0.005575	2404	18	0.007488	2428	4	0.001647	559	0	0	647	0	0	2563	16	0.006243	1992	29	0.014558	2300	8	0.003478	913	2	0.002191	889	4	0.004499	334	1	0.002994
XM_00649 228005	Ppig	chr2	69723275	69754009	2540	17	0.006693	2436	19	0.0078	2458	4	0.001627	559	0	0	677	4	0.005908	2601	22	0.008458	2024	31	0.015316	2334	13	0.00557	925	2	0.002162	904	6	0.006637	345	2	0.005797
XM_00649 228005	Ppig	chr2	69722753	69754012	2511	14	0.005575	2404	18	0.007488	2428	4	0.001647	559	0	0	647	0	0	2563	16	0.006243	1992	29	0.014558	2300	8	0.003478	913	2	0.002191	889	4	0.004499	334	1	0.002994
XM_00649 228012	Tlk1	chr2	70712407	70825439	5353	45	0.008407	4561	14	0.00307	5719	33	0.00577	671	4	0.005961	1084	2	0.001845	6194	36	0.005812	5474	40	0.007307	5202	39	0.007497	962	1	0.00104	1233	6	0.004866	136	1	0.007353
XM_00649 228012	Tlk1	chr2	70712407	70825816	5353	45	0.008407	4561	14	0.00307	5719	33	0.00577	671	4	0.005961	1084	2	0.001845	6194	36	0.005812	5474	40	0.007307	5202	39	0.007497	962	1	0.00104	1233	6	0.004866	136	1	0.007353
XM_00649 228012	Tlk1	chr2	70712407	70825790	5353	45	0.008407	4561	14	0.00307	5719	33	0.00577	671	4	0.005961	1084	2	0.001845	6194	36	0.005812	5474	40	0.007307	5202	39	0.007497	962	1	0.00104	1233	6	0.004866	136	1	0.007353
XM_00649 228012	Tlk1	chr2	70712407	70825323	5425	45	0.008295	4618	14	0.003032	5794	33	0.005696	671	4	0.005961	1084	2	0.001845	6299	40	0.00635	5561	40	0.007193	5262	40	0.007602	962	1	0.00104	1266	6	0.004739	136	1	0.007353
XM_00649 228019	Mettl8	chr2	70976728	71056388	1072	48	0.044776	861	46	0.053426	910	58	0.063736	122	30	0.245902	347	30	0.086455	1139	69	0.060579	790	70	0.088608	917	47	0.051254	310	33	0.106452	220	19	0.086364	10	0	0
XM_00649 228071	Sestd1	chr2	77180340	77246344	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228071	Sestd1	chr2	77180340	77246344	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228139	P2rx3	chr2	84996549	85037108	979	4	0.004086	1096	6	0.005474	1174	14	0.011925	130	0	0	658	0	0	1189	7	0.005887	1244	9	0.007235	1311	9	0.006865	369	0	0	647	2	0.003091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228140	Tnks1bp1	chr2	85048013	85073045	2023	89	0.043994	1284	39	0.030374	1557	60	0.038536	372	10	0.026882	827	61	0.073761	2150	119	0.055349	1795	81	0.045125	2066	76	0.036786	524	21	0.040076	869	27	0.03107	239	31	0.129707
XM_00649 228140	Tnks1bp1	chr2	85050432	85073045	695	300	0.431655	361	183	0.506925	596	226	0.379195	41	24	0.585366	256	98	0.382813	883	284	0.321631	609	182	0.298851	635	191	0.300787	244	47	0.192623	256	76	0.296875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228140	Tnks1bp1	chr2	85048362	85073045	1985	55	0.027708	1284	39	0.030374	1557	60	0.038536	372	10	0.026882	806	41	0.050868	2122	93	0.043827	1783	71	0.039821	2056	70	0.034047	524	21	0.040076	869	27	0.03107	215	10	0.046512
XM_00649 228140	Tnks1bp1	chr2	85048013	85073045	2023	89	0.043994	1284	39	0.030374	1557	60	0.038536	372	10	0.026882	827	61	0.073761	2150	119	0.055349	1795	81	0.045125	2066	76	0.036786	524	21	0.040076	869	27	0.03107	239	31	0.129707
XM_00649 228140	Tnks1bp1	chr2	85048362	85073045	1985	55	0.027708	1284	39	0.030374	1557	60	0.038536	372	10	0.026882	806	41	0.050868	2122	93	0.043827	1783	71	0.039821	2056	70	0.034047	524	21	0.040076	869	27	0.03107	215	10	0.046512
XM_00649 228140	Tnks1bp1	chr2	85059510	85073045	168	159	0.946429	159	155	0.974843	155	151	0.974194	53	51	0.962264	83	80	0.963855	181	174	0.961326	118	112	0.949153	164	156	0.95122	16	10	0.625	71	71	1	52	47	0.903846
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91651502	91672325	1503	104	0.069195	1153	93	0.080659	1374	90	0.065502	265	49	0.184906	627	71	0.113238	1698	118	0.069494	1400	49	0.035	1446	86	0.059474	382	44	0.115183	526	41	0.077947	255	52	0.203922
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91650256	91672325	1793	36	0.020078	1372	14	0.010204	1699	28	0.01648	227	2	0.008811	772	9	0.011658	2058	50	0.024295	1679	12	0.007147	1734	28	0.016148	387	2	0.005168	569	3	0.005272	220	0	0
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91650256	91672325	1793	36	0.020078	1372	14	0.010204	1699	28	0.01648	227	2	0.008811	772	9	0.011658	2058	50	0.024295	1679	12	0.007147	1734	28	0.016148	387	2	0.005168	569	3	0.005272	220	0	0
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91650182	91672325	1793	36	0.020078	1372	14	0.010204	1699	28	0.01648	227	2	0.008811	772	9	0.011658	2058	50	0.024295	1679	12	0.007147	1734	28	0.016148	387	2	0.005168	569	3	0.005272	220	0	0
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91650128	91672325	1793	36	0.020078	1372	14	0.010204	1699	28	0.01648	227	2	0.008811	772	9	0.011658	2058	50	0.024295	1679	12	0.007147	1734	28	0.016148	387	2	0.005168	569	3	0.005272	220	0	0
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91651563	91672325	1503	104	0.069195	1153	93	0.080659	1374	90	0.065502	265	49	0.184906	627	71	0.113238	1698	118	0.069494	1400	49	0.035	1446	86	0.059474	382	44	0.115183	526	41	0.077947	255	52	0.203922
XM_00649 228359	Arhgap1	chr2	91650120	91672325	1793	36	0.020078	1372	14	0.010204	1699	28	0.01648	227	2	0.008811	772	9	0.011658	2058	50	0.024295	1679	12	0.007147	1734	28	0.016148	387	2	0.005168	569	3	0.005272	220	0	0
XM_00649 228361	Ambra1	chr2	91730158	91918849	1005	1	0.000995	981	1	0.001019	1097	10	0.009116	138	0	0	265	0	0	977	5	0.005118	541	3	0.005545	1072	7	0.00653	180	3	0.016667	152	0	0	40	0	0
XM_00649 228361	Ambra1	chr2	91730148	91918849	1005	1	0.000995	981	1	0.001019	1097	10	0.009116	138	0	0	265	0	0	977	5	0.005118	541	3	0.005545	1072	7	0.00653	180	3	0.016667	152	0	0	40	0	0
XM_00649 228366	Large2	chr2	92365046	92371086	2169	136	0.062702	1857	116	0.062466	1937	132	0.068147	314	19	0.06051	675	58	0.085926	2076	121	0.058285	1885	86	0.045623	2139	122	0.057036	394	34	0.086294	689	55	0.079826	313	33	0.105431
XM_00649 228366	Large2	chr2	92365046	92371086	2169	136	0.062702	1857	116	0.062466	1937	132	0.068147	314	19	0.06051	675	58	0.085926	2076	121	0.058285	1885	86	0.045623	2139	122	0.057036	394	34	0.086294	689	55	0.079826	313	33	0.105431
XM_00649 228421	Kif18a	chr2	1.09E+08	1.09E+08	1333	2	0.0015	1261	9	0.007137	1392	10	0.007184	439	2	0.004556	570	2	0.003509	1341	6	0.004474	1241	6	0.004835	1265	5	0.003953	350	3	0.008571	444	0	0	364	2	0.005495
XM_00649 228432	Ano3	chr2	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228432	Ano3	chr2	1.11E+08	1.11E+08	55	3	0.054545	71	3	0.042254	27	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	4	0.083333	63	2	0.031746	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228536	Bahd1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	1395	51	0.036559	1104	24	0.021739	1323	43	0.032502	297	11	0.037037	472	17	0.036017	1505	77	0.051163	1162	44	0.037866	1256	38	0.030255	444	7	0.015766	539	26	0.048237	80	0	0
XM_00649 228536	Bahd1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	1395	51	0.036559	1104	24	0.021739	1323	43	0.032502	297	11	0.037037	472	17	0.036017	1505	77	0.051163	1162	44	0.037866	1256	38	0.030255	444	7	0.015766	539	26	0.048237	80	0	0
XM_00649 228536	Bahd1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	1395	51	0.036559	1104	24	0.021739	1323	43	0.032502	297	11	0.037037	472	17	0.036017	1505	77	0.051163	1162	44	0.037866	1256	38	0.030255	444	7	0.015766	539	26	0.048237	80	0	0
XM_00649 228598	Ebf4	chr2	1.3E+08	1.3E+08	6119	112	0.018304	6030	131	0.021725	6650	119	0.017895	925	20	0.021622	1309	33	0.02521	6540	117	0.01789	5711	144	0.025214	6005	109	0.018152	963	7	0.007269	1854	79	0.042611	316	3	0.009494
XM_00649 228598	Ebf4	chr2	1.3E+08	1.3E+08	6039	78	0.012916	5954	96	0.016124	6562	88	0.013411	875	3	0.003429	1309	33	0.02521	6450	70	0.010853	5635	113	0.020053	5933	88	0.014832	941	6	0.006376	1804	54	0.029933	316	3	0.009494
XM_00649 228598	Ebf4	chr2	1.3E+08	1.3E+08	71	62	0.873239	50	47	0.94	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	67	51	0.761194	45	36	0.8	42	34	0.809524	21	7	0.333333	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
XM_00649 228608	Smox	chr2	1.31E+08	1.32E+08	4439	30	0.006758	4286	31	0.007233	4449	32	0.007193	605	1	0.001653	917	2	0.002181	4037	30	0.007431	4412	21	0.00476	4900	18	0.003673	769	6	0.007802	1380	10	0.007246	44	0	0
XM_00649 228662	Btbd3	chr2	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228730	Kiz	chr2	1.47E+08	1.47E+08	172	2	0.011628	92	1	0.01087	136	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	196	2	0.010204	184	3	0.016304	120	5	0.041667	50	0	0	92	0	0	43	0	0
XM_00649 228730	Kiz	chr2	1.47E+08	1.47E+08	172	2	0.011628	92	1	0.01087	136	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	196	2	0.010204	184	3	0.016304	120	5	0.041667	50	0	0	92	0	0	43	0	0
XM_00649 228730	Kiz	chr2	1.47E+08	1.47E+08	172	2	0.011628	92	1	0.01087	136	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	196	2	0.010204	184	3	0.016304	120	5	0.041667	50	0	0	92	0	0	43	0	0
XM_00649 228731	Nkx2-4	chr2	1.47E+08	1.47E+08	7677	285	0.037124	7238	198	0.027356	8012	204	0.025462	1346	31	0.023031	2722	77	0.028288	8171	389	0.047607	6759	262	0.038763	6260	288	0.046006	1911	70	0.03663	2860	172	0.06014	856	47	0.054907
XM_00649 228756	Cstl1	chr2	1.49E+08	1.49E+08	138	118	0.855072	139	109	0.784173	180	142	0.788889	#N/A	#N/A	#N/A	136	116	0.852941	126	107	0.849206	130	91	0.7	129	81	0.627907	64	44	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	70	41	0.585714
XM_00649 228756	Cstl1	chr2	1.49E+08	1.49E+08	138	118	0.855072	139	109	0.784173	180	142	0.788889	#N/A	#N/A	#N/A	136	116	0.852941	126	107	0.849206	130	91	0.7	129	81	0.627907	64	44	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	70	41	0.585714
XM_00649 228765	Sdcbp2	chr2	1.52E+08	1.52E+08	18	15	0.833333	13	12	0.923077	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	21	20	0.952381	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	11	9	0.818182
XM_00649 228765	Sdcbp2	chr2	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228769	Psmf1	chr2	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228770	Rspo4	chr2	1.52E+08	1.52E+08	2619	66	0.0252	2200	31	0.014091	2821	44	0.015597	572	13	0.022727	1051	17	0.016175	2479	49	0.019766	2339	23	0.009833	2417	44	0.018204	739	10	0.013532	862	24	0.027842	308	1	0.003247
XM_00649 228777	Nrsn2	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1016	101	0.099409	1047	86	0.082139	1228	119	0.096906	227	12	0.052863	287	38	0.132404	1177	223	0.189465	847	138	0.162928	1057	139	0.131504	335	53	0.158209	452	131	0.289823	89	16	0.179775
XM_00649 228777	Nrsn2	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1016	101	0.099409	1047	86	0.082139	1228	119	0.096906	227	12	0.052863	287	38	0.132404	1177	223	0.189465	847	138	0.162928	1057	139	0.131504	335	53	0.158209	452	131	0.289823	89	16	0.179775
XM_00649 228778	6820408C1	chr2	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228778	6820408C1	chr2	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228785	Mylk2	chr2	1.53E+08	1.53E+08	658	337	0.512158	495	231	0.466667	582	288	0.494845	90	30	0.333333	247	144	0.582996	761	398	0.522996	666	257	0.385886	653	299	0.457887	220	105	0.477273	182	65	0.357143	54	21	0.388889
XM_00649 228787	Xkr7	chr2	1.53E+08	1.53E+08	630	71	0.112698	486	12	0.024691	490	44	0.089796	134	5	0.037313	357	42	0.117647	490	62	0.126531	443	26	0.058691	569	36	0.063269	118	0	0	238	7	0.029412	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228787	Xkr7	chr2	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228788	Ccm2l	chr2	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	13	4	0.307692	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228788	Ccm2l	chr2	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	13	4	0.307692	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228790	Asxl1	chr2	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228802	Bpifb5	chr2	1.54E+08	1.54E+08	11	1	0.090909	25	1	0.04	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	2	0.153846	19	3	0.157895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228812	Pigu	chr2	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228829	Phf20	chr2	1.56E+08	1.56E+08	1945	12	0.00617	1186	4	0.003373	1378	4	0.002903	222	0	0	468	2	0.004274	1699	14	0.00824	1335	7	0.005243	1211	7	0.00578	515	0	0	417	1	0.002398	70	1	0.014286
XM_00649 228829	Phf20	chr2	1.56E+08	1.56E+08	1945	12	0.00617	1186	4	0.003373	1378	4	0.002903	222	0	0	468	2	0.004274	1699	14	0.00824	1335	7	0.005243	1211	7	0.00578	515	0	0	417	1	0.002398	70	1	0.014286
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	4003	100	0.024981	3922	84	0.021418	4000	102	0.0255	532	12	0.022556	1129	47	0.04163	4336	97	0.022371	3837	110	0.028668	4683	79	0.01687	787	31	0.03939	1177	11	0.009346	205	4	0.019512
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	4003	100	0.024981	3922	84	0.021418	4000	102	0.0255	532	12	0.022556	1129	47	0.04163	4336	97	0.022371	3837	110	0.028668	4683	79	0.01687	787	31	0.03939	1177	11	0.009346	205	4	0.019512
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	275	170	0.618182	263	147	0.558935	304	152	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	108	74	0.685185	274	132	0.481752	233	46	0.197425	266	77	0.289474	44	8	0.181818	98	27	0.27551	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	92	57	0.619565	49	21	0.428571	138	55	0.398551	12	8	0.666667	90	30	0.333333	126	65	0.515873	86	17	0.197674	110	22	0.2	36	9	0.25	62	17	0.274194	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	100	90	0.9	38	36	0.947368	79	71	0.898734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	88	80	0.909091	76	64	0.842105	32	31	0.96875	22	20	0.909091	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	92	57	0.619565	49	21	0.428571	138	55	0.398551	12	8	0.666667	90	30	0.333333	126	65	0.515873	86	17	0.197674	110	22	0.2	36	9	0.25	62	17	0.274194	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228836	Dlgap4	chr2	1.57E+08	1.57E+08	92	57	0.619565	49	21	0.428571	138	55	0.398551	12	8	0.666667	90	30	0.333333	126	65	0.515873	86	17	0.197674	110	22	0.2	36	9	0.25	62	17	0.274194	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228839	Tgif2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	5823	110	0.018891	5689	116	0.02039	6521	122	0.018709	890	16	0.017978	1535	16	0.010423	6739	112	0.01662	5735	90	0.015693	5374	74	0.01377	1661	22	0.013245	2295	7	0.00305	849	0	0
XM_00649 228839	Tgif2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	5833	110	0.018858	5720	116	0.02028	6574	122	0.018558	890	16	0.017978	1535	16	0.010423	6763	114	0.016856	5755	90	0.015639	5421	75	0.013835	1661	22	0.013245	2306	8	0.003469	849	0	0
XM_00649 228839	Tgif2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3223	85	0.026373	3413	84	0.024612	3567	77	0.021587	443	12	0.027088	747	12	0.016064	3748	84	0.022412	3414	77	0.022554	3150	60	0.019048	729	12	0.016461	1282	7	0.00546	426	0	0
XM_00649 228839	Tgif2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	5568	108	0.019397	5579	108	0.019358	6331	119	0.018796	890	16	0.017978	1469	14	0.00953	6455	110	0.017041	5591	88	0.01574	5215	69	0.013231	1577	22	0.013951	2184	7	0.003205	849	0	0
XM_00649 228846	D630003M	chr2	1.58E+08	1.58E+08	102	0	0	90	1	0.011111	68	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	303	5	0.016502	285	7	0.024561	124	1	0.008065	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228850	Ralgapb	chr2	1.58E+08	1.58E+08	3713	20	0.005386	3303	19	0.005752	3880	20	0.005155	682	2	0.002933	1023	4	0.00391	3895	39	0.010013	3210	33	0.01028	3674	28	0.007621	1268	4	0.003155	1305	4	0.003065	464	1	0.002155
XM_00649 228850	Ralgapb	chr2	1.58E+08	1.58E+08	3713	20	0.005386	3303	19	0.005752	3880	20	0.005155	682	2	0.002933	1023	4	0.00391	3895	39	0.010013	3210	33	0.01028	3674	28	0.007621	1268	4	0.003155	1305	4	0.003065	464	1	0.002155
XM_00649 228850	Ralgapb	chr2	1.58E+08	1.58E+08	3713	20	0.005386	3303	19	0.005752	3880	20	0.005155	682	2	0.002933	1023	4	0.00391	3895	39	0.010013	3210	33	0.01028	3674	28	0.007621	1268	4	0.003155	1305	4	0.003065	464	1	0.002155
XM_00649 228850	Ralgapb	chr2	1.58E+08	1.58E+08	3713	20	0.005386	3303	19	0.005752	3880	20	0.005155	682	2	0.002933	1023	4	0.00391	3895	39	0.010013	3210	33	0.01028	3674	28	0.007621	1268	4	0.003155	1305	4	0.003065	464	1	0.002155
XM_00649 228850	Ralgapb	chr2	1.58E+08	1.58E+08	3713	20	0.005386	3303	19	0.005752	3880	20	0.005155	682	2	0.002933	1023	4	0.00391	3895	39	0.010013	3210	33	0.01028	3674	28	0.007621	1268	4	0.003155	1305	4	0.003065	464	1	0.002155
XM_00649 228850	Ralgapb	chr2	1.58E+08	1.58E+08	3713	20	0.005386	3303	19	0.005752	3880	20	0.005155	682	2	0.002933	1023	4	0.00391	3895	39	0.010013	3210	33	0.01028	3674	28	0.007621	1268	4	0.003155	1305	4	0.003065	464	1	0.002155
XM_00649 228869	Ncoa5	chr2	1.65E+08	1.65E+08	1948	143	0.073409	1921	109	0.056741	1973	70	0.035479	178	50	0.280899	567	99	0.174603	2213	126	0.056936	1867	79	0.042314	2049	153	0.074671	396	90	0.227273	712	81	0.113764	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228875	Slc35c2	chr2	1.65E+08	1.65E+08	2007	22	0.010962	1718	27	0.015716	1880	41	0.021809	345	16	0.046377	691	22	0.031838	2159	51	0.023622	1862	23	0.012352	1775	39	0.021972	585	6	0.010256	911	14	0.015368	263	2	0.007605
XM_00649 228875	Slc35c2	chr2	1.65E+08	1.65E+08	2007	22	0.010962	1718	27	0.015716	1880	41	0.021809	345	16	0.046377	691	22	0.031838	2159	51	0.023622	1862	23	0.012352	1775	39	0.021972	585	6	0.010256	911	14	0.015368	263	2	0.007605
XM_00649 228875	Slc35c2	chr2	1.65E+08	1.65E+08	2007	22	0.010962	1718	27	0.015716	1880	41	0.021809	345	16	0.046377	691	22	0.031838	2159	51	0.023622	1862	23	0.012352	1775	39	0.021972	585	6	0.010256	911	14	0.015368	263	2	0.007605
XM_00649 228876	Zfp334	chr2	1.65E+08	1.65E+08	1003	52	0.051844	1110	53	0.047748	1059	27	0.025496	171	3	0.017544	489	39	0.079755	1148	141	0.122822	1005	72	0.071642	1033	136	0.131655	326	44	0.134969	516	38	0.073643	94	11	0.117021
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	551	230	0.417423	725	283	0.390345	713	307	0.430575	75	17	0.226667	272	117	0.430147	553	369	0.667269	509	273	0.536346	642	314	0.489097	172	81	0.47093	207	104	0.502415	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	186	30	0.16129	145	5	0.034483	180	7	0.038889	46	0	0	35	2	0.057143	251	70	0.278884	175	29	0.165714	203	15	0.073892	41	2	0.04878	142	3	0.021127	20	1	0.05
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	314	74	0.235669	284	57	0.200704	293	48	0.163823	33	4	0.121212	98	24	0.244898	323	110	0.340557	300	91	0.303333	326	66	0.202454	16	0	0	51	3	0.058824	20	0	0
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	378	50	0.132275	382	41	0.10733	341	43	0.1261	77	21	0.272727	86	15	0.174419	405	65	0.160494	270	26	0.096296	398	39	0.09799	11	0	0	35	5	0.142857	20	1	0.05
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	551	230	0.417423	725	283	0.390345	713	307	0.430575	75	17	0.226667	272	117	0.430147	553	369	0.667269	509	273	0.536346	642	314	0.489097	172	81	0.47093	207	104	0.502415	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	331	94	0.283988	253	51	0.201581	278	50	0.179856	69	25	0.362319	117	34	0.290598	338	149	0.440828	323	122	0.377709	307	74	0.241042	16	0	0	36	3	0.083333	20	0	0
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	53	24	0.45283	11	4	0.363636	10	3	0.3	36	21	0.583333	30	11	0.366667	52	43	0.826923	48	33	0.6875	19	14	0.736842	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	378	50	0.132275	382	41	0.10733	341	43	0.1261	77	21	0.272727	86	15	0.174419	405	65	0.160494	270	26	0.096296	398	39	0.09799	11	0	0	35	5	0.142857	20	1	0.05
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	331	94	0.283988	253	51	0.201581	278	50	0.179856	69	25	0.362319	117	34	0.290598	338	149	0.440828	323	122	0.377709	307	74	0.241042	16	0	0	36	3	0.083333	20	0	0
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	186	30	0.16129	145	5	0.034483	180	7	0.038889	46	0	0	35	2	0.057143	251	70	0.278884	175	29	0.165714	203	15	0.073892	41	2	0.04878	142	3	0.021127	20	1	0.05
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	394	368	0.93401	478	446	0.933054	469	449	0.957356	48	46	0.958333	220	195	0.886364	495	457	0.923232	351	321	0.91453	505	463	0.916832	107	97	0.906542	183	171	0.934426	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	331	94	0.283988	253	51	0.201581	278	50	0.179856	69	25	0.362319	117	34	0.290598	338	149	0.440828	323	122	0.377709	307	74	0.241042	16	0	0	36	3	0.083333	20	0	0
XM_00649 228880	Zmynd8	chr2	1.66E+08	1.66E+08	186	30	0.16129	145	5	0.034483	180	7	0.038889	46	0	0	35	2	0.057143	251	70	0.278884	175	29	0.165714	203	15	0.073892	41	2	0.04878	142	3	0.021127	20	1	0.05
XM_00649 228911	Tshz2	chr2	1.7E+08	1.7E+08	185	153	0.827027	147	136	0.92517	154	144	0.935065	#N/A	#N/A	#N/A	129	119	0.922481	173	150	0.867052	118	99	0.838983	151	125	0.827815	15	15	1	115	100	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A



XM_00650 329482	Dcdc5	chr2	1.06E+08	1.06E+08	148	1	0.006757	132	1	0.007576	92	2	0.021739	12	8	0.666667	12	9	0.75	135	5	0.037037	207	4	0.019324	56	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 668880	Stard9	chr2	1.21E+08	1.21E+08	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 668880	Stard9	chr2	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 668880	Stard9	chr2	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 381390	Gm14147	chr2	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	43	0.826923	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	16	0.842105	61	38	0.622951
XM_00650 381390	Gm14147	chr2	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	43	0.826923	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	16	0.842105	61	38	0.622951
XM_00650 100504221	Efcab8	chr2	1.54E+08	1.54E+08	293	274	0.935154	273	260	0.952381	338	307	0.908284	54	51	0.944444	96	88	0.916667	346	292	0.843931	311	270	0.868167	275	201	0.730909	88	68	0.772727	86	56	0.651163	47	35	0.744681
XM_00650 108115	Slco4a1	chr2	1.8E+08	1.8E+08	384	335	0.872396	331	277	0.836858	377	318	0.843501	90	78	0.866667	163	151	0.92638	430	389	0.904651	381	355	0.931759	380	333	0.876316	124	113	0.91129	173	157	0.907514	52	50	0.961538
XM_00650 11438	Chrna4	chr2	1.81E+08	1.81E+08	33	11	0.333333	36	13	0.361111	32	6	0.1875	11	2	0.181818	17	5	0.294118	32	10	0.3125	30	5	0.166667	27	10	0.37037	21	4	0.190476	30	13	0.433333	11	8	0.727273
XM_00650 12841	Col9a3	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1083	171	0.157895	1079	147	0.136237	1218	99	0.081281	141	20	0.141844	214	34	0.158879	1210	204	0.168595	1013	141	0.139191	1030	134	0.130097	327	54	0.165138	272	64	0.235294	161	25	0.15528
XM_00650 14464	Gata5	chr2	1.8E+08	1.8E+08	1647	125	0.075896	1466	102	0.069577	1876	150	0.079957	376	35	0.093085	524	32	0.061069	1909	146	0.07648	1692	107	0.063239	1725	112	0.064928	525	26	0.049524	706	66	0.093484	82	2	0.02439
XM_00650 16536	Kcnq2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	3835	43	0.011213	4145	48	0.01158	4178	51	0.012207	555	5	0.009009	869	9	0.010357	4055	85	0.020962	3143	58	0.018454	3268	62	0.018972	748	9	0.012032	836	19	0.022727	488	5	0.010246
XM_00650 16536	Kcnq2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	3835	43	0.011213	4145	48	0.01158	4178	51	0.012207	555	5	0.009009	869	9	0.010357	4055	85	0.020962	3143	58	0.018454	3268	62	0.018972	748	9	0.012032	836	19	0.022727	488	5	0.010246
XM_00650 16536	Kcnq2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	3835	43	0.011213	4145	48	0.01158	4178	51	0.012207	555	5	0.009009	869	9	0.010357	4055	85	0.020962	3143	58	0.018454	3268	62	0.018972	748	9	0.012032	836	19	0.022727	488	5	0.010246
XM_00650 16776	Lama5	chr2	1.8E+08	1.8E+08	4460	219	0.049103	3953	213	0.053883	4358	210	0.048187	165	3	0.018182	1452	119	0.081956	4618	184	0.039844	3464	131	0.037818	4049	203	0.050136	1000	52	0.052	1447	65	0.044921	154	2	0.012987
XM_00650 17932	Myt1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 17932	Myt1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 17932	Myt1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 17932	Myt1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 17932	Myt1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 18389	Oprl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 18389	Oprl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 20459	Ptk6	chr2	1.81E+08	1.81E+08	314	216	0.687898	303	185	0.610561	326	215	0.659509	101	54	0.534653	251	167	0.665339	407	253	0.621622	330	158	0.478788	264	115	0.435606	184	83	0.451087	200	111	0.555	126	58	0.460317
XM_00650 228980	Taf4	chr2	1.8E+08	1.8E+08	11124	105	0.009439	10921	71	0.006501	11904	126	0.010585	1228	3	0.002443	2100	15	0.007143	11491	108	0.009399	9998	47	0.004701	9654	76	0.007872	1943	13	0.006691	2211	9	0.004071	577	1	0.001733
XM_00650 228993	Slc17a9	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 228993	Slc17a9	chr2	1.81E+08	1.81E+08	48	33	0.6875	20	12	0.6	52	45	0.865385	10	8	0.8	26	16	0.615385	76	52	0.684211	45	28	0.622222	62	45	0.725806	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 228993	Slc17a9	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 228998	Arfgap1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2822	18	0.006378	2821	24	0.008508	2886	12	0.004158	611	5	0.008183	1124	16	0.014235	3094	28	0.00905	2817	13	0.004615	2854	20	0.007008	799	9	0.011264	1175	6	0.005106	416	2	0.004808
XM_00650 229003	Helz2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	55	8	0.145455	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	12	0.48	34	2	0.058824	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4
XM_00650 229003	Helz2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	55	8	0.145455	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	12	0.48	34	2	0.058824	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4
XM_00650 229004	Gmeb2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1249	4	0.003203	660	2	0.00303	879	22	0.025028	240	1	0.004167	434	0	0	1379	7	0.005076	1076	3	0.002788	805	7	0.008696	160	0	0	379	1	0.002639	160	0	0
XM_00650 229004	Gmeb2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1249	4	0.003203	660	2	0.00303	879	22	0.025028	240	1	0.004167	434	0	0	1379	7	0.005076	1076	3	0.002788	805	7	0.008696	160	0	0	379	1	0.002639	160	0	0
XM_00650 229004	Gmeb2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1249	4	0.003203	660	2	0.00303	879	22	0.025028	240	1	0.004167	434	0	0	1379	7	0.005076	1076	3	0.002788	805	7	0.008696	160	0	0	379	1	0.002639	160	0	0
XM_00650 229004	Gmeb2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	13	13	1	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 229004	Gmeb2	chr2	1.81E+08	1.81E+08	1249	4	0.003203	660	2	0.00303	879	22	0.025028	240	1	0.004167	434	0	0	1379	7	0.005076	1076	3	0.002788	805	7	0.008696	160	0	0	379	1	0.002639	160	0	0
XM_00650 229011	Samd10	chr2	1.82E+08	1.82E+08	3735	56	0.014993	3633	25	0.006881	3943	42	0.010652	898	12	0.013363	1650	7	0.004242	3856	35	0.009077	3218	30	0.009323	3730	23	0.006166	1436	5	0.003482	1616	4	0.002475	693	2	0.002886
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3497	19	0.005433	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1200	4	0.003333	423	3	0.007092
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3497	19	0.005433	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1200	4	0.003333	423	3	0.007092
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3497	19	0.005433	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1200	4	0.003333	423	3	0.007092
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2249	48	0.021343	2465	33	0.013387	2124	34	0.016008	539	8	0.014842	944	10	0.010593	2389	68	0.028464	1992	37	0.018574	2178	30	0.013774	753	6	0.007968	1202	10	0.008319	469	3	0.006397
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3497	19	0.005433	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1200	4	0.003333	423	3	0.007092
XM_00650 23856	Dido1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	2972	16	0.005384	2732	12	0.004392	2863	15	0.005239	563	4	0.007105	953	1	0.001049	3521	19	0.005396	2514	17	0.006762	2750	13	0.004727	955	6	0.006283	1213	4	0.003298	423	3	0.007092
XM_00650 241846	Lsm14b	chr2	1.8E+08	1.8E+08	3960	83	0.02096	3535	84	0.023762	4390	57	0.012984	578	3	0.00519	1136	28	0.024648	4167	83	0.019918	3696	73	0.019751	4089	48	0.011739	455	21	0.046154	1287	31	0.024087	256	1	0.003906
XM_00650 241846	Lsm14b	chr2	1.8E+08	1.8E+08	3960	83	0.02096	3535	84	0.023762	4390	57	0.012984	578	3	0.00519	1136	28	0.024648	4167	83	0.019918	3696	73	0.019751	4089	48	0.011739	455	21	0.046154	1287	31	0.024087	256	1	0.003906
XM_00650 245867	Pcmtd2	chr2	1.82E+08	1.82E+08	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 245867	Pcmtd2	chr2	1.82E+08	1.82E+08	34	1	0.029412	10	0	0	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	44	1	0.022727	30	0	0	26	0	0	26	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 245867	Pcmtd2	chr2	1.82E+08	1.82E+08	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 245867	Pcmtd2	chr2	1.82E+08	1.82E+08	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 245867	Pcmtd2	chr2	1.82E+08	1.82E+08	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 252966	Cables2	chr2	1.8E+08	1.8E+08	3412	39	0.01143	2834	37	0.013056	3694	46	0.012453	179	7	0.039106	587	13	0.022147	4102	33	0.008045	3019	26	0.008612	3197	30	0.009384	550	5	0.009091	894	1	0.001119	61	0	0
XM_00650 269397	Ss18l1	chr2	1.8E+08	1.8E+08	5943	26	0.004375	5521	39	0.007064	6282	35	0.005571	1028	2	0.001946	2213	6	0.002711	6432	49	0.007618	5311	28	0.005272	5948	35	0.005884	1405	5	0.003559	2327	3	0.001289	668	1	0.001497
XM_00650 269397	Ss18l1	chr2	1.8E+08	1.8E+08	670	574	0.856716	599	507	0.846411	637	557	0.874411	250	225	0.9	351	326	0.928775	696	624	0.896552	488	421	0.862705	517	459	0.887814	224	188	0.839286	329	270	0.820669	141	123	0.87234
XM_00650 269400	Rtel1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	974	53	0.054415	813	43	0.052891	833	37	0.044418	211	1	0.004739	431	20	0.046404	944	35	0.037076	820	36	0.043902	643	31	0.048212	356	2	0.005618	432	5	0.011574	112	1	0.008929
XM_00650 269400	Rtel1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	974	53	0.054415	813	43	0.052891	833	37	0.044418	211	1	0.004739	431	20	0.046404	944	35	0.037076	820	36	0.043902	643	31	0.048212	356	2	0.005618	432	5	0.011574	112	1	0.008929
XM_00650 269400	Rtel1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	974	53	0.054415	813	43	0.052891	833	37	0.044418	211	1	0.004739	431	20	0.046404	944	35	0.037076	820	36	0.043902	643	31	0.048212	356	2	0.005618	432	5	0.011574	112	1	0.008929
XM_00650 269400	Rtel1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	974	53	0.054415	813	43	0.052891	833	37	0.044418	211	1	0.004739	431	20	0.046404	944	35	0.037076	820	36	0.043902	643	31	0.048212	356	2	0.005618	432	5	0.011574	112	1	0.008929
XM_00650 269400	Rtel1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	974	53	0.054415	813	43	0.052891	833	37	0.044418	211	1	0.004739	431	20	0.046404	944	35	0.037076	820	36	0.043902	643	31	0.048212	356	2	0.005618	432	5	0.011574	112	1	0.008929
XM_00650 269401	Zfp512b	chr2	1.82E+08	1.82E+08	3957	27	0.006823	3255	24	0.007373	3661	33	0.009014	626	1	0.001597	1028	0	0	3785	27	0.007133	3203	9	0.00281	3534	22	0.006225	694	1	0.001441	779	2	0.002567	325	1	0.003077
XM_00650 269401	Zfp512b	chr2	1.82E+08	1.82E+08	3957	27	0.006823	3255	24	0.007373	3661	33	0.009014	626	1	0.001597	1028	0	0	3785	27	0.007133	3203	9	0.00281	3534	22	0.006225	694	1	0.001441	779	2	0.002567	325	1	0.003077
XM_00650 271887	Rbbp8nl	chr2	1.8E+08	1.8E+08	906	593	0.654525	892	614	0.688341	989	682	0.689585	178	116	0.651685	333	256	0.768769	983	662	0.673449	824	494	0.599515	842	517	0.614014	302	145	0.480132	314	200	0.636943	207	132	0.637681
XM_00650 277496	Lkaaear1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 277496	Lkaaear1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 277496	Lkaaear1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	118	92	0.779661	64	58	0.90625	33	23	0.69697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	54	0.9	60	28	0.466667
XM_00650 320558	Sycp2	chr2	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 329581	Birc7	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 381409	Cdh26	chr2	1.78E+08	1.78E+08	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 52856	Mtg2	chr2	1.8E+08	1.8E+08	2006	122	0.060818	1840	80	0.043478	1926	94	0.048806	321	27	0.084112	685	3	0.00438	1759	93	0.052871	2004	93	0.046407	1825	57	0.031233	314	25	0.079618	601	14	0.023295	60	0	0
XM_00650 52856	Mtg2	chr2	1.8E+08	1.8E+08	1955	72	0.036829	1787	28	0.015669	1888	58	0.03072	300	8	0.026667	685	3	0.00438	1747	79	0.04522	1972	56	0.028398	1798	35	0.019466	288	3	0.010417	591	4	0.006768	60	0	0
XM_00650 52856	Mtg2	chr2	1.8E+08	1.8E+08	2006	122	0.060818	1840	80	0.043478	1926	94	0.048806	321	27	0.084112	685	3	0.00438	1759	93	0.052871	2004	93	0.046407	1825	57	0.031233	314	25	0.079618	601	14	0.023295	60	0	0
XM_00650 52856	Mtg2	chr2	1.8E+08	1.8E+08	2006	122	0.060818	1840	80	0.043478	1926	94	0.048806	321	27	0.084112	685	3	0.00438	1759	93	0.052871	2004	93	0.046407	1825	57	0.031233	314	25	0.079618	601	14	0.023295	60	0	0
XM_00650 52856	Mtg2	chr2	1.8E+08	1.8E+08	1955	72	0.036829	1787	28	0.015669	1888	58	0.03072	300	8	0.026667	685	3	0.00438	1747	79	0.04522	1972	56	0.028398	1798	35	0.019466	288	3	0.010417	591	4	0.006768	60	0	0
XM_00650 58237	Nkain4	chr2	1.81E+08	1.81E+08	435	55	0.126437	519	48	0.092486	572	44	0.076923	150	6	0.04	188	32	0.170213	387	60	0.155039	444	40	0.09009	493	53	0.107505	155	23	0.148387	132	11	0.083333	188	15	0.079787
XM_00650 58237	Nkain4	chr2	1.81E+08	1.81E+08	435	55	0.126437	519	48	0.092486	572	44	0.076923	150	6	0.04	188	32	0.170213	387	60	0.155039	444	40	0.09009	493	53	0.107505	155	23	0.148387	132	11	0.083333	188	15	0.079787
XM_00650 66314	Tpd52l2	chr2	1.81E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 66314	Tpd52l2	chr2	1.81E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	36	29	0.805556	37	27	0.72973	31	20	0.645161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	35	0.636364	38	31	0.815789	49	40	0.816327	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	10	10	1
XM_00650 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	36	29	0.805556	37	27	0.72973	31	20	0.645161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	35	0.636364	38	31	0.815789	49	40	0.816327	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	10	10	1
XM_00650 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	36	29	0.805556	37	27	0.72973	31	20	0.645161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	35	0.636364	38	31	0.815789	49	40	0.816327	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	10	10	1
XM_00650 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2022	38	0.018793	1828	36	0.019694	1940	34	0.017526	403	1	0.002481	761	3	0.003942	2192	58	0.02646	1648	33	0.020024	2017	56	0.027764	637	4	0.006279	890	32	0.035955	294	10	0.034014
XM_00650 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	1986	9	0.004532	1791	9	0.005025	1909	14	0.007334	403	1	0.002481	761	3	0.003942	2127	20	0.009403	1610	2	0.001242	1968	16	0.00813	637	4	0.006279	861	8	0.009292	284	0	0
XM_00650 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72075	Ogfr	chr2	1.81E+08	1.81E+08	39	38	0.974359	38	37	0.973684	37	36	0.972973	#N/A	#N/A	#N/A	35	33	0.942857	42	42	1	33	31	0.939394	61	60	0.983607	11	11	1	17	17	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72147	Zbtb46	chr2	1.81E+08	1.81E+08	9224	115	0.012467	9139	118	0.012912	9783	108	0.01104	1546	14	0.009056	2320	37	0.015948	10111	166	0.016418	8272	103	0.012452	9147	147	0.016071	2323	18	0.007749	2816	27	0.009588	774	16	0.020672
XM_00650 72147	Zbtb46	chr2	1.81E+08	1.81E+08	364	323	0.887363	291	254	0.872852	306	273	0.892157	110	93	0.845455	178	162	0.910112	410	373	0.909756	298	281	0.942953	266	234	0.879699	107	86	0.803738	148	128	0.864865	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72147	Zbtb46	chr2	1.81E+08	1.81E+08	9224	115	0.012467	9139	118	0.012912	9783	108	0.01104	1546	14	0.009056	2320	37	0.015948	10111	166	0.016418	8272	103	0.012452	9147	147	0.016071	2323	18	0.007749	2816	27	0.009588	774	16	0.020672
XM_00650 72147	Zbtb46	chr2	1.81E+08	1.81E+08	9224	115	0.012467	9139	118	0.012912	9783	108	0.01104	1546	14	0.009056	2320	37	0.015948	10111	166	0.016418	8272	103	0.012452	9147	147	0.016071	2323	18	0.007749	2816	27	0.009588	774	16	0.020672
XM_00650 73368	Col20a1	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74189	Phactr3	chr2	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 101056205	Gm29797	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 18415	Hspa4l	chr3	40744500	40796103	1855	9	0.004852	1763	10	0.005672	1780	7	0.003933	214	2	0.009346	802	1	0.001247	1871	4	0.002138	1839	8	0.00435	1952	13	0.00666	637	2	0.00314	678	3	0.004425	553	1	0.001808
XM_00650 18415	Hspa4l	chr3	40744971	40790452	2333	13	0.005572	2120	10	0.004717	2165	10	0.004619	214	2	0.009346	822	1	0.001217	2157	5	0.002318	2210	10	0.004525	2357	15	0.006364	750	10	0.013333	923	3	0.00325	565	1	0.00177
XM_00650 20873	Plk4	chr3	40800313	40816883	3240	65	0.020062	2471	50	0.020235	2902	55	0.018952	60	1	0.016667	1045	30	0.028708	2990	44	0.014716	3422	41	0.011981	2925	46	0.015726	790	23	0.029114	1013	19	0.018756	576	6	0.010417
XM_00650 20873	Plk4	chr3	40800012	40816865	3240	65	0.020062	2471	50	0.020235	2902	55	0.018952	60	1	0.016667	1045	30	0.028708	2990	44	0.014716	3422	41	0.011981	2925	46	0.015726	790	23	0.029114	1013	19	0.018756	576	6	0.010417
XM_00650 26570	Slc7a11	chr3	50364936	50443720	71	2	0.028169	55	1	0.018182	37	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	100	4	0.04	76	11	0.144737	50	1	0.02	10	1	0.1	53	4	0.075472	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26570	Slc7a11	chr3	50364936	50449506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26570	Slc7a11	chr3	50364936	50499087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 269423	Abhd18	chr3	40894362	40937736	1185	3	0.002532	1104	6	0.005435	1183	9	0.007608	246	0	0	352	1	0.002841	1135	7	0.006167	1245	3	0.00241	1102	6	0.005445	468	1	0.002137	408	1	0.002451	95	0	0
XM_00650 269423	Abhd18	chr3	40905990	40937736	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 269424	Jade1	chr3	41564875	41616858	6271	49	0.007814	5931	25	0.004215	6227	40	0.006424	1372	2	0.001458	1901	8	0.004208	7308	34	0.004652	6328	38	0.006005	7224	57	0.00789	1412	4	0.002833	1855	5	0.002695	464	0	0
XM_00650 67161	Sclt1	chr3	41626717	41742040	1665	5	0.003003	1637	19	0.011607	1920	6	0.003125	281	2	0.007117	887	2	0.002255	1621	14	0.008637	1407	3	0.002132	1746	8	0.004582	460	0	0	628	6	0.009554	402	0	0
XM_00650 67161	Sclt1	chr3	41631657	41742551	1665	5	0.003003	1637	19	0.011607	1920	6	0.003125	281	2	0.007117	887	2	0.002255	1621	14	0.008637	1407	3	0.002132	1746	8	0.004582	460	0	0	628	6	0.009554	402	0	0
XM_00650 72175	Mfsd8	chr3	40818112	40846731	1140	9	0.007895	1224	7	0.005719	1136	7	0.006162	302	0	0	424	2	0.004717	1092	5	0.004579	1164	6	0.005155	1242	24	0.019324	304	1	0.003289	349	1	0.002865	120	1	0.008333
XM_00650 73173	Pcdh18	chr3	49743291	49757383	1737	28	0.01612	1392	22	0.015805	1731	18	0.010399	319	2	0.00627	963	12	0.012461	1853	53	0.028602	1495	53	0.035452	1408	29	0.020597	483	3	0.006211	593	18	0.030354	334	19	0.056886
XM_00650 100043456	Gm10681	chr3	98552542	98563879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 100125586	Vmn2r2	chr3	64115730	64140629	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 107869	Cth	chr3	1.58E+08	1.58E+08	171	3	0.017544	197	2	0.010152	169	1	0.005917	#N/A	#N/A	#N/A	95	5	0.052632	177	6	0.033898	102	0	0	165	2	0.012121	60	1	0.016667	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	3868	28	0.007239	3646	35	0.0096	4172	25	0.005992	847	5	0.005903	1293	5	0.003867	4621	37	0.008007	4109	37	0.009005	4187	25	0.005971	1193	2	0.001676	1418	2	0.00141	519	2	0.003854
XM_00650 108058	Camk2d	chr3	1.27E+08	1.27E+08	22	18	0.818182	25	20	0.8	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	29	19	0.655172	19	14	0.736842	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 108097	Prkab2	chr3	97658217	97673812	2661	15	0.005637	2559	18	0.007034	2770	14	0.005054	490	0	0	1148	3	0.002613	2880	14	0.004861	3064	19	0.006201	3210	15	0.004673	687	7	0.010189	1013	1	0.000987	451	0	0
XM_00650 108097	Prkab2	chr3	97658506	97673812	2687	35	0.013026	2591	39	0.015052	2809	44	0.015664	490	0	0	1148	3	0.002613	2906	35	0.012044	3081	36	0.011685	3232	33	0.01021	687	7	0.010189	1013	1	0.000987	469	13	0.027719
XM_00650 108943	Trmt10a	chr3	1.38E+08	1.38E+08	2610	13	0.004981	2255	15	0.006652	2611	9	0.003447	875	2	0.002286	1279	6	0.004691	2789	11	0.003944	2452	9	0.00367	2141	5	0.002335	944	1	0.001059	1251	4	0.003197	500	3	0.006
XM_00650 108943	Trmt10a	chr3	1.38E+08	1.38E+08	2610	13	0.004981	2255	15	0.006652	2611	9	0.003447	875	2	0.002286	1279	6	0.004691	2789	11	0.003944	2452	9	0.00367	2141	5	0.002335	944	1	0.001059	1251	4	0.003197	500	3	0.006
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	9222	73	0.007916	8316	55	0.006614	8624	74	0.008581	1538	8	0.005202	2230	6	0.002691	8806	68	0.007722	9701	69	0.007113	9949	85	0.008544	1882	7	0.003719	2457	9	0.003663	338	0	0
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	9222	73	0.007916	8316	55	0.006614	8624	74	0.008581	1538	8	0.005202	2230	6	0.002691	8806	68	0.007722	9701	69	0.007113	9949	85	0.008544	1882	7	0.003719	2457	9	0.003663	338	0	0
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	8932	83	0.009292	8183	92	0.011243	8405	109	0.012968	1498	3	0.002003	2183	32	0.014659	8451	100	0.011833	9474	57	0.006016	9753	115	0.011791	1817	39	0.021464	2409	43	0.01785	348	10	0.028736
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	8932	83	0.009292	8183	92	0.011243	8405	109	0.012968	1498	3	0.002003	2183	32	0.014659	8451	100	0.011833	9474	57	0.006016	9753	115	0.011791	1817	39	0.021464	2409	43	0.01785	348	10	0.028736
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	8932	83	0.009292	8183	92	0.011243	8405	109	0.012968	1498	3	0.002003	2183	32	0.014659	8451	100	0.011833	9474	57	0.006016	9753	115	0.011791	1817	39	0.021464	2409	43	0.01785	348	10	0.028736
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	8932	83	0.009292	8183	92	0.011243	8405	109	0.012968	1498	3	0.002003	2183	32	0.014659	8451	100	0.011833	9474	57	0.006016	9753	115	0.011791	1817	39	0.021464	2409	43	0.01785	348	10	0.028736
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	8962	83	0.009261	8211	92	0.011204	8426	109	0.012936	1508	3	0.001989	2194	32	0.014585	8502	101	0.01188	9497	57	0.006002	9775	115	0.011765	1836	39	0.021242	2422	43	0.017754	348	10	0.028736
XM_00650 108946	Zzz3	chr3	1.52E+08	1.52E+08	8932	83	0.009292	8183	92	0.011243	8405	109	0.012968	1498	3	0.002003	2183	32	0.014659	8451	100	0.011833	9474	57	0.006016	9753	115	0.011791	1817	39	0.021464	2409	43	0.01785	348	10	0.028736
XM_00650 109245	Lrrc39	chr3	1.17E+08	1.17E+08	224	207	0.924107	160	152	0.95	170	161	0.947059	60	56	0.933333	173	163	0.942197	142	128	0.901408	139	128	0.920863	70	61	0.871429	100	92	0.92	64	61	0.953125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109245	Lrrc39	chr3	1.17E+08	1.17E+08	224	207	0.924107	160	152	0.95	170	161	0.947059	60	56	0.933333	173	163	0.942197	142	128	0.901408	139	128	0.920863	70	61	0.871429	100	92	0.92	64	61	0.953125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109674	Ampd2	chr3	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109674	Ampd2	chr3	1.08E+08	1.08E+08	2277	17	0.007466	2252	14	0.006217	2495	6	0.002405	433	3	0.006928	794	10	0.012594	2529	16	0.006327	2060	19	0.009223	2427	17	0.007005	424	4	0.009434	922	6	0.006508	291	2	0.006873
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	995	12	0.01206	860	9	0.010465	921	3	0.003257	158	6	0.037975	461	23	0.049892	1224	12	0.009804	930	23	0.024731	931	8	0.008593	268	3	0.011194	391	0	0	262	1	0.003817
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.28E+08	178	116	0.651685	159	118	0.742138	179	126	0.703911	39	18	0.461538	78	46	0.589744	182	132	0.725275	168	71	0.422619	137	79	0.576642	94	45	0.478723	60	40	0.666667	36	11	0.305556
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 109905	Rap1a	chr3	1.06E+08	1.06E+08	4190	22	0.005251	3789	47	0.012404	4450	42	0.009438	799	20	0.025031	1560	16	0.010256	5494	30	0.005461	4334	30	0.006922	4091	35	0.008555	1131	1	0.000884	1447	25	0.017277	263	0	0
XM_00650 110173	Manba	chr3	1.35E+08	1.36E+08	2013	120	0.059613	2000	208	0.104	1951	146	0.074833	345	1	0.002899	890	137	0.153933	2014	100	0.049652	1705	107	0.062757	2037	161	0.079038	660	7	0.010606	652	66	0.101227	269	2	0.007435
XM_00650 11304	Abca4	chr3	1.22E+08	1.22E+08	428	126	0.294393	329	45	0.136778	386	66	0.170984	40	4	0.1	158	67	0.424051	379	155	0.408971	440	92	0.209091	429	86	0.200466	38	4	0.105263	226	48	0.212389	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 11304	Abca4	chr3	1.22E+08	1.22E+08	791	438	0.553729	764	406	0.531414	584	326	0.558219	137	53	0.386861	209	105	0.502392	555	346	0.623423	693	384	0.554113	720	402	0.558333	224	134	0.598214	197	129	0.654822	61	39	0.639344
XM_00650 114249	Npnt	chr3	1.33E+08	1.33E+08	3853	58	0.015053	4181	47	0.011241	4305	39	0.009059	601	11	0.018303	1360	24	0.017647	3933	73	0.018561	3974	113	0.028435	3375	54	0.016	1165	21	0.018026	1394	12	0.008608	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 11490	Adam15	chr3	89339640	89350027	3999	222	0.055514	3383	182	0.053798	3498	154	0.044025	423	45	0.106383	1029	52	0.050534	4079	201	0.049277	3637	182	0.050041	3713	223	0.060059	1063	29	0.027281	1154	67	0.058059	175	17	0.097143
XM_00650 11529	Adh7	chr3	1.38E+08	1.38E+08	42	27	0.642857	69	55	0.797101	50	30	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	61	36	0.590164	30	26	0.866667	34	30	0.882353	41	22	0.536585	38	31	0.815789	41	25	0.609756	20	16	0.8
XM_00650 118449	Synpo2	chr3	1.23E+08	1.23E+08	335	10	0.029851	166	2	0.012048	200	5	0.025	60	0	0	108	3	0.027778	372	15	0.040323	204	2	0.009804	216	4	0.018519	41	1	0.02439	96	4	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 11863	Arnt	chr3	95434375	95497240	256	3	0.011719	198	2	0.010101	130	0	0	39	0	0	171	3	0.017544	221	3	0.013575	165	1	0.006061	168	2	0.011905	96	1	0.010417	87	1	0.011494	23	0	0
XM_00650 11863	Arnt	chr3	95434375	95497240	256	3	0.011719	198	2	0.010101	130	0	0	39	0	0	171	3	0.017544	221	3	0.013575	165	1	0.006061	168	2	0.011905	96	1	0.010417	87	1	0.011494	23	0	0
XM_00650 11863	Arnt	chr3	95434367	95488395	256	3	0.011719	198	2	0.010101	130	0	0	39	0	0	171	3	0.017544	221	3	0.013575	165	1	0.006061	168	2	0.011905	96	1	0.010417	87	1	0.011494	23	0	0
XM_00650 12032	Bcan	chr3	87987532	88002175	81	63	0.777778	75	58	0.773333	63	51	0.809524	36	23	0.638889	32	24	0.75	99	71	0.717172	86	60	0.697674	51	38	0.745098	34	23	0.676471	24	19	0.791667	10	10	1

XM_00650 108086	Rnf216	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3455	20	0.005789	3221	14	0.004346	3493	19	0.005439	357	1	0.002801	1346	5	0.003715	3488	37	0.010608	3055	31	0.010147	3129	21	0.006711	960	1	0.001042	1536	9	0.005859	117	0	0
XM_00650 17120	Mad1l1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	2150	11	0.005116	1942	13	0.006694	2074	14	0.00675	272	1	0.003676	991	2	0.002018	2015	28	0.013896	2008	19	0.009462	1867	26	0.013926	812	11	0.013547	870	1	0.001149	162	1	0.006173
XM_00650 17135	Mafk	chr5	1.4E+08	1.4E+08	873	11	0.0126	745	36	0.048322	891	11	0.012346	12	7	0.583333	371	39	0.105121	845	34	0.040237	572	7	0.012238	870	34	0.03908	151	5	0.033113	242	13	0.053719	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 17425	Foxk1	chr5	1.42E+08	1.42E+08	115	31	0.269565	95	41	0.431579	82	17	0.207317	20	15	0.75	56	13	0.232143	117	38	0.324786	85	30	0.352941	97	39	0.402062	47	13	0.276596	#N/A	#N/A	#N/A	23	12	0.521739
XM_00650 17766	Nudt1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	1183	43	0.036348	1194	61	0.051089	1227	54	0.04401	180	0	0	504	41	0.081349	1330	90	0.067669	1313	74	0.056359	1309	91	0.069519	400	18	0.045	475	2	0.004211	101	0	0
XM_00650 18590	Pdgfa	chr5	1.39E+08	1.39E+08	7368	241	0.032709	7144	285	0.039894	7501	225	0.029996	1521	55	0.03616	2382	156	0.065491	8571	219	0.025551	6425	169	0.026304	7793	193	0.024766	1949	38	0.019497	2699	95	0.035198	533	5	0.009381
XM_00650 19085	Prkar1b	chr5	1.39E+08	1.39E+08	2236	111	0.049642	2187	148	0.067673	2561	110	0.042952	316	20	0.063291	447	30	0.067114	2413	87	0.036055	1786	102	0.057111	1641	108	0.065814	283	34	0.120141	413	54	0.130751	197	23	0.116751
XM_00650 231821	Adap1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	5685	67	0.011785	5778	69	0.011942	5979	74	0.012377	1257	12	0.009547	1494	38	0.025435	6116	42	0.006867	5337	66	0.012366	5547	32	0.005769	1447	5	0.003455	1795	35	0.019499	710	1	0.001408
XM_00650 231832	Tmem184a	chr5	1.4E+08	1.4E+08	165	106	0.642424	172	110	0.639535	165	115	0.69697	52	35	0.673077	105	61	0.580952	186	112	0.602151	136	80	0.588235	187	89	0.475936	58	32	0.551724	113	68	0.60177	32	25	0.78125
XM_00650 231832	Tmem184a	chr5	1.4E+08	1.4E+08	687	303	0.441048	586	253	0.431741	757	362	0.478203	147	36	0.244898	258	114	0.44186	773	369	0.477361	573	254	0.443281	610	260	0.42623	206	61	0.296117	349	165	0.472779	133	40	0.300752
XM_00650 231834	Snx8	chr5	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 231834	Snx8	chr5	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 231834	Snx8	chr5	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 231841	Brat1	chr5	1.41E+08	1.41E+08	1011	48	0.047478	1035	47	0.045411	999	61	0.061061	142	16	0.112676	546	20	0.03663	1089	22	0.020202	1142	39	0.034151	1036	32	0.030888	213	4	0.018779	548	15	0.027372	100	14	0.14
XM_00650 231841	Brat1	chr5	1.41E+08	1.41E+08	1011	48	0.047478	1035	47	0.045411	999	61	0.061061	142	16	0.112676	546	20	0.03663	1089	22	0.020202	1142	39	0.034151	1036	32	0.030888	213	4	0.018779	548	15	0.027372	100	14	0.14
XM_00650 231841	Brat1	chr5	1.41E+08	1.41E+08	1011	48	0.047478	1035	47	0.045411	999	61	0.061061	142	16	0.112676	546	20	0.03663	1089	22	0.020202	1142	39	0.034151	1036	32	0.030888	213	4	0.018779	548	15	0.027372	100	14	0.14
XM_00650 231841	Brat1	chr5	1.41E+08	1.41E+08	1011	48	0.047478	1035	47	0.045411	999	61	0.061061	142	16	0.112676	546	20	0.03663	1089	22	0.020202	1142	39	0.034151	1036	32	0.030888	213	4	0.018779	548	15	0.027372	100	14	0.14
XM_00650 231855	Ap5z1	chr5	1.42E+08	1.42E+08	1671	19	0.01137	1372	23	0.016764	1760	51	0.028977	222	10	0.045045	766	39	0.050914	1884	66	0.035032	1560	49	0.03141	1712	45	0.026285	516	14	0.027132	910	52	0.057143	132	0	0
XM_00650 231855	Ap5z1	chr5	1.42E+08	1.42E+08	1496	19	0.012701	1192	22	0.018456	1555	49	0.031511	222	10	0.045045	645	39	0.060465	1681	64	0.038073	1383	47	0.033984	1391	45	0.032351	516	14	0.027132	807	52	0.064436	88	0	0
XM_00650 231855	Ap5z1	chr5	1.42E+08	1.42E+08	537	463	0.862197	363	325	0.895317	436	428	0.981651	65	61	0.938462	118	110	0.932203	702	623	0.887464	445	372	0.835955	428	374	0.873832	197	158	0.80203	253	221	0.873518	31	30	0.967742
XM_00650 231858	Radil	chr5	1.42E+08	1.43E+08	114	65	0.570175	215	133	0.618605	134	98	0.731343	20	9	0.45	25	16	0.64	178	115	0.646067	150	95	0.633333	122	72	0.590164	10	1	0.1	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 231858	Radil	chr5	1.42E+08	1.43E+08	1008	34	0.03373	1113	44	0.039533	1156	32	0.027682	47	1	0.021277	242	9	0.03719	929	29	0.031216	1145	62	0.054148	1193	71	0.059514	188	14	0.074468	395	31	0.078481	40	3	0.075
XM_00650 231858	Radil	chr5	1.42E+08	1.43E+08	360	155	0.430556	355	181	0.509859	328	172	0.52439	128	69	0.539063	168	92	0.547619	332	184	0.554217	298	152	0.510067	268	155	0.578358	40	17	0.425	204	108	0.529412	128	63	0.492188
XM_00650 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3152	17	0.005393	3060	23	0.007516	3327	14	0.004208	319	2	0.00627	510	4	0.007843	3829	29	0.007574	2778	10	0.0036	3622	16	0.004417	444	0	0	716	3	0.00419	245	0	0
XM_00650 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3152	17	0.005393	3060	23	0.007516	3327	14	0.004208	319	2	0.00627	510	4	0.007843	3829	29	0.007574	2778	10	0.0036	3622	16	0.004417	444	0	0	716	3	0.00419	245	0	0
XM_00650 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3152	17	0.005393	3060	23	0.007516	3327	14	0.004208	319	2	0.00627	510	4	0.007843	3829	29	0.007574	2778	10	0.0036	3622	16	0.004417	444	0	0	716	3	0.00419	245	0	0
XM_00650 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3152	17	0.005393	3060	23	0.007516	3327	14	0.004208	319	2	0.00627	510	4	0.007843	3829	29	0.007574	2778	10	0.0036	3622	16	0.004417	444	0	0	716	3	0.00419	245	0	0
XM_00650 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	123	86	0.699187	140	109	0.778571	110	81	0.736364	#N/A	#N/A	#N/A	55	42	0.763636	149	91	0.610738	133	77	0.578947	209	130	0.62201	21	16	0.761905	72	38	0.527778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 231863	Fbxl18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	37	17	0.459459	19	3	0.157895	16	9	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	26	8	0.307692	36	9	0.25	23	2	0.086957	39	20	0.512821	25	12	0.48	32	8	0.25	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 231868	E130309D	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3433	59	0.017186	2903	30	0.010334	3561	47	0.013199	769	3	0.003901	800	3	0.00375	3723	60	0.016116	2988	43	0.014391	3062	61	0.019922	1038	8	0.007707	1262	19	0.015055	325	1	0.003077
XM_00650 231871	Daglb	chr5	1.43E+08	1.44E+08	2662	36	0.013524	2511	50	0.019912	2749	49	0.017825	490	6	0.012245	1031	10	0.009699	2709	24	0.008859	2254	23	0.010204	2599	29	0.011158	634	20	0.031546	977	12	0.012282	323	1	0.003096
XM_00650 231871	Daglb	chr5	1.43E+08	1.44E+08	2662	36	0.013524	2511	50	0.019912	2749	49	0.017825	490	6	0.012245	1031	10	0.009699	2709	24	0.008859	2254	23	0.010204	2599	29	0.011158	634	20	0.031546	977	12	0.012282	323	1	0.003096
XM_00650 243312	Elfn1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	3045	107	0.03514	2783	73	0.026231	3121	83	0.026594	278	12	0.043165	1129	33	0.029229	2856	144	0.05042	2658	125	0.047028	2869	65	0.022656	466	14	0.030043	1112	55	0.04946	55	0	0
XM_00650 243312	Elfn1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	2758	106	0.038434	2779	77	0.027708	2842	89	0.031316	210	6	0.028571	1002	29	0.028942	2316	120	0.051813	2253	112	0.049711	2671	61	0.022838	272	5	0.018382	842	46	0.054632	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243312	Elfn1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	2430	102	0.041975	2353	72	0.030599	2475	87	0.035152	168	4	0.02381	850	27	0.031765	2137	116	0.054282	2075	111	0.053494	2571	60	0.023337	224	1	0.004464	804	45	0.05597	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243328	Slc29a4	chr5	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243328	Slc29a4	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3630	169	0.046556	3486	136	0.039013	3631	137	0.037731	529	13	0.024575	857	44	0.051342	3818	181	0.047407	2985	241	0.080737	3065	207	0.067537	910	37	0.040659	970	98	0.101031	298	19	0.063758
XM_00650 319772	C130050O	chr5	1.39E+08	1.39E+08	153	119	0.777778	62	48	0.774194	112	96	0.857143	33	24	0.727273	73	53	0.726027	213	153	0.71831	155	120	0.774194	111	81	0.72973	48	36	0.75	33	20	0.606061	12	7	0.583333
XM_00650 319772	C130050O	chr5	1.39E+08	1.39E+08	153	119	0.777778	62	48	0.774194	112	96	0.857143	33	24	0.727273	99	73	0.737374	213	153	0.71831	155	120	0.774194	111	81	0.72973	48	36	0.75	33	20	0.606061	12	7	0.583333
XM_00650 330222	Sdk1	chr5	1.41E+08	1.42E+08	9220	76	0.008243	9099	101	0.0111	9459	81	0.008563	1346	8	0.005944	2805	30	0.010695	8463	84	0.009926	8190	62	0.00757	8945	73	0.008161	1989	7	0.003519	3368	26	0.00772	55	0	0
XM_00650 330228	Spdye4b	chr5	1.43E+08	1.43E+08	1023	10	0.009775	881	93	0.105562	995	80	0.080402	99	0	0	739	88	0.11908	1087	109	0.100276	865	79	0.091329	958	83	0.086639	547	58	0.106033	319	54	0.169279	58	56	0.965517
XM_00650 384244	Gm5294	chr5	1.39E+08	1.39E+08	447	228	0.510067	402	202	0.502488	483	245	0.507246	60	40	0.666667	80	37	0.4625	343	175	0.510204	342	209	0.611111	389	295	0.758355	80	65	0.8125	158	101	0.639241	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 54201	Zfp316	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3056	25	0.008181	2416	18	0.00745	2845	18	0.006327	191	3	0.015707	1104	9	0.008152	2965	26	0.008769	2372	14	0.005902	2721	14	0.005145	643	2	0.00311	973	3	0.003083	401	2	0.004988
XM_00650 545817	Cyp2w1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	372	328	0.88172	271	242	0.892989	360	313	0.869444	57	51	0.894737	129	117	0.906977	401	355	0.885287	237	204	0.860759	309	264	0.854369	119	103	0.865546	120	107	0.891667	28	17	0.607143
XM_00650 545817	Cyp2w1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	372	328	0.88172	271	242	0.892989	360	313	0.869444	57	51	0.894737	129	117	0.906977	401	355	0.885287	237	204	0.860759	309	264	0.854369	119	103	0.865546	120	107	0.891667	28	17	0.607143
XM_00650 545817	Cyp2w1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	372	328	0.88172	271	242	0.892989	360	313	0.869444	57	51	0.894737	129	117	0.906977	401	355	0.885287	237	204	0.860759	309	264	0.854369	119	103	0.865546	120	107	0.891667	28	17	0.607143
XM_00650 545817	Cyp2w1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	372	328	0.88172	271	242	0.892989	360	313	0.869444	57	51	0.894737	129	117	0.906977	401	355	0.885287	237	204	0.860759	309	264	0.854369	119	103	0.865546	120	107	0.891667	28	17	0.607143
XM_00650 59031	Chst12	chr5	1.41E+08	1.41E+08	252	83	0.329365	220	95	0.431818	215	70	0.325581	62	29	0.467742	86	19	0.22093	320	51	0.159375	240	38	0.158333	178	66	0.370787	67	19	0.283582	73	15	0.205479	42	6	0.142857
XM_00650 68510	Ints1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	2732	92	0.033675	2705	97	0.03586	2957	90	0.030436	570	29	0.050877	1211	64	0.052849	2531	80	0.031608	2290	39	0.017031	2505	56	0.022355	810	27	0.033333	1232	17	0.013799	391	8	0.02046
XM_00650 68510	Ints1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	2732	92	0.033675	2705	97	0.03586	2957	90	0.030436	570	29	0.050877	1211	64	0.052849	2531	80	0.031608	2290	39	0.017031	2505	56	0.022355	810	27	0.033333	1232	17	0.013799	391	8	0.02046
XM_00650 68510	Ints1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	2732	92	0.033675	2705	97	0.03586	2957	90	0.030436	570	29	0.050877	1211	64	0.052849	2531	80	0.031608	2290	39	0.017031	2505	56	0.022355	810	27	0.033333	1232	17	0.013799	391	8	0.02046
XM_00650 72881	Zdhhc4	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2888	125	0.043283	2660	79	0.029699	2715	63	0.023204	566	4	0.007067	1154	33	0.028596	2597	116	0.044667	2244	47	0.020945	2450	61	0.024898	637	24	0.037677	918	20	0.021786	379	0	0
XM_00650 72881	Zdhhc4	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2888	125	0.043283	2660	79	0.029699	2715	63	0.023204	566	4	0.007067	1154	33	0.028596	2597	116	0.044667	2244	47	0.020945	2450	61	0.024898	637	24	0.037677	918	20	0.021786	379	0	0
XM_00650 72881	Zdhhc4	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2888	125	0.043283	2660	79	0.029699	2715	63	0.023204	566	4	0.007067	1154	33	0.028596	2597	116	0.044667	2244	47	0.020945	2450	61	0.024898	637	24	0.037677	918	20	0.021786	379	0	0
XM_00650 72881	Zdhhc4	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2888	125	0.043283	2660	79	0.029699	2715	63	0.023204	566	4	0.007067	1154	33	0.028596	2597	116	0.044667	2244	47	0.020945	2450	61	0.024898	637	24	0.037677	918	20	0.021786	379	0	0
XM_00650 73212	3110082I1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	120	86	0.716667	62	48	0.774194	112	96	0.857143	13	10	0.769231	68	51	0.75	213	153	0.71831	133	104	0.781955	88	65	0.738636	48	36	0.75	33	20	0.606061	12	7	0.583333
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	4859	83	0.017082	4702	84	0.017865	4815	89	0.018484	1042	19	0.018234	1593	24	0.015066	4889	47	0.009613	4482	64	0.014279	4866	56	0.011508	1400	10	0.007143	1511	20	0.013236	646	15	0.02322
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	144	138	0.958333	172	166	0.965116	107	106	0.990654	#N/A	#N/A	#N/A	82	82	1	190	184	0.968421	100	93	0.93	96	89	0.927083	72	68	0.944444	56	50	0.892857	90	86	0.955556
XM_00650 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	479	400	0.835073	449	389	0.86637	500	430	0.86	128	99	0.773438	268	244	0.910448	366	311	0.849727	390	323	0.828205	432	376	0.87037	112	84	0.75	218	191	0.876147	78	68	0.871795
XM_00650 74673	Spdye4a	chr5	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74781	Wipi2	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2001	17	0.008496	1625	17	0.010462	1414	12	0.008487	119	2	0.016807	1012	17	0.016798	2037	16	0.007855	1601	7	0.004372	1400	11	0.007857	497	2	0.004024	998	7	0.007014	197	0	0
XM_00650 75104	Mmd2	chr5	1.43E+08	1.43E+08	863	55	0.063731	768	43	0.05599	854	27	0.031616	53	3	0.056604	119	7	0.058824	797	39	0.048934	622	29	0.046624	714	42	0.058824	200	35	0.175	235	46	0.195745	47	2	0.042553
XM_00650 76800	Usp42	chr5	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	36	27	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76854	Gper1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 77053	Sun1	chr5	1.39E+08	1.39E+08	3527	16	0.004536	3069	15	0.004888	3281	35	0.010667	473	2	0.004228	854	1	0.001171	3726	29	0.007783	3028	19	0.006275	3038	27	0.008887	913	5	0.005476	1113	5	0.004492	314	0	0
XM_00650 330230	Zfp853	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2141	69	0.032228	2439	78	0.03198	2321	85	0.036622	376	13	0.034574	623	24	0.038523	2017	82	0.040654	2082	147	0.070605	2368	120	0.050676	280	9	0.032143	575	31	0.053913	22	0	0
XM_00650 100041566	Gm3409	chr5	1.47E+08	1.47E+08	10	10	1	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	9	0.5625	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3770	88	0.023342	3449	54	0.015657	3267	112	0.034282	476	21	0.044118	1569	24	0.015296	3333	62	0.018602	3322	57	0.017158	3399	50	0.01471	1110	5	0.004505	1396	47	0.033668	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_00650 11987	Slc7a1	chr5	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 13114	Cyp3a16	chr5	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 140887	Lnx2	chr5	1.47E+08	1.47E+08	343	261	0.760933	292	217	0.743151	238	191	0.802521	120	89	0.741667	133	112	0.842105	328	252	0.768293	273	194	0.710623	248	186	0.75	151	114	0.754967	99	80	0.808081	94	62	0.659574
XM_00650 14254	Flt1	chr5	1.48E+08	1.48E+08	4561	216	0.047358	3825	142	0.037124	4294	158	0.036796	660	52	0.078788	1226	45	0.036705	4319	238	0.055105	3452	166	0.048088	3764	190	0.050478	1256	73	0.058121	1561	83	0.053171	311	24	0.07717
XM_00650 14254	Flt1	chr5	1.48E+08	1.48E+08	4561	216	0.047358	3825	142	0.037124	4294	158	0.036796	660	52	0.078788	1226	45	0.036705	4319	238	0.055105	3452	166	0.048088	3764	190	0.050478	1256	73	0.058121	1561	83	0.053171	311	24	0.07717
XM_00650 14254	Flt1	chr5	1.48E+08	1.48E+08	4561	216	0.047358	3825	142	0.037124	4294	158	0.036796	660	52	0.078788	1226	45	0.036705	4319	238	0.055105	3452	166	0.048088	3764	190	0.050478	1256	73	0.058121	1561	83	0.053171	311	24	0.07717
XM_00650 14255	Flt3	chr5	1.47E+08	1.47E+08	77	71	0.922078	51	48	0.941176	57	51	0.894737	10	10	1	36	31	0.861111	72	61	0.847222	39	22	0.564103	76	46	0.605263	10	10	1	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 14255	Flt3	chr5	1.47E+08	1.47E+08	309	196	0.634304	185	135	0.72973	197	139	0.705584	50	31	0.62	155	82	0.529032	273	123	0.450549	252	171	0.678571	178	81	0.455056	160	99	0.61875	124	63	0.508065	59	40	0.677966
XM_00650 14738	Gpr12	chr5	1.47E+08	1.47E+08	1424	105	0.073736	1215	55	0.045267	1700	113	0.066471	245	8	0.032653	692	13	0.018786	1680	90	0.053571	1359	91	0.066961	1390	129	0.092806	530	32	0.060377	766	39	0.050914	158	7	0.044304
XM_00650 18861	Pms2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1660	36	0.021687	1597	34	0.02129	1633	29	0.017759	355	3	0.008451	668	4	0.005988	1663	29	0.017438	1544	35	0.022668	1547	25	0.01616	334	18	0.053892	789	26	0.032953	30	0	0
XM_00650 22217	Usp12	chr5	1.47E+08	1.47E+08	5739	190	0.033107	6014	204	0.033921	6455	223	0.034547	994	30	0.030181	2198	90	0.040946	6301	215	0.034122	5798	160	0.027596	6776	172	0.025384	1790	54	0.030168	1675	70	0.041791	578	69	0.119377
XM_00650 22757	Zkscan5	chr5	1.45E+08	1.45E+08	749	554	0.739653	697	459	0.658537	792	544	0.686869	165	73	0.442424	376	289	0.768617	931	844	0.906552	529	389	0.73535	640	438	0.684375	252	208	0.825397	328	293	0.893293	69	50	0.724638
XM_00650 231876	Lmtk2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	2522	55	0.021808	2651	47	0.017729	3003	62	0.020646	444	16	0.036036	946	11	0.011628	2867	58	0.02023	2624	59	0.022485	2787	54	0.019376	714	25	0.035014	1078	19	0.017625	75	21	0.28
XM_00650 231912	Katnal1	chr5	1.49E+08	1.49E+08	2074	108	0.052073	1653	110	0.066546	1934	110	0.056877	346	2	0.00578	576	69	0.119792	2083	120	0.057609	1807	57	0.031544	1730	114	0.065896	583	34	0.058319	840	43	0.05119	128	0	0
XM_00650 231912	Katnal1	chr5	1.49E+08	1.49E+08	2074	108	0.052073	1653	110	0.066546	1934	110	0.056877	346	2	0.00578	576	69	0.119792	2083	120	0.057609	1807	57	0.031544	1730	114	0.065896	583	34	0.058319	840	43	0.05119	128	0	0
XM_00650 24109	Ubl3	chr5	1.49E+08	1.49E+08	3251	25	0.00769	3695	42	0.011367	3114	24	0.007707	440	5	0.011364	1229	12	0.009764	3364	22	0.00654	3670	56	0.015259	3941	34	0.008627	838	10	0.011933	1202	10	0.008319	269	1	0.003717
XM_00650 245880	Wasf3	chr5	1.46E+08	1.46E+08	1746	124	0.071019	2095	63	0.030072	2349	102	0.043423	273	4	0.014652	599	64	0.106845	1979	147	0.07428	1936	142	0.073347	1667	194	0.116377	552	25	0.04529	648	52	0.080247	95	4	0.042105
XM_00650 245880	Wasf3	chr5	1.46E+08	1.46E+08	1746	124	0.071019	2095	63	0.030072	2349	102	0.043423	273	4	0.014652	599	64	0.106845	1979	147	0.07428	1936	142	0.073347	1667	194	0.116377	552	25	0.04529	648	52	0.080247	95	4	0.042105
XM_00650 264064	Cdk8	chr5	1.46E+08	1.46E+08	3368	147	0.043646	3671	132	0.035958	3421	133	0.038878	551	60	0.108893	1038	57	0.054913	3403	154	0.045254	3278	141	0.043014	3297	120	0.036397	1187	69	0.05813	1416	57	0.040254	307	37	0.120521
XM_00650 264064	Cdk8	chr5	1.46E+08	1.46E+08	3368	147	0.043646	3671	132	0.035958	3421	133	0.038878	551	60	0.108893	1038	57	0.054913	3403	154	0.045254	3278	141	0.043014	3297	120	0.036397	1187	69	0.05813	1416	57	0.040254	307	37	0.120521
XM_00650 264064	Cdk8	chr5	1.46E+08	1.46E+08	3368	147	0.043646	3671	132	0.035958	3421	133	0.038878	551	60	0.108893	1038	57	0.054913	3403	154	0.045254	3278	141	0.043014	3297	120	0.036397	1187	69	0.05813	1416	57	0.040254	307	37	0.120521
XM_00650 264064	Cdk8	chr5	1.46E+08	1.46E+08	3368	147	0.043646	3671	132	0.035958	3421	133	0.038878	551	60	0.108893	1038	57	0.054913	3403	154	0.045254	3278	141	0.043014	3297	120	0.036397	1187	69	0.05813	1416	57	0.040254	307	37	0.120521
XM_00650 53973	Cyp3a41a	chr5	1.46E+08	1.46E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 622127	Cyp3a57	chr5	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 622127	Cyp3a57	chr5	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 66729	Ankrd61	chr5	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 67410	4930449I2	chr5	1.47E+08	1.47E+08	18	15	0.833333	17	13	0.764706	14	8	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	17	8	0.470588	19	13	0.684211	11	8	0.727273	10	6	0.6	14	4	0.285714	16	8	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 70381	Tecpr1	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1999	22	0.011006	1806	22	0.012182	1988	22	0.011066	285	7	0.024561	815	21	0.025767	1916	32	0.016701	1679	29	0.017272	2028	46	0.022682	877	12	0.013683	747	10	0.013387	323	0	0
XM_00650 71706	Slc46a3	chr5	1.48E+08	1.48E+08	2414	65	0.026926	2076	46	0.022158	2024	50	0.024704	172	16	0.093023	615	28	0.045528	2355	68	0.028875	1757	54	0.030734	1723	53	0.03076	503	11	0.021869	737	46	0.062415	197	2	0.010152
XM_00650 71706	Slc46a3	chr5	1.48E+08	1.48E+08	2371	42	0.017714	2028	16	0.00789	1969	18	0.009142	156	5	0.032051	604	22	0.036424	2303	40	0.017369	1727	32	0.018529	1680	26	0.015476	491	4	0.008147	725	37	0.051034	197	2	0.010152
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	155	145	0.935484	159	150	0.943396	188	175	0.930851	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	82	72	0.878049	145	123	0.848276	252	220	0.873016	59	49	0.830508	73	59	0.808219	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	155	145	0.935484	159	150	0.943396	188	175	0.930851	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	82	72	0.878049	145	123	0.848276	252	220	0.873016	59	49	0.830508	73	59	0.808219	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	7530	47	0.006242	7061	45	0.006373	8202	44	0.005365	1534	0	0	1829	3	0.00164	7801	77	0.009871	7078	39	0.00551	7511	42	0.005592	2191	5	0.002282	1757	9	0.005122	512	2	0.003906
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	155	145	0.935484	159	150	0.943396	188	175	0.930851	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	82	72	0.878049	145	123	0.848276	252	220	0.873016	59	49	0.830508	73	59	0.808219	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	155	145	0.935484	159	150	0.943396	188	175	0.930851	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	82	72	0.878049	145	123	0.848276	252	220	0.873016	59	49	0.830508	73	59	0.808219	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	155	145	0.935484	159	150	0.943396	188	175	0.930851	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	82	72	0.878049	145	123	0.848276	252	220	0.873016	59	49	0.830508	73	59	0.808219	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	7530	47	0.006242	7061	45	0.006373	8202	44	0.005365	1534	0	0	1829	3	0.00164	7801	77	0.009871	7078	39	0.00551	7511	42	0.005592	2191	5	0.002282	1757	9	0.005122	512	2	0.003906
XM_00650 75788	Smurf1	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3930	28	0.007125	3173	36	0.011346	3669	55	0.01499	557	1	0.001795	852	7	0.008216	3551	48	0.013517	3101	36	0.011609	3615	28	0.007746	520	7	0.013462	529	3	0.005671	100	0	0
XM_00650 75788	Smurf1	chr5	1.45E+08	1.45E+08	106	92	0.867925	79	60	0.759494	93	88	0.946237	20	19	0.95	85	76	0.894118	123	112	0.910569	80	65	0.8125	74	49	0.662162	28	25	0.892857	34	30	0.882353	28	25	0.892857
XM_00650 77521	Mtus2	chr5	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 100710	Pds5b	chr5	1.51E+08	1.51E+08	2890	55	0.019031	2568	35	0.013629	3224	52	0.016129	606	0	0	1039	19	0.018287	2969	27	0.009094	2566	13	0.005066	2493	47	0.018853	902	8	0.008869	722	7	0.009695	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 100710	Pds5b	chr5	1.51E+08	1.51E+08	2890	55	0.019031	2568	35	0.013629	3224	52	0.016129	606	0	0	1039	19	0.018287	2969	27	0.009094	2566	13	0.005066	2493	47	0.018853	902	8	0.008869	722	7	0.009695	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 100710	Pds5b	chr5	1.51E+08	1.51E+08	2890	55	0.019031	2568	35	0.013629	3224	52	0.016129	606	0	0	1039	19	0.018287	2969	27	0.009094	2566	13	0.005066	2493	47	0.018853	902	8	0.008869	722	7	0.009695	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 100710	Pds5b	chr5	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 12190	Brca2	chr5	1.51E+08	1.51E+08	1738	6	0.003452	1472	4	0.002717	2051	9	0.004388	84	0	0	698	0	0	1691	11	0.006505	2032	16	0.007874	1936	29	0.014979	685	2	0.00292	739	0	0	116	0	0
XM_00650 12190	Brca2	chr5	1.51E+08	1.51E+08	1738	6	0.003452	1472	4	0.002717	2051	9	0.004388	84	0	0	698	0	0	1691	11	0.006505	2032	16	0.007874	1936	29	0.014979	685	2	0.00292	739	0	0	116	0	0
XM_00650 140498	Rxfp2	chr5	1.5E+08	1.5E+08	196	177	0.903061	178	155	0.870787	113	103	0.911504	#N/A	#N/A	#N/A	42	35	0.833333	223	198	0.887892	194	157	0.809278	150	127	0.846667	87	72	0.827586	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 15505	Hsph1	chr5	1.5E+08	1.5E+08	3337	25	0.007492	3085	22	0.007131	3516	31	0.008817	285	0	0	1200	4	0.003333	3420	25	0.00731	3292	25	0.007594	3265	25	0.007657	1055	7	0.006635	1024	7	0.006836	164	0	0
XM_00650 16591	Kl	chr5	1.51E+08	1.51E+08	1770	84	0.047458	1630	77	0.047239	1691	86	0.050857	84	1	0.011905	247	3	0.012146	1650	113	0.068485	1466	102	0.069577	1361	123	0.090375	329	7	0.021277	358	30	0.083799	70	0	0
XM_00650 243362	Stard13	chr5	1.51E+08	1.51E+08	1726	17	0.009849	1329	8	0.00602	1872	19	0.01015	249	1	0.004016	836	5	0.005981	1906	26	0.013641	1612	11	0.006824	1331	8	0.006011	523	3	0.005736	676	6	0.008876	326	6	0.018405
XM_00650 243362	Stard13	chr5	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243362	Stard13	chr5	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243362	Stard13	chr5	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243362	Stard13	chr5	1.51E+08	1.51E+08	1726	17	0.009849	1329	8	0.00602	1872	19	0.01015	249	1	0.004016	836	5	0.005981	1906	26	0.013641	1612	11	0.006824	1331	8	0.006011	523	3	0.005736	676	6	0.008876	326	6	0.018405
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	243	24	0.098765	261	18	0.068966	175	22	0.125714	10	0	0	154	28	0.181818	271	31	0.114391	194	11	0.056701	259	13	0.050193	68	13	0.191176	125	8	0.064	39	0	0
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	243	24	0.098765	261	18	0.068966	175	22	0.125714	10	0	0	154	28	0.181818	271	31	0.114391	194	11	0.056701	259	13	0.050193	68	13	0.191176	125	8	0.064	39	0	0
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	243	24	0.098765	261	18	0.068966	175	22	0.125714	10	0	0	154	28	0.181818	271	31	0.114391	194	11	0.056701	259	13	0.050193	68	13	0.191176	125	8	0.064	39	0	0
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	243	24	0.098765	261	18	0.068966	175	22	0.125714	10	0	0	154	28	0.181818	271	31	0.114391	194	11	0.056701	259	13	0.050193	68	13	0.191176	125	8	0.064	39	0	0
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	879	284	0.323094	827	279	0.337364	843	294	0.348754	206	102	0.495146	357	154	0.431373	719	171	0.23783	701	269	0.383738	831	171	0.205776	177	45	0.254237	336	41	0.122024	175	26	0.148571
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	255	227	0.890196	116	105	0.905172	108	99	0.916667	24	22	0.916667	68	57	0.838235	204	181	0.887255	143	133	0.93007	69	63	0.913043	28	24	0.857143	132	122	0.924242	15	14	0.933333
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	2786	52	0.018665	2799	33	0.01179	2895	39	0.013472	393	4	0.010178	998	11	0.011022	2775	48	0.017297	2517	144	0.057211	2582	90	0.034857	1063	38	0.035748	730	13	0.017808	520	29	0.055769
XM_00650 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	2786	52	0.018665	2799	33	0.01179	2895	39	0.013472	393	4	0.010178	998	11	0.011022	2775	48	0.017297	2517	144	0.057211	2582	90	0.034857	1063	38	0.035748	730	13	0.017808	520	29	0.055769
XM_00650 70717	Medag	chr5	1.49E+08	1.49E+08	178	136	0.764045	146	108	0.739726	148	125	0.844595	22	17	0.772727	101	86	0.851485	154	111	0.720779	150	108	0.72	138	100	0.724638	50	29	0.58	57	33	0.578947	42	34	0.809524
XM_00650 70717	Medag	chr5	1.49E+08	1.49E+08	204	178	0.872549	299	282	0.943144	307	290	0.944625	28	23	0.821429	118	113	0.957627	279	248	0.888889	191	134	0.701571	245	212	0.865306	88	75	0.852273	128	107	0.835938	62	48	0.774194
XM_00650 70717	Medag	chr5	1.49E+08	1.49E+08	563	232	0.412078	561	152	0.270945	680	203	0.298529	#N/A	#N/A	#N/A	328	162	0.493902	639	261	0.408451	603	182	0.301824	601	202	0.336106	139	73	0.52518	272	91	0.334559	52	40	0.769231
XM_00650 75860	Tex26	chr5	1.49E+08	1.49E+08	165	35	0.212121	154	31	0.201299	145	29	0.2	11	9	0.818182	106	30	0.283019	139	28	0.201439	80	27	0.3375	145	27	0.186207	15	6	0.4	64	14	0.21875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 75860	Tex26	chr5	1.49E+08	1.49E+08	165	35	0.212121	154	31	0.201299	145	29	0.2	11	9	0.818182	106	30	0.283019	139	28	0.201439	80	27	0.3375	145	27	0.186207	15	6	0.4	64	14	0.21875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 101118	Tmem168	chr6	13581294	13607915	1508	9	0.005968	1086	12	0.01105	1091	3	0.00275	70	0	0	474	0	0	1368	4	0.002924	1471	14	0.009517	1243	8	0.006436	442	1	0.002262	608	2	0.003289	150	1	0.006667
XM_00650 101118	Tmem168	chr6	13581294	13607911	1508	9	0.005968	1086	12	0.01105	1091	3	0.00275	70	0	0	474	0	0	1368	4	0.002924	1471	14	0.009517	1243	8	0.006436	442	1	0.002262	608	2	0.003289	150	1	0.006667
XM_00650 101185	Pot1a	chr6	25743942	25809277	390	1	0.002564	315	0	0	330	1	0.00303	134	31	0.231343	213	0	0	352	4	0.011364	459	36	0.078431	380	20	0.052632	150	0	0	180	0	0	30	1	0.033333
XM_00650 101185	Pot1a	chr6	25743942	25809277	390	1	0.002564	315	0	0	330	1	0.00303	134	31	0.231343	213	0	0	352	4	0.011364	459	36	0.078431	380	20	0.052632	150	0	0	180	0	0	30	1	0.033333
XM_00650 101202	Hepacam2	chr6	3457202	3487486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

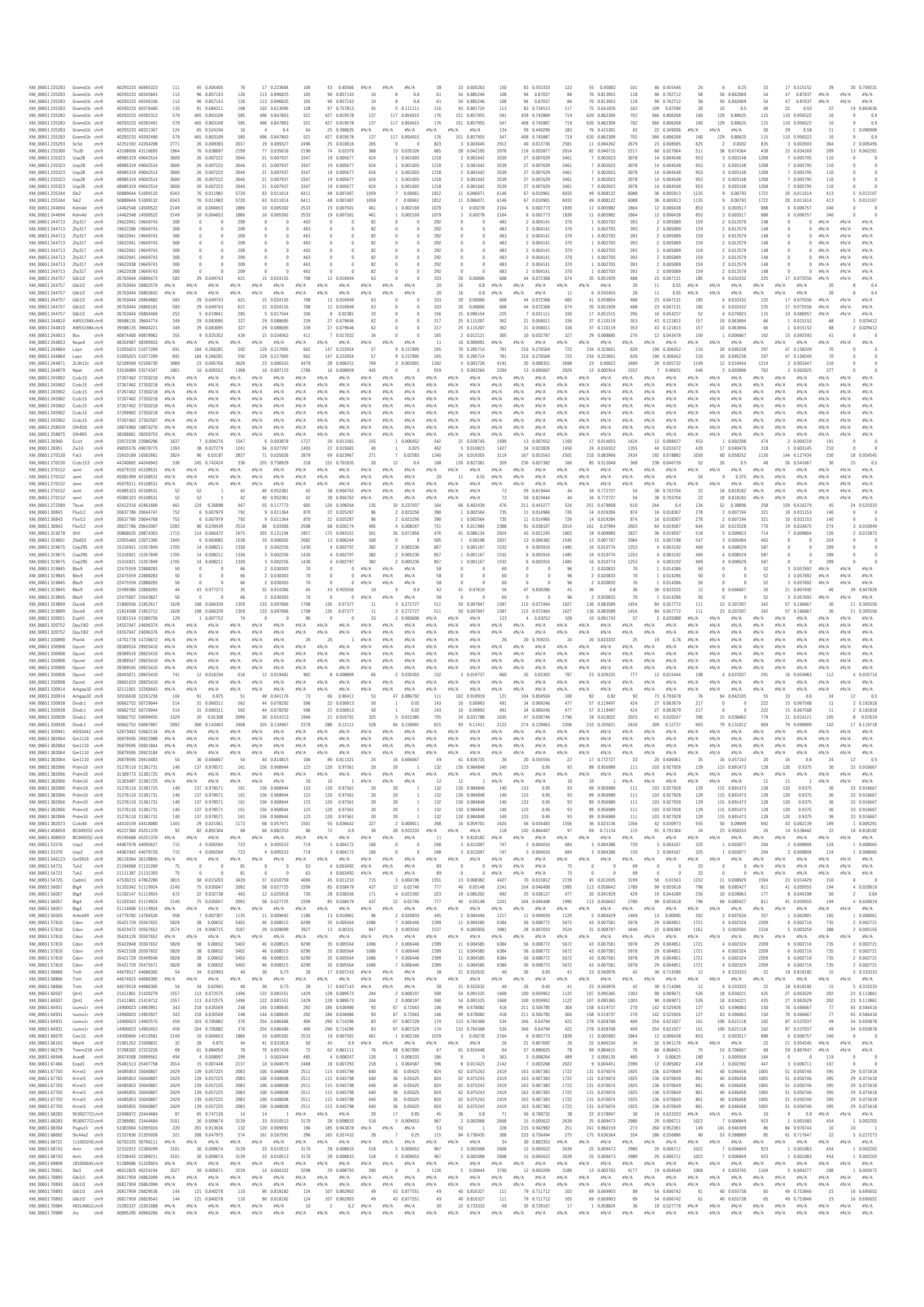


XM_00650 21391	Tbxas1	chr6	38918973	39082302	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 21391	Tbxas1	chr6	38983309	39084590	85	57	0.670588	82	62	0.756098	79	56	0.708861	#N/A	#N/A	#N/A	48	35	0.729167	104	74	0.711538	41	24	0.585366	72	39	0.541667	32	22	0.6875	55	36	0.654545	32	13	0.40625
XM_00650 21391	Tbxas1	chr6	38918971	39037879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 21415	Tcf7l1	chr6	72626371	72671399	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 21766	Tex261	chr6	83768881	83775793	2161	13	0.006016	2058	10	0.004859	2207	15	0.006797	570	2	0.003509	847	1	0.001181	2190	13	0.005936	1955	8	0.004092	1610	31	0.019255	532	2	0.003759	780	2	0.002564	352	0	0
XM_00650 21766	Tex261	chr6	83768881	83776099	2161	13	0.006016	2058	10	0.004859	2207	15	0.006797	570	2	0.003509	847	1	0.001181	2190	13	0.005936	1955	8	0.004092	1610	31	0.019255	532	2	0.003759	780	2	0.002564	352	0	0
XM_00650 21841	Tia1	chr6	86404216	86432797	999	25	0.025025	1338	16	0.011958	1337	24	0.017951	252	0	0	518	15	0.028958	1163	12	0.010318	1076	8	0.007435	1459	15	0.010281	491	5	0.010183	461	15	0.032538	278	5	0.017986
XM_00650 21841	Tia1	chr6	86404216	86432797	999	25	0.025025	1338	16	0.011958	1337	24	0.017951	252	0	0	518	15	0.028958	1163	12	0.010318	1076	8	0.007435	1459	15	0.010281	491	5	0.010183	461	15	0.032538	278	5	0.017986
XM_00650 21841	Tia1	chr6	86404238	86432797	999	25	0.025025	1338	16	0.011958	1337	24	0.017951	252	0	0	518	15	0.028958	1163	12	0.010318	1076	8	0.007435	1459	15	0.010281	491	5	0.010183	461	15	0.032538	278	5	0.017986
XM_00650 21848	Trim24	chr6	37870811	37966296	3397	18	0.005299	3344	13	0.003888	3694	22	0.005956	356	0	0	1089	1	0.000918	3638	26	0.007147	2750	27	0.009818	3036	13	0.004282	599	2	0.003339	996	3	0.003012	136	0	0
XM_00650 21940	Cd27	chr6	1.25E+08	1.25E+08	555	453	0.816216	435	386	0.887356	460	412	0.895652	95	84	0.884211	255	211	0.827451	561	360	0.641711	525	423	0.805714	486	410	0.843621	200	158	0.79	147	131	0.891156	119	108	0.907563
XM_00650 21940	Cd27	chr6	1.25E+08	1.25E+08	555	453	0.816216	435	386	0.887356	460	412	0.895652	95	84	0.884211	255	211	0.827451	561	360	0.641711	525	423	0.805714	486	410	0.843621	200	158	0.79	147	131	0.891156	119	108	0.907563
XM_00650 21940	Cd27	chr6	1.25E+08	1.25E+08	555	453	0.816216	435	386	0.887356	460	412	0.895652	95	84	0.884211	255	211	0.827451	561	360	0.641711	525	423	0.805714	486	410	0.843621	200	158	0.79	147	131	0.891156	119	108	0.907563
XM_00650 22026	Nr2c2	chr6	92091655	92173058	7877	88	0.011172	7109	87	0.012238	7440	92	0.012366	1518	11	0.007246	2432	28	0.011513	8026	94	0.011712	7254	97	0.013372	8260	71	0.008596	1805	19	0.010526	2336	21	0.00899	822	3	0.00365
XM_00650 22026	Nr2c2	chr6	92091655	92171045	7877	88	0.011172	7109	87	0.012238	7440	92	0.012366	1518	11	0.007246	2432	28	0.011513	8026	94	0.011712	7254	97	0.013372	8260	71	0.008596	1805	19	0.010526	2336	21	0.00899	822	3	0.00365
XM_00650 22026	Nr2c2	chr6	92092349	92171981	7877	88	0.011172	7109	87	0.012238	7440	92	0.012366	1518	11	0.007246	2420	16	0.006612	8026	94	0.011712	7242	89	0.012289	8260	71	0.008596	1805	19	0.010526	2336	21	0.00899	822	3	0.00365
XM_00650 22026	Nr2c2	chr6	92091595	92171045	7877	88	0.011172	7109	87	0.012238	7440	92	0.012366	1518	11	0.007246	2432	28	0.011513	8026	94	0.011712	7254	97	0.013372	8260	71	0.008596	1805	19	0.010526	2336	21	0.00899	822	3	0.00365
XM_00650 22225	Usp5	chr6	1.25E+08	1.25E+08	1935	6	0.003101	1653	7	0.004235	2080	8	0.003846	475	1	0.002105	937	6	0.006403	2479	18	0.007261	1773	7	0.003948	1990	11	0.005528	949	5	0.005269	629	2	0.00318	480	1	0.002083
XM_00650 22371	Vwf	chr6	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 22419	Wnt5b	chr6	1.19E+08	1.2E+08	4472	148	0.033095	4098	141	0.034407	5093	146	0.028667	282	21	0.074468	1273	44	0.034564	4296	139	0.032356	4275	169	0.039532	3858	138	0.03577	837	32	0.038232	1197	23	0.019215	164	15	0.091463
XM_00650 22644	Rnf103	chr6	71493844	71510880	2969	13	0.004379	2563	14	0.005462	2766	10	0.003615	246	0	0	734	0	0	2825	11	0.003894	2652	11	0.004148	3008	21	0.006981	925	3	0.003243	675	1	0.001481	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 22793	Zyx	chr6	42349562	42358445	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
XM_00650 231946	Fam221a	chr6	49367219	49389905	1134	45	0.039683	1042	24	0.023033	1114	40	0.035907	178	12	0.067416	454	22	0.048458	1423	11	0.00773	902	27	0.029933	814	15	0.018428	240	3	0.0125	376	15	0.039894	232	9	0.038793
XM_00650 231946	Fam221a	chr6	49367607	49389905	1134	45	0.039683	1042	24	0.023033	1114	40	0.035907	178	12	0.067416	454	22	0.048458	1423	11	0.00773	902	27	0.029933	814	15	0.018428	240	3	0.0125	376	15	0.039894	232	9	0.038793
XM_00650 231946	Fam221a	chr6	49367443	49389905	1134	45	0.039683	1042	24	0.023033	1114	40	0.035907	178	12	0.067416	454	22	0.048458	1423	11	0.00773	902	27	0.029933	814	15	0.018428	240	3	0.0125	376	15	0.039894	232	9	0.038793
XM_00650 231986	Jazf1	chr6	52768065	53068597	8218	101	0.01229	8841	120	0.013573	9237	127	0.013749	927	10	0.010787	2479	31	0.012505	8083	110	0.013609	8769	85	0.009693	8459	116	0.013713	1777	28	0.015757	1823	11	0.006034	800	2	0.0025
XM_00650 232016	Itprid1	chr6	55805424	55978743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232016	Itprid1	chr6	55836426	55978743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232016	Itprid1	chr6	55805424	55978743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232016	Itprid1	chr6	55964948	55978743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232023	Vopp1	chr6	57752264	57797050	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232035	Ccser1	chr6	61180208	61817652	4605	58	0.012595	4674	55	0.011767	4948	67	0.013541	827	17	0.020556	1543	25	0.016202	4642	206	0.044377	4424	353	0.079792	4327	362	0.083661	1117	91	0.081468	1847	233	0.126151	419	80	0.190931
XM_00650 232035	Ccser1	chr6	61180208	61820564	4605	58	0.012595	4674	55	0.011767	4948	67	0.013541	827	17	0.020556	1543	25	0.016202	4642	206	0.044377	4424	353	0.079792	4327	362	0.083661	1117	91	0.081468	1847	233	0.126151	419	80	0.190931
XM_00650 232146	Eva1a	chr6	82041048	82093098	994	113	0.113682	926	97	0.104752	847	119	0.140496	139	39	0.280576	313	61	0.194888	1177	115	0.097706	895	61	0.068156	808	92	0.113861	276	44	0.15942	244	54	0.221311	91	32	0.351648
XM_00650 232156	Slc4a5	chr6	83219823	83304945	109	94	0.862385	60	51	0.85	73	66	0.90411	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	57	51	0.894737	67	59	0.880597	79	66	0.835443	37	26	0.702703	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75
XM_00650 232156	Slc4a5	chr6	83207580	83304945	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232156	Slc4a5	chr6	83207580	83304945	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232156	Slc4a5	chr6	83237366	83304945	148	112	0.756757	122	89	0.729508	98	78	0.795918	64	49	0.765625	67	42	0.626866	188	126	0.670213	100	70	0.7	112	82	0.732143	70	46	0.657143	76	47	0.618421	28	13	0.464286
XM_00650 232156	Slc4a5	chr6	83207580	83304945	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232157	Mob1a	chr6	83326034	83342812	2392	8	0.003344	2033	5	0.002459	2319	17	0.007331	462	1	0.002165	557	0	0	2187	19	0.008688	1974	20	0.010132	2090	13	0.00622	377	0	0	683	0	0	172	2	0.011628
XM_00650 232164	Paip2b	chr6	83806058	83820876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232174	Cyp26b1	chr6	84571423	84586908	1739	34	0.019551	1826	40	0.021906	1752	41	0.023402	201	2	0.00995	365	2	0.005479	1978	22	0.011122	1800	27	0.015	1870	31	0.016578	244	2	0.008197	513	2	0.003899	81	0	0
XM_00650 232196	C87436	chr6	86434639	86470388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232196	C87436	chr6	86434639	86470388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232196	C87436	chr6	86434637	86470388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232201	Arhgap25	chr6	87458544	87484475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9			
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90988420	7667	104	0.013565	8094	117	0.014455	7786	105	0.013486	1226	35	0.028548	1798	24	0.013348	7293	147	0.020156	6995	139	0.019871	7739	136	0.017573	1326	20	0.015083	2381	49	0.02058	954	22	0.023061
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90736146	5408	195	0.036058	5003	149	0.029782	5176	182	0.035162	1149	63	0.05483	2302	67	0.029105	5940	205	0.034512	4467	149	0.033356	5224	119	0.022779	958	41	0.042797	2897	47	0.016224	475	1	0.002105
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90782573	53	38	0.716981	46	38	0.826087	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	48	35	0.729167	44	33	0.75	53	37	0.698113	#N/A	#N/A	#N/A	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90810203	208	15	0.072115	286	26	0.090909	294	33	0.112245	#N/A	#N/A	#N/A	112	22	0.196429	416	81	0.194712	288	20	0.069444	320	29	0.090625	87	5	0.057471	154	30	0.194805	26	1	0.038462
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90764317	154	121	0.785714	183	153	0.836066	185	155	0.837838	25	18	0.72	96	79	0.822917	189	142	0.751323	132	113	0.856061	201	132	0.656716	84	74	0.880952	45	37	0.822222	13	5	0.384615
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90716543	1116	21	0.018817	1103	18	0.016319	976	3	0.003074	141	0	0	428	2	0.004673	1050	37	0.035238	1228	19	0.015472	1412	10	0.007082	251	0	0	420	1	0.002381	64	1	0.015625
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90988419	7667	104	0.013565	8094	117	0.014455	7786	105	0.013486	1226	35	0.028548	1798	24	0.013348	7293	147	0.020156	6995	139	0.019871	7739	136	0.017573	1326	20	0.015083	2381	49	0.02058	954	22	0.023061
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90988419	7667	104	0.013565	8094	117	0.014455	7786	105	0.013486	1226	35	0.028548	1798	24	0.013348	7293	147	0.020156	6995	139	0.019871	7739	136	0.017573	1326	20	0.015083	2381	49	0.02058	954	22	0.023061
XM_00650 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90737297	5072	91	0.017942	4842	96	0.019827	4973	123	0.024734	1065	27	0.025352	2221	26	0.011706	5590	88	0.015742	4195	87	0.020739	4966	70	0.014096	863	6	0.006952	2768	31	0.011199	475	1	0.002105
XM_00650 232232	Hdac11	chr6	91157397	91174692	393	2	0.005089	374	2	0.005348	427	4	0.009368	#N/A	#N/A	#N/A	129	0	0	417	3	0.007194	509	1	0.001965	425	0	0	82	0	0	78	0	0	56	0	0
XM_00650 232236	Ccdc174	chr6	91843154	91899849	4713	164	0.034797	4916	145	0.029496	5246	161	0.03069	621	24	0.038647	1372	52	0.037901	4550	242	0.053187	4663	168	0.036028	4592	160	0.034843	1143	41	0.035871	1499	78	0.052035	318	3	0.009434
XM_00650 232237	Fgd5	chr6	91978827	92076005	2533	77	0.030399	2349	122	0.051937	2660	86	0.032331	174	5	0.028736	824	19	0.023058	2848	100	0.035112	2343	44	0.018779	2282	157	0.068799	264	12	0.045455	819	31	0.037851	120	9	0.075
XM_00650 232288	Frmd4b	chr6	97286867	97312375	435	46	0.105747	315	16	0.050794	280	18	0.064286	83	1	0.012048	244	24	0.098361	624	40	0.064103	465	20	0.043011	367	24	0.065395	97	0	0	155	3	0.019355	28	0	0
XM_00650 232313	Gxylt2	chr6	1.01E+08	1.01E+08	1552	39	0.025129	2025	29	0.014321	2158	36	0.016682	502	6	0.011952	479	16	0.033403	1418	38	0.026798	1629	38	0.023327	1603	40	0.024953	186	6	0.032258	646	18	0.027864	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232314	Ppp4r2	chr6	1.01E+08	1.01E+08	3391	16	0.004718	3559	35	0.009834	3819	27	0.00707	609	1	0.001642	1009	2	0.001982	3172	22	0.006936	3419	22	0.006435	3333	16	0.0048	1051	4	0.003806	1508	16	0.01061	209	0	0
XM_00650 232334	Vgll4	chr6	1.15E+08	1.15E+08	762	37	0.048556	622	39	0.062701	599	30	0.050083	95	6	0.063158	116	17	0.146552	920	46	0.05	660	28	0.042424	712	36	0.050562	124	13	0.104839	228	12	0.052632	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232334	Vgll4	chr6	1.15E+08	1.15E+08	50	9	0.18	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	0	0	41	6	0.146341	20	7	0.35	20	5	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232334	Vgll4	chr6	1.15E+08	1.15E+08	264	199	0.753788	131	101	0.770992	167	139	0.832335	41	28	0.682927	51	23	0.45098	257	172	0.669261	193	142	0.735751	276	223	0.807971	51	30	0.588235	47	22	0.468085	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232334	Vgll4	chr6	1.15E+08	1.15E+08	256	38	0.148438	197	20	0.101523	235	24	0.102128	31	3	0.096774	119	16	0.134454	299	79	0.264214	205	75	0.365854	303	114	0.376238	97	33	0.340206	92	33	0.358696	42	8	0.190476
XM_00650 232337	Zfp637	chr6	1.18E+08	1.18E+08	2099	10	0.004764	2041	11	0.00539	2068	17	0.008221	217	2	0.009217	365	1	0.00274	1973	16	0.008109	1988	10	0.00503	1986	14	0.007049	536	2	0.003731	350	2	0.005714	187	1	0.005348
XM_00650 232339	Ankrd26	chr6	1.19E+08	1.19E+08	591	13	0.021997	439	19	0.04328	562	14	0.024911	22	0	0	308	3	0.00974	600	15	0.025	576	2	0.003472	423	3	0.007092	130	0	0	190	1	0.005263	72	0	0
XM_00650 232339	Ankrd26	chr6	1.19E+08	1.19E+08	591	13	0.021997	439	19	0.04328	562	14	0.024911	22	0	0	308	3	0.00974	600	15	0.025	576	2	0.003472	423	3	0.007092	130	0	0	190	1	0.005263	72	0	0
XM_00650 232339	Ankrd26	chr6	1.19E+08	1.19E+08	591	13	0.021997	439	19	0.04328	562	14	0.024911	22	0	0	308	3	0.00974	600	15	0.025	576	2	0.003472	423	3	0.007092	130	0	0	190	1	0.005263	72	0	0
XM_00650 232339	Ankrd26	chr6	1.19E+08	1.19E+08	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	77	74	0.961039	#N/A	#N/A	#N/A	145	137	0.944828	118	113	0.957627	91	81	0.89011	70	65	0.928571	83	72	0.86747	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232408	Klrb1f	chr6	1.29E+08	1.29E+08	66	10	0.151515	117	18	0.153846	111	12	0.108108	#N/A	#N/A	#N/A	67	28	0.41791	113	20	0.176991	33	1	0.030303	60	2	0.033333	51	3	0.058824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232431	Gprc5a	chr6	1.35E+08	1.35E+08	320	2	0.00625	169	10	0.059172	299	14	0.046823	#N/A	#N/A	#N/A	128	12	0.09375	418	16	0.038278	190	2	0.010526	244	18	0.07377	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232714	Mgam	chr6	40634804	40769123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232714	Mgam	chr6	40628841	40769123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232714	Mgam	chr6	40643015	40769123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232714	Mgam	chr6	40643018	40769123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232714	Mgam	chr6	40643140	40769123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 232714	Mgam	chr6	40634804	40769123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 236266	Alms1	chr6	85587512	85726611	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XM_00650 236266	Alms1	chr6	85587512	85702755	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XM_00650 236266	Alms1	chr6	85587512	85726611	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XM_00650 236266	Alms1	chr6	85587511	85726611	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XM_00650 236266	Alms1	chr6	85587512	85721995	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XM_00650 236266	Alms1	chr6	85587515	85726611	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XM_00650 23885	Gmcl1	chr6	86691768	86733387	4030	27	0.0067	3247	22	0.006775	4236	28	0.00661	754	3	0.003979	1496	2	0.001337	4314	21	0.004868	3626	21	0.005792	3666	13	0.003546	1262	4	0.00317	1475	1	0.000678	264	1	0.003788
XM_00650 23925	Kel	chr6	41686329	41704322	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 23925	Kel	chr6	41686329	41703340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 23925	Kel	chr6	41686329	41704334	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 24100	Tpra1	chr6	88902721	88912231	1995	10	0.005013	1916	10	0.005219	1889	10	0.005294	242	0	0	525	4	0.007619	2185	14	0.006407	2054	10	0.004869	2315	10	0.00432	263	0	0	453	3	0.006623	191	0	0
XM_00650 24100	Tpra1	chr6	88902256	88912232	1995	10	0.005013	1916	10	0.005219	1889	10	0.005294	242	0	0	525	4	0.007619	2185	14	0.006407	2054	10	0.004869	2315	10	0.00432	263	0	0	453	3	0.006623	191	0	0
XM_00650 24100	Tpra1	chr6	88902256	88912232	1995	10	0.005013	1916	10	0.005219	1889	10	0.005294	242	0	0	525	4	0.007619	2185	14	0.006407	2054	10	0.004869	2315	10	0.00432	263	0	0	453	3	0.006623	191	0	0
XM_00650 24100	Tpra1	chr6	88902256	88912232	1995	10	0.005013	1916	10	0.005219	1889	10	0.005294	242	0	0	525	4	0.007619	2185	14	0.006407	2054	10	0.004869	2315	10	0.00432	263	0	0	453	3	0.006623	191	0	0
XM_00650 243369	Sspo	chr6	48447882	48501262	180	154	0.855556	140	128	0.914286	149	136	0.912752	50	43	0.86	89	68	0.764045	226	198	0.876106	121	110	0.909091	135	117	0.866667	36	32	0.888889	76	66	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243369	Sspo	chr6	48447795	48501262	180	154	0.855556	140	128	0.914286	149	136	0.912752	50	43	0.86	89	68	0.764045	226	198	0.876106	121	110	0.909091	135	117	0.866667	36	32	0.888889	76	66	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243369	Sspo	chr6	48455377	48501262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243369	Sspo	chr6	48457072	48501262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	12	4	0.333333	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243371	Lrrc61	chr6	48554780	48570722	246	0	0	164	0	0	190	1	0.005263	107	0	0	120	0	0	338	4	0.011834	259	1	0.003861	187	1	0.005348	134	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243371	Lrrc61	chr6	48554780	48570722	246	0	0	164	0	0	190	1	0.005263	107	0	0	120	0	0	338	4	0.011834	259	1	0.003861	187	1	0.005348	134	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243371	Lrrc61	chr6	48554780	48570722	246	0	0	164	0	0	190	1	0.005263	107	0	0	120	0	0	338	4	0.011834	259	1	0.003861	187	1	0.005348	134	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243371	Lrrc61	chr6	48554782	48570722	246	0	0	164	0	0	190	1	0.005263	107	0	0	120	0	0	338	4	0.011834	259	1	0.003861	187	1	0.005348	134	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243371	Lrrc61	chr6	48554780	48570722	246	0	0	164	0	0	190	1	0.005263	107	0	0	120	0	0	338	4	0.011834	259	1	0.003861	187	1	0.005348	134	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243374	Gimap8	chr6	48647186	48660875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243382	Ppm1k	chr6	57520615	57535552	552	104	0.188406	434	96	0.221198	569	88	0.154657	25	24	0.96	345	54	0.156522	519	94	0.181118	412	90	0.218447	565	107	0.189381	153	43	0.281046	213	22	0.103286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243385	Gprin3	chr6	59344500	59368828	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243499	Lrrtm4	chr6	80018858	80810162	111	11	0.099099	100	3	0.03	135	11	0.081481	30	3	0.1	62	2	0.032258	159	7	0.044025	132	14	0.106061	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243499	Lrrtm4	chr6	80018858	80810162	111	11	0.099099	100	3	0.03	135	11	0.081481	30	3	0.1	62	2	0.032258	159	7	0.044025	132	14	0.106061	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243499	Lrrtm4	chr6	80018858	80810162	111	11	0.099099	100	3	0.03	135	11	0.081481	30	3	0.1	62	2	0.032258	159	7	0.044025	132	14	0.106061	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243499	Lrrtm4	chr6	80018859	80809050	111	11	0.099099	100	3	0.03	135	11	0.081481	30	3	0.1	62	2	0.032258	159	7	0.044025	132	14	0.106061	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243499	Lrrtm4	chr6	80018860	80809039	111	11	0.099099	100	3	0.03	135	11	0.081481	30	3	0.1	62	2	0.032258	159	7	0.044025	132	14	0.106061	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243537	Uroc1	chr6	90336900	90364551	149	84	0.563758	101	33	0.326733	113	62	0.548673	#N/A	#N/A	#N/A	22	16	0.727273	157	124	0.789809	105	88	0.838095	119	70	0.588235	38	29	0.763158	73	63	0.863014	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243537	Uroc1	chr6	90333239	90347894	114	33	0.289474	106	26	0.245283	118	42	0.355932	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	82	40	0.487805	134	41	0.30597	154	39	0.253247	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_00650 243547	Grip2	chr6	91761452	91796307	165	100	0.606061	135	91	0.674074	228	123	0.539474	53	34	0.641509	54	48	0.888889	228	176	0.77193	196	119	0.607143	167	90	0.538922	30	16	0.533333	75	56	0.746667	67	40	0.597015
XM_00650 243547	Grip2	chr6	91761452	91788969	276	201	0.728261	269	218	0.810409	320	257	0.803125	72	62	0.861111	114	95	0.833333	301	216	0.717608	240	154	0.641667	272	192	0.705882	74	46	0.621622	100	73	0.73	42	27	0.642857
XM_00650 243547	Grip2	chr6	91761452	91843954	4713	164	0.034797	4916	145	0.029496	5224	143	0.027374	621	24	0.038647	1350	34	0.025185	4502	201	0.044647	4633	145	0.031297	4592	160	0.034843	1143	41	0.035871	1499	78	0.052035	318	3	0.009434
XM_00650 243548	Prickle2	chr6	92370891	92706334	2518	63	0.02502	2723	41	0.015057	2844	38	0.013361	411	6	0.014599	694	17	0.024496	2722	119	0.043718	2289	126	0.055046	2572	149	0.057932	910	70	0.076923	826	59	0.071429	138	13	0.094203
XM_00650 243612	Ssu2	chr6	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243621	Iqsec3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	1518	35	0.023057	1184	33	0.027872	1323	33	0.024943	110	0	0	590	23	0.038983	1616	50	0.030941	1439	31	0.021543	1343	36	0.026806	449	21	0.046771	503	25	0.049702	111	3	0.027027
XM_00650 243621	Iqsec3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	1518	35	0.023057	1184	33	0.027872	1323	33	0.024943	110	0	0	590	23	0.038983	1616	50	0.030941	1439	31	0.021543	1343	36	0.026806	449	21	0.046771	503	25	0.049702	111	3	0.027027
XM_00650 243621	Iqsec3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	1518	35	0.023057	1184	33	0.027872	1323	33	0.024943	110	0	0	590	23	0.038983	1616	50	0.030941	1439	31	0.021543	1343	36	0.026806	449	21	0.046771	503	25	0.049702	111	3	0.027027
XM_00650 243634	Ano2	chr6	1.26E+08	1.26E+08	195	149	0.764103	141	107	0.758865	124	104	0.83871	46	37	0.804348	87	75	0.862069	207	164	0.792271	169	141	0.83432	116	78	0.672414	63	32	0.507937	53	34	0.641509	10	7	0.7
XM_00650 243634	Ano2	chr6	1.26E+08	1.26E+08	195	149	0.764103	141	107	0.758865	124	104	0.83871	46	37	0.804348	87	75	0.862069	207	164	0.792271	169	141	0.83432	116	78	0.672414	63	32	0.507937	53	34	0.641509	10	7	0.7
XM_00650 243634	Ano2	chr6	1.26E+08	1.26E+08	195	149	0.764103	141	107	0.758865	124	104	0.83871	46	37	0.804348	87	75	0.862069	207	164	0.792271	169	141	0.83432	116	78	0.672414	63	32	0.507937	53	34	0.641509	10	7	0.7
XM_00650 243655	Klre1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243655	Klre1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	40	7	0.175	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243655	Klre1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243659	Styk1	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243659	Styk1	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243753	Slc23a4	chr6	34945286	34988495	308	94	0.305195	265	74	0.279245	285	75	0.263158	22	6	0.272727	135	40	0.296296	293	85	0.290102	284	65	0.228873	246	69	0.280488	108	15	0.138889	91	23	0.252747	54	17	0.314815
XM_00650 243753	Slc23a4	chr6	34945286	34955811	53	36	0.679245	172	121	0.703488	76	50	0.657895	10	2	0.2	35	19	0.542857	64	38	0.59375	85	50	0.588235	151	112	0.741722	38	26	0.684211	15	2	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 243764	Chrm2	chr6	36389119	36528638	912	36	0.039474	755	24	0.031788	717	14	0.019526	22	0	0	362	15	0.041436	773	31	0.040103	782	23	0.029412	678	26	0.038348	255	4	0.015686	150	2	0.013333	46	1	0.021739
XM_00650 246278	Cd207	chr6	83671207	83677839	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 258381	Olfr460	chr6	40569152	40572504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 259302	Srgap3	chr6	1.13E+08	1.13E+08	611	8	0.013093	566	7	0.012367	565	2	0.00354	122	1	0.008197	337	6	0.017804	559	9	0.0161	551	7	0.012704	613	6	0.009788	267	1	0.003745	263	1	0.003802	58	0	0
XM_00650 259302	Srgap3	chr6	1.13E+08	1.13E+08	611	8	0.013093	566	7	0.012367	565	2	0.00354	122	1	0.008197	337	6	0.017804	559	9	0.0161	551	7	0.012704	613	6	0.009788	267	1	0.003745	263	1	0.003802	58	0	0
XM_00650 259302	Srgap3	chr6	1.13E+08	1.13E+08	611	8	0.013093	566	7	0.012367	565	2	0.00354	122	1	0.008197	337	6	0.017804	559	9	0.0161	551	7	0.012704	613	6	0.009788	267	1	0.003745	263	1	0.003802	58	0	0
XM_00650 259302	Srgap3	chr6	1.13E+08	1.13E+08	611	8	0.013093	566	7	0.012367	565	2	0.00354	122	1	0.008197	337	6	0.017804	559	9	0.0161	551	7	0.012704	613	6	0.009788	267	1	0.003745	263	1	0.003802	58	0	0
XM_00650 26357	Abcg2	chr6	58640501	58692451	912	4	0.004386	723	3	0.004149	1036	3	0.002896	114	0	0	370	1	0.002703	1138	13	0.011424	1025	2	0.001951	746	3	0.004021	318	0	0	531	7	0.013183	20	0	0
XM_00650 264134	Ttc26	chr6	38381464	38427647	135	2	0.014815	33	0	0	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	112	1	0.008929	88	1	0.011364	150	2	0.013333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26888	Clec4a2	chr6	1.23E+08	1.23E+08	146	100	0.684932	16	11	0.6875	90	79	0.877778	#N/A	#N/A	#N/A	53	46	0.867925	60	57	0.95	122	85	0.696721	50	46	0.92	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26894	Cops7a	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3611	99	0.027416	3115	104	0.033387	3617	93	0.025712	591	15	0.025381	1330	50	0.037594	3800	111	0.029211	3228	93	0.02881	3140	67	0.021338	1205	17	0.014108	1103	24	0.021759	643	14	0.021773
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019263	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019263	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019263	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019263	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019263	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84008361	84211060	1079	160	0.148285	1000	138	0.138	1033	133	0.128751	151	22	0.145695	337	41	0.121662	845	139	0.164497	1017	136	0.133727	775	137	0.176774	354	48	0.135593	319	68	0.213166	48	1	0.020833
XM_00650 26903	Dysf	chr6	84019252	84181457	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_00650 67420	Far1	chr7	1.14E+08	1.14E+08	3857	61	0.015815	3524	40	0.011351	4257	50	0.011745	483	2	0.004141	1322	6	0.004539	4019	62	0.015427	3263	25	0.007662	3055	44	0.014403	1189	10	0.00841	1180	21	0.017797	688	12	0.017442
XM_00650 67420	Far1	chr7	1.14E+08	1.14E+08	3857	61	0.015815	3524	40	0.011351	4257	50	0.011745	483	2	0.004141	1322	6	0.004539	4019	62	0.015427	3263	25	0.007662	3055	44	0.014403	1189	10	0.00841	1180	21	0.017797	688	12	0.017442
XM_00650 67420	Far1	chr7	1.14E+08	1.14E+08	3857	61	0.015815	3524	40	0.011351	4257	50	0.011745	483	2	0.004141	1322	6	0.004539	4019	62	0.015427	3263	25	0.007662	3055	44	0.014403	1189	10	0.00841	1180	21	0.017797	688	12	0.017442
XM_00650 67669	Hikeshi	chr7	89918685	89941217	1069	17	0.015903	864	34	0.039352	1082	48	0.044362	350	0	0	388	2	0.005155	1061	22	0.020735	964	14	0.014523	855	7	0.008187	444	10	0.022523	391	13	0.033248	221	3	0.013575
XM_00650 67669	Hikeshi	chr7	89918685	89941223	1069	17	0.015903	864	34	0.039352	1082	48	0.044362	350	0	0	388	2	0.005155	1061	22	0.020735	964	14	0.014523	855	7	0.008187	444	10	0.022523	391	13	0.033248	221	3	0.013575
XM_00650 67773	Kat8	chr7	1.28E+08	1.28E+08	857	216	0.252042	929	217	0.233584	900	242	0.268889	227	46	0.202643	293	106	0.361775	828	209	0.252415	659	142	0.215478	1006	230	0.228628	194	31	0.159794	192	38	0.197917	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 67865	Rgs10	chr7	1.28E+08	1.28E+08	3436	126	0.036671	3540	86	0.024294	3823	103	0.026942	584	27	0.046233	946	3	0.003171	3746	176	0.046983	3422	56	0.016365	2996	127	0.04239	1104	10	0.009058	1212	67	0.055281	440	2	0.004545
XM_00650 67928	Abca14	chr7	1.2E+08	1.2E+08	509	46	0.090373	477	41	0.085954	595	49	0.082353	147	1	0.006803	262	14	0.053435	497	79	0.158954	552	30	0.054348	527	23	0.043643	186	13	0.069892	149	21	0.14094	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 67928	Abca14	chr7	1.2E+08	1.2E+08	319	174	0.545455	312	178	0.570513	339	208	0.613569	#N/A	#N/A	#N/A	113	65	0.575221	268	108	0.402985	246	114	0.463415	212	100	0.471698	113	23	0.20354	42	27	0.642857	51	39	0.764706
XM_00650 67967	Pold3	chr7	1E+08	1E+08	1755	15	0.008547	1154	23	0.019931	1380	17	0.012319	150	0	0	321	2	0.006231	1718	9	0.005239	1288	6	0.004658	1124	15	0.013345	222	0	0	587	1	0.001704	280	0	0
XM_00650 67983	Pdzd9	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	44	23	0.522727	14	12	0.857143	12	10	0.833333	32	1	0.03125	#N/A	#N/A	#N/A	41	17	0.414634	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68185	Coa4	chr7	1.01E+08	1.01E+08	199	2	0.01005	120	2	0.016667	51	0	0	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	355	1	0.002817	276	1	0.003623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68742	Tmem219	chr7	1.27E+08	1.27E+08	1632	7	0.004289	1576	15	0.009518	1428	2	0.001401	423	1	0.002364	800	8	0.01	1475	7	0.004746	1114	15	0.013465	1478	7	0.004736	700	2	0.002857	735	4	0.005442	246	1	0.004065
XM_00650 68815	Btbd10	chr7	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68815	Btbd10	chr7	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68815	Btbd10	chr7	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68815	Btbd10	chr7	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68815	Btbd10	chr7	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68815	Btbd10	chr7	1.13E+08	1.13E+08	4696	31	0.006601	4849	35	0.007218	5103	32	0.006271	1469	4	0.002723	2260	5	0.002212	4697	26	0.005535	4214	37	0.00878	4203	22	0.005234	1748	13	0.007437	2246	8	0.003562	893	31	0.034714
XM_00650 68952	Tlcd3b	chr7	1.27E+08	1.27E+08	383	174	0.454308	243	118	0.485597	357	197	0.551821	131	66	0.503817	176	92	0.522727	407	177	0.434889	403	213	0.528536	294	125	0.42517	121	53	0.438017	187	67	0.358289	11	2	0.181818
XM_00650 68952	Tlcd3b	chr7	1.27E+08	1.27E+08	129	13	0.100775	107	8	0.074766	94	6	0.06383	25	5	0.2	38	4	0.105263	126	8	0.063492	155	9	0.058065	122	8	0.065574	71	3	0.042254	13	0	0	10	1	0.1
XM_00650 68961	Phkg2	chr7	1.28E+08	1.28E+08	778	1	0.001285	571	5	0.008757	726	6	0.008264	90	0	0	205	0	0	1040	12	0.011538	813	4	0.00492	594	7	0.011785	279	0	0	321	2	0.006231	162	0	0
XM_00650 68961	Phkg2	chr7	1.28E+08	1.28E+08	778	1	0.001285	571	5	0.008757	726	6	0.008264	90	0	0	205	0	0	1040	12	0.011538	813	4	0.00492	594	7	0.011785	279	0	0	321	2	0.006231	162	0	0
XM_00650 68961	Phkg2	chr7	1.28E+08	1.28E+08	778	1	0.001285	571	5	0.008757	726	6	0.008264	90	0	0	205	0	0	1040	12	0.011538	813	4	0.00492	594	7	0.011785	279	0	0	321	2	0.006231	162	0	0
XM_00650 68961	Phkg2	chr7	1.28E+08	1.28E+08	778	1	0.001285	571	5	0.008757	726	6	0.008264	90	0	0	205	0	0	1040	12	0.011538	813	4	0.00492	594	7	0.011785	279	0	0	321	2	0.006231	162	0	0
XM_00650 69121	Chrdl2	chr7	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69121	Chrdl2	chr7	1E+08	1E+08	65	56	0.861538	68	53	0.779412	64	50	0.78125	25	20	0.8	18	15	0.833333	65	49	0.753846	95	61	0.642105	63	50	0.793651	28	14	0.5	46	25	0.543478	19	11	0.578947
XM_00650 69234	Zfp688	chr7	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	7	0.269231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69234	Zfp688	chr7	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	7	0.269231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69318	Fam24b	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69358	Lrrc51	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1584	10	0.006313	1304	10	0.007669	1276	16	0.012539	366	0	0	660	3	0.004545	1299	6	0.004619	1172	14	0.011945	1098	5	0.004554	646	7	0.010836	710	1	0.001408	181	1	0.005525
XM_00650 69387	Dnajb13	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69387	Dnajb13	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	2423	216	0.089146	2385	166	0.069602	2739	264	0.096386	376	35	0.093085	712	105	0.147472	2416	245	0.101407	2238	180	0.080429	2560	273	0.106641	631	109	0.172742	776	98	0.126289	313	0	0
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	133	112	0.842105	88	76	0.863636	150	116	0.773333	63	54	0.857143	75	49	0.653333	225	184	0.817778	196	166	0.846939	169	122	0.721893	29	24	0.827586	47	41	0.87234	28	22	0.785714
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69710	Arap1	chr7	1.01E+08	1.01E+08	245	207	0.844898	261	223	0.854406	302	246	0.81457	82	73	0.890244	84	74	0.880952	288	260	0.902778	255	234	0.917647	267	246	0.921348	95	87	0.915789	93	81	0.870968	35	32	0.914286
XM_00650 70233	Cd2bp2	chr7	1.27E+08	1.27E+08	1731	211	0.121895	1673	184	0.109982	1571	226	0.143857	228	24	0.105263	536	70	0.130597	1967	266	0.135231	1403	178	0.126871	1725	206	0.11942	482	44	0.091286	389	98	0.251928	234	20	0.08547
XM_00650 70497	Arhgap17	chr7	1.23E+08	1.23E+08	3089	42	0.013597	2967	23	0.007752	3379	33	0.009766	545	1	0.001835	931	6	0.006445	3465	37	0.010678	3269	34	0.010401	3277	33	0.01007	857	12	0.014002	952	3	0.003151	246	1	0.004065
XM_00650 70974	Pgm2l1	chr7	1E+08	1E+08	1873	25	0.013348	1606	20	0.012453	2007	21	0.010463	332	3	0.009036	792	7	0.008838	2199	18	0.008186	2021	17	0.008412	1564	18	0.011509	609	4	0.006568	864	5	0.005787	249	5	0.02008
XM_00650 70974	Pgm2l1	chr7	1E+08	1E+08	1873	25	0.013348	1606	20	0.012453	2007	21	0.010463	332	3	0.009036	792	7	0.008838	2199	18	0.008186	2021	17	0.008412	1564	18	0.011509	609	4	0.006568	864	5	0.005787	249	5	0.02008
XM_00650 71151	Eri2	chr7	1.2E+08	1.2E+08	1271	13	0.010228	1096	2	0.001825	1116	2	0.001792	154	0	0	586	1	0.001706	1256	7	0.005573	1156	1	0.000865	866	9	0.010393	591	2	0.003384	345	0	0	221	0	0
XM_00650 71151	Eri2	chr7	1.2E+08	1.2E+08	1271	13	0.010228	1096	2	0.001825	1116	2	0.001792	154	0	0	586	1	0.001706	1256	7	0.005573	1156	1	0.000865	866	9	0.010393	591	2	0.003384	345	0	0	221	0	0
XM_00650 71517	Vps35l	chr7	1.19E+08	1.19E+08	815	5	0.006135	669	7	0.010463	601	5	0.008319	#N/A	#N/A	#N/A	223	1	0.004484	639	7	0.010955	733	3	0.004093	750	5	0.006667	80	0	0	375	1	0.002667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 71830	Pdilt	chr7	1.19E+08	1.2E+08	82	71	0.865854	64	60	0.9375	78	73	0.935897	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	60	55	0.916667	62	53	0.854839	78	71	0.910256	50	43	0.86	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72184	Klhl35	chr7	99463121	99473605	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72981	Thap12	chr7	98703037	98718062	3497	15	0.004289	3575	30	0.008392	4071	29	0.007124	753	2	0.002656	1438	0	0	4385	34	0.007754	3586	14	0.003904	3583	23	0.006419	1389	3	0.00216	1716	7	0.004079	403	5	0.012407
XM_00650 73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	139	0	0	508	2	0.003937	1390	3	0.002158	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XM_00650 73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	139	0	0	508	2	0.003937	1390	3	0.002158	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XM_00650 73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	139	0	0	508	2	0.003937	1390	3	0.002158	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XM_00650 73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	139	0	0	508	2	0.003937	1390	3	0.002158	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XM_00650 73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	151	6	0.039735	508	2	0.003937	1400	7	0.005	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XM_00650 73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	139	0	0	508	2	0.003937	1390	3	0.002158	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XM_00650 73845	Ankrd42	chr7	92607579	92637119	2005	37	0.018454	1840	37	0.020109	2030	36	0.017734	227	0	0	720	30	0.041667	1929	44	0.02281	1831	46	0.025123	1586	23	0.014502	603	15	0.024876	358	15	0.041899	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 73919	Lyrm1	chr7	1.2E+08	1.2E+08	2171	13	0.005988	1552	18	0.011598	1956	11	0.005624	277	1	0.00361	756	7	0.009259	2105	21	0.009976	2035	14	0.00688	1863	9	0.004831	678	4	0.0059	957	3	0.003135	198	0	0
XM_00650 74204	Xpo6	chr7	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74349	Fam160a2	chr7	1.05E+08	1.05E+08	1493	12	0.008038	1403	5	0.003564	1304	5	0.003834	258	0	0	648	3	0.00463	1911	17	0.008896	1598	4	0.002503	1437	8	0.005567	276	1	0.003623	398	2	0.005025	232	1	0.00431
XM_00650 74424	Tmc5	chr7	1.19E+08	1.19E+08	164	34	0.207317	109	23	0.211009	115	19	0.165217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	174	28	0.16092	153	36	0.235294	104	12	0.115385	#N/A	#N/A	#N/A	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74466	Mfsd13b	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2962	35	0.011816	3152	38	0.012056	3554	63	0.017727	642	9	0.014019	995	14	0.01407	3671	28	0.007627	3242	42	0.012955	3071	30	0.009769	718	4	0.005571	1290	25	0.01938	416	4	0.009615
XM_00650 74737	Pcf11	chr7	92643458	92670080	2199	13	0.005912	1482	9	0.006073	2140	19	0.008879	507	4	0.00789	1046	2	0.001912	2472	22	0.0089	2129	16	0.007515	2051	17	0.008289	797	3	0.003764	911	8	0.008782	243	0	0
XM_00650 74996	Usp47	chr7	1.12E+08	1.12E+08	3277	16	0.004883	3650	33	0.009041	3383	13	0.003843	561	0	0	1325	2	0.001509	3032	28	0.009235	3685	23	0.006242	3486	16	0.00459	965	0	0	1166	6	0.005146	432	3	0.006944
XM_00650 75212	Rnf121	chr7	1.02E+08	1.02E+08	16	16	1	34	33	0.970588	22	22	1	20	17	0.85	34	33	0.970588	58	54	0.931034	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	32	32	1	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 75338	Ccdc83	chr7	90223500	90265300	194	24	0.123711	209	26	0.124402	191	12	0.062827	24	0	0	137	22	0.160584	187	21	0.112299	126	10	0.079365	149	3	0.020134	91	3	0.032967	36	11	0.305556	10	0	0
XM_00650 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1356	97	0.071534	1395	56	0.040143	1473	73	0.049559	132	0	0	338	1	0.002959	1468	69	0.047003	1316	52	0.039514	1582	55	0.034766	240	0	0	495	18	0.036364	180	0	0
XM_00650 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1356	97	0.071534	1395	56	0.040143	1473	73	0.049559	132	0	0	338	1	0.002959	1468	69	0.047003	1316	52	0.039514	1582	55	0.034766	240	0	0	495	18	0.036364	180	0	0
XM_00650 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1356	97	0.071534	1395	56	0.040143	1473	73	0.049559	132	0	0	338	1	0.002959	1468	69	0.047003	1316	52	0.039514	1582	55	0.034766	240	0	0	495	18	0.036364	180	0	0
XM_00650 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1356	97	0.071534	1395	56	0.040143	1473	73	0.049559	132	0	0	338	1	0.002959	1468	69	0.047003	1316	52	0.039514	1582	55	0.034766	240	0	0	495	18	0.036364	180	0	0
XM_00650 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1356	97	0.071534	1395	56	0.040143	1473	73	0.049559	132	0	0	338	1	0.002959	1468	69	0.047003	1316	52	0.039514	1582	55	0.034766	240	0	0	495	18	0.036364	180	0	0
XM_00650 75556	Cfap161	chr7	83775612	83795388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 75985	Rab30	chr7	92764130	92844535	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 75985	Rab30	chr7	92741637	92844535	739	3	0.00406	682	5	0.007331	729	2	0.002743	30	0	0	381	1	0.002625	882	2	0.002268	775	1	0.00129	790	4	0.005063	196	3	0.015306	239	1	0.004184	51	0	0
XM_00650 76179	Usp31	chr7	1.22E+08	1.22E+08	3815	37	0.009699	4258	61	0.014326	4363	36	0.008251	534	1	0.001873	927	4	0.004315	3863	20	0.005177	3541	28	0.007907	3781	19	0.005025	1051	7	0.00666	1006	4	0.003976	187	1	0.005348
XM_00650 76429	Lhpp	chr7	1.33E+08	1.33E+08	1215	20	0.016461	920	19	0.020652	867	3	0.00346	258	3	0.011628	497	10	0.020121	1032	50	0.04845	881	52	0.059024	960	45	0.046875	276	5	0.018116	407	27	0.066339	128	9	0.070313
XM_00650 76429	Lhpp	chr7	1.33E+08	1.33E+08	1215	20	0.016461	920	19	0.020652	867	3	0.00346	258	3	0.011628	497	10	0.020121	1032	50	0.04845	881	52	0.059024	960	45	0.046875	276	5	0.018116	407	27	0.066339	128	9	0.070313
XM_00650 76560	Prss8	chr7	1.28E+08	1.28E+08	247	105	0.425101	246	124	0.504065	264	117	0.443182	78	29	0.371795	115	56	0.486957	204	83	0.406863	169	71	0.420118	189	67	0.354497	95	44	0.463158	138	52	0.376812	37	6	0.162162
XM_00650 76932	Arfip2	chr7	1.06E+08	1.06E+08	1350	4	0.002963	1143	9	0.007874	1320	11	0.008333	110	1	0.009091	382	2	0.005236	1668	10	0.005995	1266	15	0.011848	1346	3	0.002229	393	1	0.002545	503	0	0	325	1	0.003077
XM_00650 76932	Arfip2	chr7	1.06E+08	1.06E+08	1350	4	0.002963	1143	9	0.007874	1320	11	0.008333	110	1	0.009091	382	2	0.005236	1668	10	0.005995	1266	15	0.011848	1346	3	0.002229	393	1	0.002545	503	0	0	325	1	0.003077
XM_00650 76954	Dennd2b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1200	35	0.029167	1122	14	0.012478	1241	20	0.016116	241	0	0	400	14	0.035	1258	47	0.037361	1151	29	0.025195	1075	31	0.028837	309	3	0.009709	340	13	0.038235	64	2	0.03125
XM_00650 77252	9430038I0	chr7	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	15	13	0.866667
XM_00650 77252	9430038I0	chr7	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	15	13	0.866667
XM_00650 77590	Chst15	chr7	1.32E+08	1.32E+08	3216	71	0.022077	3301	92	0.02787	3023	91	0.030103	338	4	0.011834	958	26	0.02714	3015	118	0.039138	2938	203	0.069095	3348	119	0.035544	657	14	0.021309	1092	50	0.045788	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 78118	4930451I1	chr7	1.27E+08	1.27E+08	316	185	0.585443	274	156	0.569343	330	170	0.515152	24	21	0.875	152	85	0.559211	373	159	0.426273	259	81	0.312741	286	100	0.34965	118	43	0.364407	116	76	0.655172	48	22	0.458333
XM_00650 78610	Uvrag	chr7	98886742	99141167	3471	18	0.005186	2860	28	0.00979	3141	19	0.006049	688	5	0.007267	1415	2	0.001413	3970	30	0.007557	3473	28	0.008062	3750	21	0.0056	1056	3	0.002841	1262	4	0.00317	119	0	0
XM_00650 80719	Igsf6	chr7	1.21E+08	1.21E+08	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	30	11	0.366667	11	11	1	31	28	0.903226	66	24	0.363636	58	29	0.5	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 80982	Cemip	chr7	83932857	84086693	1504	47	0.03125	1551	38	0.0245	1653	56	0.033878	232	5	0.021552	775	38	0.049032	1695	88	0.051917	1639	47	0.028676	1793	83	0.046291	535	21	0.039252	651	26	0.039939	58	0	0
XM_00650 80982	Cemip	chr7	83932857	84086693	1504	47	0.03125	1551	38	0.0245	1653	56	0.033878	232	5	0.021552	775	38	0.049032	1695	88	0.051917	1639	47	0.028676	1793	83	0.046291	535	21	0.039252	651	26	0.039939	58	0	0
XM_00650 83671	Sytl2	chr7	90302217	90410439	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
XM_00650 83671	Sytl2	chr7	90302217	90410439	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
XM_00650 83671	Sytl2	chr7	90302218	90410439	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
XM_00650 83671	Sytl2	chr7	90302218	90410439	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
XM_00650 83671	Sytl2	chr7	90302211	90395224	729	16	0.021948	735	21	0.028571	667	20	0.029985	85	2	0.023529	290	13	0.044828	640	6	0.009375	632	15	0.023734	640	10	0.015625	117	4	0.034188	336	17	0.050595	53	1	0.018868
XM_00650 94088	Trim6	chr7	1.04E+08	1.04E+08	687	100	0.14556	606	60	0.09901	742	73	0.098383	106	4	0.037736	184	8	0.043478	668	74	0.110778	631	80	0.126783	532	31	0.058271	208	23	0.110577	190	15	0.078947	52	0	0
XM_00650 94088	Trim6	chr7	1.04E+08	1.04E+08	687	100	0.14556	606	60	0.09901	742	73	0.098383	106	4	0.037736	184	8	0.043478	668	74	0.110778	631	80	0.126783	532	31	0.058271	208	23	0.110577	190	15	0.078947	52	0	0
XM_00650 94088	Trim6	chr7	1.04E+08	1.04E+08	687	100	0.14556	606	60	0.09901	742	73	0.098383	106	4	0.037736	184	8	0.043478	668	74	0.110778	631	80	0.126783	532	31	0.058271	208	23	0.110577	190	15	0.078947	52	0	0
XM_00650 94094	Trim34a	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 94094	Trim34a	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 102640171	Gm38525	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 102640171	Gm38525	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 102636907	Gm4275	chr7	1.31E+08	1.31E+08	170	109	0.641176	182	92	0.505495	174	77	0.442529	44	15	0.340909	96	61	0.635417	206	101	0.490291	186	69	0.370968	194	65	0.335052	103	56	0.543689	14	6	0.428571	28	10	0.357143
XM_00650 102638918	Gm35364	chr7	1.33E+08	1.33E+08	12452	205	0.016463	11217	197	0.017563	13058	209	0.016006	1611	12	0.007449	3193	29	0.009082	12142	184	0.015154	10880	231	0.021232	10742	219	0.020387	2800	44	0.015714	3195	80	0.025039	534	11	0.020599
XM_00650 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	1183	36	0.030431	1393	56	0.040201	1475	63	0.042712	236	4	0.016949	578	30	0.051903	1459	114	0.078136	1018	27	0.026523	1197	84	0.070175	444	26	0.058559	378	16	0.042328	120	6	0.05
XM_00650 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	1183	36	0.030431	1393	56	0.040201	1475	63	0.042712	236	4	0.016949	578	30	0.051903	1459	114	0.078136	1018	27	0.026523	1197	84	0.070175	444	26	0.058559	378	16	0.042328	120	6	0.05
XM_00650 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	84	63	0.75	76	67	0.881579	111	99	0.891892	#N/A	#N/A	#N/A	36	33	0.916667	117	105	0.897436	106	98	0.924528	133	116	0.87218	#N/A	#N/A	#N/A	59	55	0.932203	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	87	61	0.701149	75	63	0.84	96	66	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	104	65	0.625	95	51	0.536842	116	70	0.603448	39	18	0.461538	35	15	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 12577	Cdkn1c	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1913	744	0.388918	2143	825	0.384974	2137	784	0.366869	244	118	0.483607	927	415	0.447681	2030	868	0.427586	1762	787	0.446652	1782	760	0.426487	427	169	0.395785	895	390	0.435754	222	106	0.477477
XM_00650 12577	Cdkn1c	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1913	744	0.388918	2143	825	0.384974	2137	784	0.366869	244	118	0.483607	927	415	0.447681	2030	868	0.427586	1762	787	0.446652	1782	760	0.426487	427	169	0.395785	895	390	0.435754	222	106	0.477477
XM_00650 12577	Cdkn1c	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1913	744	0.388918	2143	825	0.384974	2137	784	0.366869	244	118	0.483607	927	415	0.447681	2030	868	0.427586	1762	787	0.446652	1782	760	0.426487	427	169	0.395785	895	390	0.435754	222	106	0.477477
XM_00650 12577	Cdkn1c	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1913	744	0.388918	2143	825	0.384974	2137	784	0.366869	244	118	0.483607	927	415	0.447681	2030	868	0.427586	1762	787	0.446652	1782	760	0.426487	427	169	0.395785	895	390	0.435754	222	106	0.477477
XM_00650 13360	Dhcr7	chr7	1.44E+08	1.44E+08	378	335	0.886243	356	319	0.896067	421	365	0.866983	44	35	0.795455	217	193	0.889401	507	459	0.905325	410	361	0.880488	392	347	0.885204	147	109	0.741497	250	209	0.836	20	19	0.95
XM_00650 13360	Dhcr7	chr7	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	2	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 13360	Dhcr7	chr7	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	2	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 16002	Igf2	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1026	48	0.046784	1034	54	0.052224	1342	70	0.052161	56	1	0.017857	447	21	0.04698	1222	123	0.100655	955	161	0.168586	890	148	0.166292	452	52	0.115044	485	72	0.148454	176	22	0.125
XM_00650 16535	Kcnq1	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1308	45	0.034404	1063	35	0.032926	1525	31	0.020328	327	17	0.051988	518	18	0.034749	1935	82	0.042377	1248	35	0.028045	1130	47	0.041593	366	64	0.174863	682	26	0.038123	206	5	0.024272
XM_00650 16535	Kcnq1	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1308	45	0.034404	1063	35	0.032926	1525	31	0.020328	327	17	0.051988	518	18	0.034749	1935	82	0.042377	1248	35	0.028045	1130	47	0.041593	366	64	0.174863	682	26	0.038123	206	5	0.024272
XM_00650 16535	Kcnq1	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1308	45	0.034404	1063	35	0.032926	1525	31	0.020328	327	17	0.051988	518	18	0.034749	1935	82	0.042377	1248	35	0.028045	1130	47	0.041593	366	64	0.174863	682	26	0.038123	206	5	0.024272
XM_00650 16535	Kcnq1	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1308	45	0.034404	1063	35	0.032926	1525	31	0.020328	327	17	0.051988	518	18	0.034749	1935	82	0.042377	1248	35	0.028045	1130	47	0.041593	366	64	0.174863	682	26	0.038123	206	5	0.024272
XM_00650 16535	Kcnq1	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1308	45	0.034404	1063	35	0.032926	1525	31	0.020328	327	17	0.051988	518	18	0.034749	1935	82	0.042377	1248	35	0.028045	1130	47	0.041593	366	64	0.174863	682	26	0.038123	206	5	0.024272
XM_00650 16985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 16985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 16985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 17833	Muc5ac	chr7	1.42E+08	1.42E+08	31	26	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	25	0.925926	26	25	0.961538	32	28	0.875	41	36	0.878049	23	17	0.73913	34	26	0.764706	11	6	0.545455
XM_00650 17833	Muc5ac	chr7	1.42E+08	1.42E+08	31	26	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	25	0.925926	26	25	0.961538	32	28	0.875	41	36	0.878049	23	17	0.73913	34	26	0.764706	11	6	0.545455
XM_00650 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2908	51	0.017538	2105	54	0.025653	2709	36	0.013289	697	12	0.017217	1013	27	0.026654	3432	29	0.00845	3118	23	0.007377	2598	52	0.020015	707	13	0.018388	1382	9	0.006512	365	10	0.027397
XM_00650 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2908	51	0.017538	2105	54	0.025653	2709	36	0.013289	697	12	0.017217	1013	27	0.026654	3432	29	0.00845	3118	23	0.007377	2598	52	0.020015	707	13	0.018388	1382	9	0.006512	365	10	0.027397
XM_00650 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1569	42	0.026769	1169	50	0.042772	1527	33	0.021611	449	12	0.026726	577	23	0.039861	1974	22	0.011145	1689	16	0.009473	1480	45	0.030405	478	13	0.027197	847	8	0.009445	113	10	0.088496
XM_00650 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1569	42	0.026769	1169	50	0.042772	1527	33	0.021611	449	12	0.026726	577	23	0.039861	1974	22	0.011145	1689	16	0.009473	1480	45	0.030405	478	13	0.027197	847	8	0.009445	113	10	0.088496
XM_00650 18218	Dusp8	chr7	1.42E+08	1.42E+08	3072	49	0.015951	3082	43	0.013952	3449	29	0.008408	328	3	0.009146	954	12	0.012579	3737	49	0.013112	3285	45	0.013699	3714	23	0.006193	579	1	0.001727	1041	18	0.017291	302	10	0.033113
XM_00650 18400	Slc22a18	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 18400	Slc22a18	chr7	1.43E+08	1.43E+08	464	120	0.258621	372	69	0.185484	447	65	0.145414	13	0	0	212	57	0.268868	546	142	0.260073	334	61	0.182635	450	59	0.131111	177	32	0.180791	205	32	0.156098	80	14	0.175
XM_00650 18400	Slc22a18	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 18400	Slc22a18	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 18400	Slc22a18	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_00650 50770	Atp11a	chr8	12757260	12861999	6544	235	0.035911	6386	180	0.028187	6512	222	0.034091	1392	74	0.053161	2301	55	0.023903	5945	183	0.030782	4479	194	0.043313	6621	185	0.027941	1687	88	0.052164	2150	81	0.037674	616	11	0.017857
XM_00650 50770	Atp11a	chr8	12757260	12856927	6544	235	0.035911	6386	180	0.028187	6512	222	0.034091	1392	74	0.053161	2301	55	0.023903	5945	183	0.030782	4479	194	0.043313	6621	185	0.027941	1687	88	0.052164	2150	81	0.037674	616	11	0.017857
XM_00650 54126	Arhgef7	chr8	11728001	11835219	6866	76	0.011069	8090	80	0.009889	7872	60	0.007622	1164	6	0.005155	1557	17	0.010918	6879	83	0.012066	5875	75	0.012766	7661	59	0.007701	1414	39	0.027581	2293	28	0.012211	299	4	0.013378
XM_00650 54126	Arhgef7	chr8	11765879	11835213	28	27	0.964286	17	15	0.882353	27	26	0.962963	11	10	0.909091	17	14	0.823529	33	31	0.939394	21	15	0.714286	30	25	0.833333	11	6	0.545455	11	10	0.909091	11	11	1
XM_00650 66790	Grtp1	chr8	13177375	13200766	487	9	0.01848	348	4	0.011494	570	9	0.015789	#N/A	#N/A	#N/A	64	1	0.015625	544	4	0.007353	444	23	0.051802	490	7	0.014286	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 66790	Grtp1	chr8	13178561	13200766	487	9	0.01848	348	4	0.011494	570	9	0.015789	#N/A	#N/A	#N/A	64	1	0.015625	544	4	0.007353	444	23	0.051802	490	7	0.014286	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 66790	Grtp1	chr8	13176871	13188283	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 66901	Proz	chr8	13060588	13076026	604	216	0.357616	481	128	0.266112	560	118	0.210714	144	35	0.243056	240	89	0.370833	662	233	0.351964	472	136	0.288136	514	111	0.215953	164	49	0.29878	150	36	0.24	82	17	0.207317
XM_00650 66901	Proz	chr8	13060584	13073182	604	216	0.357616	481	128	0.266112	560	118	0.210714	144	35	0.243056	240	89	0.370833	662	233	0.351964	472	136	0.288136	514	111	0.215953	164	49	0.29878	150	36	0.24	82	17	0.207317
XM_00650 67031	Upf3a	chr8	13785055	13798723	2059	31	0.015056	2277	19	0.008344	2195	12	0.005467	434	2	0.004608	971	24	0.024717	2263	15	0.006628	1676	6	0.00358	2519	40	0.015879	503	1	0.001988	1048	10	0.009542	276	0	0
XM_00650 67260	Cers4	chr8	4492888	4529603	396	9	0.022727	297	9	0.030303	470	6	0.012766	67	3	0.044776	178	3	0.016854	507	8	0.015779	335	3	0.008955	431	5	0.011601	169	2	0.011834	235	1	0.004255	20	0	0
XM_00650 67260	Cers4	chr8	4493122	4529603	396	9	0.022727	297	9	0.030303	470	6	0.012766	67	3	0.044776	178	3	0.016854	507	8	0.015779	335	3	0.008955	431	5	0.011601	169	2	0.011834	235	1	0.004255	20	0	0
XM_00650 67260	Cers4	chr8	4492986	4529603	396	9	0.022727	297	9	0.030303	470	6	0.012766	67	3	0.044776	178	3	0.016854	507	8	0.015779	335	3	0.008955	431	5	0.011601	169	2	0.011834	235	1	0.004255	20	0	0
XM_00650 67439	Xab2	chr8	3610089	3621282	803	7	0.008717	771	10	0.01297	882	11	0.012472	#N/A	#N/A	#N/A	407	0	0	992	8	0.008065	507	2	0.003945	890	9	0.010112	388	1	0.002577	644	3	0.004658	39	0	0
XM_00650 69142	Cd209f	chr8	4102784	4105838	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69142	Cd209f	chr8	4102784	4105801	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69165	Cd209b	chr8	3918714	3926838	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 69225	Naxd	chr8	11497521	11513287	1587	93	0.058601	1488	104	0.069892	1340	107	0.079851	120	1	0.008333	596	52	0.087248	1460	97	0.066438	1074	51	0.047486	1601	58	0.036227	282	32	0.113475	673	58	0.086181	105	0	0
XM_00650 69697	Camsap3	chr8	3587237	3609075	2085	26	0.01247	1931	18	0.009322	2269	11	0.004848	361	5	0.01385	783	10	0.012771	1808	23	0.012721	1299	13	0.010008	1977	18	0.009105	657	5	0.00761	917	8	0.008724	66	1	0.015152
XM_00650 69697	Camsap3	chr8	3588031	3609075	2085	26	0.01247	1967	30	0.015252	2304	17	0.007378	361	5	0.01385	783	10	0.012771	1808	23	0.012721	1320	17	0.012879	2003	20	0.009985	657	5	0.00761	917	8	0.008724	66	1	0.015152
XM_00650 69957	Cdc16	chr8	13757650	13781938	2411	17	0.007051	2648	18	0.006798	2563	8	0.003121	301	1	0.003322	951	5	0.005258	2482	20	0.008058	2265	35	0.015453	2861	18	0.006292	532	4	0.007519	776	7	0.009021	286	1	0.003497
XM_00650 69957	Cdc16	chr8	13757649	13771291	2411	17	0.007051	2648	18	0.006798	2563	8	0.003121	301	1	0.003322	951	5	0.005258	2482	20	0.008058	2265	35	0.015453	2861	18	0.006292	532	4	0.007519	776	7	0.009021	286	1	0.003497
XM_00650 70192	Cd209g	chr8	4134246	4137707	91	74	0.813187	32	23	0.71875	82	68	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	92	81	0.880435	74	66	0.891892	54	39	0.722222	88	68	0.772727	46	26	0.565217	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 71941	Cars2	chr8	11514017	11550777	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_00650 71941	Cars2	chr8	11522008	11550777	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_00650 72267	Lrrc8e	chr8	4231007	4237470	139	100	0.719424	102	73	0.715686	118	77	0.652542	39	30	0.769231	51	30	0.588235	128	78	0.609375	99	74	0.747475	105	73	0.695238	45	34	0.755556	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72267	Lrrc8e	chr8	4226900	4237470	1163	102	0.087704	1051	75	0.071361	1260	74	0.05873	96	8	0.083333	379	31	0.081794	1044	99	0.094828	900	37	0.041111	952	52	0.054622	261	12	0.045977	527	19	0.036053	128	10	0.078125
XM_00650 72267	Lrrc8e	chr8	4226898	4237470	1163	102	0.087704	1051	75	0.071361	1260	74	0.05873	96	8	0.083333	379	31	0.081794	1044	99	0.094828	900	37	0.041111	952	52	0.054622	261	12	0.045977	527	19	0.036053	128	10	0.078125
XM_00650 73072	Prr36	chr8	4209478	4217513	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	95	10	0.105263	90	3	0.033333	34	7	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 73072	Prr36	chr8	4209478	4217513	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	95	10	0.105263	90	3	0.033333	34	7	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 73072	Prr36	chr8	4209478	4216810	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	84	0	0	90	3	0.033333	44	7	0.159091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 73072	Prr36	chr8	4209478	4217512	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	95	10	0.105263	90	3	0.033333	34	7	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74901	Kbtbd11	chr8	15011194	15033333	4339	64	0.01475	4462	67	0.015016	4978	84	0.016874	1036	11	0.010618	1629	19	0.011664	4713	58	0.012306	3598	56	0.015564	4108	53	0.012902	1267	11	0.008682	1993	30	0.015053	762	5	0.006562
XM_00650 74901	Kbtbd11	chr8	15011268	15033333	4339	64	0.01475	4462	67	0.015016	4978	84	0.016874	1036	11	0.010618	1629	19	0.011664	4713	58	0.012306	3598	56	0.015564	4108	53	0.012902	1267	11	0.008682	1993	30	0.015053	762	5	0.006562
XM_00650 75528	Tex29	chr8	11840912	11855761	75	47	0.626667	10	8	0.8	10	8	0.8	10	7	0.7	51	34	0.666667	36	18	0.5	22	6	0.272727	24	4	0.166667	10	8	0.8	73	40	0.547945	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 75528	Tex29	chr8	11840983	11855761	65	39	0.6	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	34	18	0.529412	24	6	0.25	22	6	0.272727	24	4	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	73	40	0.547945	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 75528	Tex29	chr8	11840488	11855761	10	8	0.8	10	8	0.8	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	27	25	0.925926	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76406	Tex45	chr8	3468886	3487183	135	0	0	167	2	0.011976	211	1	0.004739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	130	0	0	129	2	0.015504	154	0	0	12	0	0	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76406	Tex45	chr8	3468886	3487183	135	0	0	167	2	0.011976	211	1	0.004739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	130	0	0	129	2	0.015504	154	0	0	12	0	0	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76406	Tex45	chr8	3468886	3484187	135	0	0	167	2	0.011976	211	1	0.004739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	130	0	0	129	2	0.015504	154	0	0	12	0	0	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76406	Tex45	chr8	3468886	3487016	135	0	0	167	2	0.011976	211	1	0.004739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	130	0	0	129	2	0.015504	154	0	0	12	0	0	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76406	Tex45	chr8	3468886	3483675	135	0	0	167	2	0.011976	211	1	0.004739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	130	0	0	129	2	0.015504	154	0	0	12	0	0	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 78128	Spag11a	chr8	19157213	19159920	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 94109	Csmd1	chr8	15892538	17336810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 94109	Csmd1	chr8	15892538	17336810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 94109	Csmd1	chr8	16073648	17336814	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 104271	Tex15	chr8	33517241	33585585	1972	36	0.018256	1758	23	0.013083	1938	45	0.02322	241	7	0.029046	456	30	0.065789	1846	47	0.02546	1733	57	0.032891	1851	89	0.048082	128	4	0.03125	485	21	0.043299	104	6	0.057692
XM_00650 104271	Tex15	chr8	33516689	33585585	1903	25	0.013137	1679	17	0.010125	1841	36	0.019555	198	7	0.035354	362	5	0.013812	1731	21	0.012132	1649	44	0.026683	1771	59	0.033315	84	1	0.011905	445	15	0.033708	60	3	0.05
XM_00650 104271	Tex15	chr8	33516689	33585585	1903	25	0.013137	1679	17	0.010125	1841	36	0.019555	198	7	0.035354	362	5	0.013812	1731	21	0.012132	1649	44	0.026683	1771	59	0.033315	84	1	0.011905	445	15	0.033708	60	3	0.05
XM_00650 104271	Tex15	chr8	33517241	33577414	1972	36	0.018256	1758	23	0.013083	1938	45	0.02322	241	7	0.029046	456	30	0.065789	1846	47	0.02546	1733	57	0.032891	1851	89	0.048082	128	4	0.03125	485	21	0.043299	104	6	0.057692
XM_00650 108159	Ubxn8	chr8	33620753	33645476	38	34	0.894737	33	32	0.969697	44	40	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	31	25	0.806452	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 114863	Plpbp	chr8	27042796	27054568	2311	31	0.013414	1979	22	0.011117	2257	39	0.01728	505	1	0.00198	634	13	0.020505	2740	39	0.014234	1765	21	0.011898	2161	37	0.017122	883	13	0.014723	792	4	0.005051	296	7	0.023649
XM_00650 114863	Plpbp	chr8	27042788	27054568	2311	31	0.013414	1979	22	0.011117	2257	39	0.01728	505	1	0.00198	634	13	0.020505	2740	39	0.014234	1765	21	0.011898	2161	37	0.017122	883	13	0.014723	792	4	0.005051	296	7	0.023649
XM_00650 114863	Plpbp	chr8	27042599	27054568	2311	31	0.013414	1979	22	0.011117	2257	39	0.01728	505	1	0.00198	634	13	0.020505	2740	39	0.014234	1765	21	0.011898	2161	37	0.017122	883	13	0.014723	792	4	0.005051	296	7	0.023649
XM_00650 11499	Adam5	chr8	24732984	24824364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 11502	Adam9	chr8	24949611	25017040	2332	47	0.020154	1963	11	0.005604	2074	5	0.002411	335	1	0.002985	780	20	0.025641	2620	39	0.014885	1677	36	0.021467	2745	42	0.015301	545	1	0.001835	719	8	0.011127	60	0	0
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23032239	23150501	169	147	0.869822	187	171	0.914439	147	131	0.891156	30	28	0.933333	151	137	0.907285	131	103	0.78626	118	93	0.788136	147	124	0.843537	105	81	0.771429	108	91	0.842593	66	46	0.69697
XM_00650 11733	Ank1	chr8	22974836	23150501	6543	199	0.030414	6761	200	0.029581	6936	182	0.02624	751	21	0.027963	1486	35	0.023553	5803	179	0.030846	5375	193	0.035907	6782	171	0.025214	1502	52	0.034621	1588	90	0.056675	373	55	0.147453
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23058268	23150501	4163	70	0.016815	4091	37	0.009044	4483	73	0.016284	834	17	0.020384	1543	38	0.024627	4524	118	0.026083	3457	84	0.024299	4078	72	0.017656	964	20	0.020747	1374	43	0.031295	349	1	0.002865
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	22974836	23150501	6543	199	0.030414	6761	200	0.029581	6936	182	0.02624	751	21	0.027963	1486	35	0.023553	5803	179	0.030846	5375	193	0.035907	6782	171	0.025214	1502	52	0.034621	1588	90	0.056675	373	55	0.147453
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23150497	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11733	Ank1	chr8	23034500	23115561	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XM_00650 11979	Atp7b	chr8	21993491	22039913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 16150	Ikbkb	chr8	22659212	22706589	1324	2	0.001511	1382	13	0.009407	1357	11	0.008106	236	0	0	599	3	0.005008	1299	5	0.003849	1185	6	0.005063	1577	5	0.003171	337	0	0	537	2	0.003724	75	0	0
XM_00650 16150	Ikbkb	chr8	22660372	22706589	1324	2	0.001511	1382	13	0.009407	1357	11	0.008106	236	0	0	599	3	0.005008	1299	5	0.003849	1185	6	0.005063	1577	5	0.003171	337	0	0	537	2	0.003724	75	0	0
XM_00650 16150	Ikbkb	chr8	22667298	22706589	1324	2	0.001511	1382	13	0.009407	1357	11	0.008106	236	0	0	599	3	0.005008	1299	5	0.003849	1185	6	0.005063	1577	5	0.003171	337	0	0	537	2	0.003724	75	0	0
XM_00650 16150	Ikbkb	chr8	22669077	22706589	1324	2	0.001511	1382	13	0.009407	1357	11	0.008106	236	0	0	599	3	0.005008	1299	5	0.003849	1185	6	0.005063	1577	5	0.003171	337	0	0	537	2	0.003724	75	0	0
XM_00650 16532	Kcnu1	chr8	25849624	25937943	67	63	0.940299	69	59	0.855072	93	89	0.956989	45	41	0.911111	48	43	0.895833	59	52	0.881356	42	36	0.857143	81	68	0.839506	13	3	0.230769	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 171167	Fut10	chr8	31225807	31265284	35	28	0.8	56	52	0.928571	65	57	0.876923	13	12	0.923077	22	18	0.818182	82	74	0.902439	77	69	0.896104	58	49	0.844828	22	14	0.636364	30	25	0.833333	11	7	0.636364
XM_00650 18970	Polb	chr8	22628128	22653460	1769	6	0.003392	1697	8	0.004714	1612	10	0.006203	381	0	0	518	1	0.001931	1417	13	0.009174	1347	6	0.004454	1524	9	0.005906	504	2	0.003968	717	1	0.001395	219	1	0.004566
XM_00650 19053	Ppp2cb	chr8	33600011	33619803	3178	13	0.004091	3178	22	0.006923	3239	20	0.006175	227	0	0	748	0	0	3315	20	0.006033	2300	26	0.011304	3107	12	0.003862	732	1	0.001366	763	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 19663	Rbpms	chr8	33786201	33878333	51	48	0.941176	73	69	0.945205	82	79	0.963415	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	63	56	0.888889	60	49	0.816667	82	70	0.853659	33	20	0.606061	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 19663	Rbpms	chr8	33786201	33929922	4751	26	0.005473	4435	35	0.007892	5013	35	0.006982	524	3	0.005725	857	7	0.008168	4900	37	0.007551	3195	27	0.008451	4446	36	0.008097	1014	1	0.000986	1156	6	0.00519	158	0	0
XM_00650 19663	Rbpms	chr8	33782643	33878224	51	48	0.941176	73	69	0.945205	82	79	0.963415	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	63	56	0.888889	60	49	0.816667	82	70	0.853659	33	20	0.606061	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 20516	Slc20a2	chr8	22476903	22569616	4622	106	0.022934	3970	41	0.010327	4123	70	0.016978	335	14	0.041791	1149	23	0.020017	4938	126	0.025516	3569	91	0.025497	4261	82	0.019244	1142	33	0.028897	924	39	0.042208	230	9	0.03913
XM_00650 20516	Slc20a2	chr8	22506221	22569616	110	71	0.645455	130	71	0.546154	89	46	0.516854	#N/A	#N/A	#N/A	65	60	0.923077	132	62	0.469697	52	30	0.576923	157	75	0.477707	20	6	0.3	56	27	0.482143	22	5	0.227273
XM_00650 207958	Alg11	chr8	22060777	22071627	626	34	0.054313	453	31	0.068433	447	21	0.04698	168	0	0	143	40	0.27972	1140	51	0.044737	666	22	0.033033	633	25	0.039494	84	0	0	258	24	0.093023	22	0	0
XM_00650 209176	Ido2	chr8	24531892	24576401	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 209176	Ido2	chr8	24531892	24554625	162	52	0.320988	99	26	0.262626	117	29	0.247863	#N/A	#N/A	#N/A	34	7	0.205882	179	34	0.189944	105	25	0.238095	122	33	0.270492	42	7	0.166667	85	17	0.2	30	4	0.133333
XM_00650 209176	Ido2	chr8	24531892	24554592	162	52	0.320988	99	26	0.262626	117	29	0.247863	#N/A	#N/A	#N/A	34	7	0.205882	179	34	0.189944	105	25	0.238095	122	33	0.270492	42	7	0.166667	85	17	0.2	30	4	0.133333
XM_00650 210801	Unc5d	chr8	28646721	29219668	2415	73	0.030228	2091	27	0.012912	2346	32	0.01364	317	1	0.003155	665	10	0.015038	2521	201	0.07973	1672	181	0.108254	2007	192	0.095665	312	49	0.157051	779	84	0.107831	50	5	0.1
XM_00650 210801	Unc5d	chr8	28646721	29219668	2415	73	0.030228	2091	27	0.012912	2346	32	0.01364	317	1	0.003155	665	10	0.015038	2521	201	0.07973	1672	181	0.108254	2007	192	0.095665	312	49	0.157051	779	84	0.107831	50	5	0.1
XM_00650 210801	Unc5d	chr8	28646721	29219669	2415	73	0.030228	2091	27	0.012912	2346	32	0.01364	317	1	0.003155	665	10	0.015038	2521	201	0.07973	1672	181	0.108254	2007	192	0.095665	312	49	0.157051	779	84	0.107831	50	5	0.1
XM_00650 210801	Unc5d	chr8	28646721	29219668	2415	73	0.030228	2091	27	0.012912	2346	32	0.01364	317	1	0.003155	665	10	0.015038	2521	201	0.07973	1672	181	0.108254	2007	192	0.095665	312	49	0.157051	779	84	0.107831	50	5	0.1
XM_00650 210801	Unc5d	chr8	28646721	29219671	2415	73	0.030228	2091	27	0.012912	2346	32	0.01364	317	1	0.003155	665	10	0.015038	2521	201	0.07973	1672	181	0.108254	2007	192	0.095665	312	49	0.157051	779	84	0.107831	50	5	0.1
XM_00650 210801	Unc5d	chr8	28646721	29219668	2415	73	0.030228	2091	27	0.012912	2346	32	0.01364	317	1	0.003155	665	10	0.015038	2521	201	0.07973	1672	181	0.108254	2007	192	0.095665	312	49	0.157051	779	84	0.107831	50	5	0.1
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	31919014	107	29	0.271028	92	31	0.336957	148	36	0.243243	35	8	0.228571	100	36	0.36	136	66	0.485294	99	52	0.525253	102	49	0.480392	100	63	0.63	54	23	0.425926	24	15	0.625
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32891609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	32009579	5245	135	0.025739	6211	94	0.015134	6369	100	0.015701	1413	23	0.016277	1993	27	0.013547	5453	149	0.027324	4655	85	0.01826	5946	100	0.016818	1594	17	0.010665	1886	12	0.006363	513	3	0.005848
XM_00650 211323	Nrg1	chr8	31809465	31919019	107	29	0.271028	92	31	0.336957	148	36	0.243243	35	8	0.228571	100	36	0.36	136	66	0.485294	99	52	0.525253	102	49	0.480392	100	63	0.63	54	23	0.425926	24	15	0.625
XM_00650 22427	Wrn	chr8	33234372	33385543	3854	57	0.01479	3373	50	0.014824	4070	52	0.012776	647	3	0.004637	1073	26	0.024231	4176	105	0.025144	3252	62	0.019065	3851	70	0.018177	958	12	0.012526	1305	28	0.021456	146	4	0.027397
XM_00650 22427	Wrn	chr8	33234372	33385543	3854	57	0.01479	3373	50	0.014824	4070	52	0.012776	647	3	0.004637	1073	26	0.024231	4176	105	0.025144	3252	62	0.019065	3851	70	0.018177	958	12	0.012526	1305	28	0.021456	146	4	0.027397
XM_00650 22428	Dctn6	chr8	34090420	34108536	233	18	0.077253	192	19	0.098958	232	24	0.103448	24	0	0	52	0	0	227	13	0.057269	154	9	0.058442	92	1	0.01087	44	0	0	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 234130	Dkk4	chr8	22623685	22628018	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 234155	Mboat4	chr8	34106712	34125182	190	183	0.963158	120	115	0.958333	113	109	0.964602	28	26	0.928571	129	124	0.96124	239	228	0.953975	139	125	0.899281	193	184	0.953368	98	95	0.969388	64	60	0.9375	48	43	0.895833
XM_00650 23954	Nek3	chr8	22128283	22166989	49	10	0.204082	45	8	0.177778	52	8	0.153846	11	7	0.636364	12	0	0	46	1	0.021739	64	5	0.078125	39	7	0.179487	24	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244349	Kat6a	chr8	22859442	22943259	5043	40	0.007932	4548	16	0.003518	5339	26	0.00487	730	1	0.00137	1116	6	0.005376	5745	34	0.005918	3961	32	0.008079	5396	36	0.006672	1645	2	0.001216	1295	2	0.001544	323	1	0.003096
XM_00650 244431	Sgcz	chr8	37517840	38661700	239	5	0.020921	110	3	0.027273	94	2	0.021277	112	8	0.071429	109	0	0	216	12	0.055556	212	11	0.051887	148	4	0.027027	16	1	0.0625	97	2	0.020619	48	2	0.041667
XM_00650 244431	Sgcz	chr8	37517840	37953051	181	146	0.80663	144	130	0.902778	93	79	0.849462	#N/A	#N/A	#N/A	134	122	0.910448	122	86	0.704918	136	77	0.566176	104	46	0.442308	83	40	0.481928	88	49	0.556818	40	23	0.575
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578482	25597515	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578482	25597194	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578478	25597746	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578478	25597746	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578490	25597550	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578482	25597051	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578478	25597747	2036	17	0.00835	1840	13	0.007065	1811	9	0.00497	168	1	0.005952	494	6	0.012146	1739	13	0.007476	1698	19	0.01119	2226	8	0.003594	475	1	0.002105	482	0	0	100	0	0
XM_00650 270035	Letm2	chr8	25578478	25592437	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 319582	Trmt9b	chr8	36457485	36514569	2042	19	0.009305	1953	13	0.006656	2073	9	0.004342	368	2	0.005435	794	2	0.002519	2238	32	0.014298	1644	29	0.01764	1772	17	0.009594	776	2	0.002577	701	10	0.014265	307	3	0.009772
XM_00650 319582	Trmt9b	chr8	36457898	36514569	2042	19	0.009305	1953	13	0.006656	2073	9	0.004342	368	2	0.005435	794	2	0.002519	2238	32	0.014298	1644	29	0.01764	1772	17	0.009594	776	2	0.002577	701	10	0.014265	307	3	0.009772
XM_00650 319582	Trmt9b	chr8	36457548	36514569	2042	19	0.009305	1953	13	0.006656	2073	9	0.004342	368	2	0.005435	794	2	0.002519	2238	32	0.014298	1644	29	0.01764	1772	17	0.009594	776	2	0.002577	701	10	0.014265	307	3	0.009772
XM_00650 320158	Zmat4	chr8	23694365	24063117	73	56	0.767123	57	47	0.824561	69	59	0.855072	11	8	0.727273	48	40	0.833333	66	43	0.651515	71	49	0.690141	62	43	0.693548	18	5	0.277778	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 320158	Zmat4	chr8	23669489	24063117	637	20	0.031397	589	14	0.023769	592	6	0.010135	58	0	0	81	0	0	560	41	0.073214	561	33	0.058824	620	52	0.083871	205	23	0.112195	232	21	0.090517	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 320158	Zmat4	chr8	23669489	24063117	637	20	0.031397	589	14	0.023769	592	6	0.010135	58	0	0	81	0	0	560	41	0.073214	561	33	0.058824	620	52	0.083871	205	23	0.112195	232	21	0.090517	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 320158	Zmat4	chr8	23776577	24063117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 320165	Tacc1	chr8	25154552	25202690	39	36	0.923077	76	60	0.789474	33	27	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	46	44	0.956522	106	93	0.877358	34	18	0.529412	75	58	0.773333	12	7	0.583333	33	27	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 320165	Tacc1	chr8	25154552	25241585	1505	16	0.010631	1468	20	0.013624	1716	20	0.011655	423	10	0.023641	539	4	0.007421	1407	7	0.004975	1093	6	0.005489	1264	12	0.009494	559	4	0.007156	316	1	0.003165	110	0	0
XM_00650 320165	Tacc1	chr8	25154552	25205822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 320191	Hook3	chr8	26021424	26119495	5333	125	0.023439	5057	109	0.021554	5533	90	0.016266	1012	19	0.018775	1653	27	0.016334	5646	87	0.015409	4620	84	0.018182	6114	84	0.013739	1413	28	0.019816	1722	45	0.026132	410	21	0.05122
XM_00650 320191	Hook3	chr8	26032041	26119597	5228	123	0.023527	4973	109	0.021918	5410	89	0.016451	961	19	0.019771	1584	27	0.017045	5553	87	0.015667	4566	84	0.018397	6021	84	0.013951	1356	27	0.019912	1678	45	0.026818	410	21	0.05122
XM_00650 320191	Hook3	chr8	26021423	26119618	5193	123	0.023686	4945	109	0.022042	5369	89	0.016577	941	19	0.020191	1560	27	0.017308	5522	87	0.015755	4548	84	0.01847	5990	84	0.014023	1335	27	0.020225	1662	45	0.027076	398	21	0.052764
XM_00650 320191	Hook3	chr8	26045823	26119618	5193	123	0.023686	4945	109	0.022042	5369	89	0.016577	941	19	0.020191	1560	27	0.017308	5522	87	0.015755	4548	84	0.01847	5990	84	0.014023	1335	27	0.020225	1662	45	0.027076	398	21	0.052764
XM_00650 330721	Nek5	chr8	22077763	22125418	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_00650 330721	Nek5	chr8	22073615	22125268	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_00650 330721	Nek5	chr8	22077765	22125266	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_00650 353188	Adam32	chr8	24836143	24948916	51	40	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	61	54	0.885246	36	24	0.666667	54	38	0.703704	42	32	0.761905	36	16	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 353188	Adam32	chr8	24863428	24948916	51	40	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	61	54	0.885246	36	24	0.666667	54	38	0.703704	42	32	0.761905	36	16	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 353188	Adam32	chr8	24836143	24948918	51	40	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	61	54	0.885246	36	24	0.666667	54	38	0.703704	42	32	0.761905	36	16	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 50768	Dlc1	chr8	36567743	36953184	490	98	0.2	355	73	0.205634	458	79	0.172489	45	16	0.355556	156	57	0.365385	490	95	0.193878	419	60	0.143198	350	56	0.16	163	45	0.276074	229	57	0.248908	158	47	0.297468
XM_00650 50768	Dlc1	chr8	36778565	36952709	423	42	0.099291	306	31	0.101307	412	37	0.089806	30	2	0.066667	111	16	0.144144	432	48	0.111111	372	22	0.05914	314	29	0.092357	129	16	0.124031	177	23	0.129944	123	20	0.162602
XM_00650 50768	Dlc1	chr8	36792601	36952705	423	42	0.099291	306	31	0.101307	412	37	0.089806	30	2	0.066667	111	16	0.144144	432	48	0.111111	372	22	0.05914	314	29	0.092357	129	16	0.124031	177	23	0.129944	123	20	0.162602
XM_00650 50768	Dlc1	chr8	36827903	36952705	423	42	0.099291	306	31	0.101307	412	37	0.089806	30	2	0.066667	111	16	0.144144	432	48	0.111111	372	22	0.05914	314	29	0.092357	129	16	0.124031	177	23	0.129944	123	20	0.162602
XM_00650 56229	Thsd1	chr8	22226999	22262957	72	27	0.375	60	34	0.566667	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	18	6	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 56229	Thsd1	chr8	22220938	22262955	11	9	0.818182	29	28	0.965517	23	21	0.913043	11	11	1	10	8	0.8	10	10	1	12	12	1	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 56229	Thsd1	chr8	22226996	22262957	72	27	0.375	60	34	0.566667	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	18	6	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 57437	Golga7	chr8	23241331	23258903	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 66653	Brf2	chr8	27123339	27128715	1273	21	0.016496	877	13	0.014823	892	13	0.014574	171	3	0.017544	460	3	0.006522	1130	18	0.015929	803	51	0.063512	769	11	0.014304	468	1	0.002137	415	30	0.072289	198	5	0.025253
XM_00650 66653	Brf2	chr8	27123339	27125805	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 67929	Ccdc70	chr8	21970584	21974054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 68153	Gtf2e2	chr8	33734187	33777169	867	50	0.05767	732	48	0.065574	901	46	0.051054	135	0	0	346	15	0.043353	975	30	0.030769	691	44	0.063676	746	19	0.025469	258	11	0.042636	256	0	0	123	22	0.178862
XM_00650 68153	Gtf2e2	chr8	33732118	33777169	1866	70	0.037513	1508	85	0.056366	1988	77	0.038732	252	11	0.043651	783	27	0.034483	2220	83	0.037387	1366	62	0.045388	1649	68	0.041237	755	17	0.022517	718	28	0.038997	199	8	0.040201

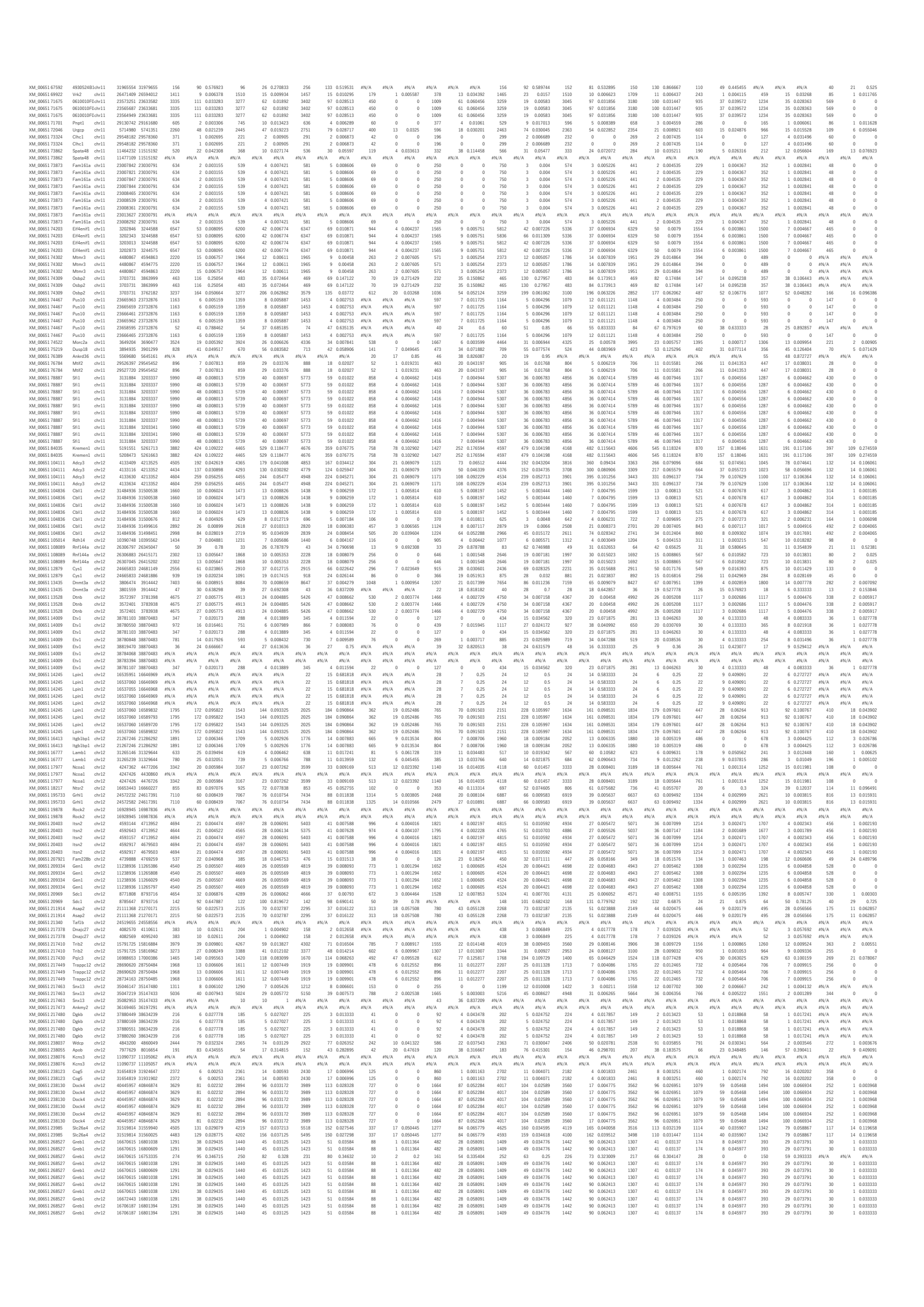
XM_00650 170759	Atp13a1	chr8	69791218	69807749	2708	20	0.007386	3398	25	0.007357	3193	27	0.008456	498	2	0.004016	753	2	0.002656	2794	17	0.006084	2218	20	0.009017	3430	22	0.006414	641	1	0.00156	837	0	0	74	0	0
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71327906	71360713	268	260	0.970149	212	206	0.971698	290	277	0.955172	87	84	0.965517	157	152	0.968153	262	253	0.965649	142	131	0.922535	246	233	0.947154	152	138	0.907895	90	87	0.966667	58	53	0.913793
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71333663	71360713	445	413	0.92809	388	370	0.953608	549	519	0.945355	100	96	0.96	189	181	0.957672	525	506	0.96381	299	280	0.936455	465	436	0.937634	162	149	0.919753	175	161	0.92	32	29	0.90625
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71333817	71360713	445	413	0.92809	388	370	0.953608	549	519	0.945355	100	96	0.96	189	181	0.957672	525	506	0.96381	299	280	0.936455	465	436	0.937634	162	149	0.919753	175	161	0.92	32	29	0.90625
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71334409	71360713	445	413	0.92809	388	370	0.953608	549	519	0.945355	100	96	0.96	189	181	0.957672	525	506	0.96381	299	280	0.936455	465	436	0.937634	162	149	0.919753	175	161	0.92	32	29	0.90625
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71328666	71360713	268	260	0.970149	212	206	0.971698	290	277	0.955172	87	84	0.965517	157	152	0.968153	262	253	0.965649	142	131	0.922535	246	233	0.947154	152	138	0.907895	90	87	0.966667	58	53	0.913793
XM_00650 17925	Myo9b	chr8	71334409	71360713	445	413	0.92809	388	370	0.953608	549	519	0.945355	100	96	0.96	189	181	0.957672	525	506	0.96381	299	280	0.936455	465	436	0.937634	162	149	0.919753	175	161	0.92	32	29	0.90625
XM_00650 17961	Nat2	chr8	67494912	67502644	179	8	0.044693	240	51	0.2125	234	21	0.089744	26	3	0.115385	142	35	0.246479	283	51	0.180212	172	16	0.093023	262	52	0.198473	85	2	0.023529	83	2	0.024096	35	2	0.057143
XM_00650 18166	Npy1r	chr8	66697149	66706800	244	35	0.143443	328	39	0.118902	294	57	0.193878	60	12	0.2	140	20	0.142857	255	44	0.172549	163	29	0.177914	232	33	0.142241	79	12	0.151899	86	16	0.186047	83	10	0.120482
XM_00650 18166	Npy1r	chr8	66697149	66706800	244	35	0.143443	328	39	0.118902	294	57	0.193878	60	12	0.2	140	20	0.142857	255	44	0.172549	163	29	0.177914	232	33	0.142241	79	12	0.151899	86	16	0.186047	83	10	0.120482
XM_00650 19704	Upf1	chr8	70331522	70353423	3481	19	0.005458	3485	32	0.009182	3293	21	0.006377	#N/A	#N/A	#N/A	782	1	0.001279	3559	20	0.00562	2876	10	0.003477	4545	31	0.006821	536	2	0.003731	1203	9	0.007481	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 19704	Upf1	chr8	70331522	70353423	3481	19	0.005458	3485	32	0.009182	3293	21	0.006377	#N/A	#N/A	#N/A	782	1	0.001279	3559	20	0.00562	2876	10	0.003477	4545	31	0.006821	536	2	0.003731	1203	9	0.007481	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 211134	Lzts1	chr8	69134495	69184249	1912	22	0.011506	1511	9	0.005956	1620	18	0.011111	215	1	0.004651	519	7	0.013487	1853	24	0.012952	1497	24	0.016032	1633	15	0.009186	396	3	0.007576	643	7	0.010886	256	2	0.007813
XM_00650 234353	Psd3	chr8	67899736	68206064	167	67	0.401198	168	64	0.380952	191	83	0.434555	14	2	0.142857	78	27	0.346154	144	49	0.340278	131	53	0.40458	128	55	0.429688	57	27	0.473684	46	14	0.304348	22	14	0.636364
XM_00650 234353	Psd3	chr8	67901912	68206064	167	67	0.401198	168	64	0.380952	191	83	0.434555	14	2	0.142857	78	27	0.346154	144	49	0.340278	131	53	0.40458	128	55	0.429688	57	27	0.473684	46	14	0.304348	22	14	0.636364
XM_00650 234353	Psd3	chr8	67902462	68206064	167	67	0.401198	168	64	0.380952	191	83	0.434555	14	2	0.142857	78	27	0.346154	144	49	0.340278	131	53	0.40458	128	55	0.429688	57	27	0.473684	46	14	0.304348	22	14	0.636364
XM_00650 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68735621	1171	15	0.01281	890	16	0.017978	1231	18	0.014622	201	1	0.004975	417	15	0.035971	994	8	0.008048	893	59	0.066069	924	25	0.027056	495	3	0.006061	506	2	0.003953	305	1	0.003279
XM_00650 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68735011	1171	15	0.01281	890	16	0.017978	1231	18	0.014622	201	1	0.004975	417	15	0.035971	994	8	0.008048	893	59	0.066069	924	25	0.027056	495	3	0.006061	506	2	0.003953	305	1	0.003279
XM_00650 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68735621	1171	15	0.01281	890	16	0.017978	1231	18	0.014622	201	1	0.004975	417	15	0.035971	994	8	0.008048	893	59	0.066069	924	25	0.027056	495	3	0.006061	506	2	0.003953	305	1	0.003279
XM_00650 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68735621	1171	15	0.01281	890	16	0.017978	1231	18	0.014622	201	1	0.004975	417	15	0.035971	994	8	0.008048	893	59	0.066069	924	25	0.027056	495	3	0.006061	506	2	0.003953	305	1	0.003279
XM_00650 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68561052	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68540664	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 234366	Gatad2a	chr8	69908650	69996393	4322	47	0.010875	3371	33	0.009789	3598	43	0.011951	494	0	0	1164	16	0.013746	4503	42	0.009327	2893	25	0.008642	3831	36	0.009397	1144	2	0.001748	1047	4	0.00382	235	2	0.008511
XM_00650 234366	Gatad2a	chr8	69908650	69996393	4322	47	0.010875	3371	33	0.009789	3598	43	0.011951	494	0	0	1164	16	0.013746	4503	42	0.009327	2893	25	0.008642	3831	36	0.009397	1144	2	0.001748	1047	4	0.00382	235	2	0.008511
XM_00650 234371	Tmem161a	chr8	70172355	70183664	141	120	0.851064	184	154	0.836957	157	135	0.859873	49	45	0.918367	104	89	0.855769	187	160	0.855615	147	138	0.938776	131	117	0.89313	51	46	0.901961	107	89	0.831776	75	68	0.906667
XM_00650 234371	Tmem161a	chr8	70172355	70183664	141	120	0.851064	184	154	0.836957	157	135	0.859873	49	45	0.918367	104	89	0.855769	187	160	0.855615	147	138	0.938776	131	117	0.89313	51	46	0.901961	107	89	0.831776	75	68	0.906667
XM_00650 234373	Sugp2	chr8	70234209	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
XM_00650 234373	Sugp2	chr8	70234651	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
XM_00650 234373	Sugp2	chr8	70234188	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
XM_00650 234373	Sugp2	chr8	70234188	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
XM_00650 234373	Sugp2	chr8	70234188	70263105	1700	20	0.011765	1499	9	0.006004	1828	18	0.009847	362	0	0	517	0	0	1518	16	0.01054	1082	3	0.002773	1686	6	0.003559	534	0	0	671	2	0.002981	94	0	0
XM_00650 234378	Klhl26	chr8	70450221	70476989	2590	23	0.00888	1982	10	0.005045	2708	15	0.005539	796	4	0.005025	857	2	0.002334	2532	20	0.007899	1633	12	0.007348	1938	8	0.004128	631	3	0.004754	909	4	0.0044	215	0	0
XM_00650 234388	Ccdc124	chr8	70868226	70873468	2570	380	0.14786	2805	438	0.15615	2673	298	0.111485	179	1	0.005587	987	115	0.116515	2501	321	0.128349	2107	192	0.091125	2770	319	0.115162	669	8	0.011958	896	124	0.138393	30	0	0
XM_00650 234395	Ushbp1	chr8	71385365	71395833	879	143	0.162685	552	116	0.210145	578	135	0.233564	136	55	0.404412	447	65	0.145414	856	202	0.235981	437	95	0.217391	702	159	0.226496	397	41	0.103275	309	51	0.165049	60	17	0.283333
XM_00650 234395	Ushbp1	chr8	71385365	71395832	879	143	0.162685	552	116	0.210145	578	135	0.233564	136	55	0.404412	447	65	0.145414	856	202	0.235981	437	95	0.217391	702	159	0.226496	397	41	0.103275	309	51	0.165049	60	17	0.283333
XM_00650 234396	Ankle1	chr8	71405986	71410728	1001	24	0.023976	637	17	0.026688	871	7	0.008037	137	6	0.043796	189	9	0.047619	895	25	0.027933	568	6	0.010563	973	19	0.019527	214	2	0.009346	248	13	0.052419	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 234413	Zfp961	chr8	71951048	71970333	582	28	0.04811	444	19	0.042793	402	18	0.044776	80	2	0.025	223	5	0.022422	478	20	0.041841	336	6	0.017857	333	5	0.015015	187	11	0.058824	159	15	0.09434	147	8	0.054422
XM_00650 234421	Cib3	chr8	72204336	72213086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26457	Slc27a1	chr8	71568874	71587304	656	66	0.10061	692	73	0.105491	904	75	0.082965	78	5	0.064103	136	31	0.227941	875	87	0.099429	451	24	0.053215	714	51	0.071429	228	32	0.140351	266	53	0.199248	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26457	Slc27a1	chr8	71568851	71587304	638	66	0.103448	692	73	0.105491	894	75	0.083893	78	5	0.064103	136	31	0.227941	858	86	0.100233	440	24	0.054545	704	51	0.072443	228	32	0.140351	256	53	0.207031	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26457	Slc27a1	chr8	71568825	71587304	602	66	0.109635	692	73	0.105491	874	75	0.085812	78	5	0.064103	136	31	0.227941	824	86	0.104369	418	24	0.057416	684	51	0.074561	228	32	0.140351	236	53	0.224576	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 26457	Slc27a1	chr8	71569618	71587304	970	31	0.031959	773	8	0.010349	1221	33	0.027027	108	5	0.046296	271	7	0.02583	1208	39	0.032285	574	26	0.045296	892	23	0.025785	255	8	0.031373	298	11	0.036913	58	0	0
XM_00650 26457	Slc27a1	chr8	71569597	71587304	970	31	0.031959	773	8	0.010349	1221	33	0.027027	108	5	0.046296	271	7	0.02583	1208	39	0.032285	574	26	0.045296	892	23	0.025785	255	8	0.031373	298	11	0.036913	58	0	0
XM_00650 26558	Homer3	chr8	70282989	70294357	3440	77	0.022384	2484	68	0.027375	2865	91	0.031763	491	23	0.046843	825	20	0.024242	3163	77	0.024344	2591	46	0.017754	3166	67	0.021162	1095	25	0.022831	1301	47	0.036126	160	2	0.0125
XM_00650 26558	Homer3	chr8	70283113	70294357	3440	77	0.022384	2484	68	0.027375	2865	91	0.031763	491	23	0.046843	825	20	0.024242	3163	77	0.024344	2591	46	0.017754	3166	67	0.021162	1095	25	0.022831	1301	47	0.036126	160	2	0.0125
XM_00650 26558	Homer3	chr8	70282880	70294357	3440	77	0.022384	2484	68	0.027375	2865	91	0.031763	491	23	0.046843	825	20	0.024242	3163	77	0.024344	2591	46	0.017754	3166	67	0.021162	1095	25	0.022831	1301	47	0.036126	160	2	0.0125
XM_00650 270066	Slc35e1	chr8	72477995	72492609	6099	31	0.005083	5774	39	0.006754	5765	41	0.007112	1321	5	0.003785	2062	11	0.005335	6920	47	0.006792	4311	36	0.008351	5800	19	0.003276	1419	2	0.001409	1794	2	0.001115	798	4	0.005013
XM_00650 382014	Ano8	chr8	71476016	71486091	1793	115	0.064138	1715	149	0.08688	1588	162	0.102015	277	36	0.129964	614	102	0.166124	1724	154	0.089327	1605	103	0.064174	1625	127	0.078154	347	41	0.118156	628	60	0.095541	143	5	0.034965
XM_00650 382014	Ano8	chr8	71476016	71486091	1793	115	0.064138	1715	149	0.08688	1588	162	0.102015	277	36	0.129964	614	102	0.166124	1724	154	0.089327	1605	103	0.064174	1625	127	0.078154	347	41	0.118156	628	60	0.095541	143	5	0.034965
XM_00650 382014	Ano8	chr8	71476016	71486091	1793	115	0.064138	1715	149	0.08688	1588	162	0.102015	277	36	0.129964	614	102	0.166124	1724	154	0.089327	1605	103	0.064174	1625	127	0.078154	347	41	0.118156	628	60	0.095541	143	5	0.034965
XM_00650 382018	Unc13a	chr8	71624125	71671773	1520	15	0.009868	1572	15	0.009542	1545	6	0.003883	217	0	0	811	5	0.006165	1762	11	0.006243	1147	7	0.006103	1533	13	0.00848	740	3	0.004054	639	10	0.015649	90	0	0
XM_00650 382018	Unc13a	chr8	71624125	71671773	1520	15	0.009868	1572	15	0.009542	1545	6	0.003883	217	0	0	811	5	0.006165	1762	11	0.006243	1147	7	0.006103	1533	13	0.00848	740	3	0.004054	639	10	0.015649	90	0	0
XM_00650 382056	Crtc1	chr8	70382352	70439654	1307	10	0.007651	1040	9	0.008654	1406	16	0.01138	127	0	0	471	5	0.010616	1654	17	0.010278	1102	8	0.00726	1480	11	0.007432	469	0	0	602	6	0.009967	24	1	0.041667
XM_00650 382056	Crtc1	chr8	70382352	70439630	1307	10	0.007651	1040	9	0.008654	1406	16	0.01138	127	0	0	471	5	0.010616	1654	17	0.010278	1102	8	0.00726	1480	11	0.007432	469	0	0	602	6	0.009967	24	1	0.041667
XM_00650 382056	Crtc1	chr8	70382352	70439702	1307	10	0.007651	1040	9	0.008654	1406	16	0.01138	127	0	0	471	5	0.010616	1654	17	0.010278	1102	8	0.00726	1480	11	0.007432	469	0	0	602	6	0.009967	24	1	0.041667
XM_00650 434325	Tmem221	chr8	71555156	71559015	2284	63	0.027583	1982	70	0.035318	2484	70	0.02818	304	6	0.019737	544	38	0.069853	2292	62	0.027051	1456	25	0.01717	1502	29	0.019308	767	20	0.026076	932	37	0.0397	126	3	0.02381
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70805037	1744	83	0.047592	1230	30	0.02439	1500	36	0.024	436	2	0.004587	654	22	0.033639	2021	93	0.046017	1202	57	0.047421	1461	73	0.049966	576	4	0.006944	673	24	0.035661	72	3	0.041667
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70805037	1744	83	0.047592	1230	30	0.02439	1500	36	0.024	436	2	0.004587	654	22	0.033639	2021	93	0.046017	1202	57	0.047421	1461	73	0.049966	576	4	0.006944	673	24	0.035661	72	3	0.041667
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70805032	1744	83	0.047592	1230	30	0.02439	1500	36	0.024	436	2	0.004587	654	22	0.033639	2021	93	0.046017	1202	57	0.047421	1461	73	0.049966	576	4	0.006944	673	24	0.035661	72	3	0.041667
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70805037	1744	83	0.047592	1230	30	0.02439	1500	36	0.024	436	2	0.004587	654	22	0.033639	2021	93	0.046017	1202	57	0.047421	1461	73	0.049966	576	4	0.006944	673	24	0.035661	72	3	0.041667
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70805037	1744	83	0.047592	1230	30	0.02439	1500	36	0.024	436	2	0.004587	654	22	0.033639	2021	93	0.046017	1202	57	0.047421	1461	73	0.049966	576	4	0.006944	673	24	0.035661	72	3	0.041667
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70792732	2328	114	0.048969	2085	93	0.044604	2384	115	0.048238	476	41	0.086134	877	38	0.04333	2599	49	0.018853	1830	31	0.01694	2058	35	0.017007	952	6	0.006303	759	12	0.01581	226	0	0
XM_00650 546071	Mast3	chr8	70778117	70792731	2328	114	0.048969	2085	93	0.044604	2384	115	0.048238	476	41	0.086134	877	38	0.04333	2599	49	0.018853	1830	31	0.01694	2058	35	0.017007	952	6	0.006303	759	12	0.01581	226	0	0
XM_00650 66522	Pgpep1	chr8	70646437	70659855	3437	33	0.009601	3194	25	0.007827	3462	18	0.005199	537	2	0.003724	935	2	0.002139	3941	32	0.00812	2695	20	0.007421	3726	23	0.006173	1172	16	0.013652	1224	5	0.004085	215	0	0
XM_00650 67023	Use1	chr8	71366853	71369731	946	7	0.0074	780	8	0.010256	919	7	0.007617	233	16	0.06867	249	3	0.012048	947	5	0.00528	819	9	0.010989	832	2	0.002404	254	1	0.003937	442	27	0.061086	116	0	0
XM_00650 70359	Gtpbp3	chr8	71486144	71492317	1879	558	0.296966	1792	597	0.333147	1861	668	0.358947	377	131	0.34748	721	228	0.316227	1935	703	0.363307	1431	415	0.290007	1671	530	0.317175	361	102	0.282548	912	378	0.414474	227	86	0.378855
XM_00650 70625	Med26	chr8	72494555	72547947	2984	28	0.009383	2986	22	0.007368	2999	19	0.006335	365	0	0	735	3	0.004082	2686	22	0.008191	2029	13	0.006407	3031	12	0.003959	708	2	0.002825	885	3	0.00339	196	0	0
XM_00650 70885	Ints10	chr8	68793930	68829410	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_00650 70885	Ints10	chr8	68793930	68829410	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_00650 70885	Ints10	chr8	68793930	68828643	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_00650 70885	Ints10	chr8	68793930	68828643	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_00650 72054	Cyp4f18	chr8	71988482	72009622	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72054	Cyp4f18	chr8	71988482	72009622	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72254	1700030K	chr8	72443896	72460541	409	56	0.136919	455	74	0.162637	460	49	0.106522	#N/A	#N/A	#N/A	143	38	0.265734	490	30	0.061224	375	37	0.098667	401	65	0.162095	226	47	0.207965	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72281	Sh2d4a	chr8	68276886	68347704	998	94	0.094188	827	41	0.049577	1031	55	0.053346	103	7	0.067961	297	19	0.063973	1013	118	0.116486	831	58	0.069795	1064	72	0.067669	265	11	0.041509	420	18	0.042857	105	2	0.019048
XM_00650 72297	B3gnt3	chr8	71691373	71701828	1721	169	0.098199	1488	152	0.102151	1540	140	0.090909	206	25	0.121359	282	34	0.120567	1722	127	0.073751	966	169	0.174948	1096	116	0.105839	432	43	0.099537	440	61	0.138636	21	0	0
XM_00650 72297	B3gnt3	chr8	71691373	71702626	608	72	0.118421	394	42	0.106599	428	51	0.119159	112	10	0.089286	148	22	0.148649	496	33	0.066532	328	59	0.179878	284	29	0.102113	162	32	0.197531	135	18	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72925	Marchf1	chr8	66386538	66472841	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 72925	Marchf1	chr8	66386535	66472841	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 73316	Calr3	chr8	72424176	72443819	409	56	0.136919	455	74	0.162637	460	49	0.106522	#N/A	#N/A	#N/A	143	38	0.265734	490	30	0.061224	375	37	0.098667	401	65	0.162095	226	47	0.207965	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 74015	Fcho1	chr8	71708393	71723344	643	137	0.213064	524	114	0.217557	551	125	0.22686	44	17	0.386364	223	65	0.29148	689	108	0.156749	462	91	0.19697	541	105	0.194085	164	25	0.152439	179	32	0.178771	33	9	0.272727
XM_00650 74015	Fcho1	chr8	71708393	71725718	1359	112	0.082414	1001	111	0.110889	1081	60	0.055504	28	15	0.535714	309	14	0.045307	1690	110	0.065089	971	111	0.114315	1115	104	0.093274	219	4	0.018265	170	12	0.070588	12	0	0
XM_00650 74015	Fcho1	chr8	71708393	71723344	643	137	0.213064	524	114	0.217557	551	125	0.22686	44	17	0.386364	223	65	0.29148	689	108	0.156749	462	91	0.19697	541	105	0.194085	164	25	0.152439	179	32	0.178771	33	9	0.272727
XM_00650 74015	Fcho1	chr8	71708393	71723340	643	137	0.213064	524	114	0.217557	551	125	0.22686	44	17	0.386364	223	65	0.29148	689	108	0.156749	462	91	0.19697	541	105	0.194085	164	25	0.152439	179	32	0.178771	33	9	0.272727
XM_00650 75692	Nr2c2ap	chr8	70131513	70133752	1628	26	0.015971	1616	45	0.027847	1728	18	0.010417	366	7	0.019126	498	7	0.014056	1600	35	0.021875	1205	8	0.006639	1607	15	0.009334	424	1	0.002358	524	3	0.005725	341	0	0
XM_00650 76478	Haus8	chr8	71251124	71272627	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_00650 76900	Ssbp4	chr8	70597485	70608387	4263	75	0.017593	3717	64	0.017218	4109	72	0.017523	770	11	0.014286	1088	12	0.011029	4610	58	0.012581	3491	20	0.005729	4193	63	0.015025	893	9	0.010078	1425	6	0.004211	340	3	0.008824
XM_00650 76900	Ssbp4	chr8	70597903	70608387	4263	75	0.017593	3717	64	0.017218	4109	72	0.017523	770	11	0.014286	1088	12	0.011029	4610	58	0.012581	3491	20	0.005729	4193	63	0.015025	893	9	0.010078	1425	6	0.004211	340	3	0.008824
XM_00650 78816	Gmip	chr8	69808558	69821555	1635	56	0.034251	1328	47	0.035392	1480	54	0.036486	236	8	0.033898	554	20	0.036101	1648	23	0.013956	1050	22	0.020952	1176	107	0.090986	388	3	0.007732	573	23	0.04014	64	1	0.015625
XM_00650 78816	Gmip	chr8	69808558	69821555	1635	56	0.034251	1328	47	0.035392	1480	54	0.036486	236	8	0.033898	554	20	0.036101	1648	23	0.013956	1050	22	0.020952	1176	107	0.090986	388	3	0.007732	573	23	0.04014	64	1	0.015625
XM_00650 78816	Gmip	chr8	69808298	69818779	1635	56	0.034251	1328	47	0.035392	1480	54	0.036486	236	8	0.033898	554	20	0.036101	1648	23	0.013956	1050	22	0.020952	1176	107	0.090986	388	3	0.007732	573	23	0.04014	64	1	0.015625
XM_00650 80720	Pbx4	chr8	69832482	69872292	265	3	0.011321	91	4	0.043956	180	5	0.027778	39	4	0.102564	79	25	0.316456	366	2	0.005464	277	3	0.01083	276	13	0.047101	48	1	0.020833	94	1	0.010638	11	11	1
XM_00650 84036	Kcnn1	chr8	70843158	70857033	447	28	0.06264	327	13	0.039755	453	7	0.015453	150	0	0	201	2	0.00995	771	60	0.077821	448	20	0.044643	476	30	0.063025	82	4	0.04878	146	0	0	81	2	0.024691
XM_00650 84036	Kcnn1	chr8	70843158	70863748	2676	60	0.022422	2181	45	0.020633	2623	50	0.019062	669	8	0.011958	1181	16	0.013548	2794	75	0.026843	1887	39	0.020668	2560	52	0.020313	633	12	0.018957	1201	16	0.013322	272	9	0.033088
XM_00650 637079	Iqcn	chr8	70701321	70717650	2920	15	0.005137	3528	20	0.005669	3088	9	0.002915	335	7	0.020896	868	3	0.003456	3948	24	0.006079	2878	26	0.009034	4072	28	0.006876	782	2	0.002558	1151	13	0.011295	150	0	0
XM_00650 637079	Iqcn	chr8	70701321	70717642	2920	15	0.005137	3528	20	0.005669	3088	9	0.002915	335	7	0.020896	868	3	0.003456	3948	24	0.006079	2878	26	0.009034	4072	28	0.006876	782	2	0.002558	1151	13	0.011295	150	0	0
XM_00650 637079	Iqcn	chr8	70703578	70717642	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 385024	Gm5373	chr8	71831342	71858968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 110350	Dync2h1	chr9	6929046	7177250	402	7	0.017413	303	3	0.009901	453	4	0.00883	20	1	0.05	215	6	0.027907	516	5	0.00969	445	2	0.004494	472	5	0.010593	44	0	0	22	0	0	107	0	0
XM_00650 110350	Dync2h1	chr9	6929046	7177424	402	7	0.017413	303	3	0.009901	453	4	0.00883	20	1	0.05	215	6	0.027907	516	5	0.00969	445	2	0.004494	472	5	0.010593	44	0	0	22	0	0	107	0	0
XM_00650 11796	Birc3	chr9	7847468	7873205	668	2	0.002994	598	3	0.005017	649	1	0.001541	90	0	0	199	2	0.01005	906	2	0.002208	623	3	0.004815	594	2	0.003367	217	0	0	447	0	0	65	0	0
XM_00650 11796	Birc3	chr9	7848699	7873205	668	2	0.002994	598	3	0.005017	649	1	0.001541	90	0	0	199	2	0.01005	906	2	0.002208	623	3	0.004815	594	2	0.003367	217	0	0	447	0	0	65	0	0
XM_00650 11796	Birc3	chr9	7848699	7866150	18	16	0.888889	10	9	0.9	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	15	13	0.866667	13	12	0.923077	18	16	0.888889	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 11796	Birc3	chr9	7848699	7873049	668	2	0.002994	598	3	0.005017	649	1	0.001541	90	0	0	211	10	0.047393	921	5	0.005429	635	4	0.006299	594	2	0.003367	217	0	0	447	0	0	65	0	0
XM_00650 12363	Casp4	chr9	5308862	5336744	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 12364	Casp12	chr9	5345442	5372651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 14802	Gria4	chr9	4417893	4796143	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XM_00650 14802	Gria4	chr9	4417893	4796143	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XM_00650 14802	Gria4	chr9	4417893	4796143	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XM_00650 14802	Gria4	chr9	4417893	4796225	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XM_00650 14802	Gria4	chr9	4427029	4796143	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XM_00650 18667	Pgr	chr9	8898900	8918888	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 22068	Trpc6	chr9	8544070	8680732	500	5	0.01	372	3	0.008065	365	1	0.00274	#N/A	#N/A	#N/A	108	0	0	424	16	0.037736	424	4	0.009434	305	1	0.003279	216	10	0.046296	72	1	0.013889	36	1	0.027778
XM_00650 22068	Trpc6	chr9	8543931	8680752	500	5	0.01	372	3	0.008065	365	1	0.00274	#N/A	#N/A	#N/A	108	0	0	424	16	0.037736	424	4	0.009434	305	1	0.003279	216	10	0.046296	72	1	0.013889	36	1	0.027778
XM_00650 22601	Yap1	chr9	7931999	8004638	3504	90	0.025685	3657	41	0.011211	3663	24	0.006552	282	22	0.078014	1062	15	0.014124	2878	77	0.026755	3331	48	0.01441	3820	58	0.015183	469	3	0.006397	1058	3	0.002836	123	5	0.04065
XM_00650 22601	Yap1	chr9	7933613	8004637	3504	90	0.025685	3657	41	0.011211	3663	24	0.006552	282	22	0.078014	1062	15	0.014124	2878	77	0.026755	3331	48	0.01441	3820	58	0.015183	469	3	0.006397	1058	3	0.002836	123	5	0.04065
XM_00650 22601	Yap1	chr9	7933613	8004638	3504	90	0.025685	3657	41	0.011211	3663	24	0.006552	282	22	0.078014	1062	15	0.014124	2878	77	0.026755	3331	48	0.01441	3820	58	0.015183	469	3	0.006397	1058	3	0.002836	123	5	0.04065
XM_00650 22601	Yap1	chr9	7933613	8004638	3504	90	0.025685	3657	41	0.011211	3663	24	0.006552	282	22	0.078014	1062	15	0.014124	2878	77	0.026755	3331	48	0.01441	3820	58	0.015183	469	3	0.006397	1058	3	0.002836	123	5	0.04065
XM_00650 22601	Yap1	chr9	7933613	8004637	3504	90	0.025685	3657	41	0.011211	3663	24	0.006552	282	22	0.078014	1062	15	0.014124	2878	77	0.026755	3331	48	0.01441	3820	58	0.015183	469	3	0.006397	1058	3	0.002836	123	5	0.04065
XM_00650 22601	Yap1	chr9	7933613	8004637	3504	90	0.025685	3657	41	0.011211	3663	24	0.006552	282	22	0.078014	1062	15	0.014124	2878	77	0.026755	3331	48	0.01441	3820	58	0.015183	469	3	0.006397	1058	3	0.002836	123	5	0.04065
XM_00650 234911	Mmp27	chr9	7571518	7581884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 234912	Cfap300	chr9	8021918	8042786	562	44	0.078292	571	37	0.064799	472	33	0.069915	108	20	0.185185	222	59	0.265766	684	44	0.064327	498	47	0.094378	565	68	0.120354	167	25	0.149701	217	53	0.24424	112	31	0.276786
XM_00650 234915	Cep126	chr9	8076460	8134479	2932	30	0.010232	3003	13	0.004329	3452	26	0.007532	325	2	0.006154	1050	10	0.009524	2834	36	0.012703	2709	21	0.007752	3033	30	0.009891	693	3	0.004329	876	30	0.034247	107	0	0
XM_00650 234915	Cep126	chr9	8076460	8134479	2932	30	0.010232	3003	13	0.004329	3452	26	0.007532	325	2	0.006154	1050	10	0.009524	2834	36	0.012703	2709	21	0.007752	3033	30	0.009891	693	3	0.004329	876	30	0.034247	107	0	0
XM_00650 244672	Cwf19l2	chr9	3403592	3467126	274	1	0.00365	211	2	0.009479	230	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	122	0	0	217	1	0.004608	243	1	0.004115	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10904432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	13	0.19697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10904557	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	13	0.19697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10658282	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10693640	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10545021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10904432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	13	0.19697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 244682	Cntn5	chr9	9658784	10904432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	13	0.19697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 67618	Aasdhppt	chr9	4295957	4309617	4756	29	0.006098	4501	25	0.005554	4677	42	0.00898	834	1	0.001199	2053	9	0.004384	4648	24	0.005164	4280	20	0.004673	4237	30	0.00708	1436	6	0.004178	1912	15	0.007845	893	5	0.005599
XM_00650 67667	Alkbh8	chr9	3335275	3391154	66	0	0	62	0	0	61	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	18	0	0	42	1	0.02381	59	0	0	96	9	0.09375	18	0	0	23	0	0	10	0	0
XM_00650 67667	Alkbh8	chr9	3335467	3391154	66	0	0	62	0	0	61	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	18	0	0	42	1	0.02381	59	0	0	96	9	0.09375	18	0	0	23	0	0	10	0	0
XM_00650 67667	Alkbh8	chr9	3335501	3391154	66	0	0	62	0	0	61	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	18	0	0	42	1	0.02381	59	0	0	96	9	0.09375	18	0	0	23	0	0	10	0	0
XM_00650 67667	Alkbh8	chr9	3335478	3391154	66	0	0	62	0	0	61	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	18	0	0	42	1	0.02381	59	0	0	96	9	0.09375	18	0	0	23	0	0	10	0	0
XM_00650 67667	Alkbh8	chr9	3335478	3391154	66	0	0	62	0	0	61	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	18	0	0	42	1	0.02381	59	0	0	96	9	0.09375	18	0	0	23	0	0	10	0	0
XM_00650 71785	Pdgfd	chr9	6168370	6343052	738	61	0.082656	588	30	0.05102	769	14	0.018205	104	0	0	316	3	0.009494	688	58	0.084302	654	58	0.088685	710	59	0.083099	125	6	0.048	256	9	0.035156	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00650 76863	Dcun1d5	chr9	7178305	7207031	402	7	0.017413	303	3	0.009901	453	4	0.00883	20	1	0.05	215	6	0.027907	516	5	0.00969	445	2	0.004494	472	5	0.010593	44	0	0	22	0	0	107	0	0
XM_00650 10050294C	Colca2	chr9	51270258	51278565	1150	30	0.026087	831	8	0.009627	1081	19	0.017576	154	0	0	306	4	0.013072	1111	64	0.057606	995	16	0.01608	875	13	0.014857	200	0	0	189	3	0.015873	50	0	0
XM_00650 10050294C	Colca2	chr9	51270258	51278096	1150	30	0.026087	831	8	0.009627	1081	19	0.017576	154	0	0	306	4	0.013072	1111	64	0.057606	995	16	0.01608	875	13	0.014857	200	0	0	189	3	0.015873	50	0	0
XM_00650 102423	Hinfp	chr9	44292438	44305669	2090	112	0.053589	2042	87	0.042605	2033	102	0.050172	312	11	0.035256	744	62	0.083333	2251	137	0.060862	2123	120	0.056524	1945	99	0.0509	424	49	0.115566	760	66	0.086842	364	4	0.010989
XM_00650 102423	Hinfp	chr9	44292438	44305641	2090	112	0.053589	2032	78	0.038386	2033	102	0.050172	312	11	0.035256	744	62	0.083333	2251	137	0.060862	2113	112	0.053005	1945	99	0.0509	424	49	0.115566	749	56	0.074766	364	4	0.010989
XM_00650 102580	Alg9	chr9	50775292	50843543	2688	11	0.004092	2760	19	0.006884	2883	18	0.006243	314	4	0.012739	1017	3	0.00295	2872	22	0.00766	2801	17	0.006069	3047	19	0.006236	624	2	0.003205	732	3	0.004098	244	0	0
XM_00650 102580	Alg9	chr9	50775278	50843543	2688	11	0.004092	2760	19	0.006884	2883	18	0.006243	314	4	0.012739	1017	3	0.00295	2872	22	0.00766	2801	17	0.006069	3047	19	0.006236	624	2	0.003205	732	3	0.004098	244	0	0
XM_00650 102580	Alg9	chr9	50775540	50843543	2688	11	0.004092	2760	19	0.006884	2883	18	0.006243	314	4	0.012739	1017	3	0.00295	2872	22	0.00766	2801	17	0.006069	3047	19	0.006236	624	2	0.003205	732	3	0.004098	244	0	0
XM_00650 102607	Snx19	chr9	30426988	30451390	1595	15	0.009404	1540	14	0.009091	1764	11	0.006236	315	3	0.009524	749	4	0.00534	1671	26	0.01556	1378	11	0.007983	1362	26	0.01909	588	7	0.011905	740	38	0.051351	403	7	0.01737
XM_00650 102607	Snx19	chr9	30426988	30467141	1595	15	0.009404	1540	14	0.009091	1764	11	0.006236	315	3	0.009524	749	4	0.00534	1671	26	0.01556	1378	11	0.007983	1362	26	0.01909	588	7	0.011905	740	38	0.051351	403	7	0.01737

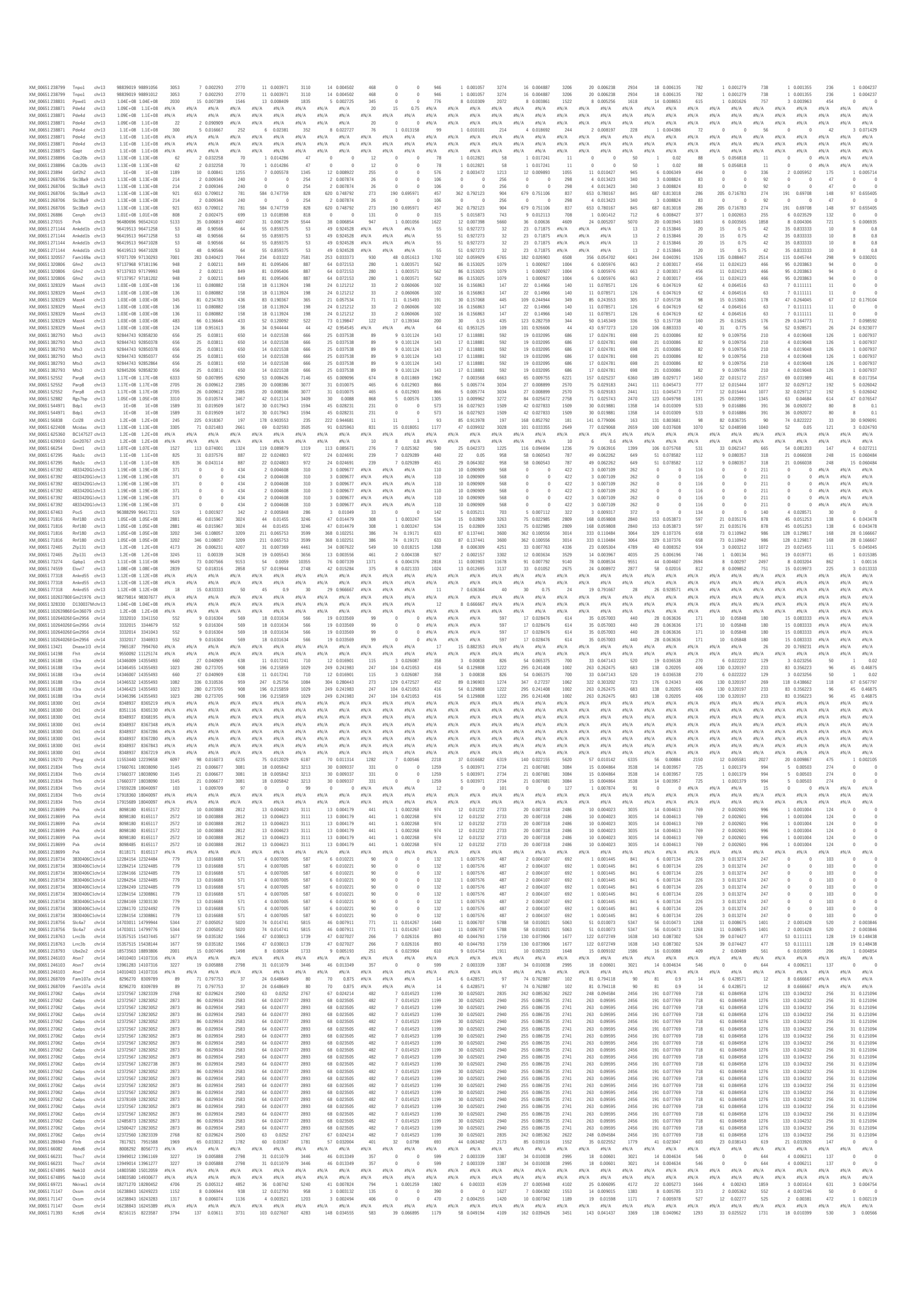


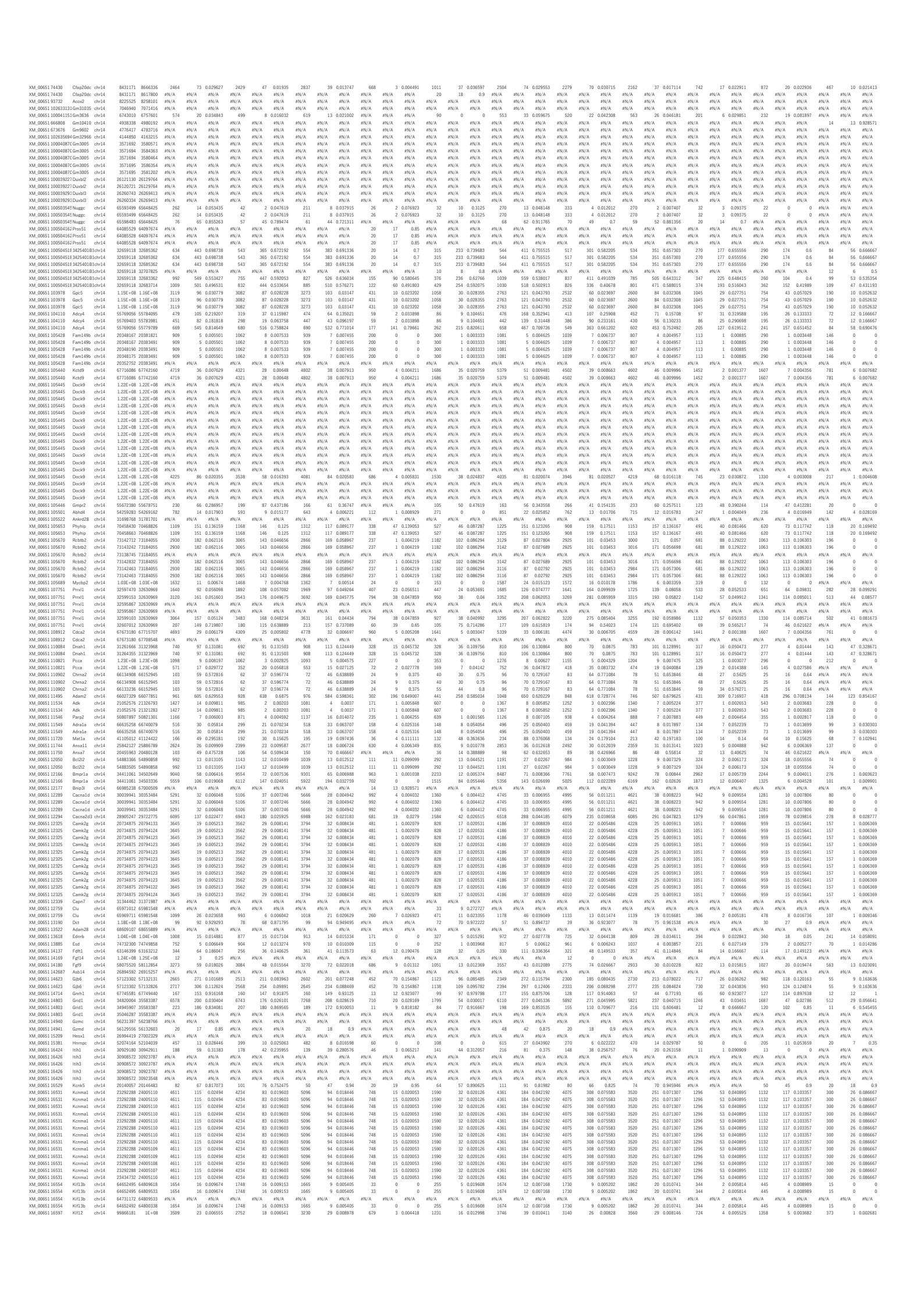
XM_00651 59092	Pcbp4	chr9	1.06E+08	1.06E+08	3218	28	0.008701	3264	19	0.005821	3338	28	0.008388	656	4	0.006098	625	4	0.0064	3340	22	0.006587	2892	22	0.007607	3305	15	0.004539	752	0	0	916	3	0.003275	365	0	0
XM_00651 66595	Aste1	chr9	1.05E+08	1.05E+08	1590	8	0.005031	1307	13	0.009946	1235	5	0.004049	307	2	0.006515	930	7	0.007527	1481	3	0.002026	1310	8	0.006107	1437	10	0.006959	823	4	0.00486	780	5	0.00641	296	0	0
XM_00651 66595	Aste1	chr9	1.05E+08	1.05E+08	106	28	0.264151	93	50	0.537634	135	68	0.503704	20	0	0	87	54	0.62069	84	38	0.452381	99	49	0.494949	98	37	0.377551	82	50	0.609756	14	13	0.928571	32	29	0.90625
XM_00651 66595	Aste1	chr9	1.05E+08	1.05E+08	30	28	0.933333	47	47	1	67	67	1	#N/A	#N/A	#N/A	55	54	0.981818	38	38	1	53	49	0.924528	38	35	0.921053	52	50	0.961538	14	13	0.928571	32	29	0.90625
XM_00651 66663	Uba5	chr9	1.04E+08	1.04E+08	2773	11	0.003967	2354	13	0.005523	2859	17	0.005946	380	0	0	886	3	0.003386	2597	11	0.004236	2686	15	0.005585	2274	14	0.006157	741	5	0.006748	849	3	0.003534	358	2	0.005587
XM_00651 67789	Dalrd3	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3105	20	0.006441	2423	21	0.008667	2760	13	0.00471	415	2	0.004819	1116	7	0.006272	3294	27	0.008197	2892	20	0.006916	2446	10	0.004088	596	2	0.003356	1435	7	0.004878	323	2	0.006192
XM_00651 67789	Dalrd3	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3105	20	0.006441	2423	21	0.008667	2760	13	0.00471	415	2	0.004819	1116	7	0.006272	3294	27	0.008197	2892	20	0.006916	2446	10	0.004088	596	2	0.003356	1435	7	0.004878	323	2	0.006192
XM_00651 68644	Abhd14a	chr9	1.06E+08	1.06E+08	998	12	0.012024	748	6	0.008021	1014	2	0.001972	380	3	0.007895	394	10	0.025381	1354	38	0.028065	1036	9	0.008687	947	9	0.009504	265	1	0.003774	530	2	0.003774	99	1	0.010101
XM_00651 68644	Abhd14a	chr9	1.06E+08	1.06E+08	998	12	0.012024	748	6	0.008021	1014	2	0.001972	380	3	0.007895	394	10	0.025381	1354	38	0.028065	1036	9	0.008687	947	9	0.009504	265	1	0.003774	530	2	0.003774	99	1	0.010101
XM_00651 68644	Abhd14a	chr9	1.06E+08	1.06E+08	998	12	0.012024	748	6	0.008021	1014	2	0.001972	380	3	0.007895	394	10	0.025381	1354	38	0.028065	1036	9	0.008687	947	9	0.009504	265	1	0.003774	530	2	0.003774	99	1	0.010101
XM_00651 68644	Abhd14a	chr9	1.06E+08	1.06E+08	148	76	0.513514	113	43	0.380531	133	56	0.421053	58	25	0.431034	45	20	0.444444	157	92	0.585987	98	50	0.510204	126	58	0.460317	52	25	0.480769	64	29	0.453125	56	30	0.535714
XM_00651 69010	Anapc13	chr9	1.03E+08	1.03E+08	2807	43	0.015319	2807	30	0.010688	2773	53	0.019113	527	23	0.043643	1229	37	0.030106	2973	120	0.040363	2801	59	0.021064	2937	110	0.037453	861	26	0.030197	1065	14	0.013146	79	14	0.177215
XM_00651 69010	Anapc13	chr9	1.03E+08	1.03E+08	2787	29	0.010405	2790	21	0.007527	2760	45	0.016304	516	17	0.032946	1218	30	0.024631	2938	95	0.032335	2773	42	0.015146	2908	87	0.029917	846	19	0.022459	1065	14	0.013146	79	14	0.177215
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4798	77	0.016048	4741	75	0.015819	5241	73	0.013929	980	3	0.003061	1671	50	0.029922	5251	82	0.015616	4312	50	0.011596	4994	62	0.012415	1313	15	0.011424	1730	15	0.008671	768	19	0.02474
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4798	77	0.016048	4741	75	0.015819	5241	73	0.013929	980	3	0.003061	1671	50	0.029922	5251	82	0.015616	4312	50	0.011596	4994	62	0.012415	1313	15	0.011424	1730	15	0.008671	768	19	0.02474
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4487	75	0.016715	4569	73	0.015977	4978	72	0.014464	787	2	0.002541	1526	49	0.03211	4850	76	0.01567	4070	49	0.012039	4690	60	0.012793	1156	15	0.012976	1600	14	0.00875	667	18	0.026987
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4555	76	0.016685	4630	74	0.015983	5055	72	0.014243	813	2	0.00246	1565	49	0.03131	4934	76	0.015403	4140	50	0.012077	4767	61	0.012796	1190	15	0.012605	1600	14	0.00875	667	18	0.026987
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4675	76	0.016257	4694	75	0.015978	5151	72	0.013978	928	2	0.002155	1625	50	0.030769	5093	81	0.015904	4212	50	0.011871	4867	61	0.012533	1262	15	0.011886	1686	14	0.008304	734	18	0.024523
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4798	77	0.016048	4741	75	0.015819	5241	73	0.013929	980	3	0.003061	1671	50	0.029922	5251	82	0.015616	4312	50	0.011596	4994	62	0.012415	1313	15	0.011424	1730	15	0.008671	768	19	0.02474
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4555	76	0.016685	4630	74	0.015983	5055	72	0.014243	813	2	0.00246	1565	49	0.03131	4934	76	0.015403	4140	50	0.012077	4767	61	0.012796	1190	15	0.012605	1600	14	0.00875	667	18	0.026987
XM_00651 69232	Qrich1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4615	76	0.016468	4662	74	0.015873	5103	72	0.014109	887	2	0.002255	1595	49	0.030721	5013	80	0.015959	4176	50	0.011973	4817	61	0.012663	1226	15	0.012235	1654	14	0.008464	700	18	0.025714
XM_00651 69536	Hemk1	chr9	1.07E+08	1.07E+08	1570	10	0.006369	1556	20	0.012853	1655	15	0.009063	360	1	0.002778	714	3	0.004202	1844	10	0.005423	1408	12	0.008523	1626	14	0.00861	454	5	0.011013	674	3	0.004451	221	2	0.00905
XM_00651 69536	Hemk1	chr9	1.07E+08	1.07E+08	1570	10	0.006369	1556	20	0.012853	1655	15	0.009063	360	1	0.002778	714	3	0.004202	1844	10	0.005423	1408	12	0.008523	1626	14	0.00861	454	5	0.011013	674	3	0.004451	221	2	0.00905
XM_00651 69536	Hemk1	chr9	1.07E+08	1.07E+08	1570	10	0.006369	1556	20	0.012853	1655	15	0.009063	360	1	0.002778	714	3	0.004202	1844	10	0.005423	1408	12	0.008523	1626	14	0.00861	454	5	0.011013	674	3	0.004451	221	2	0.00905
XM_00651 69536	Hemk1	chr9	1.07E+08	1.07E+08	1352	74	0.054734	1090	38	0.034862	1234	87	0.070502	20	0	0	324	28	0.08642	1416	123	0.086864	1325	121	0.091321	1499	113	0.075384	152	0	0	633	19	0.030016	264	35	0.132576
XM_00651 70235	Pocla	chr9	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	20	0.869565	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70235	Pocla	chr9	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	20	0.869565	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71472	Usp19	chr9	1.08E+08	1.09E+08	3138	981	0.31262	2976	700	0.235215	3034	880	0.290046	399	157	0.393484	1566	329	0.210089	3415	927	0.271449	2918	693	0.237491	3533	800	0.226436	877	253	0.288483	1305	217	0.166284	390	192	0.492308
XM_00651 71472	Usp19	chr9	1.08E+08	1.09E+08	3674	1495	0.406913	3495	1203	0.344206	3651	1458	0.399343	542	286	0.527675	1799	553	0.307393	4039	1537	0.38054	3367	1102	0.327294	4052	1291	0.318608	1072	427	0.398321	1475	383	0.259661	507	300	0.591716
XM_00651 71472	Usp19	chr9	1.08E+08	1.09E+08	3674	1495	0.406913	3495	1203	0.344206	3651	1458	0.399343	542	286	0.527675	1799	553	0.307393	4039	1537	0.38054	3367	1102	0.327294	4052	1291	0.318608	1072	427	0.398321	1475	383	0.259661	507	300	0.591716
XM_00651 71775	1300017J0	chr9	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 75686	Nudt16	chr9	1.05E+08	1.05E+08	1431	6	0.004193	1173	19	0.016198	1468	4	0.002725	#N/A	#N/A	#N/A	548	2	0.00365	1675	14	0.008358	1153	8	0.006938	1042	7	0.006718	298	1	0.003356	320	4	0.0125	87	1	0.011494
XM_00651 76491	Abhd14b	chr9	1.06E+08	1.06E+08	998	12	0.012024	748	6	0.008021	1014	2	0.001972	380	3	0.007895	394	10	0.025381	1354	38	0.028065	1036	9	0.008687	947	9	0.009504	265	1	0.003774	530	2	0.003774	99	1	0.010101
XM_00651 76500	Ip6k2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1128	30	0.026596	790	7	0.008861	1002	7	0.006986	112	0	0	380	2	0.005263	1360	25	0.018382	1202	27	0.022463	1153	11	0.00954	271	1	0.00369	258	1	0.003876	78	0	0
XM_00651 76500	Ip6k2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1128	30	0.026596	790	7	0.008861	1002	7	0.006986	112	0	0	380	2	0.005263	1360	25	0.018382	1202	27	0.022463	1153	11	0.00954	271	1	0.00369	258	1	0.003876	78	0	0
XM_00651 76500	Ip6k2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1128	30	0.026596	790	7	0.008861	1002	7	0.006986	112	0	0	380	2	0.005263	1360	25	0.018382	1202	27	0.022463	1153	11	0.00954	271	1	0.00369	258	1	0.003876	78	0	0
XM_00651 76500	Ip6k2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1128	30	0.026596	790	7	0.008861	1002	7	0.006986	112	0	0	380	2	0.005263	1360	25	0.018382	1202	27	0.022463	1153	11	0.00954	271	1	0.00369	258	1	0.003876	78	0	0
XM_00651 76500	Ip6k2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1128	30	0.026596	790	7	0.008861	1002	7	0.006986	112	0	0	380	2	0.005263	1360	25	0.018382	1202	27	0.022463	1153	11	0.00954	271	1	0.00369	258	1	0.003876	78	0	0
XM_00651 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	1627	864	0.531039	1298	700	0.539291	1552	797	0.513531	151	137	0.907285	535	397	0.742056	1864	932	0.5	1369	727	0.531045	1624	833	0.512931	396	183	0.462121	338	233	0.689349	61	49	0.803279
XM_00651 80987	Nckipsd	chr9	1.09E+08	1.09E+08	2339	23	0.009833	2335	16	0.006852	2285	19	0.008315	462	5	0.010823	751	8	0.010652	2672	22	0.008234	2372	13	0.00548	2584	38	0.014706	623	5	0.008026	1140	4	0.003509	319	3	0.009404
XM_00651 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	3060	73	0.023856	2971	56	0.018849	3138	53	0.01689	557	4	0.007181	1059	23	0.021719	2994	105	0.03507	2975	77	0.025882	2875	65	0.022609	759	18	0.023715	1178	43	0.036503	277	5	0.018051
XM_00651 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	3060	73	0.023856	2971	56	0.018849	3138	53	0.01689	557	4	0.007181	1059	23	0.021719	2994	105	0.03507	2975	77	0.025882	2875	65	0.022609	759	18	0.023715	1178	43	0.036503	277	5	0.018051
XM_00651 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	3060	73	0.023856	2971	56	0.018849	3138	53	0.01689	557	4	0.007181	1059	23	0.021719	2994	105	0.03507	2975	77	0.025882	2875	65	0.022609	759	18	0.023715	1178	43	0.036503	277	5	0.018051
XM_00651 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	99	89	0.89899	48	37	0.770833	42	29	0.690476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	25	0.78125
XM_00651 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	26	10	0.384615	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	3060	73	0.023856	2971	56	0.018849	3138	53	0.01689	557	4	0.007181	1059	23	0.021719	2994	105	0.03507	2975	77	0.025882	2875	65	0.022609	759	18	0.023715	1178	43	0.036503	277	5	0.018051
XM_00651 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	505	0	0	453	0	0	494	1	0.002024	124	0	0	208	0	0	469	1	0.002132	641	2	0.00312	292	1	0.003425	219	1	0.004566	303	0	0	115	0	0
XM_00651 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	505	0	0	453	0	0	494	1	0.002024	124	0	0	208	0	0	469	1	0.002132	641	2	0.00312	292	1	0.003425	219	1	0.004566	303	0	0	115	0	0
XM_00651 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	749	92	0.12283	541	71	0.131238	611	28	0.045827	10	5	0.5	209	14	0.066986	786	164	0.208651	759	64	0.084321	764	72	0.094241	131	6	0.045802	175	23	0.131429	161	8	0.049689
XM_00651 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	305	101	0.331148	233	68	0.291845	226	40	0.176991	10	5	0.5	72	14	0.194444	376	180	0.478723	336	76	0.22619	325	85	0.261538	42	6	0.142857	73	17	0.232877	41	3	0.073171
XM_00651 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	305	101	0.331148	233	68	0.291845	226	40	0.176991	10	5	0.5	72	14	0.194444	376	180	0.478723	336	76	0.22619	325	85	0.261538	42	6	0.142857	73	17	0.232877	41	3	0.073171
XM_00651 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	749	92	0.12283	541	71	0.131238	611	28	0.045827	10	5	0.5	209	14	0.066986	786	164	0.208651	759	64	0.084321	764	72	0.094241	131	6	0.045802	175	23	0.131429	161	8	0.049689
XM_00651 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	749	92	0.12283	541	71	0.131238	611	28	0.045827	10	5	0.5	209	14	0.066986	786	164	0.208651	759	64	0.084321	764	72	0.094241	131	6	0.045802	175	23	0.131429	161	8	0.049689
XM_00651 100502861	Ccdc13	chr9	1.22E+08	1.22E+08	2930	468	0.159727	2868	532	0.185495	3090	553	0.178964	531	101	0.190207	977	130	0.13306	3000	587	0.195667	2601	823	0.316417	2389	414	0.173294	539	175	0.324675	930	224	0.24086	341	49	0.143695
XM_00651 100502861	Ccdc13	chr9	1.22E+08	1.22E+08	2930	468	0.159727	2868	532	0.185495	3090	553	0.178964	531	101	0.190207	977	130	0.13306	3000	587	0.195667	2601	823	0.316417	2389	414	0.173294	539	175	0.324675	930	224	0.24086	341	49	0.143695
XM_00651 100502861	Ccdc13	chr9	1.22E+08	1.22E+08	2930	468	0.159727	2868	532	0.185495	3090	553	0.178964	531	101	0.190207	977	130	0.13306	3000	587	0.195667	2601	823	0.316417	2389	414	0.173294	539	175	0.324675	930	224	0.24086	341	49	0.143695
XM_00651 102570	Slc22a13	chr9	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	3	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 104099	Itga9	chr9	1.19E+08	1.19E+08	444	407	0.916667	416	375	0.901442	534	484	0.906367	138	130	0.942029	209	185	0.885167	458	404	0.882096	323	291	0.900929	419	350	0.835322	108	94	0.87037	190	167	0.878947	115	98	0.852174
XM_00651 109332	Cdcp1	chr9	1.23E+08	1.23E+08	482	55	0.114108	517	79	0.152805	529	71	0.134216	#N/A	#N/A	#N/A	232	29	0.125	546	61	0.111722	559	72	0.128801	588	76	0.129252	158	21	0.132911	165	19	0.115152	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 109332	Cdcp1	chr9	1.23E+08	1.23E+08	482	55	0.114108	517	79	0.152805	529	71	0.134216	#N/A	#N/A	#N/A	232	29	0.125	546	61	0.111722	559	72	0.128801	588	76	0.129252	158	21	0.132911	165	19	0.115152	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 113868	Acaa1a	chr9	1.19E+08	1.19E+08	1552	33	0.021263	1449	22	0.015183	1279	15	0.011728	187	0	0	576	17	0.029514	1898	25	0.013172	1444	28	0.019391	1527	33	0.021611	630	8	0.012698	618	21	0.033981	239	0	0
XM_00651 11481	Acvr2b	chr9	1.19E+08	1.19E+08	3230	43	0.013313	3124	11	0.003521	3831	25	0.006526	190	0	0	376	3	0.007979	3488	33	0.009461	3561	24	0.00674	3713	33	0.008888	498	0	0	884	38	0.042986	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 12530	Cdc25a	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2504	27	0.010783	2730	36	0.013187	2876	44	0.015299	214	1	0.004673	631	16	0.025357	2825	28	0.009912	2194	5	0.002279	2595	27	0.010405	707	7	0.009901	962	18	0.018711	145	1	0.006897
XM_00651 12530	Cdc25a	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2504	27	0.010783	2730	36	0.013187	2876	44	0.015299	214	1	0.004673	631	16	0.025357	2825	28	0.009912	2194	5	0.002279	2595	27	0.010405	707	7	0.009901	962	18	0.018711	145	1	0.006897
XM_00651 12530	Cdc25a	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2504	27	0.010783	2730	36	0.013187	2876	44	0.015299	214	1	0.004673	631	16	0.025357	2825	28	0.009912	2194	5	0.002279	2595	27	0.010405	707	7	0.009901	962	18	0.018711	145	1	0.006897
XM_00651 12773	Ccr4	chr9	1.14E+08	1.15E+08	134	109	0.813433	110	88	0.8	119	107	0.89916	74	70	0.945946	92	82	0.891304	161	142	0.881988	160	129	0.80625	120	111	0.925	39	32	0.820513	40	30	0.75	13	12	0.923077
XM_00651 12773	Ccr4	chr9	1.14E+08	1.14E+08	182	162	0.89011	155	143	0.922581	157	144	0.917197	#N/A	#N/A	#N/A	78	69	0.884615	150	126	0.84	121	91	0.752066	174	127	0.729885	54	35	0.648148	55	40	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 12773	Ccr4	chr9	1.14E+08	1.15E+08	134	109	0.813433	110	88	0.8	119	107	0.89916	74	70	0.945946	92	82	0.891304	161	142	0.881988	160	129	0.80625	120	111	0.925	39	32	0.820513	40	30	0.75	13	12	0.923077
XM_00651 13813	Eomes	chr9	1.18E+08	1.18E+08	3892	59	0.015159	4139	50	0.01208	4414	33	0.007476	516	4	0.007752	1405	25	0.017794	4035	72	0.017844	3587	72	0.020072	3745	64	0.017089	1024	29	0.02832	1323	25	0.018896	135	4	0.02963
XM_00651 16578	Kif9	chr9	1.1E+08	1.11E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	266	0	0	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	168	1	0.005952
XM_00651 16578	Kif9	chr9	1.1E+08	1.11E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	266	0	0	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	168	1	0.005952
XM_00651 16578	Kif9	chr9	1.1E+08	1.11E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	266	0	0	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	168	1	0.005952
XM_00651 16578	Kif9	chr9	1.1E+08	1.11E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	266	0	0	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	168	1	0.005952
XM_00651 17350	Mlh1	chr9	1.11E+08	1.11E+08	1464	28	0.019126	1298	11	0.008475	1407	19	0.013504	225	12	0.053333	889	23	0.025872	1603	26	0.01622	1449	35	0.024155	1483	17	0.011463	466	3	0.006438	481	4	0.008316	152	0	0
XM_00651 17350	Mlh1	chr9	1.11E+08	1.11E+08	1464	28	0.019126	1298	11	0.008475	1407	19	0.013504	225	12	0.053333	889	23	0.025872	1603	26	0.01622	1449	35	0.024155	1483	17	0.011463	466	3	0.006438	481	4	0.008316	152	0	0
XM_00651 17758	Map4	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2577	19	0.007373	2176	19	0.008732	2733	20	0.007318	50	0	0	822	2	0.002433	3160	24	0.007595	2451	15	0.00612	2520	11	0.004365	465	3	0.006452	1143	5	0.004374	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 17758	Map4	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 17758	Map4	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 17758	Map4	chr9	1.1E+08	1.1E+08	95	89	0.936842	76	64	0.842105	82	78	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	70	64	0.914286	79	63	0.797468	62	57	0.919355	18	16	0.888889	17	17	1	16	15	0.9375
XM_00651 17758	Map4	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 18087	Nktr	chr9	1.22E+08	1.22E+08	4064	18	0.004429	4026	33	0.008197	4024	20	0.00497	683	2	0.002928	1195	0	0	3828	38	0.009927	4236	25	0.005902	4021	35	0.008704	949	4	0.004215	1225	8	0.006531	494	2	0.004049
XM_00651 18799	Plcd1	chr9	1.19E+08	1.19E+08	483	427	0.884058	282	266	0.943262	423	379	0.895981	84	81	0.964286	180	159	0.883333	508	439	0.864173	323	273	0.845201	346	282	0.815029	135	93	0.688889	155	140	0.903226	24	20	0.833333
XM_00651 19228	Pth1r	chr9	1.11E+08	1.11E+08	4847	208	0.042913	5003	211	0.042175	5106	194	0.037995	834	27	0.032374	1537	68	0.044242	5367	254	0.047326	4422	196	0.044324	4562	259	0.056773	1177	66	0.056075	2355	124	0.052654	546	11	0.020147
XM_00651 19228	Pth1r	chr9	1.11E+08	1.11E+08	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	32	17	0.53125	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 19228	Pth1r	chr9	1.11E+08	1.11E+08	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	32	17	0.53125	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 20271	Scn5a	chr9	1.19E+08	1.2E+08	304	224	0.736842	239	175	0.732218	294	220	0.748299	36	28	0.777778	218	158	0.724771	298	198	0.66443	322	209	0.649068	262	168	0.641221	176	103	0.585227	136	84	0.617647	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 20271	Scn5a	chr9	1.19E+08	1.2E+08	304	224	0.736842	239	175	0.732218	294	220	0.748299	36	28	0.777778	218	158	0.724771	298	198	0.66443	322	209	0.649068	262	168	0.641221	176	103	0.585227	136	84	0.617647	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 20271	Scn5a	chr9	1.19E+08	1.2E+08	304	224	0.736842	239	175	0.732218	294	220	0.748299	36	28	0.777778	218	158	0.724771	298	198	0.66443	322	209	0.649068	262	168	0.641221	176	103	0.585227	136	84	0.617647	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 20271	Scn5a	chr9	1.19E+08	1.2E+08	6118	143	0.023374	6539	105	0.016058	7162	136	0.018989	580	14	0.024138	1592	31	0.019472	6382	141	0.022093	5318	157	0.029522	5892	127	0.021555	1735	36	0.020749	1789	50	0.027949	222	5	0.022523
XM_00651 20623	Snrk	chr9	1.22E+08	1.22E+08	4953	40	0.008076	5455	46	0.008433	4600	37	0.008043	751	6	0.007989	1687	6	0.003557	5425	41	0.007558	4764	29	0.006087	5454	38	0.006967	1135	5	0.004405	1943	5	0.002573	741	8	0.010796
XM_00651 20623	Snrk	chr9	1.22E+08	1.22E+08	4953	40	0.008076	5455	46	0.008433	4600	37	0.008043	751	6	0.007989	1687	6	0.003557	5425	41	0.007558	4764	29	0.006087	5454	38	0.006967	1135	5	0.004405	1943	5	0.002573	741	8	0.010796
XM_00651 20623	Snrk	chr9	1.22E+08	1.22E+08	4953	40	0.008076	5455	46	0.008433	4600	37	0.008043	751	6	0.007989	1687	6	0.003557	5425	41	0.007558	4764	29	0.006087	5454	38	0.006967	1135	5	0.004405	1943	5	0.002573	741	8	0.010796
XM_00651 20776	Tmie	chr9	1.11E+08	1.11E+08	246	25	0.101626	413	18	0.043584	419	20	0.047733	76	3	0.039474	92	17	0.184783	713	55	0.077139	457	19	0.041575	421	35	0.083135	98	2	0.020408	112	13	0.116071	45	3	0.066667
XM_00651 20776	Tmie	chr9	1.11E+08	1.11E+08	246	25	0.101626	413	18	0.043584	419	20	0.047733	76	3	0.039474	92	17	0.184783	713	55	0.077139	457	19	0.041575	421	35	0.083135	98	2	0.020408	112	13	0.116071	45	3	0.066667
XM_00651 20776	Tmie	chr9	1.11E+08	1.11E+08	246	25	0.101626	413	18	0.043584	419	20	0.047733	76	3	0.039474	92	17	0.184783	713	55	0.077139	457	19	0.041575	421	35	0.083135	98	2	0.020408	112	13	0.116071	45	3	0.066667
XM_00651 20840	Stac	chr9	1.12E+08	1.12E+08	2903	226	0.07785	2677	194	0.072469	3044	203	0.066689	836	37	0.044258	1080	83	0.076852	2797	257	0.091884	2270	180	0.079295	2127	165	0.077574	1300	109	0.083846	1036	91	0.087838	494	51	0.103239
XM_00651 208638	Slc25a38	chr9	1.2E+08	1.2E+08	268	258	0.962687	216	209	0.967593	253	242	0.956522	88	84	0.954545	211	201	0.952607	336	326	0.970238	248	236	0.951613	297	279	0.939394	156	143	0.916667	191	179	0.937173	61	58	0.95082
XM_00651 208638	Slc25a38	chr9	1.2E+08	1.2E+08	1995	274	0.137343	1790	275	0.153631	1842	268	0.145494	325	104	0.32	734	140	0.190736	1952	304	0.155738	1877	241	0.128396	2132	267	0.125235	685	99	0.144526	908	132	0.145374	323	64	0.198142
XM_00651 208638	Slc25a38	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 208638	Slc25a38	chr9	1.2E+08	1.2E+08	1776	19	0.010698	1466	14	0.00955	1567	17	0.010849	206	0	0	609	14	0.022989	1721	26	0.015107	1691	34	0.020106	1911	23	0.012036	628	7	0.011146	800	6	0.0075	248	1	0.004032
XM_00651 209012	Ulk4	chr9	1.21E+08	1.21E+08	1380	203	0.147101	1491	208	0.139504	1374	211	0.153566	214	74	0.345794	658	138	0.209726	1404	241	0.171652	1339	136	0.101568	1316	157	0.119301	366	82	0.224044	355	94	0.264789	204	18	0.088235
XM_00651 209012	Ulk4	chr9	1.21E+08	1.21E+08	403	49	0.121588	426	59	0.138498	346	70	0.202312	127	13	0.102362	123	20	0.162602	448	57	0.127232	312	93	0.298077	338	38	0.112426	139	15	0.107914	60	5	0.083333	36	3	0.083333
XM_00651 209012	Ulk4	chr9	1.21E+08	1.21E+08	1380	203	0.147101	1480	197	0.133108	1374	211	0.153566	214	74	0.345794	636	118	0.185535	1404	241	0.171652	1339	136	0.101568	1316	157	0.119301	356	76	0.213483	355	94	0.264789	204	18	0.088235
XM_00651 209012	Ulk4	chr9	1.21E+08	1.21E+08	519	457	0.880539	553	436	0.788427	533	460	0.863039	116	90	0.775862	209	170	0.813397	456	341	0.747807	397	309	0.778338	376	309	0.821809	152	101	0.664474	154	115	0.746753	76	67	0.881579
XM_00651 215418	Csrnp1	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	25	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 215418	Csrnp1	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 215418	Csrnp1	chr9	1.2E+08	1.2E+08	5888	57	0.009681	5206	45	0.008644	5664	33	0.005826	799	0	0	1563	7	0.004479	6238	68	0.010901	4751	28	0.005893	5796	23	0.003968	1644	3	0.001825	1839	9	0.004894	292	2	0.006849
XM_00651 215474	Sec22c	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1842	135	0.07329	1511	109	0.072138	1744	157	0.090023	418	40	0.095694	904	65	0.071903	2307	196	0.084959	1768	105	0.059389	1851	146	0.078876	641	56	0.087363	768	88	0.114583	375	39	0.104
XM_00651 215474	Sec22c	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1842	135	0.07329	1511	109	0.072138	1744	157	0.090023	418	40	0.095694	904	65	0.071903	2307	196	0.084959	1768	105	0.059389	1851	146	0.078876	641	56	0.087363	768	88	0.114583	375	39	0.104
XM_00651 215474	Sec22c	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1886	140	0.074231	1543	94	0.06092	1731	144	0.083189	418	40	0.095694	894	55	0.061521	2266	161	0.07105	1810	100	0.055249	1881	129	0.068581	621	37	0.059581	748	70	0.093583	364	30	0.082418
XM_00651 22221	Ubp1	chr9	1.14E+08	1.14E+08	5808	45	0.007748	6436	41	0.00637	6305	52	0.008247	593	2	0.003373	1003	10	0.00997	6198	49	0.007906	6291	44	0.006994	6776	31	0.004575	875	3	0.003429	983	3	0.003052	414	2	0.004831
XM_00651 22221	Ubp1	chr9	1.14E+08	1.14E+08	5808	45	0.007748	6436	41	0.00637	6305	52	0.008247	593	2	0.003373	1003	10	0.00997	6198	49	0.007906	6291	44	0.006994	6776	31	0.004575	875	3	0.003429	983	3	0.003052	414	2	0.004831
XM_00651 22221	Ubp1	chr9	1.14E+08	1.14E+08	5808	45	0.007748	6436	41	0.00637	6305	52	0.008247	593	2	0.003373	1003	10	0.00997	6198	49	0.007906	6291	44	0.006994	6776	31	0.004575	875	3	0.003429	983	3	0.003052	414	2	0.004831
XM_00651 22221	Ubp1	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	297	69	0.232323	174	36	0.206897	246	48	0.195122	30	4	0.133333	47	12	0.255319	210	74	0.352381	171	46	0.269006	150	53	0.353333	80	22	0.275	100	9	0.09	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	297	69	0.232323	174	36	0.206897	246	48	0.195122	30	4	0.133333	47	12	0.255319	210	74	0.352381	171	46	0.269006	150	53	0.353333	80	22	0.275	100	9	0.09	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	297	69	0.232323	174	36	0.206897	246	48	0.195122	30	4	0.133333	47	12	0.255319	210	74	0.352381	171	46	0.269006	150	53	0.353333	80	22	0.275	100	9	0.09	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	297	69	0.232323	174	36	0.206897	246	48	0.195122	30	4	0.133333	47	12	0.255319	210	74	0.352381	171	46	0.269006	150	53	0.353333	80	22	0.275	100	9	0.09	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	297	69	0.232323	174	36	0.206897	246	48	0.195122	30	4	0.133333	47	12	0.255319	210	74	0.352381	171	46	0.269006	150	53	0.353333	80	22	0.275	100	9	0.09	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	348	169	0.485632	389	158	0.40617	283	131	0.462898	22	12	0.545455	122	55	0.45082	323	194	0.600619	332	90	0.271084	377	222	0.588859	95	38	0.4	72	36	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	418	224	0.535885	439	198	0.451025	345	181	0.524638	48	33	0.6875	155	80	0.516129	410	259	0.631707	388	134	0.345361	439	264	0.601367	110	49	0.445455	110	60	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22351	Vill	chr9	1.19E+08	1.19E+08	348	169	0.485632	389	158	0.40617	283	131	0.462898	22	12	0.545455	122	55	0.45082	323	194	0.600619	332	90	0.271084	377	222	0.588859	95	38	0.4	72	36	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 22354	Vipr1	chr9	1.22E+08	1.22E+08	3060	116	0.037908	2822	70	0.024805	3491	101	0.028932	642	36	0.056075	1087	70	0.064397	4074	156	0.038292	2908	112	0.038514	2668	114	0.042729	1000	22	0.022	983	28	0.028484	80	1	0.0125
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3086	37	0.01199	3293	41	0.012451	3199	30	0.009378	385	11	0.028571	1009	21	0.020813	3037	48	0.015805	2743	31	0.011301	3550	33	0.009296	818	12	0.01467	1128	10	0.008865	223	4	0.017937
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	199	113	0.567839	142	71	0.5	157	84	0.535032	86	38	0.44186	58	27	0.465517	277	173	0.624549	225	122	0.542222	265	111	0.418868	51	4	0.078431	60	5	0.083333	13	2	0.153846
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3469	36	0.010378	3511	41	0.011678	3477	30	0.008628	329	3	0.009119	1119	14	0.012511	3419	40	0.011699	2859	25	0.008744	3672	28	0.007625	797	8	0.010038	1251	5	0.003997	210	2	0.009524
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3028	37	0.012219	3261	41	0.012573	3169	30	0.009467	385	11	0.028571	1009	21	0.020813	2969	45	0.015157	2707	30	0.011082	3522	33	0.00937	818	12	0.01467	1128	10	0.008865	223	4	0.017937
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3576	43	0.012025	3602	45	0.012493	3563	39	0.010946	385	11	0.028571	1167	24	0.020566	3552	61	0.017173	2971	31	0.010434	3821	37	0.009683	848	12	0.014151	1311	10	0.007628	223	4	0.017937
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3576	43	0.012025	3602	45	0.012493	3563	39	0.010946	385	11	0.028571	1167	24	0.020566	3552	61	0.017173	2971	31	0.010434	3821	37	0.009683	848	12	0.014151	1311	10	0.007628	223	4	0.017937
XM_00651 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3576	43	0.012025	3602	45	0.012493	3563	39	0.010946	385	11	0.028571	1167	24	0.020566	3552	61	0.017173	2971	31	0.010434	3821	37	0.009683	848	12	0.014151	1311	10	0.007628	223	4	0.017937
XM_00651 235623	Scap	chr9	1.1E+08	1.1E+08	3039	20	0.006581	3616	22	0.006084	3474	20	0.005757	629	10	0.015898	1082	2	0.001848	3041	24	0.007892	2869	42	0.014639	3225	12	0.003721	902	5	0.005543	912	6	0.006579	384	2	0.005208
XM_00651 235623	Scap	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 235623	Scap	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 235626	Setd2	chr9	1.11E+08	1.11E+08	5456	28	0.005132	6281	42	0.006687	5879	64	0.010886	744	2	0.002688	1588	4	0.002519	5900	34	0.005763	5842	31	0.005306	6858	43	0.00627	1654	6	0.003628	1846	4	0.002167	312	2	0.00641
XM_00651 235626	Setd2	chr9	1.11E+08	1.11E+08	5456	28	0.005132	6281	42	0.006687	5879	64	0.010886	744	2	0.002688	1588	4	0.002519	5900	34	0.005763	5842	31	0.005306	6858	43	0.00627	1654	6	0.003628	1846	4	0.002167	312	2	0.00641
XM_00651 235626	Setd2	chr9	1.11E+08	1.11E+08	5456	28	0.005132	6281	42	0.006687	5879	64	0.010886	744	2	0.002688	1588	4	0.002519	5900	34	0.005763	5842	31	0.005306	6858	43	0.00627	1654	6	0.003628	1846	4	0.002167	312	2	0.00641
XM_00651 235633	Als2cl	chr9	1.11E+08	1.11E+08	270	35	0.12963	449	35	0.077951	446	36	0.080717	76	3	0.039474	92	17	0.184783	739	66	0.08931	488	28	0.057377	474	53	0.111814	109	6	0.055046	112	13	0.116071	45	3	0.066667
XM_00651 235636	Rtp3	chr9	1.11E+08	1.11E+08	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	9	0.321429	#N/A	#N/A	#N/A	14	4	0.285714	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 235674	Acaa1b	chr9	1.19E+08	1.19E+08	495	43	0.086869	420	46	0.109524	381	52	0.136483	36	5	0.138889	246	21	0.085366	671	62	0.092399	330	46	0.139394	463	81	0.174946	39	10	0.25641	233	3	0.012876	30	3	0.1
XM_00651 235674	Acaa1b	chr9	1.19E+08	1.19E+08	495	43	0.086869	420	46	0.109524	381	52	0.136483	36	5	0.138889	246	21	0.085366	671	62	0.092399	330	46	0.139394	463	81	0.174946	39	10	0.25641	233	3	0.012876	30	3	0.1
XM_00651 235682	Zfp445	chr9	1.23E+08	1.23E+08	2146	14	0.006524	2355	19	0.008068	2380	19	0.007983	468	0	0	670	8	0.01194	2548	11	0.004317	2186	12	0.005489	1870	16	0.008556	617	2	0.003241	873	6	0.006873	391	1	0.002558
XM_00651 235682	Zfp445	chr9	1.23E+08	1.23E+08	904	7	0.007743	708	7	0.009887	830	3	0.003614	221	1	0.004525	637	5	0.007849	825	4	0.004848	534	3	0.005618	637	1	0.00157	289	2	0.00692	347	8	0.023055	54	0	0
XM_00651 235682	Zfp445	chr9	1.23E+08	1.23E+08	2146	14	0.006524	2355	19	0.008068	2380	19	0.007983	468	0	0	670	8	0.01194	2548	11	0.004317	2186	12	0.005489	1870	16	0.008556	617	2	0.003241	873	6	0.006873	391	1	0.002558
XM_00651 235682	Zfp445	chr9	1.23E+08	1.23E+08	904	7	0.007743	708	7	0.009887	830	3	0.003614	221	1	0.004525	637	5	0.007849	825	4	0.004848	534	3	0.005618	637	1	0.00157	289	2	0.00692	347	8	0.023055	54	0	0
XM_00651 235682	Zfp445	chr9	1.23E+08	1.23E+08	2146	14	0.006524	2355	19	0.008068	2380	19	0.007983	468	0	0	670	8	0.01194	2548	11	0.004317	2186	12	0.005489	1870	16	0.008556	617	2	0.003241	873	6	0.006873	391	1	0.002558
XM_00651 245049	Myrip	chr9	1.2E+08	1.2E+08	4504	66	0.014654	4739	73	0.015404	5099	56	0.010983	691	4	0.005789	933	21	0.022508	4775	129	0.027016	3948	110	0.027862	4115	97	0.023572	1043	26	0.024928	1447	36	0.024879	322	6	0.018634
XM_00651 245049	Myrip	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	40	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	52	41	0.788462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	29	0.659091	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 245049	Myrip	chr9	1.2E+08	1.2E+08	4407	63	0.014295	4684	73	0.015585	5009	56	0.01118	669	4	0.005979	903	21	0.023256	4692	128	0.02728	3875	107	0.027613	4047	94	0.023227	1006	26	0.025845	1407	36	0.025586	298	6	0.020134
XM_00651 245050	Gask1a	chr9	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 245050	Gask1a	chr9	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 245050	Gask1a	chr9	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 270198	Pfkfb4	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1179	48	0.040712	786	35	0.044529	1107	46	0.041554	156	11	0.070513	250	6	0.024	1385	56	0.040433	1162	41	0.035284	1107	62	0.056007	293	11	0.037543	438	24	0.054795	77	4	0.051948
XM_00651 270198	Pfkfb4	chr9	1.09E+08	1.09E+08	59	34	0.576271	17	14	0.823529	12	10	0.833333	14	13	0.928571	13	11	0.846154	82	43	0.52439	59	26	0.440678	51	33	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	11	10	0.909091
XM_00651 270198	Pfkfb4	chr9	1.09E+08	1.09E+08	59	34	0.576271	17	14	0.823529	12	10	0.833333	14	13	0.928571	13	11	0.846154	82	43	0.52439	59	26	0.440678	51	33	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	11	10	0.909091
XM_00651 270198	Pfkfb4	chr9	1.09E+08	1.09E+08	139	87	0.625899	27	23	0.851852	61	51	0.836066	14	13	0.928571	39	26	0.666667	175	110	0.628571	147	84	0.571429	142	88	0.619718	27	14	0.518519	40	20	0.5	31	27	0.870968
XM_00651 270198	Pfkfb4	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1244	90	0.072347	775	34	0.043871	1143	75	0.065617	156	11	0.070513	276	21	0.076087	1447	108	0.074637	1214	75	0.061779	1164	103	0.088488	320	25	0.078125	458	32	0.069869	97	21	0.216495
XM_00651 270210	Zfp651	chr9	1.22E+08	1.22E+08	3726	154	0.041331	4285	130	0.030338	4401	97	0.02204	610	11	0.018033	1227	60	0.0489	4334	121	0.027919	3761	67	0.017814	3893	101	0.025944	1049	30	0.028599	1567	90	0.057435	226	17	0.075221
XM_00651 270210	Zfp651	chr9	1.22E+08	1.22E+08	5319	216	0.040609	5842	205	0.035091	6078	193	0.031754	762	26	0.034121	1697	47	0.027696	5904	143	0.024221	5250	97	0.018476	5394	141	0.02614	1434	28	0.019526	2047	33	0.016121	384	0	0
XM_00651 27215	Azi2	chr9	1.18E+08	1.18E+08	2553	80	0.031336	2513	83	0.033028	2620	94	0.035878	463	21	0.045356	1083	38	0.035088	3089	83	0.02687	2537	62	0.024438	2337	42	0.017972	397	36	0.09068	1050	45	0.042857	442	26	0.058824

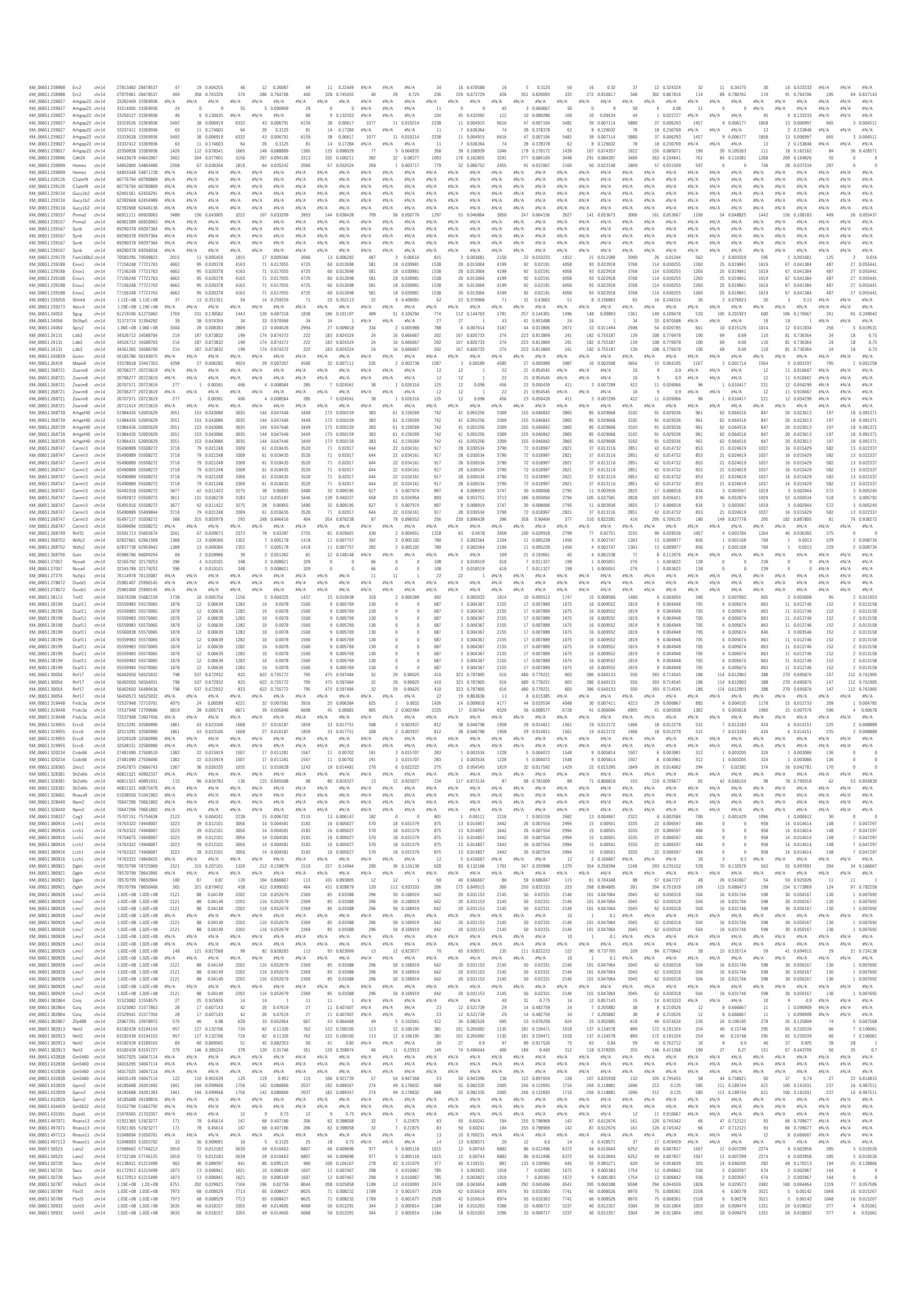
XM_00651 382427	Best3	chr10	1.17E+08	1.17E+08	355	272	0.766197	318	241	0.757862	403	278	0.689826	57	43	0.754386	179	129	0.72067	326	281	0.861963	281	224	0.797153	265	215	0.811321	154	125	0.811688	127	113	0.889764	107	93	0.869159
XM_00651 382427	Best3	chr10	1.17E+08	1.17E+08	349	319	0.91404	237	214	0.902954	392	349	0.890306	108	93	0.861111	219	202	0.922374	358	318	0.888268	362	307	0.848066	318	270	0.849057	49	34	0.693878	95	66	0.694737	53	42	0.792453
XM_00651 382427	Best3	chr10	1.17E+08	1.17E+08	355	272	0.766197	318	241	0.757862	403	278	0.689826	57	43	0.754386	179	129	0.72067	326	281	0.861963	281	224	0.797153	265	215	0.811321	154	125	0.811688	127	113	0.889764	107	93	0.869159
XM_00651 382427	Best3	chr10	1.17E+08	1.17E+08	355	272	0.766197	318	241	0.757862	403	278	0.689826	57	43	0.754386	179	129	0.72067	326	281	0.861963	281	224	0.797153	265	215	0.811321	154	125	0.811688	127	113	0.889764	107	93	0.869159
XM_00651 404634	Macroh2a2	chr10	61738640	61784604	2007	89	0.044345	2026	52	0.025666	2518	106	0.042097	210	10	0.047619	612	26	0.042484	2054	113	0.055015	1442	83	0.057559	1583	140	0.08844	637	17	0.026688	715	85	0.118881	143	13	0.090909
XM_00651 407790	Ndufa4l2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	216	56	0.259259	203	58	0.285714	141	36	0.255319	97	21	0.216495	62	14	0.225806	275	61	0.221818	216	39	0.180556	262	70	0.267176	56	13	0.232143	72	12	0.166667	24	12	0.5
XM_00651 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023962	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_00651 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023980	3770	31	0.008223	3619	39	0.010776	3711	12	0.003234	590	1	0.001695	1036	1	0.000965	4299	24	0.005583	3698	9	0.002434	3874	20	0.005163	1182	0	0	1219	2	0.001641	231	0	0
XM_00651 432478	Tmprss9	chr10	80871117	80899495	133	61	0.458647	118	39	0.330508	130	41	0.315385	16	2	0.125	66	36	0.545455	130	63	0.484615	140	59	0.421429	151	62	0.410596	43	27	0.627907	56	22	0.392857	25	2	0.08
XM_00651 432478	Tmprss9	chr10	80871117	80899495	133	61	0.458647	118	39	0.330508	130	41	0.315385	16	2	0.125	66	36	0.545455	130	63	0.484615	140	59	0.421429	151	62	0.410596	43	27	0.627907	56	22	0.392857	25	2	0.08
XM_00651 432478	Tmprss9	chr10	80871117	80899495	133	61	0.458647	118	39	0.330508	130	41	0.315385	16	2	0.125	66	36	0.545455	130	63	0.484615	140	59	0.421429	151	62	0.410596	43	27	0.627907	56	22	0.392857	25	2	0.08
XM_00651 432478	Tmprss9	chr10	80871117	80899495	133	61	0.458647	118	39	0.330508	130	41	0.315385	16	2	0.125	66	36	0.545455	130	63	0.484615	140	59	0.421429	151	62	0.410596	43	27	0.627907	56	22	0.392857	25	2	0.08
XM_00651 432486	Gnptab	chr10	88379134	88447324	3779	29	0.007674	3806	35	0.009196	3980	37	0.009296	578	1	0.00173	1114	12	0.010772	3954	33	0.008346	3640	22	0.006044	4186	20	0.004778	1016	3	0.002953	1198	5	0.004174	368	2	0.005435
XM_00651 432486	Gnptab	chr10	88414393	88447324	29	28	0.965517	27	25	0.925926	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	70	68	0.971429	73	66	0.90411	25	23	0.92	18	14	0.777778	106	94	0.886792	12	10	0.833333
XM_00651 432486	Gnptab	chr10	88414393	88447324	29	28	0.965517	27	25	0.925926	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	70	68	0.971429	73	66	0.90411	25	23	0.92	18	14	0.777778	106	94	0.886792	12	10	0.833333
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_00651 432516	Myo1a	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 432516	Myo1a	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 50929	Il22	chr10	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 52463	Tet1	chr10	62804570	62887464	1326	23	0.017345	1496	12	0.008021	1482	16	0.010796	149	1	0.006711	538	51	0.094796	1476	37	0.025068	952	8	0.008403	1119	17	0.015192	359	3	0.008357	486	3	0.006173	104	2	0.019231
XM_00651 52551	Sgta	chr10	81044071	81060196	307	110	0.358306	216	139	0.643519	281	152	0.540925	103	0	0	128	0	0	258	68	0.263566	322	119	0.369565	330	146	0.442424	113	46	0.40708	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 52666	Arhgef25	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1396	242	0.173352	1304	231	0.177147	1597	238	0.149029	123	11	0.089431	213	34	0.159624	1433	285	0.198883	1522	263	0.172799	1469	339	0.230769	199	20	0.100503	399	78	0.195489	21	1	0.047619
XM_00651 52666	Arhgef25	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1719	237	0.137871	1583	234	0.147821	1861	233	0.125202	123	11	0.089431	333	36	0.108108	1814	276	0.15215	1757	255	0.145134	1734	341	0.196655	353	20	0.056657	501	78	0.155689	21	1	0.047619
XM_00651 52679	E2f7	chr10	1.11E+08	1.11E+08	1753	14	0.007986	1696	20	0.011792	1718	20	0.011641	493	2	0.004057	605	7	0.01157	1846	22	0.011918	1737	10	0.005757	1476	4	0.00271	566	0	0	682	3	0.004399	254	0	0
XM_00651 54387	Mcm3ap	chr10	76481001	76515859	228	213	0.934211	191	180	0.942408	261	244	0.934866	88	81	0.920455	95	92	0.968421	252	236	0.936508	144	134	0.930556	239	227	0.949791	84	73	0.869048	122	117	0.959016	20	20	1
XM_00651 56307	Metap2	chr10	93860920	93897090	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 56307	Metap2	chr10	93860920	93891178	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 56516	Rbms2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 56516	Rbms2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 56530	Cnpy2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	578	93	0.1609	481	38	0.079002	448	36	0.080357	126	1	0.007937	151	8	0.05298	604	71	0.11755	497	20	0.040241	331	19	0.057402	169	4	0.023669	115	8	0.069565	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 57267	Apba3	chr10	81266965	81273236	697	3	0.004304	513	2	0.003899	599	1	0.001669	120	0	0	202	2	0.009901	673	5	0.007429	611	10	0.016367	768	3	0.003906	279	0	0	384	2	0.005208	93	0	0
XM_00651 57267	Apba3	chr10	81267807	81273236	1303	29	0.022256	1098	16	0.014572	1223	15	0.012265	187	3	0.016043	415	7	0.016867	1235	37	0.02996	1181	30	0.025402	1340	23	0.017164	535	9	0.016822	712	6	0.008427	203	1	0.004926
XM_00651 57267	Apba3	chr10	81266935	81273236	697	3	0.004304	513	2	0.003899	599	1	0.001669	120	0	0	202	2	0.009901	673	5	0.007429	611	10	0.016367	768	3	0.003906	279	0	0	384	2	0.005208	93	0	0
XM_00651 58250	Chst11	chr10	83033426	83195904	69	67	0.971014	72	69	0.958333	85	82	0.964706	26	26	1	33	32	0.969697	67	61	0.910448	66	60	0.909091	73	58	0.794521	32	29	0.90625	29	24	0.827586	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 58250	Chst11	chr10	82984440	83195904	1503	20	0.013307	1432	11	0.007682	1165	12	0.0103	169	1	0.005917	332	23	0.069277	1489	30	0.020148	1229	26	0.021155	1589	17	0.010699	313	6	0.019169	478	9	0.018828	145	0	0
XM_00651 58802	Kcnmb4	chr10	1.16E+08	1.16E+08	5181	59	0.011388	4925	60	0.012183	5240	74	0.014122	451	6	0.013304	1154	12	0.010399	4925	64	0.012995	5261	85	0.016157	4570	81	0.017724	801	9	0.011236	1410	60	0.042553	50	0	0
XM_00651 59090	Midn	chr10	80149084	80158368	5135	26	0.005063	4807	34	0.007073	5321	19	0.003571	615	2	0.003252	1670	6	0.003593	6743	53	0.00786	5856	47	0.008026	6381	32	0.005015	1224	8	0.006536	2206	6	0.00272	368	1	0.002717
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76905857	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	52	40	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	48	38	0.791667	54	45	0.833333	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76902847	23	18	0.782609	11	9	0.818182	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961951	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XM_00651 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XM_00651 628870	Otogl	chr10	1.08E+08	1.08E+08	102	58	0.568627	80	40	0.5	107	52	0.485981	41	24	0.585366	52	22	0.423077	123	68	0.552846	100	52	0.52	119	71	0.596639	46	24	0.521739	41	30	0.731707	18	10	0.555556
XM_00651 628870	Otogl	chr10	1.08E+08	1.08E+08	29	25	0.862069	14	13	0.928571	17	14	0.823529	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	21	15	0.714286	22	12	0.545455	25	9	0.36	19	14	0.736842	21	12	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 628870	Otogl	chr10	1.08E+08	1.08E+08	11	11	1	12	11	0.916667	15	12	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 628870	Otogl	chr10	1.08E+08	1.08E+08	116	108	0.931034	12	11	0.916667	15	12	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	11	10	0.909091	108	105	0.972222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	53	50	0.943396	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 641340	Nrbf2	chr10	67266689	67270146	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 641340	Nrbf2	chr10	67266689	67285178	2684	14	0.005216	2966	23	0.007755	3661	20	0.005463	538	2	0.003717	1135	6	0.005286	2814	18	0.006397	3081	24	0.00779	3220	14	0.004348	896	3	0.003348	1057	2	0.001892	192	0	0
XM_00651 64451	Dip2a	chr10	76263034	76345360	3442	20	0.005811	3338	25	0.00749	3561	31	0.008705	251	0	0	824	12	0.014563	3453	23	0.006661	3107	25	0.008046	3253	30	0.009222	836	3	0.003589	1070	13	0.01215	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 64451	Dip2a	chr10	76263034	76345357	3442	20	0.005811	3338	25	0.00749	3561	31	0.008705	251	0	0	824	12	0.014563	3453	23	0.006661	3107	25	0.008046	3253	30	0.009222	836	3	0.003589	1070	13	0.01215	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 64451	Dip2a	chr10	76263049	76345280	3442	20	0.005811	3338	25	0.00749	3561	31	0.008705	251	0	0	824	12	0.014563	3453	23	0.006661	3107	25	0.008046	3253	30	0.009222	836	3	0.003589	1070	13	0.01215	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 64453	Zfp280b	chr10	76032401	76042970	909	184	0.20242	862	203	0.235499	851	213	0.250294	88	46	0.522727	193	89	0.46114	764	150	0.196335	743	129	0.17362	770	98	0.127273	206	93	0.451456	288	53	0.184028	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 64453	Zfp280b	chr10	76032401	76042970	909	184	0.20242	862	203	0.235499	851	213	0.250294	88	46	0.522727	193	89	0.46114	764	150	0.196335	743	129	0.17362	770	98	0.127273	206	93	0.451456	288	53	0.184028	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 64454	Slc5a4b	chr10	76058618	76095070	10	6	0.6	10	8	0.8	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 66225	Llph	chr10	1.2E+08	1.2E+08	770	41	0.053247	694	28	0.040346	703	3	0.004267	#N/A	#N/A	#N/A	119	1	0.008403	782	11	0.014066	799	6	0.007509	793	27	0.034048	328	16	0.04878	128	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 66605	1700017N	chr10	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 66605	1700017N	chr10	1.01E+08	1.01E+08	745	3	0.004027	860	6	0.006977	991	9	0.009082	38	0	0	475	0	0	984	5	0.005081	940	3	0.003191	839	8	0.009535	275	1	0.003636	289	1	0.00346	80	1	0.0125
XM_00651 66687	Tbc1d15	chr10	1.15E+08	1.15E+08	2395	8	0.00334	2395	12	0.00501	2688	22	0.008185	540	2	0.003704	1068	3	0.002809	2551	18	0.007056	2324	9	0.003873	2401	13	0.005414	737	1	0.001357	747	5	0.006693	278	1	0.003597
XM_00651 66859	Slc16a9	chr10	70246387	70285134	2055	39	0.018978	2215	29	0.013093	2198	51	0.023203	119	0	0	298	4	0.013423	1902	41	0.021556	1581	56	0.035421	1775	32	0.018028	299	21	0.070234	291	1	0.003436	87	5	0.057471
XM_00651 66932	Rexo1	chr10	80541660	80564790	99	84	0.848485	113	96	0.849558	110	94	0.854545	11	10	0.909091	56	52	0.928571	107	86	0.803738	126	107	0.849206	120	99	0.825	64	56	0.875	91	79	0.868132	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 66932	Rexo1	chr10	80547149	80564790	99	84	0.848485	113	96	0.849558	110	94	0.854545	11	10	0.909091	56	52	0.928571	107	86	0.803738	126	107	0.849206	120	99	0.825	64	56	0.875	91	79	0.868132	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67019	Actr6	chr10	89711966	89732300	#N/A	#N/A	#N/A	60	2	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	104	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67019	Actr6	chr10	89711966	89732319	#N/A	#N/A	#N/A	60	2	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	104	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67019	Actr6	chr10	89711966	89732318	#N/A	#N/A	#N/A	60	2	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	104	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67074	Mon2	chr10	1.23E+08	1.23E+08	2364	26	0.010998	2684	28	0.010432	2766	12	0.004338	221	0	0	773	1	0.001294	2098	17	0.008103	2484	24	0.009662	2618	10	0.00382	535	2	0.003738	754	3	0.003979	86	0	0
XM_00651 67074	Mon2	chr10	1.23E+08	1.23E+08	2364	26	0.010998	2684	28	0.010432	2766	12	0.004338	221	0	0	773	1	0.001294	2098	17	0.008103	2484	24	0.009662	2618	10	0.00382	535	2	0.003738	754	3	0.003979	86	0	0
XM_00651 67074	Mon2	chr10	1.23E+08	1.23E+08	2364	26	0.010998	2684	28	0.010432	2766	12	0.004338	221	0	0	773	1	0.001294	2098	17	0.008103	2484	24	0.009662	2618	10	0.00382	535	2	0.003738	754	3	0.003979	86	0	0
XM_00651 67074	Mon2	chr10	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67226	Tmem19	chr10	1.15E+08	1.15E+08	1001	7	0.006993	1001	6	0.005994	1087	4	0.00368	201	2	0.00995	225	1	0.004444	994	5	0.00503	1120	11	0.009821	913	6	0.006572	413	0	0	448	1	0.002232	186	0	0
XM_00651 67226	Tmem19	chr10	1.15E+08	1.15E+08	1001	7	0.006993	1001	6	0.005994	1087	4	0.00368	201	2	0.00995	225	1	0.004444	994	5	0.00503	1120	11	0.009821	913	6	0.006572	413	0	0	448	1	0.002232	186	0	0
XM_00651 67307	Pbld2	chr10	63024053	63058813	3848	32	0.008316	3707	41	0.01106	3809	12	0.00315	641	2	0.00312	1095	1	0.000913	4415	26	0.005889	3814	9	0.00236	3991	20	0.005011	1241	0	0	1267	2	0.001579	231	0	0
XM_00651 67307	Pbld2	chr10	63024389	63058813	3848	32	0.008316	3707	41	0.01106	3809	12	0.00315	619	2	0.003231	1095	1	0.000913	4395	25	0.005688	3794	9	0.002372	3991	20	0.005011	1241	0	0	1267	2	0.001579	231	0	0
XM_00651 67307	Pbld2	chr10	63036546	63058813	39	34	0.871795	20	20	1	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	28	23	0.821429	36	29	0.805556	35	28	0.8	10	5	0.5	24	19	0.791667	22	19	0.863636
XM_00651 67331	Atp8b3	chr10	80519584	80539153	551	58	0.105263	470	34	0.07234	524	47	0.089695	84	9	0.107143	196	26	0.132653	438	50	0.114155	405	47	0.116049	396	41	0.103535	152	29	0.190789	177	28	0.158192	95	4	0.042105
XM_00651 67345	Herc4	chr10	63243931	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XM_00651 67345	Herc4	chr10	63243751	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XM_00651 67345	Herc4	chr10	63243905	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XM_00651 67345	Herc4	chr10	63244073	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XM_00651 67405	Nts	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67500	Ccar1	chr10	62743928	62792306	4602	48	0.01043	4493	40	0.008903	4888	34	0.006956	743	1	0.001346	1516	17	0.011214	4552	48	0.010545	3608	23	0.006375	3479	28	0.008048	1110	4	0.003604	1420	12	0.008451	419	1	0.002387
XM_00651 67500	Ccar1	chr10	62743928	62792261	4602	48	0.01043	4493	40	0.008903	4888	34	0.006956	743	1	0.001346	1516	17	0.011214	4552	48	0.010545	3608	23	0.006375	3479	28	0.008048	1110	4	0.003604	1420	12	0.008451	419	1	0.002387
XM_00651 67500	Ccar1	chr10	62743928	62792328	4602	48	0.01043	4493	40	0.008903	4888	34	0.006956	743	1	0.001346	1516	17	0.011214	4552	48	0.010545	3608	23	0.006375	3479	28	0.008048	1110	4	0.003604	1420	12	0.008451	419	1	0.002387
XM_00651 67500	Ccar1	chr10	62743928	62792363	4602	48	0.01043	4493	40	0.008903	4888	34	0.006956	743	1	0.001346	1516	17	0.011214	4552	48	0.010545	3608	23	0.006375	3479	28	0.008048	1110	4	0.003604	1420	12	0.008451	419	1	0.002387
XM_00651 67537	Glipr1l2	chr10	1.12E+08	1.12E+08	123	117	0.95122	220	207	0.940909	201	196	0.975124	#N/A	#N/A	#N/A	139	132	0.94964	52	47	0.903846	185	158	0.854054	258	217	0.841085	75	58	0.773333	102	89	0.872549	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67596	Tespa1	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 67884	Cfap410	chr10	77978530	77985438	2935	128	0.043612	2475	125	0.050505	2768	118	0.04263	512	14	0.027344	1233	64	0.051906	3099	129	0.041626	2498	81	0.032426	2637	80	0.030338	749	46	0.061415	1221	63	0.051597	409	3	0.007335
XM_00651 67884	Cfap410	chr10	77978621	77985438	2935	128	0.043612	2475	125	0.050505	2768	118	0.04263	512	14	0.027344	1233	64	0.051906	3099	129	0.041626	2498	81	0.032426	2637	80	0.030338	749	46	0.061415	1221	63	0.051597	409	3	0.007335
XM_00651 68094	Smarcc2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	5388	33	0.006125	5375	27	0.005023	5576	44	0.007891	715	2	0.002797	1520	11	0.007237	5111	33	0.006457	4431	22	0.004965	5552	44	0.007925	1145	3	0.00262	1770	9	0.005085	190	2	0.010526
XM_00651 68094	Smarcc2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	5388	33	0.006125	5375	27	0.005023	5576	44	0.007891	715	2	0.002797	1520	11	0.007237	5111	33	0.006457	4431	22	0.004965	5552	44	0.007925	1145	3	0.00262	1770	9	0.005085	190	2	0.010526
XM_00651 68094	Smarcc2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	5388	33	0.006125	5375	27	0.005023	5576	44	0.007891	715	2	0.002797	1520	11	0.007237	5111	33	0.006457	4431	22	0.004965	5552	44	0.007925	1145	3	0.00262	1770	9	0.005085	190	2	0.010526
XM_00651 68094	Smarcc2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	5388	33	0.006125	5375	27	0.005023	5576	44	0.007891	715	2	0.002797	1520	11	0.007237	5111	33	0.006457	4431	22	0.004965	5552	44	0.007925	1145	3	0.00262	1770	9	0.005085	190	2	0.010526
XM_00651 68114	Pwwp3a	chr10	80226677	80244032	1216	5	0.004112	948	13	0.013713	1034	16	0.015474	160	0	0	363	1	0.002755	1272	4	0.003145	1050	11	0.010476	1020	7	0.006863	338	1	0.002959	475	4	0.008421	89	0	0
XM_00651 68114	Pwwp3a	chr10	80226434	80242742	1216	5	0.004112	948	13	0.013713	1034	16	0.015474	160	0	0	363	1	0.002755	1272	4	0.003145	1050	11	0.010476	1020	7	0.006863	338	1	0.002959	475	4	0.008421	89	0	0
XM_00651 68281	4930430F0	chr10	1.01E+08	1.01E+08	745	3	0.004027	860	6	0.006977	991	9	0.009082	38	0	0	475	0	0	984	5	0.005081	940	3	0.003191	839	8	0.009535	275	1	0.003636	289	1	0.00346	80	1	0.0125
XM_00651 68371	Pbld1	chr10	63060629	63077964	204	34	0.166667	180	25	0.138889	231	23	0.099567	51	10	0.196078	105	27	0.257143	240	61	0.254167	200	15	0.075	255	36	0.141176	42	5	0.119048	90	9	0.1	48	3	0.0625
XM_00651 68371	Pbld1	chr10	63060625	63077964	204	34	0.166667	180	25	0.138889	231	23	0.099567	51	10	0.196078	105	27	0.257143	240	61	0.254167	200	15	0.075	255	36	0.141176	42	5	0.119048	90	9	0.1	48	3	0.0625
XM_00651 68371	Pbld1	chr10	63060713	63077964	204	34	0.166667	180	25	0.138889	231	23	0.099567	51	10	0.196078	105	27	0.257143	240	61	0.254167	200	15	0.075	255	36	0.141176	42	5	0.119048	90	9	0.1	48	3	0.0625
XM_00651 68778	Gucd1	chr10	75506814	75517881	2359	291	0.123357	2030	224	0.110345	2376	336	0.141414	367	90	0.245232	601	155	0.257903	2798	406	0.145104	2395	291	0.121503	2707	313	0.115626	543	115	0.211786	903	144	0.159468	203	75	0.369458
XM_00651 69090	Ascc1	chr10	60002595	60099986	1086	195	0.179558	1169	168	0.143713	1147	194	0.169137	293	61	0.208191	506	84	0.166008	1262	230	0.18225	876	97	0.110731	1115	220	0.197309	382	96	0.251309	434	102	0.235023	90	0	0
XM_00651 69090	Ascc1	chr10	60003387	60099986	908	34	0.037445	1009	19	0.018831	953	23	0.024134	225	0	0	438	21	0.047945	1042	22	0.021113	789	16	0.020279	951	67	0.070452	304	25	0.082237	342	17	0.049708	90	0	0
XM_00651 69090	Ascc1	chr10	60002815	60099986	1086	195	0.179558	1169	168	0.143713	1147	194	0.169137	293	61	0.208191	506	84	0.166008	1262	230	0.18225	876	97	0.110731	1115	220	0.197309	382	96	0.251309	434	102	0.235023	90	0	0
XM_00651 69090	Ascc1	chr10	60003279	60099986	999	115	0.115115	1100	103	0.093636	1054	110	0.104364	260	28	0.107692	476	57	0.119748	1163	133	0.114359	876	97	0.110731	1049	159	0.151573	343	61	0.177843	389	58	0.1491	90	0	0
XM_00651 69181	Dyrk2	chr10	1.19E+08	1.19E+08	4568	46	0.01007	3950	34	0.008638	4282	41	0.009575	468	2	0.004274	1255	14	0.011155	5221	96	0.018387	4296	41	0.009544	4638	59	0.012721	996	2	0.002008	824	10	0.012136	223	1	0.004484
XM_00651 69286	Glipr1l1	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 69288	Rhobtb1	chr10	69151058	69291791	389	131	0.336761	365	60	0.164384	406	66	0.162562	71	11	0.15493	198	89	0.449495	355	156	0.439437	338	78	0.230769	403	100	0.248139	123	23	0.186992	60	15	0.25	53	13	0.245283
XM_00651 69288	Rhobtb1	chr10	69151058	69291791	389	131	0.336761	365	60	0.164384	406	66	0.162562	71	11	0.15493	198	89	0.449495	355	156	0.439437	338	78	0.230769	403	100	0.248139	123	23	0.186992	60	15	0.25	53	13	0.245283
XM_00651 69288	Rhobtb1	chr10	69246862	69291791	123	92	0.747967	138	103	0.746377	142	106	0.746479	30	24	0.8	72	51	0.708333	173	150	0.867052	108	86	0.796296	131	118	0.900763	66	47	0.712121	#N/A	#N/A	#N/A	36	32	0.888889
XM_00651 69288	Rhobtb1	chr10	69265620	69291791	252	222	0.880952	329	305	0.927052	210	185	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A	79	75	0.949367	314	270	0.859873	189	135	0.714286	238	174	0.731092	40	34	0.85	83	73	0.879518	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 69288	Rhobtb1	chr10	69265620	69291791	252	222	0.880952	329	305	0.927052	210	185	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A	79	75	0.949367	314	270	0.859873	189	135	0.714286	238	174	0.731092	40	34	0.85	83	73	0.879518	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 69288	Rhobtb1	chr10	69250497	69291791	783	629	0.803321	543	428	0.788214	716	532	0.743017	124	100	0.806452	399	315	0.789474	819	640	0.781441	495	389	0.785859	626	474	0.757188	272	202	0.742647	297	249	0.838384	29	12	0.413793
XM_00651 69654	Dctn2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	3046	65	0.021339	2546	63	0.024745	3043	56	0.018403	540	2	0.003704	1077	57	0.052925	3216	74	0.02301	2817	33	0.011715	3047	60	0.019691	958	23	0.024008	1300	50	0.038462	527	4	0.00759
XM_00651 69736	Nup37	chr10	88146976	88178395	1723	86	0.049913	1391	39	0.028037	1927	73	0.037883	278	11	0.039568	977	103	0.105425	1942	102	0.052523	1610	96	0.059627	1234	54	0.04376	690	46	0.066667	608	26	0.042763	313	19	0.060703
XM_00651 69784	1500009L1	chr10	83722870	83762762	470	9	0.019149	440	2	0.004545	565	5	0.00885	10	0	0	77	0	0	469	7	0.014925	502	27	0.053785	564	11	0.019504	30	0	0	69	1	0.014493	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 69836	Pla2g12b	chr10	59403425	59421976	63	24	0.380952	16	2	0.125	73	24	0.328767	#N/A	#N/A	#N/A	33	14	0.424242	79	42	0.531646	54	18	0.333333	79	21	0.265823	20	4	0.2	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 69836	Pla2g12b	chr10	59403420	59421976	63	24	0.380952	16	2	0.125	73	24	0.328767	#N/A	#N/A	#N/A	33	14	0.424242	79	42	0.531646	54	18	0.333333	79	21	0.265823	20	4	0.2	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 69917	Nabp2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	1569	46	0.029318	1420	60	0.042254	1683	73	0.043375	466	22	0.04721	383	22	0.057441	1726	67	0.038818	1613	62	0.038438	1539	57	0.037037	433	13	0.030023	579	19	0.032815	198	9	0.045455
XM_00651 69917	Nabp2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	1007	14	0.013903	966	4	0.004141	1169	13	0.011121	290	10	0.034483	245	12	0.04898	1171	18	0.015371	973	5	0.005139	1002	6	0.005988	319	10	0.031348	326	2	0.006135	136	1	0.007353
XM_00651 70248	Dazap1	chr10	80261467	80288405	1391	20	0.014378	1278	15	0.011737	1427	25	0.017519	184	8	0.043478	376	6	0.015957	1538	53	0.03446	1339	15	0.011202	1618	19	0.011743	375	5	0.013333	405	3	0.007407	178	3	0.016854
XM_00651 70248	Dazap1	chr10	80261468	80288405	1391	20	0.014378	1278	15	0.011737	1427	25	0.017519	184	8	0.043478	376	6	0.015957	1538	53	0.03446	1339	15	0.011202	1618	19	0.011743	375	5	0.013333	405	3	0.007407	178	3	0.016854
XM_00651 70248	Dazap1	chr10	80274445	80288405	31	25	0.806452	26	22	0.846154	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	18	15	0.833333	60	54	0.9	54	39	0.722222	24	19	0.791667	11	10	0.909091	10	8	0.8
XM_00651 70294	Rnf126	chr10	79758539	79766925	6329	182	0.028757	5894	177	0.030031	6232	220	0.035302	1016	57	0.056102	1916	81	0.042276	6484	205	0.031616	5138	129	0.025107	5520	124	0.022464	1919	69	0.035956	2447	74	0.030241	360	24	0.066667
XM_00651 70335	Reep6	chr10	80329997	80336441	1593	9	0.00565	1534	8	0.005215	1182	7	0.005922	343	21	0.061224	539	3	0.005566	1725	44	0.025507	1577	10	0.006341	1933	12	0.006208	140	2	0.014286	440	2	0.004545	30	0	0
XM_00651 70335	Reep6	chr10	80329997	80334626	1593	9	0.00565	1534	8	0.005215	1182	7	0.005922	343	21	0.061224	539	3	0.005566	1725	44	0.025507	1577	10	0.006341	1933	12	0.006208	140	2	0.014286	440	2	0.004545	30	0	0
XM_00651 70423	Tspan15	chr10	62187355	62231108	829	120	0.144753	764	109	0.14267	705	117	0.165957	52	14	0.269231	299	85	0.284281	695	116	0.166906	810	168	0.207407	971	108	0.111226	197	42	0.213198	463	115	0.24838	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70427	Mier2	chr10	79540245	79555077	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_00651 70427	Mier2	chr10	79540245	79555083	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_00651 70427	Mier2	chr10	79540245	79557042	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70427	Mier2	chr10	79540245	79554884	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_00651 70427	Mier2	chr10	79540245	79555092	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_00651 70432	Rufy2	chr10	62980222	63013055	1640	116	0.070732	1586	129	0.081337	1875	107	0.057067	199	0	0	750	55	0.073333	1994	161	0.080742	1465	152	0.103754	1555	145	0.093248	752	46	0.06117	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XM_00651 70432	Rufy2	chr10	62980222	63011485	1640	116	0.070732	1586	129	0.081337	1875	107	0.057067	199	0	0	750	55	0.073333	1994	161	0.080742	1465	152	0.103754	1555	145	0.093248	752	46	0.06117	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XM_00651 70574	Cpm	chr10	1.18E+08	1.18E+08	22	4	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632318	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632320	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632322	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632319	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632325	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632326	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_00651 70615	Ankrd24	chr10	81632329	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 70719	Arhgap45	chr10	80017609	80031470	223	152	0.681614	150	106	0.706667	122	90	0.737705	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	289	119	0.411765	263	134	0.509506	220	117	0.531818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	15	0.340909

XM_00651 70719	Arhgap45	chr10	80021147	80031470	487	252	0.517454	343	163	0.475219	393	228	0.580153	#N/A	#N/A	#N/A	128	85	0.664063	624	283	0.453526	487	220	0.451745	493	198	0.401623	141	79	0.560284	224	153	0.683036	10	10	1
XM_00651 70911	Phyhipl	chr10	70558718	70593184	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71137	Rfx4	chr10	84762244	84906536	1228	125	0.101792	903	88	0.097453	1184	107	0.090372	135	6	0.044444	256	26	0.101563	965	151	0.156477	869	142	0.163406	903	88	0.097453	351	42	0.119658	398	98	0.246231	189	30	0.15873
XM_00651 71137	Rfx4	chr10	84762233	84906157	1251	127	0.101519	938	88	0.093817	1204	107	0.08887	135	6	0.044444	256	26	0.101563	1003	151	0.150548	917	142	0.154853	955	88	0.092147	351	42	0.119658	398	98	0.246231	189	30	0.15873
XM_00651 71137	Rfx4	chr10	84756630	84906157	2515	121	0.048111	2151	85	0.039517	2695	99	0.036735	385	18	0.046753	1146	64	0.055846	2524	139	0.055071	2352	78	0.033163	2242	118	0.052632	758	23	0.030343	1285	57	0.044358	230	8	0.034783
XM_00651 71236	Rsph14	chr10	74959204	75032642	533	367	0.688555	515	343	0.666019	436	299	0.68578	31	21	0.677419	194	133	0.685567	604	494	0.817881	347	240	0.691643	428	289	0.675234	173	97	0.560694	284	209	0.735915	67	48	0.716418
XM_00651 71279	Slc29a3	chr10	60713263	60752846	599	6	0.010017	348	4	0.011494	454	5	0.011013	108	2	0.018519	154	0	0	600	6	0.01	599	1	0.001669	605	0	0	107	1	0.009346	144	0	0	66	0	0
XM_00651 71279	Slc29a3	chr10	60712072	60752849	599	6	0.010017	348	4	0.011494	454	5	0.011013	108	2	0.018519	154	0	0	600	6	0.01	599	1	0.001669	605	0	0	107	1	0.009346	144	0	0	66	0	0
XM_00651 71279	Slc29a3	chr10	60712072	60752848	599	6	0.010017	348	4	0.011494	454	5	0.011013	108	2	0.018519	154	0	0	600	6	0.01	599	1	0.001669	605	0	0	107	1	0.009346	144	0	0	66	0	0
XM_00651 71361	Aifm2	chr10	61715264	61738656	728	10	0.013736	647	6	0.009274	540	6	0.011111	44	0	0	117	0	0	563	2	0.003552	554	4	0.00722	794	5	0.006297	125	0	0	94	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71361	Aifm2	chr10	61720633	61738655	94	36	0.382979	129	39	0.302326	117	26	0.222222	21	3	0.142857	48	33	0.6875	115	71	0.617391	103	52	0.504854	87	40	0.45977	32	11	0.34375	34	14	0.411765	13	6	0.461538
XM_00651 71361	Aifm2	chr10	61720634	61738655	94	36	0.382979	129	39	0.302326	117	26	0.222222	21	3	0.142857	48	33	0.6875	115	71	0.617391	103	52	0.504854	87	40	0.45977	32	11	0.34375	34	14	0.411765	13	6	0.461538
XM_00651 71361	Aifm2	chr10	61726119	61738655	265	243	0.916981	238	219	0.920168	302	288	0.953642	40	37	0.925	90	82	0.911111	262	235	0.896947	224	211	0.941964	228	217	0.951754	84	79	0.940476	92	86	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71361	Aifm2	chr10	61726171	61738655	265	243	0.916981	238	219	0.920168	302	288	0.953642	40	37	0.925	90	82	0.911111	262	235	0.896947	224	211	0.941964	228	217	0.951754	84	79	0.940476	92	86	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71361	Aifm2	chr10	61726204	61738655	265	243	0.916981	238	219	0.920168	302	288	0.953642	40	37	0.925	90	82	0.911111	262	235	0.896947	224	211	0.941964	228	217	0.951754	84	79	0.940476	92	86	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71371	Arid5b	chr10	68092523	68278023	891	3	0.003367	754	1	0.001326	927	3	0.003236	139	3	0.021583	525	1	0.001905	999	10	0.01001	939	3	0.003195	902	5	0.005543	306	1	0.003268	384	0	0	48	0	0
XM_00651 71371	Arid5b	chr10	68092523	68278023	891	3	0.003367	754	1	0.001326	927	3	0.003236	139	3	0.021583	525	1	0.001905	999	10	0.01001	939	3	0.003195	902	5	0.005543	306	1	0.003268	384	0	0	48	0	0
XM_00651 71371	Arid5b	chr10	68092523	68136910	370	41	0.110811	304	22	0.072368	270	26	0.096296	83	10	0.120482	185	13	0.07027	513	122	0.237817	359	18	0.050139	341	22	0.064516	166	21	0.126506	167	11	0.065868	127	8	0.062992
XM_00651 71371	Arid5b	chr10	68092523	68243402	51	50	0.980392	47	46	0.978723	55	54	0.981818	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	82	80	0.97561	56	55	0.982143	63	60	0.952381	25	21	0.84	29	28	0.965517	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702129	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702129	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702129	80705118	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702134	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702136	80705118	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702133	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702133	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_00651 71564	Izumo4	chr10	80702402	80705375	3158	30	0.0095	2517	26	0.01033	2762	32	0.011586	592	14	0.023649	1096	6	0.005474	3323	32	0.00963	2705	18	0.006654	2733	36	0.013172	822	6	0.007299	1277	6	0.004699	175	1	0.005714
XM_00651 71709	Syde1	chr10	78586322	78591958	1609	288	0.178993	1687	293	0.173681	1543	301	0.195075	236	37	0.15678	687	176	0.256186	1536	251	0.163411	1278	121	0.094679	1671	192	0.114901	365	95	0.260274	548	20	0.036496	137	25	0.182482
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5137	113	0.021997	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	140	110	0.785714	150	99	0.66	190	141	0.742105	44	32	0.727273	91	69	0.758242	196	147	0.75	116	95	0.818966	132	89	0.674242	79	56	0.708861	84	60	0.714286	45	42	0.933333
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	140	110	0.785714	150	99	0.66	190	141	0.742105	44	32	0.727273	91	69	0.758242	196	147	0.75	116	95	0.818966	132	89	0.674242	79	56	0.708861	84	60	0.714286	45	42	0.933333
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5137	113	0.021997	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5137	113	0.021997	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5137	113	0.021997	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5137	113	0.021997	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5137	113	0.021997	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	295	287	0.972881	420	407	0.969048	510	493	0.966667	120	118	0.983333	150	146	0.973333	360	341	0.947222	365	345	0.945205	345	335	0.971014	145	135	0.931034	150	139	0.926667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	295	287	0.972881	420	407	0.969048	510	493	0.966667	120	118	0.983333	150	146	0.973333	360	341	0.947222	365	345	0.945205	345	335	0.971014	145	135	0.931034	150	139	0.926667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71761	Amdhd1	chr10	93526013	93540111	1365	14	0.010256	1124	13	0.011566	1370	15	0.010949	335	1	0.002985	508	5	0.009843	1366	12	0.008785	1106	8	0.007233	1109	8	0.007214	447	5	0.011186	528	1	0.001894	194	1	0.005155
XM_00651 71912	Jsrp1	chr10	80808494	80813739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 71912	Jsrp1	chr10	80808494	80813741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 72002	Slc39a5	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 72002	Slc39a5	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5153	31	0.006016	5086	32	0.006292	5207	29	0.005569	541	5	0.009242	1679	5	0.002978	5207	33	0.006338	4541	25	0.005505	5013	40	0.007979	1163	2	0.00172	1918	3	0.001564	503	4	0.007952
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	4929	28	0.005681	4942	31	0.006273	5019	28	0.005579	477	5	0.010482	1607	5	0.003111	5011	33	0.006586	4383	23	0.005248	4853	40	0.008242	1099	2	0.00182	1822	3	0.001647	443	4	0.009029
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5153	31	0.006016	5086	32	0.006292	5207	29	0.005569	541	5	0.009242	1679	5	0.002978	5207	33	0.006338	4541	25	0.005505	5013	40	0.007979	1163	2	0.00172	1918	3	0.001564	503	4	0.007952
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	4929	28	0.005681	4942	31	0.006273	5019	28	0.005579	477	5	0.010482	1607	5	0.003111	5011	33	0.006586	4383	23	0.005248	4853	40	0.008242	1099	2	0.00182	1822	3	0.001647	443	4	0.009029
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_00651 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5153	31	0.006016	5086	32	0.006292	5207	29	0.005569	541	5	0.009242	1679	5	0.002978	5207	33	0.006338	4541	25	0.005505	5013	40	0.007979	1163	2	0.00172	1918	3	0.001564	503	4	0.007952
XM_00651 72320	Kifbp	chr10	62561288	62579066	1812	79	0.043598	2158	79	0.036608	1884	94	0.049894	262	0	0	551	22	0.039927	1966	69	0.035097	1735	52	0.029971	2027	66	0.03256	521	42	0.080614	650	11	0.016923	142	0	0
XM_00651 72843	Prdm4	chr10	85891966	85917152	3711	34	0.009162	4439	27	0.006082	4107	30	0.007305	485	1	0.002062	1164	3	0.002577	3635	27	0.007428	4311	25	0.005799	4760	28	0.005882	882	6	0.006803	1497	5	0.00334	503	2	0.003976
XM_00651 72843	Prdm4	chr10	85891966	85917094	3711	34	0.009162	4439	27	0.006082	4107	30	0.007305	485	1	0.002062	1164	3	0.002577	3635	27	0.007428	4311	25	0.005799	4760	28	0.005882	882	6	0.006803	1497	5	0.00334	503	2	0.003976
XM_00651 72843	Prdm4	chr10	85891966	85917016	3711	34	0.009162	4439	27	0.006082	4107	30	0.007305	485	1	0.002062	1164	3	0.002577	3635	27	0.007428	4311	25	0.005799	4760	28	0.005882	882	6	0.006803	1497	5	0.00334	503	2	0.003976
XM_00651 73106	Prss57	chr10	79781820	79794684	1083	52	0.048015	982	47	0.047862	988	38	0.038462	102	5	0.04902	449	13	0.028953	1108	41	0.037004	900	54	0.06	917	32	0.034896	204	0	0	370	21	0.056757	107	10	0.093458
XM_00651 73106	Prss57	chr10	79782197	79794684	1083	52	0.048015	982	47	0.047862	988	38	0.038462	102	5	0.04902	449	13	0.028953	1108	41	0.037004	900	54	0.06	917	32	0.034896	204	0	0	370	21	0.056757	107	10	0.093458
XM_00651 73106	Prss57	chr10	79782197	79794684	1083	52	0.048015	982	47	0.047862	988	38	0.038462	102	5	0.04902	449	13	0.028953	1108	41	0.037004	900	54	0.06	917	32	0.034896	204	0	0	370	21	0.056757	107	10	0.093458
XM_00651 73106	Prss57	chr10	79783237	79794684	1083	52	0.048015	982	47	0.047862	988	38	0.038462	102	5	0.04902	449	13	0.028953	1108	41	0.037004	900	54	0.06	917	32	0.034896	204	0	0	370	21	0.056757	107	10	0.093458
XM_00651 73192	Xpot	chr10	1.22E+08	1.22E+08	3096	28	0.009044	2712	12	0.004425	2958	18	0.006085	441	1	0.002268	946	2	0.002114	3074	19	0.006181	2823	10	0.003542	2958	13	0.004395	830	2	0.00241	1142	3	0.002627	142	1	0.007042
XM_00651 73192	Xpot	chr10	1.22E+08	1.22E+08	3096	28	0.009044	2712	12	0.004425	2958	18	0.006085	441	1	0.002268	946	2	0.002114	3074	19	0.006181	2823	10	0.003542	2958	13	0.004395	830	2	0.00241	1142	3	0.002627	142	1	0.007042
XM_00651 73192	Xpot	chr10	1.22E+08	1.22E+08	3096	28	0.009044	2712	12	0.004425	2958	18	0.006085	441	1	0.002268	946	2	0.002114	3074	19	0.006181	2823	10	0.003542	2958	13	0.004395	830	2	0.00241	1142	3	0.002627	142	1	0.007042
XM_00651 73218	Sppl2b	chr10	80855254	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_00651 73218	Sppl2b	chr10	80855242	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_00651 73218	Sppl2b	chr10	80855253	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_00651 73218	Sppl2b	chr10	80855254	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_00651 73218	Sppl2b	chr10	80855254	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_00651 73218	Sppl2b	chr10	80855255	80866112	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_00651 73287	Cabcoco1	chr10	68431405	68541921	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 73690	Glipr1	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	32	21	0.65625	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 73690	Glipr1	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 73822	Mfsd12	chr10	81357500	81366225	3233	181	0.055985	2557	141	0.055143	2916	178	0.061043	771	36	0.046693	1261	48	0.038065	3068	198	0.064537	2690	127	0.047212	2396	129	0.05384	867	78	0.089965	1225	60	0.04898	211	50	0.236967
XM_00651 73827	Tmem198t	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	434	10	0.023041	746	16	0.021448	2438	49	0.020098	2007	21	0.010463	1866	37	0.019829	728	12	0.016484	1030	5	0.004854	235	1	0.004255
XM_00651 73827	Tmem198t	chr10	1.29E+08	1.29E+08	1941	11	0.005667	1634	20	0.01224	1869	10	0.00535	396	1	0.002525	669	1	0.001495	2260	11	0.004867	1882	10	0.005313	1748	18	0.010297	706	6	0.008499	1004	3	0.002988	235	1	0.004255
XM_00651 73827	Tmem198t	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	478	39	0.08159	746	16	0.021448	2438	49	0.020098	1977	21	0.010622	1866	37	0.019829	728	12	0.016484	1070	39	0.036449	235	1	0.004255
XM_00651 73827	Tmem198t	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	434	10	0.023041	746	16	0.021448	2438	49	0.020098	2007	21	0.010463	1866	37	0.019829	728	12	0.016484	1030	5	0.004854	235	1	0.004255
XM_00651 73914	Irak3	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 73914	Irak3	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74007	Btbd11	chr10	85384971	85660292	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.19E+08	1.2E+08	4515	40	0.008859	4862	69	0.014192	5438	62	0.011401	860	5	0.005814	1531	15	0.009798	4374	73	0.01669	4683	72	0.015375	4217	60	0.014228	1345	10	0.007435	940	8	0.008511	321	2	0.006231
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74053	Grip1	chr10	1.19E+08	1.2E+08	3094	26	0.008403	3301	51	0.01545	3959	46	0.011619	544	2	0.003676	1177	13	0.011045	3146	53	0.016847	3406	50	0.01468	2901	41	0.014133	901	7	0.007769	572	2	0.003497	246	1	0.004065
XM_00651 74330	Dnajc14	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	434	10	0.023041	746	16	0.021448	2438	49	0.020098	2007	21	0.010463	1866	37	0.019829	728	12	0.016484	1030	5	0.004854	235	1	0.004255
XM_00651 74392	Specc1l	chr10	75212234	75312393	2775	13	0.004685	2746	14	0.005098	3298	20	0.006064	685	4	0.005839	1020	2	0.001961	3135	33	0.010526	2757	25	0.009068	2654	10	0.003768	615	2	0.003252	809	2	0.002472	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74694	Tbc1d30	chr10	1.21E+08	1.21E+08	223	94	0.421525	149	80	0.536913	156	84	0.538462	60	28	0.466667	194	72	0.371134	157	86	0.547771	152	78	0.513158	199	105	0.527638	152	76	0.5	128	80	0.625	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74694	Tbc1d30	chr10	1.21E+08	1.21E+08	114	101	0.885965	105	73	0.695238	100	83	0.83	10	10	1	60	46	0.766667	114	104	0.912281	154	135	0.876623	78	70	0.897436	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74782	Glt8d2	chr10	82650431	82694125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74978	Lrriq1	chr10	1.03E+08	1.03E+08	58	8	0.137931	82	5	0.060976	78	5	0.064103	#N/A	#N/A	#N/A	56	2	0.035714	66	6	0.090909	28	4	0.142857	66	2	0.030303	54	3	0.055556	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 74978	Lrriq1	chr10	1.03E+08	1.03E+08	58	8	0.137931	82	5	0.060976	78	5	0.064103	#N/A	#N/A	#N/A	56	2	0.035714	66	6	0.090909	28	4	0.142857	66	2	0.030303	54	3	0.055556	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744994	89819891	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 75317	Parpbp	chr10	88092044	88146968	1639	36	0.021965	1332	5	0.003754	1853	37	0.019968	262	1	0.003817	907	49	0.054024	1871	49	0.026189	1545	51	0.03301	1173	14	0.011935	648	22	0.033951	581	2	0.003442	293	2	0.006826
XM_00651 75317	Parpbp	chr10	88092044	88146968	1639	36	0.021965	1332	5	0.003754	1853	37	0.019968	262	1	0.003817	907	49	0.054024	1871	49	0.026189	1545	51	0.03301	1173	14	0.011935	648	22	0.033951	581	2	0.003442	293	2	0.006826
XM_00651 75317	Parpbp	chr10	88092044	88146968	1639	36	0.021965	1332	5	0.003754	1853	37	0.019968	262	1	0.003817	907	49	0.054024	1871	49	0.026189	1545	51	0.03301	1173	14	0.011935	648	22	0.033951	581	2	0.003442	293	2	0.006826
XM_00651 75406	Ndufs7	chr10	80249105	80256793	170	7	0.041176	156	4	0.025641	170	1	0.005882	34	0	0	46	0	0	168	2	0.011905	170	3	0.017647	181	1	0.005525	38	0	0	135	1	0.007407	22	0	0
XM_00651 75886	Gstt4	chr10	75814943	75822563	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	66	0.767442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	29	11	0.37931	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76138	Ccdc138	chr10	58497702	58576244	745	42	0.056376	707	20	0.028289	545	17	0.031193	92	0	0	234	7	0.029915	653	36	0.05513	704	9	0.012784	645	19	0.029457	322	39	0.121118	206	3	0.014563	265	4	0.015094
XM_00651 76138	Ccdc138	chr10	58497699	58562071	745	42	0.056376	707	20	0.028289	545	17	0.031193	92	0	0	234	7	0.029915	653	36	0.05513	704	9	0.012784	645	19	0.029457	322	39	0.121118	206	3	0.014563	265	4	0.015094
XM_00651 76551	Ccdc6	chr10	70096878	70188935	4507	31	0.006878	4478	31	0.006923	5181	28	0.005404	688	2	0.002907	1299	10	0.007698	4598	33	0.007177	4687	29	0.006187	4532	34	0.007502	1215	4	0.003292	1137	6	0.005277	86	1	0.011628
XM_00651 76551	Ccdc6	chr10	70110238	70193200	69	33	0.478261	36	11	0.305556	69	18	0.26087	15	4	0.266667	11	3	0.272727	59	28	0.474576	80	47	0.5875	60	27	0.45	17	4	0.235294	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76573	Spatc1l	chr10	76562251	76570201	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75054748	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75054748	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75054748	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75054748	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75049989	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75050690	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76877	Rab36	chr10	75036895	75050538	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 76964	2610028H	chr10	76449049	76458439	378	329	0.87037	390	343	0.879487	312	280	0.897436	93	88	0.946237	173	159	0.919075	350	306	0.874286	239	205	0.857741	341	290	0.85044	133	101	0.759398	166	127	0.76506	45	43	0.955556
XM_00651 76964	2610028H	chr10	76449281	76461110	338	293	0.866864	342	299	0.874269	282	251	0.890071	93	88	0.946237	145	135	0.931034	318	276	0.867925	239	205	0.857741	309	262	0.847896	133	101	0.759398	144	106	0.736111	45	43	0.955556
XM_00651 76964	2610028H	chr10	76451323	76460676	214	192	0.897196	195	168	0.861538	180	157	0.872222	33	31	0.939394	158	150	0.949367	196	172	0.877551	107	78	0.728972	207	170	0.821256	84	70	0.833333	118	86	0.728814	45	43	0.955556
XM_00651 77048	Cep83	chr10	94688624	94768913	4130	29	0.007022	3626	19	0.00524	4348	27	0.00621	880	1	0.001136	1834	3	0.001636	4381	25	0.005706	3951	13	0.00329	3730	30	0.008043	1004	2	0.001992	1305	3	0.002299	588	0	0
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90969230	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90602453	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90600170	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90600170	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90599186	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	89872915	90599186	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	90576512	90973300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 77531	Anks1b	chr10	90576512	90973300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 78428	Pym1	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2261	81	0.035825	2086	70	0.033557	2449	73	0.029808	276	4	0.014493	622	11	0.017685	2477	66	0.026645	2229	62	0.027815	2339	60	0.025652	698	46	0.065903	421	18	0.042755	157	1	0.006369
XM_00651 78670	Plekhj1	chr10	80796099	80798568	6071	31	0.005106	5135	23	0.004479	6952	44	0.006329	1561	5	0.003203	2169	6	0.002766	7024	36	0.005125	5276	33	0.006255	5570	29	0.005206	1628	6	0.003686	2630	8	0.003042	924	3	0.003247
XM_00651 78670	Plekhj1	chr10	80796099	80798192	6071	31	0.005106	5135	23	0.004479	6952	44	0.006329	1561	5	0.003203	2169	6	0.002766	7024	36	0.005125	5276	33	0.006255	5570	29	0.005206	1628	6	0.003686	2630	8	0.003042	924	3	0.003247
XM_00651 78906	Misp	chr10	79821019	79830452	800	761	0.95125	519	502	0.967245	645	614	0.951938	44	43	0.977273	334	309	0.92515	720	678	0.941667	693	610	0.880231	603	572	0.94859	206	183	0.88835	374	345	0.92246	89	82	0.921348
XM_00651 78906	Misp	chr10	79821019	79830452	800	761	0.95125	519	502	0.967245	645	614	0.951938	44	43	0.977273	334	309	0.92515	720	678	0.941667	693	610	0.880231	603	572	0.94859	206	183	0.88835	374	345	0.92246	89	82	0.921348
XM_00651 78906	Misp	chr10	79821019	79830452	800	761	0.95125	519	502	0.967245	645	614	0.951938	44	43	0.977273	334	309	0.92515	720	678	0.941667	693	610	0.880231	603	572	0.94859	206	183	0.88835	374	345	0.92246	89	82	0.921348
XM_00651 78906	Misp	chr10	79821019	79830452	800	761	0.95125	519	502	0.967245	645	614	0.951938	44	43	0.977273	334	309	0.92515	720	678	0.941667	693	610	0.880231	603	572	0.94859	206	183	0.88835	374	345	0.92246	89	82	0.921348
XM_00651 78906	Misp	chr10	79824758	79830452	96	79	0.822917	78	52	0.666667	84	63	0.75	33	25	0.757576	36	28	0.777778	117	65	0.555556	60	39	0.65	69	43	0.623188	#N/A	#N/A	#N/A	48	22	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 78906	Misp	chr10	79824589	79830452	356	211	0.592697	315	172	0.546032	366	198	0.540984	81	41	0.506173	148	92	0.621622	388	209	0.53866	283	166	0.586572	251	107	0.426295	112	61	0.544643	141	41	0.29078	10	5	0.5
XM_00651 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2284	104	0.045534	2072	93	0.044884	2461	114	0.046323	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2484	87	0.035024	2351	87	0.037006	2445	113	0.046217	449	27	0.060134	642	51	0.079439	322	12	0.037267
XM_00651 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2235	48	0.021477	2036	43	0.02112	2394	42	0.017544	427	5	0.01171	497	6	0.012072	2410	21	0.008714	2306	35	0.015178	2402	55	0.022898	417	1	0.002398	606	7	0.011551	308	5	0.016234
XM_00651 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2284	104	0.045534	2072	93	0.044884	2461	114	0.046323	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2484	87	0.035024	2351	87	0.037006	2445	113	0.046217	449	27	0.060134	642	51	0.079439	322	12	0.037267
XM_00651 93765	Ube2n	chr10	95515491	95543286	6679	47	0.007037	6308	37	0.005866	6741	47	0.006972	977	2	0.002047	1990	5	0.002513	7214	63	0.008733	6268	42	0.006701	6410	51	0.007956	1269	4	0.003152	1928	8	0.004149	110	1	0.009091
XM_00651 94213	Ddx50	chr10	62616015	62658764	145	125	0.862069	101	84	0.831683	106	89	0.839623	#N/A	#N/A	#N/A	105	98	0.933333	97	86	0.886598	148	123	0.831081	111	99	0.891892	94	76	0.808511	26	14	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 94214	Spock2	chr10	60116293	60135198	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 10264050	Gm7138	chr10	77776217	77776944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7
XM_00651 10263599	LOC10263	chr10	82282114	82316581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 10263599	LOC10263	chr10	82282114	82316581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_00651 627035	Gm6729	chr10	86526297	86541584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 627035	Gm6729	chr10	86526297	86541584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 627035	Gm6729	chr10	86526297	86541584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 627035	Gm6729	chr10	86526297	86541584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00651 627035	Gm6729	chr10	86526297	86541584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

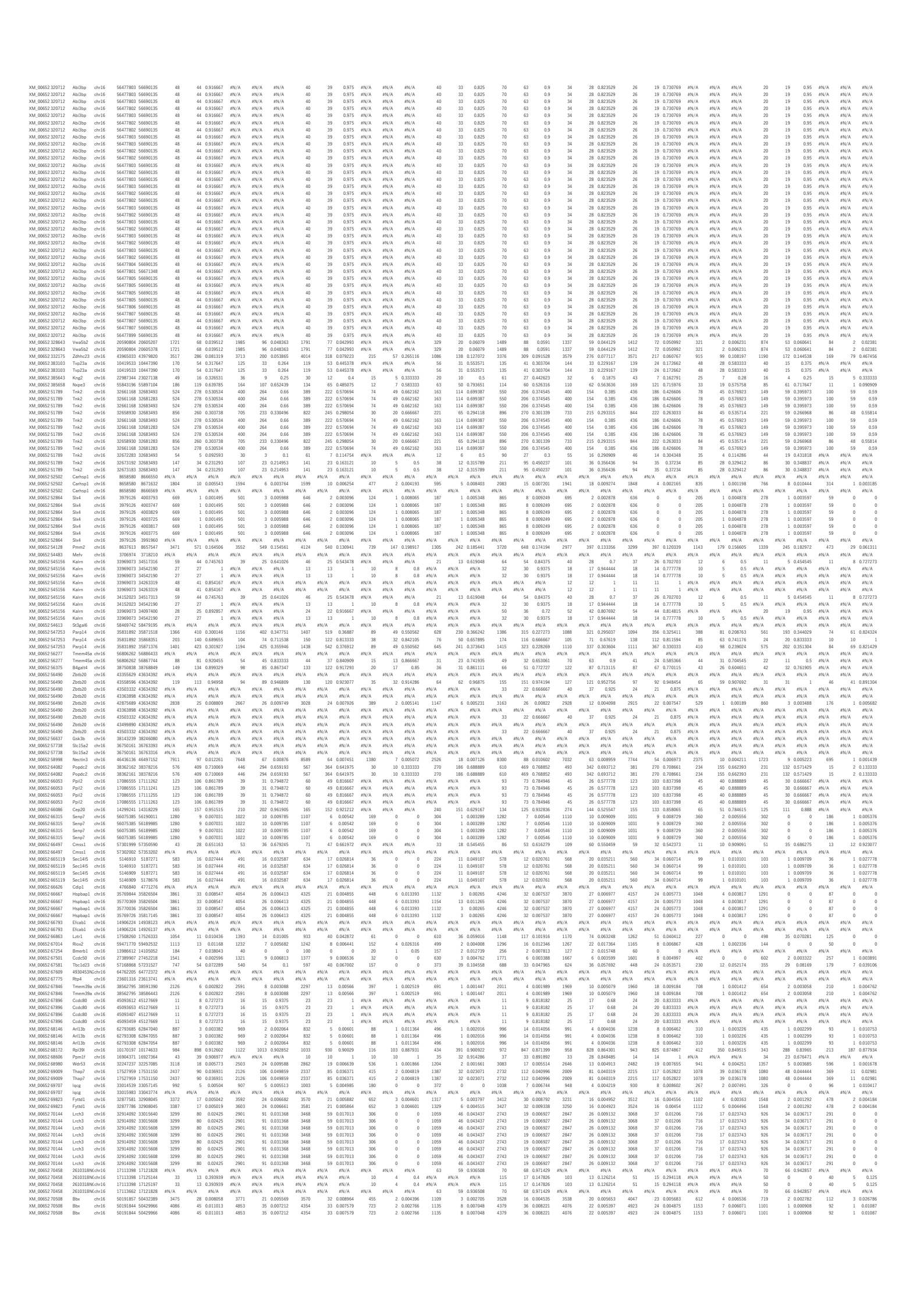








XM_00652 223754	Tbc1d22a	chr15	86214411	86498503	2437	61	0.025031	1991	64	0.032145	2196	53	0.024135	307	4	0.013029	745	34	0.045638	2438	60	0.02461	2010	62	0.030846	2405	58	0.024116	822	22	0.026764	655	17	0.025954	340	7	0.020588
XM_00652 223770	Brd1	chr15	88687034	88734228	6797	47	0.006915	7755	59	0.007608	7737	65	0.008401	832	4	0.004808	1897	9	0.004744	6737	33	0.004898	6659	35	0.005256	6405	42	0.006557	1583	9	0.005685	2079	5	0.002405	529	2	0.003781
XM_00652 223770	Brd1	chr15	88687034	88734228	6797	47	0.006915	7755	59	0.007608	7737	65	0.008401	832	4	0.004808	1897	9	0.004744	6737	33	0.004898	6659	35	0.005256	6405	42	0.006557	1583	9	0.005685	2079	5	0.002405	529	2	0.003781
XM_00652 223770	Brd1	chr15	88687034	88734228	6797	47	0.006915	7755	59	0.007608	7737	65	0.008401	832	4	0.004808	1897	9	0.004744	6737	33	0.004898	6659	35	0.005256	6405	42	0.006557	1583	9	0.005685	2079	5	0.002405	529	2	0.003781
XM_00652 223770	Brd1	chr15	88687034	88734228	6797	47	0.006915	7755	59	0.007608	7737	65	0.008401	832	4	0.004808	1897	9	0.004744	6737	33	0.004898	6659	35	0.005256	6405	42	0.006557	1583	9	0.005685	2079	5	0.002405	529	2	0.003781
XM_00652 223770	Brd1	chr15	88692880	88734228	6797	47	0.006915	7755	59	0.007608	7737	65	0.008401	832	4	0.004808	1897	9	0.004744	6737	33	0.004898	6659	35	0.005256	6405	42	0.006557	1583	9	0.005685	2079	5	0.002405	529	2	0.003781
XM_00652 223770	Brd1	chr15	88692880	88734228	6797	47	0.006915	7755	59	0.007608	7737	65	0.008401	832	4	0.004808	1897	9	0.004744	6737	33	0.004898	6659	35	0.005256	6405	42	0.006557	1583	9	0.005685	2079	5	0.002405	529	2	0.003781
XM_00652 223773	Zbed4	chr15	88751698	88784516	3797	17	0.004477	3528	43	0.012188	3644	25	0.006861	276	1	0.003623	646	1	0.001548	3631	41	0.011292	3519	17	0.004831	3560	17	0.004775	969	1	0.001032	660	0	0	10	1	0.1
XM_00652 223773	Zbed4	chr15	88751662	88784516	3797	17	0.004477	3528	43	0.012188	3644	25	0.006861	276	1	0.003623	646	1	0.001548	3631	41	0.011292	3519	17	0.004831	3560	17	0.004775	969	1	0.001032	660	0	0	10	1	0.1
XM_00652 223774	Alg12	chr15	88805245	88819248	5597	127	0.022691	5150	65	0.012621	5343	89	0.016657	1295	5	0.003861	2139	6	0.002805	5450	123	0.022569	4496	98	0.021797	5423	96	0.017702	1751	41	0.023415	2273	47	0.020678	766	2	0.002611
XM_00652 22379	Fmnl3	chr15	99317210	99370521	2499	16	0.006403	2710	47	0.017343	2816	29	0.010298	370	0	0	746	5	0.006702	2461	20	0.008127	2378	22	0.009251	2995	31	0.010351	635	2	0.00315	919	12	0.013058	98	0	0
XM_00652 223827	Gxylt1	chr15	93239735	93275336	3670	31	0.008447	3277	38	0.011596	3511	45	0.012817	720	7	0.009722	1371	7	0.005106	4215	53	0.012574	3807	28	0.007355	3281	24	0.007315	1108	6	0.005415	870	4	0.004598	314	4	0.012739
XM_00652 223828	Pphln1	chr15	93398374	93491913	4536	87	0.01918	4813	83	0.017245	5060	92	0.018182	818	20	0.02445	2029	48	0.023657	4205	108	0.025684	3922	90	0.022947	3914	63	0.016096	1747	37	0.021179	2079	59	0.028379	700	33	0.047143
XM_00652 223828	Pphln1	chr15	93398624	93491913	4721	176	0.03728	4994	170	0.034041	5289	196	0.037058	818	20	0.02445	2153	90	0.041802	4319	157	0.036351	4067	175	0.043029	4055	128	0.031566	1820	63	0.034615	2131	82	0.03848	700	33	0.047143
XM_00652 223828	Pphln1	chr15	93398624	93491913	4721	176	0.03728	4994	170	0.034041	5289	196	0.037058	818	20	0.02445	2153	90	0.041802	4319	157	0.036351	4067	175	0.043029	4055	128	0.031566	1820	63	0.034615	2131	82	0.03848	700	33	0.047143
XM_00652 223828	Pphln1	chr15	93398368	93491913	4536	87	0.01918	4813	83	0.017245	5060	92	0.018182	818	20	0.02445	2029	48	0.023657	4205	108	0.025684	3922	90	0.022947	3914	63	0.016096	1747	37	0.021179	2079	59	0.028379	700	33	0.047143
XM_00652 223828	Pphln1	chr15	93433647	93491913	30	28	0.933333	30	30	1	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	30	27	0.9	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	12	11	0.916667	11	11	1
XM_00652 223828	Pphln1	chr15	93432874	93491913	30	28	0.933333	30	30	1	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	30	27	0.9	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	12	11	0.916667	11	11	1
XM_00652 223838	Adamts20	chr15	94268314	94432074	47	42	0.893617	47	46	0.978723	48	46	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	36	30	0.833333	50	39	0.78	34	25	0.735294	10	9	0.9	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 223864	Rapgef3	chr15	97744942	97767088	2808	281	0.100071	2560	238	0.092969	2794	211	0.075519	445	30	0.067416	895	118	0.131844	2699	179	0.066321	2467	158	0.064045	2697	186	0.068966	759	35	0.046113	913	48	0.052574	271	12	0.04428
XM_00652 223870	Senp1	chr15	98038744	98093291	1183	7	0.005917	786	10	0.012723	1019	10	0.009814	329	2	0.006079	340	1	0.002941	1092	9	0.008242	1048	11	0.010496	1075	7	0.006512	459	1	0.002179	353	2	0.005666	155	1	0.006452
XM_00652 223870	Senp1	chr15	98038744	98093536	1183	7	0.005917	786	10	0.012723	1019	10	0.009814	329	2	0.006079	340	1	0.002941	1092	9	0.008242	1048	11	0.010496	1075	7	0.006512	459	1	0.002179	353	2	0.005666	155	1	0.006452
XM_00652 223870	Senp1	chr15	98038744	98093371	1183	7	0.005917	786	10	0.012723	1019	10	0.009814	329	2	0.006079	340	1	0.002941	1092	9	0.008242	1048	11	0.010496	1075	7	0.006512	459	1	0.002179	353	2	0.005666	155	1	0.006452
XM_00652 223870	Senp1	chr15	98038744	98093569	1183	7	0.005917	786	10	0.012723	1019	10	0.009814	329	2	0.006079	340	1	0.002941	1092	9	0.008242	1048	11	0.010496	1075	7	0.006512	459	1	0.002179	353	2	0.005666	155	1	0.006452
XM_00652 223918	Spryd3	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3119	57	0.018275	2970	72	0.024242	3259	65	0.019945	472	18	0.038136	918	15	0.01634	3199	61	0.019068	2881	35	0.012149	3136	51	0.016263	906	3	0.003311	1036	11	0.010618	186	6	0.032258
XM_00652 22402	Ccn4	chr15	66891546	66923201	90	17	0.188889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	6	0.2	100	26	0.26	34	6	0.176471	24	2	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22410	Wnt10b	chr15	98770712	98777353	4160	161	0.038702	4021	149	0.037055	4426	190	0.042928	573	26	0.045375	1277	49	0.038371	4354	173	0.039734	3316	141	0.042521	3756	121	0.032215	948	26	0.027426	1417	68	0.047989	286	37	0.129371
XM_00652 22410	Wnt10b	chr15	98770712	98778206	2205	85	0.038549	2148	84	0.039106	2358	91	0.038592	316	15	0.047468	668	16	0.023952	2210	78	0.035294	1646	68	0.041312	2043	63	0.030837	574	22	0.038328	760	52	0.068421	209	17	0.08134
XM_00652 22410	Wnt10b	chr15	98770712	98777340	4160	161	0.038702	4021	149	0.037055	4426	190	0.042928	573	26	0.045375	1277	49	0.038371	4354	173	0.039734	3316	141	0.042521	3756	121	0.032215	948	26	0.027426	1417	68	0.047989	286	37	0.129371
XM_00652 22701	Zfp41	chr15	75616673	75627448	3799	56	0.014741	3549	45	0.01268	3687	48	0.013019	650	1	0.001538	1579	17	0.010766	4352	48	0.011029	3565	52	0.014586	4090	52	0.012714	1255	4	0.003187	1477	5	0.003385	413	6	0.014528
XM_00652 22701	Zfp41	chr15	75617059	75627448	3799	56	0.014741	3549	45	0.01268	3687	48	0.013019	650	1	0.001538	1579	17	0.010766	4352	48	0.011029	3565	52	0.014586	4090	52	0.012714	1255	4	0.003187	1477	5	0.003385	413	6	0.014528
XM_00652 22701	Zfp41	chr15	75616444	75627448	3799	56	0.014741	3549	45	0.01268	3687	48	0.013019	650	1	0.001538	1579	17	0.010766	4352	48	0.011029	3565	52	0.014586	4090	52	0.012714	1255	4	0.003187	1477	5	0.003385	413	6	0.014528
XM_00652 23934	Ly6h	chr15	75564745	75567305	4042	125	0.030925	3994	143	0.035804	4128	127	0.030766	908	24	0.026432	1316	38	0.028875	4531	166	0.036637	3630	231	0.063636	3850	161	0.041818	767	27	0.035202	1663	101	0.060734	426	32	0.075117
XM_00652 23934	Ly6h	chr15	75564745	75566593	4407	129	0.029272	4429	155	0.034997	4563	137	0.030024	968	24	0.024793	1456	38	0.026099	4991	174	0.034863	3959	236	0.059611	4124	182	0.044132	927	28	0.030205	1849	102	0.055165	496	34	0.068548
XM_00652 239393	Lrp12	chr15	39870598	39944015	4387	21	0.004787	4591	31	0.006752	4756	30	0.006308	547	1	0.001828	1325	7	0.005283	4037	37	0.009165	4653	30	0.006447	4829	39	0.008076	1022	6	0.005871	1239	6	0.004843	507	8	0.015779
XM_00652 239393	Lrp12	chr15	39870598	39944015	4387	21	0.004787	4591	31	0.006752	4756	30	0.006308	547	1	0.001828	1325	7	0.005283	4037	37	0.009165	4653	30	0.006447	4829	39	0.008076	1022	6	0.005871	1239	6	0.004843	507	8	0.015779
XM_00652 239408	Tmem74	chr15	43863345	43870059	822	84	0.10219	652	60	0.092025	770	59	0.076623	79	8	0.101266	292	31	0.106164	844	67	0.079384	647	65	0.100464	534	44	0.082397	102	11	0.107843	338	28	0.08284	145	12	0.082759
XM_00652 239420	Csmd3	chr15	47581104	48792547	547	27	0.04936	470	17	0.03617	461	29	0.062907	122	5	0.040984	200	7	0.035	595	45	0.07563	543	43	0.07919	430	46	0.106977	187	20	0.106952	85	1	0.011765	110	4	0.036364
XM_00652 239420	Csmd3	chr15	47581104	48792547	547	27	0.04936	470	17	0.03617	461	29	0.062907	122	5	0.040984	200	7	0.035	595	45	0.07563	543	43	0.07919	430	46	0.106977	187	20	0.106952	85	1	0.011765	110	4	0.036364
XM_00652 239420	Csmd3	chr15	47581104	48255435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577505	66647043	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577562	66645077	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577505	66647043	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577557	66645077	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577505	66647043	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577549	66645077	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239510	Phf20l1	chr15	66577500	66611620	3776	23	0.006091	4053	46	0.01135	4666	33	0.007072	578	3	0.00519	1395	3	0.002151	3855	32	0.008301	4516	25	0.005536	4505	27	0.005993	1109	3	0.002705	1567	1	0.000638	322	1	0.003106
XM_00652 239530	Gpr20	chr15	73688497	73697055	274	248	0.905109	266	244	0.917293	267	253	0.947566	123	117	0.95122	135	124	0.918519	252	224	0.888889	237	218	0.919831	231	216	0.935065	93	80	0.860215	126	109	0.865079	87	86	0.988506
XM_00652 239546	Zfp647	chr15	76910382	76925391	1659	15	0.009042	1940	25	0.012887	1737	21	0.01209	411	1	0.002433	603	1	0.001658	1601	16	0.009994	1419	18	0.012685	1577	27	0.017121	413	0	0	670	3	0.004478	198	0	0
XM_00652 239552	Apol8	chr15	77747797	77755296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239552	Apol8	chr15	77747797	77757016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239552	Apol8	chr15	77747797	77755275	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239552	Apol8	chr15	77747797	77757061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239552	Apol8	chr15	77747797	77755275	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239552	Apol8	chr15	77747797	77757062	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239554	Foxred2	chr15	77945092	77958502	398	379	0.952261	312	298	0.955128	368	350	0.951087	36	34	0.944444	148	142	0.959459	432	405	0.9375	318	293	0.921384	341	317	0.929619	132	116	0.878788	235	216	0.919149	39	34	0.871795
XM_00652 239554	Foxred2	chr15	77947904	77958503	398	379	0.952261	312	298	0.955128	368	350	0.951087	36	34	0.944444	148	142	0.959459	432	405	0.9375	318	293	0.921384	341	317	0.929619	132	116	0.878788	235	216	0.919149	39	34	0.871795
XM_00652 239555	Mief1	chr15	80233964	80253372	2960	20	0.006757	2876	21	0.007302	3292	23	0.006987	250	0	0	743	4	0.005384	3008	19	0.006316	2332	6	0.002573	2577	27	0.010477	698	2	0.002865	935	3	0.003209	304	0	0
XM_00652 239556	Cacna1i	chr15	80287243	80398281	3701	172	0.046474	4109	131	0.031881	5093	165	0.032397	651	25	0.038402	830	82	0.098795	3581	196	0.054733	3753	123	0.032774	3476	213	0.061277	954	45	0.04717	735	57	0.077551	187	5	0.026738
XM_00652 239556	Cacna1i	chr15	80287243	80397726	3701	172	0.046474	4109	131	0.031881	5093	165	0.032397	651	25	0.038402	830	82	0.098795	3581	196	0.054733	3753	123	0.032774	3476	213	0.061277	954	45	0.04717	735	57	0.077551	187	5	0.026738
XM_00652 239570	Ttc38	chr15	85832331	85858822	1629	54	0.033149	1460	19	0.013014	1559	32	0.020526	308	13	0.042208	535	29	0.054206	1721	28	0.01627	1275	15	0.011765	1503	23	0.015303	494	11	0.022267	483	7	0.014493	404	8	0.019802
XM_00652 239570	Ttc38	chr15	85832282	85858822	1629	54	0.033149	1460	19	0.013014	1559	32	0.020526	308	13	0.042208	535	29	0.054206	1721	28	0.01627	1275	15	0.011765	1503	23	0.015303	494	11	0.022267	483	7	0.014493	404	8	0.019802
XM_00652 239570	Ttc38	chr15	85832330	85858822	1629	54	0.033149	1460	19	0.013014	1559	32	0.020526	308	13	0.042208	535	29	0.054206	1721	28	0.01627	1275	15	0.011765	1503	23	0.015303	494	11	0.022267	483	7	0.014493	404	8	0.019802
XM_00652 239570	Ttc38	chr15	85842714	85858822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239591	Ttll8	chr15	88912459	88955051	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	17	0.515152	18	13	0.722222	#N/A	#N/A	#N/A	40	14	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239591	Ttll8	chr15	88912459	88954546	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	16	0.484848	15	8	0.533333	13	9	0.692308	40	14	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239591	Ttll8	chr15	88889778	88954427	94	86	0.914894	93	80	0.860215	80	72	0.9	17	17	1	31	29	0.935484	128	100	0.78125	101	84	0.831683	100	86	0.86	59	33	0.559322	29	28	0.965517	10	9	0.9
XM_00652 239647	Pced1b	chr15	97246987	97385693	4610	338	0.073319	4677	322	0.068848	4756	372	0.078217	878	103	0.117312	1191	98	0.082284	5006	302	0.060328	4339	234	0.053929	5193	257	0.04949	958	107	0.111691	1494	141	0.094378	350	40	0.114286
XM_00652 239647	Pced1b	chr15	97246973	97385693	4610	338	0.073319	4677	322	0.068848	4756	372	0.078217	878	103	0.117312	1191	98	0.082284	5006	302	0.060328	4339	234	0.053929	5193	257	0.04949	958	107	0.111691	1494	141	0.094378	350	40	0.114286
XM_00652 239647	Pced1b	chr15	97246993	97385693	4610	338	0.073319	4677	322	0.068848	4756	372	0.078217	878	103	0.117312	1191	98	0.082284	5006	302	0.060328	4339	234	0.053929	5193	257	0.04949	958	107	0.111691	1494	141	0.094378	350	40	0.114286
XM_00652 239647	Pced1b	chr15	97374290	97385693	199	59	0.296482	223	56	0.251121	210	75	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A	22	5	0.227273	278	59	0.21223	279	86	0.308244	200	30	0.15	42	14	0.333333	67	35	0.522388	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239647	Pced1b	chr15	97374290	97385693	199	59	0.296482	223	56	0.251121	210	75	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A	22	5	0.227273	278	59	0.21223	279	86	0.308244	200	30	0.15	42	14	0.333333	67	35	0.522388	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239652	Zfp641	chr15	98285585	98296446	2242	25	0.011151	2084	20	0.009597	2321	27	0.011633	182	0	0	106	3	0.028302	1773	36	0.020305	1817	51	0.028068	1946	80	0.04111	223	11	0.049327	559	31	0.055456	107	2	0.018692
XM_00652 239652	Zfp641	chr15	98285585	98296515	2242	25	0.011151	2084	20	0.009597	2321	27	0.011633	182	0	0	106	3	0.028302	1773	36	0.020305	1817	51	0.028068	1946	80	0.04111	223	11	0.049327	559	31	0.055456	107	2	0.018692
XM_00652 239652	Zfp641	chr15	98285585	98296515	2242	25	0.011151	2084	20	0.009597	2321	27	0.011633	182	0	0	106	3	0.028302	1773	36	0.020305	1817	51	0.028068	1946	80	0.04111	223	11	0.049327	559	31	0.055456	107	2	0.018692
XM_00652 239652	Zfp641	chr15	98285585	98292126	171	165	0.964912	150	146	0.973333	186	178	0.956989	#N/A	#N/A	#N/A	45	41	0.911111	198	184	0.929293	183	154	0.84153	165	146	0.884848	64	50	0.78125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239652	Zfp641	chr15	98285585	98292126	171	165	0.964912	150	146	0.973333	186	178	0.956989	#N/A	#N/A	#N/A	45	41	0.911111	198	184	0.929293	183	154	0.84153	165	146	0.884848	64	50	0.78125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 239659	C1ql4	chr15	99084086	99090674	227	182	0.801762	166	132	0.795181	232	182	0.784483	34	23	0.676471	50	32	0.64	253	192	0.758893	195	155	0.794872	244	195	0.79918	56	40	0.714286	30	24	0.8	21	17	0.809524
XM_00652 239667	Dip2b	chr15	1E+08	1E+08	496	38	0.076613	403	75	0.186104	386	60	0.15544	#N/A	#N/A	#N/A	74	15	0.202703	580	91	0.156897	409	76	0.185819	438	53	0.121005	39	13	0.333333	236	31	0.131356	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 23970	Pacsin2	chr15	83376122	83432849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 23970	Pacsin2	chr15	83376122	83447923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	11	0	0	25	16	0.64	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	10	9	0.9	27	8	0.296296	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 23970	Pacsin2	chr15	83376122	83425453	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 23970	Pacsin2	chr15	83376122	83432851	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 23994	Dazap2	chr15	1.01E+08	1.01E+08	1451	26	0.017919	1199	28	0.023353	1154	21	0.018198	131	1	0.007634	364	5	0.013736	1411	28	0.019844	950	11	0.011579	1436	27	0.018802	61	1	0.016393	403	12	0.029777	261	0	0
XM_00652 246221	Mpst	chr15	78406774	78414015	2199	40	0.01819	1837	7	0.003811	2122	25	0.011781	51	0	0	738	41	0.055556	2754	97	0.035221	2121	48	0.022631	2216	45	0.020307	623	15	0.024077	738	23	0.031165	233	18	0.077253
XM_00652 246221	Mpst	chr15	78409748	78414015	1002	362	0.361277	1031	310	0.300679	864	263	0.304398	34	8	0.235294	361	161	0.445983	1155	589	0.509957	861	307	0.356562	1038	372	0.358382	251	95	0.378486	379	137	0.361478	129	28	0.217054
XM_00652 246221	Mpst	chr15	78406762	78414015	2199	40	0.01819	1837	7	0.003811	2122	25	0.011781	51	0	0	738	41	0.055556	2754	97	0.035221	2121	48	0.022631	2216	45	0.020307	623	15	0.024077	738	23	0.031165	233	18	0.077253
XM_00652 26404	Map3k12	chr15	1.02E+08	1.03E+08	2026	42	0.020731	1729	46	0.026605	1768	24	0.013575	262	2	0.007634	627	6	0.009569	2346	16	0.00682	1984	23	0.011593	2291	13	0.005674	595	1	0.001681	775	14	0.018065	265	5	0.018868
XM_00652 26934	Racgap1	chr15	99620496	99651646	1586	15	0.009458	1814	17	0.009372	1704	15	0.008803	204	1	0.004902	495	12	0.024242	1664	8	0.004808	1316	14	0.010638	1528	9	0.00589	285	0	0	430	1	0.002326	30	0	0
XM_00652 26934	Racgap1	chr15	99620496	99651646	1586	15	0.009458	1814	17	0.009372	1704	15	0.008803	204	1	0.004902	495	12	0.024242	1664	8	0.004808	1316	14	0.010638	1528	9	0.00589	285	0	0	430	1	0.002326	30	0	0
XM_00652 27008	Micall1	chr15	79109171	79136900	4677	94	0.020098	4582	68	0.014841	5378	75	0.013946	722	19	0.026316	1917	30	0.015649	5041	64	0.012696	4124	51	0.012367	4598	58	0.012614	1155	33	0.028571	1682	40	0.023781	384	3	0.007813
XM_00652 27008	Micall1	chr15	79108550	79136900	4308	58	0.013463	4153	26	0.006261	4869	32	0.006572	632	1	0.001582	1809	10	0.005528	4630	30	0.006479	3767	37	0.009822	4220	41	0.009716	1020	13	0.012745	1589	21	0.013216	333	0	0
XM_00652 27008	Micall1	chr15	79108550	79136900	4308	58	0.013463	4153	26	0.006261	4869	32	0.006572	632	1	0.001582	1809	10	0.005528	4630	30	0.006479	3767	37	0.009822	4220	41	0.009716	1020	13	0.012745	1589	21	0.013216	333	0	0
XM_00652 270328	Gsdmc3	chr15	63857605	63878579	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 271305	Phf21b	chr15	84785377	84856128	5848	53	0.009063	6503	74	0.011379	6832	69	0.0101	800	6	0.0075	1546	11	0.007115	6263	85	0.013572	5727	83	0.014493	5949	83	0.013952	1467	12	0.00818	1563	26	0.016635	531	11	0.020716
XM_00652 27367	Rpl3	chr15	80077792	80083388	432	58	0.134259	430	39	0.090698	362	28	0.077348	53	0	0	186	56	0.301075	469	27	0.057569	344	42	0.122093	482	53	0.109959	149	51	0.342282	264	55	0.208333	42	0	0
XM_00652 27373	Csnk1e	chr15	79417854	79441855	3773	30	0.007951	4255	27	0.006345	4041	45	0.011136	484	30	0.061983	1072	3	0.002799	3902	43	0.01102	3398	36	0.010594	4457	29	0.006507	594	5	0.008418	734	3	0.004087	268	1	0.003731
XM_00652 29813	Zfp385a	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 29813	Zfp385a	chr15	1.03E+08	1.03E+08	663	10	0.015083	571	5	0.008757	684	3	0.004386	25	2	0.08	69	0	0	884	20	0.022624	1002	14	0.013972	944	4	0.004237	178	0	0	177	3	0.016949	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 29813	Zfp385a	chr15	1.03E+08	1.03E+08	663	10	0.015083	571	5	0.008757	684	3	0.004386	25	2	0.08	69	0	0	884	20	0.022624	1002	14	0.013972	944	4	0.004237	178	0	0	177	3	0.016949	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 29813	Zfp385a	chr15	1.03E+08	1.03E+08	663	10	0.015083	571	5	0.008757	684	3	0.004386	25	2	0.08	69	0	0	884	20	0.022624	1002	14	0.013972	944	4	0.004237	178	0	0	177	3	0.016949	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 29857	Mapk12	chr15	89130584	89141576	800	21	0.02625	643	14	0.021773	815	27	0.033129	243	7	0.028807	257	6	0.023346	812	12	0.014778	618	16	0.02589	619	23	0.037157	227	2	0.008811	346	6	0.017341	198	1	0.005051
XM_00652 29857	Mapk12	chr15	89130584	89141577	800	21	0.02625	643	14	0.021773	815	27	0.033129	243	7	0.028807	257	6	0.023346	812	12	0.014778	618	16	0.02589	619	23	0.037157	227	2	0.008811	346	6	0.017341	198	1	0.005051
XM_00652 29857	Mapk12	chr15	89130584	89141236	2706	65	0.024021	2672	56	0.020958	2808	60	0.021368	459	10	0.021786	825	20	0.024242	2681	67	0.024991	2540	75	0.029528	2718	73	0.026858	664	6	0.009036	821	16	0.019488	388	6	0.015464
XM_00652 29857	Mapk12	chr15	89130584	89137445	167	61	0.365269	156	61	0.391026	180	76	0.422222	89	46	0.516854	38	18	0.473684	240	93	0.3875	181	62	0.342541	142	46	0.323944	66	26	0.393939	84	26	0.309524	26	5	0.192308
XM_00652 319613	Sybu	chr15	44671856	44788070	1214	25	0.020593	1253	9	0.007183	1560	25	0.016026	#N/A	#N/A	#N/A	388	11	0.028351	1197	15	0.012531	1326	19	0.014329	1329	13	0.009782	362	2	0.005525	361	8	0.022161	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 319613	Sybu	chr15	44671856	44788070	1214	25	0.020593	1253	9	0.007183	1560	25	0.016026	#N/A	#N/A	#N/A	388	11	0.028351	1197	15	0.012531	1326	19	0.014329	1329	13	0.009782	362	2	0.005525	361	8	0.022161	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 319944	Taf2	chr15	55015205	55072179	2209	21	0.009507	2678	51	0.019044	2519	32	0.012703	462	0	0	1123	3	0.002671	2307	55	0.02384	2319	16	0.0069	2179	34	0.015603	811	4	0.004932	839	7	0.008343	477	3	0.006289
XM_00652 319953	Ttll1	chr15	83483057	83510921	1050	83	0.079048	695	83	0.119424	847	98	0.115702	67	30	0.447761	467	48	0.102784	1098	121	0.1102	818	52	0.06357	747	68	0.091031	313	36	0.115016	231	22	0.095238	207	2	0.009662
XM_00652 320679	Samd12	chr15	53453809	53902531	315	100	0.31746	313	95	0.303514	371	107	0.28841	64	22	0.34375	175	55	0.314286	363	36	0.099174	425	99	0.232941	312	74	0.237179	102	4	0.039216	96	34	0.354167	72	11	0.152778
XM_00652 320679	Samd12	chr15	53453809	53902533	315	100	0.31746	313	95	0.303514	371	107	0.28841	64	22	0.34375	175	55	0.314286	363	36	0.099174	425	99	0.232941	312	74	0.237179	102	4	0.039216	96	34	0.354167	72	11	0.152778
XM_00652 320679	Samd12	chr15	53714892	53902535	315	100	0.31746	313	95	0.303514	371	107	0.28841	64	22	0.34375	175	55	0.314286	363	36	0.099174	425	99	0.232941	312	74	0.237179	102	4	0.039216	96	34	0.354167	72	11	0.152778
XM_00652 320679	Samd12	chr15	53461768	53902529	315	100	0.31746	313	95	0.303514	371	107	0.28841	64	22	0.34375	175	55	0.314286	363	36	0.099174	425	99	0.232941	312	74	0.237179	102	4	0.039216	96	34	0.354167	72	11	0.152778
XM_00652 320679	Samd12	chr15	53453809	53902531	315	100	0.31746	313	95	0.303514	371	107	0.28841	64	22	0.34375	175	55	0.314286	363	36	0.099174	425	99	0.232941	312	74	0.237179	102	4	0.039216	96	34	0.354167	72	11	0.152778
XM_00652 328561	Apol10b	chr15	77584154	77598542	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	53	52	0.981132	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328572	Ep300	chr15	81586209	81652072	7254	62	0.008547	6426	43	0.006692	7762	62	0.007988	574	4	0.006969	1844	4	0.002169	7536	40	0.005308	6095	43	0.007055	6990	46	0.006581	2345	4	0.001706	1786	9	0.005039	847	7	0.008264
XM_00652 328572	Ep300	chr15	81586209	81652072	7254	62	0.008547	6426	43	0.006692	7762	62	0.007988	574	4	0.006969	1844	4	0.002169	7536	40	0.005308	6095	43	0.007055	6990	46	0.006581	2345	4	0.001706	1786	9	0.005039	847	7	0.008264
XM_00652 328572	Ep300	chr15	81586416	81652072	7242	52	0.00718	6416	34	0.005299	7751	56	0.007225	574	4	0.006969	1844	4	0.002169	7536	40	0.005308	6095	43	0.007055	6990	46	0.006581	2345	4	0.001706	1776	4	0.002252	847	7	0.008264
XM_00652 328580	Tubgcp6	chr15	89101194	89123208	1461	62	0.042437	1315	58	0.044106	1478	83	0.056157	345	0	0	627	16	0.025518	1351	80	0.059215	1358	75	0.055228	1228	44	0.035831	526	12	0.022814	441	4	0.00907	273	12	0.043956
XM_00652 331063	Gsdmc2	chr15	63824328	63840201	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 331063	Gsdmc2	chr15	63824328	63845193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 331063	Gsdmc2	chr15	63824328	63845193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993735	75999153	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993737	75999153	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993735	75999153	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993737	75999153	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993733	75999153	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993732	75998853	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993734	75998478	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993733	75998467	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332110	Mapk15	chr15	75993733	75997920	336	169	0.502976	279	120	0.430108	334	152	0.45509	62	55	0.887097	175	94	0.537143	325	194	0.596923	242	132	0.545455	249	145	0.582329	41	23	0.560976	95	60	0.631579	46	18	0.391304
XM_00652 332131	Krt78	chr15	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	6	0.285714	10	5	0.5	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 380967	Tmem106c	chr15	97963177	97970277	1348	10	0.007418	1016	6	0.005906	1136	9	0.007923	312	0	0	593	2	0.003373	1249	2	0.001601	1178	2	0.001698	1051	10	0.009515	510	2	0.003922	613	3	0.004894	188	0	0
XM_00652 380967	Tmem106c	chr15	97964196	97970277	2911	17	0.00584	1993	8	0.004014	2271	22	0.009687	527	1	0.001898	1180	5	0.004237	2956	11	0.003721	2317	21	0.009063	2198	19	0.008644	960	2	0.002083	1216	3	0.002467	366	2	0.005464
XM_00652 380967	Tmem106c	chr15	97964211	97970277	2911	17	0.00584	1993	8	0.004014	2271	22	0.009687	527	1	0.001898	1180	5	0.004237	2956	11	0.003721	2317	21	0.009063	2198	19	0.008644	960	2	0.002083	1216	3	0.002467	366	2	0.005464
XM_00652 380969	Nckap5l	chr15	99422034	99457938	2445	230	0.09407	2760	267	0.096739	2780	297	0.106835	429	81	0.188811	1038	154	0.148362	2675	154	0.05757	2206	345	0.156392	2452	201	0.081974	759	57	0.075099	834	59	0.070743	246	0	0
XM_00652 380969	Nckap5l	chr15	99422034	99457938	2445	230	0.09407	2760	267	0.096739	2780	297	0.106835	429	81	0.188811	1038	154	0.148362	2675	154	0.05757	2206	345	0.156392	2452	201	0.081974	759	57	0.075099	834	59	0.070743	246	0	0
XM_00652 380993	Zfat	chr15	68083714	68258922	3224	18	0.005583	2811	16	0.005692	3009	17	0.00565	836	5	0.005981	1333	14	0.010503	3287	24	0.007301	3260	21	0.006442	3415	22	0.006442	1100	2	0.001818	1116	8	0.007168	492	1	0.002033
XM_00652 380993	Zfat	chr15	68083714	68258922	3224	18	0.005583	2811	16	0.005692	3009	17	0.00565	836	5	0.005981	1333	14	0.010503	3287	24	0.007301	3260	21	0.006442	3415	22	0.006442	1100	2	0.001818	1116	8	0.007168	492	1	0.002033
XM_00652 380997	Cyp2d12	chr15	82555043	82559411	95	70	0.736842	122	104	0.852459	82	71	0.865854	14	12	0.857143	51	38	0.745098	104	79	0.759615	101	79	0.782178	103	85	0.825243	11	10	0.909091	54	31	0.574074	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 380997	Cyp2d12	chr15	82555089	82559411	42	27	0.642857	62	53	0.854839	17	15	0.882353	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	49	32	0.653061	45	30	0.666667	48	37	0.770833	#N/A	#N/A	#N/A	32	17	0.53125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 380997	Cyp2d12	chr15	82555111	82559411	11	6	0.545455	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	17	12	0.705882	15	11	0.733333	31	25	0.806452	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 380997	Cyp2d12	chr15	82555078	82559411	42	27	0.642857	62	53	0.854839	17	15	0.882353	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	49	32	0.653061	45	30	0.666667	48	37	0.770833	#N/A	#N/A	#N/A	32	17	0.53125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 383075	Enthd1	chr15	80451715	80565157	220	202	0.918182	112	101	0.901786	178	145	0.814607	77	69	0.896104	64	49	0.765625	228	170	0.745614	186	126	0.677419	180	117	0.65	60	49	0.816667	#N/A	#N/A	#N/A	68	59	0.867647
XM_00652 406218	Panx2	chr15	89059057	89073566	993	22	0.022155	1107	27	0.02439	1206	11	0.009121	#N/A	#N/A	#N/A	322	5	0.015528	807	8	0.009913	1168	23	0.019692	1257	34	0.027049	151	2	0.013245	395	28	0.070886	91	1	0.010989
XM_00652 406220	Krt77	chr15	1.02E+08	1.02E+08	114	80	0.701754	154	105	0.681818	125	97	0.776	22	15	0.681818	72	49	0.680556	112	74	0.660714	95	59	0.621053	105	46	0.438095	40	21	0.525	25	8	0.32	11	5	0.454545
XM_00652 52609	Cbx7	chr15	79915804	79932798	2927	63	0.021524	2665	57	0.021388	3001	46	0.015328	331	1	0.003021	864	12	0.013889	3540	70	0.019774	2428	39	0.016063	2865	102	0.035602	871	19	0.021814	547	31	0.056673	72	6	0.083333
XM_00652 52609	Cbx7	chr15	79915804	79932795	2927	63	0.021524	2665	57	0.021388	3001	46	0.015328	331	1	0.003021	864	12	0.013889	3540	70	0.019774	2428	39	0.016063	2865	102	0.035602	871	19	0.021814	547	31	0.056673	72	6	0.083333
XM_00652 52609	Cbx7	chr15	79915804	79971142	193	185	0.958549	185	178	0.962162	186	178	0.956989	30	26	0.866667	107	100	0.934579	201	187	0.930348	114	96	0.842105	125	109	0.872	64	57	0.890625	119	106	0.890756	45	44	0.977778
XM_00652 52683	Ncaph2	chr15	89355727	89372827	2135	373	0.174707	2222	368	0.165617	2353	366	0.155546	289	44	0.152249	828	145	0.175121	2521	390	0.154701	1928	301	0.15612	2482	354	0.142627	685	152	0.221898	993	100	0.100705	278	48	0.172662
XM_00652 52683	Ncaph2	chr15	89355724	89372827	2135	373	0.174707	2222	368	0.165617	2353	366	0.155546	289	44	0.152249	828	145	0.175121	2521	390	0.154701	1928	301	0.15612	2482	354	0.142627	685	152	0.221898	993	100	0.100705	278	48	0.172662
XM_00652 52710	Slc52a2	chr15	76538814	76547878	3360	19	0.005655	3041	17	0.00559	3393	18	0.005305	697	2	0.002869	915	3	0.003279	3115	22	0.007063	2847	15	0.005269	3407	16	0.004696	768	3	0.003906	1077	2	0.001857	236	1	0.004237
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328202	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328385	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328202	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328241	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328359	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79323601	248	151	0.608871	168	90	0.535714	173	105	0.606936	33	26	0.787879	52	47	0.903846	301	162	0.538206	201	111	0.552239	201	115	0.572139	109	52	0.477064	67	64	0.955224	30	29	0.966667
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79321813	105	18	0.171429	80	10	0.125	65	8	0.123077	#N/A	#N/A	#N/A	28	15	0.535714	150	23	0.153333	90	7	0.077778	94	17	0.180851	55	6	0.109091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328359	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0
XM_00652 53357	Pla2g6	chr15	79286228	79328202	526	5	0.009506	603	5	0.008292	550	8	0.014545	118	0	0	164	1	0.006098	636	8	0.012579	583	4	0.006861	658	3	0.004559	214	0	0	272	3	0.011029	85	0	0

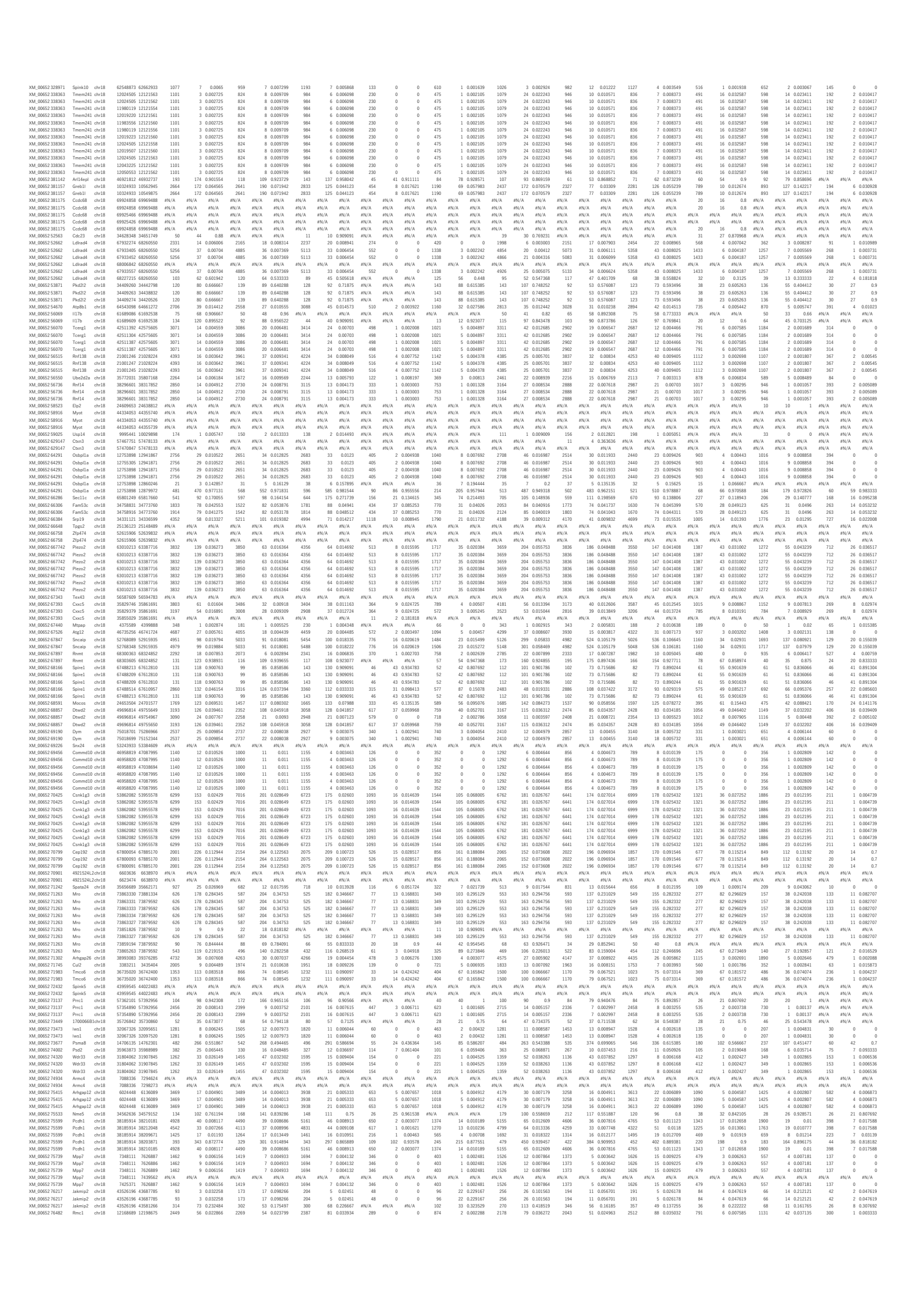


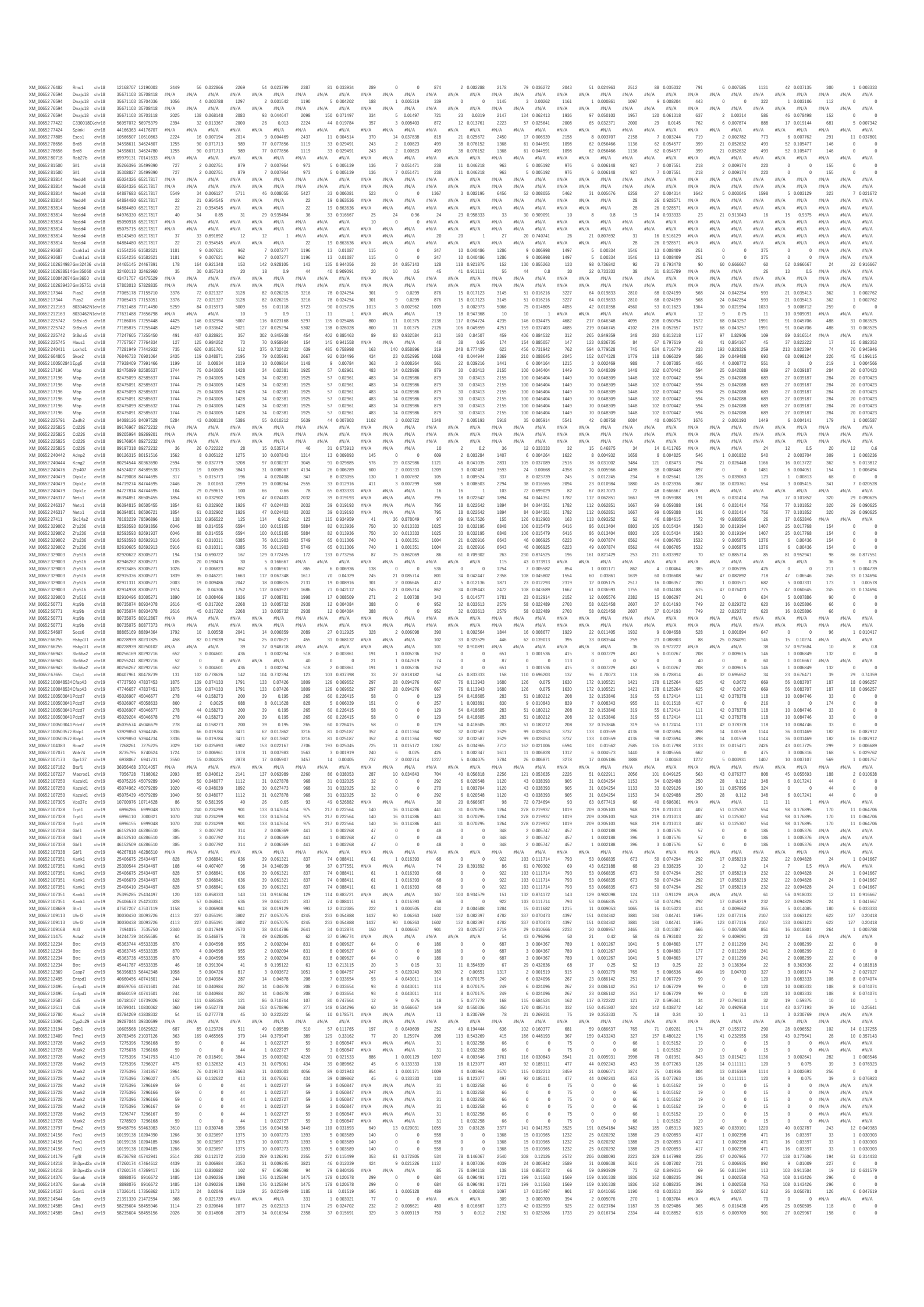
XM_00652 12305	Ddr1	chr17	35681567	35703501	184	74	0.402174	161	65	0.403727	181	78	0.430939	35	4	0.114286	12	7	0.583333	218	127	0.582569	167	85	0.508982	192	120	0.625	73	35	0.479452	62	36	0.580645	20	19	0.95
XM_00652 12305	Ddr1	chr17	35681567	35700359	3668	294	0.080153	3858	300	0.07776	4054	321	0.079181	638	47	0.073668	1246	95	0.076244	3635	378	0.103989	3137	351	0.11189	3887	298	0.076666	1052	66	0.062738	1152	85	0.073785	276	39	0.141304
XM_00652 12305	Ddr1	chr17	35681567	35704741	184	74	0.402174	161	65	0.403727	181	78	0.430939	35	4	0.114286	12	7	0.583333	218	127	0.582569	167	85	0.508982	192	120	0.625	73	35	0.479452	62	36	0.580645	20	19	0.95
XM_00652 12305	Ddr1	chr17	35681567	35703501	184	74	0.402174	161	65	0.403727	181	78	0.430939	35	4	0.114286	12	7	0.583333	218	127	0.582569	167	85	0.508982	192	120	0.625	73	35	0.479452	62	36	0.580645	20	19	0.95
XM_00652 12305	Ddr1	chr17	35681574	35700651	3703	299	0.080745	3894	305	0.078326	4090	327	0.079951	638	47	0.073668	1258	98	0.077901	3666	386	0.105292	3171	364	0.11479	3912	303	0.077454	1052	66	0.062738	1152	85	0.073785	276	39	0.141304
XM_00652 12411	Cbs	chr17	31612628	31636647	1959	173	0.08831	2026	128	0.063179	2078	98	0.047161	216	11	0.050926	945	82	0.086772	2292	166	0.072426	2140	106	0.049533	2493	139	0.055756	919	56	0.060936	930	90	0.096774	20	2	0.1
XM_00652 12411	Cbs	chr17	31612628	31637233	1737	104	0.059873	1712	103	0.060164	1791	90	0.050251	206	19	0.092233	828	73	0.088164	2097	133	0.063424	1838	73	0.039717	2136	88	0.041199	830	76	0.091566	827	74	0.08948	35	17	0.485714
XM_00652 12411	Cbs	chr17	31612628	31636647	1959	173	0.08831	2026	128	0.063179	2078	98	0.047161	216	11	0.050926	945	82	0.086772	2292	166	0.072426	2140	106	0.049533	2493	139	0.055756	919	56	0.060936	930	90	0.096774	20	2	0.1
XM_00652 12445	Ccnd3	chr17	47594296	47599689	444	3	0.006757	224	1	0.004464	463	3	0.006479	30	0	0	75	1	0.013333	557	0	0	366	2	0.005464	412	1	0.002427	#N/A	#N/A	#N/A	166	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12445	Ccnd3	chr17	47596074	47599689	955	155	0.162304	524	99	0.188931	849	95	0.111896	103	30	0.291262	212	35	0.165094	986	42	0.042596	682	33	0.048387	799	60	0.075094	188	41	0.218085	346	4	0.011561	50	0	0
XM_00652 12449	Ccnf	chr17	24223230	24251342	2536	27	0.010647	2886	28	0.009702	2796	20	0.007153	827	3	0.003628	807	4	0.004957	2708	22	0.008124	2293	19	0.008286	2484	21	0.008454	960	6	0.00625	1269	8	0.006304	231	2	0.008658
XM_00652 12607	Cebpz	chr17	78919006	78937070	1364	4	0.002933	1338	11	0.008221	1326	5	0.003771	434	2	0.004608	596	4	0.006711	1427	6	0.004205	1378	6	0.004354	1103	6	0.00544	700	1	0.001429	721	1	0.001387	309	2	0.006472
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34038919	34066684	1186	600	0.505902	972	442	0.454733	1078	511	0.474026	154	89	0.577922	462	234	0.506494	1382	820	0.593343	978	573	0.58589	928	605	0.65194	343	156	0.45481	472	268	0.567797	118	70	0.59322
XM_00652 12815	Col11a2	chr17	34048391	34066684	83	67	0.807229	69	56	0.811594	55	46	0.836364	12	7	0.583333	62	43	0.693548	82	61	0.743902	27	22	0.814815	58	38	0.655172	27	20	0.740741	40	30	0.75	13	6	0.461538
XM_00652 13163	Daxx	chr17	33909437	33915590	2471	86	0.034804	1879	61	0.032464	2196	78	0.035519	214	13	0.060748	654	29	0.044343	2810	93	0.033096	2162	54	0.024977	2398	87	0.03628	673	38	0.056464	1016	24	0.023622	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 13163	Daxx	chr17	33909404	33915590	2471	86	0.034804	1879	61	0.032464	2196	78	0.035519	214	13	0.060748	654	29	0.044343	2810	93	0.033096	2162	54	0.024977	2398	87	0.03628	673	38	0.056464	1016	24	0.023622	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 13164	Dazl	chr17	50279394	50293168	3872	1798	0.46436	3552	1647	0.463682	3781	1953	0.51653	606	382	0.630363	1571	887	0.564609	4385	2111	0.481414	3976	1766	0.444165	3481	1774	0.509624	1297	684	0.527371	1694	910	0.53719	829	419	0.505428
XM_00652 13417	Dnah8	chr17	30627126	30875762	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	17	13	0.764706	15	15	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	10	5	0.5
XM_00652 13417	Dnah8	chr17	30644926	30875762	163	158	0.969325	178	170	0.955056	188	179	0.952128	#N/A	#N/A	#N/A	155	150	0.967742	200	191	0.955	145	131	0.903448	186	175	0.94086	99	86	0.868687	76	74	0.973684	20	20	1
XM_00652 13417	Dnah8	chr17	30664414	30875762	16	5	0.3125	27	6	0.222222	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	28	15	0.535714	26	17	0.653846	23	7	0.304348	28	4	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	22	8	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 13640	Efna5	chr17	62602959	62880970	11335	146	0.01288	11397	136	0.011933	12806	177	0.013822	1748	15	0.008581	3779	46	0.012173	10900	196	0.017982	10820	100	0.009242	11154	144	0.01291	2830	26	0.009187	3345	28	0.008371	1222	29	0.023732
XM_00652 13733	Adgre1	chr17	57358581	57483527	96	86	0.895833	100	85	0.85	72	62	0.861111	10	10	1	22	16	0.727273	118	93	0.788136	116	91	0.784483	70	54	0.771429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69124414	69289991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69156624	69289991	4473	84	0.018779	5155	80	0.015519	5462	89	0.016294	462	3	0.006494	1542	24	0.015564	4379	439	0.100251	4117	604	0.146709	4117	444	0.107846	1572	168	0.10687	1526	239	0.156619	181	27	0.149171
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69159394	69289991	1515	237	0.156436	1555	242	0.155627	1650	177	0.107273	249	40	0.160643	536	88	0.164179	1398	217	0.155222	1312	326	0.248476	1236	205	0.165858	516	71	0.137597	516	88	0.170543	79	22	0.278481
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69192056	69289991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69157424	69289991	4835	220	0.045502	5537	206	0.037204	5861	215	0.036683	567	32	0.056437	1678	61	0.036353	4648	537	0.115534	4393	712	0.162076	4362	501	0.114856	1692	200	0.118203	1598	249	0.15582	220	46	0.209091
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69157626	69289991	4835	220	0.045502	5537	206	0.037204	5861	215	0.036683	567	32	0.056437	1678	61	0.036353	4648	537	0.115534	4393	712	0.162076	4362	501	0.114856	1692	200	0.118203	1598	249	0.15582	220	46	0.209091
XM_00652 13823	Epb41l3	chr17	69075647	69289991	2122	86	0.040528	1860	49	0.026344	2083	39	0.018723	521	10	0.019194	713	22	0.030856	2014	145	0.071996	1686	145	0.086002	1409	72	0.0511	731	32	0.043776	721	55	0.076283	224	29	0.129464
XM_00652 14158	Fer	chr17	63863964	64146519	3506	22	0.006275	3982	20	0.005023	4231	16	0.003782	647	5	0.007728	1037	3	0.002893	3683	23	0.006245	3761	31	0.008242	4029	23	0.005709	1036	7	0.006757	1647	7	0.00425	334	1	0.002994
XM_00652 14158	Fer	chr17	63862073	64139501	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14158	Fer	chr17	63863963	64146519	3506	22	0.006275	3982	20	0.005023	4231	16	0.003782	647	5	0.007728	1037	3	0.002893	3683	23	0.006245	3761	31	0.008242	4029	23	0.005709	1036	7	0.006757	1647	7	0.00425	334	1	0.002994
XM_00652 14158	Fer	chr17	63863976	64146519	3506	22	0.006275	3982	20	0.005023	4231	16	0.003782	647	5	0.007728	1037	3	0.002893	3683	23	0.006245	3761	31	0.008242	4029	23	0.005709	1036	7	0.006757	1647	7	0.00425	334	1	0.002994
XM_00652 14158	Fer	chr17	63954696	64146519	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14158	Fer	chr17	63863963	63941758	3506	22	0.006275	3982	20	0.005023	4231	16	0.003782	647	5	0.007728	1037	3	0.002893	3683	23	0.006245	3761	31	0.008242	4029	23	0.005709	1036	7	0.006757	1647	7	0.00425	334	1	0.002994
XM_00652 14236	Foxn2	chr17	88458112	88490533	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14236	Foxn2	chr17	88441494	88490533	6736	39	0.00579	7571	65	0.008585	7763	54	0.006956	836	2	0.002392	1526	7	0.004587	6763	34	0.005027	6615	41	0.006198	8255	55	0.006663	1445	6	0.004152	1582	7	0.004425	232	0	0
XM_00652 14236	Foxn2	chr17	88442003	88490533	6784	50	0.00737	7601	74	0.009736	7763	54	0.006956	846	3	0.003546	1542	9	0.005837	6813	43	0.006311	6648	46	0.006919	8269	59	0.007135	1482	12	0.008097	1592	10	0.006281	232	0	0
XM_00652 14251	Flot1	chr17	35823510	35832789	2451	34	0.013872	2050	28	0.013659	2139	38	0.017765	373	4	0.010724	1016	19	0.018701	2639	30	0.011368	1931	24	0.012429	2471	25	0.010117	524	2	0.003817	1107	19	0.017164	322	0	0
XM_00652 14251	Flot1	chr17	35823320	35832789	2513	42	0.016713	2078	32	0.015399	2165	43	0.019861	373	4	0.010724	1042	25	0.023992	2721	33	0.012128	1991	27	0.013561	2509	26	0.010363	524	2	0.003817	1107	19	0.017164	322	0	0
XM_00652 14651	Hagh	chr17	24850047	24864450	2759	16	0.005799	2341	18	0.007689	2641	11	0.004165	544	1	0.001838	902	2	0.002217	2727	17	0.006234	2228	19	0.008528	2697	23	0.008528	690	2	0.002899	1213	8	0.006595	181	1	0.005525
XM_00652 14651	Hagh	chr17	24839781	24864450	20	19	0.95	20	17	0.85	33	30	0.909091	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	33	32	0.969697	22	18	0.818182	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14755	Pigq	chr17	25926427	25942881	1928	50	0.025934	2157	29	0.013445	2082	40	0.019212	268	4	0.014925	611	22	0.036007	1858	54	0.029064	2018	28	0.013875	2074	37	0.01784	424	3	0.007075	689	4	0.005806	95	0	0
XM_00652 14885	Gtf2h4	chr17	35667730	35673750	350	207	0.591429	296	161	0.543919	430	224	0.52093	79	37	0.468354	198	110	0.555556	545	222	0.407339	420	177	0.421429	323	158	0.489164	139	54	0.388489	241	94	0.390041	36	32	0.888889
XM_00652 14885	Gtf2h4	chr17	35667730	35673750	350	207	0.591429	296	161	0.543919	430	224	0.52093	79	37	0.468354	198	110	0.555556	545	222	0.407339	420	177	0.421429	323	158	0.489164	139	54	0.388489	241	94	0.390041	36	32	0.888889
XM_00652 14962	Cfb	chr17	34856380	34862320	304	103	0.338816	252	71	0.281746	284	74	0.260563	70	23	0.328571	194	80	0.412371	348	155	0.445402	272	73	0.268382	313	84	0.268371	70	31	0.442857	146	41	0.280822	51	8	0.156863
XM_00652 14962	Cfb	chr17	34856876	34862513	304	103	0.338816	252	71	0.281746	284	74	0.260563	70	23	0.328571	194	80	0.412371	348	155	0.445402	272	73	0.268382	313	84	0.268371	70	31	0.442857	146	41	0.280822	51	8	0.156863
XM_00652 14972	H2-K1	chr17	33996012	34000619	2438	27	0.011075	2014	23	0.01142	2118	13	0.006138	389	1	0.002571	492	2	0.004065	2500	13	0.0052	2507	16	0.006382	3127	31	0.009914	505	2	0.00396	512	2	0.003906	168	2	0.011905
XM_00652 14972	H2-K1	chr17	33996012	34000619	2438	27	0.011075	2014	23	0.01142	2118	13	0.006138	389	1	0.002571	492	2	0.004065	2500	13	0.0052	2507	16	0.006382	3127	31	0.009914	505	2	0.00396	512	2	0.003906	168	2	0.011905
XM_00652 14972	H2-K1	chr17	33996012	34000619	2438	27	0.011075	2014	23	0.01142	2118	13	0.006138	389	1	0.002571	492	2	0.004065	2500	13	0.0052	2507	16	0.006382	3127	31	0.009914	505	2	0.00396	512	2	0.003906	168	2	0.011905
XM_00652 14972	H2-K1	chr17	33996012	34000619	2438	27	0.011075	2014	23	0.01142	2118	13	0.006138	389	1	0.002571	492	2	0.004065	2500	13	0.0052	2507	16	0.006382	3127	31	0.009914	505	2	0.00396	512	2	0.003906	168	2	0.011905
XM_00652 14972	H2-K1	chr17	33996012	34000619	2438	27	0.011075	2014	23	0.01142	2118	13	0.006138	389	1	0.002571	492	2	0.004065	2500	13	0.0052	2507	16	0.006382	3127	31	0.009914	505	2	0.00396	512	2	0.003906	168	2	0.011905
XM_00652 14998	H2-DMa	chr17	34122691	34139083	2208	15	0.006793	1818	11	0.006051	2031	15	0.007386	366	1	0.002732	463	6	0.012959	2632	20	0.007599	2217	16	0.007217	2828	29	0.010255	473	2	0.004228	601	2	0.003328	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 15002	H2-Ob	chr17	34240039	34245804	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	23	0.69697	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 15006	H2-Q1	chr17	35320525	35326050	2169	60	0.027663	1921	46	0.023946	2236	44	0.019678	193	3	0.015544	1119	22	0.01966	2109	61	0.028924	1774	25	0.014092	2107	25	0.011865	488	4	0.008197	946	13	0.013742	382	3	0.007853
XM_00652 15006	H2-Q1	chr17	35320526	35325101	2169	60	0.027663	1921	46	0.023946	2236	44	0.019678	193	3	0.015544	1119	22	0.01966	2109	61	0.028924	1774	25	0.014092	2107	25	0.011865	488	4	0.008197	946	13	0.013742	382	3	0.007853
XM_00652 15006	H2-Q1	chr17	35320527	35325101	2169	60	0.027663	1921	46	0.023946	2236	44	0.019678	193	3	0.015544	1119	22	0.01966	2109	61	0.028924	1774	25	0.014092	2107	25	0.011865	488	4	0.008197	946	13	0.013742	382	3	0.007853
XM_00652 15006	H2-Q1	chr17	35320527	35325101	2169	60	0.027663	1921	46	0.023946	2236	44	0.019678	193	3	0.015544	1119	22	0.01966	2109	61	0.028924	1774	25	0.014092	2107	25	0.011865	488	4	0.008197	946	13	0.013742	382	3	0.007853
XM_00652 15006	H2-Q1	chr17	35320527	35325101	2169	60	0.027663	1921	46	0.023946	2236	44	0.019678	193	3	0.015544	1119	22	0.01966	2109	61	0.028924	1774	25	0.014092	2107	25	0.011865	488	4	0.008197	946	13	0.013742	382	3	0.007853
XM_00652 15006	H2-Q1	chr17	35320527	35325101	2169	60	0.027663	1921	46	0.023946	2236	44	0.019678	193	3	0.015544	1119	22	0.01966	2109	61	0.028924	1774	25	0.014092	2107	25	0.011865	488	4	0.008197	946	13	0.013742	382	3	0.007853
XM_00652 15193	Hdgfl2	chr17	56079936	56100605	1140	78	0.068421	1139	65	0.057068	1019	72	0.070658	131	9	0.068702	337	50	0.148368	1507	88	0.058394	1240	66	0.053226	1254	50	0.039872	199	23	0.115578	462	56	0.121212	117	0	0
XM_00652 15193	Hdgfl2	chr17	56079937	56100605	1140	78	0.068421	1139	65	0.057068	1019	72	0.070658	131	9	0.068702	337	50	0.148368	1507	88	0.058394	1240	66	0.053226	1254	50	0.039872	199	23	0.115578	462	56	0.121212	117	0	0
XM_00652 15193	Hdgfl2	chr17	56079599	56100605	1140	78	0.068421	1139	65	0.057068	1019	72	0.070658	131	9	0.068702	337	50	0.148368	1507	88	0.058394	1240	66	0.053226	1254	50	0.039872	199	23	0.115578	462	56	0.121212	117	0	0
XM_00652 16440	Itpr3	chr17	27057002	27122223	1636	74	0.045232	1594	95	0.059598	1489	75	0.050369	214	0	0	474	48	0.101266	1604	85	0.052993	1186	41	0.03457	1105	95	0.085973	491	43	0.087576	637	46	0.072214	90	0	0
XM_00652 16772	Lama1	chr17	67697178	67822641	733	18	0.024557	710	18	0.025352	804	17	0.021144	120	1	0.008333	261	8	0.030651	722	66	0.091413	617	83	0.134522	563	56	0.099467	268	21	0.078358	257	22	0.085603	116	16	0.137931
XM_00652 16772	Lama1	chr17	67697127	67782111	733	18	0.024557	710	18	0.025352	804	17	0.021144	120	1	0.008333	261	8	0.030651	722	66	0.091413	617	83	0.134522	563	56	0.099467	268	21	0.078358	257	22	0.085603	116	16	0.137931
XM_00652 16867	Lhcgr	chr17	88739624	88792059	1057	261	0.246925	1025	237	0.23122	1164	274	0.235395	105	23	0.219048	504	161	0.319444	1094	404	0.369287	1102	228	0.206897	1159	582	0.502157	278	87	0.31295	324	81	0.25	228	47	0.20614
XM_00652 16867	Lhcgr	chr17	88739624	88792059	1057	261	0.246925	1025	237	0.23122	1164	274	0.235395	105	23	0.219048	504	161	0.319444	1094	404	0.369287	1102	228	0.206897	1159	582	0.502157	278	87	0.31295	324	81	0.25	228	47	0.20614
XM_00652 16867	Lhcgr	chr17	88739624	88792059	1057	261	0.246925	1025	237	0.23122	1164	274	0.235395	105	23	0.219048	504	161	0.319444	1094	404	0.369287	1102	228	0.206897	1159	582	0.502157	278	87	0.31295	324	81	0.25	228	47	0.20614
XM_00652 16867	Lhcgr	chr17	88739624	88792059	1057	261	0.246925	1025	237	0.23122	1164	274	0.235395	105	23	0.219048	504	161	0.319444	1094	404	0.369287	1102	228	0.206897	1159	582	0.502157	278	87	0.31295	324	81	0.25	228	47	0.20614
XM_00652 16867	Lhcgr	chr17	88739624	88792059	1057	261	0.246925	1025	237	0.23122	1164	274	0.235395	105	23	0.219048	504	161	0.319444	1094	404	0.369287	1102	228	0.206897	1159	582	0.502157	278	87	0.31295	324	81	0.25	228	47	0.20614
XM_00652 16912	Psmb9	chr17	34182030	34187327	1028	6	0.005837	830	4	0.004819	907	4	0.00441	39	0	0	448	1	0.002232	1102	5	0.004537	890	6	0.006742	951	13	0.01367	456	1	0.002193	379	4	0.010554	166	1	0.006024
XM_00652 16992	Lta	chr17	35203402	35205578	111	68	0.612613	182	108	0.593407	151	61	0.403974	#N/A	#N/A	#N/A	93	55	0.591398	100	55	0.55	33	26	0.787879	164	109	0.664634	81	57	0.703704	78	56	0.717949	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170716	Cyp4f13	chr17	32924688	32947392	327	2	0.006116	288	2	0.006944	224	1	0.004464	69	1	0.014493	141	0	0	336	3	0.008929	288	4	0.013889	306	5	0.01634	135	0	0	126	1	0.007937	84	0	0
XM_00652 170716	Cyp4f13	chr17	32924688	32947415	327	2	0.006116	288	2	0.006944	224	1	0.004464	69	1	0.014493	141	0	0	336	3	0.008929	288	4	0.013889	306	5	0.01634	135	0	0	126	1	0.007937	84	0	0
XM_00652 170716	Cyp4f13	chr17	32924688	32947408	327	2	0.006116	288	2	0.006944	224	1	0.004464	69	1	0.014493	141	0	0	336	3	0.008929	288	4	0.013889	306	5	0.01634	135	0	0	126	1	0.007937	84	0	0
XM_00652 170716	Cyp4f13	chr17	32928285	32947415	327	2	0.006116	288	2	0.006944	224	1	0.004464	69	1	0.014493	141	0	0	336	3	0.008929	288	4	0.013889	306	5	0.01634	135	0	0	126	1	0.007937	84	0	0
XM_00652 17229	Tpsb2	chr17	25366308	25368096	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17240	Mdfi	chr17	47815330	47830696	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17240	Mdfi	chr17	47819792	47833285	1451	66	0.045486	974	45	0.046201	1301	62	0.047656	31	1	0.032258	143	7	0.048951	1272	54	0.042453	1210	68	0.056198	1261	86	0.0682	266	14	0.052632	244	12	0.04918	108	9	0.083333
XM_00652 17240	Mdfi	chr17	47819792	47834686	1391	66	0.047448	974	45	0.046201	1241	59	0.047542	21	1	0.047619	143	7	0.048951	1174	53	0.045145	1135	64	0.056388	1211	84	0.069364	266	14	0.052632	244	12	0.04918	108	9	0.083333
XM_00652 17240	Mdfi	chr17	47819791	47833308	1451	66	0.045486	974	45	0.046201	1301	62	0.047656	31	1	0.032258	143	7	0.048951	1272	54	0.042453	1210	68	0.056198	1261	86	0.0682	266	14	0.052632	244	12	0.04918	108	9	0.083333
XM_00652 17256	Mea1	chr17	46678801	46683109	93	60	0.645161	86	54	0.627907	65	42	0.646154	36	28	0.777778	63	50	0.793651	134	105	0.783582	127	95	0.748031	115	85	0.73913	48	35	0.729167	39	27	0.692308	30	25	0.833333
XM_00652 17256	Mea1	chr17	46681155	46683109	2678	77	0.028753	2362	72	0.030483	2686	64	0.023827	456	28	0.061404	1041	53	0.050913	2955	136	0.046024	2283	107	0.046868	2344	101	0.043089	876	35	0.039954	1088	27	0.024816	159	25	0.157233
XM_00652 17256	Mea1	chr17	46680926	46683109	2678	77	0.028753	2362	72	0.030483	2686	64	0.023827	456	28	0.061404	1041	53	0.050913	2955	136	0.046024	2283	107	0.046868	2344	101	0.043089	876	35	0.039954	1088	27	0.024816	159	25	0.157233
XM_00652 17287	Mep1a	chr17	43474324	43504143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760391	13905797	7084	78	0.011011	7264	65	0.008948	7640	61	0.007984	988	6	0.006073	2051	21	0.010239	8180	96	0.011736	7213	56	0.007764	6850	61	0.008905	1799	10	0.005559	1950	14	0.007179	314	0	0
XM_00652 17356	Afdn	chr17	13760497	13905798	8374	84	0.010031	8598	82	0.009537	8989	66	0.007342	1132	8	0.007067	2362	22	0.009314	9300	101	0.01086	8238	63	0.007647	8250	70	0.008485	2168	12	0.005535	2412	16	0.006633	506	1	0.001976
XM_00652 17441	Mog	chr17	37011539	37023393	60	43	0.716667	70	53	0.757143	63	52	0.825397	20	13	0.65	67	56	0.835821	68	59	0.867647	56	47	0.839286	74	53	0.716216	23	22	0.956522	52	46	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17687	Msh5	chr17	35028605	35046636	157	4	0.025478	110	1	0.009091	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	150	0	0	20	0	0	118	2	0.016949	54	0	0	28	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17687	Msh5	chr17	35028605	35046636	157	4	0.025478	110	1	0.009091	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	150	0	0	20	0	0	118	2	0.016949	54	0	0	28	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17687	Msh5	chr17	35028605	35046721	157	4	0.025478	110	1	0.009091	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	150	0	0	20	0	0	118	2	0.016949	54	0	0	28	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 17929	Myom1	chr17	71003332	71082295	4512	38	0.008422	4195	43	0.01025	4686	45	0.009603	897	3	0.003344	1549	6	0.003873	4877	39	0.007997	4506	32	0.007102	5347	42	0.007855	1340	9	0.006716	1784	11	0.006166	617	3	0.004862
XM_00652 17929	Myom1	chr17	71003332	71082328	4512	38	0.008422	4195	43	0.01025	4686	45	0.009603	897	3	0.003344	1549	6	0.003873	4877	39	0.007997	4506	32	0.007102	5347	42	0.007855	1340	9	0.006716	1784	11	0.006166	617	3	0.004862
XM_00652 18044	Nfya	chr17	48386885	48409754	3224	15	0.004653	3211	17	0.005294	3140	23	0.007325	509	11	0.021611	1382	19	0.013748	3624	21	0.005795	3580	17	0.004749	3954	32	0.008093	840	2	0.002381	1478	4	0.002706	303	1	0.0033
XM_00652 18044	Nfya	chr17	48386885	48409741	3224	15	0.004653	3211	17	0.005294	3140	23	0.007325	509	11	0.021611	1382	19	0.013748	3624	21	0.005795	3580	17	0.004749	3954	32	0.008093	840	2	0.002381	1478	4	0.002706	303	1	0.0033
XM_00652 18091	Nkx2-5	chr17	26838664	26844988	1317	69	0.052392	1544	79	0.051166	1486	73	0.049125	272	14	0.051471	255	11	0.043137	1304	118	0.090491	1353	117	0.086475	1154	95	0.082322	347	28	0.080692	465	35	0.075269	221	8	0.036199
XM_00652 18132	Notch4	chr17	34564286	34588503	210	101	0.480952	94	42	0.446809	153	70	0.457516	24	14	0.583333	64	29	0.453125	271	150	0.553506	269	98	0.364312	223	70	0.313901	26	3	0.115385	95	41	0.431579	31	22	0.709677
XM_00652 18140	Uhrf1	chr17	56303342	56323486	2189	35	0.015989	1967	26	0.013218	2040	17	0.008333	270	3	0.011111	691	18	0.026049	2533	77	0.030399	1834	34	0.018539	2028	41	0.020217	430	3	0.006977	1024	12	0.011719	235	0	0
XM_00652 18140	Uhrf1	chr17	56303342	56323486	2189	35	0.015989	1967	26	0.013218	2040	17	0.008333	270	3	0.011111	691	18	0.026049	2533	77	0.030399	1834	34	0.018539	2028	41	0.020217	430	3	0.006977	1024	12	0.011719	235	0	0
XM_00652 18188	Nrtn	chr17	56751323	56754711	753	259	0.343958	432	115	0.266204	725	159	0.21931	132	42	0.318182	256	82	0.320313	822	250	0.304136	577	159	0.275563	712	210	0.294944	182	47	0.258242	233	68	0.291845	143	32	0.223776
XM_00652 18189	Nrxn1	chr17	90033952	91093159	302	15	0.049669	321	10	0.031153	380	13	0.034211	188	15	0.079787	127	3	0.023622	295	36	0.122034	296	26	0.087838	335	28	0.083582	44	3	0.068182	132	10	0.075758	112	13	0.116071
XM_00652 18189	Nrxn1	chr17	90033952	91093159	302	15	0.049669	321	10	0.031153	380	13	0.034211	188	15	0.079787	127	3	0.023622	295	36	0.122034	296	26	0.087838	335	28	0.083582	44	3	0.068182	132	10	0.075758	112	13	0.116071
XM_00652 18189	Nrxn1	chr17	90033952	91093159	302	15	0.049669	321	10	0.031153	380	13	0.034211	188	15	0.079787	127	3	0.023622	295	36	0.122034	296	26	0.087838	335	28	0.083582	44	3	0.068182	132	10	0.075758	112	13	0.116071
XM_00652 18189	Nrxn1	chr17	90033952	91093159	302	15	0.049669	321	10	0.031153	380	13	0.034211	188	15	0.079787	127	3	0.023622	295	36	0.122034	296	26	0.087838	335	28	0.083582	44	3	0.068182	132	10	0.075758	112	13	0.116071
XM_00652 18207	Nthl1	chr17	24632680	24638838	142	17	0.119718	67	6	0.089552	65	9	0.138462	#N/A	#N/A	#N/A	44	10	0.227273	155	14	0.090323	145	10	0.068966	47	21	0.446809	40	8	0.2	31	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18519	Kat2b	chr17	53566774	53672620	3015	16	0.005307	2720	19	0.006985	3118	21	0.006735	200	0	0	574	2	0.003484	3102	9	0.002901	2515	9	0.003579	2553	11	0.004309	508	1	0.001969	714	3	0.004202	140	0	0
XM_00652 18585	Pde9a	chr17	31433117	31476159	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18754	Prkce	chr17	86461918	86657919	68	59	0.867647	45	34	0.755556	52	42	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	48	37	0.770833	74	53	0.716216	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18763	Pkd1	chr17	24548689	24596483	52	21	0.403846	64	16	0.25	86	43	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	44	17	0.386364	99	34	0.343434	145	76	0.524138	118	42	0.355932	21	5	0.238095	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18771	Pknox1	chr17	31564724	31607691	6605	81	0.012263	6244	68	0.01089	5974	65	0.01088	424	9	0.021226	1536	32	0.020833	6770	74	0.010931	5976	61	0.010207	6417	62	0.009662	1368	13	0.009503	2290	28	0.012227	210	0	0
XM_00652 18771	Pknox1	chr17	31564724	31607691	6605	81	0.012263	6244	68	0.01089	5974	65	0.01088	424	9	0.021226	1536	32	0.020833	6770	74	0.010931	5976	61	0.010207	6417	62	0.009662	1368	13	0.009503	2290	28	0.012227	210	0	0
XM_00652 18771	Pknox1	chr17	31564723	31607691	6605	81	0.012263	6244	68	0.01089	5974	65	0.01088	424	9	0.021226	1536	32	0.020833	6770	74	0.010931	5976	61	0.010207	6417	62	0.009662	1368	13	0.009503	2290	28	0.012227	210	0	0
XM_00652 18771	Pknox1	chr17	31564723	31607691	6605	81	0.012263	6244	68	0.01089	5974	65	0.01088	424	9	0.021226	1536	32	0.020833	6770	74	0.010931	5976	61	0.010207	6417	62	0.009662	1368	13	0.009503	2290	28	0.012227	210	0	0
XM_00652 18771	Pknox1	chr17	31564723	31607691	6605	81	0.012263	6244	68	0.01089	5974	65	0.01088	424	9	0.021226	1536	32	0.020833	6770	74	0.010931	5976	61	0.010207	6417	62	0.009662	1368	13	0.009503	2290	28	0.012227	210	0	0
XM_00652 19043	Ppm1b	chr17	84965044	85014612	134	111	0.828358	108	92	0.851852	99	80	0.808081	#N/A	#N/A	#N/A	53	50	0.943396	102	85	0.833333	42	34	0.809524	99	70	0.707071	30	24	0.8	94	73	0.776596	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19043	Ppm1b	chr17	84957945	85023992	5516	53	0.009608	4965	64	0.01289	5965	89	0.01492	785	4	0.005096	1560	25	0.016026	5745	59	0.01027	4632	47	0.010147	4941	43	0.008703	1265	12	0.009486	1652	7	0.004237	395	6	0.01519
XM_00652 19043	Ppm1b	chr17	84957945	85023992	5516	53	0.009608	4965	64	0.01289	5965	89	0.01492	785	4	0.005096	1560	25	0.016026	5745	59	0.01027	4632	47	0.010147	4941	43	0.008703	1265	12	0.009486	1652	7	0.004237	395	6	0.01519
XM_00652 19106	Eif2ak2	chr17	78850504	78882479	956	5	0.00523	925	8	0.008649	1056	6	0.005682	186	1	0.005376	548	3	0.005474	803	7	0.008717	1017	8	0.007866	904	0	0	315	1	0.003175	307	2	0.006515	101	0	0
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476474	5588	685	0.122584	5295	600	0.113314	5910	615	0.104061	942	77	0.081741	1609	198	0.123058	5568	700	0.125718	5058	640	0.126532	5642	701	0.124247	1157	175	0.151253	2084	335	0.160749	425	103	0.242353
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56464717	42	32	0.761905	47	38	0.808511	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	65	46	0.707692	69	53	0.768116	44	37	0.840909	13	9	0.692308	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476561	5443	677	0.12438	5157	588	0.11402	5754	613	0.106535	927	77	0.083064	1603	204	0.127261	5477	702	0.128172	4927	636	0.129085	5513	693	0.125703	1140	175	0.153509	2044	334	0.163405	413	103	0.249395
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476474	5588	685	0.122584	5295	600	0.113314	5910	615	0.104061	942	77	0.081741	1609	198	0.123058	5568	700	0.125718	5058	640	0.126532	5642	701	0.124247	1157	175	0.151253	2084	335	0.160749	425	103	0.242353
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476474	5588	685	0.122584	5295	600	0.113314	5910	615	0.104061	942	77	0.081741	1609	198	0.123058	5568	700	0.125718	5058	640	0.126532	5642	701	0.124247	1157	175	0.151253	2084	335	0.160749	425	103	0.242353
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476474	5588	685	0.122584	5295	600	0.113314	5910	615	0.104061	942	77	0.081741	1609	198	0.123058	5568	700	0.125718	5058	640	0.126532	5642	701	0.124247	1157	175	0.151253	2084	335	0.160749	425	103	0.242353
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476561	5443	677	0.12438	5157	588	0.11402	5754	613	0.106535	927	77	0.083064	1603	204	0.127261	5477	702	0.128172	4927	636	0.129085	5513	693	0.125703	1140	175	0.153509	2044	334	0.163405	413	103	0.249395
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56476474	5588	685	0.122584	5295	600	0.113314	5910	615	0.104061	942	77	0.081741	1609	198	0.123058	5568	700	0.125718	5058	640	0.126532	5642	701	0.124247	1157	175	0.151253	2084	335	0.160749	425	103	0.242353
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56438055	42	41	0.97619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	41	0.931818	96	94	0.979167	41	37	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	40	1
XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56435807	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	57	53	0.929825	11	7	0.636364	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A

XM_00652 19280	Ptprs	chr17	56412427	56438055	42	41	0.97619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	41	0.931818	96	94	0.979167	41	37	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	40	1
XM_00652 19326	Rab11b	chr17	33746597	33760341	1514	11	0.007266	1308	3	0.002294	1521	14	0.009204	299	0	0	474	4	0.008439	1921	4	0.002082	1474	6	0.004071	1525	11	0.007213	676	1	0.001479	750	1	0.001333	125	0	0
XM_00652 19328	Rab12	chr17	66494512	66505085	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 193736	Zbtb12	chr17	34894838	34896867	4299	325	0.075599	3906	264	0.067588	4539	321	0.07072	357	0	0	792	53	0.066919	5368	425	0.079173	4243	299	0.070469	4763	366	0.076842	1072	119	0.111007	990	75	0.075758	140	28	0.2
XM_00652 193796	Kdm4b	chr17	56326014	56403769	2309	13	0.00563	2423	12	0.004953	2320	18	0.007759	497	1	0.002012	826	2	0.002421	2410	26	0.010788	2491	15	0.006022	2845	18	0.006327	747	2	0.002677	956	4	0.004184	430	4	0.009302
XM_00652 193796	Kdm4b	chr17	56326014	56403769	2309	13	0.00563	2423	12	0.004953	2320	18	0.007759	497	1	0.002012	826	2	0.002421	2410	26	0.010788	2491	15	0.006022	2845	18	0.006327	747	2	0.002677	956	4	0.004184	430	4	0.009302
XM_00652 193796	Kdm4b	chr17	56325970	56403769	2309	13	0.00563	2423	12	0.004953	2320	18	0.007759	497	1	0.002012	826	2	0.002421	2410	26	0.010788	2491	15	0.006022	2845	18	0.006327	747	2	0.002677	956	4	0.004184	430	4	0.009302
XM_00652 193796	Kdm4b	chr17	56326014	56403769	2309	13	0.00563	2423	12	0.004953	2320	18	0.007759	497	1	0.002012	826	2	0.002421	2410	26	0.010788	2491	15	0.006022	2845	18	0.006327	747	2	0.002677	956	4	0.004184	430	4	0.009302
XM_00652 193796	Kdm4b	chr17	56326014	56403769	2309	13	0.00563	2423	12	0.004953	2320	18	0.007759	497	1	0.002012	826	2	0.002421	2410	26	0.010788	2491	15	0.006022	2845	18	0.006327	747	2	0.002677	956	4	0.004184	430	4	0.009302
XM_00652 193813	Mcfd2	chr17	87254658	87265940	2810	59	0.020996	2338	52	0.022241	2395	49	0.020459	497	11	0.022133	914	13	0.014223	2869	41	0.014291	2810	53	0.018861	2388	59	0.024707	539	2	0.003711	993	23	0.023162	353	10	0.028329
XM_00652 193813	Mcfd2	chr17	87254658	87265940	2810	59	0.020996	2338	52	0.022241	2395	49	0.020459	497	11	0.022133	914	13	0.014223	2869	41	0.014291	2810	53	0.018861	2388	59	0.024707	539	2	0.003711	993	23	0.023162	353	10	0.028329
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882473	36889779	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882473	36890157	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882473	36890070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882473	36890070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882473	36890126	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882471	36890150	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 195359	Trim40	chr17	36882474	36889778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19732	Rgl2	chr17	33930448	33937687	3292	42	0.012758	3554	40	0.011255	3661	24	0.006556	554	0	0	801	4	0.004994	4015	43	0.01071	3873	40	0.010328	4276	24	0.005613	834	21	0.02518	1230	20	0.01626	312	0	0
XM_00652 19743	Rhag	chr17	40811099	40836455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19743	Rhag	chr17	40811099	40844094	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19765	Ralbp1	chr17	65848415	65884886	3767	76	0.020175	3490	65	0.018625	3931	90	0.022895	921	0	0	1198	27	0.022538	4394	55	0.012517	4097	53	0.012936	3987	56	0.014046	755	5	0.006623	1067	7	0.00656	490	4	0.008163
XM_00652 20230	Satb1	chr17	51738894	51833125	5451	53	0.009723	5582	65	0.011645	6156	68	0.011046	861	14	0.01626	1513	10	0.006609	5254	51	0.009707	5617	85	0.015133	5535	77	0.013911	1151	34	0.02954	1929	14	0.007258	381	5	0.013123
XM_00652 20230	Satb1	chr17	51738894	51829750	117	42	0.358974	104	29	0.278846	129	45	0.348837	49	19	0.387755	100	23	0.23	157	86	0.547771	176	71	0.403409	96	54	0.5625	62	20	0.322581	110	39	0.354545	42	13	0.309524
XM_00652 20230	Satb1	chr17	51738894	51833288	4807	40	0.008321	4935	51	0.010334	5434	62	0.01141	691	12	0.017366	1347	10	0.007424	4604	43	0.00934	4886	73	0.014941	4938	50	0.010126	970	21	0.021649	1667	10	0.005999	301	3	0.009967
XM_00652 20230	Satb1	chr17	51739898	51812511	6605	95	0.014383	7316	96	0.013122	7914	110	0.013899	983	13	0.013225	1717	24	0.013978	6678	97	0.014525	6721	243	0.036155	7442	115	0.015453	1610	142	0.088199	2296	51	0.022213	281	8	0.02847
XM_00652 20359	Sema6b	chr17	56123085	56139058	1122	171	0.152406	966	146	0.151139	1352	174	0.128698	177	36	0.20339	202	85	0.420792	1241	159	0.128122	1258	134	0.106518	1101	195	0.177112	305	85	0.278689	339	118	0.348083	84	50	0.595238
XM_00652 20472	Six2	chr17	85684267	85688045	8681	236	0.027186	8814	197	0.022351	9963	223	0.022383	1331	25	0.018783	2684	68	0.025335	8234	220	0.026718	7283	253	0.034738	8119	221	0.02722	1965	44	0.022392	2922	98	0.033539	757	15	0.019815
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81671678	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	12	1	0.083333	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	14	2	0.142857	12	3	0.25	15	3	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 20541	Slc8a1	chr17	81373105	81670783	2337	39	0.016688	2768	38	0.013728	2934	33	0.011247	284	12	0.042254	917	8	0.008724	1987	83	0.041772	2051	109	0.053145	2121	120	0.056577	380	27	0.071053	677	32	0.047267	250	6	0.024
XM_00652 207209	Ccdc154	chr17	25162175	25171899	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	25	19	0.76	25	13	0.52	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 207209	Ccdc154	chr17	25162175	25171899	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	25	19	0.76	25	13	0.52	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 207209	Ccdc154	chr17	25162175	25171169	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	25	19	0.76	25	13	0.52	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 207209	Ccdc154	chr17	25163793	25171899	10	8	0.8	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	51	32	0.627451	49	31	0.632653	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 207209	Ccdc154	chr17	25162175	25170203	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	25	19	0.76	25	13	0.52	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 207209	Ccdc154	chr17	25162175	25170128	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	25	19	0.76	25	13	0.52	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 207819	Bnip5	chr17	28895274	28915336	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 20807	Srf	chr17	46546838	46558267	381	353	0.926509	370	340	0.918919	360	336	0.933333	90	86	0.955556	163	150	0.920245	420	391	0.930952	293	245	0.836177	331	278	0.839879	151	126	0.834437	159	130	0.81761	67	57	0.850746
XM_00652 20815	Srpk1	chr17	28591308	28622527	3290	18	0.005471	3338	38	0.011384	3206	18	0.005614	810	3	0.003704	1156	1	0.000865	3484	27	0.00775	2964	19	0.00641	3281	17	0.005181	837	4	0.004779	926	1	0.00108	302	4	0.013245
XM_00652 208285	Cyp4f17	chr17	32506596	32529714	499	18	0.036072	546	5	0.009158	524	4	0.007634	108	1	0.009259	233	2	0.008584	572	11	0.019231	537	7	0.013035	495	13	0.026263	104	4	0.038462	221	3	0.013575	56	0	0
XM_00652 208285	Cyp4f17	chr17	32506192	32528809	499	18	0.036072	546	5	0.009158	524	4	0.007634	108	1	0.009259	233	2	0.008584	572	11	0.019231	537	7	0.013035	495	13	0.026263	104	4	0.038462	221	3	0.013575	56	0	0
XM_00652 208285	Cyp4f17	chr17	32506192	32529714	499	18	0.036072	546	5	0.009158	524	4	0.007634	108	1	0.009259	233	2	0.008584	572	11	0.019231	537	7	0.013035	495	13	0.026263	104	4	0.038462	221	3	0.013575	56	0	0
XM_00652 208285	Cyp4f17	chr17	32506192	32528810	499	18	0.036072	546	5	0.009158	524	4	0.007634	108	1	0.009259	233	2	0.008584	572	11	0.019231	537	7	0.013035	495	13	0.026263	104	4	0.038462	221	3	0.013575	56	0	0
XM_00652 208285	Cyp4f17	chr17	32506192	32528810	499	18	0.036072	546	5	0.009158	524	4	0.007634	108	1	0.009259	233	2	0.008584	572	11	0.019231	537	7	0.013035	495	13	0.026263	104	4	0.038462	221	3	0.013575	56	0	0
XM_00652 210510	Tdrd6	chr17	43615334	43631846	72	67	0.930556	142	136	0.957746	82	78	0.95122	24	24	1	46	46	1	106	101	0.95283	100	77	0.77	96	94	0.979167	#N/A	#N/A	#N/A	50	44	0.88	26	24	0.923077
XM_00652 210510	Tdrd6	chr17	43615334	43631846	72	67	0.930556	142	136	0.957746	82	78	0.95122	24	24	1	46	46	1	106	101	0.95283	100	77	0.77	96	94	0.979167	#N/A	#N/A	#N/A	50	44	0.88	26	24	0.923077
XM_00652 210573	Tmem151b	chr17	45541953	45547989	3648	185	0.050713	3367	150	0.04455	3954	203	0.05134	535	42	0.078505	1091	87	0.079743	3589	271	0.075508	2988	79	0.026439	3267	149	0.045608	901	50	0.055494	1019	59	0.0579	129	19	0.147287
XM_00652 210982	Bicral	chr17	46798150	46833662	36	33	0.916667	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	62	55	0.887097	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 210982	Bicral	chr17	46798268	46832385	132	123	0.931818	184	171	0.929348	124	120	0.967742	59	58	0.983051	69	62	0.898551	165	155	0.939394	161	152	0.944099	149	137	0.919463	69	65	0.942029	70	63	0.9	67	60	0.895522
XM_00652 210982	Bicral	chr17	46798150	46890388	1760	5	0.002841	1406	9	0.006401	1578	14	0.008872	206	0	0	521	2	0.003839	2047	6	0.002931	1532	13	0.008486	1531	5	0.003266	326	1	0.003067	361	4	0.01108	58	0	0
XM_00652 210982	Bicral	chr17	46798268	46832368	132	123	0.931818	184	171	0.929348	124	120	0.967742	59	58	0.983051	69	62	0.898551	165	155	0.939394	161	152	0.944099	149	137	0.919463	69	65	0.942029	70	63	0.9	67	60	0.895522
XM_00652 210982	Bicral	chr17	46798150	46833294	36	33	0.916667	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	62	55	0.887097	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 211482	Efhb	chr17	53398048	53463334	81	67	0.82716	82	66	0.804878	56	51	0.910714	33	22	0.666667	59	51	0.864407	90	70	0.777778	96	66	0.6875	65	45	0.692308	45	20	0.444444	48	30	0.625	12	12	1
XM_00652 212733	Bicdl2	chr17	23664563	23668486	106	101	0.95283	34	30	0.882353	31	28	0.903226	27	27	1	61	57	0.934426	60	55	0.916667	101	93	0.920792	48	40	0.833333	65	50	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95
XM_00652 213272	Txndc2	chr17	65637507	65642277	45	45	1	51	49	0.960784	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	69	66	0.956522	44	37	0.840909	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 213389	Prdm9	chr17	15543072	15564374	854	131	0.153396	634	132	0.208202	686	126	0.183673	256	35	0.136719	319	53	0.166144	981	103	0.104995	759	96	0.126482	722	141	0.195291	433	73	0.168591	342	24	0.070175	105	9	0.085714
XM_00652 213389	Prdm9	chr17	15543072	15562781	711	111	0.156118	489	79	0.161554	525	83	0.158095	247	46	0.186235	255	38	0.14902	825	79	0.095758	596	58	0.097315	578	93	0.1609	363	53	0.146006	300	31	0.103333	69	9	0.130435
XM_00652 213389	Prdm9	chr17	15543072	15564373	854	131	0.153396	634	132	0.208202	686	126	0.183673	256	35	0.136719	319	53	0.166144	981	103	0.104995	759	96	0.126482	722	141	0.195291	433	73	0.168591	342	24	0.070175	105	9	0.085714
XM_00652 213556	Plekhh2	chr17	84512204	84622143	3518	82	0.023309	3467	76	0.021921	3866	81	0.020952	634	18	0.028391	1307	35	0.026779	3440	62	0.018023	3122	107	0.034273	2982	70	0.023474	1134	55	0.048501	1227	11	0.008965	573	5	0.008726
XM_00652 213556	Plekhh2	chr17	84546762	84622143	33	19	0.575758	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	31	0.607843	#N/A	#N/A	#N/A	39	17	0.435897	42	30	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 213556	Plekhh2	chr17	84547482	84622143	33	19	0.575758	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	31	0.607843	#N/A	#N/A	#N/A	39	17	0.435897	42	30	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 213753	Zfp598	chr17	24677093	24682016	451	424	0.940133	483	464	0.960663	476	444	0.932773	118	107	0.90678	175	170	0.971429	457	416	0.910284	487	448	0.919918	639	567	0.887324	162	146	0.901235	275	255	0.927273	20	19	0.95
XM_00652 213760	Prepl	chr17	85062511	85090504	2269	16	0.007052	1793	8	0.004462	2014	11	0.005462	450	8	0.017778	1026	8	0.007797	2320	15	0.006466	1893	14	0.007396	1910	5	0.002618	602	1	0.001661	794	9	0.011335	266	4	0.015038
XM_00652 21425	Tfeb	chr17	47769197	47792416	215	133	0.618605	286	191	0.667832	221	180	0.81448	34	27	0.794118	130	80	0.615385	340	199	0.585294	192	109	0.567708	243	187	0.769547	68	47	0.691176	136	96	0.705882	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 21425	Tfeb	chr17	47759180	47792416	242	195	0.805785	155	125	0.806452	160	120	0.75	48	28	0.583333	26	22	0.846154	247	217	0.878543	193	163	0.84456	199	157	0.788945	22	17	0.772727	68	58	0.852941	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 21425	Tfeb	chr17	47754465	47792416	103	82	0.796117	82	56	0.682927	70	45	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	106	90	0.849057	122	100	0.819672	92	68	0.73913	103	87	0.84466	43	40	0.930233	79	66	0.835443	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 21425	Tfeb	chr17	47747050	47792416	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 21463	Tcp11	chr17	28066751	28080726	2589	105	0.040556	2410	69	0.028631	2672	102	0.038174	449	18	0.040089	1153	41	0.035559	2525	95	0.037624	2125	78	0.036706	2270	50	0.022026	514	18	0.035019	967	6	0.006205	227	18	0.079295
XM_00652 21463	Tcp11	chr17	28066751	28080536	2589	105	0.040556	2410	69	0.028631	2672	102	0.038174	449	18	0.040089	1153	41	0.035559	2540	95	0.037402	2125	78	0.036706	2270	50	0.022026	514	18	0.035019	967	6	0.006205	227	18	0.079295
XM_00652 21463	Tcp11	chr17	28066751	28079713	2669	146	0.054702	2486	118	0.047466	2760	161	0.058333	449	18	0.040089	1153	41	0.035559	2608	139	0.053298	2207	149	0.067512	2356	104	0.044143	514	18	0.035019	989	20	0.020222	227	18	0.079295
XM_00652 21463	Tcp11	chr17	28066751	28079928	2703	175	0.064743	2486	118	0.047466	2760	161	0.058333	449	18	0.040089	1153	41	0.035559	2640	168	0.063636	2227	165	0.074091	2356	104	0.044143	514	18	0.035019	989	20	0.020222	227	18	0.079295
XM_00652 214901	Chtf18	chr17	25719030	25727434	94	89	0.946809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	63	61	0.968254	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	70	39	0.557143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 215445	Rab11fip3	chr17	25989036	26070077	2698	96	0.035582	2781	69	0.024811	3001	89	0.029657	532	2	0.003759	740	62	0.083784	2298	87	0.037859	1761	57	0.032368	2425	41	0.016907	631	35	0.055468	995	41	0.041206	277	1	0.00361
XM_00652 21769	Zfand3	chr17	30060374	30210020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 21784	Tff1	chr17	31161395	31165060	287	197	0.686411	198	132	0.666667	384	266	0.692708	93	62	0.666667	168	130	0.77381	338	270	0.798817	274	138	0.50365	251	170	0.677291	136	95	0.698529	123	81	0.658537	87	62	0.712644
XM_00652 21815	Tgif1	chr17	70844211	70850865	2341	9	0.003845	2257	11	0.004874	2171	5	0.002303	190	1	0.005263	431	2	0.00464	2509	12	0.004783	2074	24	0.011572	2466	10	0.004055	437	1	0.002288	681	9	0.013216	109	0	0
XM_00652 21815	Tgif1	chr17	70844211	70850865	2341	9	0.003845	2257	11	0.004874	2171	5	0.002303	190	1	0.005263	431	2	0.00464	2509	12	0.004783	2074	24	0.011572	2466	10	0.004055	437	1	0.002288	681	9	0.013216	109	0	0
XM_00652 21950	Tnfsf9	chr17	57105287	57107758	504	7	0.013889	376	9	0.023936	552	15	0.027174	30	1	0.033333	171	4	0.023392	483	5	0.010352	436	7	0.016055	444	5	0.011261	251	2	0.007968	70	0	0	40	0	0
XM_00652 22024	Crisp2	chr17	40764734	40794130	10	8	0.8	10	7	0.7	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	22	4	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22084	Tsc2	chr17	24596481	24632633	142	17	0.119718	67	6	0.089552	65	9	0.138462	#N/A	#N/A	#N/A	44	10	0.227273	155	14	0.090323	145	10	0.068966	47	21	0.446809	40	8	0.2	31	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22084	Tsc2	chr17	24596481	24632633	142	17	0.119718	67	6	0.089552	65	9	0.138462	#N/A	#N/A	#N/A	44	10	0.227273	155	14	0.090323	145	10	0.068966	47	21	0.446809	40	8	0.2	31	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22196	Ube2i	chr17	25260510	25275799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32389120	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32389120	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32388534	846	7	0.008274	749	15	0.020027	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	819	16	0.019536	829	6	0.007238	875	3	0.003429	222	7	0.031532	309	16	0.05178	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32389120	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32389434	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32389120	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32388581	846	7	0.008274	749	15	0.020027	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	819	16	0.019536	829	6	0.007238	875	3	0.003429	222	7	0.031532	309	16	0.05178	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32389434	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32354047	32364687	3833	15	0.003913	3519	19	0.005399	4227	33	0.007807	762	4	0.005249	999	2	0.002002	3813	21	0.005507	3950	25	0.006329	3932	16	0.004069	1008	2	0.001984	1937	5	0.002581	80	0	0
XM_00652 22404	Wiz	chr17	32374299	32389120	846	7	0.008274	739	5	0.006766	826	9	0.010896	30	0	0	264	2	0.007576	808	5	0.006188	829	6	0.007238	875	3	0.003429	210	2	0.009524	293	0	0	33	0	0
XM_00652 224613	Flywch1	chr17	23752797	23774530	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	1	0.02
XM_00652 224613	Flywch1	chr17	23752797	23766403	#N/A	#N/A	#N/A	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	62	58	0.935484	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224650	Anks1	chr17	27909304	28062775	3802	17	0.004471	3467	27	0.007788	4178	18	0.004308	557	0	0	1427	7	0.004905	4579	33	0.007207	3880	18	0.004639	3832	18	0.004697	783	1	0.001277	1216	3	0.002467	439	2	0.004556
XM_00652 224650	Anks1	chr17	27909304	28062775	3802	17	0.004471	3467	27	0.007788	4178	18	0.004308	557	0	0	1427	7	0.004905	4579	33	0.007207	3880	18	0.004639	3832	18	0.004697	783	1	0.001277	1216	3	0.002467	439	2	0.004556
XM_00652 224650	Anks1	chr17	27910936	28062775	2678	14	0.005228	2514	22	0.008751	3196	10	0.003129	332	0	0	777	3	0.003861	3248	23	0.007081	2917	13	0.004457	2738	9	0.003287	519	1	0.001927	814	3	0.003686	92	0	0
XM_00652 224650	Anks1	chr17	27909304	28062775	3802	17	0.004471	3467	27	0.007788	4178	18	0.004308	557	0	0	1427	7	0.004905	4579	33	0.007207	3880	18	0.004639	3832	18	0.004697	783	1	0.001277	1216	3	0.002467	439	2	0.004556
XM_00652 224650	Anks1	chr17	28007481	28062599	1247	394	0.315958	1008	203	0.201389	1131	390	0.344828	220	58	0.263636	272	93	0.341912	1329	486	0.365688	1107	448	0.404697	1179	593	0.502969	213	143	0.671362	387	200	0.516796	39	18	0.461538
XM_00652 224671	Btbd9	chr17	30215526	30582621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224671	Btbd9	chr17	30471621	30582621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224671	Btbd9	chr17	30508303	30582621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224674	Slc37a1	chr17	31295135	31350709	1121	29	0.02587	1178	24	0.020374	1271	43	0.033832	103	8	0.07767	446	13	0.029148	1162	18	0.015491	1052	12	0.011407	1102	19	0.017241	232	0	0	411	5	0.012165	106	1	0.009434
XM_00652 224674	Slc37a1	chr17	31319752	31350709	315	237	0.752381	248	199	0.802419	272	198	0.727941	70	54	0.771429	113	95	0.840708	304	258	0.848684	269	187	0.695167	292	220	0.753425	116	74	0.637931	144	131	0.909722	40	38	0.95
XM_00652 224697	Adamts10	chr17	33523646	33551343	1077	90	0.083565	821	86	0.10475	863	74	0.085747	174	8	0.045977	262	28	0.10687	1100	84	0.076364	778	50	0.064267	875	57	0.065143	399	23	0.057644	288	13	0.045139	172	2	0.011628
XM_00652 224727	Bag6	chr17	35135648	35147309	3096	41	0.013243	2736	33	0.012061	3164	49	0.015487	690	2	0.002899	1140	1	0.000877	2903	33	0.011368	2743	63	0.022968	2922	46	0.015743	948	11	0.011603	1285	15	0.011673	295	2	0.00678
XM_00652 224727	Bag6	chr17	35135648	35147309	3096	41	0.013243	2736	33	0.012061	3164	49	0.015487	690	2	0.002899	1140	1	0.000877	2903	33	0.011368	2743	63	0.022968	2922	46	0.015743	948	11	0.011603	1285	15	0.011673	295	2	0.00678
XM_00652 224727	Bag6	chr17	35135685	35147309	3065	13	0.004241	2715	14	0.005157	3139	25	0.007964	690	2	0.002899	1140	1	0.000877	2870	10	0.003484	2716	37	0.013623	2894	20	0.006911	938	2	0.002132	1268	2	0.001577	295	2	0.00678
XM_00652 224727	Bag6	chr17	35135464	35147321	3218	161	0.050031	2819	113	0.040085	3258	140	0.042971	690	2	0.002899	1151	11	0.009557	3037	154	0.050708	2849	163	0.057213	3030	147	0.048515	978	35	0.035787	1349	75	0.055597	295	2	0.00678
XM_00652 224727	Bag6	chr17	35135156	35147309	3218	161	0.050031	2819	113	0.040085	3258	140	0.042971	690	2	0.002899	1151	11	0.009557	3037	154	0.050708	2849	163	0.057213	3030	147	0.048515	978	35	0.035787	1349	75	0.055597	295	2	0.00678
XM_00652 224727	Bag6	chr17	35135364	35147309	3218	161	0.050031	2819	113	0.040085	3258	140	0.042971	690	2	0.002899	1151	11	0.009557	3037	154	0.050708	2849	163	0.057213	3030	147	0.048515	978	35	0.035787	1349	75	0.055597	295	2	0.00678
XM_00652 224792	Adgrf5	chr17	43389083	43456763	62	23	0.370968	46	14	0.304348	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	36	14	0.388889	53	16	0.301887	45	18	0.4	52	26	0.5	41	14	0.341463	32	16	0.5	12	0	0
XM_00652 224792	Adgrf5	chr17	43360329	43456598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224792	Adgrf5	chr17	43389083	43456763	62	23	0.370968	46	14	0.304348	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	36	14	0.388889	53	16	0.301887	45	18	0.4	52	26	0.5	41	14	0.341463	32	16	0.5	12	0	0
XM_00652 224792	Adgrf5	chr17	43389185	43456598	62	23	0.370968	46	14	0.304348	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	36	14	0.388889	53	16	0.301887	45	18	0.4	52	26	0.5	41	14	0.341463	32	16	0.5	12	0	0
XM_00652 224792	Adgrf5	chr17	43360330	43456598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224792	Adgrf5	chr17	43389083	43456465	62	23	0.370968	46	14	0.304348	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	36	14	0.388889	53	16	0.301887	45	18	0.4	52	26	0.5	41	14	0.341463	32	16	0.5	12	0	0
XM_00652 224794	Enpp4	chr17	44096307	44105607	2470	69	0.027935	2179	20	0.009179	2259	7	0.003099	418	3	0.007177	915	2	0.002186	2581	61	0.023634	2403	45	0.018727	1840	25	0.013587	973	10	0.010277	1215	4	0.003292	467	0	0
XM_00652 224796	Clic5	chr17	44134762	44280169	224	73	0.325893	172	38	0.22093	229	56	0.244541	#N/A	#N/A	#N/A	99	35	0.353535	261	100	0.383142	169	37	0.218935	160	41	0.25625	81	12	0.148148	44	13	0.295455	33	5	0.151515
XM_00652 224807	Tmem63b	chr17	45660172	45686343	2318	12	0.005177	1993	11	0.005519	2021	14	0.006927	542	2	0.00369	849	2	0.002356	2338	20	0.008554	2085	11	0.005276	2471	13	0.005261	796	5	0.006281	799	12	0.015019	219	0	0
XM_00652 224807	Tmem63b	chr17	45660172	45680641	32	5	0.15625	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	8	0.228571	38	17	0.447368	35	14	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224807	Tmem63b	chr17	45660540	45686343	2318	12	0.005177	1993	11	0.005519	2021	14	0.006927	542	2	0.00369	849	2	0.002356	2338	20	0.008554	2085	11	0.005276	2471	13	0.005261	796	5	0.006281	799	12	0.015019	219	0	0
XM_00652 224807	Tmem63b	chr17	45660172	45686343	2318	12	0.005177	1993	11	0.005519	2021	14	0.006927	542	2	0.00369	849	2	0.002356	2338	20	0.008554	2085	11	0.005276	2471	13	0.005261	796	5	0.006281	799	12	0.015019	219	0	0
XM_00652 224826	Ubr2	chr17	46928291	46981261	298	285	0.956376	345	332	0.962319	342	329	0.961988	115	110	0.956522	170	167	0.982353	316	308	0.974684	344	328	0.953488	273	262	0.959707	56	54	0.964286	118	106	0.898305	40	38	0.95
XM_00652 224840	Treml4	chr17	48264200	48275607	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224840	Treml4	chr17	48264202	48275607	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224840	Treml4	chr17	48264206	48275607	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224860	Plcl2	chr17	50509093	50688489	7346	40	0.005445	7148	41	0.005736	7511	69	0.009187	1039	2	0.001925	2475	2	0.000808	7647	45	0.005885	6909	43	0.006224	6711	61	0.00909	2257	11	0.004874	2390	11	0.004603	347	6	0.017291
XM_00652 224860	Plcl2	chr17	50508865	50688489	6788	38	0.005598	6474	38	0.00587	6909	63	0.009119	899	2	0.002225	2230	2	0.000897	7032	44	0.006257	6332	38	0.006001	6173	56	0.009072	2090	9	0.004306	2087	10	0.004792	347	6	0.017291
XM_00652 224860	Plcl2	chr17	50509070	50688489	7346	40	0.005445	7148	41	0.005736	7511	69	0.009187	1039	2	0.001925	2475	2	0.000808	7647	45	0.005885	6909	43	0.006224	6711	61	0.00909	2257	11	0.004874	2390	11	0.004603	347	6	0.017291
XM_00652 224860	Plcl2	chr17	50509190	50688491	7346	40	0.005445	7148	41	0.005736	7511	69	0.009187	1039	2	0.001925	2475	2	0.000808	7647	45	0.005885	6909	43	0.006224	6711	61	0.00909	2257	11	0.004874	2390	11	0.004603	347	6	0.017291
XM_00652 224897	Dpp9	chr17	56186679	56218700	2481	206	0.083031	2588	115	0.044436	2916	168	0.057613	218	0	0	841	49	0.058264	2680	175	0.065299	2275	124	0.054505	2636	121	0.045903	531	5	0.009416	1075	111	0.103256	253	15	0.059289
XM_00652 224902	Safb2	chr17	56560971	56584671	6177	22	0.003562	6023	34	0.005645	6394	41	0.006412	875	1	0.001143	2068	6	0.002901	7341	43	0.005858	5349	22	0.004113	6109	33	0.005402	2116	6	0.002836	2478	14	0.00565	732	0	0
XM_00652 224902	Safb2	chr17	56560972	56584533	6177	22	0.003562	6023	34	0.005645	6394	41	0.006412	875	1	0.001143	2068	6	0.002901	7341	43	0.005858	5349	22	0.004113	6109	33	0.005402	2116	6	0.002836	2478	14	0.00565	732	0	0
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	69969598	70821408	4703	97	0.020625	4760	107	0.022479	5497	93	0.016918	1156	10	0.008651	1717	44	0.025626	5228	394	0.075363	4941	429	0.086825	4384	181	0.041286	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	485	69	0.142268
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	69969598	70821408	4703	97	0.020625	4760	107	0.022479	5497	93	0.016918	1156	10	0.008651	1717	44	0.025626	5228	394	0.075363	4941	429	0.086825	4384	181	0.041286	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	485	69	0.142268
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	69969598	70821408	4703	97	0.020625	4760	107	0.022479	5497	93	0.016918	1156	10	0.008651	1717	44	0.025626	5228	394	0.075363	4941	429	0.086825	4384	181	0.041286	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	485	69	0.142268
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	69969598	70821408	4703	97	0.020625	4760	107	0.022479	5497	93	0.016918	1156	10	0.008651	1717	44	0.025626	5228	394	0.075363	4941	429	0.086825	4384	181	0.041286	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	485	69	0.142268
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	69969402	70821408	4617	90	0.019493	4717	99	0.020988	5421	86	0.015864	1156	10	0.008651	1687	42	0.024896	5127	387	0.075483	4853	417	0.085926	4334	178	0.041071	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	473	69	0.145877
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	69969598	70821408	4703	97	0.020625	4760	107	0.022479	5497	93	0.016918	1156	10	0.008651	1717	44	0.025626	5228	394	0.075363	4941	429	0.086825	4384	181	0.041286	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	485	69	0.142268
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70521673	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70521665	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70561663	70821408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70576586	70821408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70521815	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70521665	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70561538	70821408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 224997	Dlgap1	chr17	70521815	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 225004	Pcare	chr17	71743919	71752731	126	117	0.928571	176	151	0.857955	194	173	0.891753	27	23	0.851852	149	129	0.865772	119	103	0.865546	123	105	0.853659	186	152	0.817204	12	8	0.666667	85	52	0.611765	#N/A	#N/A	#N/A

XM_00652 225027	Srsf7	chr17	80200080	80207307	2950	13	0.004407	2722	11	0.004041	3271	24	0.007337	322	1	0.003106	877	3	0.003421	3430	15	0.004373	2792	12	0.004298	2767	14	0.00506	939	12	0.01278	1086	4	0.003683	106	0	0
XM_00652 225028	Map4k3	chr17	80580514	80728806	2133	39	0.018284	2428	18	0.007414	2392	9	0.003763	226	1	0.004425	689	9	0.013062	2351	50	0.021268	2517	20	0.007946	2693	21	0.007798	419	3	0.00716	828	4	0.004831	236	1	0.004237
XM_00652 225028	Map4k3	chr17	80580514	80728806	2133	39	0.018284	2428	18	0.007414	2392	9	0.003763	226	1	0.004425	689	9	0.013062	2351	50	0.021268	2517	20	0.007946	2693	21	0.007798	419	3	0.00716	828	4	0.004831	236	1	0.004237
XM_00652 225028	Map4k3	chr17	80580514	80728806	2133	39	0.018284	2428	18	0.007414	2392	9	0.003763	226	1	0.004425	689	9	0.013062	2351	50	0.021268	2517	20	0.007946	2693	21	0.007798	419	3	0.00716	828	4	0.004831	236	1	0.004237
XM_00652 225028	Map4k3	chr17	80580514	80728806	2133	39	0.018284	2428	18	0.007414	2392	9	0.003763	226	1	0.004425	689	9	0.013062	2351	50	0.021268	2517	20	0.007946	2693	21	0.007798	419	3	0.00716	828	4	0.004831	236	1	0.004237
XM_00652 225028	Map4k3	chr17	80580514	80728806	2133	39	0.018284	2428	18	0.007414	2392	9	0.003763	226	1	0.004425	689	9	0.013062	2351	50	0.021268	2517	20	0.007946	2693	21	0.007798	419	3	0.00716	828	4	0.004831	236	1	0.004237
XM_00652 225028	Map4k3	chr17	80580514	80680911	91	37	0.406593	76	24	0.315789	77	14	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	77	47	0.61039	98	42	0.428571	81	11	0.135802	90	36	0.4	58	13	0.224138	54	17	0.314815	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 225030	Kcng3	chr17	83574023	83631995	6590	116	0.017602	7759	112	0.014435	7760	102	0.013144	679	16	0.023564	1329	10	0.007524	6056	84	0.013871	5922	149	0.02516	7203	144	0.019992	1376	20	0.014535	1662	30	0.018051	232	15	0.064655
XM_00652 225049	Ttc7	chr17	87282808	87381769	4960	30	0.006048	4561	27	0.00592	5626	40	0.00711	1064	4	0.003759	2017	8	0.003966	5831	47	0.00806	5052	41	0.008116	5672	28	0.004937	1503	3	0.001996	2059	10	0.004857	750	4	0.005333
XM_00652 225049	Ttc7	chr17	87282808	87350172	4960	30	0.006048	4561	27	0.00592	5626	40	0.00711	1064	4	0.003759	2017	8	0.003966	5831	47	0.00806	5052	41	0.008116	5672	28	0.004937	1503	3	0.001996	2059	10	0.004857	750	4	0.005333
XM_00652 22654	Zfp13	chr17	23569846	23586267	206	2	0.009709	195	6	0.030769	242	2	0.008264	37	0	0	122	1	0.008197	284	5	0.017606	261	18	0.068966	233	8	0.034335	77	0	0	113	1	0.00885	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22654	Zfp13	chr17	23569846	23599755	61	26	0.42623	39	19	0.487179	43	14	0.325581	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	48	21	0.4375	79	27	0.341772	44	24	0.545455	24	10	0.416667	19	9	0.473684	15	10	0.666667
XM_00652 22654	Zfp13	chr17	23569846	23586266	206	2	0.009709	195	6	0.030769	242	2	0.008264	37	0	0	122	1	0.008197	284	5	0.017606	261	18	0.068966	233	8	0.034335	77	0	0	113	1	0.00885	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22670	Trim26	chr17	36837123	36859398	2456	12	0.004886	2729	19	0.006962	2542	17	0.006688	277	1	0.00361	860	3	0.003488	2494	19	0.007618	2761	14	0.005071	2642	12	0.004542	349	1	0.002865	641	1	0.00156	60	0	0
XM_00652 22670	Trim26	chr17	36837123	36859398	2456	12	0.004886	2729	19	0.006962	2542	17	0.006688	277	1	0.00361	860	3	0.003488	2494	19	0.007618	2761	14	0.005071	2642	12	0.004542	349	1	0.002865	641	1	0.00156	60	0	0
XM_00652 22715	Zfp57	chr17	37002502	37010727	888	19	0.021396	1026	35	0.034113	865	40	0.046243	142	5	0.035211	331	17	0.05136	1073	53	0.049394	663	43	0.064857	795	33	0.041509	290	2	0.006897	237	0	0	50	0	0
XM_00652 23969	Pacsin1	chr17	27685123	27711118	2774	356	0.128335	2774	368	0.13266	3016	347	0.115053	297	82	0.276094	850	132	0.155294	2920	258	0.088356	2446	264	0.107931	2868	333	0.116109	654	68	0.103976	845	129	0.152663	262	15	0.057252
XM_00652 240025	Dact2	chr17	14195230	14204327	1925	26	0.013506	2136	26	0.012172	2357	39	0.016546	573	5	0.008726	628	4	0.006369	2439	103	0.04223	2122	53	0.024976	2464	107	0.043425	764	48	0.062827	831	18	0.021661	371	8	0.021563
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941256	26968799	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941256	26968799	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941212	26968799	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941599	26968799	1688	19	0.011256	1564	14	0.008951	1726	31	0.017961	414	1	0.002415	811	3	0.003699	1653	15	0.009074	1520	8	0.005263	1532	7	0.004569	470	0	0	764	1	0.001309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26950120	26968799	3306	56	0.016939	4210	55	0.013064	3845	48	0.012484	630	7	0.011111	1156	28	0.024221	3998	54	0.013507	3175	47	0.014803	3561	45	0.012637	1111	11	0.009901	1045	18	0.017225	161	2	0.012422
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941256	26972434	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941409	26968799	2521	23	0.009123	2220	17	0.007658	2475	34	0.013737	502	1	0.001992	1115	4	0.003587	2428	21	0.008649	2157	12	0.005563	2315	8	0.003456	800	1	0.00125	1118	1	0.000894	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26948923	26968799	3306	56	0.016939	4210	55	0.013064	3845	48	0.012484	630	7	0.011111	1156	28	0.024221	3998	54	0.013507	3175	47	0.014803	3561	45	0.012637	1111	11	0.009901	1045	18	0.017225	161	2	0.012422
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941256	26968799	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26948401	26968799	5131	74	0.014422	5645	62	0.010983	5498	60	0.010913	1212	22	0.018152	1822	32	0.017563	6023	100	0.016603	4535	50	0.011025	5166	55	0.010647	1763	17	0.009643	1699	10	0.005886	336	5	0.014881
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941256	26972434	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26941256	26970583	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_00652 240057	Syngap1	chr17	26957155	26968799	99	89	0.89899	99	95	0.959596	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	38	33	0.868421	161	144	0.89441	108	96	0.888889	60	59	0.983333	118	103	0.872881	65	60	0.923077	10	9	0.9
XM_00652 240058	Cpne5	chr17	29157908	29210184	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 240066	Zfp870	chr17	32879221	32891641	72	2	0.027778	20	0	0	22	2	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	48	2	0.041667	124	7	0.056452	123	0	0	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	33	1	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 240068	Zfp563	chr17	33090873	33110707	1062	5	0.004708	988	5	0.005061	1102	12	0.010889	252	6	0.02381	268	7	0.026119	1018	12	0.011788	971	7	0.007209	960	9	0.009375	364	5	0.013736	368	4	0.01087	74	0	0
XM_00652 240068	Zfp563	chr17	33091101	33110707	1062	5	0.004708	975	4	0.004103	1102	12	0.010889	252	6	0.02381	268	7	0.026119	1018	12	0.011788	971	7	0.007209	960	9	0.009375	364	5	0.013736	368	4	0.01087	74	0	0
XM_00652 240069	Morc2b	chr17	33135588	33140855	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 240069	Morc2b	chr17	33135588	33140855	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 240087	Mdc1	chr17	35841674	35859670	2209	109	0.049344	1951	110	0.056381	1831	108	0.058984	402	32	0.079602	901	64	0.071032	2488	102	0.040997	1953	72	0.036866	1836	102	0.055556	755	13	0.017219	773	73	0.094437	257	9	0.035019
XM_00652 240087	Mdc1	chr17	35841787	35859670	2179	85	0.039009	1931	95	0.049197	1795	78	0.043454	402	32	0.079602	901	64	0.071032	2456	78	0.031759	1921	52	0.027069	1812	85	0.046909	755	13	0.017219	773	73	0.094437	257	9	0.035019
XM_00652 240087	Mdc1	chr17	35841526	35859670	2209	109	0.049344	1970	128	0.064975	1841	116	0.063009	402	32	0.079602	913	76	0.083242	2513	125	0.049741	1966	80	0.040692	1852	116	0.062635	768	26	0.033854	786	85	0.108142	257	9	0.035019
XM_00652 240087	Mdc1	chr17	35841528	35859670	2209	109	0.049344	1970	128	0.064975	1841	116	0.063009	402	32	0.079602	913	76	0.083242	2513	125	0.049741	1966	80	0.040692	1852	116	0.062635	768	26	0.033854	786	85	0.108142	257	9	0.035019
XM_00652 240087	Mdc1	chr17	35841529	35859670	2209	109	0.049344	1970	128	0.064975	1841	116	0.063009	402	32	0.079602	913	76	0.083242	2513	125	0.049741	1966	80	0.040692	1852	116	0.062635	768	26	0.033854	786	85	0.108142	257	9	0.035019
XM_00652 240119	St6gal2	chr17	55445135	55514581	1952	84	0.043033	1669	69	0.041342	1828	63	0.034464	502	6	0.011952	449	38	0.084633	1741	127	0.072947	1656	204	0.123188	1529	111	0.072596	546	35	0.064103	902	114	0.126386	220	21	0.095455
XM_00652 240119	St6gal2	chr17	55445135	55514581	1952	84	0.043033	1669	69	0.041342	1828	63	0.034464	502	6	0.011952	449	38	0.084633	1741	127	0.072947	1656	204	0.123188	1529	111	0.072596	546	35	0.064103	902	114	0.126386	220	21	0.095455
XM_00652 240119	St6gal2	chr17	55445830	55514581	2085	89	0.042686	1767	78	0.044143	1919	64	0.033351	502	6	0.011952	449	38	0.084633	1867	138	0.073915	1796	214	0.119154	1599	116	0.072545	546	35	0.064103	902	114	0.126386	220	21	0.095455
XM_00652 240119	St6gal2	chr17	55445118	55491000	1876	84	0.044776	1614	67	0.041512	1776	61	0.034347	502	6	0.011952	449	38	0.084633	1669	118	0.070701	1576	191	0.121193	1489	109	0.073203	546	35	0.064103	902	114	0.126386	220	21	0.095455
XM_00652 240168	Rasgrp3	chr17	75435871	75529054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 240168	Rasgrp3	chr17	75435870	75528664	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 240174	Thada	chr17	84191399	84466246	2073	11	0.005306	2114	12	0.005676	2475	13	0.005253	561	3	0.005348	888	1	0.001126	1825	11	0.006027	1626	5	0.003075	1754	13	0.007412	702	2	0.002849	838	4	0.004773	524	3	0.005725
XM_00652 240174	Thada	chr17	84191399	84466246	2073	11	0.005306	2114	12	0.005676	2475	13	0.005253	561	3	0.005348	888	1	0.001126	1825	11	0.006027	1626	5	0.003075	1754	13	0.007412	702	2	0.002849	838	4	0.004773	524	3	0.005725
XM_00652 240174	Thada	chr17	84191399	84466246	2073	11	0.005306	2114	12	0.005676	2475	13	0.005253	561	3	0.005348	888	1	0.001126	1825	11	0.006027	1626	5	0.003075	1754	13	0.007412	702	2	0.002849	838	4	0.004773	524	3	0.005725
XM_00652 260409	Cdc42ep3	chr17	79333950	79355059	4299	69	0.01605	3952	52	0.013158	4433	48	0.010828	946	5	0.005285	1449	19	0.013112	4669	26	0.005569	3991	68	0.017038	3993	60	0.015026	1037	28	0.027001	1797	18	0.010017	687	13	0.018923
XM_00652 26382	Fgd2	chr17	29360906	29379535	394	182	0.461929	343	124	0.361516	267	98	0.367041	145	72	0.496552	149	61	0.409396	328	155	0.472561	225	80	0.355556	324	138	0.425926	108	47	0.435185	153	52	0.339869	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 26382	Fgd2	chr17	29360918	29379535	394	182	0.461929	343	124	0.361516	267	98	0.367041	145	72	0.496552	149	61	0.409396	328	155	0.472561	225	80	0.355556	324	138	0.425926	108	47	0.435185	153	52	0.339869	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268930	Pkmyt1	chr17	23726674	23736735	3209	21	0.006544	3432	14	0.004079	3471	14	0.004033	380	1	0.002632	790	5	0.006329	3562	18	0.005053	3227	17	0.005268	3575	17	0.004755	583	2	0.003431	1010	7	0.006931	133	0	0
XM_00652 268930	Pkmyt1	chr17	23726674	23736735	3209	21	0.006544	3432	14	0.004079	3471	14	0.004033	380	1	0.002632	790	5	0.006329	3562	18	0.005053	3227	17	0.005268	3575	17	0.004755	583	2	0.003431	1010	7	0.006931	133	0	0
XM_00652 268932	Caskin1	chr17	24487897	24508671	2116	99	0.046786	2004	87	0.043413	2115	113	0.053428	143	0	0	336	14	0.041667	2172	123	0.05663	2071	87	0.042009	2275	80	0.035165	65	53	0.815385	518	63	0.121622	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268932	Caskin1	chr17	24501391	24508671	448	394	0.879464	378	338	0.89418	358	318	0.888268	48	45	0.9375	139	117	0.841727	468	396	0.846154	417	329	0.788969	358	283	0.790503	44	33	0.75	143	131	0.916084	38	30	0.789474
XM_00652 268934	Grm4	chr17	27425904	27459677	145	122	0.841379	139	99	0.71223	108	83	0.768519	38	26	0.684211	69	53	0.768116	133	98	0.736842	100	83	0.83	113	54	0.477876	38	22	0.578947	63	33	0.52381	11	8	0.727273
XM_00652 268934	Grm4	chr17	27436316	27512880	7063	143	0.020246	7500	142	0.018933	7546	154	0.020408	1109	24	0.021641	2176	33	0.015165	6824	158	0.023154	5505	138	0.025068	6490	194	0.029892	1472	34	0.023098	2515	56	0.022266	711	28	0.039381
XM_00652 268935	Scube3	chr17	28142100	28174851	5923	175	0.029546	5967	182	0.030501	6886	212	0.030787	1391	45	0.032351	1971	79	0.040081	6634	198	0.029846	5530	194	0.035081	5795	185	0.031924	1436	39	0.027159	2330	83	0.035622	321	27	0.084112
XM_00652 268935	Scube3	chr17	28142100	28174851	5923	175	0.029546	5967	182	0.030501	6886	212	0.030787	1391	45	0.032351	1971	79	0.040081	6634	198	0.029846	5530	194	0.035081	5795	185	0.031924	1436	39	0.027159	2330	83	0.035622	321	27	0.084112
XM_00652 268936	Brpf3	chr17	28801601	28838541	4818	31	0.006434	4985	39	0.007823	5265	46	0.008737	773	1	0.001294	874	17	0.019451	5491	58	0.010563	4918	43	0.008743	5757	26	0.004516	1217	7	0.005752	1683	5	0.002971	422	2	0.004739
XM_00652 268936	Brpf3	chr17	28801126	28838541	4818	31	0.006434	4985	39	0.007823	5265	46	0.008737	773	1	0.001294	874	17	0.019451	5491	58	0.010563	4918	43	0.008743	5757	26	0.004516	1217	7	0.005752	1683	5	0.002971	422	2	0.004739
XM_00652 268936	Brpf3	chr17	28801126	28828435	4818	31	0.006434	4985	39	0.007823	5265	46	0.008737	773	1	0.001294	874	17	0.019451	5491	58	0.010563	4918	43	0.008743	5757	26	0.004516	1217	7	0.005752	1683	5	0.002971	422	2	0.004739
XM_00652 268936	Brpf3	chr17	28801126	28821143	4818	31	0.006434	4985	39	0.007823	5265	46	0.008737	773	1	0.001294	874	17	0.019451	5491	58	0.010563	4918	43	0.008743	5757	26	0.004516	1217	7	0.005752	1683	5	0.002971	422	2	0.004739
XM_00652 268936	Brpf3	chr17	28808495	28838545	296	241	0.814189	251	188	0.749004	248	193	0.778226	#N/A	#N/A	#N/A	90	80	0.888889	221	209	0.945701	171	146	0.853801	270	243	0.9	54	54	1	164	151	0.920732	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268936	Brpf3	chr17	28801126	28817625	4818	31	0.006434	4985	39	0.007823	5265	46	0.008737	773	1	0.001294	874	17	0.019451	5491	58	0.010563	4918	43	0.008743	5757	26	0.004516	1217	7	0.005752	1683	5	0.002971	422	2	0.004739
XM_00652 268949	Mucl3	chr17	35636358	35638957	316	197	0.623418	192	126	0.65625	235	127	0.540426	79	69	0.873418	161	111	0.689441	255	148	0.580392	145	58	0.4	154	73	0.474026	85	35	0.411765	113	54	0.477876	48	41	0.854167
XM_00652 268970	Arhgap28	chr17	67844275	67951443	110	96	0.872727	84	75	0.892857	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	96	51	0.53125	65	43	0.661538	38	33	0.868421	30	18	0.6	48	35	0.729167	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268970	Arhgap28	chr17	67844275	67950759	174	140	0.804598	179	126	0.703911	172	134	0.77907	32	20	0.625	52	40	0.769231	184	77	0.418478	154	70	0.454545	115	51	0.443478	84	15	0.178571	66	27	0.409091	56	20	0.357143
XM_00652 268970	Arhgap28	chr17	67844275	67963057	194	167	0.860825	192	173	0.901042	189	163	0.862434	28	25	0.892857	61	53	0.868852	190	164	0.863158	164	116	0.707317	129	105	0.813953	83	53	0.638554	44	32	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268973	Nlrc4	chr17	74426255	74459144	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268973	Nlrc4	chr17	74426255	74459141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 268977	Ltbp1	chr17	75005480	75391775	5461	111	0.020326	5566	126	0.022637	5596	114	0.020372	1086	13	0.011971	1725	28	0.016232	5664	113	0.019951	4843	121	0.024985	4627	101	0.021828	1285	25	0.019455	1983	53	0.026727	395	7	0.017722
XM_00652 268977	Ltbp1	chr17	75005480	75391336	5461	111	0.020326	5566	126	0.022637	5596	114	0.020372	1086	13	0.011971	1725	28	0.016232	5664	113	0.019951	4843	121	0.024985	4627	101	0.021828	1285	25	0.019455	1983	53	0.026727	395	7	0.017722
XM_00652 268977	Ltbp1	chr17	75005480	75391775	5461	111	0.020326	5566	126	0.022637	5596	114	0.020372	1086	13	0.011971	1725	28	0.016232	5664	113	0.019951	4843	121	0.024985	4627	101	0.021828	1285	25	0.019455	1983	53	0.026727	395	7	0.017722
XM_00652 268977	Ltbp1	chr17	75005480	75391775	5461	111	0.020326	5566	126	0.022637	5596	114	0.020372	1086	13	0.011971	1725	28	0.016232	5664	113	0.019951	4843	121	0.024985	4627	101	0.021828	1285	25	0.019455	1983	53	0.026727	395	7	0.017722
XM_00652 268977	Ltbp1	chr17	75178546	75391775	281	175	0.622776	153	80	0.522876	173	97	0.560694	47	24	0.510638	68	45	0.661765	194	105	0.541237	184	103	0.559783	162	90	0.555556	67	23	0.343284	56	25	0.446429	14	6	0.428571
XM_00652 268980	Strn	chr17	78649898	78737322	2609	17	0.006516	2357	15	0.006364	2515	18	0.007157	344	1	0.002907	935	2	0.002139	2393	15	0.006268	2902	11	0.00379	2879	8	0.002779	862	1	0.00116	1004	4	0.003984	296	2	0.006757
XM_00652 26945	Tpsg1	chr17	25369195	25374442	78	63	0.807692	24	17	0.708333	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	61	0.709302	112	65	0.580357	24	8	0.333333	22	9	0.409091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 26945	Tpsg1	chr17	25369263	25374442	78	63	0.807692	24	17	0.708333	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	61	0.709302	112	65	0.580357	24	8	0.333333	22	9	0.409091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 26945	Tpsg1	chr17	25370527	25374442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 26945	Tpsg1	chr17	25370527	25374442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 26945	Tpsg1	chr17	25369338	25374442	78	63	0.807692	24	17	0.708333	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	61	0.709302	112	65	0.580357	24	8	0.333333	22	9	0.409091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 26945	Tpsg1	chr17	25370527	25374442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27226	Pla2g7	chr17	43567994	43612202	585	28	0.047863	406	20	0.049261	591	28	0.047377	46	6	0.130435	209	5	0.023923	516	18	0.034884	436	38	0.087156	410	30	0.073171	118	14	0.118644	261	16	0.061303	50	2	0.04
XM_00652 27226	Pla2g7	chr17	43568511	43612202	627	47	0.07496	448	40	0.089286	620	37	0.059677	46	6	0.130435	254	29	0.114173	553	30	0.05425	464	43	0.092672	438	42	0.09589	118	14	0.118644	285	24	0.084211	50	2	0.04
XM_00652 27226	Pla2g7	chr17	43568660	43612202	627	47	0.07496	448	40	0.089286	620	37	0.059677	46	6	0.130435	254	29	0.114173	553	30	0.05425	464	43	0.092672	438	42	0.09589	118	14	0.118644	285	24	0.084211	50	2	0.04
XM_00652 27410	Abca3	chr17	24352159	24410201	2639	18	0.006821	2496	17	0.006811	2521	24	0.00952	457	5	0.010941	1070	6	0.005607	2992	25	0.008356	2229	11	0.004935	2484	20	0.008052	624	2	0.003205	808	7	0.008663	174	2	0.011494
XM_00652 30051	Spdef	chr17	27714446	27728985	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 30051	Spdef	chr17	27714446	27729017	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 30051	Spdef	chr17	27714446	27726630	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	12	0.545455	32	24	0.75	36	13	0.361111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 30943	Prss30	chr17	23972126	23980571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	27	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 319625	Galm	chr17	80127458	80152253	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 319991	Kif6	chr17	49615098	49909847	878	105	0.11959	777	80	0.10296	807	52	0.064436	188	3	0.015957	374	47	0.125668	959	69	0.07195	766	77	0.100522	686	65	0.094752	223	23	0.103139	394	63	0.159898	33	4	0.121212
XM_00652 319991	Kif6	chr17	49615098	49847651	878	105	0.11959	777	80	0.10296	807	52	0.064436	188	3	0.015957	374	47	0.125668	959	69	0.07195	766	77	0.100522	686	65	0.094752	223	23	0.103139	394	63	0.159898	33	4	0.121212
XM_00652 320148	B430306N	chr17	48315283	48325552	314	293	0.933121	408	390	0.955882	365	351	0.961644	107	106	0.990654	228	210	0.921053	419	375	0.894988	300	268	0.893333	251	223	0.888446	217	182	0.83871	191	167	0.874346	113	103	0.911504
XM_00652 320148	B430306N	chr17	48315279	48325552	314	293	0.933121	408	390	0.955882	365	351	0.961644	107	106	0.990654	228	210	0.921053	419	375	0.894988	300	268	0.893333	251	223	0.888446	217	182	0.83871	191	167	0.874346	113	103	0.911504
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71673210	71729671	12	3	0.25	13	4	0.307692	28	14	0.5	11	8	0.727273	30	27	0.9	38	12	0.315789	53	27	0.509434	26	5	0.192308	42	26	0.619048	32	27	0.84375	30	25	0.833333
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71673211	71729671	12	3	0.25	13	4	0.307692	28	14	0.5	11	8	0.727273	30	27	0.9	38	12	0.315789	53	27	0.509434	26	5	0.192308	42	26	0.619048	32	27	0.84375	30	25	0.833333
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71674503	71729671	733	664	0.905866	817	732	0.895961	855	761	0.890058	189	172	0.910053	265	243	0.916981	651	563	0.864823	631	506	0.801902	659	546	0.828528	226	163	0.721239	288	232	0.805556	84	74	0.880952
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71673210	71729671	12	3	0.25	13	4	0.307692	28	14	0.5	11	8	0.727273	30	27	0.9	38	12	0.315789	53	27	0.509434	26	5	0.192308	42	26	0.619048	32	27	0.84375	30	25	0.833333
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71674954	71729671	733	664	0.905866	817	732	0.895961	855	761	0.890058	189	172	0.910053	265	243	0.916981	651	563	0.864823	631	506	0.801902	659	546	0.828528	226	163	0.721239	288	232	0.805556	84	74	0.880952
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71684659	71729671	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71674954	71729671	733	664	0.905866	817	732	0.895961	855	761	0.890058	189	172	0.910053	265	243	0.916981	651	563	0.864823	631	506	0.801902	659	546	0.828528	226	163	0.721239	288	232	0.805556	84	74	0.880952
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71674186	71729671	733	664	0.905866	817	732	0.895961	855	761	0.890058	189	172	0.910053	265	243	0.916981	651	563	0.864823	631	506	0.801902	659	546	0.828528	226	163	0.721239	288	232	0.805556	114	99	0.868421
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71673211	71729671	12	3	0.25	13	4	0.307692	28	14	0.5	11	8	0.727273	30	27	0.9	38	12	0.315789	53	27	0.509434	26	5	0.192308	42	26	0.619048	32	27	0.84375	30	25	0.833333
XM_00652 320159	Togaram2	chr17	71673156	71716450	12	3	0.25	13	4	0.307692	28	14	0.5	11	8	0.727273	30	27	0.9	38	12	0.315789	53	27	0.509434	26	5	0.192308	42	26	0.619048	32	27	0.84375	30	25	0.833333
XM_00652 320209	Ddx11	chr17	66123725	66152170	511	1	0.001957	451	2	0.004435	443	2	0.004515	106	0	0	344	3	0.008721	494	8	0.016194	633	7	0.011058	457	2	0.004376	169	1	0.005917	344	8	0.023256	22	0	0
XM_00652 320209	Ddx11	chr17	66123513	66147734	511	1	0.001957	451	2	0.004435	443	2	0.004515	106	0	0	344	3	0.008721	494	8	0.016194	633	7	0.011058	457	2	0.004376	169	1	0.005917	344	8	0.023256	22	0	0
XM_00652 320484	Rasal3	chr17	32390670	32403566	369	287	0.777778	245	207	0.844898	345	274	0.794203	91	62	0.681319	214	167	0.780374	438	296	0.675799	357	261	0.731092	255	193	0.756863	190	142	0.747368	139	111	0.798561	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320722	Akain1	chr17	69437911	69489217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320858	L3mbtl4	chr17	68272898	68784078	616	25	0.040584	713	13	0.018233	839	8	0.009535	281	4	0.014235	229	2	0.008734	753	56	0.074369	641	46	0.071763	663	47	0.07089	218	16	0.073394	292	14	0.047945	97	11	0.113402
XM_00652 320858	L3mbtl4	chr17	68272898	68784078	616	25	0.040584	713	13	0.018233	839	8	0.009535	281	4	0.014235	229	2	0.008734	753	56	0.074369	641	46	0.071763	663	47	0.07089	218	16	0.073394	292	14	0.047945	97	11	0.113402
XM_00652 320858	L3mbtl4	chr17	68272898	68784078	616	25	0.040584	713	13	0.018233	839	8	0.009535	281	4	0.014235	229	2	0.008734	753	56	0.074369	641	46	0.071763	663	47	0.07089	218	16	0.073394	292	14	0.047945	97	11	0.113402
XM_00652 320997	Cyp4f39	chr17	32452697	32493276	783	117	0.149425	789	93	0.117871	907	110	0.121279	42	1	0.02381	219	32	0.146119	765	168	0.219608	701	190	0.271041	658	81	0.1231	67	2	0.029851	256	31	0.121094	134	26	0.19403
XM_00652 328779	Hs3st6	chr17	24753891	24758690	3906	127	0.032514	3862	150	0.03884	3786	130	0.034337	568	1	0.001761	1467	67	0.045671	4042	171	0.042306	3429	128	0.037329	4101	205	0.049988	863	58	0.067207	1446	70	0.048409	648	20	0.030864
XM_00652 328783	Mslnl	chr17	25734740	25748331	90	70	0.777778	78	51	0.653846	58	46	0.793103	#N/A	#N/A	#N/A	36	26	0.722222	84	48	0.571429	50	38	0.76	68	32	0.470588	28	12	0.428571	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328783	Mslnl	chr17	25733503	25748354	90	70	0.777778	78	51	0.653846	58	46	0.793103	#N/A	#N/A	#N/A	36	26	0.722222	84	48	0.571429	50	38	0.76	68	32	0.470588	28	12	0.428571	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328783	Mslnl	chr17	25733503	25745048	90	70	0.777778	78	51	0.653846	58	46	0.793103	#N/A	#N/A	#N/A	36	26	0.722222	84	48	0.571429	50	38	0.76	68	32	0.470588	28	12	0.428571	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328789	Lhfpl5	chr17	28575369	28582060	1343	38	0.028295	1481	25	0.01688	1520	21	0.013816	347	11	0.0317	544	17	0.03125	1546	38	0.02458	1058	55	0.051985	1154	44	0.038128	504	18	0.035714	471	9	0.019108	165	7	0.042424
XM_00652 328795	Ubash3a	chr17	31207868	31241304	214	138	0.64486	143	109	0.762238	198	160	0.808081	48	35	0.729167	91	60	0.659341	200	113	0.565	201	144	0.716418	147	82	0.557823	63	22	0.349206	101	58	0.574257	44	32	0.727273
XM_00652 328833	Treml2	chr17	48299472	48312533	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328833	Treml2	chr17	48299390	48312533	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328845	Acsbg2	chr17	56845410	56874504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 328845	Acsbg2	chr17	56843103	56861603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 353130	Prss33	chr17	23833338	23836126	69	64	0.927536	11	8	0.727273	67	57	0.850746	10	8	0.8	10	10	1	103	90	0.873786	61	53	0.868852	96	83	0.864583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 353344	Opn5	chr17	42556779	42611258	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041659	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041563	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041853	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041643	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041659	15073658	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041659	15090045	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041659	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041659	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381062	Ermard	chr17	15041659	15063774	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381072	Abca17	chr17	24281325	24352058	2639	18	0.006821	2496	17	0.006811	2456	22	0.008958	457	5	0.010941	934	4	0.004283	2928	22	0.007514	2229	11	0.004935	2408	17	0.00706	624	2	0.003205	808	7	0.008663	174	2	0.011494
XM_00652 381072	Abca17	chr17	24264257	24303986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381072	Abca17	chr17	24264257	24303986	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381085	Tbc1d22b	chr17	29549768	29606895	1683	13	0.007724	1559	15	0.009622	1770	15	0.008475	212	2	0.009434	558	1	0.001792	1590	17	0.010692	1536	15	0.009766	1931	17	0.008804	631	2	0.00317	557	1	0.001795	260	1	0.003846
XM_00652 381091	H2-Eb2	chr17	34325503	34338093	#N/A	#N/A	#N/A	39	26	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381091	H2-Eb2	chr17	34325504	34338911	#N/A	#N/A	#N/A	39	26	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381107	Tmem232	chr17	65256004	65541082	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381107	Tmem232	chr17	65255999	65541081	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79615119	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79615643	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79614899	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79578596	79684976	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79614817	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79615119	79682813	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79615119	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79615119	79667710	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381110	Rmdn2	chr17	79614899	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381112	Arhgef33	chr17	80306926	80427079	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381112	Arhgef33	chr17	80306926	80427079	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381112	Arhgef33	chr17	80306926	80427079	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381112	Arhgef33	chr17	80306923	80427079	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 381112	Arhgef33	chr17	80306927	80391341	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

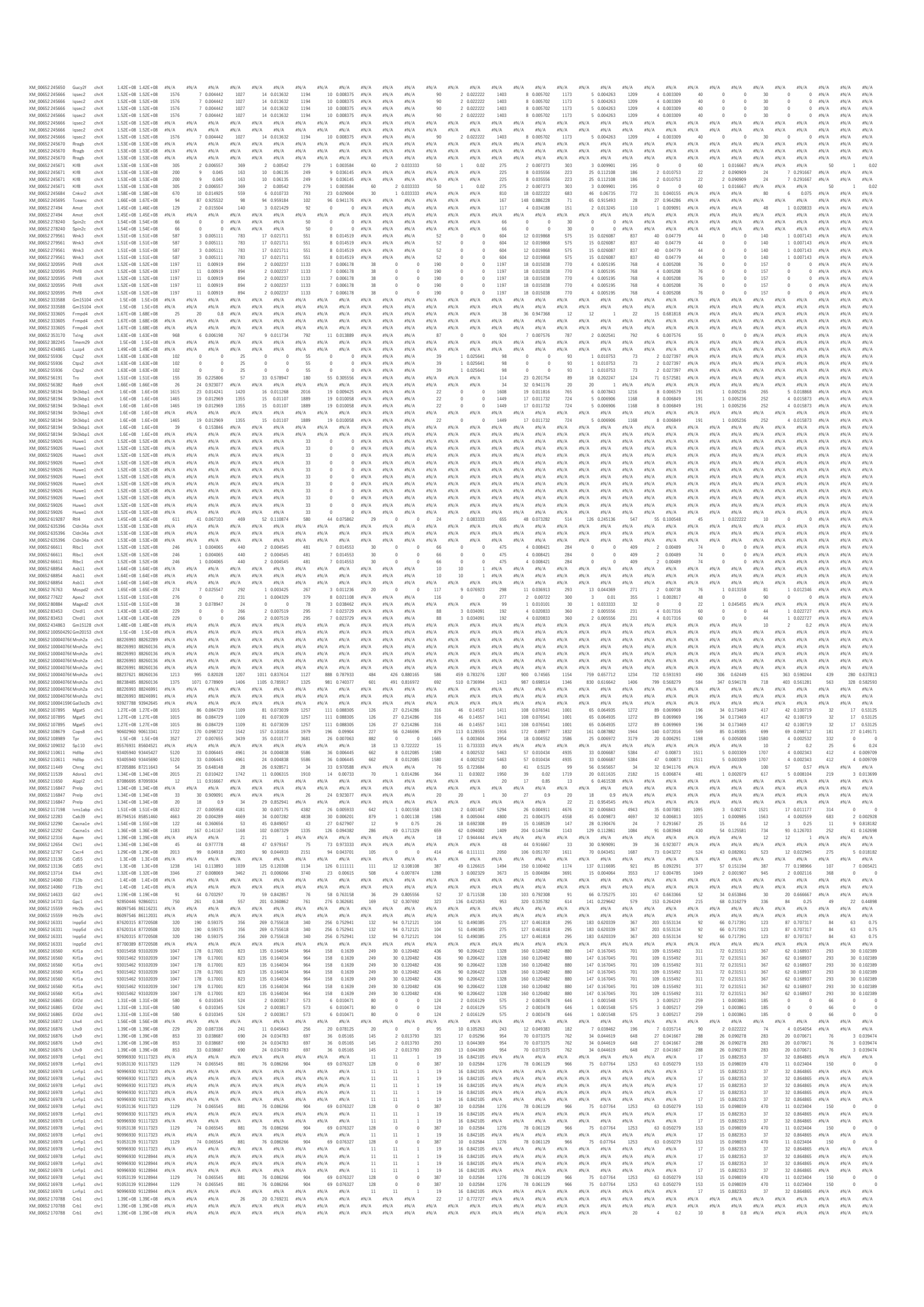
XM_00652 653016	Mymx	chr17	45600961	45601964	1323	955	0.721844	1542	1115	0.723087	1434	1047	0.730126	410	322	0.785366	551	405	0.735027	1414	1179	0.833805	1052	855	0.812738	1180	988	0.837288	391	243	0.621483	581	483	0.831325	92	78	0.847826
XM_00652 66237	Atp6v1g2	chr17	35234931	35238767	1410	141	0.1	1196	134	0.11204	1471	189	0.128484	144	17	0.118056	389	53	0.136247	1497	136	0.090848	1388	136	0.097983	1330	165	0.12406	224	40	0.178571	510	67	0.131373	90	30	0.333333
XM_00652 66643	Lix1	chr17	17448530	17459387	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66705	Dnase1l2	chr17	24440087	24443763	766	737	0.962141	667	650	0.974513	758	732	0.965699	51	49	0.960784	178	174	0.977528	729	705	0.967078	594	576	0.969697	636	605	0.951258	155	144	0.929032	189	179	0.94709	97	95	0.979381
XM_00652 66705	Dnase1l2	chr17	24440087	24443672	766	737	0.962141	667	650	0.974513	758	732	0.965699	51	49	0.960784	178	174	0.977528	729	705	0.967078	594	576	0.969697	636	605	0.951258	155	144	0.929032	189	179	0.94709	97	95	0.979381
XM_00652 667803	H2-T-ps	chr17	36110053	36111723	257	6	0.023346	311	9	0.028939	294	5	0.017007	87	2	0.022989	126	1	0.007937	355	30	0.084507	318	36	0.113208	272	5	0.018382	135	0	0	154	11	0.071429	10	0	0
XM_00652 667977	Gm8909	chr17	36162899	36168602	1218	23	0.018883	688	8	0.011628	1078	8	0.007421	186	1	0.005376	283	2	0.007067	1301	10	0.007686	1065	18	0.016901	906	16	0.01766	134	3	0.022388	312	4	0.012821	30	1	0.033333
XM_00652 667977	Gm8909	chr17	36162899	36168568	1282	27	0.021061	688	8	0.011628	1078	8	0.007421	186	1	0.005376	283	2	0.007067	1301	10	0.007686	1065	18	0.016901	906	16	0.01766	134	3	0.022388	312	4	0.012821	30	1	0.033333
XM_00652 667977	Gm8909	chr17	36162899	36168600	1218	23	0.018883	688	8	0.011628	1078	8	0.007421	186	1	0.005376	283	2	0.007067	1301	10	0.007686	1065	18	0.016901	906	16	0.01766	134	3	0.022388	312	4	0.012821	30	1	0.033333
XM_00652 66968	Plin5	chr17	56111597	56117606	824	110	0.133495	693	81	0.116883	687	92	0.133916	20	17	0.85	213	89	0.41784	1149	122	0.106179	816	109	0.133578	741	107	0.144399	254	61	0.240157	523	115	0.219885	82	19	0.231707
XM_00652 66989	Kctd20	chr17	28952599	28969549	2756	32	0.011611	2691	32	0.011891	3033	22	0.007254	463	1	0.00216	991	19	0.019173	2895	31	0.010708	3127	26	0.008315	3416	28	0.008197	678	5	0.007375	1081	8	0.007401	254	2	0.007874
XM_00652 67267	Uqcc2	chr17	27122667	27133679	578	77	0.133218	565	80	0.141593	662	102	0.154079	159	1	0.006289	280	50	0.178571	616	103	0.167208	505	84	0.166337	723	74	0.102351	250	36	0.144	273	38	0.139194	172	25	0.145349
XM_00652 67458	Ergic1	chr17	26560762	26656934	1653	66	0.039927	1564	121	0.077366	1469	112	0.076242	60	0	0	759	70	0.092227	1700	117	0.068824	1535	61	0.039739	1364	134	0.09824	378	54	0.142857	755	4	0.005298	52	0	0
XM_00652 67458	Ergic1	chr17	26632003	26656934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67458	Ergic1	chr17	26629919	26656934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	46	45	0.978261	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67563	Ciao3	chr17	25773778	25782843	1581	42	0.026565	1262	9	0.007132	1544	8	0.005181	327	0	0	594	17	0.02862	1509	57	0.037773	1351	42	0.031088	1383	29	0.020969	565	2	0.00354	643	3	0.004666	280	0	0
XM_00652 67563	Ciao3	chr17	25773793	25782843	1581	42	0.026565	1262	9	0.007132	1544	8	0.005181	327	0	0	594	17	0.02862	1509	57	0.037773	1351	42	0.031088	1383	29	0.020969	565	2	0.00354	643	3	0.004666	280	0	0
XM_00652 67675	Cuta	chr17	26937972	26939711	3741	28	0.007485	3333	24	0.007201	3635	41	0.011279	665	1	0.001504	1582	4	0.002528	3888	30	0.007716	3216	16	0.004975	3496	13	0.003719	1168	2	0.001712	1677	7	0.004174	444	5	0.011261
XM_00652 68241	Mcrip2	chr17	25863698	25868740	1336	38	0.028443	1105	49	0.044344	1341	31	0.023117	418	10	0.023923	463	26	0.056156	1529	38	0.024853	1044	24	0.022989	1046	39	0.037285	478	3	0.006276	535	15	0.028037	259	0	0
XM_00652 68241	Mcrip2	chr17	25863698	25868739	1336	38	0.028443	1105	49	0.044344	1341	31	0.023117	418	10	0.023923	463	26	0.056156	1529	38	0.024853	1044	24	0.022989	1046	39	0.037285	478	3	0.006276	535	15	0.028037	259	0	0
XM_00652 68327	Tsr3	chr17	25240167	25242799	1244	5	0.004019	916	4	0.004367	1247	11	0.008821	310	1	0.003226	651	0	0	1445	7	0.004844	1386	10	0.007215	1109	6	0.00541	365	3	0.008219	448	0	0	58	0	0
XM_00652 68327	Tsr3	chr17	25240141	25242799	1244	5	0.004019	916	4	0.004367	1247	11	0.008821	310	1	0.003226	651	0	0	1445	7	0.004844	1386	10	0.007215	1109	6	0.00541	365	3	0.008219	448	0	0	58	0	0
XM_00652 68463	Mrpl14	chr17	45685722	45698495	3488	154	0.044151	3106	65	0.020927	3135	83	0.026475	773	14	0.018111	1210	59	0.04876	3252	164	0.050431	3035	75	0.024712	3448	86	0.024942	1113	22	0.019766	1194	44	0.036851	285	6	0.021053
XM_00652 68463	Mrpl14	chr17	45686361	45698495	3677	155	0.042154	3241	65	0.020056	3288	86	0.026156	841	14	0.016647	1309	59	0.045073	3541	165	0.046597	3154	75	0.023779	3644	86	0.0236	1149	22	0.019147	1282	47	0.036661	309	6	0.019417
XM_00652 68509	Ptx4	chr17	25120697	25125282	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 68554	Cebpzos	chr17	78916705	78920309	755	2	0.002649	803	5	0.006227	851	2	0.00235	48	0	0	271	0	0	632	5	0.007911	923	3	0.00325	973	4	0.004111	210	1	0.004762	428	1	0.002336	104	0	0
XM_00652 68617	Mtcl1	chr17	66336980	66449805	6809	91	0.013365	7195	91	0.012648	6985	90	0.012885	1074	8	0.007449	1353	15	0.011086	6008	82	0.013648	6162	34	0.005518	7404	42	0.005673	1384	4	0.00289	1639	6	0.003661	278	1	0.003597
XM_00652 68617	Mtcl1	chr17	66336992	66449804	6809	91	0.013365	7195	91	0.012648	6985	90	0.012885	1074	8	0.007449	1353	15	0.011086	6008	82	0.013648	6162	34	0.005518	7404	42	0.005673	1384	4	0.00289	1639	6	0.003661	278	1	0.003597
XM_00652 68617	Mtcl1	chr17	66336992	66449804	6809	91	0.013365	7195	91	0.012648	6985	90	0.012885	1074	8	0.007449	1353	15	0.011086	6008	82	0.013648	6162	34	0.005518	7404	42	0.005673	1384	4	0.00289	1639	6	0.003661	278	1	0.003597
XM_00652 68617	Mtcl1	chr17	66336992	66449804	6809	91	0.013365	7195	91	0.012648	6985	90	0.012885	1074	8	0.007449	1353	15	0.011086	6008	82	0.013648	6162	34	0.005518	7404	42	0.005673	1384	4	0.00289	1639	6	0.003661	278	1	0.003597
XM_00652 68617	Mtcl1	chr17	66336988	66449806	6809	91	0.013365	7195	91	0.012648	6985	90	0.012885	1074	8	0.007449	1353	15	0.011086	6008	82	0.013648	6162	34	0.005518	7404	42	0.005673	1384	4	0.00289	1639	6	0.003661	278	1	0.003597
XM_00652 68767	Washc1	chr17	66111656	66119450	1407	101	0.071784	1345	109	0.081041	1473	76	0.051595	287	10	0.034843	681	51	0.07489	1687	84	0.049793	1651	91	0.055118	1571	117	0.074475	325	11	0.033846	364	42	0.115385	232	49	0.211207
XM_00652 68767	Washc1	chr17	66111700	66119450	1407	101	0.071784	1345	109	0.081041	1473	76	0.051595	287	10	0.034843	681	51	0.07489	1687	84	0.049793	1651	91	0.055118	1571	117	0.074475	325	11	0.033846	364	42	0.115385	232	49	0.211207
XM_00652 68776	Taf11	chr17	27901208	27909343	2678	14	0.005228	2514	22	0.008751	3196	10	0.003129	332	0	0	777	3	0.003861	3248	23	0.007081	2917	13	0.004457	2738	9	0.003287	519	1	0.001927	814	3	0.003686	92	0	0
XM_00652 69191	Pdia2	chr17	26195999	26199134	2299	76	0.033058	2348	72	0.030664	2764	77	0.027858	474	13	0.027426	543	14	0.025783	2411	78	0.032352	1836	60	0.03268	2210	88	0.039819	727	27	0.037139	787	26	0.033037	415	5	0.012048
XM_00652 69192	Dhx16	chr17	35879766	35892670	2122	43	0.020264	2326	39	0.016767	2106	32	0.015195	247	1	0.004049	542	25	0.046125	1947	48	0.024653	2334	38	0.016281	1961	35	0.017848	407	2	0.004914	565	37	0.065487	11	10	0.909091
XM_00652 69662	2310061I0	chr17	35892677	35897103	3582	25	0.006979	3531	14	0.003965	4081	14	0.003431	547	0	0	867	1	0.001153	3586	18	0.00502	3404	20	0.005875	3739	20	0.005349	1309	4	0.003056	1137	4	0.003518	224	0	0
XM_00652 69662	2310061I0	chr17	35892677	35897130	3582	25	0.006979	3531	14	0.003965	4081	14	0.003431	547	0	0	867	1	0.001153	3586	18	0.00502	3404	20	0.005875	3739	20	0.005349	1309	4	0.003056	1137	4	0.003518	224	0	0
XM_00652 70101	Cyp4f16	chr17	32536545	32551798	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	27	0.870968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00652 70101	Cyp4f16	chr17	32536560	32551798	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	27	0.870968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00652 70129	Slc44a4	chr17	34914224	34930359	931	602	0.646617	1040	714	0.686538	1031	613	0.594568	119	65	0.546218	210	150	0.714286	1169	860	0.735672	897	625	0.696767	1064	749	0.703947	193	136	0.704663	302	215	0.711921	63	45	0.714286
XM_00652 70274	Ly6g6e	chr17	35076883	35078802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70274	Ly6g6e	chr17	35076868	35078802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70351	Ppp4r1	chr17	65782691	65841913	9246	38	0.00411	9416	68	0.007222	9448	64	0.006774	1002	3	0.002994	2084	1	0.00048	9367	72	0.007687	8922	44	0.004932	9202	38	0.00413	2456	8	0.003257	2186	3	0.001372	495	1	0.00202
XM_00652 70351	Ppp4r1	chr17	65782543	65841913	8772	37	0.004218	8880	66	0.007432	8915	63	0.007067	942	2	0.002123	2084	1	0.00048	8909	65	0.007296	8264	40	0.00484	8553	38	0.004443	2348	8	0.003407	2020	3	0.001485	411	1	0.002433
XM_00652 70351	Ppp4r1	chr17	65782578	65841913	8772	37	0.004218	8880	66	0.007432	8915	63	0.007067	942	2	0.002123	2084	1	0.00048	8909	65	0.007296	8334	40	0.0048	8553	38	0.004443	2348	8	0.003407	2020	3	0.001485	411	1	0.002433
XM_00652 70351	Ppp4r1	chr17	65794925	65841913	58	58	1	74	70	0.945946	63	59	0.936508	17	15	0.882353	34	31	0.911765	60	56	0.933333	70	53	0.757143	70	66	0.942857	27	24	0.888889	29	28	0.965517	13	11	0.846154
XM_00652 70351	Ppp4r1	chr17	65794925	65841913	58	58	1	74	70	0.945946	63	59	0.936508	17	15	0.882353	34	31	0.911765	60	56	0.933333	70	53	0.757143	70	66	0.942857	27	24	0.888889	29	28	0.965517	13	11	0.846154
XM_00652 70351	Ppp4r1	chr17	65819427	65841913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70530	Lrfn2	chr17	48931590	49097591	385	1	0.002597	376	1	0.00266	411	3	0.007299	86	7	0.081395	162	9	0.055556	433	11	0.025404	237	0	0	319	1	0.003135	60	0	0	208	0	0	47	6	0.12766
XM_00652 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70835	Prss22	chr17	23993534	24000722	158	114	0.721519	181	131	0.723757	156	111	0.711538	#N/A	#N/A	#N/A	59	42	0.711864	200	145	0.725	177	134	0.757062	118	74	0.627119	35	24	0.685714	100	86	0.86	55	38	0.690909
XM_00652 70835	Prss22	chr17	23993534	23998011	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	16	0.615385	32	21	0.65625	37	15	0.405405	28	10	0.357143	36	12	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_00652 70891	Spdya	chr17	71552154	71589056	3511	80	0.022786	2964	59	0.019906	3488	64	0.018349	349	6	0.017192	1305	38	0.029119	3352	49	0.014618	3078	46	0.014945	2529	55	0.021748	1048	19	0.01813	1293	41	0.031709	405	3	0.007407
XM_00652 70891	Spdya	chr17	71552154	71589056	3511	80	0.022786	2964	59	0.019906	3488	64	0.018349	349	6	0.017192	1305	38	0.029119	3352	49	0.014618	3078	46	0.014945	2529	55	0.021748	1048	19	0.01813	1293	41	0.031709	405	3	0.007407
XM_00652 70891	Spdya	chr17	71551991	71589056	3417	58	0.016974	2881	37	0.012843	3393	42	0.012378	325	2	0.006154	1237	23	0.018593	3225	33	0.010233	3020	31	0.010265	2452	43	0.017537	1024	7	0.006836	1248	26	0.020833	377	1	0.002653
XM_00652 71003	Prss41	chr17	23836785	23844219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71003	Prss41	chr17	23836785	23844219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71020	Spats1	chr17	45449463	45475108	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71461	Ptk7	chr17	46564468	46628847	2966	472	0.159137	2573	520	0.202099	3455	428	0.123878	402	77	0.191542	1219	186	0.152584	3093	167	0.053993	2385	943	0.395388	2374	233	0.098147	739	65	0.087957	1342	187	0.139344	211	31	0.146919
XM_00652 71461	Ptk7	chr17	46564468	46597610	25	23	0.92	35	33	0.942857	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	21	21	1	40	34	0.85	42	28	0.666667	31	27	0.870968	11	9	0.818182	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71461	Ptk7	chr17	46564468	46630049	1980	296	0.149495	1756	318	0.181093	2317	279	0.120414	205	37	0.180488	801	102	0.127341	1948	157	0.080595	1630	626	0.384049	1671	189	0.113106	379	26	0.068602	850	100	0.117647	21	1	0.047619
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14840892	14943240	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14840891	14943240	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14829237	14943240	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14784829	14943240	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14893180	14943259	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14840892	14924647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71682	Wdr27	chr17	14913925	14943259	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XM_00652 71685	Galnt14	chr17	73514615	73711077	2670	95	0.035581	2540	83	0.032677	2529	80	0.031633	574	16	0.027875	953	64	0.067156	2951	124	0.04202	2460	115	0.046748	2032	82	0.040354	790	58	0.073418	937	44	0.046958	330	6	0.018182
XM_00652 71685	Galnt14	chr17	73493207	73519751	#N/A	#N/A	#N/A	14	9	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71765	Klhdc3	chr17	46674550	46680581	2585	17	0.006576	2276	18	0.007909	2621	22	0.008394	420	0	0	978	3	0.003067	2821	31	0.010989	2156	12	0.005566	2229	16	0.007178	828	0	0	1049	0	0	129	0	0
XM_00652 71810	Ranbp3	chr17	56677317	56711764	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71810	Ranbp3	chr17	56673233	56711764	2062	56	0.027158	1655	33	0.01994	2153	45	0.020901	375	24	0.064	818	29	0.035452	2003	49	0.024463	1457	39	0.026767	2061	58	0.028142	479	17	0.035491	933	36	0.038585	205	1	0.004878
XM_00652 71840	Tekt4	chr17	25454675	25476602	89	63	0.707865	97	73	0.752577	100	78	0.78	25	19	0.76	39	21	0.538462	108	69	0.638889	98	52	0.530612	121	55	0.454545	31	15	0.483871	29	16	0.551724	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71893	Noxo1	chr17	24698320	24700530	889	81	0.091114	1057	96	0.090823	785	86	0.109554	56	0	0	204	85	0.416667	813	44	0.054121	1038	58	0.055877	1158	135	0.11658	14	7	0.5	320	42	0.13125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72238	Tbc1d5	chr17	50797720	51181199	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72238	Tbc1d5	chr17	50839525	51181199	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72240	1600014C2	chr17	45731681	45734106	2218	412	0.185753	2292	361	0.157504	2403	356	0.148148	450	53	0.117778	733	154	0.210095	2364	495	0.209391	2080	331	0.159135	2383	396	0.166177	894	173	0.193512	964	196	0.20332	93	85	0.913978
XM_00652 72462	Rrp1b	chr17	32036410	32062865	848	268	0.316038	828	147	0.177536	754	195	0.258621	195	11	0.05641	187	92	0.491979	771	225	0.291829	753	167	0.22178	836	180	0.215311	115	10	0.086957	242	121	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72462	Rrp1b	chr17	32036410	32062865	848	268	0.316038	828	147	0.177536	754	195	0.258621	195	11	0.05641	187	92	0.491979	771	225	0.291829	753	167	0.22178	836	180	0.215311	115	10	0.086957	242	121	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72836	Pot1b	chr17	55652952	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72836	Pot1b	chr17	55652952	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 72836	Pot1b	chr17	55664914	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 73016	Kremen2	chr17	23741199	23745960	1285	88	0.068482	1056	73	0.069129	1211	98	0.080925	272	16	0.058824	209	19	0.090909	1610	159	0.098758	1302	106	0.081413	1388	83	0.059798	343	37	0.107872	283	26	0.091873	44	5	0.113636
XM_00652 73016	Kremen2	chr17	23741199	23745682	1598	146	0.091364	1396	126	0.090258	1710	165	0.096491	365	45	0.123288	338	37	0.109467	1898	284	0.149631	1560	147	0.094231	1750	123	0.070286	441	55	0.124717	400	55	0.1375	84	12	0.142857
XM_00652 73582	Camkmt	chr17	85090561	85458589	2269	16	0.007052	1793	8	0.004462	2014	11	0.005462	450	8	0.017778	1026	8	0.007797	2320	15	0.006466	1893	14	0.007396	1910	5	0.002618	602	1	0.001661	794	9	0.011335	266	4	0.015038
XM_00652 73582	Camkmt	chr17	85090561	85255314	2269	16	0.007052	1793	8	0.004462	2014	11	0.005462	450	8	0.017778	1026	8	0.007797	2320	15	0.006466	1893	14	0.007396	1910	5	0.002618	602	1	0.001661	794	9	0.011335	266	4	0.015038
XM_00652 73694	Ndufaf7	chr17	78937106	78947504	1420	57	0.040141	1391	62	0.044572	1364	41	0.030059	434	2	0.004608	692	95	0.137283	1462	38	0.025992	1405	32	0.022776	1132	34	0.030035	730	26	0.035616	739	15	0.020298	309	2	0.006472
XM_00652 74011	Slc25a27	chr17	43638201	43667194	1096	6	0.005474	897	8	0.008919	804	5	0.006219	#N/A	#N/A	#N/A	261	4	0.015326	875	3	0.003429	765	3	0.003922	860	9	0.010465	219	2	0.009132	288	1	0.003472	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74011	Slc25a27	chr17	43638201	43666986	1096	6	0.005474	897	8	0.008919	804	5	0.006219	#N/A	#N/A	#N/A	261	4	0.015326	875	3	0.003429	765	3	0.003922	860	9	0.010465	219	2	0.009132	288	1	0.003472	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74116	Pi16	chr17	29318796	29328903	45	37	0.822222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	30	0.833333	30	23	0.766667	33	27	0.818182	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74116	Pi16	chr17	29318796	29327043	45	37	0.822222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	30	0.833333	30	23	0.766667	33	27	0.818182	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74154	Unkl	chr17	25188368	25234443	2613	18	0.006889	2981	18	0.006038	3049	26	0.008527	384	2	0.005208	1133	8	0.007061	3094	24	0.007757	2924	33	0.011286	2831	24	0.008478	604	3	0.004967	965	5	0.005181	107	0	0
XM_00652 74154	Unkl	chr17	25220410	25234443	160	136	0.85	171	146	0.853801	166	147	0.885542	39	26	0.666667	81	64	0.790123	147	108	0.734694	147	114	0.77551	146	112	0.767123	92	70	0.76087	98	58	0.591837	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74196	Ttc27	chr17	74717735	74863570	817	3	0.003672	677	6	0.008863	845	11	0.013018	132	3	0.022727	308	1	0.003247	756	16	0.021164	585	25	0.042735	622	7	0.011254	241	0	0	125	0	0	60	1	0.016667
XM_00652 74196	Ttc27	chr17	74770046	74863570	62	51	0.822581	46	43	0.934783	42	33	0.785714	10	9	0.9	100	88	0.88	143	114	0.797203	112	88	0.785714	85	73	0.858824	24	12	0.5	30	28	0.933333	65	46	0.707692
XM_00652 74199	Vit	chr17	78508051	78627402	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74199	Vit	chr17	78560981	78627402	31	20	0.645161	49	35	0.714286	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	32	14	0.4375	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154
XM_00652 74377	Hsf2bp	chr17	31945913	32034895	1106	512	0.462929	1050	357	0.34	1008	437	0.433532	302	112	0.370861	318	221	0.694969	1095	540	0.493151	967	365	0.377456	1080	408	0.377778	192	80	0.416667	384	252	0.65625	60	58	0.966667
XM_00652 74762	Mdga1	chr17	29832055	29888583	5833	140	0.024001	5206	105	0.020169	6128	126	0.020561	980	32	0.032653	1556	20	0.012853	5602	101	0.018029	4857	131	0.026971	5369	116	0.021606	1508	27	0.017905	1666	38	0.022809	514	10	0.019455
XM_00652 74764	Klc4	chr17	46630624	46646189	1314	53	0.040335	1003	10	0.00997	1540	6	0.003896	264	2	0.007576	390	2	0.005128	1498	19	0.012684	1191	6	0.005038	1311	30	0.022883	200	2	0.01	382	5	0.013089	147	0	0
XM_00652 75178	Meiob	chr17	24804301	24839788	887	51	0.057497	912	58	0.063596	973	103	0.105858	44	0	0	234	61	0.260684	924	75	0.081169	973	69	0.070915	1147	87	0.07585	227	50	0.220264	215	2	0.009302	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75178	Meiob	chr17	24804301	24839788	887	51	0.057497	912	58	0.063596	973	103	0.105858	44	0	0	234	61	0.260684	924	75	0.081169	973	69	0.070915	1147	87	0.07585	227	50	0.220264	215	2	0.009302	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75178	Meiob	chr17	24812482	24839788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	13	0.684211	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75178	Meiob	chr17	24818322	24839788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75202	Spaca6	chr17	17826966	17839071	1345	21	0.015613	1022	13	0.01272	1437	22	0.01531	236	0	0	381	2	0.005249	1408	17	0.012074	1399	9	0.006433	1470	17	0.011565	341	3	0.008798	406	2	0.004926	140	0	0
XM_00652 75202	Spaca6	chr17	17826966	17839071	1345	21	0.015613	1022	13	0.01272	1437	22	0.01531	236	0	0	381	2	0.005249	1408	17	0.012074	1399	9	0.006433	1470	17	0.011565	341	3	0.008798	406	2	0.004926	140	0	0
XM_00652 75202	Spaca6	chr17	17826966	17839071	1345	21	0.015613	1022	13	0.01272	1437	22	0.01531	236	0	0	381	2	0.005249	1408	17	0.012074	1399	9	0.006433	1470	17	0.011565	341	3	0.008798	406	2	0.004926	140	0	0
XM_00652 75210	Prr3	chr17	35972539	35979428	5861	249	0.042484	5337	220	0.041222	5901	198	0.033554	850	44	0.051765	1692	36	0.021277	6956	192	0.027602	5267	141	0.02677	5564	176	0.031632	1530	38	0.024837	2096	51	0.024332	586	20	0.03413
XM_00652 75467	Stpg4	chr17	87397635	87428081	130	112	0.861538	123	100	0.813008	123	111	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	66	56	0.848485	156	139	0.891026	126	118	0.936508	149	140	0.939597	#N/A	#N/A	#N/A	68	68	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75467	Stpg4	chr17	87393587	87428051	130	112	0.861538	123	100	0.813008	123	111	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	66	56	0.848485	156	139	0.891026	126	118	0.936508	149	140	0.939597	#N/A	#N/A	#N/A	68	68	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75467	Stpg4	chr17	87389570	87428072	130	112	0.861538	123	100	0.813008	123	111	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A	66	56	0.848485	156	139	0.891026	126	118	0.936508	149	140	0.939597	#N/A	#N/A	#N/A	68	68	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75564	Rsph9	chr17	46129505	46144242	271	12	0.04428	295	6	0.020339	303	51	0.168317	#N/A	#N/A	#N/A	76	13	0.171053	232	18	0.077586	297	38	0.127946	395	39	0.098734	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75564	Rsph9	chr17	46122038	46144242	271	12	0.04428	295	6	0.020339	303	51	0.168317	#N/A	#N/A	#N/A	76	13	0.171053	232	18	0.077586	297	38	0.127946	395	39	0.098734	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75956	Srrm2	chr17	23790745	23824735	450	9	0.02	326	33	0.101227	299	15	0.050167	20	0	0	90	25	0.277778	428	9	0.021028	251	11	0.043825	219	14	0.063927	40	0	0	62	6	0.096774	33	1	0.030303
XM_00652 75956	Srrm2	chr17	23803141	23824741	2870	63	0.021951	2256	11	0.004876	2685	39	0.014525	430	2	0.004651	1272	4	0.003145	3240	49	0.015123	2842	59	0.02076	2817	46	0.016329	816	1	0.001225	1020	11	0.010784	297	0	0
XM_00652 75956	Srrm2	chr17	23803141	23824741	2870	63	0.021951	2256	11	0.004876	2685	39	0.014525	430	2	0.004651	1272	4	0.003145	3240	49	0.015123	2842	59	0.02076	2817	46	0.016329	816	1	0.001225	1020	11	0.010784	297	0	0
XM_00652 76438	Rftn1	chr17	49993258	50074111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49564433	589	85	0.144312	476	53	0.111345	558	72	0.129032	65	0	0	189	41	0.216931	456	118	0.258772	486	92	0.1893	448	51	0.113839	183	40	0.218579	60	0	0	70	20	0.285714
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49529118	101	65	0.643564	87	54	0.62069	121	92	0.760331	35	24	0.685714	34	31	0.911765	115	75	0.652174	126	72	0.571429	91	62	0.681319	41	22	0.536585	56	32	0.571429	14	14	1
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49529118	101	65	0.643564	87	54	0.62069	121	92	0.760331	35	24	0.685714	34	31	0.911765	115	75	0.652174	126	72	0.571429	91	62	0.681319	41	22	0.536585	56	32	0.571429	14	14	1
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49509914	182	145	0.796703	134	111	0.828358	136	114	0.838235	82	60	0.731707	77	64	0.831169	217	155	0.714286	186	125	0.672043	187	123	0.657754	96	73	0.760417	82	64	0.780488	16	15	0.9375
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49535589	54	30	0.555556	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	32	0.64	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	41	15	0.365854	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49564172	500	18	0.036	424	11	0.025943	479	8	0.016701	65	0	0	144	3	0.020833	350	33	0.094286	395	24	0.060759	385	12	0.031169	140	11	0.078571	60	0	0	70	20	0.285714
XM_00652 76441	Daam2	chr17	49456022	49564433	589	85	0.144312	476	53	0.111345	558	72	0.129032	65	0	0	189	41	0.216931	456	118	0.258772	486	92	0.1893	448	51	0.113839	183	40	0.218579	60	0	0	70	20	0.285714
XM_00652 76448	Ppp1r18	chr17	35865593	35874790	1329	39	0.029345	909	21	0.023102	1270	23	0.01811	134	0	0	469	5	0.010661	1665	63	0.037838	1158	37	0.031952	1180	13	0.011017	366	2	0.005464	494	1	0.002024	45	0	0
XM_00652 76483	Lmf1	chr17	25579174	25662831	239	2	0.008368	278	0	0	241	0	0	48	0	0	83	0	0	251	5	0.01992	226	4	0.017699	275	1	0.003636	60	0	0	88	0	0	22	0	0
XM_00652 76483	Lmf1	chr17	25642864	25662831	67	60	0.895522	64	60	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	61	54	0.885246	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76498	Paqr4	chr17	23736187	23740899	2352	172	0.073129	2542	123	0.048387	2624	127	0.048399	346	2	0.00578	974	43	0.044148	2915	276	0.094683	2460	193	0.078455	2625	166	0.063238	598	21	0.035117	1103	96	0.087035	422	14	0.033175
XM_00652 76589	Unc5cl	chr17	48454131	48468686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76589	Unc5cl	chr17	48454131	48466462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76589	Unc5cl	chr17	48454132	48468686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76589	Unc5cl	chr17	48454132	48466462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76890	Memo1	chr17	74200700	74295682	3878	26	0.006704	3152	23	0.007297	3951	21	0.005315	849	7	0.008245	815	2	0.002454	3886	23	0.005919	3267	18	0.00551	4017	30	0.007468	1348	7	0.005193	1297	2	0.001542	143	0	0
XM_00652 77057	Ston1	chr17	88597615	88647865	271	5	0.01845	205	2	0.009756	315	2	0.006349	23	0	0	69	2	0.028986	383	11	0.028721	296	2	0.006757	346	6	0.017341	67	0	0	160	4	0.025	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 77057	Ston1	chr17	88627271	88647865	125	53	0.424	136	53	0.389706	105	28	0.266667	#N/A	#N/A	#N/A	23	13	0.565217	111	47	0.423423	95	24	0.252632	83	17	0.204819	26	2	0.076923	42	10	0.238095	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 77057	Ston1	chr17	88597615	88647865	271	5	0.01845	205	2	0.009756	315	2	0.006349	23	0	0	69	2	0.028986	383	11	0.028721	296	2	0.006757	346	6	0.017341	67	0	0	160	4	0.025	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 77596	Adgrf1	chr17	43270283	43325876	572	545	0.952797	691	666	0.963821	687	660	0.960699	182	174	0.956044	321	302	0.94081	627	580	0.92504	583	522	0.895369	450	391	0.868889	210	156	0.742857	241	206	0.854772	91	72	0.791209
XM_00652 77596	Adgrf1	chr17	43270283	43324335	572	545	0.952797	691	666	0.963821	687	660	0.960699	182	174	0.956044	321	302	0.94081	627	580	0.92504	583	522	0.895369	450	391	0.868889	210	156	0.742857	241	206	0.854772	91	72	0.791209
XM_00652 77652	Zfp955a	chr17	33239718	33255168	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 78309	Cul9	chr17	46500610	46546356	1595	43	0.026959	1563	24	0.015355	1451	33	0.022743	306	8	0.026144	488	11	0.022541	1868	57	0.030514	1478	33	0.022327	1373	57	0.041515	424	5	0.011792	493	13	0.026369	144	1	0.006944
XM_00652 78309	Cul9	chr17	46500610	46546353	1595	43	0.026959	1563	24	0.015355	1451	33	0.022743	306	8	0.026144	488	11	0.022541	1868	57	0.030514	1478	33	0.022327	1373	57	0.041515	424	5	0.011792	493	13	0.026369	144	1	0.006944
XM_00652 78625	Acsbg3	chr17	56875453	56885171	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782598	71858351	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71769675	71858351	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782598	71858351	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71781304	71858351	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782597	71864091	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782597	71858351	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71769675	71858351	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782599	71858351	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782599	71858351	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782598	71864091	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78785	Clip4	chr17	71782598	71850165	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XM_00652 78798	Eml4	chr17	83350930	83480361	5213	73	0.014003	5468	42	0.007681	5989	38	0.006345	612	21	0.034314	1295	16	0.012355	5009	47	0.009383	5037	75	0.01489	5849	69	0.011797	741	23	0.031039	1637	18	0.010996	447	0	0
XM_00652 78798	Eml4	chr17	83405091	83480355	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 78798	Eml4	chr17	83350930	83480355	5213	73	0.014003	5468	42	0.007681	5989	38	0.006345	612	21	0.034314	1295	16	0.012355	5009	47	0.009383	5037	75	0.01489	5849	69	0.011797	741	23	0.031039	1637	18	0.010996	447	0	0

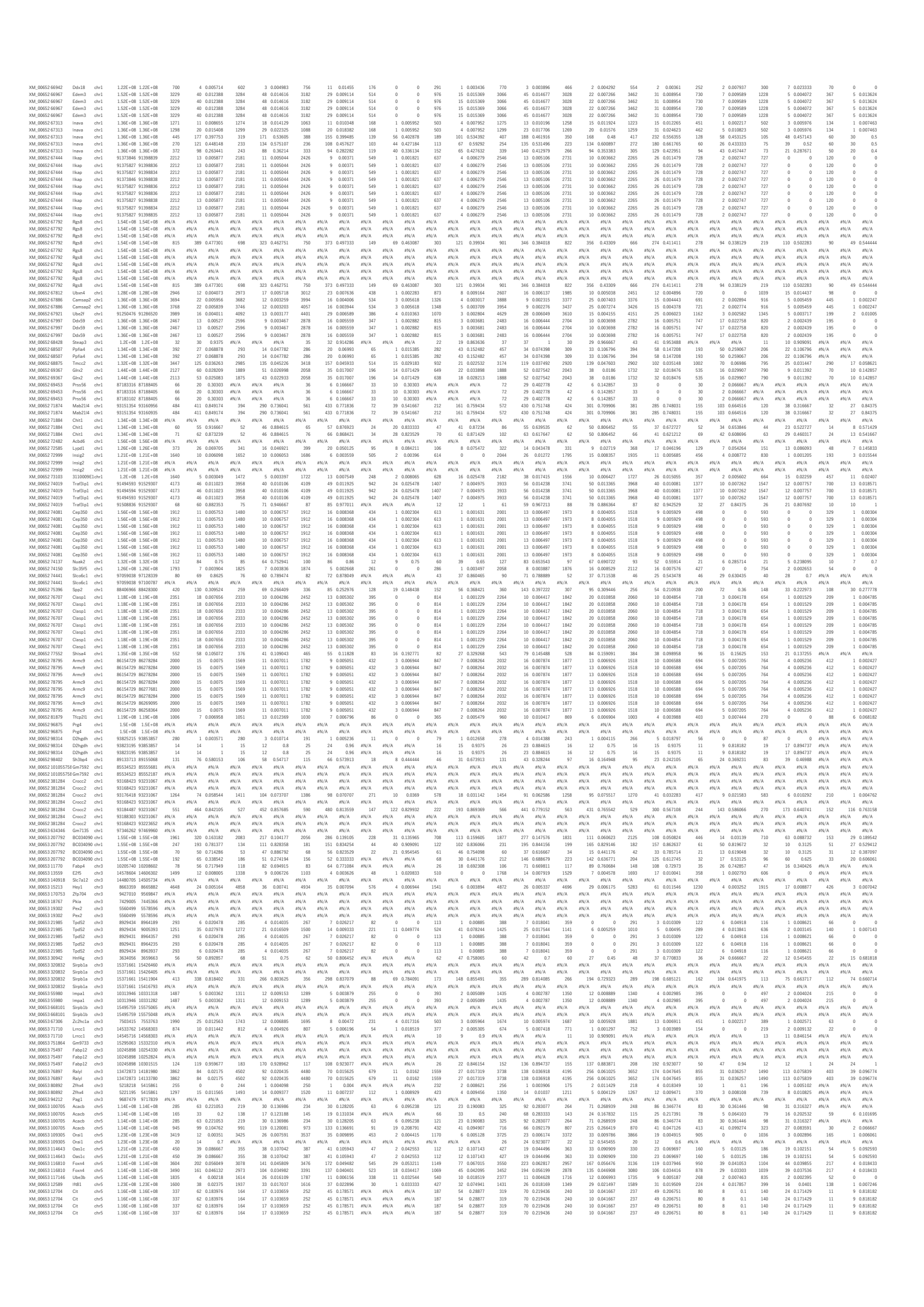




XM_00652 140571	Plxnb3	chrX	73756944	73772510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 140571	Plxnb3	chrX	73756946	73772510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 140571	Plxnb3	chrX	73756947	73772510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 140571	Plxnb3	chrX	73765381	73772510	150	143	0.953333	146	138	0.945205	89	86	0.966292	22	22	1	47	42	0.893617	129	120	0.930233	96	84	0.875	94	87	0.925532	26	24	0.923077	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14069	F8	chrX	75170344	75382234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14069	F8	chrX	75170344	75382738	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14069	F8	chrX	75170344	75382240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14069	F8	chrX	75170344	75382390	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14168	Fgf13	chrX	59062139	59568258	1498	17	0.011348	1525	20	0.013115	1698	18	0.010601	120	0	0	202	2	0.009901	1536	16	0.010417	1452	9	0.006198	1400	7	0.005	65	1	0.015385	337	1	0.002967	52	0	0
XM_00652 14168	Fgf13	chrX	59062139	59567816	1498	17	0.011348	1525	20	0.013115	1698	18	0.010601	120	0	0	202	2	0.009901	1536	16	0.010417	1452	9	0.006198	1400	7	0.005	65	1	0.015385	337	1	0.002967	52	0	0
XM_00652 14168	Fgf13	chrX	59062139	59567959	1498	17	0.011348	1525	20	0.013115	1698	18	0.010601	120	0	0	202	2	0.009901	1536	16	0.010417	1452	9	0.006198	1400	7	0.005	65	1	0.015385	337	1	0.002967	52	0	0
XM_00652 14168	Fgf13	chrX	59062139	59568258	1498	17	0.011348	1525	20	0.013115	1698	18	0.010601	120	0	0	202	2	0.009901	1536	16	0.010417	1452	9	0.006198	1400	7	0.005	65	1	0.015385	337	1	0.002967	52	0	0
XM_00652 14168	Fgf13	chrX	59062139	59140593	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56786529	56793346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56779683	56793346	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	53	52	0.981132	43	39	0.906977	74	72	0.972973	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56731209	56793346	968	19	0.019628	1066	22	0.020638	1265	29	0.022925	#N/A	#N/A	#N/A	219	2	0.009132	1099	33	0.030027	999	58	0.058058	859	17	0.01979	#N/A	#N/A	#N/A	207	10	0.048309	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56731720	56793346	991	22	0.0222	1078	23	0.021336	1283	30	0.023383	#N/A	#N/A	#N/A	219	2	0.009132	1123	34	0.030276	1013	60	0.05923	880	17	0.019318	#N/A	#N/A	#N/A	219	10	0.045662	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56787730	56793346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56779824	56793346	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	53	52	0.981132	43	39	0.906977	74	72	0.972973	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56786532	56791837	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56786532	56793346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14199	Fhl1	chrX	56779683	56793346	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	53	52	0.981132	43	39	0.906977	74	72	0.972973	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14265	Fmr1	chrX	68678540	68717963	2396	37	0.015442	2263	43	0.019001	2658	46	0.017306	127	0	0	491	2	0.004073	3032	53	0.01748	2046	34	0.016618	1733	20	0.011541	555	1	0.001802	368	0	0	243	1	0.004115
XM_00652 14265	Fmr1	chrX	68678536	68717963	2396	37	0.015442	2263	43	0.019001	2658	46	0.017306	127	0	0	491	2	0.004073	3032	53	0.01748	2046	34	0.016618	1733	20	0.011541	555	1	0.001802	368	0	0	243	1	0.004115
XM_00652 14265	Fmr1	chrX	68678536	68717963	2396	37	0.015442	2263	43	0.019001	2658	46	0.017306	127	0	0	491	2	0.004073	3032	53	0.01748	2046	34	0.016618	1733	20	0.011541	555	1	0.001802	368	0	0	243	1	0.004115
XM_00652 14266	Aff2	chrX	69407093	69872054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14266	Aff2	chrX	69407093	69872054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14266	Aff2	chrX	69407096	69872054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14266	Aff2	chrX	69407097	69872054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14266	Aff2	chrX	69360243	69872054	1254	26	0.020734	1245	15	0.012048	1292	18	0.013932	#N/A	#N/A	#N/A	462	4	0.008658	1470	39	0.026531	1006	22	0.021869	1015	16	0.015764	30	0	0	160	5	0.03125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14266	Aff2	chrX	69360190	69872054	1254	26	0.020734	1245	15	0.012048	1292	18	0.013932	#N/A	#N/A	#N/A	462	4	0.008658	1470	39	0.026531	1006	22	0.021869	1015	16	0.015764	30	0	0	160	5	0.03125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14765	Gpr50	chrX	71664051	71669257	2182	82	0.03758	2067	109	0.052733	2170	98	0.045161	#N/A	#N/A	#N/A	147	4	0.027211	2058	181	0.087949	1667	154	0.092382	1473	109	0.073999	394	49	0.124365	389	51	0.131105	84	8	0.095238
XM_00652 14933	Gk	chrX	85702595	85776814	475	4	0.008421	70	0	0	412	1	0.002427	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	548	4	0.007299	409	0	0	228	1	0.004386	173	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14933	Gk	chrX	85702595	85776814	475	4	0.008421	70	0	0	412	1	0.002427	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	548	4	0.007299	409	0	0	228	1	0.004386	173	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 14933	Gk	chrX	85703144	85776814	475	4	0.008421	70	0	0	412	1	0.002427	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	548	4	0.007299	409	0	0	228	1	0.004386	173	0	0	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 15161	Hcfc1	chrX	73942794	73966995	265	2	0.007547	385	1	0.002597	393	4	0.010178	#N/A	#N/A	#N/A	242	0	0	385	4	0.01039	443	4	0.009029	502	5	0.00996	#N/A	#N/A	#N/A	291	0	0	70	0	0
XM_00652 15161	Hcfc1	chrX	73942794	73966995	265	2	0.007547	385	1	0.002597	393	4	0.010178	#N/A	#N/A	#N/A	242	0	0	385	4	0.01039	443	4	0.009029	502	5	0.00996	#N/A	#N/A	#N/A	291	0	0	70	0	0
XM_00652 15354	Hmgb3	chrX	71555990	71560655	2673	22	0.00823	2840	14	0.00493	2837	27	0.009517	242	4	0.016529	229	2	0.008734	2449	21	0.008575	2620	17	0.006489	2596	21	0.008089	142	0	0	121	1	0.008264	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 15929	Idh3g	chrX	73778963	73786640	546	2	0.003663	564	2	0.003546	498	2	0.004016	#N/A	#N/A	#N/A	99	3	0.030303	758	6	0.007916	591	7	0.011844	563	5	0.008881	94	0	0	80	0	0	72	0	0
XM_00652 15931	Ids	chrX	70343147	70364980	304	3	0.009868	332	5	0.01506	333	2	0.006006	#N/A	#N/A	#N/A	100	0	0	444	14	0.031532	401	2	0.004988	299	1	0.003344	77	0	0	119	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 15931	Ids	chrX	70343147	70365116	304	3	0.009868	332	5	0.01506	333	2	0.006006	#N/A	#N/A	#N/A	100	0	0	444	14	0.031532	401	2	0.004988	299	1	0.003344	77	0	0	119	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74424596	74456792	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74393333	74456792	95	0	0	22	0	0	55	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	107	0	0	70	2	0.028571	97	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74428129	74456792	50	20	0.4	22	9	0.409091	30	5	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	40	13	0.325	49	23	0.469388	28	11	0.392857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74424597	74456792	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74424597	74456792	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74393233	74456792	95	0	0	22	0	0	55	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	107	0	0	70	2	0.028571	97	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16151	Ikbkg	chrX	74424596	74456792	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16571	Kif4	chrX	1.01E+08	1.01E+08	607	6	0.009885	640	1	0.001563	466	2	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	137	0	0	614	6	0.009772	681	2	0.002937	458	4	0.008734	#N/A	#N/A	#N/A	92	1	0.01087	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16728	L1cam	chrX	73853950	73880838	61	26	0.42623	40	16	0.4	46	20	0.434783	#N/A	#N/A	#N/A	36	13	0.361111	54	21	0.388889	38	0	0	38	17	0.447368	22	8	0.363636	28	4	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 16728	L1cam	chrX	73853950	73880838	61	26	0.42623	40	16	0.4	46	20	0.434783	#N/A	#N/A	#N/A	36	13	0.361111	54	21	0.388889	38	0	0	38	17	0.447368	22	8	0.363636	28	4	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 171486	Cd99l2	chrX	71420070	71492862	83	0	0	60	0	0	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	0	0	45	2	0.044444	66	1	0.015152	20	0	0	20	0	0	30	0	0
XM_00652 171486	Cd99l2	chrX	71420070	71492863	83	0	0	60	0	0	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	0	0	45	2	0.044444	66	1	0.015152	20	0	0	20	0	0	30	0	0
XM_00652 17772	Mtm1	chrX	71214980	71315413	299	1	0.003344	337	1	0.002967	261	3	0.011494	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	323	2	0.006192	324	1	0.003086	449	8	0.017817	20	0	0	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18679	Phka1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	561	9	0.016043	334	0	0	518	1	0.001931	#N/A	#N/A	#N/A	55	2	0.036364	503	1	0.001988	484	1	0.002066	493	2	0.004057	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	82	0	0
XM_00652 18679	Phka1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	561	9	0.016043	334	0	0	518	1	0.001931	#N/A	#N/A	#N/A	55	2	0.036364	503	1	0.001988	484	1	0.002066	493	2	0.004057	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	82	0	0
XM_00652 18846	Plxna3	chrX	74329056	74344689	#N/A	#N/A	#N/A	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 18846	Plxna3	chrX	74333856	74344689	219	203	0.926941	32	30	0.9375	130	123	0.946154	#N/A	#N/A	#N/A	28	26	0.928571	162	156	0.962963	118	109	0.923729	112	108	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96
XM_00652 18968	Pola1	chrX	93304766	93632387	552	5	0.009058	526	1	0.001901	455	2	0.004396	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	557	2	0.003591	554	1	0.001805	499	10	0.02004	238	4	0.016807	88	1	0.011364	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19108	Prkx	chrX	77760972	77796235	1061	14	0.013195	804	9	0.011194	1086	15	0.013812	#N/A	#N/A	#N/A	226	2	0.00885	1210	8	0.006612	861	6	0.006969	812	5	0.006158	158	0	0	113	2	0.017699	93	0	0
XM_00652 19108	Prkx	chrX	77760972	77796235	1061	14	0.013195	804	9	0.011194	1086	15	0.013812	#N/A	#N/A	#N/A	226	2	0.00885	1210	8	0.006612	861	6	0.006969	812	5	0.006158	158	0	0	113	2	0.017699	93	0	0
XM_00652 192176	Flna	chrX	74223461	74249854	137	0	0	196	7	0.035714	99	1	0.010101	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	90	0	0	241	1	0.004149	327	1	0.003058	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19820	Rlim	chrX	1.04E+08	1.04E+08	270	40	0.148148	204	1	0.004902	192	3	0.015625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	284	2	0.007042	142	0	0	186	2	0.010753	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19820	Rlim	chrX	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 19820	Rlim	chrX	1.04E+08	1.04E+08	270	40	0.148148	204	1	0.004902	192	3	0.015625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	284	2	0.007042	142	0	0	186	2	0.010753	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 208748	Prrg3	chrX	71962891	71972722	1136	51	0.044894	1029	20	0.019436	1116	39	0.034946	#N/A	#N/A	#N/A	168	5	0.029762	1353	70	0.051737	993	107	0.107754	752	54	0.071809	124	2	0.016129	196	11	0.056122	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 208748	Prrg3	chrX	71962164	71972722	1068	47	0.044007	1029	20	0.019436	1076	39	0.036245	#N/A	#N/A	#N/A	168	5	0.029762	1285	66	0.051362	945	106	0.112169	752	54	0.071809	124	2	0.016129	196	11	0.056122	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 208748	Prrg3	chrX	71963067	71972722	1136	51	0.044894	1029	20	0.019436	1116	39	0.034946	#N/A	#N/A	#N/A	168	5	0.029762	1353	70	0.051737	993	107	0.107754	752	54	0.071809	124	2	0.016129	196	11	0.056122	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 208748	Prrg3	chrX	71962305	71972722	1136	51	0.044894	1029	20	0.019436	1116	39	0.034946	#N/A	#N/A	#N/A	168	5	0.029762	1353	70	0.051737	993	107	0.107754	752	54	0.071809	124	2	0.016129	196	11	0.056122	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 212952	Gm44	chrX	90878355	90893134	55	38	0.690909	52	46	0.884615	112	85	0.758929	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	96	73	0.760417	59	49	0.830508	62	45	0.725806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 213449	Tent5d	chrX	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 21372	Tbl1x	chrX	77510547	77662722	1418	9	0.006347	1502	11	0.007324	1423	23	0.016163	#N/A	#N/A	#N/A	368	0	0	1464	4	0.002732	1613	10	0.0062	1352	5	0.003698	200	0	0	304	1	0.003289	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22127	Tsx	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22127	Tsx	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22446	Xlr3c	chrX	73254538	73265576	178	163	0.91573	142	119	0.838028	104	101	0.971154	#N/A	#N/A	#N/A	72	58	0.805556	152	118	0.776316	190	152	0.8	55	48	0.872727	30	17	0.566667	92	81	0.880435	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22446	Xlr3c	chrX	73254538	73265271	178	163	0.91573	142	119	0.838028	104	101	0.971154	#N/A	#N/A	#N/A	72	58	0.805556	152	118	0.776316	190	152	0.8	55	48	0.872727	30	17	0.566667	92	81	0.880435	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22446	Xlr3c	chrX	73254538	73265419	178	163	0.91573	142	119	0.838028	104	101	0.971154	#N/A	#N/A	#N/A	72	58	0.805556	152	118	0.776316	190	152	0.8	55	48	0.872727	30	17	0.566667	92	81	0.880435	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22673	Zfp185	chrX	72987282	73031519	1070	13	0.01215	1165	27	0.023176	1153	23	0.019948	185	2	0.010811	119	3	0.02521	1221	32	0.026208	962	12	0.012474	999	11	0.011011	226	0	0	251	10	0.039841	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22673	Zfp185	chrX	72987278	73031519	1070	13	0.01215	1165	27	0.023176	1153	23	0.019948	185	2	0.010811	119	3	0.02521	1221	32	0.026208	962	12	0.012474	999	11	0.011011	226	0	0	251	10	0.039841	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22673	Zfp185	chrX	72987252	73031519	1070	13	0.01215	1165	27	0.023176	1153	23	0.019948	185	2	0.010811	119	3	0.02521	1221	32	0.026208	962	12	0.012474	999	11	0.011011	226	0	0	251	10	0.039841	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22754	Zfp92	chrX	73410986	73426998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22764	Zfx	chrX	94074631	94150645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 22764	Zfx	chrX	94074631	94150645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236790	Ints6l	chrX	56454829	56507843	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236790	Ints6l	chrX	56454829	56507827	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236794	Slc9a6	chrX	56609556	56663838	456	2	0.004386	566	6	0.010601	594	2	0.003367	#N/A	#N/A	#N/A	28	0	0	602	1	0.001661	586	1	0.001706	296	1	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	102	0	0	20	0	0
XM_00652 236899	Pcyt1b	chrX	93701067	93749951	49	27	0.55102	#N/A	#N/A	#N/A	19	2	0.105263	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	72	34	0.472222	17	12	0.705882	14	2	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236904	Klhl15	chrX	94232278	94277724	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236904	Klhl15	chrX	94234693	94277724	1605	15	0.009346	1321	8	0.006056	1789	14	0.007826	55	0	0	199	1	0.005025	1730	12	0.006936	1570	20	0.012739	1484	12	0.008086	126	0	0	160	0	0	60	2	0.033333
XM_00652 236904	Klhl15	chrX	94232278	94277724	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236904	Klhl15	chrX	94232278	94277724	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236904	Klhl15	chrX	94234692	94277724	1605	15	0.009346	1321	8	0.006056	1789	14	0.007826	55	0	0	199	1	0.005025	1730	12	0.006936	1570	20	0.012739	1484	12	0.008086	126	0	0	160	0	0	60	2	0.033333
XM_00652 236904	Klhl15	chrX	94232278	94257571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236915	Arhgef9	chrX	95048930	95196853	103	7	0.067961	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	133	14	0.105263	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	33	1	0.030303	20	2	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99002933	99074728	54	34	0.62963	56	34	0.607143	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	68	49	0.720588	68	40	0.588235	84	34	0.404762	#N/A	#N/A	#N/A	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99044008	99074511	255	50	0.196078	163	46	0.282209	193	47	0.243523	12	3	0.25	11	3	0.272727	194	28	0.14433	190	27	0.142105	165	42	0.254545	26	0	0	57	26	0.45614	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99003228	99074511	54	34	0.62963	56	34	0.607143	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	68	49	0.720588	68	40	0.588235	84	34	0.404762	#N/A	#N/A	#N/A	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99052395	99074511	10	7	0.7	11	9	0.818182	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	15	0.652174	14	10	0.714286	39	19	0.487179	11	7	0.636364	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99042586	99074511	341	126	0.369501	173	53	0.306358	253	94	0.371542	12	3	0.25	23	8	0.347826	259	84	0.324324	238	59	0.247899	229	97	0.423581	36	6	0.166667	70	30	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99043989	99074511	255	50	0.196078	163	46	0.282209	193	47	0.243523	12	3	0.25	11	3	0.272727	194	28	0.14433	190	27	0.142105	165	42	0.254545	26	0	0	57	26	0.45614	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 236920	Stard8	chrX	99060335	99074511	166	131	0.789157	162	141	0.87037	146	115	0.787671	10	10	1	88	63	0.715909	182	156	0.857143	181	140	0.773481	140	106	0.757143	36	25	0.694444	61	41	0.672131	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245423	Gm364	chrX	57400767	57488771	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245450	Slitrk2	chrX	66648951	66661402	77	3	0.038961	#N/A	#N/A	#N/A	84	11	0.130952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	91	9	0.098901	91	11	0.120879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245450	Slitrk2	chrX	66648951	66661402	77	3	0.038961	#N/A	#N/A	#N/A	84	11	0.130952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	91	9	0.098901	91	11	0.120879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245469	Pdzd4	chrX	73793357	73825043	1797	25	0.013912	1600	25	0.015625	1737	46	0.026482	72	0	0	122	5	0.040984	1163	18	0.015477	1199	42	0.035029	1446	17	0.011757	50	12	0.24	131	4	0.030534	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245469	Pdzd4	chrX	73793357	73824540	2210	94	0.042534	2043	58	0.02839	2260	90	0.039823	72	0	0	122	5	0.040984	1490	101	0.067785	1571	89	0.056652	1686	41	0.024318	115	14	0.121739	131	4	0.030534	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245469	Pdzd4	chrX	73793357	73825032	1797	25	0.013912	1600	25	0.015625	1737	46	0.026482	72	0	0	122	5	0.040984	1163	18	0.015477	1199	42	0.035029	1446	17	0.011757	50	12	0.24	131	4	0.030534	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245469	Pdzd4	chrX	73793357	73825032	1797	25	0.013912	1600	25	0.015625	1737	46	0.026482	72	0	0	122	5	0.040984	1163	18	0.015477	1199	42	0.035029	1446	17	0.011757	50	12	0.24	131	4	0.030534	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245527	Eda2r	chrX	97333837	97377234	152	21	0.138158	190	5	0.026316	187	19	0.101604	#N/A	#N/A	#N/A	46	13	0.282609	214	2	0.009346	157	1	0.006369	119	2	0.016807	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245527	Eda2r	chrX	97333837	97377218	152	21	0.138158	190	5	0.026316	187	19	0.101604	#N/A	#N/A	#N/A	46	13	0.282609	214	2	0.009346	157	1	0.006369	119	2	0.016807	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245555	Nexmif	chrX	1.04E+08	1.04E+08	1406	51	0.036273	1314	65	0.049467	1387	50	0.036049	#N/A	#N/A	#N/A	40	2	0.05	1256	47	0.03742	1231	26	0.021121	984	40	0.04065	327	9	0.027523	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245555	Nexmif	chrX	1.04E+08	1.04E+08	2654	64	0.024115	2212	73	0.033002	2999	69	0.023008	88	0	0	404	2	0.00495	2420	69	0.028512	1989	35	0.017597	1705	51	0.029912	340	9	0.026471	215	21	0.097674	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245572	Tbx22	chrX	1.08E+08	1.08E+08	26	18	0.692308	24	14	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	48	39	0.8125	22	12	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245572	Tbx22	chrX	1.08E+08	1.08E+08	26	18	0.692308	24	14	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	48	39	0.8125	22	12	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 270599	Gm648	chrX	56543873	56548797	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 270599	Gm648	chrX	56543873	56553231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27061	Bcap31	chrX	73686178	73716449	399	3	0.007519	298	0	0	365	2	0.005479	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A	465	3	0.006452	272	1	0.003676	385	2	0.005195	48	1	0.020833	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 270627	Taf1	chrX	1.02E+08	1.02E+08	237	9	0.037975	197	4	0.020305	175	2	0.011429	#N/A	#N/A	#N/A	78	0	0	276	1	0.003623	282	1	0.003546	85	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 270627	Taf1	chrX	1.02E+08	1.02E+08	237	9	0.037975	197	4	0.020305	175	2	0.011429	#N/A	#N/A	#N/A	78	0	0	276	1	0.003623	282	1	0.003546	85	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 270627	Taf1	chrX	1.02E+08	1.02E+08	237	9	0.037975	197	4	0.020305	175	2	0.011429	#N/A	#N/A	#N/A	78	0	0	276	1	0.003623	282	1	0.003546	85	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27081	Zfp275	chrX	73342593	73358152	452	1	0.002212	538	4	0.007435	590	3	0.005085	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	396	3	0.007576	605	2	0.003306	450	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	107	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27083	Xlr4b	chrX	73214321	73222453	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	42	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27084	Xlr5c	chrX	73283361	73292986	194	182	0.938144	92	86	0.934783	145	132	0.910345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	163	148	0.907975	155	151	0.974194	109	100	0.917431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27084	Xlr5c	chrX	73283361	73292986	194	182	0.938144	92	86	0.934783	145	132	0.910345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	163	148	0.907975	155	151	0.974194	109	100	0.917431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27084	Xlr5c	chrX	73283361	73292981	194	182	0.938144	92	86	0.934783	145	132	0.910345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	163	148	0.907975	155	151	0.974194	109	100	0.917431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 27084	Xlr5c	chrX	73283361	73293863	194	182	0.938144	92	86	0.934783	145	132	0.910345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	163	148	0.907975	155	151	0.974194	109	100	0.917431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 278087	Gm5071	chrX	91931510	91934365	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 278087	Gm5071	chrX	91931510	91934365	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320707	Atp2b3	chrX	73502750	73573275	704	14	0.019886	906	8	0.00883	748	18	0.024064	#N/A	#N/A	#N/A	180	1	0.005556	555	13	0.023423	557	8	0.014363	766	11	0.01436	#N/A	#N/A	#N/A	156	2	0.012821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320707	Atp2b3	chrX	73502749	73573227	704	14	0.019886	906	8	0.00883	748	18	0.024064	#N/A	#N/A	#N/A	180	1	0.005556	555	13	0.023423	557	8	0.014363	766	11	0.01436	#N/A	#N/A	#N/A	156	2	0.012821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320707	Atp2b3	chrX	73502749	73558217	704	14	0.019886	906	8	0.00883	748	18	0.024064	#N/A	#N/A	#N/A	180	1	0.005556	555	13	0.023423	557	8	0.014363	766	11	0.01436	#N/A	#N/A	#N/A	156	2	0.012821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320923	Map7d3	chrX	56798994	56822490	131	9	0.068702	34	0	0	143	6	0.041958	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	121	4	0.033058	85	4	0.047059	90	0	0	60	4	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320923	Map7d3	chrX	56794833	56822490	131	9	0.068702	34	0	0	143	6	0.041958	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	121	4	0.033058	85	4	0.047059	90	0	0	60	4	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 320940	Atp11c	chrX	60223283	60404844	1522	9	0.005913	978	6	0.006135	1482	8	0.005398	#N/A	#N/A	#N/A	252	0	0	1859	14	0.007531	1294	6	0.004637	1500	5	0.003333	210	0	0	393	1	0.002545	100	0	0
XM_00652 320940	Atp11c	chrX	60223283	60404853	1522	9	0.005913	978	6	0.006135	1482	8	0.005398	#N/A	#N/A	#N/A	252	0	0	1859	14	0.007531	1294	6	0.004637	1500	5	0.003333	210	0	0	393	1	0.002545	100	0	0
XM_00652 320940	Atp11c	chrX	60229165	60404019	2512	21	0.00836	1797	9	0.005008	2528	15	0.005934	48	0	0	324	0	0	3225	27	0.008372	2389	14	0.00586	2574	23	0.008936	210	0	0	393	1	0.002545	100	0	0
XM_00652 320940	Atp11c	chrX	60223283	60404019	2512	21	0.00836	1797	9	0.005008	2528	15	0.005934	48	0	0	324	0	0	3225	27	0.008372	2389	14	0.00586	2574	23	0.008936	210	0	0	393	1	0.002545	100	0	0
XM_00652 320940	Atp11c	chrX	60229925	60404019	2512	21	0.00836	1797	9	0.005008	2528	15	0.005934	48	0	0	324	0	0	3225	27	0.008372	2389	14	0.00586	2574	23	0.008936	210	0	0	393	1	0.002545	100	0	0
XM_00652 320940	Atp11c	chrX	60229165	60404019	2512	21	0.00836	1797	9	0.005008	2528	15	0.005934	48	0	0	324	0	0	3225	27	0.008372	2389	14	0.00586	2574	23	0.008936	210	0	0	393	1	0.002545	100	0	0
XM_00652 331416	Gm773	chrX	56189835	56212886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 331474	Rtl5	chrX	1.02E+08	1.02E+08	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	1	0.016667	76	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 333564	Fndc3c1	chrX	1.06E+08	1.06E+08	479	48	0.100209	476	60	0.12605	511	55	0.107632	30	0	0	176	14	0.079545	413	49	0.118644	377	56	0.148541	483	58	0.120083	123	40	0.325203	168	14	0.083333	52	15	0.288462
XM_00652 333564	Fndc3c1	chrX	1.06E+08	1.06E+08	479	48	0.100209	476	60	0.12605	511	55	0.107632	30	0	0	176	14	0.079545	413	49	0.118644	377	56	0.148541	483	58	0.120083	123	40	0.325203	168	14	0.083333	52	15	0.288462
XM_00652 333564	Fndc3c1	chrX	1.06E+08	1.06E+08	479	48	0.100209	476	60	0.12605	511	55	0.107632	30	0	0	176	14	0.079545	413	49	0.118644	377	56	0.148541	483	58	0.120083	123	40	0.325203	168	14	0.083333	52	15	0.288462
XM_00652 382236	Brwd3	chrX	1.09E+08	1.09E+08	377	2	0.005305	214	2	0.009346	376	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	89	0	0	370	4	0.010811	387	1	0.002584	314	1	0.003185	#N/A	#N/A	#N/A	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 434794	Xlr4a	chrX	73074343	73082526	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	13	12	0.923077	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 434794	Xlr4a	chrX	73074343	73082527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	13	12	0.923077	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_00652 434794	Xlr4a	chrX	73074343	73082526	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	13	12	0.923077	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 434797	Gm5640	chrX	74639114	74645988	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 53310	Dlg3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	568	108	0.190141	437	97	0.221968	320	71	0.221875	30	3	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	379	100	0.263852	307	93	0.302932	490	184	0.37551	#N/A	#N/A	#N/A	33	6	0.181818	32	13	0.40625
XM_00652 53310	Dlg3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	568	108	0.190141	437	97	0.221968	320	71	0.221875	30	3	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	379	100	0.263852	307	93	0.302932	490	184	0.37551	#N/A	#N/A	#N/A	33	6	0.181818	32	13	0.40625
XM_00652 53310	Dlg3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 53332	Mtmr1	chrX	71377683	71419189	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 53332	Mtmr1	chrX	71369826	71419189	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 54601	Foxo4	chrX	1.01E+08	1.01E+08	529	58	0.109641	371	43	0.115903	440	37	0.084091	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	549	15	0.027322	488	50	0.102459	605	15	0.024793	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	20	0	0
XM_00652 546325	Gm5936	chrX	74836841	74843360	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546336	Prrg1	chrX	78449613	78583914	296	3	0.010135	304	1	0.003289	272	1	0.003676	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	350	1	0.002857	294	0	0	350	5	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A	32	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546336	Prrg1	chrX	78449613	78583914	296	3	0.010135	304	1	0.003289	272	1	0.003676	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	350	1	0.002857	294	0	0	350	5	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A	32	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546336	Prrg1	chrX	78449613	78583914	296	3	0.010135	304	1	0.003289	272	1	0.003676	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0	350	1	0.002857	294	0	0	350	5	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A	32	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546336	Prrg1	chrX	78449613	78553741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	88	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	88	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	88	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	54	7	0.12963	#N/A	#N/A	#N/A	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	42	0	0	62	8	0.129032	69	9	0.130435	37	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	101	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	101	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	88	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56364	Zmym3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	435	7	0.016092	282	2	0.007092	382	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	0	0	528	9	0.017045	461	10	0.021692	380	2	0.005263	#N/A	#N/A	#N/A	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 56504	Srpk3	chrX	73772608	73778925	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	14	12	0.857143	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 57249	Gabrq	chrX	72825163	72842607	174	10	0.057471	168	9	0.053571	219	17	0.077626	#N/A	#N/A	#N/A	60	5	0.083333	181	15	0.082873	158	22	0.139241	193	4	0.020725	60	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 57385	P2ry4	chrX	1.01E+08	1.01E+08	44	12	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	23	8	0.347826	66	21	0.318182	30	13	0.433333	27	5	0.185185	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 57385	P2ry4	chrX	1.01E+08	1.01E+08	44	12	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	23	8	0.347826	66	21	0.318182	30	13	0.433333	27	5	0.185185	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 57385	P2ry4	chrX	1.01E+08	1.01E+08	44	12	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	23	8	0.347826	66	21	0.318182	30	13	0.433333	27	5	0.185185	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 57385	P2ry4	chrX	1.01E+08	1.01E+08	44	12	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	23	8	0.347826	66	21	0.318182	30	13	0.433333	27	5	0.185185	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73117677	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73117032	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73120814	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73120814	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73117667	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73117051	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73117667	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73117030	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73120814	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574404	Gm14685	chrX	73123153	73129269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73148821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73149466	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73146685	55	52	0.945455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73146685	55	52	0.945455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73148824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73149461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73146685	55	52	0.945455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73148828	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574405	DXBay18	chrX	73137223	73146685	55	52	0.945455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574437	Xlr3b	chrX	73192286	73202930	118	89	0.754237	39	29	0.74359	73	56	0.767123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	23	0.741935	81	70	0.864198	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574437	Xlr3b	chrX	73192150	73202930	118	89	0.754237	39	29	0.74359	73	56	0.767123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	23	0.741935	81	70	0.864198	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574438	Xlr5a	chrX	73107621	73117745	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574438	Xlr5a	chrX	73107621	73117709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574438	Xlr5a	chrX	73107621	73118717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574438	Xlr5a	chrX	73107621	73118431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 574438	Xlr5a	chrX	73107621	73117209	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 619294	Cldn34b4	chrX	76385323	76397839	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73148753	73158886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73148817	73158407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73148788	73158886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73147784	73158886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73148928	73158886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73148085	73158886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73149287	73158886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 627081	Xlr5b	chrX	73148808	73158407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 628456	Ctag2l1	chrX	74480117	74481562	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 628893	Cldn34-ps	chrX	77674669	77691298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 629542	Gm14781	chrX	91624243	91635664	82	75	0.914634	100	92	0.92	60	53	0.883333	33	29	0.878788	61	50	0.819672	96	83	0.864583	90	49	0.544444	48	26	0.541667	33	15	0.454545	42	37	0.880952	36	21	0.583333
XM_00652 66724	Tab3	chrX	85574000	85634314	1333	9	0.006752	1197	9	0.007519	1505	3	0.001993	85	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	1369	10	0.007305	1258	6	0.004769	1650	7	0.004242	136	0	0	260	1	0.003846	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66724	Tab3	chrX	85574330	85634314	1333	9	0.006752	1197	9	0.007519	1505	3	0.001993	85	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	1369	10	0.007305	1258	6	0.004769	1650	7	0.004242	136	0	0	260	1	0.003846	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66826	Taz	chrX	74281900	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66826	Taz	chrX	74281900	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66826	Taz	chrX	74281901	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66826	Taz	chrX	74281901	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66826	Taz	chrX	74281902	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 66826	Taz	chrX	74281903	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 668357	Dmrtc1c2	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 668357	Dmrtc1c2	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 668357	Dmrtc1c2	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 668357	Dmrtc1c2	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67048	Vma21	chrX	71812752	71824706	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 69537	Dnase1l1	chrX	74273218	74281765	90	1	0.011111	188	1	0.005319	136	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	77	0	0	111	0	0	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 69537	Dnase1l1	chrX	74273218	74281765	90	1	0.011111	188	1	0.005319	136	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	77	0	0	111	0	0	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70315	Hdac8	chrX	1.02E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	45	0	0	22	0	0	38	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70315	Hdac8	chrX	1.02E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	45	0	0	22	0	0	38	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 70887	Dmrtc1a	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	10	9	0.9	15	14	0.933333	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71083	Dmrtc1c1	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 71584	Gdpd2	chrX	1.01E+08	1.01E+08	168	18	0.107143	144	12	0.083333	191	19	0.099476	10	3	0.3	31	4	0.129032	177	45	0.254237	121	12	0.099174	165	8	0.048485	#N/A	#N/A	#N/A	14	2	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 73300	1700031F(	chrX	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 73341	Arhgef6	chrX	57231485	57338757	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 73341	Arhgef6	chrX	57231485	57338758	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 73341	Arhgef6	chrX	57231485	57338757	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 74437	4933402E1	chrX	62282960	62292084	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75590	Dusp9	chrX	73639389	73643514	576	44	0.076389	333	56	0.168168	534	74	0.138577	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	743	45	0.060565	410	123	0.3	413	64	0.154964	172	50	0.290698	91	1	0.010989	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 75590	Dusp9	chrX	73639389	73643514	576	44	0.076389	333	56	0.168168	534	74	0.138577	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	743	45	0.060565	410	123	0.3	413	64	0.154964	172	50	0.290698	91	1	0.010989	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76130	Las1l	chrX	95935313	95956969	163	2	0.01227	64	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	213	2	0.00939	72	0	0	111	2	0.018018	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 76130	Las1l	chrX	95930790	95956969	163	2	0.01227	64	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	213	2	0.00939	72	0	0	111	2	0.018018	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 77929	Yipf6	chrX	98936316	98948967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 77929	Yipf6	chrX	98936485	98948967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 77929	Yipf6	chrX	98936485	98948967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 93843	Pnck	chrX	73655992	73659982	447	58	0.129754	447	52	0.116331	519	55	0.105973	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	526	46	0.087452	136	47	0.345588	494	59	0.119433	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 102639702	Gm35953	chrX	56277085	56293089	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 102639702	Gm35953	chrX	56277085	56293278	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 102639702	Gm35953	chrX	56277085	56292528	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 382231	8030474K(	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 382231	8030474K(	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 102637800	Gm34521	chrX	1.09E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 102632367	Gm9133	chrX	1.03E+08	1.03E+08	25	20	0.8	14	13	0.928571	21	17	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	13	11	0.846154	13	8	0.615385	19	15	0.789474	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12662	Chm	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12662	Chm	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12662	Chm	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12662	Chm	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67071	Rps6ka6	chrX	1.11E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67071	Rps6ka6	chrX	1.11E+08	1.12E+08	332	180	0.542169	394	207	0.525381	347	210	0.605187	#N/A	#N/A	#N/A	123	71	0.577236	371	229	0.617251	375	216	0.576	338	174	0.514793	45	39	0.866667	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67071	Rps6ka6	chrX	1.11E+08	1.12E+08	290	144	0.496552	331	146	0.441088	287	153	0.533101	#N/A	#N/A	#N/A	98	49	0.5	322	185	0.574534	329	178	0.541033	300	145	0.483333	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 67071	Rps6ka6	chrX	1.11E+08	1.12E+08	290	144	0.496552	331	146	0.441088	287	153	0.533101	#N/A	#N/A	#N/A	98	49	0.5	322	185	0.574534	329	178	0.541033	300	145	0.483333	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 69693	Pof1b	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 69693	Pof1b	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 73061	Cldn34c1	chrX	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 93837	Dach2	chrX	1.13E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	102	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	106	5	0.04717	142	5	0.035211	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100039763	Gm2411	chrX	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100039763	Gm2411	chrX	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 625591	Cldn34c2	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 625591	Cldn34c2	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 382265	Cldn34c3	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 382265	Cldn34c3	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 382265	Cldn34c3	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546368	Gm5945	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546368	Gm5945	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 546368	Gm5945	chrX	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100040635	Gm15023	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100503043	Armcx4	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	11	1	0.090909	159	2	0.012579	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100503043	Armcx4	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	11	1	0.090909	159	2	0.012579	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100503043	Armcx4	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	117	17	0.145299	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100503043	Armcx4	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	11	1	0.090909	159	2	0.012579	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 100503043	Armcx4	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	11	1	0.090909	159	2	0.012579	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 102920	Cenpi	chrX	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12229	Btk	chrX	1.35E+08	1.35E+08	54	41	0.759259	71	61	0.859155	47	38	0.808511	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	42	27	0.642857	41	27	0.658537	43	32	0.744186	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12229	Btk	chrX	1.35E+08	1.35E+08	54	41	0.759259	71	61	0.859155	47	38	0.808511	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	42	27	0.642857	41	27	0.658537	43	32	0.744186	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12229	Btk	chrX	1.35E+08	1.35E+08	54	41	0.759259	71	61	0.859155	47	38	0.808511	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	42	27	0.642857	41	27	0.658537	43	32	0.744186	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00652 12738	Cldn2	chrX	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	49	0.907407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



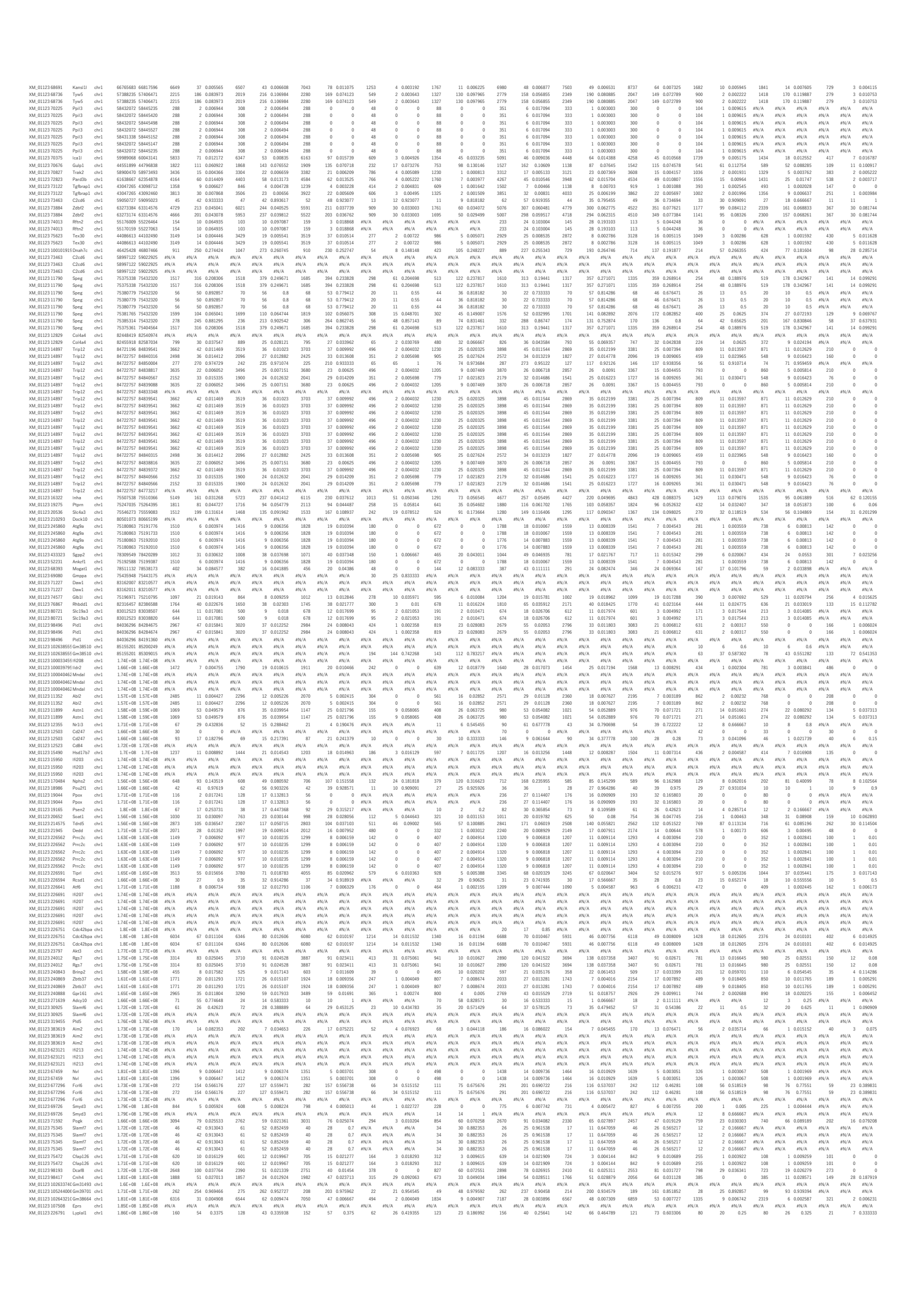


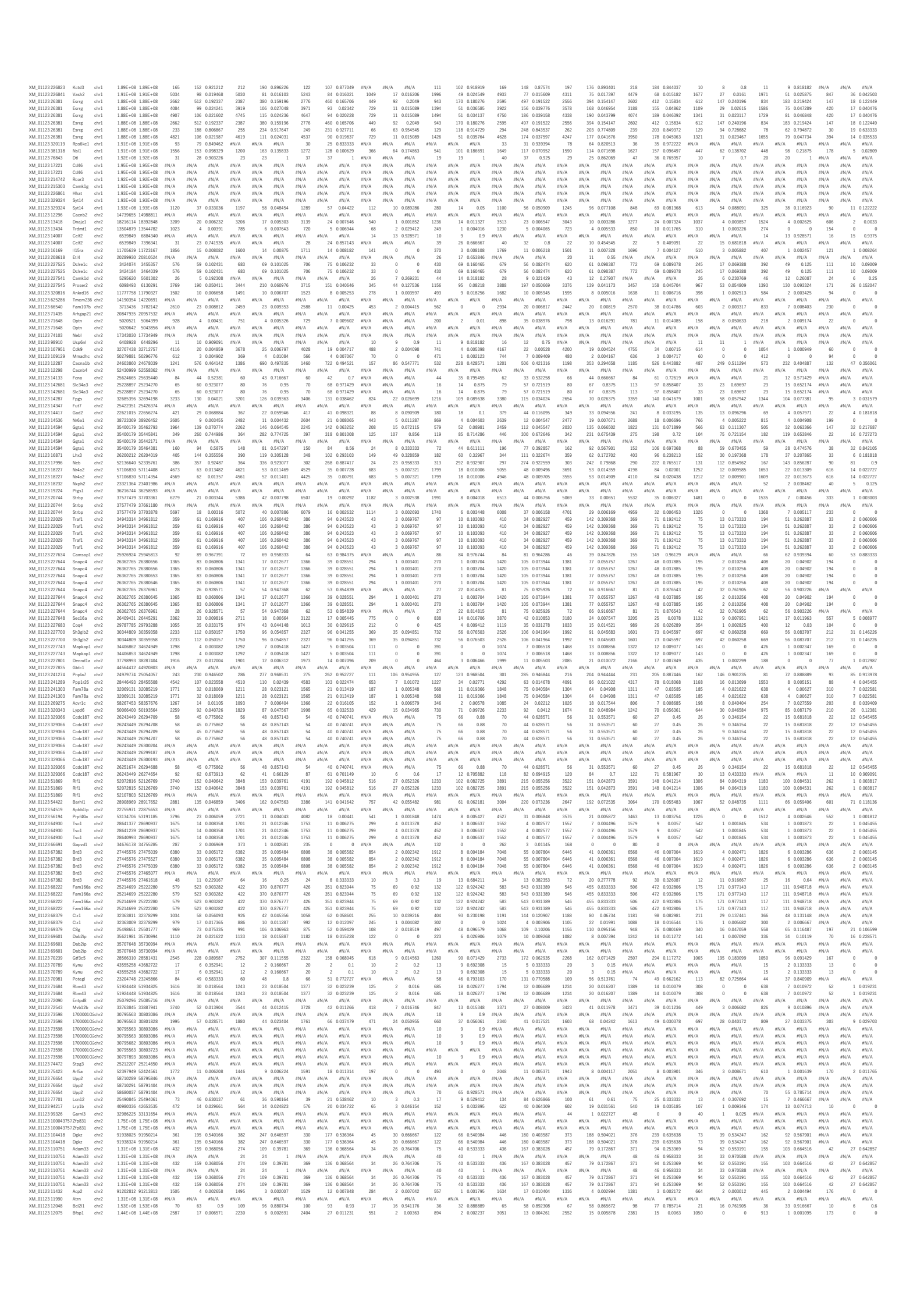
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207165	Bptf	chr11	1.07E+08	1.07E+08	5072	26	0.005126	5023	26	0.005176	5990	42	0.007012	565	0	0	1079	1	0.000927	5409	37	0.00684	4436	31	0.006988	5056	34	0.006725	1917	4	0.002087	1217	4	0.003287	154	1	0.006494
XM_00653 207592	Tbc1d16	chr11	1.19E+08	1.19E+08	3061	46	0.015028	3181	56	0.017605	3008	42	0.013963	252	9	0.035714	893	8	0.008959	3086	59	0.019119	2967	51	0.017189	3582	64	0.017867	753	17	0.022576	1163	34	0.029235	95	2	0.021053
XM_00653 207592	Tbc1d16	chr11	1.19E+08	1.19E+08	3061	46	0.015028	3181	56	0.017605	3008	42	0.013963	252	9	0.035714	893	8	0.008959	3086	59	0.019119	2967	51	0.017189	3582	64	0.017867	753	17	0.022576	1163	34	0.029235	95	2	0.021053
XM_00653 207592	Tbc1d16	chr11	1.19E+08	1.19E+08	3061	46	0.015028	3181	56	0.017605	3008	42	0.013963	252	9	0.035714	893	8	0.008959	3086	59	0.019119	2967	51	0.017189	3582	64	0.017867	753	17	0.022576	1163	34	0.029235	95	2	0.021053
XM_00653 207607	Ccdc40	chr11	1.19E+08	1.19E+08	3103	80	0.025782	3229	94	0.029111	3059	81	0.026479	288	30	0.104167	944	46	0.048729	3182	143	0.04494	3030	97	0.032013	3648	116	0.031798	753	17	0.022576	1202	66	0.054908	95	2	0.021053
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87758195	87785928	481	351	0.72973	399	327	0.819549	412	326	0.791262	125	108	0.864	189	153	0.809524	505	226	0.447525	374	237	0.63369	406	235	0.578818	158	93	0.588608	209	121	0.578947	95	71	0.747368
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87758194	87785928	481	351	0.72973	399	327	0.819549	412	326	0.791262	125	108	0.864	189	153	0.809524	505	226	0.447525	374	237	0.63369	406	235	0.578818	158	93	0.588608	209	121	0.578947	95	71	0.747368
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87761402	87785928	271	54	0.199262	234	49	0.209402	338	69	0.204142	32	0	0	192	40	0.208333	360	61	0.169444	328	60	0.182927	273	52	0.190476	60	9	0.15	167	28	0.167665	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87761402	87785928	271	54	0.199262	234	49	0.209402	338	69	0.204142	32	0	0	192	40	0.208333	360	61	0.169444	328	60	0.182927	273	52	0.190476	60	9	0.15	167	28	0.167665	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87762462	87785928	217	76	0.35023	158	74	0.468354	216	98	0.453704	14	5	0.357143	134	46	0.343284	296	113	0.381757	210	76	0.361905	213	85	0.399061	25	12	0.48	100	32	0.32	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87762970	87785928	221	82	0.371041	200	76	0.38	231	97	0.419913	14	5	0.357143	46	33	0.717391	293	138	0.47099	228	84	0.368421	239	90	0.376569	53	15	0.283019	81	31	0.382716	40	16	0.4
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87758195	87785928	481	351	0.72973	399	327	0.819549	412	326	0.791262	125	108	0.864	189	153	0.809524	505	226	0.447525	374	237	0.63369	406	235	0.578818	158	93	0.588608	209	121	0.578947	95	71	0.747368
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87758196	87785928	481	351	0.72973	399	327	0.819549	412	326	0.791262	125	108	0.864	189	153	0.809524	505	226	0.447525	374	237	0.63369	406	235	0.578818	158	93	0.588608	209	121	0.578947	95	71	0.747368
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87766610	87785928	1018	156	0.153242	1188	150	0.126263	1294	155	0.119784	216	28	0.12963	396	76	0.191919	1046	161	0.15392	884	77	0.087104	1361	145	0.106539	287	14	0.04878	568	70	0.123239	179	29	0.162011
XM_00653 207777	Tspoap1	chr11	87764752	87785928	1398	135	0.096567	1593	143	0.089768	1685	124	0.073591	367	26	0.070845	547	70	0.127971	1520	153	0.100658	1291	56	0.043377	1768	139	0.07862	432	11	0.025463	838	55	0.065632	281	36	0.128114
XM_00653 20787	Srebf1	chr11	60199094	60210485	798	161	0.201754	818	149	0.182152	601	129	0.214642	67	17	0.253731	349	35	0.100287	1100	221	0.200909	726	113	0.155647	690	138	0.2	209	13	0.062201	504	59	0.117063	24	7	0.291667
XM_00653 208092	Chmp6	chr11	1.2E+08	1.2E+08	1376	84	0.061047	1119	43	0.038427	1348	20	0.014837	120	2	0.016667	426	80	0.187793	1545	108	0.069903	1259	71	0.056394	1427	49	0.034338	314	37	0.117834	428	10	0.023364	10	3	0.3
XM_00653 20850	Stat5a	chr11	1.01E+08	1.01E+08	556	28	0.05036	366	15	0.040984	401	16	0.0399	#N/A	#N/A	#N/A	130	11	0.084615	700	11	0.015714	487	7	0.014374	538	22	0.040892	251	0	0	166	12	0.072289	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 20851	Stat5b	chr11	1.01E+08	1.01E+08	549	24	0.043716	381	29	0.076115	388	9	0.023196	#N/A	#N/A	#N/A	108	0	0	721	27	0.037448	505	19	0.037624	514	17	0.033074	251	0	0	146	1	0.006849	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 208659	Fam20a	chr11	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 20877	Aurkb	chr11	69045624	69051664	569	1	0.001757	334	10	0.02994	415	4	0.009639	22	0	0	108	0	0	613	3	0.004894	575	3	0.005217	566	6	0.010601	17	0	0	117	0	0	12	0	0
XM_00653 20892	Cenpx	chr11	1.21E+08	1.21E+08	750	5	0.006667	627	1	0.001595	713	5	0.007013	242	35	0.144628	489	4	0.00818	1009	4	0.003964	799	18	0.022528	833	11	0.013205	411	0	0	588	4	0.006803	302	1	0.003311
XM_00653 20913	Stxbp4	chr11	90499331	90638135	2955	22	0.007445	2503	16	0.006392	2512	18	0.007166	549	3	0.005464	1084	7	0.006458	2877	22	0.007647	3042	33	0.010848	2508	16	0.00638	782	1	0.001279	746	0	0	175	2	0.011429
XM_00653 20913	Stxbp4	chr11	90529836	90638135	2955	22	0.007445	2503	16	0.006392	2512	18	0.007166	549	3	0.005464	1084	7	0.006458	2877	22	0.007647	3042	33	0.010848	2508	16	0.00638	782	1	0.001279	746	0	0	175	2	0.011429
XM_00653 20913	Stxbp4	chr11	90511598	90638135	2955	22	0.007445	2503	16	0.006392	2512	18	0.007166	549	3	0.005464	1084	7	0.006458	2877	22	0.007647	3042	33	0.010848	2508	16	0.00638	782	1	0.001279	746	0	0	175	2	0.011429
XM_00653 20913	Stxbp4	chr11	90552012	90638135	2955	22	0.007445	2503	16	0.006392	2512	18	0.007166	549	3	0.005464	1084	7	0.006458	2877	22	0.007647	3042	33	0.010848	2508	16	0.00638	782	1	0.001279	746	0	0	175	2	0.011429
XM_00653 20913	Stxbp4	chr11	90557556	90638135	2955	22	0.007445	2503	16	0.006392	2512	18	0.007166	549	3	0.005464	1084	7	0.006458	2877	22	0.007647	3042	33	0.010848	2508	16	0.00638	782	1	0.001279	746	0	0	175	2	0.011429
XM_00653 20926	Supt6	chr11	78207024	78245637	1970	95	0.048223	1680	109	0.064881	2225	129	0.057978	157	1	0.006369	975	34	0.034872	2072	94	0.045367	1769	65	0.036744	1614	109	0.067534	1030	47	0.045631	724	27	0.037293	213	1	0.004695
XM_00653 209318	Gps1	chr11	1.21E+08	1.21E+08	7120	47	0.006601	7159	53	0.007403	7363	50	0.006791	1333	3	0.002251	2023	6	0.002966	7249	48	0.006622	6055	38	0.006276	7093	69	0.009728	2094	12	0.005731	2393	9	0.003761	130	1	0.007692
XM_00653 209588	Sectm1a	chr11	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 209588	Sectm1a	chr11	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 210004	B3gntl1	chr11	1.22E+08	1.22E+08	1147	5	0.004359	879	1	0.001138	909	10	0.011001	312	1	0.003205	702	1	0.001425	1211	11	0.009083	1009	14	0.013875	907	9	0.009923	337	1	0.002967	478	5	0.01046	217	0	0
XM_00653 210004	B3gntl1	chr11	1.22E+08	1.22E+08	1147	5	0.004359	879	1	0.001138	909	10	0.011001	312	1	0.003205	702	1	0.001425	1211	11	0.009083	1009	14	0.013875	907	9	0.009923	337	1	0.002967	478	5	0.01046	217	0	0
XM_00653 210004	B3gntl1	chr11	1.22E+08	1.22E+08	1147	5	0.004359	879	1	0.001138	909	10	0.011001	312	1	0.003205	702	1	0.001425	1211	11	0.009083	1009	14	0.013875	907	9	0.009923	337	1	0.002967	478	5	0.01046	217	0	0
XM_00653 210004	B3gntl1	chr11	1.22E+08	1.22E+08	1147	5	0.004359	879	1	0.001138	909	10	0.011001	312	1	0.003205	702	1	0.001425	1211	11	0.009083	1009	14	0.013875	907	9	0.009923	337	1	0.002967	478	5	0.01046	217	0	0
XM_00653 210004	B3gntl1	chr11	1.22E+08	1.22E+08	153	150	0.980392	173	166	0.959538	188	184	0.978723	22	21	0.954545	76	73	0.960526	158	148	0.936709	140	133	0.95	110	101	0.918182	89	84	0.94382	59	55	0.932203	17	17	1
XM_00653 211007	Trim41	chr11	48806403	48818199	1473	6	0.004073	1417	10	0.007057	1337	7	0.005236	130	0	0	361	0	0	1542	12	0.007782	1694	5	0.002952	2018	8	0.003964	230	0	0	389	0	0	152	1	0.006579
XM_00653 211007	Trim41	chr11	48806403	48815828	1931	41	0.021233	2009	31	0.015431	1865	20	0.010724	130	0	0	564	18	0.031915	2149	59	0.027455	2406	35	0.014547	2795	34	0.012165	318	0	0	476	0	0	198	1	0.005051
XM_00653 211007	Trim41	chr11	48808272	48818199	1473	6	0.004073	1417	10	0.007057	1337	7	0.005236	130	0	0	361	0	0	1542	12	0.007782	1694	5	0.002952	2018	8	0.003964	230	0	0	389	0	0	152	1	0.006579
XM_00653 212706	N4bp3	chr11	51643081	51649843	3944	121	0.03068	3497	102	0.029168	3899	82	0.021031	191	6	0.031414	885	31	0.035028	3962	80	0.020192	3081	58	0.018825	4030	89	0.022084	848	11	0.012972	1264	15	0.011867	247	0	0
XM_00653 212706	N4bp3	chr11	51643081	51650818	3944	121	0.03068	3497	102	0.029168	3899	82	0.021031	191	6	0.031414	885	31	0.035028	3962	80	0.020192	3081	58	0.018825	4030	89	0.022084	848	11	0.012972	1264	15	0.011867	247	0	0
XM_00653 213084	Cdkl3	chr11	52004188	52089778	1384	45	0.032514	1168	31	0.026541	1263	23	0.018211	209	16	0.076555	370	5	0.013514	1519	31	0.020408	1335	40	0.029963	1498	24	0.016021	431	5	0.011601	717	22	0.030683	227	0	0
XM_00653 213084	Cdkl3	chr11	52004188	52089778	1384	45	0.032514	1168	31	0.026541	1263	23	0.018211	209	16	0.076555	370	5	0.013514	1519	31	0.020408	1335	40	0.029963	1498	24	0.016021	431	5	0.011601	717	22	0.030683	227	0	0
XM_00653 213084	Cdkl3	chr11	52004188	52089778	1384	45	0.032514	1168	31	0.026541	1263	23	0.018211	209	16	0.076555	370	5	0.013514	1519	31	0.020408	1335	40	0.029963	1498	24	0.016021	431	5	0.011601	717	22	0.030683	227	0	0
XM_00653 213084	Cdkl3	chr11	52004188	52089778	1384	45	0.032514	1168	31	0.026541	1263	23	0.018211	209	16	0.076555	370	5	0.013514	1519	31	0.020408	1335	40	0.029963	1498	24	0.016021	431	5	0.011601	717	22	0.030683	227	0	0
XM_00653 213084	Cdkl3	chr11	52000842	52089778	3111	193	0.062038	2578	179	0.069434	3026	152	0.050231	578	37	0.064014	923	91	0.098592	3160	182	0.057595	2285	174	0.076149	2709	151	0.05574	743	71	0.095559	798	91	0.114035	198	0	0
XM_00653 213084	Cdkl3	chr11	52000842	52089778	3111	193	0.062038	2578	179	0.069434	3026	152	0.050231	578	37	0.064014	923	91	0.098592	3160	182	0.057595	2285	174	0.076149	2709	151	0.05574	743	71	0.095559	798	91	0.114035	198	0	0
XM_00653 213980	Fbxw10	chr11	62847067	62877464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	12	0.521739	10	9	0.9
XM_00653 21402	Skp1	chr11	52230522	52246840	95	73	0.768421	88	68	0.772727	131	111	0.847328	#N/A	#N/A	#N/A	68	62	0.911765	127	107	0.84252	95	79	0.831579	104	81	0.778846	41	34	0.829268	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 21408	Zfp354a	chr11	51059244	51072613	1139	335	0.294118	1129	350	0.310009	1057	369	0.349101	110	103	0.936364	595	195	0.327731	1048	354	0.337786	792	245	0.309343	740	243	0.328378	391	56	0.143223	208	159	0.764423	98	96	0.979592
XM_00653 21408	Zfp354a	chr11	51059244	51072613	1139	335	0.294118	1129	350	0.310009	1057	369	0.349101	110	103	0.936364	595	195	0.327731	1048	354	0.337786	792	245	0.309343	740	243	0.328378	391	56	0.143223	208	159	0.764423	98	96	0.979592
XM_00653 21410	Hnf1b	chr11	83850659	83905427	2274	64	0.028144	1985	40	0.020151	2394	57	0.02381	287	0	0	726	21	0.028926	2443	84	0.034384	2267	43	0.018968	2277	58	0.025472	623	20	0.032103	828	27	0.032609	245	1	0.004082
XM_00653 21410	Hnf1b	chr11	83850659	83905427	2274	64	0.028144	1985	40	0.020151	2394	57	0.02381	287	0	0	726	21	0.028926	2443	84	0.034384	2267	43	0.018968	2277	58	0.025472	623	20	0.032103	828	27	0.032609	245	1	0.004082
XM_00653 21410	Hnf1b	chr11	83850209	83905427	1262	32	0.025357	1028	17	0.016537	1357	25	0.018423	233	0	0	407	9	0.022113	1435	35	0.02439	1160	16	0.013793	1125	20	0.017778	279	4	0.014337	402	5	0.012438	159	1	0.006289
XM_00653 21410	Hnf1b	chr11	83852933	83905427	4041	104	0.025736	3777	61	0.01615	4361	86	0.01972	791	10	0.012642	1559	38	0.024375	4419	113	0.025571	3855	59	0.015305	3986	63	0.015805	1379	27	0.019579	1651	32	0.019382	582	6	0.010309
XM_00653 214105	Sox30	chr11	45979069	46017093	466	361	0.774678	372	236	0.634409	566	429	0.757951	165	122	0.739394	91	74	0.813187	471	398	0.845011	464	266	0.573276	418	335	0.801435	53	38	0.716981	126	102	0.809524	46	26	0.565217
XM_00653 21428	Mlx	chr11	1.01E+08	1.01E+08	1216	227	0.186678	1155	228	0.197403	1287	277	0.215229	120	8	0.066667	475	137	0.288421	1222	285	0.233224	1353	252	0.186253	1532	248	0.16188	417	130	0.311751	443	129	0.291196	65	0	0
XM_00653 214384	Myocd	chr11	65173608	65269804	980	16	0.016327	752	8	0.010638	949	22	0.023182	129	0	0	227	7	0.030837	1109	50	0.045086	928	23	0.024784	655	9	0.01374	187	4	0.02139	334	8	0.023952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75531118	75577575	3043	27	0.008873	2978	25	0.008395	2923	24	0.008211	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3166	22	0.006949	2853	26	0.009113	2960	19	0.006419	706	3	0.004249	1022	3	0.002935	543	6	0.01105
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75531118	75572476	3043	27	0.008873	2978	25	0.008395	2923	24	0.008211	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3166	22	0.006949	2853	26	0.009113	2960	19	0.006419	706	3	0.004249	1022	3	0.002935	543	6	0.01105
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75531118	75572476	3043	27	0.008873	2978	25	0.008395	2923	24	0.008211	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3166	22	0.006949	2853	26	0.009113	2960	19	0.006419	706	3	0.004249	1022	3	0.002935	543	6	0.01105
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75532091	75572476	3115	30	0.009631	3048	26	0.00853	2983	26	0.008716	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3262	23	0.007051	2900	27	0.00931	3034	22	0.007251	706	3	0.004249	1056	4	0.003788	563	10	0.017762
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75531118	75572476	3043	27	0.008873	2978	25	0.008395	2923	24	0.008211	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3166	22	0.006949	2853	26	0.009113	2960	19	0.006419	706	3	0.004249	1022	3	0.002935	543	6	0.01105
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75531118	75572476	3043	27	0.008873	2978	25	0.008395	2923	24	0.008211	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3166	22	0.006949	2853	26	0.009113	2960	19	0.006419	706	3	0.004249	1022	3	0.002935	543	6	0.01105
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75529915	75572476	70	39	0.557143	54	49	0.907407	58	33	0.568966	10	0	0	47	32	0.680851	59	33	0.559322	59	27	0.457627	77	43	0.558442	37	20	0.540541	63	34	0.539683	12	10	0.833333
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75532091	75572476	3115	30	0.009631	3048	26	0.00853	2983	26	0.008716	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3262	23	0.007051	2900	27	0.00931	3034	22	0.007251	706	3	0.004249	1056	4	0.003788	563	10	0.017762
XM_00653 215113	Slc43a2	chr11	75532100	75573791	3115	30	0.009631	3048	26	0.00853	2983	26	0.008716	496	2	0.004032	927	8	0.00863	3262	23	0.007051	2900	27	0.00931	3034	22	0.007251	706	3	0.004249	1056	4	0.003788	563	10	0.017762
XM_00653 215332	Slc36a3	chr11	55124815	55151722	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 215512	Fam117a	chr11	95349839	95381872	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	38	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 215512	Fam117a	chr11	95349815	95381872	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	38	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 215512	Fam117a	chr11	95337287	95381872	2506	15	0.005986	2236	18	0.00805	2617	24	0.009171	221	2	0.00905	656	3	0.004573	2581	17	0.006587	2482	23	0.009267	2508	26	0.010367	452	2	0.004425	693	4	0.005772	100	0	0
XM_00653 215512	Fam117a	chr11	95337291	95381872	2506	15	0.005986	2236	18	0.00805	2617	24	0.009171	221	2	0.00905	656	3	0.004573	2581	17	0.006587	2482	23	0.009267	2508	26	0.010367	452	2	0.004425	693	4	0.005772	100	0	0
XM_00653 215512	Fam117a	chr11	95337291	95381872	2506	15	0.005986	2236	18	0.00805	2617	24	0.009171	221	2	0.00905	656	3	0.004573	2581	17	0.006587	2482	23	0.009267	2508	26	0.010367	452	2	0.004425	693	4	0.005772	100	0	0
XM_00653 216705	Clint1	chr11	45851944	45910625	3561	19	0.005336	4000	38	0.0095	4024	17	0.004225	400	0	0	820	3	0.003659	3913	42	0.010733	4075	17	0.004172	4819	15	0.003113	834	3	0.003597	1048	4	0.003817	263	1	0.003802
XM_00653 216724	Rufy1	chr11	50389286	50422066	72	39	0.541667	60	34	0.566667	68	36	0.529412	39	21	0.538462	43	26	0.604651	51	22	0.431373	82	61	0.743902	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	45	32	0.711111	36	29	0.805556
XM_00653 216739	Acsl6	chr11	54314901	54364756	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216739	Acsl6	chr11	54314901	54364756	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216739	Acsl6	chr11	54314901	54364126	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216742	Fnip1	chr11	54438145	54518236	621	1	0.00161	559	1	0.001789	628	4	0.006369	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	778	1	0.001285	787	2	0.002541	681	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	168	1	0.005952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216742	Fnip1	chr11	54438314	54518236	621	1	0.00161	559	1	0.001789	628	4	0.006369	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	778	1	0.001285	787	2	0.002541	681	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	168	1	0.005952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216742	Fnip1	chr11	54438107	54518236	621	1	0.00161	559	1	0.001789	628	4	0.006369	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	778	1	0.001285	787	2	0.002541	681	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	168	1	0.005952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216760	Mfap3	chr11	57518817	57533815	2135	13	0.006089	2204	17	0.007713	2479	19	0.007664	492	0	0	1305	6	0.004598	2716	21	0.007732	2119	22	0.010382	2357	14	0.00594	700	4	0.005714	837	3	0.003584	374	1	0.002674
XM_00653 216760	Mfap3	chr11	57518652	57533815	2135	13	0.006089	2204	17	0.007713	2479	19	0.007664	492	0	0	1305	6	0.004598	2716	21	0.007732	2119	22	0.010382	2357	14	0.00594	700	4	0.005714	837	3	0.003584	374	1	0.002674
XM_00653 216766	Gemin5	chr11	58120001	58168495	2309	20	0.008662	2573	14	0.005441	2616	19	0.007263	389	1	0.002571	808	2	0.002475	2069	15	0.00725	1972	20	0.010142	2008	17	0.008466	622	1	0.001608	838	7	0.008353	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216767	Mrpl22	chr11	58170048	58179580	2309	20	0.008662	2573	14	0.005441	2616	19	0.007263	389	1	0.002571	808	2	0.002475	2069	15	0.00725	1972	20	0.010142	2008	17	0.008466	622	1	0.001608	838	7	0.008353	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216795	Wnt9a	chr11	59306849	59333549	2441	17	0.006964	2213	20	0.009038	2419	19	0.007854	436	2	0.004587	601	0	0	2776	17	0.006124	2319	10	0.004312	2060	10	0.004854	754	0	0	867	4	0.004614	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216799	Nlrp3	chr11	59542685	59566955	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216810	Tom1l2	chr11	60226715	60352932	1271	10	0.007868	1076	7	0.006506	1128	7	0.006206	172	5	0.02907	585	5	0.008547	1630	8	0.004908	1380	11	0.007971	1380	16	0.011594	639	1	0.001565	729	7	0.009602	167	0	0
XM_00653 216820	Dhrs7b	chr11	60837795	60858146	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216829	Mmgt2	chr11	62648632	62666356	6205	79	0.012732	5614	69	0.012291	5878	75	0.012759	916	5	0.005459	1655	22	0.013293	6186	59	0.009538	5613	39	0.006948	6843	55	0.008037	1174	8	0.006814	1601	2	0.001249	388	5	0.012887
XM_00653 216831	Arhgap44	chr11	65002039	65162972	3313	85	0.025657	2937	51	0.017365	2921	42	0.014379	489	3	0.006135	912	18	0.019737	3142	96	0.030554	2935	42	0.01431	2865	32	0.011169	508	13	0.025591	1042	11	0.010557	173	4	0.023121
XM_00653 216831	Arhgap44	chr11	65002039	65162972	3313	85	0.025657	2937	51	0.017365	2921	42	0.014379	489	3	0.006135	912	18	0.019737	3142	96	0.030554	2935	42	0.01431	2865	32	0.011169	508	13	0.025591	1042	11	0.010557	173	4	0.023121
XM_00653 216831	Arhgap44	chr11	65002039	65162972	3313	85	0.025657	2937	51	0.017365	2921	42	0.014379	489	3	0.006135	912	18	0.019737	3142	96	0.030554	2935	42	0.01431	2865	32	0.011169	508	13	0.025591	1042	11	0.010557	173	4	0.023121
XM_00653 216831	Arhgap44	chr11	65002039	65066514	252	232	0.920635	352	336	0.954545	294	275	0.935374	55	51	0.927273	200	176	0.88	291	257	0.883162	304	275	0.904605	200	172	0.86	74	66	0.891892	50	50	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216846	Cntrob	chr11	69297909	69320832	408	370	0.906863	362	351	0.969613	414	386	0.932367	15	13	0.866667	141	123	0.87234	404	367	0.908416	324	300	0.925926	445	422	0.948315	85	71	0.835294	97	83	0.85567	27	20	0.740741
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343624	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69366460	406	1	0.002463	192	0	0	375	22	0.058667	136	8	0.058824	22	0	0	526	33	0.062738	356	4	0.011236	348	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	162	1	0.006173	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343273	69367720	3606	22	0.006101	3618	19	0.005252	4127	39	0.00945	365	0	0	452	0	0	4074	18	0.004418	3919	28	0.007145	3778	16	0.004235	523	2	0.003824	689	2	0.002903	150	1	0.006667
XM_00653 216848	Chd3	chr11	69343278	69369499	3665	54	0.014734	3739	52	0.013907	4234	78	0.018422	380	0	0	507	31	0.061144	4159	93	0.022361	3861	57	0.014763	3843	76	0.019776	580	13	0.022414	760	42	0.055263	150	1	0.006667
XM_00653 216853	Wrap53	chr11	69563343	69580007	2149	8	0.003723	2575	12	0.00466	2570	20	0.007782	419	1	0.002387	907	5	0.005513	2557	12	0.004693	2383	7	0.002937	2984	24	0.008043	639	0	0	886	3	0.003386	153	0	0
XM_00653 216853	Wrap53	chr11	69563396	69580007	2149	8	0.003723	2575	12	0.00466	2570	20	0.007782	419	1	0.002387	907	5	0.005513	2557	12	0.004693	2383	7	0.002937	2984	24	0.008043	639	0	0	886	3	0.003386	153	0	0
XM_00653 216856	Nlgn2	chr11	69823123	69837134	1554	47	0.030245	1356	49	0.036136	1530	37	0.024183	325	20	0.061538	475	27	0.056842	1716	53	0.030886	1586	49	0.030895	1987	52	0.02617	535	18	0.033645	672	18	0.026786	111	13	0.117117
XM_00653 216856	Nlgn2	chr11	69823123	69837464	1554	47	0.030245	1356	49	0.036136	1530	37	0.024183	325	20	0.061538	475	27	0.056842	1716	53	0.030886	1586	49	0.030895	1987	52	0.02617	535	18	0.033645	672	18	0.026786	111	13	0.117117
XM_00653 216860	Neurl4	chr11	69901727	69913120	6300	88	0.013968	6115	100	0.016353	6737	110	0.016328	916	14	0.015284	2345	35	0.014925	6540	69	0.01055	6146	111	0.018061	6218	62	0.009971	1769	8	0.004522	2320	31	0.013362	849	12	0.014134
XM_00653 216860	Neurl4	chr11	69901727	69913217	6300	88	0.013968	6115	100	0.016353	6737	110	0.016328	916	14	0.015284	2345	35	0.014925	6540	69	0.01055	6146	111	0.018061	6218	62	0.009971	1769	8	0.004522	2320	31	0.013362	849	12	0.014134
XM_00653 216860	Neurl4	chr11	69906233	69913822	36	36	1	36	36	1	45	43	0.955556	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	66	62	0.939394	39	37	0.948718	92	91	0.98913	22	21	0.954545	75	69	0.92	40	38	0.95
XM_00653 216864	Mgl2	chr11	70130125	70137303	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216864	Mgl2	chr11	70130126	70137303	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216864	Mgl2	chr11	70134244	70137303	74	68	0.918919	140	131	0.935714	88	79	0.897727	10	9	0.9	90	86	0.955556	154	129	0.837662	81	66	0.814815	139	102	0.733813	91	57	0.626374	68	57	0.838235	46	32	0.695652
XM_00653 216864	Mgl2	chr11	70130127	70137303	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216867	Slc16a11	chr11	70213937	70216413	1289	149	0.115593	934	119	0.127409	1156	143	0.123702	285	50	0.175439	444	70	0.157658	1417	182	0.12844	1237	98	0.079224	1140	92	0.080702	339	29	0.085546	532	52	0.097744	87	8	0.091954
XM_00653 216874	Camta2	chr11	70669466	70687853	2666	44	0.016504	2359	23	0.00975	2423	38	0.015683	296	4	0.013514	727	7	0.009629	2778	32	0.011519	2549	30	0.011769	2470	22	0.008907	826	10	0.012107	619	4	0.006462	186	1	0.005376
XM_00653 216874	Camta2	chr11	70669466	70688145	2606	32	0.012279	2315	19	0.008207	2385	35	0.014675	266	1	0.003759	711	14	0.019691	2703	27	0.009989	2504	28	0.011182	2417	15	0.006206	817	15	0.01836	607	3	0.004942	186	1	0.005376
XM_00653 216874	Camta2	chr11	70669466	70687853	2666	44	0.016504	2359	23	0.00975	2423	38	0.015683	296	4	0.013514	727	7	0.009629	2778	32	0.011519	2549	30	0.011769	2470	22	0.008907	826	10	0.012107	619	4	0.006462	186	1	0.005376
XM_00653 216874	Camta2	chr11	70669466	70687852	2666	44	0.016504	2359	23	0.00975	2423	38	0.015683	296	4	0.013514	727	7	0.009629	2778	32	0.011519	2549	30	0.011769	2470	22	0.008907	826	10	0.012107	619	4	0.006462	186	1	0.005376
XM_00653 216874	Camta2	chr11	70669466	70688142	2606	32	0.012279	2315	19	0.008207	2385	35	0.014675	266	1	0.003759	711	14	0.019691	2703	27	0.009989	2504	28	0.011182	2417	15	0.006206	817	15	0.01836	607	3	0.004942	186	1	0.005376
XM_00653 216881	Wscd1	chr11	71749893	71789649	804	17	0.021144	571	8	0.014011	846	13	0.015366	168	0	0	314	9	0.028662	774	36	0.046512	604	64	0.10596	457	45	0.098468	251	13	0.051793	420	36	0.085714	200	34	0.17
XM_00653 216881	Wscd1	chr11	71750875	71789649	2813	81	0.028795	2268	31	0.013668	2524	44	0.017433	535	10	0.018692	1034	25	0.024178	2479	113	0.045583	2297	254	0.110579	1809	152	0.084024	559	24	0.042934	1028	114	0.110895	336	41	0.122024
XM_00653 216881	Wscd1	chr11	71771271	71789649	379	331	0.873351	338	318	0.940828	329	307	0.933131	95	89	0.936842	176	154	0.875	333	281	0.843844	229	171	0.746725	277	211	0.761733	128	96	0.75	126	100	0.793651	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 21689	Tekt1	chr11	72344722	72361891	123	39	0.317073	30	24	0.8	107	26	0.242991	#N/A	#N/A	#N/A	111	37	0.333333	222	24	0.108108	172	8	0.046512	101	10	0.09901	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 216892	Spns2	chr11	72451638	72489952	3048	50	0.016404	3101	40	0.012899	3294	69	0.020947	512	9	0.017578	846	11	0.013002	2836	40	0.014104	2380	36	0.015126	2895	39	0.013472	707	4	0.005658	1013	9	0.008885	136	3	0.022059
XM_00653 216892	Spns2	chr11	72451638	72489952	3048	50	0.016404	3101	40	0.012899	3294	69	0.020947	512	9	0.017578	846	11	0.013002	2836	40	0.014104	2380	36	0.015126	2895	39	0.013472	707	4	0.005658	1013	9	0.008885	136	3	0.022059
XM_00653 216892	Spns2	chr11	72451638	72475091	95	59	0.621053	92	70	0.76087	85	57	0.670588	31	19	0.612903	51	33	0.647059	99	52	0.525253	118	61	0.516949	105	66	0.628571	27	17	0.62963	44	34	0.772727	24	18	0.75
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462321	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462397	77470484	3009	240	0.079761	2974	245	0.082381	2941	259	0.088065	374	46	0.122995	754	81	0.107427	3216	197	0.061256	2934	176	0.059986	3324	237	0.0713	706	75	0.106232	1167	64	0.054841	244	55	0.22541
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462322	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462322	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462322	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462322	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462321	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462323	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216961	Coro6	chr11	77462322	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_00653 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_00653 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_00653 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_00653 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_00653 216965	Taok1	chr11	77534390	77607899	2944	14	0.004755	2892	31	0.010719	3189	13	0.004077	423	3	0.007092	560	1	0.001786	3163	22	0.006955	2704	16	0.005917	2815	13	0.004618	747	5	0.006693	647	22	0.034003	185	1	0.005405
XM_00653 216965	Taok1	chr11	77534390	77607899	2944	14	0.004755	2892	31	0.010719	3189	13	0.004077	423	3	0.007092	560	1	0.001786	3163	22	0.006955	2704	16	0.005917	2815	13	0.004618	747	5	0.006693	647	22	0.034003	185	1	0.005405
XM_00653 216976	Rskr	chr11	78290712	78296403	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_00653 66610	Abi3	chr11	95832131	95842014	140	55	0.392857	92	45	0.48913	68	43	0.632353	#N/A	#N/A	#N/A	22	6	0.272727	146	54	0.369863	161	53	0.329193	83	34	0.409639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 666331	LOC66633	chr11	1.02E+08	1.02E+08	91	42	0.461538	87	37	0.425287	49	33	0.673469	#N/A	#N/A	#N/A	68	40	0.588235	44	29	0.659091	68	31	0.455882	25	12	0.48	31	10	0.322581	56	13	0.232143	14	11	0.785714
XM_00653 66840	Wdr45b	chr11	1.21E+08	1.21E+08	2605	12	0.004607	2821	21	0.007444	3104	22	0.007088	400	1	0.0025	906	1	0.001104	2970	16	0.005387	2866	12	0.004187	3043	19	0.006244	540	1	0.001852	708	4	0.00565	170	1	0.005882
XM_00653 668433	4930544D(	chr11	70615589	70616892	224	77	0.34375	124	50	0.403226	167	78	0.467066	50	21	0.42	194	37	0.190722	176	49	0.278409	239	34	0.142259	129	63	0.488372	66	22	0.333333	159	22	0.138365	23	9	0.391304
XM_00653 67139	Mis12	chr11	71019568	71027371	1416	8	0.00565	1300	18	0.013846	1613	4	0.00248	525	0	0	931	4	0.004296	2078	15	0.007218	1743	14	0.008032	1531	11	0.007185	532	4	0.007519	588	1	0.001701	271	1	0.00369
XM_00653 67139	Mis12	chr11	71020196	71027371	1416	8	0.00565	1300	18	0.013846	1613	4	0.00248	525	0	0	931	4	0.004296	2078	15	0.007218	1743	14	0.008032	1531	11	0.007185	532	4	0.007519	588	1	0.001701	271	1	0.00369
XM_00653 67212	Mrpl55	chr11	59202631	59206137	1071	42	0.039216	688	27	0.039244	1046	42	0.040153	182	1	0.005495	513	15	0.02924	997	30	0.03009	809	32	0.039555	801	36	0.044944	422	10	0.023697	564	16	0.028369	155	1	0.006452
XM_00653 67212	Mrpl55	chr11	59202583	59206137	1071	42	0.039216	688	27	0.039244	1046	42	0.040153	182	1	0.005495	513	15	0.02924	997	30	0.03009	809	32	0.039555	801	36	0.044944	422	10	0.023697	564	16	0.028369	155	1	0.006452
XM_00653 67212	Mrpl55	chr11	59202507	59206137	1071	42	0.039216	688	27	0.039244	1046	42	0.040153	182	1	0.005495	513	15	0.02924	997	30	0.03009	809	32	0.039555	801	36	0.044944	422	10	0.023697	564	16	0.028369	155	1	0.006452
XM_00653 67283	Slc25a19	chr11	1.16E+08	1.16E+08	768	69	0.089844	708	80	0.112994	812	73	0.089901	74	25	0.337838	315	30	0.095238	908	50	0.055066	699	54	0.077253	827	49	0.05925	259	23	0.088803	294	38	0.129252	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 67291	Ccdc137	chr11	1.2E+08	1.2E+08	1958	107	0.054648	2216	144	0.064982	2258	109	0.048273	282	22	0.078014	744	22	0.02957	2137	122	0.057089	1648	147	0.089199	1854	171	0.092233	621	40	0.064412	647	11	0.017002	204	0	0
XM_00653 67291	Ccdc137	chr11	1.2E+08	1.2E+08	1880	33	0.017553	2115	64	0.03026	2181	47	0.02155	260	2	0.007692	750	30	0.04	2052	50	0.024366	1521	27	0.017751	1719	39	0.022688	585	11	0.018803	658	24	0.036474	204	0	0
XM_00653 67300	Cltc	chr11	86694614	86757463	1274	18	0.014129	802	5	0.006234	1127	13	0.011535	329	0	0	532	1	0.00188	1838	19	0.010337	1317	13	0.009871	1315	15	0.011407	313	0	0	648	1	0.001543	162	0	0
XM_00653 67300	Cltc	chr11	86694614	86757463	1274	18	0.014129	802	5	0.006234	1127	13	0.011535	329	0	0	532	1	0.00188	1838	19	0.010337	1317	13	0.009871	1315	15	0.011407	313	0	0	648	1	0.001543	162	0	0
XM_00653 67338	Rffl	chr11	82803819	82871236	2872	22	0.00766	2476	24	0.009693	3009	23	0.007644	535	4	0.007477	737	40	0.054274	3111	23	0.007393	2346	14	0.005968	2653	60	0.022616	1039	42	0.040423	755	2	0.002649	209	0	0
XM_00653 67338	Rffl	chr11	82803819	82830645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 67338	Rffl	chr11	82803819	82870992	2872	22	0.00766	2476	24	0.009693	3009	23	0.007644	535	4	0.007477	737	40	0.054274	3111	23	0.007393	2346	14	0.005968	2653	60	0.022616	1039	42	0.040423	755	2	0.002649	209	0	0
XM_00653 67338	Rffl	chr11	82803819	82870750	2872	22	0.00766	2476	24	0.009693	3009	23	0.007644	535	4	0.007477	737	40	0.054274	3111	23	0.007393	2346	14	0.005968	2653	60	0.022616	1039	42	0.040423	755	2	0.002649	209	0	0
XM_00653 67473	Slc47a1	chr11	61343400	61378481	719	11	0.015299	578	9	0.015571	844	15	0.017773	147	5	0.034014	204	6	0.029412	527	28	0.053131	538	19	0.035316	418	14	0.033493	177	3	0.016949	170	4	0.023529	50	2	0.04
XM_00653 67473	Slc47a1	chr11	61343400	61365773	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 67493	Mettl16	chr11	74770816	74826855	1148	7	0.006098	1024	9	0.008789	1083	6	0.00554	175	1	0.005714	417	0	0	1057	2	0.001892	964	4	0.004149	936	11	0.011752	428	2	0.004673	423	0	0	214	0	0
XM_00653 67493	Mettl16	chr11	74770816	74826855	1148	7	0.006098	1024	9	0.008789	1083	6	0.00554	175	1	0.005714	417	0	0	1057	2	0.001892	964	4	0.004149	936	11	0.011752	428	2	0.004673	423	0	0	214	0	0
XM_00653 67493	Mettl16	chr11	74770816	74826855	1148	7	0.006098	1024	9	0.008789	1083	6	0.00554	175	1	0.005714	417	0	0	1057	2	0.001892	964	4	0.004149	936	11	0.011752	428	2	0.004673	423	0	0	214	0	0
XM_00653 67493	Mettl16	chr11	74770816	74826855	1148	7	0.006098	1024	9	0.008789	1083	6	0.00554	175	1	0.005714	417	0	0	1057	2	0.001892	964	4	0.004149	936	11	0.011752	428	2	0.004673	423	0	0	214	0	0
XM_00653 67622	Mxra7	chr11	1.17E+08	1.17E+08	2296	287	0.125	2491	270	0.10839	2606	304	0.116654	309	47	0.152104	992	152	0.153226	2422	443	0.182907	2204	441	0.200091	2489	326	0.130976	639	116	0.181534	975	153	0.156923	150	41	0.273333
XM_00653 67726	Fam114a2	chr11	57482997	57518488	2135	13	0.006089	2204	17	0.007713	2479	19	0.007664	492	0	0	1305	6	0.004598	2716	21	0.007732	2119	22	0.010382	2357	14	0.00594	700	4	0.005714	837	3	0.003584	374	1	0.002674
XM_00653 67726	Fam114a2	chr11	57482997	57518495	2135	13	0.006089	2204	17	0.007713	2479	19	0.007664	492	0	0	1305	6	0.004598	2716	21	0.007732	2119	22	0.010382	2357	14	0.00594	700	4	0.005714	837	3	0.003584	374	1	0.002674
XM_00653 67726	Fam114a2	chr11	57482997	57518606	2135	13	0.006089	2204	17	0.007713	2479	19	0.007664	492	0	0	1305	6	0.004598	2716	21	0.007732	2119	22	0.010382	2357	14	0.00594	700	4	0.005714	837	3	0.003584	374	1	0.002674
XM_00653 67726	Fam114a2	chr11	57482997	57518656	2135	13	0.006089	2204	17	0.007713	2479	19	0.007664	492	0	0	1305	6	0.004598	2716	21	0.007732	2119	22	0.010382	2357	14	0.00594	700	4	0.005714	837	3	0.003584	374	1	0.002674
XM_00653 67763	Prpsap1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	1006	7	0.006958	1170	25	0.021368	975	31	0.031795	78	0	0	436	1	0.002294	939	4	0.00426	968	2	0.002066	1020	22	0.021569	421	1	0.002375	434	4	0.009217	158	1	0.006329
XM_00653 67763	Prpsap1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	253	153	0.604743	252	176	0.698413	203	126	0.62069	14	7	0.5	96	67	0.697917	259	188	0.725869	167	124	0.742515	210	159	0.757143	61	34	0.557377	145	110	0.758621	13	3	0.230769
XM_00653 67826	Snap47	chr11	59407141	59450041	1177	16	0.013594	1139	4	0.003512	1123	10	0.008905	327	5	0.015291	582	3	0.005155	1101	13	0.011807	1215	7	0.005761	1323	16	0.012094	401	3	0.007481	447	3	0.006711	175	1	0.005714
XM_00653 67826	Snap47	chr11	59407141	59450007	1177	16	0.013594	1139	4	0.003512	1123	10	0.008905	327	5	0.015291	582	3	0.005155	1101	13	0.011807	1215	7	0.005761	1323	16	0.012094	401	3	0.007481	447	3	0.006711	175	1	0.005714
XM_00653 67826	Snap47	chr11	59407141	59450023	1177	16	0.013594	1139	4	0.003512	1123	10	0.008905	327	5	0.015291	582	3	0.005155	1101	13	0.011807	1215	7	0.005761	1323	16	0.012094	401	3	0.007481	447	3	0.006711	175	1	0.005714
XM_00653 67863	Slc25a11	chr11	70644196	70647531	1083	10	0.009234	912	5	0.005482	1125	2	0.001778	186	1	0.005376	277	2	0.00722	1354	7	0.00517	1119	3	0.002681	1231	7	0.005686	278	0	0	367	0	0	10	0	0
XM_00653 67888	Tmem100	chr11	90033207	90036508	304	134	0.440789	178	91	0.511236	334	177	0.52994	33	19	0.575758	125	76	0.608	343	171	0.498542	240	77	0.320833	216	95	0.439815	91	41	0.450549	85	50	0.588235	27	17	0.62963
XM_00653 67888	Tmem100	chr11	90033020	90036508	291	122	0.419244	178	91	0.511236	334	177	0.52994	33	19	0.575758	125	76	0.608	343	171	0.498542	240	77	0.320833	216	95	0.439815	81	34	0.419753	85	50	0.588235	27	17	0.62963
XM_00653 68066	Slc25a39	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3554	16	0.004502	3340	23	0.006886	3457	21	0.006075	661	1	0.001513	682	0	0	3838	20	0.005211	3328	15	0.004507	4391	18	0.004099	932	1	0.001073	1125	5	0.004444	242	0	0
XM_00653 68066	Slc25a39	chr11	1.02E+08	1.02E+08	811	7	0.008631	896	7	0.007813	794	4	0.005038	119	6	0.05042	161	0	0	950	37	0.038947	762	4	0.005249	1077	9	0.008357	279	1	0.003584	222	0	0	66	0	0
XM_00653 68066	Slc25a39	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3554	16	0.004502	3340	23	0.006886	3479	23	0.006611	674	5	0.007418	682	0	0	3873	37	0.009553	3342	17	0.005087	4391	18	0.004099	942	2	0.002123	1125	5	0.004444	242	0	0
XM_00653 68067	Mrnip	chr11	50190395	50200116	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	30	9	0.3	52	42	0.807692	54	45	0.833333	39	36	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 68087	Dcakd	chr11	1.03E+08	1.03E+08	935	29	0.031016	665	14	0.021053	887	26	0.029312	111	10	0.09009	321	27	0.084112	1120	44	0.039286	809	15	0.018541	888	28	0.031532	250	7	0.028	231	5	0.021645	115	0	0
XM_00653 68106	Nt5c3b	chr11	1E+08	1E+08	889	199	0.223847	826	204	0.246973	878	218	0.248292	129	38	0.294574	265	61	0.230189	528	160	0.30303	672	160	0.238095	745	197	0.26443	165	50	0.30303	248	83	0.334677	57	31	0.54386
XM_00653 68275	Rpa1	chr11	75300348	75348454	729	113	0.155007	603	62	0.102819	597	71	0.118928	24	22	0.916667	369	52	0.140921	634	110	0.173502	456	50	0.109649	735	70	0.095238	149	42	0.281879	333	62	0.186186	106	22	0.207547
XM_00653 68385	Tlcd1	chr11	78176716	78180776	1498	12	0.008011	1248	6	0.004808	1641	11	0.006703	351	1	0.002849	632	3	0.004747	1654	14	0.008464	1624	6	0.003695	1585	9	0.005678	450	1	0.002222	650	1	0.001538	316	3	0.009494
XM_00653 68564	Nufip2	chr11	77685764	77717966	579	5	0.008636	649	4	0.006163	472	2	0.004237	70	0	0	259	0	0	549	3	0.005464	468	5	0.010684	663	4	0.006033	199	1	0.005025	144	0	0	30	0	0
XM_00653 68564	Nufip2	chr11	77686556	77717966	2367	11	0.004647	2645	19	0.007183	2255	10	0.004435	280	1	0.003571	652	1	0.001534	2173	20	0.009204	2115	10	0.004728	2508	17	0.006778	503	5	0.00994	244	0	0	30	0	0
XM_00653 68626	Elac2	chr11	64979030	65002080	1072	23	0.021455	1027	18	0.017527	970	17	0.017526	103	0	0	456	14	0.030702	947	13	0.013728	885	18	0.020339	998	12	0.012024	404	6	0.014851	525	5	0.009524	104	9	0.086538
XM_00653 68626	Elac2	chr11	64979058	65002080	1072	23	0.021455	1027	18	0.017527	970	17	0.017526	103	0	0	456	14	0.030702	947	13	0.013728	885	18	0.020339	998	12	0.012024	404	6	0.014851	525	5	0.009524	104	9	0.086538
XM_00653 68626	Elac2	chr11	64979031	65002080	1072	23	0.021455	1027	18	0.017527	970	17	0.017526	103	0	0	456	14	0.030702	947	13	0.013728	885	18	0.020339	998	12	0.012024	404	6	0.014851	525	5	0.009524	104	9	0.086538
XM_00653 68626	Elac2	chr11	64979032	65002080	1072	23	0.021455	1027	18	0.017527	970	17	0.017526	103	0	0	456	14	0.030702	947	13	0.013728	885	18	0.020339	998	12	0.012024	404	6	0.014851	525	5	0.009524	104	9	0.086538
XM_00653 68671	Pcyt2	chr11	1.21E+08	1.21E+08	3480	396	0.113793	2949	422	0.143099	3299	481	0.145802	735	112	0.152381	1039	158	0.152069	3752	570	0.151919	3242	468	0.144355	3523	428	0.121487	811	141	0.173859	1476	243	0.164634	221	0	0
XM_00653 68671	Pcyt2	chr11	1.21E+08	1.21E+08	3480	396	0.113793	2949	422	0.143099	3299	481	0.145802	735	112	0.152381	1039	158	0.152069	3752	570	0.151919	3242	468	0.144355	3523	428	0.121487	811	141	0.173859	1476	243	0.164634	221	0	0
XM_00653 68729	Trim37	chr11	87126790	87220683	2900	17	0.005862	3130	17	0.005431	3444	25	0.007259	516	0	0	961	6	0.006243	3500	26	0.007429	2878	17	0.005907	3306	15	0.004537	846	4	0.004728	1117	3	0.002686	202	1	0.00495
XM_00653 68730	Dus1l	chr11	1.21E+08	1.21E+08	1559	156	0.100064	1379	178	0.129079	1410	176	0.124823	417	22	0.052758	895	112	0.12514	1604	146	0.091022	1260	146	0.115873	1441	177	0.122831	506	85	0.167984	612	80	0.130719	117	2	0.017094
XM_00653 68938	Aspscr1	chr11	1.21E+08	1.21E+08	3276	27	0.008242	2712	20	0.007375	2795	20	0.007156	290	0	0	1482	8	0.005398	2972	29	0.009758	3109	22	0.007076	3536	19	0.005373	1112	1	0.000899	1261	9	0.007137	84	0	0
XM_00653 68938	Aspscr1	chr11	1.21E+08	1.21E+08	3276	27	0.008242	2712	20	0.007375	2795	20	0.007156	290	0	0	1482	8	0.005398	2972	29	0.009758	3109	22	0.007076	3536	19	0.005373	1112	1	0.000899	1261	9	0.007137	84	0	0
XM_00653 68964	Ctc1	chr11	69015188	69036470	401	25	0.062344	177	26	0.146893	302	1	0.003311	#N/A	#N/A	#N/A	140	14	0.1	292	30	0.10274	268	21	0.078358	286	23	0.08042	24	0	0	40	0	0	20	0	0
XM_00653 68964	Ctc1	chr11	69015188	69036470	401	25	0.062344	177	26	0.146893	302	1	0.003311	#N/A	#N/A	#N/A	140	14	0.1	292	30	0.10274	268	21	0.078358	286	23	0.08042	24	0	0	40	0	0	20	0	0
XM_00653 68964	Ctc1	chr11	69015188	69036470	401	25	0.062344	177	26	0.146893	302	1	0.003311	#N/A	#N/A	#N/A	140	14	0.1	292	30	0.10274	268	21	0.078358	286	23	0.08042	24	0	0	40	0	0	20	0	0
XM_00653 68964	Ctc1	chr11	69029042	69036470	100	98	0.98	119	114	0.957983	125	123	0.984	39	38	0.974359	67	66	0.985075	152	146	0.960526	126	117	0.928571	91	90	0.989011	60	56	0.933333	42	42	1	20	20	1
XM_00653 69125	Cnot8	chr11	58093249	58118596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	7	0.233333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 69131	Cdk12	chr11	98202433	98279477	878	30	0.034169	990	9	0.009091	937	11	0.01174	60	0	0	413	37	0.089588	774	2	0.002584	541	0	0	762	65	0.085302	337	12	0.035608	245	22	0.089796	181	0	0
XM_00653 69215	Sat2	chr11	69621998	69624032	612	24	0.039216	341	13	0.038123	593	15	0.025295	87	4	0.045977	173	17	0.098266	623	51	0.081862	560	17	0.030357	431	32	0.074246	146	9	0.061644	166	4	0.024096	83	0	0
XM_00653 69215	Sat2	chr11	69621996	69624032	612	24	0.039216	341	13	0.038123	593	15	0.025295	87	4	0.045977	173	17	0.098266	623	51	0.081862	560	17	0.030357	431	32	0.074246	146	9	0.061644	166	4	0.024096	83	0	0
XM_00653 69309	Slc16a13	chr11	70216789	70222740	135	87	0.644444	186	151	0.811828	111	83	0.747748	11	8	0.727273	69	45	0.652174	139	70	0.503597	148	86	0.581081	160	103	0.64375	64	28	0.4375	56	31	0.553571	11	7	0.636364
XM_00653 69324	1700012B(	chr11	1.1E+08	1.1E+08	69	68	0.985507	78	71	0.910256	84	83	0.988095	47	43	0.914894	33	30	0.909091	79	79	1	47	41	0.87234	61	55	0.901639	29	25	0.862069	28	26	0.928571	34	33	0.970588
XM_00653 69602	Otop3	chr11	1.15E+08	1.15E+08	75	58	0.773333	75	51	0.68	66	50	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	69	43	0.623188	47	24	0.510638	63	39	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 69640	Fam83g	chr11	61684058	61709950	2294	249	0.108544	2211	169	0.076436	2402	193	0.08035	169	5	0.029586	924	160	0.17316	2090	262	0.125359	2086	143	0.068552	2463	175	0.071052	567	62	0.109347	1184	207	0.174831	184	21	0.11413
XM_00653 69640	Fam83g	chr11	61684058	61709950	2294	249	0.108544	2211	169	0.076436	2402	193	0.08035	169	5	0.029586	924	160	0.17316	2090	262	0.125359	2086	143	0.068552	2463	175	0.071052	567	62	0.109347	1184	207	0.174831	184	21	0.11413
XM_00653 69684	Aarsd1	chr11	1.01E+08	1.01E+08	804	5	0.006219	1036	79	0.076255	776	7	0.009021	239	20	0.083682	290	2	0.006897	808	9	0.011139	698	4	0.005731	837	55	0.065711	271	1	0.00369	327	0	0	10	9	0.9
XM_00653 69806	Slc39a11	chr11	1.13E+08	1.14E+08	797	33	0.041405	695	28	0.040288	763	39	0.051114	166	6	0.036145	385	24	0.062338	811	17	0.020962	733	31	0.042292	643	22	0.034215	386	15	0.03886	273	18	0.065934	145	0	0
XM_00653 69847	Wnk4	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2788	68	0.02439	2866	66	0.023029	2833	53	0.018708	378	9	0.02381	862	20	0.023202	2795	83	0.029696	2548	55	0.021586	2919	47	0.016101	663	7	0.010558	982	16	0.016293	139	1	0.007194
XM_00653 69847	Wnk4	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2788	68	0.02439	2866	66	0.023029	2833	53	0.018708	378	9	0.02381	862	20	0.023202	2795	83	0.029696	2548	55	0.021586	2919	47	0.016101	663	7	0.010558	982	16	0.016293	139	1	0.007194
XM_00653 69847	Wnk4	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2788	68	0.02439	2866	66	0.023029	2833	53	0.018708	378	9	0.02381	862	20	0.023202	2795	83	0.029696	2548	55	0.021586	2919	47	0.016101	663	7	0.010558	982	16	0.016293	139	1	0.007194
XM_00653 69847	Wnk4	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2788	68	0.02439	2866	66	0.023029	2833	53	0.018708	378	9	0.02381	862	20	0.023202	2795	83	0.029696	2548	55	0.021586	2919	47	0.016101	663	7	0.010558	982	16	0.016293	139	1	0.007194
XM_00653 69847	Wnk4	chr11	1.01E+08	1.01E+08	2991	159	0.053159	3018	143	0.047382	3002	137	0.045636	400	17	0.0425	893	38	0.042553	2994	147	0.049098	2707	122	0.045068	3078	96	0.031189	722	31	0.042936	1053	46	0.043685	154	8	0.051948
XM_00653 69900	Mfsd11	chr11	1.17E+08	1.17E+08	6426	39	0.006069	6253	61	0.009755	6513	48	0.00737	1398	7	0.005007	1851	8	0.004322	7028	33	0.004696	6464	44	0.006807	7369	36	0.004885	2057	6	0.002917	2654	5	0.001884	124	0	0
XM_00653 69900	Mfsd11	chr11	1.17E+08	1.17E+08	6426	39	0.006069	6253	61	0.009755	6513	48	0.00737	1398	7	0.005007	1851	8	0.004322	7028	33	0.004696	6464	44	0.006807	7369	36	0.004885	2057	6	0.002917	2654	5	0.001884	124	0	0
XM_00653 69900	Mfsd11	chr11	1.17E+08	1.17E+08	4889	32	0.006545	4546	53	0.011659	5088	40	0.007862	1115	4	0.003587	1309	5	0.00382	5299	24	0.004529	4606	37	0.008033	5284	30	0.005678	1496	4	0.002674	2171	5	0.002303	80	0	0
XM_00653 69900	Mfsd11	chr11	1.17E+08	1.17E+08	6426	39	0.006069	6253	61	0.009755	6513	48	0.00737	1398	7	0.005007	1851	8	0.004322	7028	33	0.004696	6464	44	0.006807	7369	36	0.004885	2057	6	0.002917	2654	5	0.001884	124	0	0
XM_00653 69900	Mfsd11	chr11	1.17E+08	1.17E+08	6426	39	0.006069	6253	61	0.009755	6513	48	0.00737	1398	7	0.005007	1851	8	0.004322	7028	33	0.004696	6464	44	0.006807	7369	36	0.004885	2057	6	0.002917	2654	5	0.001884	124	0	0
XM_00653 69926	Dnah17	chr11	1.18E+08	1.18E+08	271	192	0.708487	241	177	0.73444	205	161	0.785366	68	56	0.823529	117	83	0.709402	222	144	0.648649	203	89	0.438424	190	130	0.684211	69	33	0.478261	111	68	0.612613	30	13	0.433333
XM_00653 69926	Dnah17	chr11	1.18E+08	1.18E+08	471	393	0.834395	433	354	0.817552	551	448	0.813067	35	33	0.942857	173	144	0.83237	590	461	0.781356	486	350	0.720165	337	241	0.715134	160	107	0.66875	295	209	0.708475	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 69926	Dnah17	chr11	1.18E+08	1.18E+08	271	192	0.708487	241	177	0.73444	205	161	0.785366	68	56	0.823529	117	83	0.709402	222	144	0.648649	203	89	0.438424	190	130	0.684211	69	33	0.478261	111	68	0.612613	30	13	0.433333
XM_00653 70310	Plscr3	chr11	69846530	69851044	854	68	0.079625	776	54	0.069588	810	68	0.083951	#N/A	#N/A	#N/A	316	33	0.10443	807	57	0.070632	974	58	0.059548	1125	68	0.060444	201	19	0.094527	229	35	0.152838	32	0	0
XM_00653 70310	Plscr3	chr11	69846529	69850005	836	51	0.061005	757	41	0.054161	789	53	0.067174	#N/A	#N/A	#N/A	294	19	0.064626	784	44	0.056122	962	50	0.051975	1107	59	0.053297	188	12	0.06383	210	19	0.090476	32	0	0
XM_00653 70355	Gprc5c	chr11	1.15E+08	1.15E+08	3359	36	0.010717	3151	14	0.004443	3267	16	0.004897	307	3	0.009772	690	6	0.008696	3653	46	0.012592	3042	23	0.007561	3418	31	0.00907	673	5	0.007429	539	5	0.009276	95	0	0
XM_00653 70355	Gprc5c	chr11	1.15E+08	1.15E+08	3359	36	0.010717	3151	14	0.004443	3267	16	0.004897	307	3	0.009772	690	6	0.008696	3653	46	0.012592	3042	23	0.007561	3418	31	0.00907	673	5	0.007429	539	5	0.009276	95	0	0
XM_00653 70355	Gprc5c	chr11	1.15E+08	1.15E+08	2533	30	0.011844	2322	10	0.004307	2440	16	0.006557	230	2	0.008696	396	5	0.012626	2682	33	0.012304	2193	14	0.006384	2644	28	0.01059	421	5	0.011876	386	3	0.007772	43	0	0
XM_00653 70355	Gprc5c	chr11	1.15E+08	1.15E+08	1897	27	0.014233	1722	9	0.005226	1673	12	0.007173	230	2	0.008696	288	5	0.017361	2012	29	0.014414	1632	11	0.00674	1934	18	0.009307	347	5	0.014409	336	3	0.008929	43	0	0
XM_00653 70382	Kctd2	chr11	1.15E+08	1.15E+08	3383	16	0.00473	3191	23	0.007208	3645	28	0.007682	647	6	0.009274	1138	2	0.001757	3913	25	0.006389	3495	15	0.004292	3883	20	0.005151	904	1	0.001106	1136	12	0.010563	153	1	0.006536
XM_00653 70383	Cox10	chr11	63962627	64051381	114	105	0.921053	45	42	0.933333	83	78	0.939759	30	30	1	52	48	0.923077	56	52	0.928571	91	84	0.923077	42	37	0.880952	102	87	0.852941	36	32	0.888889	23	22	0.956522
XM_00653 70385	Spdl1	chr11	34809185	34833665	1893	11	0.005811	1858	18	0.009688	1876	13	0.00693	350	0	0	836	3	0.003589	1850	10	0.005405	1667	4	0.0024	1699	11	0.006474	679	2	0.002946	604	3	0.004967	289	0	0
XM_00653 70422	Ints2	chr11	86210681	86257609	442	34	0.076923	441	34	0.077098	496	48	0.096774	76	4	0.052632	148	37	0.25	394	2	0.005076	491	42	0.08554	363	25	0.068871	157	2	0.012739	157	65	0.414013	32	1	0.03125
XM_00653 70422	Ints2	chr11	86210681	86257565	442	34	0.076923	441	34	0.077098	496	48	0.096774	76	4	0.052632	148	37	0.25	394	2	0.005076	491	42	0.08554	363	25	0.068871	157	2	0.012739	157	65	0.414013	32	1	0.03125
XM_00653 70422	Ints2	chr11	86210681	86257585	442	34	0.076923	441	34	0.077098	496	48	0.096774	76	4	0.052632	148	37	0.25	394	2	0.005076	491	42	0.08554	363	25	0.068871	157	2	0.012739	157	65	0.414013	32	1	0.03125
XM_00653 70422	Ints2	chr11	86210681	86257590	442	34	0.076923	441	34	0.077098	496	48	0.096774	76	4	0.052632	148	37	0.25	394	2	0.005076	491	42	0.08554	363	25	0.068871	157	2	0.012739	157	65	0.414013	32	1	0.03125
XM_00653 70422	Ints2	chr11	86210681	86257609	442	34	0.076923	441	34	0.077098	496	48	0.096774	76	4	0.052632	148	37	0.25	394	2	0.005076	491	42	0.08554	363	25	0.068871	157	2	0.012739	157	65	0.414013	32	1	0.03125
XM_00653 70422	Ints2	chr11	86210681	86257564	442	34	0.076923	441	34	0.077098	496	48	0.096774	76	4	0.052632	148	37	0.25	394	2	0.005076	491	42	0.08554	363	25	0.068871	157	2	0.012739	157	65	0.414013	32	1	0.03125
XM_00653 70439	Taf15	chr11	83473074	83506743	2490	28	0.011245	1928	28	0.014523	2294	37	0.016129	370	13	0.035135	741	9	0.012146	2884	75	0.026006	2537	27	0.010642	2587	27	0.010437	771	8	0.010376	821	9	0.010962	138	0	0
XM_00653 70439	Taf15	chr11	83473074	83506743	2490	28	0.011245	1928	28	0.014523	2294	37	0.016129	370	13	0.035135	741	9	0.012146	2884	75	0.026006	2537	27	0.010642	2587	27	0.010437	771	8	0.010376	821	9	0.010962	138	0	0
XM_00653 70450	Unc13d	chr11	1.16E+08	1.16E+08	376	128	0.340426	276	121	0.438406	316	145	0.458861	34	15	0.441176	93	35	0.376344	431	119	0.276102	466	161	0.345494	447	194	0.434004	63	23	0.365079	129	53	0.410853	20	7	0.35
XM_00653 70450	Unc13d	chr11	1.16E+08	1.16E+08	360	119	0.330556	276	121	0.438406	302	139	0.460265	34	15	0.441176	93	35	0.376344	412	107	0.259709	449	155	0.345212	447	194	0.434004	63	23	0.365079	129	53	0.410853	20	7	0.35
XM_00653 70450	Unc13d	chr11	1.16E+08	1.16E+08	376	128	0.340426	276	121	0.438406	316	145	0.458861	34	15	0.441176	93	35	0.376344	431	119	0.276102	466	161	0.345494	447	194	0.434004	63	23	0.365079	129	53	0.410853	20	7	0.35
XM_00653 70450	Unc13d	chr11	1.16E+08	1.16E+08	376	128	0.340426	276	121	0.438406	316	145	0.458861	34	15	0.441176	93	35	0.376344	431	119	0.276102	466	161	0.345494	447	194	0.434004	63	23	0.365079	129	53	0.410853	20	7	0.35
XM_00653 70510	Rnf167	chr11	70647292	70651421	1083	10	0.009234	912	5	0.005482	1125	2	0.001778	186	1	0.005376	277	2	0.00722	1354	7	0.00517	1119	3	0.002681	1243	17	0.013677	278	0	0	367	0	0	10	0	0
XM_00653 70510	Rnf167	chr11	70648413	70651421	1083	10	0.009234	912	5	0.005482	1125	2	0.001778	186	1	0.005376	277	2	0.00722	1354	7	0.00517	1119	3	0.002681	1231	7	0.005686	278	0	0	367	0	0	10	0	0
XM_00653 70591	5730455P1	chr11	80361438	80378048	950	19	0.02	787	9	0.011436	580	2	0.003448	135	0	0	494	15	0.030364	1043	45	0.043145	509	10	0.019646	743	18	0.024226	103	2	0.019417	253	2	0.007905	51	0	0
XM_00653 70591	5730455P1	chr11	80361438	80378031	950	19	0.02	787	9	0.011436	580	2	0.003448	135	0	0	494	15	0.030364	1043	45	0.043145	509	10	0.019646	743	18	0.024226	103	2	0.019417	253	2	0.007905	51	0	0
XM_00653 70591	5730455P1	chr11	80361438	80378027	950	19	0.02	787	9	0.011436	580	2	0.003448	135	0	0	494	15	0.030364	1043	45	0.043145	509	10	0.019646	743	18	0.024226	103	2	0.019417	253	2	0.007905	51	0	0
XM_00653 70802	Pwwp2a	chr11	43681125	43722421	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70802	Pwwp2a	chr11	43683481	43711952	3457	22	0.006364	4624	48	0.010381	4413	25	0.005665	541	0	0	1274	2	0.00157	4166	20	0.004801	3756	25	0.006656	4429	31	0.006999	933	4	0.004287	1329	7	0.005267	361	3	0.00831
XM_00653 70802	Pwwp2a	chr11	43683481	43711952	3457	22	0.006364	4624	48	0.010381	4413	25	0.005665	541	0	0	1274	2	0.00157	4166	20	0.004801	3756	25	0.006656	4429	31	0.006999	933	4	0.004287	1329	7	0.005267	361	3	0.00831
XM_00653 70802	Pwwp2a	chr11	43683481	43711952	3457	22	0.006364	4624	48	0.010381	4413	25	0.005665	541	0	0	1274	2	0.00157	4166	20	0.004801	3756	25	0.006656	4429	31	0.006999	933	4	0.004287	1329	7	0.005267	361	3	0.00831
XM_00653 70802	Pwwp2a	chr11	43695278	43711952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70802	Pwwp2a	chr11	43681125	43704623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70834	Spag9	chr11	93996046	94126087	4524	21	0.004642	4762	38	0.00798	4870	38	0.007803	631	1	0.001585	1277	10	0.007831	4846	22	0.00454	4464	27	0.006048	4994	36	0.007209	982	4	0.004073	927	3	0.003236	303	5	0.016502
XM_00653 70834	Spag9	chr11	93996046	94126087	4524	21	0.004642	4762	38	0.00798	4870	38	0.007803	631	1	0.001585	1277	10	0.007831	4846	22	0.00454	4464	27	0.006048	4994	36	0.007209	982	4	0.004073	927	3	0.003236	303	5	0.016502
XM_00653 70834	Spag9	chr11	93996046	94126087	4524	21	0.004642	4762	38	0.00798	4870	38	0.007803	631	1	0.001585	1277	10	0.007831	4846	22	0.00454	4464	27	0.006048	4994	36	0.007209	982	4	0.004073	927	3	0.003236	303	5	0.016502
XM_00653 70834	Spag9	chr11	93996046	94126087	4524	21	0.004642	4762	38	0.00798	4870	38	0.007803	631	1	0.001585	1277	10	0.007831	4846	22	0.00454	4464	27	0.006048	4994	36	0.007209	982	4	0.004073	927	3	0.003236	303	5	0.016502
XM_00653 70834	Spag9	chr11	93996046	94126087	4524	21	0.004642	4762	38	0.00798	4870	38	0.007803	631	1	0.001585	1277	10	0.007831	4846	22	0.00454	4464	27	0.006048	4994	36	0.007209	982	4	0.004073	927	3	0.003236	303	5	0.016502
XM_00653 70834	Spag9	chr11	93996046	94126087	4524	21	0.004642	4762	38	0.00798	4870	38	0.007803	631	1	0.001585	1277	10	0.007831	4846	22	0.00454	4464	27	0.006048	4994	36	0.007209	982	4	0.004073	927	3	0.003236	303	5	0.016502
XM_00653 70834	Spag9	chr11	94043675	94126087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70834	Spag9	chr11	94043675	94126087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70834	Spag9	chr11	94043675	94126087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70894	Efcab3	chr11	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 70894	Efcab3	chr11	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	25	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71059	Hexim2	chr11	1.03E+08	1.03E+08	1998	12	0.006006	2258	11	0.004872	2321	17	0.007324	571	1	0.001751	424	2	0.004717	2283	18	0.007884	1752	15	0.008562	2211	8	0.003618	509	2	0.003929	660	1	0.001515	152	0	0
XM_00653 71059	Hexim2	chr11	1.03E+08	1.03E+08	1998	12	0.006006	2258	11	0.004872	2321	17	0.007324	571	1	0.001751	424	2	0.004717	2283	18	0.007884	1752	15	0.008562	2211	8	0.003618	509	2	0.003929	660	1	0.001515	152	0	0
XM_00653 71059	Hexim2	chr11	1.03E+08	1.03E+08	1998	12	0.006006	2258	11	0.004872	2321	17	0.007324	571	1	0.001751	424	2	0.004717	2283	18	0.007884	1752	15	0.008562	2211	8	0.003618	509	2	0.003929	660	1	0.001515	152	0	0
XM_00653 71059	Hexim2	chr11	1.03E+08	1.03E+08	33	27	0.818182	69	56	0.811594	72	65	0.902778	11	11	1	59	49	0.830508	72	58	0.805556	63	57	0.904762	53	40	0.754717	39	26	0.666667	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71276	Ccdc57	chr11	1.21E+08	1.21E+08	720	4	0.005556	910	6	0.006593	699	4	0.005722	104	0	0	305	1	0.003279	789	3	0.003802	715	3	0.004196	791	6	0.007585	362	5	0.013812	325	2	0.006154	88	1	0.011364
XM_00653 71276	Ccdc57	chr11	1.21E+08	1.21E+08	120	112	0.933333	100	95	0.95	130	123	0.946154	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	142	137	0.964789	112	104	0.928571	80	72	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71276	Ccdc57	chr11	1.21E+08	1.21E+08	720	4	0.005556	910	6	0.006593	699	4	0.005722	104	0	0	305	1	0.003279	789	3	0.003802	715	3	0.004196	791	6	0.007585	362	5	0.013812	325	2	0.006154	88	1	0.011364
XM_00653 71276	Ccdc57	chr11	1.21E+08	1.21E+08	720	4	0.005556	910	6	0.006593	699	4	0.005722	104	0	0	305	1	0.003279	789	3	0.003802	715	3	0.004196	791	6	0.007585	362	5	0.013812	325	2	0.006154	88	1	0.011364
XM_00653 71522	Ggt6	chr11	72435800	72438400	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	7	0.411765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71522	Ggt6	chr11	72435247	72438566	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	7	0.411765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71522	Ggt6	chr11	72435790	72437782	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	7	0.411765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71562	Afmid	chr11	1.18E+08	1.18E+08	519	173	0.333333	368	149	0.404891	448	183	0.408482	122	51	0.418033	139	40	0.28777	715	192	0.268531	459	149	0.324619	477	191	0.400419	217	67	0.308756	198	70	0.353535	109	43	0.394495
XM_00653 71562	Afmid	chr11	1.18E+08	1.18E+08	832	39	0.046875	818	41	0.050122	839	25	0.029797	98	12	0.122449	376	15	0.039894	823	36	0.043742	625	30	0.048	789	23	0.029151	229	7	0.030568	322	22	0.068323	148	7	0.047297
XM_00653 71562	Afmid	chr11	1.18E+08	1.18E+08	832	39	0.046875	818	41	0.050122	839	25	0.029797	98	12	0.122449	376	15	0.039894	823	36	0.043742	625	30	0.048	789	23	0.029151	229	7	0.030568	322	22	0.068323	148	7	0.047297
XM_00653 71562	Afmid	chr11	1.18E+08	1.18E+08	497	163	0.327968	368	149	0.404891	448	183	0.408482	122	51	0.418033	139	40	0.28777	675	175	0.259259	435	136	0.312644	448	174	0.388393	217	67	0.308756	198	70	0.353535	109	43	0.394495
XM_00653 71679	Atp5h	chr11	1.15E+08	1.15E+08	3431	36	0.010493	3240	27	0.008333	3690	38	0.010298	674	10	0.014837	1159	10	0.008628	3954	36	0.009105	3529	25	0.007084	3920	28	0.007143	918	3	0.003268	1145	8	0.006987	166	5	0.03012
XM_00653 71743	Coasy	chr11	1.01E+08	1.01E+08	916	13	0.014192	562	7	0.012456	884	10	0.011312	228	0	0	282	8	0.028369	1168	35	0.029966	970	19	0.019588	795	21	0.026415	278	1	0.003597	486	9	0.018519	259	1	0.003861
XM_00653 71770	Ap2b1	chr11	83298719	83404588	981	40	0.040775	681	75	0.110132	814	34	0.041769	#N/A	#N/A	#N/A	547	31	0.056673	1101	40	0.036331	748	31	0.041444	749	23	0.030708	336	0	0	392	38	0.096939	30	29	0.966667
XM_00653 71774	Shroom1	chr11	53457093	53467303	2256	94	0.041667	2248	76	0.033808	2231	64	0.028687	170	9	0.052941	626	39	0.0623	2601	111	0.042676	1953	50	0.025602	2358	64	0.027142	628	31	0.049363	623	33	0.05297	236	3	0.012712
XM_00653 71776	Tha1	chr11	1.18E+08	1.18E+08	1705	22	0.012903	1590	8	0.005031	1898	19	0.010011	422	22	0.052133	541	30	0.055453	2025	33	0.016296	1371	27	0.019694	1539	14	0.009097	519	3	0.00578	695	23	0.033094	127	0	0
XM_00653 71795	Pitpnc1	chr11	1.07E+08	1.07E+08	51	50	0.980392	86	76	0.883721	54	49	0.907407	#N/A	#N/A	#N/A	37	35	0.945946	84	76	0.904762	58	51	0.87931	49	40	0.816327	14	11	0.785714	16	11	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71795	Pitpnc1	chr11	1.07E+08	1.07E+08	51	50	0.980392	86	76	0.883721	54	49	0.907407	#N/A	#N/A	#N/A	37	35	0.945946	84	76	0.904762	58	51	0.87931	49	40	0.816327	14	11	0.785714	16	11	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71860	Cfap52	chr11	67924810	67965669	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0
XM_00653 71889	Epn3	chr11	94489600	94498230	837	58	0.069295	1051	97	0.092293	887	81	0.091319	158	14	0.088608	332	36	0.108434	978	89	0.091002	787	59	0.074968	821	64	0.077954	355	22	0.061972	367	32	0.087193	14	8	0.571429
XM_00653 71943	Tom1l1	chr11	90645690	90688279	1236	58	0.046926	975	48	0.049231	1055	57	0.054028	211	16	0.075829	376	16	0.042553	1216	80	0.065789	898	94	0.104677	799	43	0.053817	314	21	0.066879	303	18	0.059406	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71947	Tmem94	chr11	1.16E+08	1.16E+08	10	10	1	29	27	0.931034	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	55	47	0.854545	47	43	0.914894	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 71947	Tmem94	chr11	1.16E+08	1.16E+08	1831	437	0.238667	2165	304	0.140416	1946	379	0.194758	345	49	0.142029	798	207	0.259398	1790	377	0.210615	1767	326	0.184493	1863	405	0.217391	505	129	0.255446	615	138	0.22439	175	48	0.274286
XM_00653 71998	Slc25a35	chr11	68968105	68972516	2258	44	0.019486	2162	34	0.015726	2282	44	0.019281	398	15	0.037688	943	3	0.003181	2323	35	0.015067	2046	12	0.005865	2060	20	0.009709	827	4	0.004837	805	5	0.006211	318	3	0.009434
XM_00653 71998	Slc25a35	chr11	68968105	68972516	2258	44	0.019486	2162	34	0.015726	2282	44	0.019281	398	15	0.037688	943	3	0.003181	2323	35	0.015067	2046	12	0.005865	2060	20	0.009709	827	4	0.004837	805	5	0.006211	318	3	0.009434
XM_00653 71998	Slc25a35	chr11	68968096	68972516	2258	44	0.019486	2162	34	0.015726	2282	44	0.019281	398	15	0.037688	943	3	0.003181	2323	35	0.015067	2046	12	0.005865	2060	20	0.009709	827	4	0.004837	805	5	0.006211	318	3	0.009434
XM_00653 71998	Slc25a35	chr11	68968105	68972516	2258	44	0.019486	2162	34	0.015726	2282	44	0.019281	398	15	0.037688	943	3	0.003181	2323	35	0.015067	2046	12	0.005865	2060	20	0.009709	827	4	0.004837	805	5	0.006211	318	3	0.009434
XM_00653 72014	Btbd17	chr11	1.15E+08	1.15E+08	127	116	0.913386	111	105	0.945946	116	113	0.974138	32	28	0.875	51	48	0.941176	130	118	0.907692	102	96	0.941176	107	96	0.897196	42	36	0.857143	50	43	0.86	26	23	0.884615

XM_00653 232969	Zfp428	chr7	24508774	24515680	2719	20	0.007356	2549	17	0.006669	2267	9	0.00397	243	0	0	507	1	0.001972	2943	16	0.005437	2012	14	0.006958	2516	10	0.003975	539	4	0.007421	737	4	0.005427	182	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709202	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709220	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709221	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709220	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709221	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709221	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232972	Lypd10	chr7	24709311	24714535	262	193	0.736641	175	121	0.691429	295	216	0.732203	74	57	0.77027	185	131	0.708108	271	187	0.690037	217	132	0.608295	194	108	0.556701	65	25	0.384615	90	38	0.422222	13	0	0
XM_00653 232976	Zfp574	chr7	25077539	25082481	2318	35	0.015099	2762	25	0.009051	2906	36	0.012388	481	1	0.002079	665	3	0.004511	2628	53	0.020167	2283	19	0.008322	2998	26	0.008672	580	6	0.010345	859	6	0.006985	353	1	0.002833
XM_00653 232976	Zfp574	chr7	25077812	25082481	2300	19	0.008261	2751	17	0.00618	2903	27	0.009301	481	1	0.002079	665	3	0.004511	2626	46	0.017517	2319	38	0.016386	3003	17	0.005661	580	6	0.010345	859	6	0.006985	353	1	0.002833
XM_00653 232984	B3gnt8	chr7	25627600	25629492	724	331	0.457182	585	315	0.538462	726	372	0.512397	12	5	0.416667	220	113	0.513636	814	308	0.378378	632	334	0.528481	718	353	0.491643	299	148	0.494983	422	219	0.518957	39	17	0.435897
XM_00653 232989	Hnrnpul1	chr7	25721169	25756268	135	16	0.118519	92	0	0	104	2	0.019231	#N/A	#N/A	#N/A	101	1	0.009901	103	0	0	114	1	0.008772	112	7	0.0625	64	0	0	82	4	0.04878	44	0	0
XM_00653 233005	Cyp2a22	chr7	26932546	26939413	45	32	0.711111	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	33	29	0.878788	30	25	0.833333	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 233040	Fbxo27	chr7	28692780	28699338	631	197	0.312203	549	206	0.375228	727	215	0.295736	129	40	0.310078	168	93	0.553571	673	221	0.32838	573	138	0.240838	584	191	0.327055	184	79	0.429348	179	66	0.368715	40	13	0.325
XM_00653 233040	Fbxo27	chr7	28692780	28699338	631	197	0.312203	549	206	0.375228	727	215	0.295736	129	40	0.310078	168	93	0.553571	673	221	0.32838	573	138	0.240838	584	191	0.327055	184	79	0.429348	179	66	0.368715	40	13	0.325
XM_00653 233040	Fbxo27	chr7	28692822	28699338	631	197	0.312203	549	206	0.375228	727	215	0.295736	129	40	0.310078	168	93	0.553571	673	221	0.32838	573	138	0.240838	584	191	0.327055	184	79	0.429348	179	66	0.368715	40	13	0.325
XM_00653 233064	Wdr62	chr7	30240138	30281908	58	11	0.189655	75	37	0.493333	72	18	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	105	51	0.485714	69	47	0.681159	72	29	0.402778	12	11	0.916667	35	7	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 233064	Wdr62	chr7	30240138	30281908	58	11	0.189655	75	37	0.493333	72	18	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	105	51	0.485714	69	47	0.681159	72	29	0.402778	12	11	0.916667	35	7	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 233064	Wdr62	chr7	30240138	30281908	58	11	0.189655	75	37	0.493333	72	18	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	105	51	0.485714	69	47	0.681159	72	29	0.402778	12	11	0.916667	35	7	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 233064	Wdr62	chr7	30240138	30281908	58	11	0.189655	75	37	0.493333	72	18	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	105	51	0.485714	69	47	0.681159	72	29	0.402778	12	11	0.916667	35	7	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 233071	Arhgap33	chr7	30522225	30535032	1148	129	0.112369	1019	188	0.184495	1463	162	0.110731	191	22	0.115183	715	65	0.090909	1590	96	0.060377	1068	85	0.079588	1183	129	0.109045	495	25	0.050505	745	80	0.107383	60	24	0.4
XM_00653 233103	Garre1	chr7	34236707	34313548	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_00653 233103	Garre1	chr7	34236707	34313554	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_00653 233103	Garre1	chr7	34236707	34313543	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_00653 233103	Garre1	chr7	34236707	34305716	23	23	1	48	46	0.958333	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	21	20	0.952381	25	22	0.88	28	21	0.75	25	23	0.92	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 233107	Kctd15	chr7	34639002	34653096	4951	45	0.009089	4729	33	0.006978	4833	39	0.00807	290	1	0.003448	1727	11	0.006369	4962	53	0.010681	4399	54	0.012276	5471	26	0.004752	1181	10	0.008467	992	10	0.010081	170	0	0
XM_00653 233107	Kctd15	chr7	34639002	34655225	5072	37	0.007295	5144	39	0.007582	5334	39	0.007312	308	0	0	1327	7	0.005275	5219	40	0.007664	4865	40	0.008222	6259	29	0.004633	1001	3	0.002997	1125	6	0.005333	182	1	0.005495
XM_00653 233107	Kctd15	chr7	34639002	34654214	6830	61	0.008931	6599	47	0.007122	6965	52	0.007466	446	1	0.002242	2001	14	0.006997	6835	65	0.00951	6254	63	0.010074	7800	38	0.004872	1584	10	0.006313	1518	11	0.007246	252	1	0.003968
XM_00653 233107	Kctd15	chr7	34639002	34654408	6398	55	0.008596	6231	47	0.007543	6561	50	0.007621	446	1	0.002242	1884	11	0.005839	6460	54	0.008359	5870	61	0.010392	7324	33	0.004506	1507	7	0.004645	1381	8	0.005793	212	1	0.004717
XM_00653 233115	Dpy19l3	chr7	35685500	35729776	202	193	0.955446	94	88	0.93617	177	168	0.949153	#N/A	#N/A	#N/A	82	80	0.97561	305	293	0.960656	245	222	0.906122	142	133	0.93662	67	61	0.910448	76	67	0.881579	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243816	Gp6	chr7	4362853	4397850	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243816	Gp6	chr7	4362853	4397851	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243842	Bicra	chr7	15970671	16048146	1963	11	0.005604	1911	14	0.007326	2190	28	0.012785	291	0	0	492	1	0.002033	2597	25	0.009626	2007	17	0.00847	2803	9	0.003211	152	1	0.006579	570	18	0.031579	48	0	0
XM_00653 243842	Bicra	chr7	15970671	16048146	1963	11	0.005604	1911	14	0.007326	2190	28	0.012785	291	0	0	492	1	0.002033	2597	25	0.009626	2007	17	0.00847	2803	9	0.003211	152	1	0.006579	570	18	0.031579	48	0	0
XM_00653 243846	Ccdc9	chr7	16274042	16285456	1558	115	0.073813	1530	61	0.039869	1524	68	0.044619	164	1	0.006098	266	18	0.067669	1821	86	0.047227	1434	40	0.027894	1774	60	0.033822	312	31	0.099359	298	12	0.040268	40	25	0.625
XM_00653 243846	Ccdc9	chr7	16274042	16286807	1406	13	0.009246	1430	8	0.005594	1396	5	0.003582	164	1	0.006098	239	0	0	1689	5	0.00296	1357	6	0.004422	1702	9	0.005288	246	0	0	276	1	0.003623	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243846	Ccdc9	chr7	16272013	16286807	1406	13	0.009246	1430	8	0.005594	1396	5	0.003582	164	1	0.006098	239	0	0	1689	5	0.00296	1357	6	0.004422	1702	9	0.005288	246	0	0	276	1	0.003623	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243846	Ccdc9	chr7	16272013	16286807	1406	13	0.009246	1430	8	0.005594	1396	5	0.003582	164	1	0.006098	239	0	0	1689	5	0.00296	1357	6	0.004422	1702	9	0.005288	246	0	0	276	1	0.003623	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243853	Fkrp	chr7	16809267	16815551	2722	12	0.004409	2954	22	0.007448	2696	25	0.009273	402	6	0.014925	782	2	0.002558	2929	18	0.006145	2527	12	0.004749	2968	20	0.006739	598	4	0.006689	1005	9	0.008955	337	1	0.002967
XM_00653 243853	Fkrp	chr7	16809267	16815551	2722	12	0.004409	2954	22	0.007448	2696	25	0.009273	402	6	0.014925	782	2	0.002558	2929	18	0.006145	2527	12	0.004749	2968	20	0.006739	598	4	0.006689	1005	9	0.008955	337	1	0.002967
XM_00653 243864	Mill2	chr7	18839972	18865407	78	2	0.025641	70	7	0.1	35	5	0.142857	12	2	0.166667	29	2	0.068966	77	4	0.051948	54	2	0.037037	36	8	0.222222	12	2	0.166667	49	2	0.040816	10	4	0.4
XM_00653 243864	Mill2	chr7	18839972	18863191	78	2	0.025641	70	7	0.1	35	5	0.142857	12	2	0.166667	29	2	0.068966	77	4	0.051948	54	2	0.037037	36	8	0.222222	12	2	0.166667	49	2	0.040816	10	4	0.4
XM_00653 243864	Mill2	chr7	18839958	18865407	78	2	0.025641	70	7	0.1	35	5	0.142857	12	2	0.166667	29	2	0.068966	77	4	0.051948	54	2	0.037037	36	8	0.222222	12	2	0.166667	49	2	0.040816	10	4	0.4
XM_00653 243867	Fbxo46	chr7	19129626	19138255	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243867	Fbxo46	chr7	19129626	19138255	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243867	Fbxo46	chr7	19134524	19138255	54	52	0.962963	48	45	0.9375	48	45	0.9375	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	89	86	0.966292	80	77	0.9625	42	41	0.97619	39	36	0.923077	48	45	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243874	Nlrp9b	chr7	19991393	20062942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243874	Nlrp9b	chr7	19991393	20062942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243897	Ggn	chr7	29170502	29173938	753	55	0.073041	897	65	0.072464	971	64	0.065911	66	6	0.090909	321	14	0.043614	931	118	0.126745	763	65	0.08519	910	79	0.086813	192	11	0.057292	365	32	0.087671	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243897	Ggn	chr7	29171246	29173938	1029	90	0.087464	1046	83	0.07935	1156	78	0.067474	97	3	0.030928	536	38	0.070896	1280	104	0.08125	989	109	0.110212	1097	116	0.105743	314	18	0.057325	333	21	0.063063	50	0	0
XM_00653 243912	Hspb6	chr7	30552535	30555439	419	6	0.01432	233	0	0	283	8	0.028269	20	0	0	146	1	0.006849	579	4	0.006908	486	2	0.004115	461	4	0.008677	20	0	0	116	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243914	Lgi4	chr7	31060252	31070922	33	21	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	33	19	0.575758	#N/A	#N/A	#N/A	82	22	0.268293	39	29	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243914	Lgi4	chr7	31058909	31070922	33	21	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	33	19	0.575758	#N/A	#N/A	#N/A	82	22	0.268293	39	29	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243931	Tshz3	chr7	36752399	36773553	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243931	Tshz3	chr7	36729854	36773553	74	63	0.851351	35	30	0.857143	49	47	0.959184	#N/A	#N/A	#N/A	34	26	0.764706	73	57	0.780822	67	47	0.701493	47	28	0.595745	28	18	0.642857	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243931	Tshz3	chr7	36698209	36773553	7421	78	0.010511	6943	66	0.009506	8803	93	0.010565	752	15	0.019947	2128	25	0.011748	7855	180	0.022915	6263	280	0.044707	6845	154	0.022498	2124	106	0.049906	2047	110	0.053737	497	28	0.056338
XM_00653 243931	Tshz3	chr7	36729836	36773553	74	63	0.851351	35	30	0.857143	49	47	0.959184	#N/A	#N/A	#N/A	34	26	0.764706	73	57	0.780822	67	47	0.701493	47	28	0.595745	28	18	0.642857	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 243931	Tshz3	chr7	36752294	36773553	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 245126	Tarm1	chr7	3486499	3502643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 245126	Tarm1	chr7	3486499	3502754	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 245128	AU018091	chr7	3154658	3169163	11	11	1	189	181	0.957672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	40	34	0.85	84	81	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00653 245886	Ankrd27	chr7	35586227	35639226	3441	34	0.009881	2887	23	0.007967	3714	47	0.012655	246	11	0.044715	1085	10	0.009217	3709	34	0.009167	2912	17	0.005838	3166	21	0.006633	542	3	0.005535	1190	5	0.004202	110	2	0.018182
XM_00653 26362	Axl	chr7	25757273	25788693	645	191	0.296124	581	191	0.328744	683	210	0.307467	179	44	0.24581	243	72	0.296296	801	193	0.240949	589	181	0.307301	543	169	0.311234	222	75	0.337838	179	44	0.24581	128	25	0.195313
XM_00653 26362	Axl	chr7	25757273	25788693	645	191	0.296124	581	191	0.328744	683	210	0.307467	179	44	0.24581	243	72	0.296296	801	193	0.240949	589	181	0.307301	543	169	0.311234	222	75	0.337838	179	44	0.24581	128	25	0.195313
XM_00653 26362	Axl	chr7	25757273	25788669	689	225	0.32656	621	218	0.351047	709	228	0.32158	197	55	0.279188	256	83	0.324219	838	214	0.25537	627	207	0.330144	574	185	0.3223	239	86	0.359833	189	52	0.275132	138	30	0.217391
XM_00653 26362	Axl	chr7	25757273	25788924	531	108	0.20339	489	129	0.263804	565	123	0.217699	136	11	0.080882	196	39	0.19898	695	121	0.174101	477	95	0.199161	468	107	0.228632	166	38	0.228916	145	23	0.158621	118	17	0.144068
XM_00653 26411	Map4k1	chr7	28982085	29003279	623	22	0.035313	509	35	0.068762	626	30	0.047923	20	0	0	376	44	0.117021	794	42	0.052897	647	19	0.029366	522	48	0.091954	249	23	0.092369	277	22	0.079422	110	1	0.009091
XM_00653 26411	Map4k1	chr7	28982083	29003279	623	22	0.035313	509	35	0.068762	626	30	0.047923	20	0	0	376	44	0.117021	794	42	0.052897	647	19	0.029366	522	48	0.091954	249	23	0.092369	277	22	0.079422	110	1	0.009091
XM_00653 26411	Map4k1	chr7	28982083	29003279	623	22	0.035313	509	35	0.068762	626	30	0.047923	20	0	0	376	44	0.117021	794	42	0.052897	647	19	0.029366	522	48	0.091954	249	23	0.092369	277	22	0.079422	110	1	0.009091
XM_00653 26411	Map4k1	chr7	28982082	29003279	623	22	0.035313	509	35	0.068762	626	30	0.047923	20	0	0	376	44	0.117021	794	42	0.052897	647	19	0.029366	522	48	0.091954	249	23	0.092369	277	22	0.079422	110	1	0.009091
XM_00654 26411	Map4k1	chr7	28982082	29003279	623	22	0.035313	509	35	0.068762	626	30	0.047923	20	0	0	376	44	0.117021	794	42	0.052897	647	19	0.029366	522	48	0.091954	249	23	0.092369	277	22	0.079422	110	1	0.009091
XM_00654 26438	Psg18	chr7	18345744	18355038	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 26438	Psg18	chr7	18345744	18355037	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 26439	Psg19	chr7	18789120	18798546	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	11	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 26465	Zfp146	chr7	30160487	30169773	197	8	0.040609	220	5	0.022727	164	6	0.036585	37	0	0	117	4	0.034188	238	3	0.012605	228	4	0.017544	144	0	0	122	0	0	68	5	0.073529	28	0	0
XM_00654 266815	Mill1	chr7	18255053	18265810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 266815	Mill1	chr7	18245225	18262995	36	20	0.555556	31	10	0.322581	37	13	0.351351	12	3	0.25	33	11	0.333333	43	16	0.372093	15	4	0.266667	29	6	0.206897	12	1	0.083333	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 269854	Nat14	chr7	4918877	4925006	857	821	0.957993	542	518	0.95572	947	904	0.954593	150	141	0.94	273	254	0.930403	1112	1065	0.957734	787	766	0.973316	850	798	0.938824	140	131	0.935714	338	323	0.955621	135	133	0.985185
XM_00654 269854	Nat14	chr7	4918877	4925006	857	821	0.957993	542	518	0.95572	947	904	0.954593	150	141	0.94	273	254	0.930403	1112	1065	0.957734	787	766	0.973316	850	798	0.938824	140	131	0.935714	338	323	0.955621	135	133	0.985185
XM_00654 269854	Nat14	chr7	4922646	4925006	1515	458	0.30231	1376	418	0.303779	1537	481	0.312947	165	87	0.527273	373	147	0.394102	1712	569	0.33236	1314	399	0.303653	1569	467	0.297642	277	120	0.433213	610	241	0.395082	61	7	0.114754
XM_00654 269855	Ssc5d	chr7	4925129	4944828	373	16	0.042895	444	22	0.04955	563	28	0.049734	105	5	0.047619	209	10	0.047847	577	35	0.060659	437	11	0.025172	567	40	0.070547	111	6	0.054054	312	34	0.108974	39	0	0
XM_00654 269862	Olfr1349	chr7	6514199	6520355	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 269870	Zfp446	chr7	12976196	12985717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 269870	Zfp446	chr7	12976196	12985717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 282619	Sbsn	chr7	30732674	30756134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 282619	Sbsn	chr7	30732674	30756134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 29861	Dpf1	chr7	29303952	29317592	2677	43	0.016063	2968	45	0.015162	2996	52	0.017356	467	9	0.019272	858	10	0.011655	3095	64	0.020679	2143	64	0.029865	2136	50	0.023408	871	13	0.014925	916	17	0.018559	259	9	0.034749
XM_00654 29861	Dpf1	chr7	29308246	29317592	501	22	0.043912	457	5	0.010941	476	1	0.002101	188	2	0.010638	149	7	0.04698	686	34	0.049563	547	14	0.025594	513	4	0.007797	281	2	0.007117	313	40	0.127796	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 29861	Dpf1	chr7	29303952	29317592	2677	43	0.016063	2968	45	0.015162	2996	52	0.017356	467	9	0.019272	858	10	0.011655	3095	64	0.020679	2143	64	0.029865	2136	50	0.023408	871	13	0.014925	916	17	0.018559	259	9	0.034749
XM_00654 30962	Slc7a9	chr7	35448728	35466003	258	12	0.046512	243	13	0.053498	284	17	0.059859	63	2	0.031746	89	1	0.011236	247	25	0.101215	197	37	0.187817	273	28	0.102564	78	4	0.051282	92	8	0.086957	50	8	0.16
XM_00654 30962	Slc7a9	chr7	35448727	35466003	258	12	0.046512	243	13	0.053498	284	17	0.059859	63	2	0.031746	89	1	0.011236	247	25	0.101215	197	37	0.187817	273	28	0.102564	78	4	0.051282	92	8	0.086957	50	8	0.16
XM_00654 30962	Slc7a9	chr7	35449798	35466003	269	23	0.085502	273	39	0.142857	284	17	0.059859	63	2	0.031746	89	1	0.011236	247	25	0.101215	207	41	0.198068	299	50	0.167224	78	4	0.051282	92	8	0.086957	50	8	0.16
XM_00654 30962	Slc7a9	chr7	35448728	35457776	258	12	0.046512	243	13	0.053498	284	17	0.059859	63	2	0.031746	89	1	0.011236	247	25	0.101215	197	37	0.187817	273	28	0.102564	78	4	0.051282	92	8	0.086957	50	8	0.16
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16240135	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16242199	287	233	0.811847	297	253	0.851852	263	224	0.851711	46	35	0.76087	186	141	0.758065	297	201	0.676768	275	209	0.76	292	239	0.818493	116	93	0.801724	90	62	0.688889	14	4	0.285714
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16243922	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16240674	148	107	0.722973	159	125	0.786164	139	110	0.791367	26	15	0.576923	114	74	0.649123	181	101	0.558011	131	81	0.618321	110	76	0.690909	88	65	0.738636	60	38	0.633333	14	4	0.285714
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16240674	148	107	0.722973	159	125	0.786164	139	110	0.791367	26	15	0.576923	114	74	0.649123	181	101	0.558011	131	81	0.618321	110	76	0.690909	88	65	0.738636	60	38	0.633333	14	4	0.285714
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16239068	118	115	0.974576	113	110	0.973451	146	143	0.979452	12	12	1	36	36	1	127	123	0.968504	103	97	0.941748	99	94	0.949495	12	12	1	50	48	0.96	32	28	0.875
XM_00654 319430	C5ar2	chr7	16235820	16240070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 319748	Zfp865	chr7	5020381	5033226	2893	50	0.017283	2982	52	0.017438	2866	51	0.017795	656	0	0	767	1	0.001304	3160	50	0.015823	2712	18	0.006637	3248	31	0.009544	857	6	0.007001	1229	17	0.013832	326	8	0.02454
XM_00654 319748	Zfp865	chr7	5028619	5033226	201	194	0.965174	113	110	0.973451	202	199	0.985149	120	118	0.983333	78	78	1	268	265	0.988806	239	234	0.979079	148	147	0.993243	44	44	1	90	87	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 319930	Ceacam19	chr7	19876784	19887990	40	28	0.7	22	16	0.727273	50	32	0.64	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	59	33	0.559322	50	23	0.46	36	19	0.527778	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 319930	Ceacam19	chr7	19881815	19887990	40	28	0.7	22	16	0.727273	50	32	0.64	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	59	33	0.559322	50	23	0.46	36	19	0.527778	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 319930	Ceacam19	chr7	19881860	19887990	40	28	0.7	22	16	0.727273	50	32	0.64	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	59	33	0.559322	50	23	0.46	36	19	0.527778	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320208	Tmem91	chr7	25669139	25674949	1352	169	0.125	1185	161	0.135865	1396	163	0.116762	319	50	0.15674	437	77	0.176201	1518	206	0.135705	1236	167	0.135113	1226	132	0.107667	359	38	0.10585	543	76	0.139963	71	24	0.338028
XM_00654 320208	Tmem91	chr7	25669139	25679623	21	4	0.190476	17	0	0	14	1	0.071429	10	1	0.1	32	8	0.25	25	1	0.04	38	4	0.105263	41	14	0.341463	14	0	0	14	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320208	Tmem91	chr7	25669139	25677433	156	146	0.935897	90	84	0.933333	72	68	0.944444	77	69	0.896104	#N/A	#N/A	#N/A	113	102	0.902655	#N/A	#N/A	#N/A	60	57	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	102	94	0.921569	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320208	Tmem91	chr7	25669139	25677433	156	146	0.935897	90	84	0.933333	72	68	0.944444	77	69	0.896104	#N/A	#N/A	#N/A	113	102	0.902655	#N/A	#N/A	#N/A	60	57	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	102	94	0.921569	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213846	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213846	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213846	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29215589	451	334	0.740576	474	305	0.64346	474	307	0.647679	84	67	0.797619	95	77	0.810526	434	356	0.820276	316	255	0.806962	387	317	0.819121	160	130	0.8125	44	40	0.909091	19	19	1
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29214032	417	267	0.640288	453	267	0.589404	446	257	0.576233	30	15	0.5	71	50	0.704225	426	325	0.762911	297	205	0.690236	356	280	0.786517	119	93	0.781513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29206031	29213861	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29214030	417	267	0.640288	453	267	0.589404	446	257	0.576233	30	15	0.5	71	50	0.704225	426	325	0.762911	297	205	0.690236	356	280	0.786517	119	93	0.781513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320435	Rinl	chr7	28788874	28798965	244	208	0.852459	132	118	0.893939	103	92	0.893204	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	370	271	0.732432	238	206	0.865546	174	139	0.798851	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320435	Rinl	chr7	28788948	28798965	244	208	0.852459	132	118	0.893939	103	92	0.893204	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	370	271	0.732432	238	206	0.865546	174	139	0.798851	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 330463	Zfp78	chr7	6362809	6382606	19	14	0.736842	12	8	0.666667	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	17	10	0.588235	15	7	0.466667	15	2	0.133333	13	11	0.846154	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16399715	16437691	3519	48	0.01364	2798	50	0.01787	3397	37	0.010892	644	3	0.004658	989	7	0.007078	3704	54	0.014579	2826	32	0.011323	3654	41	0.011221	911	18	0.019759	1260	23	0.018254	256	0	0
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16401103	16437691	6372	45	0.007062	5055	43	0.008506	5793	34	0.005869	1144	4	0.003497	1826	5	0.002738	6841	50	0.007309	5175	27	0.005217	6241	43	0.00689	1635	6	0.00367	2222	12	0.005401	530	1	0.001887
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16401177	16437691	6372	45	0.007062	5055	43	0.008506	5793	34	0.005869	1144	4	0.003497	1826	5	0.002738	6841	50	0.007309	5175	27	0.005217	6241	43	0.00689	1635	6	0.00367	2222	12	0.005401	530	1	0.001887
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16401335	16437691	6372	45	0.007062	5055	43	0.008506	5793	34	0.005869	1144	4	0.003497	1826	5	0.002738	6841	50	0.007309	5175	27	0.005217	6241	43	0.00689	1635	6	0.00367	2222	12	0.005401	530	1	0.001887
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16399614	16437691	3162	47	0.014864	2497	54	0.021626	2979	34	0.011413	644	3	0.004658	934	6	0.006424	3355	54	0.016095	2567	30	0.011687	3327	39	0.011722	911	18	0.019759	1055	23	0.021801	256	0	0
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16399859	16437691	3794	47	0.012388	2994	41	0.013694	3642	33	0.009061	706	3	0.004249	1017	3	0.00295	3986	46	0.01154	3051	26	0.008522	3834	36	0.00939	987	17	0.017224	1349	22	0.016308	300	0	0
XM_00654 330474	Zc3h4	chr7	16399583	16437691	3088	47	0.01522	2467	54	0.021889	2927	33	0.011274	644	3	0.004658	934	6	0.006424	3281	52	0.015849	2527	30	0.011872	3275	39	0.011908	911	18	0.019759	1055	23	0.021801	256	0	0
XM_00654 330483	Ceacam16	chr7	19852097	19871426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 330483	Ceacam16	chr7	19852097	19871426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 330483	Ceacam16	chr7	19853837	19871426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 330485	Tmem145	chr7	25305667	25316196	1958	29	0.014811	1788	20	0.011186	1832	23	0.012555	280	3	0.010714	809	6	0.007417	2137	23	0.010763	1462	12	0.008208	1386	12	0.008658	642	3	0.004673	506	3	0.005929	325	5	0.015385
XM_00654 330496	Ifnl2	chr7	28508784	28510532	60	30	0.5	33	13	0.393939	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	13	0.393939	#N/A	#N/A	#N/A	36	10	0.277778	33	9	0.272727	36	4	0.111111	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 333193	Proser3	chr7	30539129	30552321	493	63	0.127789	244	0	0	293	8	0.027304	30	0	0	201	49	0.243781	686	69	0.100583	558	54	0.096774	523	45	0.086042	20	0	0	129	9	0.069767	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 333654	Ppp1r13l	chr7	19359724	19378540	1913	513	0.268165	1845	512	0.277507	1954	536	0.274309	363	67	0.184573	582	117	0.201031	2228	613	0.275135	1950	486	0.249231	2176	548	0.251838	638	191	0.299373	699	219	0.313305	243	31	0.127572
XM_00654 333654	Ppp1r13l	chr7	19360001	19378536	1549	173	0.111685	1501	182	0.121252	1613	211	0.130812	295	1	0.00339	490	28	0.057143	1804	208	0.115299	1615	178	0.110217	1787	181	0.101287	499	60	0.12024	530	67	0.126415	213	3	0.014085
XM_00654 333654	Ppp1r13l	chr7	19359775	19378536	1913	513	0.268165	1845	512	0.277507	1954	536	0.274309	363	67	0.184573	582	117	0.201031	2228	613	0.275135	1950	486	0.249231	2176	548	0.251838	638	191	0.299373	699	219	0.313305	243	31	0.127572
XM_00654 333654	Ppp1r13l	chr7	19359724	19378536	1913	513	0.268165	1845	512	0.277507	1954	536	0.274309	363	67	0.184573	582	117	0.201031	2228	613	0.275135	1950	486	0.249231	2176	548	0.251838	638	191	0.299373	699	219	0.313305	243	31	0.127572
XM_00654 338374	Ifnl3	chr7	28522833	28524401	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 378425	Nlrp12	chr7	3221014	3249771	49	45	0.918367	29	25	0.862069	36	31	0.861111	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	32	24	0.75	13	5	0.384615	34	22	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381835	Sbk3	chr7	4965247	4971491	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381835	Sbk3	chr7	4965247	4973388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381836	Sbk2	chr7	4956910	4964406	147	74	0.503401	140	73	0.521429	142	65	0.457746	15	7	0.466667	60	29	0.483333	126	68	0.539683	122	37	0.303279	108	46	0.425926	52	17	0.326923	78	28	0.358974	12	7	0.583333
XM_00654 381853	Gipr	chr7	19156063	19170248	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381853	Gipr	chr7	19156063	19170248	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381853	Gipr	chr7	19156063	19166208	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381853	Gipr	chr7	19156063	19166208	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 381853	Gipr	chr7	19159746	19166208	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 384557	Ceacam3	chr7	17150197	17163754	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 384557	Ceacam3	chr7	17154968	17163754	86	66	0.767442	140	87	0.621429	110	93	0.845455	#N/A	#N/A	#N/A	34	20	0.588235	74	54	0.72973	62	47	0.758065	28	15	0.535714	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	31	0.775
XM_00654 384557	Ceacam3	chr7	17150197	17159810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 384763	Zfp667	chr7	6286315	6307676	1063	9	0.008467	1114	8	0.007181	1000	7	0.007	406	0	0	458	3	0.00655	1233	10	0.00811	1038	6	0.00578	1071	4	0.003735	337	3	0.008902	461	0	0	20	0	0
XM_00654 384763	Zfp667	chr7	6286315	6307676	1063	9	0.008467	1114	8	0.007181	1000	7	0.007	406	0	0	458	3	0.00655	1233	10	0.00811	1038	6	0.00578	1071	4	0.003735	337	3	0.008902	461	0	0	20	0	0
XM_00654 384763	Zfp667	chr7	6286661	6307676	1063	9	0.008467	1114	8	0.007181	1000	7	0.007	406	0	0	458	3	0.00655	1233	10	0.00811	1038	6	0.00578	1071	4	0.003735	337	3	0.008902	461	0	0	20	0	0

XM_00654 71755	Dhdh	chr7	45472956	45488888	146	93	0.636986	142	95	0.669014	76	60	0.789474	#N/A	#N/A	#N/A	33	18	0.545455	104	60	0.576923	88	72	0.818182	132	80	0.606061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 71968	Wdr73	chr7	80890723	80901244	589	46	0.078098	614	33	0.053746	511	29	0.056751	75	6	0.08	246	13	0.052846	610	12	0.019672	515	22	0.042718	559	19	0.033989	263	4	0.015209	328	9	0.027439	102	0	0
XM_00654 71968	Wdr73	chr7	80890723	80901219	589	46	0.078098	614	33	0.053746	511	29	0.056751	75	6	0.08	246	13	0.052846	610	12	0.019672	515	22	0.042718	559	19	0.033989	263	4	0.015209	328	9	0.027439	102	0	0
XM_00654 72088	Ush1c	chr7	46195350	46237334	318	84	0.264151	320	94	0.29375	232	51	0.219828	20	17	0.85	12	2	0.166667	270	111	0.411111	337	109	0.323442	342	53	0.154971	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 72635	Lins1	chr7	66689933	66715552	1231	10	0.008123	1000	8	0.008	1328	8	0.006024	253	0	0	184	2	0.01087	1315	4	0.003042	1372	16	0.011662	1433	7	0.004885	290	1	0.003448	220	1	0.004545	66	1	0.015152
XM_00654 72635	Lins1	chr7	66689939	66715552	1231	10	0.008123	1000	8	0.008	1328	8	0.006024	253	0	0	184	2	0.01087	1315	4	0.003042	1372	16	0.011662	1433	7	0.004885	290	1	0.003448	220	1	0.004545	66	1	0.015152
XM_00654 72635	Lins1	chr7	66689817	66715571	1231	10	0.008123	1000	8	0.008	1328	8	0.006024	253	0	0	184	2	0.01087	1315	4	0.003042	1372	16	0.011662	1433	7	0.004885	290	1	0.003448	220	1	0.004545	66	1	0.015152
XM_00654 72635	Lins1	chr7	66689933	66715552	1231	10	0.008123	1000	8	0.008	1328	8	0.006024	253	0	0	184	2	0.01087	1315	4	0.003042	1372	16	0.011662	1433	7	0.004885	290	1	0.003448	220	1	0.004545	66	1	0.015152
XM_00654 72635	Lins1	chr7	66689933	66715552	1231	10	0.008123	1000	8	0.008	1328	8	0.006024	253	0	0	184	2	0.01087	1315	4	0.003042	1372	16	0.011662	1433	7	0.004885	290	1	0.003448	220	1	0.004545	66	1	0.015152
XM_00654 73813	Fam83e	chr7	45721171	45726708	300	235	0.783333	106	96	0.90566	199	185	0.929648	56	51	0.910714	117	107	0.91453	251	220	0.876494	346	281	0.812139	249	214	0.859438	102	97	0.95098	130	116	0.892308	32	31	0.96875
XM_00654 74490	Mamstr	chr7	45639192	45648206	951	442	0.464774	736	340	0.461957	868	399	0.459677	179	46	0.256983	509	297	0.583497	1039	561	0.539942	923	464	0.502709	948	499	0.526371	279	154	0.551971	423	230	0.543735	201	67	0.333333
XM_00654 74490	Mamstr	chr7	45639192	45648206	951	442	0.464774	736	340	0.461957	868	399	0.459677	179	46	0.256983	509	297	0.583497	1039	561	0.539942	923	464	0.502709	948	499	0.526371	279	154	0.551971	423	230	0.543735	201	67	0.333333
XM_00654 74490	Mamstr	chr7	45639192	45648206	951	442	0.464774	736	340	0.461957	868	399	0.459677	179	46	0.256983	509	297	0.583497	1039	561	0.539942	923	464	0.502709	948	499	0.526371	279	154	0.551971	423	230	0.543735	201	67	0.333333
XM_00654 74490	Mamstr	chr7	45640846	45648207	687	416	0.605531	595	386	0.648739	585	386	0.659829	68	22	0.323529	404	262	0.648515	649	416	0.640986	658	429	0.651976	784	527	0.672194	201	117	0.58209	359	268	0.746518	90	39	0.433333
XM_00654 75099	Lysmd4	chr7	67223946	67228463	1444	2	0.001385	1238	4	0.003231	1364	4	0.002933	275	1	0.003636	575	7	0.012174	1545	26	0.016828	1432	20	0.013966	1431	15	0.010482	413	1	0.002421	587	7	0.011925	208	1	0.004808
XM_00654 75510	Izumo2	chr7	44708698	44719832	161	133	0.826087	173	147	0.849711	60	50	0.833333	11	10	0.909091	35	31	0.885714	110	73	0.663636	177	126	0.711864	64	34	0.53125	10	7	0.7	17	6	0.352941	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75510	Izumo2	chr7	44708698	44719832	161	133	0.826087	173	147	0.849711	60	50	0.833333	11	10	0.909091	35	31	0.885714	110	73	0.663636	177	126	0.711864	64	34	0.53125	10	7	0.7	17	6	0.352941	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75510	Izumo2	chr7	44708700	44719832	161	133	0.826087	173	147	0.849711	60	50	0.833333	11	10	0.909091	35	31	0.885714	110	73	0.663636	177	126	0.711864	64	34	0.53125	10	7	0.7	17	6	0.352941	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75538	Fam71e1	chr7	44496520	44501134	2402	127	0.052873	2076	34	0.016378	2121	86	0.040547	126	7	0.055556	468	17	0.036325	2052	163	0.079435	1926	76	0.03946	2170	81	0.037327	497	6	0.012072	612	23	0.037582	65	2	0.030769
XM_00654 75538	Fam71e1	chr7	44496524	44501134	2445	144	0.058896	2114	41	0.019395	2156	95	0.044063	137	11	0.080292	485	27	0.05567	2097	183	0.087268	1964	91	0.046334	2202	93	0.042234	514	10	0.019455	627	31	0.049442	80	5	0.0625
XM_00654 75538	Fam71e1	chr7	44496523	44504266	2402	127	0.052873	2076	34	0.016378	2121	86	0.040547	126	7	0.055556	468	17	0.036325	2052	163	0.079435	1926	76	0.03946	2170	81	0.037327	497	6	0.012072	612	23	0.037582	65	2	0.030769
XM_00654 75538	Fam71e1	chr7	44496529	44504266	2445	144	0.058896	2114	41	0.019395	2156	95	0.044063	137	11	0.080292	485	27	0.05567	2097	183	0.087268	1964	91	0.046334	2202	93	0.042234	514	10	0.019455	627	31	0.049442	80	5	0.0625
XM_00654 75538	Fam71e1	chr7	44496517	44501134	2402	127	0.052873	2076	34	0.016378	2121	86	0.040547	126	7	0.055556	468	17	0.036325	2052	163	0.079435	1926	76	0.03946	2170	81	0.037327	497	6	0.012072	612	23	0.037582	65	2	0.030769
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455529	75754496	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455529	75754411	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455529	75754496	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455529	75754496	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455529	75754496	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455529	75754496	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75455526	75754496	2197	56	0.025489	1926	70	0.036345	2253	54	0.023968	313	0	0	788	39	0.049492	2261	34	0.015038	2340	22	0.009402	1955	28	0.014322	559	3	0.005367	784	2	0.002551	197	1	0.005076
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75596310	75754496	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75611610	75754496	288	88	0.305556	252	25	0.099206	235	28	0.119149	83	12	0.144578	180	43	0.238889	382	80	0.209424	251	30	0.119522	326	51	0.156442	154	29	0.188312	172	12	0.069767	38	0	0
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75634493	75754496	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75547	Akap13	chr7	75634493	75754496	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75613	Med25	chr7	44879384	44892705	2630	21	0.007985	2687	9	0.003349	2836	15	0.005289	541	0	0	743	2	0.002692	2437	15	0.006155	2366	10	0.004227	2634	19	0.007213	764	3	0.003927	906	1	0.001104	416	6	0.014423
XM_00654 75613	Med25	chr7	44876767	44892705	2630	21	0.007985	2687	9	0.003349	2836	15	0.005289	541	0	0	743	2	0.002692	2437	15	0.006155	2366	10	0.004227	2634	19	0.007213	764	3	0.003927	906	1	0.001104	416	6	0.014423
XM_00654 75613	Med25	chr7	44876765	44892424	2630	21	0.007985	2687	9	0.003349	2836	15	0.005289	541	0	0	743	2	0.002692	2437	15	0.006155	2366	10	0.004227	2634	19	0.007213	764	3	0.003927	906	1	0.001104	416	6	0.014423
XM_00654 75736	Bcl2l12	chr7	44992779	44997638	173	1	0.00578	33	0	0	367	5	0.013624	#N/A	#N/A	#N/A	152	0	0	360	7	0.019444	425	2	0.004706	215	0	0	88	0	0	205	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 76375	Det1	chr7	78827471	78847524	807	9	0.011152	1132	6	0.0053	641	2	0.00312	#N/A	#N/A	#N/A	443	5	0.011287	457	3	0.006565	718	7	0.009749	788	6	0.007614	78	6	0.076923	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 76375	Det1	chr7	78827471	78847524	807	9	0.011152	1132	6	0.0053	641	2	0.00312	#N/A	#N/A	#N/A	443	5	0.011287	457	3	0.006565	718	7	0.009749	788	6	0.007614	78	6	0.076923	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 76713	Slc6a21	chr7	45277331	45288996	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 76787	Ppfia3	chr7	45339273	45367019	3582	73	0.02038	3504	26	0.00742	3753	50	0.013323	218	0	0	796	13	0.016332	3285	68	0.0207	2618	46	0.017571	3400	43	0.012647	831	4	0.004813	1006	8	0.007952	114	0	0
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206469	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49607154	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49607154	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	48959063	49610090	1351	82	0.060696	1313	49	0.037319	1609	60	0.03729	257	22	0.085603	384	21	0.054688	1287	89	0.069153	1201	100	0.083264	1347	67	0.04974	371	13	0.03504	476	43	0.090336	20	0	0
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49342280	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	4	0.083333	44	4	0.090909	47	3	0.06383	48	13	0.270833	#N/A	#N/A	#N/A	64	7	0.109375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49294476	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	48959063	49610090	1351	82	0.060696	1313	49	0.037319	1609	60	0.03729	257	22	0.085603	384	21	0.054688	1287	89	0.069153	1201	100	0.083264	1347	67	0.04974	371	13	0.03504	476	43	0.090336	20	0	0
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49364726	49610090	106	98	0.924528	136	129	0.948529	114	109	0.95614	24	21	0.875	80	72	0.9	131	112	0.854962	56	54	0.964286	130	119	0.915385	30	26	0.866667	93	88	0.946237	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49364726	49610090	106	98	0.924528	136	129	0.948529	114	109	0.95614	24	21	0.875	80	72	0.9	131	112	0.854962	56	54	0.964286	130	119	0.915385	30	26	0.866667	93	88	0.946237	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206470	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49451017	49610090	107	77	0.719626	#N/A	#N/A	#N/A	95	73	0.768421	36	28	0.777778	20	18	0.9	194	84	0.43299	118	95	0.805085	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	50	35	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49450622	49610090	107	77	0.719626	#N/A	#N/A	#N/A	95	73	0.768421	36	28	0.777778	20	18	0.9	194	84	0.43299	118	95	0.805085	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	50	35	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49484761	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49516915	49610090	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49521872	49610090	296	79	0.266892	212	50	0.235849	166	33	0.198795	20	0	0	125	23	0.184	193	26	0.134715	177	37	0.20904	166	56	0.337349	42	7	0.166667	98	33	0.336735	22	8	0.363636
XM_00654 78286	Nav2	chr7	49206468	49610090	#N/A	#N/A	#N/A	26	13	0.5	26	15	0.576923	21	21	1	10	10	1	16	15	0.9375	13	12	0.923077	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_00654 78405	Ntf5	chr7	45413863	45417179	2113	57	0.026976	2127	62	0.029149	2303	38	0.0165	149	12	0.080537	243	3	0.012346	1999	48	0.024012	1905	58	0.030446	2304	44	0.019097	467	14	0.029979	606	12	0.019802	140	0	0
XM_00654 78405	Ntf5	chr7	45414326	45417179	2652	292	0.110106	2647	288	0.108802	2838	277	0.097604	291	77	0.264605	397	72	0.18136	2409	186	0.07721	2287	227	0.099257	2738	231	0.084368	607	34	0.056013	800	74	0.0925	180	16	0.088889
XM_00654 78444	Pgpep1l	chr7	68235521	68264484	609	89	0.146141	670	87	0.129851	629	93	0.147854	#N/A	#N/A	#N/A	355	96	0.270423	459	103	0.224401	565	93	0.164602	631	102	0.161648	161	28	0.173913	268	25	0.093284	110	19	0.172727
XM_00654 78935	Saal1	chr7	46688765	46710661	536	40	0.074627	502	51	0.101594	510	46	0.090196	179	0	0	385	48	0.124675	648	26	0.040123	433	29	0.066975	450	27	0.06	207	21	0.101449	227	1	0.004405	77	0	0
XM_00654 83382	Siglece	chr7	43648882	43660174	93	77	0.827957	88	76	0.863636	89	77	0.865169	23	22	0.956522	40	34	0.85	102	81	0.794118	55	39	0.709091	83	53	0.638554	22	19	0.863636	29	23	0.793103	11	9	0.818182
XM_00654 83382	Siglece	chr7	43651098	43660174	93	77	0.827957	88	76	0.863636	89	77	0.865169	23	22	0.956522	40	34	0.85	102	81	0.794118	55	39	0.709091	83	53	0.638554	22	19	0.863636	29	23	0.793103	11	9	0.818182
XM_00654 83382	Siglece	chr7	43648882	43660168	93	77	0.827957	88	76	0.863636	89	77	0.865169	23	22	0.956522	40	34	0.85	102	81	0.794118	55	39	0.709091	83	53	0.638554	22	19	0.863636	29	23	0.793103	11	9	0.818182
XM_00654 83382	Siglece	chr7	43648882	43660174	93	77	0.827957	88	76	0.863636	89	77	0.865169	23	22	0.956522	40	34	0.85	102	81	0.794118	55	39	0.709091	83	53	0.638554	22	19	0.863636	29	23	0.793103	11	9	0.818182
XM_00654 83962	Btbd1	chr7	81798431	81829498	3524	42	0.011918	3510	28	0.007977	3817	42	0.011003	311	10	0.032154	1069	6	0.005613	3635	50	0.013755	3783	42	0.011102	3667	35	0.009545	1126	4	0.003552	1176	13	0.011054	361	4	0.01108
XM_00654 84113	Ptov1	chr7	44863067	44870519	687	101	0.147016	423	90	0.212766	472	54	0.114407	65	63	0.969231	268	56	0.208955	912	53	0.058114	472	5	0.010593	494	8	0.016194	179	0	0	306	84	0.27451	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 93790	Nipa2	chr7	55931285	55962445	2811	8	0.002846	2602	9	0.003459	2862	23	0.008036	339	0	0	1274	8	0.006279	3033	12	0.003956	2840	14	0.00493	2302	17	0.007385	938	3	0.003198	1027	4	0.003895	210	0	0
XM_00654 100038967	Gm1988	chr7	39170557	39179797	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102636497	Gm29258	chr7	39307434	39317730	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 10003994	Gm2511	chr7	43511165	43518456	792	662	0.835859	764	623	0.815445	877	711	0.810718	98	82	0.836735	285	239	0.838596	778	649	0.83419	684	497	0.726608	762	604	0.792651	242	159	0.657025	259	184	0.710425	145	105	0.724138
XM_00654 10003994	Gm2511	chr7	43511165	43519079	717	612	0.853556	698	583	0.835244	764	631	0.825916	98	82	0.836735	206	174	0.84466	681	577	0.847283	592	433	0.731419	678	559	0.824484	169	118	0.698225	193	141	0.73057	119	88	0.739496
XM_00654 10003994	Gm2511	chr7	43511172	43518576	792	662	0.835859	764	623	0.815445	877	711	0.810718	98	82	0.836735	285	239	0.838596	778	649	0.83419	684	497	0.726608	762	604	0.792651	242	159	0.657025	259	184	0.710425	145	105	0.724138
XM_00654 10003994	Gm2511	chr7	43511165	43518576	792	662	0.835859	764	623	0.815445	877	711	0.810718	98	82	0.836735	285	239	0.838596	778	649	0.83419	684	497	0.726608	762	604	0.792651	242	159	0.657025	259	184	0.710425	145	105	0.724138
XM_00654 10003994	Gm2511	chr7	43511267	43518576	792	662	0.835859	764	623	0.815445	877	711	0.810718	98	82	0.836735	285	239	0.838596	778	649	0.83419	684	497	0.726608	762	604	0.792651	242	159	0.657025	259	184	0.710425	145	105	0.724138
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236232	44239246	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236232	44239246	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236232	44243180	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236232	44243176	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236232	44243176	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236232	44241281	112	105	0.9375	100	82	0.82	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	83	72	0.86747	108	91	0.842593	76	62	0.815789	183	140	0.765027	67	43	0.641791	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102640913	Gm36864	chr7	44236456	44239246	112	105	0.9375	100	82	0.82	89	81	0.910112	#N/A	#N/A	#N/A	72	67	0.930556	108	91	0.842593	76	62	0.815789	173	139	0.803468	57	42	0.736842	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 102632142	Gm18905	chr7	44267617	44272449	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 16866	Lhb	chr7	45417982	45420491	88	27	0.306818	73	16	0.219178	87	27	0.310345	#N/A	#N/A	#N/A	38	16	0.421053	68	7	0.102941	76	18	0.236842	71	6	0.084507	38	19	0.5	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 194744	Slc25a43	chrX	36743570	36759839	760	54	0.071053	757	30	0.03963	864	26	0.030093	60	2	0.033333	57	1	0.017544	666	46	0.069069	545	7	0.012844	556	12	0.021583	90	0	0	116	3	0.025862	22	0	0
XM_00654 194744	Slc25a43	chrX	36743571	36759839	760	54	0.071053	757	30	0.03963	864	26	0.030093	60	2	0.033333	57	1	0.017544	666	46	0.069069	545	7	0.012844	556	12	0.021583	90	0	0	116	3	0.025862	22	0	0
XM_00654 194744	Slc25a43	chrX	36743571	36759311	760	54	0.071053	757	30	0.03963	864	26	0.030093	60	2	0.033333	57	1	0.017544	666	46	0.069069	545	7	0.012844	556	12	0.021583	90	0	0	116	3	0.025862	22	0	0
XM_00654 194744	Slc25a43	chrX	36743571	36759311	760	54	0.071053	757	30	0.03963	864	26	0.030093	60	2	0.033333	57	1	0.017544	666	46	0.069069	545	7	0.012844	556	12	0.021583	90	0	0	116	3	0.025862	22	0	0
XM_00654 338351	Akap17b	chrX	36608173	36645465	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 338351	Akap17b	chrX	36608173	36645465	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 338351	Akap17b	chrX	36608173	36645462	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 385343	Rhox1	chrX	37213804	37218347	337	315	0.934718	329	298	0.905775	419	362	0.863962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	381	345	0.905512	263	235	0.893536	348	325	0.933908	27	21	0.777778	83	75	0.903614	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 56526	Septin6	chrX	36913443	36990021	348	2	0.005747	258	4	0.015504	303	8	0.026403	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	296	1	0.003378	338	2	0.005917	254	4	0.015748	#N/A	#N/A	#N/A	110	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 56526	Septin6	chrX	36913443	36990019	348	2	0.005747	258	4	0.015504	303	8	0.026403	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	296	1	0.003378	338	2	0.005917	254	4	0.015748	#N/A	#N/A	#N/A	110	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 56526	Septin6	chrX	36913443	36990036	256	1	0.003906	190	3	0.015789	214	4	0.018692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	210	0	0	234	2	0.008547	188	3	0.015957	#N/A	#N/A	#N/A	78	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 664609	Rhox4a	chrX	37265067	37270136	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 664609	Rhox4a	chrX	37265346	37269961	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 68134	Upf3b	chrX	37091678	37110471	105	0	0	107	2	0.018692	114	2	0.017544	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	123	0	0	93	1	0.010753	78	1	0.012821	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 72693	Zcchc12	chrX	36195922	36199158	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 74365	Lonrf3	chrX	36328358	36366857	1239	3	0.002421	1171	6	0.005124	1213	7	0.005771	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	1201	10	0.008326	1253	5	0.00399	915	4	0.004372	#N/A	#N/A	#N/A	151	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75974	Dock11	chrX	35887271	36076570	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75974	Dock11	chrX	35887271	36076570	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 75974	Dock11	chrX	35887271	36076570	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 77644	C330007P	chrX	36827161	36864303	468	1	0.002137	304	10	0.032895	428	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	156	1	0.00641	395	11	0.027848	303	1	0.0033	363	2	0.00551	#N/A	#N/A	#N/A	56	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 101055983	Gm14569	chrX	36422381	36513829	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 100039913	Rhox2b	chrX	37411736	37416802	51	46	0.901961	93	88	0.946237	120	111	0.925	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	81	77	0.950617	96	90	0.9375	51	48	0.941176	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 100039948	Rhox2c	chrX	37453480	37458396	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 100040016	Rhox2e	chrX	37530322	37541809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 11798	Xiap	chrX	42067847	42109664	353	1	0.002833	229	2	0.008734	219	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	251	0	0	207	1	0.004831	250	2	0.008	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 11798	Xiap	chrX	42067847	42109664	353	1	0.002833	229	2	0.008734	219	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	251	0	0	207	1	0.004831	250	2	0.008	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 170745	Xpnpep2	chrX	48106913	48136982	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51205851	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	140	1	0.007143	416	5	0.012019	1762	19	0.010783	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	438	0	0	42	1	0.02381
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51204801	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51205584	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51146495	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51120441	51146494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51204798	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51143334	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 171170	Mbnl3	chrX	51113497	51205605	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_00654 194856	Rhox4e	chrX	37557455	37562131	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 20523	Slc25a14	chrX	48623418	48662292	245	0	0	60	0	0	288	2	0.006944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	219	1	0.004566	262	1	0.003817	172	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 208884	Zdhhc9	chrX	48171967	48208456	350	0	0	366	0	0	458	1	0.002183	10	0	0	20	0	0	394	2	0.005076	468	4	0.008547	530	3	0.00566	#N/A	#N/A	#N/A	70	1	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 208968	Zfp280c	chrX	48541626	48594647	700	55	0.078571	592	51	0.086149	804	41	0.050995	22	0	0	144	21	0.145833	729	57	0.078189	537	40	0.074488	592	52	0.087838	22	0	0	134	12	0.089552	24	0	0
XM_00654 208968	Zfp280c	chrX	48541626	48594647	700	55	0.078571	592	51	0.086149	804	41	0.050995	22	0	0	144	21	0.145833	729	57	0.078189	537	40	0.074488	592	52	0.087838	22	0	0	134	12	0.089552	24	0	0
XM_00654 208968	Zfp280c	chrX	48541626	48592600	518	7	0.013514	412	5	0.012136	698	3	0.004298	22	0	0	88	0	0	555	1	0.001802	403	3	0.007444	460	4	0.008696	22	0	0	91	0	0	24	0	0
XM_00654 208968	Zfp280c	chrX	48541671	48594647	700	55	0.078571	592	51	0.086149	804	41	0.050995	22	0	0	144	21	0.145833	729	57	0.078189	537	40	0.074488	592	52	0.087838	22	0	0	134	12	0.089552	24	0	0
XM_00654 208968	Zfp280c	chrX	48541626	48594648	700	55	0.078571	592	51	0.086149	804	41	0.050995	22	0	0	144	21	0.145833	729	57	0.078189	537	40	0.074488	592	52	0.087838	22	0	0	134	12	0.089552	24	0	0
XM_00654 209005	Fsip2l	chrX	48841458	48877815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49273863	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49010918	49273863	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49274162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49288243	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49288243	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49288243	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49288243	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49288243	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209224	Enox2	chrX	49012258	49288212	386	3	0.007772	492	3	0.006098	592	2	0.003378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	528	4	0.007576	635	9	0.014173	569	4	0.00703	139	2	0.014388	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209268	Igsf1	chrX	49782536	49797761	95	2	0.021053	114	1	0.008772	105	4	0.038095	#N/A	#N/A	#N/A	55	0	0	182	6	0.032967	142	3	0.021127	100	2	0.02	40	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209268	Igsf1	chrX	49782536	49797761	95	2	0.021053	114	1	0.008772	105	4	0.038095	#N/A	#N/A	#N/A	55	0	0	182	6	0.032967	142	3	0.021127	100	2	0.02	40	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 209268	Igsf1	chrX	49786339	49797764	95	2	0.021053	114	1	0.008772	105	4	0.038095	#N/A	#N/A	#N/A	55	0	0	182	6	0.032967	142	3	0.021127	100	2	0.02	40	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 23963	Tenm1	chrX	42527866	43429168	296	7	0.023649	251	3	0.011952	193	5	0.025907	22	1	0.045455	62	2	0.032258	266	13	0.048872	151	20	0.13245	130	2	0.015385	40	1	0.025	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 23963	Tenm1	chrX	42527866	43429168	296	7	0.023649	251	3	0.011952	193	5	0.025907	22	1	0.045455	62	2	0.032258	266	13	0.048872	151	20	0.13245	130	2	0.015385	40	1	0.025	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 245386	Tmem255a	chrX	38197302	38252496	328	231	0.704268	331	235	0.70997	424	214	0.504717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	323	288	0.891641	233	202	0.866953	286	114	0.398601	80	65	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 245386	Tmem255a	chrX	38197302	38252496	328	231	0.704268	331	235	0.70997	424	214	0.504717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	323	288	0.891641	233	202	0.866953	286	114	0.398601	80	65	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320376	Bcorl1	chrX	48342005	48408068	1865	9	0.004826	1540	9	0.005844	1762	10	0.005675	52	0	0	66	1	0.015152	2020	11	0.005446	1933	11	0.005691	1650	26	0.015758	211	3	0.014218	108	1	0.009259	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320376	Bcorl1	chrX	48343067	48408068	1602	8	0.004994	1249	8	0.006405	1513	9	0.005948	52	0	0	66	1	0.015152	1787	10	0.005596	1810	10	0.005525	1530	17	0.011111	74	0	0	148	1	0.006757	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320376	Bcorl1	chrX	48343067	48408068	1602	8	0.004994	1249	8	0.006405	1513	9	0.005948	52	0	0	66	1	0.015152	1787	10	0.005596	1810	10	0.005525	1530	17	0.011111	74	0	0	148	1	0.006757	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 320376	Bcorl1	chrX	48345337	48408068	1535	16	0.010423	1147	22	0.01918	1591	13	0.008171	#N/A	#N/A	#N/A	227	0	0	2031	23	0.011324	1519	30	0.01975	1587	17	0.010712	241	1	0.004149	155	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 331401	Thoc2	chrX	41794992	41911937	1452	34	0.023416	1210	17	0.01405	1709	27	0.015799	164	1	0.006098	176	0	0	1504	7	0.004654	976	14	0.014344	1310	8	0.006107	270	0	0	381	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 385354	Frmd7	chrX	50893489	50943610	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	24	2	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	44	10	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 385354	Frmd7	chrX	50893489	50943598	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	24	2	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	44	10	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 385354	Frmd7	chrX	50894399	50943610	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	24	2	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	44	10	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_00654 385354	Frmd7	chrX	50894399	50911762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



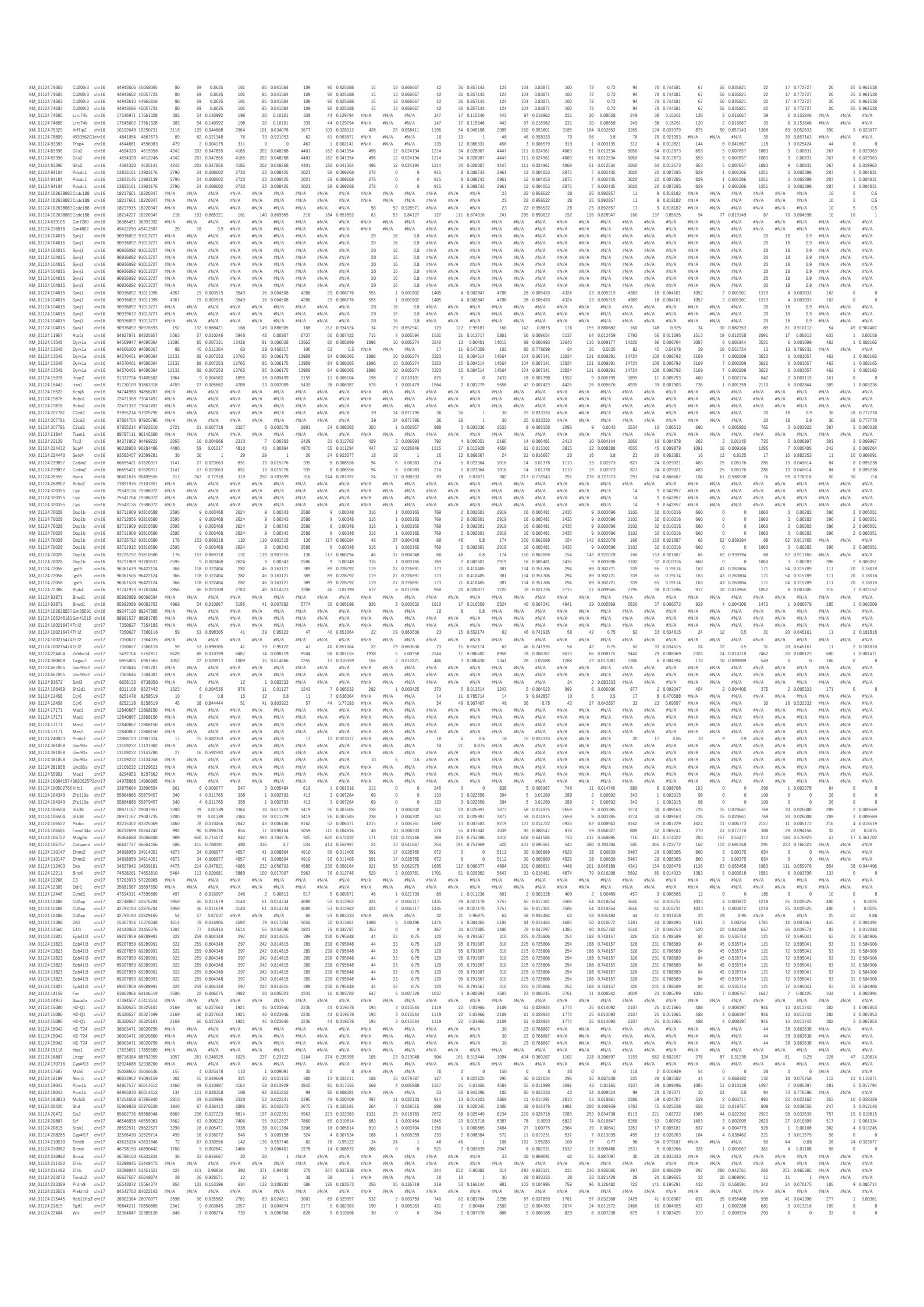


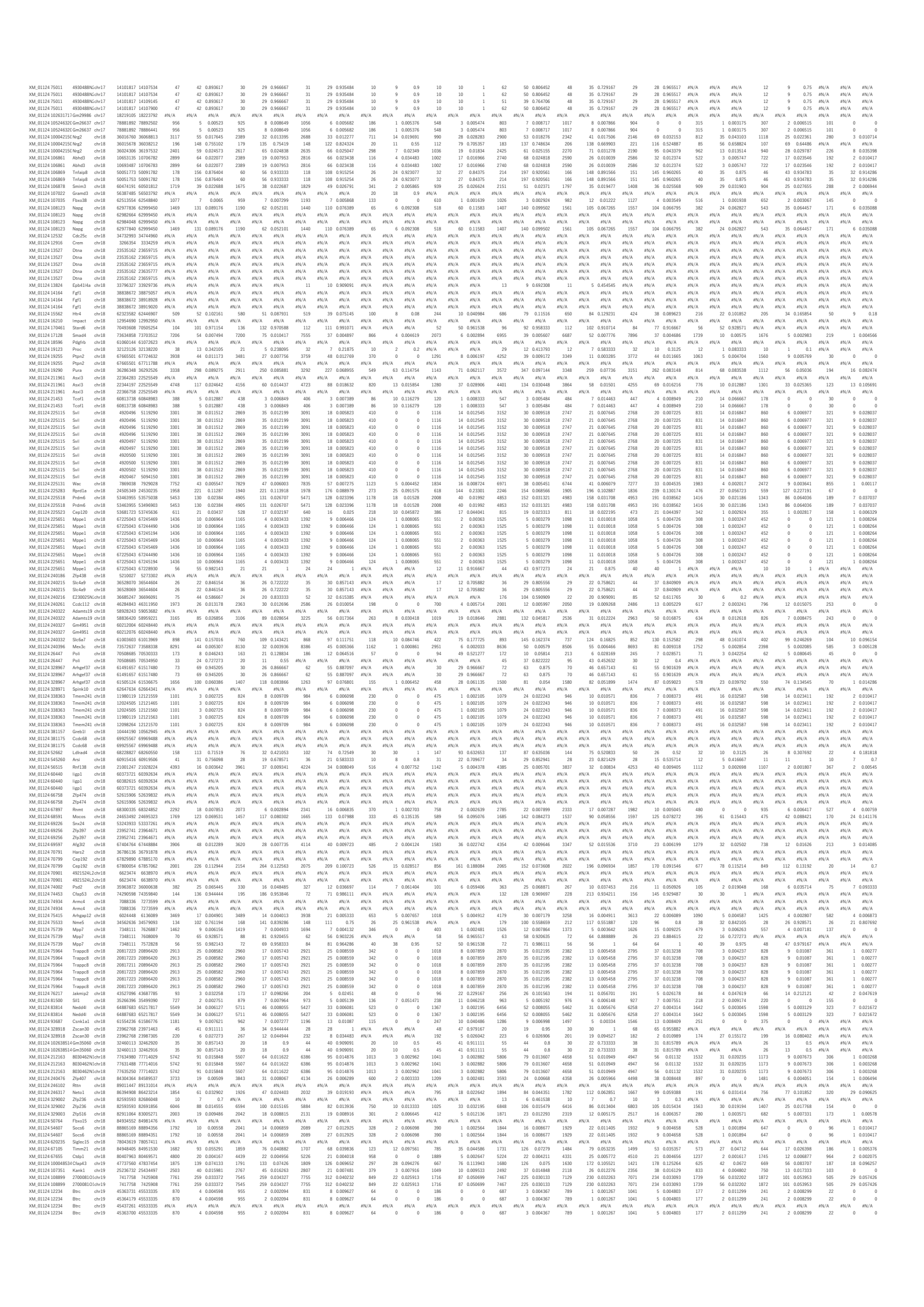
XM_01124 72789	Veph1	chr3	66205546	66296974	200	50	0.25	200	29	0.145	184	44	0.23913	20	2	0.1	106	22	0.207547	138	27	0.195652	172	24	0.139535	152	42	0.276316	110	24	0.218182	33	3	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74383	Ubap2l	chr3	90006354	90052560	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_01124 74442	Sgms2	chr3	1.31E+08	1.31E+08	46	33	0.717391	10	9	0.9	23	15	0.652174	82	77	0.939024	53	46	0.867925	46	31	0.673913	35	28	0.8	43	34	0.790698	#N/A	#N/A	#N/A	25	21	0.84	55	53	0.963636
XM_01124 74446	Slc9b1	chr3	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74446	Slc9b1	chr3	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74446	Slc9b1	chr3	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74485	Lrrc71	chr3	87738971	87743054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 75007	Mindy1	chr3	95283535	95296166	2420	8	0.003306	1952	10	0.005123	2279	8	0.00351	189	0	0	822	3	0.00365	2519	13	0.005161	2012	14	0.006958	2012	11	0.005467	660	0	0	670	7	0.010448	139	0	0
XM_01124 75015	4930503B	chr3	1.47E+08	1.47E+08	666	19	0.028529	783	24	0.030651	806	21	0.026055	44	0	0	193	10	0.051813	737	29	0.039349	822	38	0.046229	835	32	0.038323	336	9	0.026786	319	25	0.07837	176	20	0.113636
XM_01124 75015	4930503B	chr3	1.47E+08	1.47E+08	666	19	0.028529	783	24	0.030651	806	21	0.026055	44	0	0	193	10	0.051813	737	29	0.039349	822	38	0.046229	835	32	0.038323	336	9	0.026786	319	25	0.07837	176	20	0.113636
XM_01124 75137	Rprd2	chr3	95765010	95819744	824	6	0.007282	359	1	0.002786	522	5	0.009579	42	1	0.02381	279	0	0	600	4	0.006667	681	2	0.002937	375	1	0.002667	311	0	0	247	0	0	95	1	0.010526
XM_01124 75540	Fpgt	chr3	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 76089	Rapgef2	chr3	79062511	79286545	6311	60	0.009507	6027	23	0.003816	5484	21	0.003829	1043	1	0.000959	1902	10	0.005258	6495	33	0.005081	6607	47	0.007114	7143	52	0.00728	1730	6	0.003468	1496	7	0.004679	520	2	0.003846
XM_01124 76089	Rapgef2	chr3	79062511	79286545	6311	60	0.009507	6027	23	0.003816	5484	21	0.003829	1043	1	0.000959	1902	10	0.005258	6495	33	0.005081	6607	47	0.007114	7143	52	0.00728	1730	6	0.003468	1496	7	0.004679	520	2	0.003846
XM_01124 77559	Agl	chr3	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 77595	Nup210l	chr3	90144626	90212151	16	16	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	16	1	18	14	0.777778	16	11	0.6875	11	8	0.727273	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 77595	Nup210l	chr3	90101007	90183859	326	300	0.920245	312	294	0.942308	281	268	0.953737	39	38	0.974359	105	96	0.914286	280	258	0.921429	202	175	0.866337	314	291	0.926752	71	61	0.859155	69	66	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 78784	Celf3	chr3	94478306	94492191	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_01124 78908	Igsf3	chr3	1.01E+08	1.01E+08	4009	59	0.014717	3848	39	0.010135	4207	44	0.010459	550	1	0.001818	1050	7	0.006667	3804	36	0.009464	4016	39	0.009711	3816	55	0.014413	871	6	0.006889	1410	10	0.007092	337	3	0.008902
XM_01124 80281	Cttnbp2nl	chr3	1.05E+08	1.05E+08	2735	89	0.032541	2405	74	0.030769	2613	87	0.033295	343	10	0.029155	851	49	0.057579	3006	91	0.030273	2760	58	0.021014	2740	84	0.030657	930	26	0.027957	1088	30	0.027574	270	2	0.007407
XM_01124 80883	Ntng1	chr3	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80883	Ntng1	chr3	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80883	Ntng1	chr3	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80883	Ntng1	chr3	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80883	Ntng1	chr3	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84271186	541	277	0.512015	638	301	0.471787	509	276	0.54224	71	38	0.535211	178	115	0.646067	599	324	0.540902	511	327	0.639922	397	226	0.56927	280	161	0.575	229	149	0.650655	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84304751	94	34	0.361702	82	24	0.292683	104	24	0.230769	20	1	0.05	96	3	0.03125	248	53	0.21371	142	10	0.070423	104	19	0.182692	#N/A	#N/A	#N/A	64	13	0.203125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84308352	442	388	0.877828	389	330	0.848329	427	364	0.852459	77	67	0.87013	173	149	0.861272	440	383	0.870455	367	279	0.760218	374	303	0.81016	147	119	0.809524	214	184	0.859813	103	92	0.893204
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84222052	11	8	0.727273	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84259932	2214	13	0.005872	1831	10	0.005461	2466	15	0.006083	304	1	0.003289	974	3	0.00308	2561	16	0.006248	2016	9	0.004464	1811	6	0.003313	1022	5	0.004892	971	2	0.00206	285	1	0.003509
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84308352	442	388	0.877828	389	330	0.848329	427	364	0.852459	77	67	0.87013	173	149	0.861272	440	383	0.870455	367	279	0.760218	374	303	0.81016	147	119	0.809524	214	184	0.859813	103	92	0.893204
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84308352	442	388	0.877828	389	330	0.848329	427	364	0.852459	77	67	0.87013	173	149	0.861272	440	383	0.870455	367	279	0.760218	374	303	0.81016	147	119	0.809524	214	184	0.859813	103	92	0.893204
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84215347	264	54	0.204545	388	75	0.193299	216	34	0.157407	36	1	0.027778	92	31	0.336957	260	131	0.503846	260	64	0.246154	328	75	0.228659	64	4	0.0625	22	7	0.318182	28	12	0.428571
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84160439	84222051	11	8	0.727273	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 80890	Trim2	chr3	84191243	84210354	177	165	0.932203	152	138	0.907895	179	163	0.910615	41	33	0.804878	97	88	0.907216	160	141	0.88125	175	159	0.908571	163	145	0.889571	94	85	0.904255	67	54	0.80597	33	28	0.848485
XM_01124 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_01124 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_01124 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_01124 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_01124 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3667	36	0.009817	3193	58	0.018165	3314	45	0.013579	422	3	0.007109	1382	30	0.021708	3826	52	0.013591	4064	50	0.012303	3662	50	0.013654	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	377	1	0.002653
XM_01124 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_01124 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_01124 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_01124 99586	Dpyd	chr3	1.19E+08	1.19E+08	472	7	0.014831	546	5	0.009158	478	5	0.01046	10	0	0	184	5	0.027174	354	11	0.031073	558	18	0.032258	617	6	0.009724	156	3	0.019231	153	0	0	11	0	0
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_01124 99712	Cept1	chr3	1.07E+08	1.07E+08	2458	16	0.006509	1970	11	0.005584	2610	11	0.004215	517	1	0.001934	833	2	0.002401	2800	17	0.006071	2582	13	0.005035	2176	24	0.011029	658	1	0.00152	865	2	0.002312	472	1	0.002119
XM_01124 99887	Tlcd4	chr3	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 99887	Tlcd4	chr3	1.21E+08	1.21E+08	5084	69	0.013572	5015	63	0.012562	6124	58	0.009471	876	10	0.011416	1844	27	0.014642	5365	78	0.014539	4925	51	0.010355	5384	51	0.009473	1598	15	0.009387	1673	17	0.010161	351	3	0.008547
XM_01124 99887	Tlcd4	chr3	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 329702	Dcst2	chr3	89365282	89377643	437	389	0.89016	357	313	0.876751	378	344	0.910053	45	41	0.911111	113	110	0.973451	403	338	0.83871	368	311	0.845109	401	347	0.865337	81	74	0.91358	141	129	0.914894	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100043461	Gm4450	chr3	98445675	98456967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100043207	Amy2a1	chr3	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100066	Cyp2j11	chr4	96336817	96348693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100066	Cyp2j11	chr4	96338291	96348693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100273	Osbpl9	chr4	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100465	Mob3c	chr4	1.16E+08	1.16E+08	1370	7	0.005109	1321	2	0.001514	1391	22	0.015816	187	1	0.005348	666	5	0.007508	1607	9	0.0056	1147	6	0.005231	1430	6	0.004196	552	1	0.001812	432	1	0.002315	108	0	0
XM_01124 100465	Mob3c	chr4	1.16E+08	1.16E+08	1370	7	0.005109	1321	2	0.001514	1391	22	0.015816	187	1	0.005348	666	5	0.007508	1607	9	0.0056	1147	6	0.005231	1430	6	0.004196	552	1	0.001812	432	1	0.002315	108	0	0
XM_01124 100465	Mob3c	chr4	1.16E+08	1.16E+08	1370	7	0.005109	1321	2	0.001514	1391	22	0.015816	187	1	0.005348	666	5	0.007508	1607	9	0.0056	1147	6	0.005231	1430	6	0.004196	552	1	0.001812	432	1	0.002315	108	0	0
XM_01124 106564	Ppcs	chr4	1.19E+08	1.19E+08	3367	39	0.011583	2595	14	0.005395	3026	22	0.00727	626	7	0.011182	1038	18	0.017341	3320	48	0.014458	2771	50	0.018044	2814	39	0.013859	778	5	0.006427	779	1	0.001284	308	5	0.016234
XM_01124 107581	Col16a1	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1509	200	0.132538	1376	156	0.113372	1445	178	0.123183	212	38	0.179245	545	45	0.082569	1731	204	0.117851	1286	132	0.102644	1004	99	0.098606	568	72	0.126761	422	35	0.082938	256	30	0.117188
XM_01124 11426	Macf1	chr4	1.23E+08	1.24E+08	4866	109	0.0224	4905	84	0.017125	5188	103	0.019854	549	18	0.032787	1138	34	0.029877	4687	155	0.03307	3587	80	0.022303	4054	70	0.017267	1278	23	0.017997	1243	32	0.025744	116	12	0.103448
XM_01124 11426	Macf1	chr4	1.23E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11426	Macf1	chr4	1.23E+08	1.24E+08	4866	109	0.0224	4905	84	0.017125	5188	103	0.019854	549	18	0.032787	1138	34	0.029877	4687	155	0.03307	3587	80	0.022303	4054	70	0.017267	1278	23	0.017997	1243	32	0.025744	116	12	0.103448
XM_01124 11426	Macf1	chr4	1.23E+08	1.24E+08	4866	109	0.0224	4905	84	0.017125	5188	103	0.019854	549	18	0.032787	1138	34	0.029877	4687	155	0.03307	3587	80	0.022303	4054	70	0.017267	1278	23	0.017997	1243	32	0.025744	116	12	0.103448
XM_01124 11426	Macf1	chr4	1.23E+08	1.24E+08	4866	109	0.0224	4905	84	0.017125	5188	103	0.019854	549	18	0.032787	1138	34	0.029877	4687	155	0.03307	3587	80	0.022303	4054	70	0.017267	1278	23	0.017997	1243	32	0.025744	116	12	0.103448
XM_01124 11426	Macf1	chr4	1.23E+08	1.24E+08	4193	26	0.006201	4379	34	0.007764	5084	33	0.006491	390	2	0.005128	718	1	0.001393	3985	27	0.006775	3996	25	0.006256	4252	46	0.010818	721	6	0.008322	653	0	0	170	0	0
XM_01124 11876	Artn	chr4	1.18E+08	1.18E+08	72	72	1	60	60	1	101	54	0.534653	32	28	0.875	93	60	0.645161	95	57	0.6	56	53	0.946429	112	72	0.642857	54	19	0.351852	20	15	0.75	22	21	0.954545
XM_01124 12164	Bmp8b	chr4	1.23E+08	1.23E+08	1782	368	0.20651	1873	469	0.2504	1899	526	0.276988	246	104	0.422764	757	178	0.235139	1824	369	0.202303	1478	363	0.245602	1934	397	0.205274	707	65	0.091938	607	262	0.431631	353	65	0.184136
XM_01124 12986	Csf3r	chr4	1.26E+08	1.26E+08	127	53	0.417323	89	45	0.505618	111	61	0.54955	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	136	53	0.389706	99	26	0.262626	85	26	0.305882	82	19	0.231707	56	17	0.303571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 12986	Csf3r	chr4	1.26E+08	1.26E+08	127	53	0.417323	89	45	0.505618	111	61	0.54955	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	136	53	0.389706	99	26	0.262626	85	26	0.305882	82	19	0.231707	56	17	0.303571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 12986	Csf3r	chr4	1.26E+08	1.26E+08	127	53	0.417323	89	45	0.505618	111	61	0.54955	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	136	53	0.389706	99	26	0.262626	85	26	0.305882	82	19	0.231707	56	17	0.303571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13110	Cyp2j6	chr4	96516138	96564305	10	10	1	16	15	0.9375	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	17	16	0.941176	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13131	Dab1	chr4	1.04E+08	1.05E+08	1134	59	0.052028	1277	27	0.021143	1387	49	0.035328	284	6	0.021127	464	13	0.028017	1234	75	0.060778	1049	38	0.036225	1024	41	0.040039	451	10	0.022173	585	37	0.063248	260	7	0.026923
XM_01124 140477	Dmbx1	chr4	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 140546	Eri3	chr4	1.18E+08	1.18E+08	557	4	0.007181	632	5	0.007911	562	3	0.005338	75	1	0.013333	136	0	0	467	3	0.006424	665	2	0.003008	665	7	0.010526	125	1	0.008	124	1	0.008065	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 15569	Elavl2	chr4	91250693	91372782	2949	86	0.029162	2700	61	0.022593	3145	61	0.019396	488	8	0.016393	1003	40	0.03988	3210	174	0.054206	2980	532	0.178523	2490	300	0.120482	662	97	0.146526	1341	204	0.152125	241	31	0.128631
XM_01124 16656	Hivep3	chr4	1.2E+08	1.2E+08	1360	16	0.011765	1231	8	0.006499	1296	7	0.005401	80	1	0.0125	403	0	0	1744	16	0.009174	1343	6	0.004468	1221	9	0.007371	459	1	0.002179	456	4	0.008772	252	2	0.007937
XM_01124 16656	Hivep3	chr4	1.2E+08	1.2E+08	3659	61	0.016671	3954	62	0.01568	4059	68	0.016753	897	13	0.014493	910	15	0.016484	3719	51	0.013713	3380	32	0.009467	3699	47	0.012706	1019	7	0.006869	1015	14	0.013793	246	1	0.004065
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 16975	Lrp8	chr4	1.08E+08	1.08E+08	4803	49	0.010202	5849	75	0.012823	6027	56	0.009292	756	5	0.006614	1426	6	0.004208	5532	50	0.009038	5287	43	0.008133	5034	71	0.014104	1243	6	0.004827	1933	17	0.008795	483	3	0.006211
XM_01124 17480	Mpl	chr4	1.18E+08	1.18E+08	44	37	0.840909	28	25	0.892857	39	29	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	38	37	0.973684	23	17	0.73913	38	30	0.789474	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18392	Orc1	chr4	1.09E+08	1.09E+08	70	66	0.942857	94	88	0.93617	96	89	0.927083	#N/A	#N/A	#N/A	56	55	0.982143	76	69	0.907895	46	40	0.869565	62	58	0.935484	48	38	0.791667	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 20280	Scp2	chr4	1.08E+08	1.08E+08	13	13	1	27	23	0.851852	35	33	0.942857	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	17	15	0.882353	27	22	0.814815	18	13	0.722222	#N/A	#N/A	#N/A	21	15	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 214150	Ago3	chr4	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 215627	Zbtb8b	chr4	1.29E+08	1.29E+08	474	401	0.845992	485	433	0.892784	403	339	0.841191	33	33	1	119	91	0.764706	556	465	0.836331	396	342	0.863636	413	355	0.859564	149	115	0.771812	167	143	0.856287	20	8	0.4
XM_01124 230582	Cyb5rl	chr4	1.07E+08	1.07E+08	2203	10	0.004539	2425	13	0.005361	2606	7	0.002686	651	1	0.001536	737	2	0.002714	2662	20	0.007513	2237	15	0.006705	2130	12	0.005634	797	1	0.001255	858	1	0.001166	541	3	0.005545
XM_01124 230582	Cyb5rl	chr4	1.07E+08	1.07E+08	1951	18	0.009226	2205	12	0.005442	2331	5	0.002145	542	1	0.001845	701	2	0.002853	2228	49	0.021993	1994	43	0.021565	1962	55	0.028033	641	1	0.00156	754	1	0.001326	505	3	0.005941
XM_01124 230587	Glis1	chr4	1.07E+08	1.08E+08	69	65	0.942029	36	29	0.805556	73	64	0.876712	23	17	0.73913	32	23	0.71875	88	57	0.647727	70	54	0.771429	58	36	0.62069	20	13	0.65	22	13	0.590909	36	31	0.861111
XM_01124 230678	Tmem125	chr4	1.19E+08	1.19E+08	457	93	0.203501	356	140	0.393258	400	85	0.2125	#N/A	#N/A	#N/A	64	49	0.765625	327	71	0.217125	307	88	0.286645	360	110	0.305556	70	0	0	20	5	0.25	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 230737	Gnl2	chr4	1.25E+08	1.25E+08	2232	13	0.005824	1774	6	0.003382	2099	19	0.009052	324	2	0.006173	1076	8	0.007435	1893	7	0.003698	2039	12	0.005885	1827	9	0.004926	612	2	0.003268	647	1	0.001546	340	2	0.005882
XM_01124 230775	Adgrb2	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1109	887	0.79982	681	522	0.76652	883	712	0.806342	178	121	0.679775	311	251	0.807074	1258	1026	0.81558	861	656	0.761905	653	468	0.716692	308	210	0.681818	321	221	0.688474	102	52	0.509804
XM_01124 230775	Adgrb2	chr4	1.3E+08	1.3E+08	3603	94	0.026089	3590	103	0.028691	3731	112	0.030019	410	24	0.058537	878	39	0.044419	3541	135	0.038125	3080	83	0.026948	3393	92	0.027115	674	31	0.045994	745	22	0.02953	98	9	0.091837
XM_01124 230775	Adgrb2	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1109	887	0.79982	681	522	0.76652	883	712	0.806342	178	121	0.679775	311	251	0.807074	1258	1026	0.81558	861	656	0.761905	653	468	0.716692	308	210	0.681818	321	221	0.688474	102	52	0.509804
XM_01124 230775	Adgrb2	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1109	887	0.79982	681	522	0.76652	883	712	0.806342	178	121	0.679775	311	251	0.807074	1258	1026	0.81558	861	656	0.761905	653	468	0.716692	308	210	0.681818	321	221	0.688474	102	52	0.509804
XM_01124 236511	Ago1	chr4	1.26E+08	1.26E+08	833	7	0.008403	750	5	0.006667	822	5	0.006083	237	0	0	304	1	0.003289	933	4	0.004287	994	6	0.006036	860	2	0.002326	150	1	0.006667	244	0	0	62	0	0
XM_01124 242553	Kank4	chr4	98754893	98818058	3255	79	0.02427	3557	41	0.011527	3691	45	0.012192	651	3	0.004608	1050	31	0.029524	3250	57	0.017538	2850	47	0.016491	2660	46	0.017293	1005	28	0.027861	992	7	0.007056	455	10	0.021978
XM_01124 242553	Kank4	chr4	98754893	98817794	3255	79	0.02427	3557	41	0.011527	3691	45	0.012192	651	3	0.004608	1050	31	0.029524	3250	57	0.017538	2850	47	0.016491	2660	46	0.017293	1005	28	0.027861	992	7	0.007056	455	10	0.021978
XM_01124 242602	Lexm	chr4	1.07E+08	1.07E+08	698	26	0.037249	436	29	0.066514	492	18	0.036585	150	11	0.073333	275	9	0.032727	605	37	0.061157	547	64	0.117002	537	50	0.09311	#N/A	#N/A	#N/A	66	13	0.19697	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 242602	Lexm	chr4	1.07E+08	1.07E+08	698	26	0.037249	436	29	0.066514	492	18	0.036585	150	11	0.073333	275	9	0.032727	605	37	0.061157	547	64	0.117002	537	50	0.09311	#N/A	#N/A	#N/A	66	13	0.19697	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 242608	Podn	chr4	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 242608	Podn	chr4	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	1	0.025	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 242667	Dlgap3	chr4	1.27E+08	1.27E+08	3727	54	0.014489	3385	33	0.009749	3656	35	0.009573	591	9	0.015228	583	11	0.018868	3130	30	0.009585	3151	31	0.009838	3590	31	0.008635	937	14	0.014941	1142	9	0.007881	166	2	0.012048
XM_01124 242669	Azin2	chr4	1.29E+08	1.29E+08	1981	339	0.171126	1724	322	0.186775	1886	423	0.224284	337	57	0.169139	562	83	0.147687	2437	438	0.179729	1710	401	0.234503	1874	294	0.156884	597	102	0.170854	677	132	0.194978	81	19	0.234568
XM_01124 269582	Clspn	chr4	1.27E+08	1.27E+08	1582	29	0.018331	1382	23	0.016643	1543	24	0.015554	189	9	0.047619	611	19	0.031097	1581	17	0.010753	1160	19	0.016379	839	18	0.021454	614	11	0.017915	594	14	0.023569	60	0	0
XM_01124 269582	Clspn	chr4	1.27E+08	1.27E+08	1582	29	0.018331	1382	23	0.016643	1543	24	0.015554	189	9	0.047619	611	19	0.031097	1581	17	0.010753	1160	19	0.016379	839	18	0.021454	614	11	0.017915	594	14	0.023569	60	0	0
XM_01124 269585	Zscan20	chr4	1.29E+08	1.29E+08	926	23	0.024838	799	5	0.006258	934	15	0.01606	156	0	0	432	38	0.087963	958	18	0.018789	715	13	0.018182	768	5	0.00651	214	1	0.004673	289	9	0.031142	10	0	0
XM_01124 269585	Zscan20	chr4	1.29E+08	1.29E+08	926	23	0.024838	799	5	0.006258	934	15	0.01606	156	0	0	432	38	0.087963	958	18	0.018789	715	13	0.018182	768	5	0.00651	214	1	0.004673	289	9	0.031142	10	0	0
XM_01124 269585	Zscan20	chr4	1.29E+08	1.29E+08	926	23	0.024838	799	5	0.006258	934	15	0.01606	156	0	0	432	38	0.087963	958	18	0.018789	715	13	0.018182	768	5	0.00651	214	1	0.004673	289	9	0.031142	10	0	0
XM_01124 269585	Zscan20	chr4	1.29E+08	1.29E+08	926	23	0.024838	799	5	0.006258	934	15	0.01606	156	0	0	432	38	0.087963	958	18	0.018789	715	13	0.018182	768	5	0.00651	214	1	0.004673	289	9	0.031142	10	0	0
XM_01124 269585	Zscan20	chr4	1.29E+08	1.29E+08	926	23	0.024838	799	5	0.006258	934	15	0.01606	156	0	0	432	38	0.087963	958	18	0.018789	715	13	0.018182	768	5	0.00651	214	1	0.004673	289	9	0.031142	10	0	0
XM_01124 269585	Zscan20	chr4	1.29E+08	1.29E+08	926	23	0.024838	799	5	0.006258	934	15	0.01606	156	0	0	432	38	0.087963	958	18	0.018789	715	13	0.018182	768	5	0.00651	214	1	0.004673	289	9	0.031142	10	0	0
XM_01124 27028	Ermap	chr4	1.19E+08	1.19E+08	374	325	0.868984	363	309	0.85124	432	384	0.888889	54	49	0.907407	231	198	0.857143	423	366	0.865248	321	238	0.741433	403	307	0.761787	234	137	0.58547	242	171	0.706612	42	36	0.857143
XM_01124 328505	Skint7	chr4	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 329910	Acot11	chr4	1.07E+08	1.07E+08	585	137	0.234188	450	65	0.144444	422	65	0.154028	105	24	0.228571	279	76	0.272401	534	182	0.340824	487	73	0.149897	487	91	0.186858	193	40	0.207254	176	17	0.096591	46	9	0.195652
XM_01124 329934	Foxo6	chr4	1.2E+08	1.2E+08	1124	10	0.008897	1241	13	0.010475	1200	2	0.001667	192	2	0.010417	262	2	0.007634	1040	16	0.015385	1057	5	0.00473	1309	7	0.005348	266	0	0	297	2	0.006734	81	11	0.135802
XM_01124 329942	Csmd2	chr4	1.28E+08	1.29E+08	567	75	0.132275	578	69	0.119377	586	66	0.112628	84	0	0	181	27	0.149171	597	142	0.237856	621	125	0.201288	614	147	0.239414	253	37	0.146245	112	38	0.339286	40	7	0.175
XM_01124 381538	Mroh7	chr4	1.07E+08	1.07E+08	29	26	0.896552	44	41	0.931818	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A	29	26	0.896552	29	29	1	30	29	0.966667	27	26	0.962963	11	10	0.909091	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 381538	Mroh7	chr4	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 381538	Mroh7	chr4	1.07E+08	1.07E+08	49	39	0.795918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	12	6	0.5	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 381538	Mroh7	chr4	1.07E+08	1.07E+08	49	39	0.795918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	12	6	0.5	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 381538	Mroh7	chr4	1.07E+08	1.07E+08	49	39	0.795918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	12	6	0.5	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 381538	Mroh7	chr4	1.07E+08	1.07E+08	49	39	0.795918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	12	6	0.5	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 52430	Echdc2	chr4	1.08E+08	1.08E+08	1530	9	0.005882	1378	21	0.015239	1653	34	0.020569	142	0	0	415	7	0.016867	1601	12	0.007495	1170	5	0.004274	1484	20	0.013477	556	26	0.046763	461	21	0.045553	129	2	0.015504
XM_01124 53418	B4galt2	chr4	1.18E+08	1.18E+08	2779	157	0.056495	2505	198	0.079042	3071	139	0.045262	238	9	0.037815	554	65	0.117329	3031	72	0.023755	2882	105	0.036433	3133	175	0.055857	455	10	0.021978	1073	24	0.022367	22	2	0.090909
XM_01124 54383	Phc2	chr4	1.29E+08	1.29E+08	3989	124	0.031085	3509	166	0.047307	3808	156	0.040966	752	32	0.042553	1020	101	0.09902	4697	185	0.039387	3463	165	0.047647	3334	152	0.045591	1110	68	0.061261	1168	95	0.081336	460	38	0.082609
XM_01124 546840	Ldlrad1	chr4	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 546840	Ldlrad1	chr4	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56031	Ppie	chr4	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 60613	Kcnq4	chr4	1.21E+08	1.21E+08	6404	178	0.027795	5845	180	0.030796	6912	211	0.030527	1366	41	0.030015	1950	50	0.025641	6896	271	0.039298	5993	258	0.04305	5585	234	0.041898	1689	72	0.042629	1893	97	0.051241	375	75	0.2
XM_01124 60613	Kcnq4	chr4	1.21E+08	1.21E+08	6404	178	0.027795	5845	180	0.030796	6912	211	0.030527	1366	41	0.030015	1950	50	0.025641	6896	271	0.039298	5993	258	0.04305	5585	234	0.041898	1689	72	0.042629	1893	97	0.051241	375	75	0.2
XM_01124 666048	Trabd2b	chr4	1.14E+08	1.15E+08	4909	156	0.031778	4365	129	0.029553	4702	136	0.028924	727	20	0.02751	1012	36	0.035573	4864	203	0.041735	4492	174	0.038736	4595	149	0.032427	1381	44	0.031861	1526	88	0.057667	100	1	0.01
XM_01124 66743	Rnf220	chr4	1.17E+08	1.17E+08	6339	200	0.031551	6394	230	0.035971	6961	238	0.03419	873	36	0.041237	1642	48	0.029233	6317	181	0.028653	6450	279	0.043256	5972	372	0.062291	1695	76	0.044838	1913	61	0.031887	305	16	0.052459
XM_01124 66743	Rnf220	chr4	1.17E+08	1.17E+08	5460	179	0.032784	5654	206	0.036434	6222	217	0.034876	1039	38	0.036574	1555	39	0.02508	5802	211	0.036367	5441	255	0.046866	4851	321	0.066172	1886	88	0.04666	1770	61	0.034463	305	16	0.052459
XM_01124 66743	Rnf220	chr4	1.17E+08	1.17E+08	3950	121	0.030633	3820	87	0.022775	4106	96	0.02338	526	20	0.038023	846	27	0.031915	4216	86	0.020398	3679	83	0.02256	4296	104	0.024209	1088	18	0.016544	1155	59	0.051082	413	17	0.041162
XM_01124 67205	Utp11	chr4	1.25E+08	1.25E+08	2396	29	0.012104	2319	20	0.008624	2504	36	0.014377	700	10	0.014286	1301	18	0.013836	2745	130	0.047359	2020	201	0.099505	1872	148	0.07906	822	73	0.088808	1104	108	0.097826	555	76	0.136937
XM_01124 67621	Bend5	chr4	94603513	94693233	3724	41	0.01101	4034	24	0.005949	3764	32	0.008502	288	0	0	963	22	0.022845	3030	22	0.007261	3518	22	0.006254	3623	28	0.007728	739	4	0.005413	549	2	0.003643	40	0	0
XM_01124 67694	Ift74	chr4	94614455	94687852	73	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0
XM_01124 67733	Itgb3bp	chr4	99771867	99829215	785	6	0.007643	625	0	0	642	4	0.006231	192	1	0.005208	359	2	0.005571	781	3	0.003841	730	4	0.005479	692	1	0.001445	242	0	0	240	0	0	99	2	0.020202
XM_01124 68828	Sync	chr4	1.29E+08	1.29E+08	730	52	0.071233	1254	64	0.051037	756	42	0.055556	23	9	0.391304	81	9	0.111111	642	37	0.057632	674	25	0.037092	954	40	0.041929	85	15	0.176471	104	18	0.173077	10	0	0
XM_01124 68920	1110065P	chr4	1.25E+08	1.25E+08	6488	78	0.012022	6372	58	0.009102	7397	70	0.009463	773	15	0.019405	1933	21	0.010864	6204	60	0.009671	6524	59	0.009044	6817	65	0.009535	1563	19	0.012156	1706	23	0.013482	736	3	0.004076
XM_01124 70533	Btf3l4	chr4	1.09E+08	1.09E+08	1456	2	0.001374	1141	18	0.015776	1020	4	0.003922	210	0	0	715	5	0.006993	1598	10	0.006258	1431	10	0.006988	1455	9	0.006186	477	3	0.006289	565	5	0.00885	70	1	0.014286

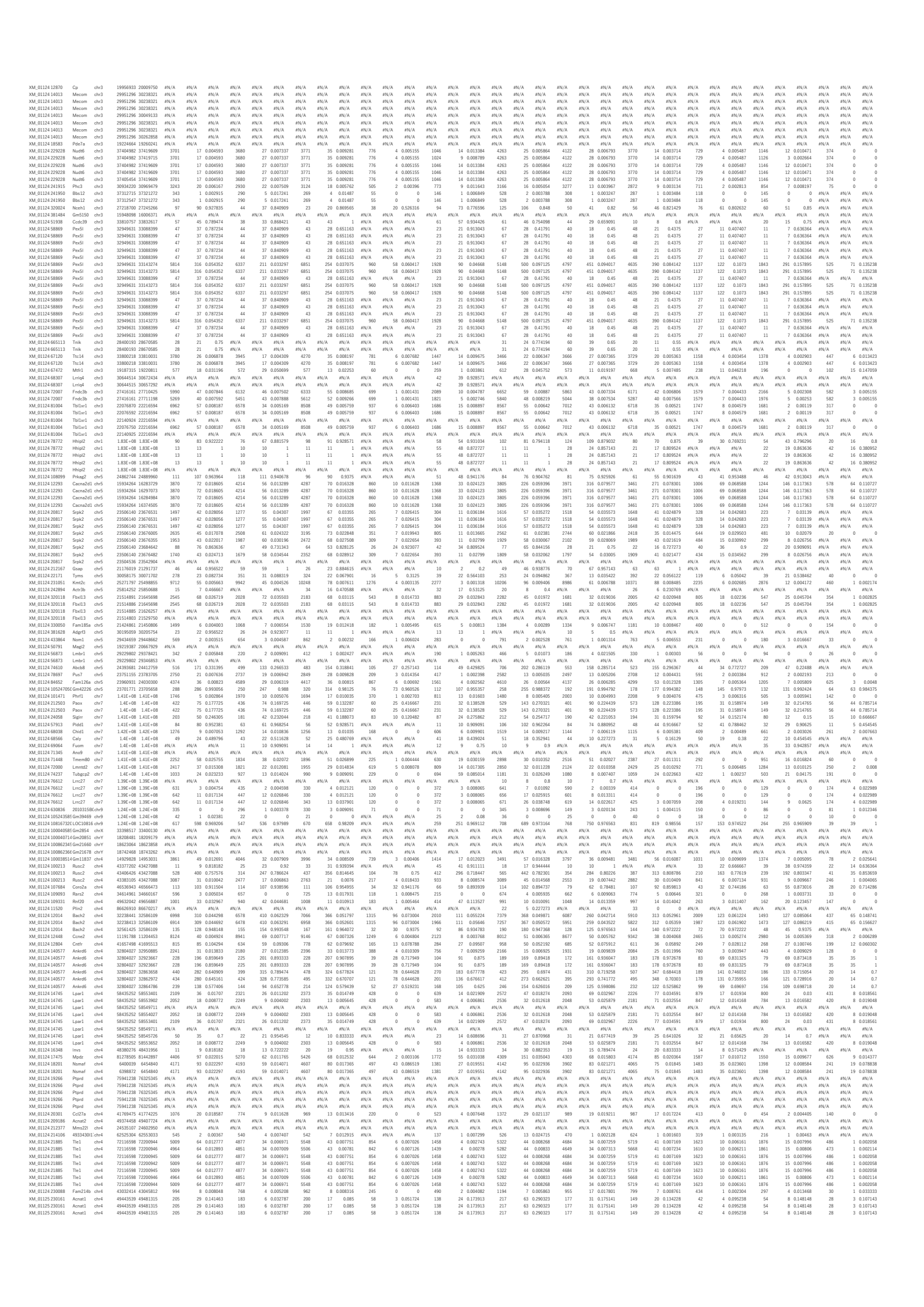
XM_01124 66138	Bud23	chr5	1.35E+08	1.35E+08	2823	20	0.007085	2514	16	0.006364	2801	20	0.00714	565	2	0.00354	1090	6	0.005505	2756	13	0.004717	2264	36	0.015901	2301	6	0.002608	833	10	0.012005	1294	7	0.00541	216	0	0
XM_01124 67286	Ift22	chr5	1.37E+08	1.37E+08	149	91	0.610738	97	60	0.618557	118	70	0.59322	47	28	0.595745	74	46	0.621622	144	92	0.638889	97	49	0.505155	72	42	0.583333	18	15	0.833333	69	32	0.463768	22	4	0.181818
XM_01124 69665	Upk3bl	chr5	1.36E+08	1.36E+08	29	21	0.724138	40	33	0.825	46	39	0.847826	22	18	0.818182	36	30	0.833333	59	49	0.830508	76	61	0.802632	76	61	0.802632	26	20	0.769231	67	52	0.776119	40	26	0.65
XM_01124 71667	Tmem248	chr5	1.3E+08	1.3E+08	3153	6	0.001903	3316	19	0.00573	3194	18	0.005636	525	0	0	1266	3	0.00237	2662	15	0.005635	2206	16	0.007253	3291	19	0.005773	1005	3	0.002985	1112	11	0.009892	229	1	0.004367
XM_01124 94244	Fkbp6	chr5	1.35E+08	1.35E+08	375	230	0.613333	286	190	0.664336	288	157	0.545139	14	8	0.571429	183	128	0.699454	406	229	0.564039	303	166	0.547855	204	98	0.480392	115	56	0.486957	156	90	0.576923	20	15	0.75
XM_01124 94244	Fkbp6	chr5	1.35E+08	1.35E+08	375	230	0.613333	286	190	0.664336	288	157	0.545139	14	8	0.571429	183	128	0.699454	406	229	0.564039	303	166	0.547855	204	98	0.480392	115	56	0.486957	156	90	0.576923	20	15	0.75
XM_01124 94254	Rcc1l	chr5	1.34E+08	1.34E+08	3472	104	0.029954	3966	117	0.029501	4383	134	0.030573	347	1	0.002882	1265	62	0.049012	3322	156	0.04696	3002	86	0.028648	3800	131	0.034474	1013	40	0.039487	1318	68	0.051593	273	32	0.117216
XM_01124 102633301	Gm31160	chr5	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 102633301	Gm31160	chr5	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 170741	Pilrb1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	147	142	0.965986	110	108	0.981818	138	137	0.992754	#N/A	#N/A	#N/A	48	46	0.958333	159	154	0.968553	143	138	0.965035	157	147	0.936306	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 170741	Pilrb1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	147	142	0.965986	110	108	0.981818	138	137	0.992754	#N/A	#N/A	#N/A	48	46	0.958333	159	154	0.968553	143	138	0.965035	157	147	0.936306	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 170741	Pilrb1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	147	142	0.965986	110	108	0.981818	138	137	0.992754	#N/A	#N/A	#N/A	48	46	0.958333	159	154	0.968553	143	138	0.965035	157	147	0.936306	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 21343	Taf6	chr5	1.38E+08	1.38E+08	414	1	0.002415	421	2	0.004751	396	1	0.002525	70	0	0	149	0	0	386	1	0.002591	470	0	0	519	0	0	154	1	0.006494	203	2	0.009852	33	1	0.030303
XM_01124 21343	Taf6	chr5	1.38E+08	1.38E+08	414	1	0.002415	421	2	0.004751	396	1	0.002525	70	0	0	149	0	0	386	1	0.002591	470	0	0	519	0	0	154	1	0.006494	203	2	0.009852	33	1	0.030303
XM_01124 21343	Taf6	chr5	1.38E+08	1.38E+08	414	1	0.002415	421	2	0.004751	396	1	0.002525	70	0	0	149	0	0	386	1	0.002591	470	0	0	519	0	0	154	1	0.006494	203	2	0.009852	33	1	0.030303
XM_01124 21343	Taf6	chr5	1.38E+08	1.38E+08	414	1	0.002415	421	2	0.004751	396	1	0.002525	70	0	0	149	0	0	386	1	0.002591	470	0	0	519	0	0	154	1	0.006494	203	2	0.009852	33	1	0.030303
XM_01124 21343	Taf6	chr5	1.38E+08	1.38E+08	414	1	0.002415	421	2	0.004751	396	1	0.002525	70	0	0	149	0	0	386	1	0.002591	470	0	0	519	0	0	154	1	0.006494	203	2	0.009852	33	1	0.030303
XM_01124 22697	Zscan21	chr5	1.38E+08	1.38E+08	921	18	0.019544	781	15	0.019206	784	25	0.031888	251	2	0.007968	320	24	0.075	835	18	0.021557	823	16	0.019441	586	16	0.027304	492	13	0.026423	396	13	0.032828	120	3	0.025
XM_01124 381680	Nxpe5	chr5	1.38E+08	1.38E+08	37	33	0.891892	13	11	0.846154	10	7	0.7	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	69	50	0.724638	63	38	0.603175	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_01124 381680	Nxpe5	chr5	1.38E+08	1.38E+08	37	33	0.891892	13	11	0.846154	10	7	0.7	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	69	50	0.724638	63	38	0.603175	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_01124 381680	Nxpe5	chr5	1.38E+08	1.38E+08	37	33	0.891892	13	11	0.846154	10	7	0.7	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	69	50	0.724638	63	38	0.603175	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_01124 50878	Stag3	chr5	1.38E+08	1.38E+08	459	87	0.189542	458	59	0.128821	501	56	0.111776	109	20	0.183486	175	50	0.285714	534	144	0.269663	483	72	0.149068	471	65	0.138004	208	36	0.173077	208	41	0.197115	61	12	0.196721
XM_01124 57330	Gigyf1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	4428	130	0.029359	4189	112	0.026737	4662	154	0.033033	338	46	0.136095	501	48	0.095808	4193	176	0.041975	3848	163	0.04236	4523	181	0.040018	536	27	0.050373	1074	67	0.062384	212	0	0
XM_01124 57330	Gigyf1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	4428	130	0.029359	4189	112	0.026737	4662	154	0.033033	338	46	0.136095	501	48	0.095808	4193	176	0.041975	3848	163	0.04236	4523	181	0.040018	536	27	0.050373	1074	67	0.062384	212	0	0
XM_01124 57330	Gigyf1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	4428	130	0.029359	4189	112	0.026737	4662	154	0.033033	338	46	0.136095	501	48	0.095808	4193	176	0.041975	3848	163	0.04236	4523	181	0.040018	536	27	0.050373	1074	67	0.062384	212	0	0
XM_01124 74570	Zkscan1	chr5	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	20	0.666667	66	56	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 76658	1700123K(	chr5	1.39E+08	1.39E+08	57	42	0.736842	68	54	0.794118	40	33	0.825	10	9	0.9	111	85	0.765766	69	53	0.768116	52	31	0.596154	65	39	0.6	12	10	0.833333	14	5	0.357143	10	7	0.7
XM_01124 76658	1700123K(	chr5	1.39E+08	1.39E+08	57	42	0.736842	68	54	0.794118	40	33	0.825	10	9	0.9	111	85	0.765766	69	53	0.768116	52	31	0.596154	65	39	0.6	12	10	0.833333	14	5	0.357143	10	7	0.7
XM_01124 76658	1700123K(	chr5	1.39E+08	1.39E+08	57	42	0.736842	68	54	0.794118	40	33	0.825	10	9	0.9	111	85	0.765766	69	53	0.768116	52	31	0.596154	65	39	0.6	12	10	0.833333	14	5	0.357143	10	7	0.7
XM_01124 108086	Rnf216	chr5	1.43E+08	1.43E+08	3455	20	0.005789	3221	14	0.004346	3493	19	0.005439	357	1	0.002801	1346	5	0.003715	3488	37	0.010608	3055	31	0.010147	3129	21	0.006711	960	1	0.001042	1536	9	0.005859	117	0	0
XM_01124 18590	Pdgfa	chr5	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	40	0.909091	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	30	22	0.733333	36	35	0.972222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 231830	Micall2	chr5	1.4E+08	1.4E+08	13	6	0.461538	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 231841	Brat1	chr5	1.41E+08	1.41E+08	1011	48	0.047478	1035	47	0.045411	999	61	0.061061	142	16	0.112676	546	20	0.03663	1089	22	0.020202	1142	39	0.034151	1036	32	0.030888	213	4	0.018779	548	15	0.027372	100	14	0.14
XM_01124 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	1169	30	0.025663	1235	29	0.023482	1178	16	0.013582	336	15	0.044643	261	14	0.05364	1385	40	0.028881	994	14	0.014085	1250	24	0.0192	346	4	0.011561	433	14	0.032333	121	3	0.024793
XM_01124 231861	Tnrc18	chr5	1.43E+08	1.43E+08	2165	12	0.005543	2136	15	0.007022	2608	16	0.006135	376	3	0.007979	823	4	0.00486	2952	30	0.010163	1870	6	0.003209	2443	20	0.008187	417	0	0	852	2	0.002347	329	0	0
XM_01124 231866	Zfp12	chr5	1.43E+08	1.43E+08	507	109	0.21499	610	104	0.170492	680	58	0.085294	77	22	0.285714	140	34	0.242857	460	151	0.328261	582	126	0.216495	642	108	0.168224	175	34	0.194286	142	42	0.295775	26	5	0.192308
XM_01124 74239	Iqce	chr5	1.41E+08	1.41E+08	124	79	0.637097	105	57	0.542857	120	60	0.5	12	10	0.833333	22	11	0.5	101	72	0.712871	68	43	0.632353	78	40	0.512821	29	20	0.689655	33	17	0.515152	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74673	Spdye4a	chr5	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 75104	Mmd2	chr5	1.43E+08	1.43E+08	69	38	0.550725	66	29	0.439394	67	26	0.38806	11	6	0.545455	27	17	0.62963	42	17	0.404762	43	15	0.348837	94	35	0.37234	23	12	0.521739	43	19	0.44186	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100041548	Gm3402	chr5	1.47E+08	1.47E+08	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100041554	Gm3404	chr5	1.47E+08	1.47E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	10	7	0.7	15	10	0.666667	14	8	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100041578	Gm3415	chr5	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100683	Trrap	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3572	88	0.024636	3168	53	0.01673	3177	112	0.035253	476	21	0.044118	1331	21	0.015778	3213	61	0.018985	3283	56	0.017058	3144	50	0.015903	931	5	0.005371	1216	47	0.038651	307	1	0.003257
XM_01124 14254	Flt1	chr5	1.48E+08	1.48E+08	4561	216	0.047358	3825	142	0.037124	4294	158	0.036796	660	52	0.078788	1226	45	0.036705	4319	238	0.055105	3452	166	0.048088	3764	190	0.050478	1256	73	0.058121	1561	83	0.053171	311	24	0.07717
XM_01124 18261	Ocm	chr5	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18261	Ocm	chr5	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18261	Ocm	chr5	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 22757	Zkscan5	chr5	1.45E+08	1.45E+08	749	554	0.739653	697	459	0.658537	792	544	0.686869	165	73	0.442424	376	289	0.768617	931	844	0.906552	529	389	0.73535	640	438	0.684375	252	208	0.825397	328	293	0.893293	69	50	0.724638
XM_01124 67235	Zkscan14	chr5	1.45E+08	1.45E+08	1158	107	0.092401	1065	68	0.06385	936	61	0.065171	280	6	0.021429	470	20	0.042553	1058	60	0.056711	985	39	0.039594	881	51	0.057889	329	8	0.024316	404	9	0.022277	224	3	0.013393
XM_01124 71799	Ptcd1	chr5	1.45E+08	1.45E+08	1369	6	0.004383	1284	5	0.003894	1202	7	0.005824	78	1	0.012821	783	3	0.003831	1541	11	0.007138	1538	12	0.007802	1303	6	0.004605	353	0	0	729	1	0.001372	190	0	0
XM_01124 72587	Pan3	chr5	1.47E+08	1.48E+08	155	145	0.935484	159	150	0.943396	188	175	0.930851	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	82	72	0.878049	145	123	0.848276	252	220	0.873016	59	49	0.830508	73	59	0.808219	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 75788	Smurf1	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3930	28	0.007125	3173	36	0.011346	3669	55	0.01499	557	1	0.001795	852	7	0.008216	3551	48	0.013517	3101	36	0.011609	3615	28	0.007746	520	7	0.013462	529	3	0.005671	100	0	0
XM_01124 75788	Smurf1	chr5	1.45E+08	1.45E+08	3930	28	0.007125	3173	36	0.011346	3669	55	0.01499	557	1	0.001795	852	7	0.008216	3551	48	0.013517	3101	36	0.011609	3615	28	0.007746	520	7	0.013462	529	3	0.005671	100	0	0
XM_01124 77521	Mtus2	chr5	1.48E+08	1.48E+08	3404	77	0.02262	3510	89	0.025356	3813	91	0.023866	283	12	0.042403	716	20	0.027933	3169	133	0.041969	3012	68	0.022576	3029	60	0.019809	773	22	0.028461	894	31	0.034676	260	5	0.019231
XM_01124 12190	Brca2	chr5	1.51E+08	1.51E+08	1738	6	0.003452	1472	4	0.002717	2051	9	0.004388	84	0	0	698	0	0	1691	11	0.006505	2032	16	0.007874	1936	29	0.014979	685	2	0.00292	739	0	0	116	0	0
XM_01124 140498	Rxfp2	chr5	1.5E+08	1.5E+08	337	179	0.531157	286	138	0.482517	330	192	0.581818	118	58	0.491525	167	102	0.610778	298	145	0.486577	237	105	0.443038	210	87	0.414286	164	74	0.45122	60	29	0.483333	52	27	0.519231
XM_01124 140498	Rxfp2	chr5	1.5E+08	1.5E+08	337	179	0.531157	286	138	0.482517	330	192	0.581818	118	58	0.491525	167	102	0.610778	298	145	0.486577	237	105	0.443038	210	87	0.414286	164	74	0.45122	60	29	0.483333	52	27	0.519231
XM_01124 140498	Rxfp2	chr5	1.5E+08	1.5E+08	337	179	0.531157	286	138	0.482517	330	192	0.581818	118	58	0.491525	167	102	0.610778	298	145	0.486577	237	105	0.443038	210	87	0.414286	164	74	0.45122	60	29	0.483333	52	27	0.519231
XM_01124 320365	Fry	chr5	1.5E+08	1.5E+08	243	24	0.098765	261	18	0.068966	175	22	0.125714	10	0	0	154	28	0.181818	271	31	0.114391	194	11	0.056701	259	13	0.050193	68	13	0.191176	125	8	0.064	39	0	0
XM_01124 545824	Zar1l	chr5	1.51E+08	1.51E+08	290	198	0.682759	151	100	0.662252	262	161	0.614504	22	15	0.681818	112	83	0.741071	259	197	0.760618	188	107	0.569149	171	107	0.625731	85	37	0.435294	144	85	0.590278	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 101148	Bmt2	chr6	13625675	13677645	3080	33	0.010714	2836	45	0.015867	3549	55	0.015497	896	3	0.003348	1121	18	0.016057	3407	46	0.013502	3168	43	0.013573	3181	22	0.006916	1187	15	0.012637	985	9	0.009137	506	2	0.003953
XM_01124 17295	Met	chr6	17464065	17573980	2526	17	0.00673	2348	23	0.009796	2388	22	0.009213	382	5	0.013089	634	2	0.003155	2691	30	0.011148	2719	18	0.00662	2714	21	0.007738	731	2	0.002736	777	1	0.001287	138	0	0
XM_01124 17295	Met	chr6	17463349	17573980	2500	16	0.0064	2348	23	0.009796	2388	22	0.009213	382	5	0.013089	634	2	0.003155	2671	30	0.011232	2687	18	0.006699	2692	21	0.007801	731	2	0.002736	777	1	0.001287	138	0	0
XM_01124 18181	Nrf1	chr6	30048031	30144861	5826	43	0.007381	5628	45	0.007996	6292	48	0.007629	313	3	0.009585	1090	1	0.000917	5550	30	0.005405	5414	19	0.003509	6022	27	0.004484	985	4	0.004061	1332	8	0.006006	78	1	0.012821
XM_01124 18181	Nrf1	chr6	30083160	30144861	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18181	Nrf1	chr6	30048031	30153183	5826	43	0.007381	5628	45	0.007996	6292	48	0.007629	313	3	0.009585	1090	1	0.000917	5550	30	0.005405	5414	19	0.003509	6022	27	0.004484	985	4	0.004061	1332	8	0.006006	78	1	0.012821
XM_01124 18979	Pon1	chr6	5169880	5193987	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 20392	Sgce	chr6	4674350	4694844	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 21426	Tfec	chr6	16830927	16898464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 214642	Cped1	chr6	21985711	22238122	360	6	0.016667	388	3	0.007732	410	2	0.004878	81	0	0	232	4	0.017241	299	3	0.010033	376	6	0.015957	398	8	0.020101	84	1	0.011905	112	0	0	91	1	0.010989
XM_01124 21789	Tfpi2	chr6	3962589	3988977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 21789	Tfpi2	chr6	3962589	3988978	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 232680	Cpa2	chr6	30545333	30564476	388	291	0.75	296	225	0.760135	358	254	0.709497	90	83	0.922222	160	109	0.68125	445	252	0.566292	315	188	0.596825	253	180	0.711462	199	131	0.658291	131	89	0.679389	117	86	0.735043
XM_01124 23917	Impdh1	chr6	29200436	29212410	1627	56	0.034419	1290	40	0.031008	1516	62	0.040897	198	0	0	483	30	0.062112	1590	63	0.039623	1250	46	0.0368	1498	51	0.034045	488	24	0.04918	525	19	0.03619	118	19	0.161017
XM_01124 243725	Ppp1r9a	chr6	4903280	5116532	4212	37	0.008784	3836	39	0.010167	3991	53	0.01328	317	6	0.018927	1279	10	0.007819	4185	74	0.017682	3991	145	0.036332	3372	72	0.021352	886	10	0.011287	686	21	0.030612	292	7	0.023973
XM_01124 245884	Fam71f2	chr6	29277528	29290680	82	81	0.987805	80	78	0.975	92	88	0.956522	38	34	0.894737	33	31	0.939394	81	78	0.962963	56	54	0.964286	61	61	1	42	40	0.952381	24	24	1	25	25	1
XM_01124 245884	Fam71f2	chr6	29279590	29290684	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 269823	Pon3	chr6	5221425	5256242	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 30785	Cttnbp2	chr6	18376095	18515217	1858	44	0.023681	1649	34	0.020619	1754	35	0.019954	399	4	0.010025	767	19	0.024772	2227	51	0.022901	1829	46	0.02515	1346	25	0.018574	504	12	0.02381	561	22	0.039216	339	6	0.017699
XM_01124 320609	Strip2	chr6	29916976	29949272	3536	78	0.022059	3525	45	0.012766	3782	89	0.023533	831	14	0.016847	1377	44	0.031954	3914	115	0.029382	3554	65	0.018289	3257	46	0.014123	1407	17	0.012082	1566	40	0.025543	555	4	0.007207
XM_01124 320609	Strip2	chr6	29916976	29949272	3536	78	0.022059	3525	45	0.012766	3782	89	0.023533	831	14	0.016847	1377	44	0.031954	3914	115	0.029382	3554	65	0.018289	3257	46	0.014123	1407	17	0.012082	1566	40	0.025543	555	4	0.007207
XM_01124 320609	Strip2	chr6	29916985	29959681	3536	78	0.022059	3525	45	0.012766	3782	89	0.023533	831	14	0.016847	1377	44	0.031954	3914	115	0.029382	3554	65	0.018289	3257	46	0.014123	1407	17	0.012082	1566	40	0.025543	555	4	0.007207
XM_01124 333088	Kcp	chr6	29473162	29507946	1154	33	0.028596	1153	23	0.019948	1220	43	0.035246	50	0	0	333	3	0.009009	1168	48	0.041096	934	29	0.031049	1196	33	0.027592	213	25	0.117371	216	2	0.009259	135	3	0.022222
XM_01124 333088	Kcp	chr6	29482036	29507946	1154	33	0.028596	1153	23	0.019948	1220	43	0.035246	50	0	0	333	3	0.009009	1168	48	0.041096	934	29	0.031049	1196	33	0.027592	213	25	0.117371	216	2	0.009259	135	3	0.022222
XM_01124 627049	Zfp800	chr6	28210548	28289690	69	59	0.855072	36	28	0.777778	89	70	0.786517	21	20	0.952381	109	94	0.862385	89	64	0.719101	48	35	0.729167	28	15	0.535714	50	29	0.58	39	31	0.794872	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 64213	St7	chr6	17693901	17930848	4779	116	0.024273	5146	62	0.012048	5060	39	0.007708	536	3	0.005597	1361	26	0.019104	4625	96	0.020757	5088	66	0.012972	5759	79	0.013718	1241	27	0.021757	1628	23	0.014128	415	7	0.016867
XM_01124 64213	St7	chr6	17834818	17943022	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
XM_01124 64450	Gpr85	chr6	13834406	13839929	312	223	0.714744	346	242	0.699422	361	253	0.700831	46	46	1	103	101	0.980583	314	200	0.636943	321	182	0.566978	213	149	0.699531	116	60	0.517241	197	129	0.654822	18	17	0.944444
XM_01124 74340	Ahcyl2	chr6	29768379	29903162	3393	14	0.004126	2663	25	0.009388	3175	16	0.005039	321	1	0.003115	970	1	0.001031	3464	29	0.008372	2913	33	0.011329	3120	13	0.004167	838	5	0.005967	1134	3	0.002646	545	0	0
XM_01124 74649	Cpa5	chr6	30611496	30631740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 75725	Phf14	chr6	11925882	12100156	1973	6	0.003041	2208	6	0.002717	2150	23	0.010698	667	2	0.002999	1019	2	0.001963	2410	20	0.008299	2031	9	0.004431	2138	14	0.006548	586	2	0.003413	690	3	0.004348	461	2	0.004338
XM_01124 78910	Asb15	chr6	24543303	24573164	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909
XM_01124 83922	Cep41	chr6	30653457	30680337	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100502936	E330021D	chr6	1.36E+08	1.36E+08	224	75	0.334821	195	48	0.246154	189	50	0.26455	32	11	0.34375	52	18	0.346154	158	76	0.481013	57	22	0.385965	145	68	0.468966	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3
XM_01124 100502936	E330021D	chr6	1.36E+08	1.36E+08	203	57	0.280788	172	31	0.180233	150	20	0.133333	32	11	0.34375	52	18	0.346154	144	72	0.5	42	12	0.285714	119	48	0.403361	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3
XM_01124 100502936	E330021D	chr6	1.36E+08	1.36E+08	203	57	0.280788	172	31	0.180233	150	20	0.133333	32	11	0.34375	52	18	0.346154	144	72	0.5	42	12	0.285714	119	48	0.403361	46	11	0.23913	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3
XM_01124 101095	Zfp282	chr6	47877209	47905818	3497	13	0.003717	2941	30	0.010201	3191	22	0.006894	694	3	0.004323	978	2	0.002045	3634	23	0.006329	3214	15	0.004667	3124	24	0.007682	1038	2	0.001927	1084	4	0.00369	370	1	0.002703
XM_01124 101214	Tra2a	chr6	49243921	49264248	2582	11	0.00426	2517	12	0.004768	2458	29	0.011798	625	0	0	1218	0	0	2475	21	0.008485	2344	15	0.006399	2637	15	0.005688	994	0	0	1047	2	0.00191	176	0	0
XM_01124 101320	Dyrk4	chr6	1.27E+08	1.27E+08	308	81	0.262987	284	73	0.257042	302	87	0.288079	68	35	0.514706	104	39	0.375	343	161	0.469388	302	149	0.493377	318	152	0.477987	76	39	0.513158	108	71	0.657407	56	40	0.714286
XM_01124 101320	Dyrk4	chr6	1.27E+08	1.27E+08	308	81	0.262987	284	73	0.257042	302	87	0.288079	68	35	0.514706	104	39	0.375	343	161	0.469388	302	149	0.493377	318	152	0.477987	76	39	0.513158	108	71	0.657407	56	40	0.714286
XM_01124 101320	Dyrk4	chr6	1.27E+08	1.27E+08	308	81	0.262987	284	73	0.257042	302	87	0.288079	68	35	0.514706	104	39	0.375	343	161	0.469388	302	149	0.493377	318	152	0.477987	76	39	0.513158	108	71	0.657407	56	40	0.714286
XM_01124 101351	Eogt	chr6	97110016	97127820	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XM_01124 107569	Nt5c3	chr6	56882400	56924008	1997	11	0.005508	1823	18	0.009874	2053	14	0.006819	326	0	0	450	3	0.006667	2047	17	0.008305	1987	22	0.011072	1794	10	0.005574	645	18	0.027907	592	3	0.005068	142	0	0
XM_01124 108017	Fxyd4	chr6	1.18E+08	1.18E+08	192	159	0.828125	100	92	0.92	95	74	0.778947	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	166	121	0.728916	177	136	0.768362	162	133	0.820988	16	11	0.6875	12	11	0.916667	10	6	0.6
XM_01124 108017	Fxyd4	chr6	1.18E+08	1.18E+08	192	159	0.828125	100	92	0.92	95	74	0.778947	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	166	121	0.728916	177	136	0.768362	162	133	0.820988	16	11	0.6875	12	11	0.916667	10	6	0.6
XM_01124 108017	Fxyd4	chr6	1.18E+08	1.18E+08	192	159	0.828125	100	92	0.92	95	74	0.778947	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	166	121	0.728916	177	136	0.768362	162	133	0.820988	16	11	0.6875	12	11	0.916667	10	6	0.6
XM_01124 109593	Lmo3	chr6	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 109593	Lmo3	chr6	1.38E+08	1.38E+08	15	9	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 109593	Lmo3	chr6	1.38E+08	1.38E+08	420	45	0.107143	353	13	0.036827	392	17	0.043367	62	1	0.016129	173	18	0.104046	415	46	0.110843	328	19	0.057927	203	8	0.039409	169	13	0.076923	163	19	0.116564	56	0	0
XM_01124 109880	Braf	chr6	39603231	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XM_01124 109880	Braf	chr6	39603231	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XM_01124 109880	Braf	chr6	39603231	39725535	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2324	24	0.010327	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	871	8	0.009185	169	4	0.023669
XM_01124 109880	Braf	chr6	39603379	39725538	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2324	24	0.010327	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	871	8	0.009185	169	4	0.023669
XM_01124 109880	Braf	chr6	39603231	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XM_01124 109880	Braf	chr6	39603231	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XM_01124 109880	Braf	chr6	39623625	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XM_01124 110958	M1ap	chr6	82961110	83030182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11517	Adcyap1r1	chr6	55451501	55501451	670	14	0.020896	600	12	0.02	694	23	0.033141	#N/A	#N/A	#N/A	319	12	0.037618	887	46	0.05186	737	13	0.017639	742	10	0.013477	215	10	0.046512	229	7	0.030568	20	1	0.05
XM_01124 11517	Adcyap1r1	chr6	55451763	55501451	670	14	0.020896	600	12	0.02	694	23	0.033141	#N/A	#N/A	#N/A	319	12	0.037618	887	46	0.05186	737	13	0.017639	742	10	0.013477	215	10	0.046512	229	7	0.030568	20	1	0.05
XM_01124 11517	Adcyap1r1	chr6	55451766	55501451	670	14	0.020896	600	12	0.02	694	23	0.033141	#N/A	#N/A	#N/A	319	12	0.037618	887	46	0.05186	737	13	0.017639	742	10	0.013477	215	10	0.046512	229	7	0.030568	20	1	0.05
XM_01124 11517	Adcyap1r1	chr6	55451766	55501451	670	14	0.020896	600	12	0.02	694	23	0.033141	#N/A	#N/A	#N/A	319	12	0.037618	887	46	0.05186	737	13	0.017639	742	10	0.013477	215	10	0.046512	229	7	0.030568	20	1	0.05
XM_01124 11746	Anxa4	chr6	86750472	86793634	1735	9	0.005187	1475	6	0.004068	1786	9	0.005039	200	0	0	466	4	0.008584	1742	9	0.005166	1345	10	0.007435	1685	7	0.004154	468	3	0.00641	401	2	0.004988	129	0	0
XM_01124 11810	Apobec1	chr6	1.23E+08	1.23E+08	58	0	0	58	0	0	86	1	0.011628	#N/A	#N/A	#N/A	28	0	0	92	0	0	60	0	0	60	1	0.016667	48	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2213	88	0.039765	2450	94	0.038367	2774	105	0.037851	140	3	0.021429	516	25	0.04845	2313	100	0.043234	1789	82	0.045836	1955	107	0.054731	611	38	0.062193	611	51	0.08347	253	9	0.035573
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01124 12386	Ctnna2	chr6	76881637	77979815	2045	49	0.023961	2413	28	0.011604	2678	45	0.016804	285	2	0.007018	782	10	0.012788	2542	122	0.047994	1956	113	0.057771	1981	147	0.074205	416	35	0.084135	441	62	0.14059	173	30	0.17341
XM_01124 12661	Chl1	chr6	1.04E+08	1.04E+08	397	9	0.02267	427	10	0.023419	433	9	0.020785	#N/A	#N/A	#N/A	129	1	0.007752	318	16	0.050314	452	17	0.037611	367	26	0.070845	121	6	0.049587	132	5	0.037879	61	4	0.065574
XM_01124 13666	Eif2ak3	chr6	70844484	70905240	1055	86	0.081517	873	56	0.064147	631	46	0.0729	28	0	0	246	40	0.162602	1277	69	0.054033	1089	59	0.054178	739	40	0.054127	190	29	0.152632	288	10	0.034722	60	0	0
XM_01124 13835	Epha1	chr6	42362669	42373314	815	21	0.025767	881	15	0.017026	1081	29	0.026827	127	8	0.062992	92	6	0.065217	1004	22	0.021912	828	22	0.02657	1224	31	0.025327	105	3	0.028571	90	3	0.033333	60	1	0.016667
XM_01124 13860	Eps8	chr6	1.37E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	22	0.647059	28	11	0.392857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13990	Smarcad1	chr6	65049747	65116061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 14011	Etv6	chr6	1.34E+08	1.34E+08	2868	22	0.007671	2122	12	0.005655	2841	17	0.005984	366	1	0.002732	642	1	0.001558	2766	32	0.011569	2836	27	0.00952	2624	24	0.009146	1036	3	0.002896	395	1	0.002532	170	0	0
XM_01124 14011	Etv6	chr6	1.34E+08	1.34E+08	2868	22	0.007671	2122	12	0.005655	2841	17	0.005984	366	1	0.002732	642	1	0.001558	2766	32	0.011569	2836	27	0.00952	2624	24	0.009146	1036	3	0.002896	395	1	0.002532	170	0	0
XM_01124 14011	Etv6	chr6	1.34E+08	1.34E+08	51	32	0.627451	34	23	0.676471	45	40	0.888889	20	13	0.65	40	30	0.75	79	44	0.556962	44	32	0.727273	108	83	0.768519	24	20	0.833333	32	21	0.65625	20	6	0.3
XM_01124 14412	Slc6a13	chr6	1.21E+08	1.21E+08	351	229	0.652422	352	204	0.579545	419	233	0.556086	109	65	0.59633	205	142	0.692683	340	250	0.735294	322	233	0.723602	371	254	0.684636	129	98	0.75969	137	101	0.737226	99	76	0.767677
XM_01124 14788	Gpr162	chr6	1.25E+08	1.25E+08	1671	79	0.047277	1255	63	0.050199	1490	76	0.051007	250	1	0.004	411	37	0.090024	1971	125	0.06342	1323	83	0.062736	1570	91	0.057962	333	26	0.078078	630	48	0.07619	158	31	0.196203
XM_01124 14812	Grin2b	chr6	1.36E+08	1.36E+08	821	181	0.220463	683	127	0.185944	685	153	0.223358	153	26	0.169935	276	44	0.15942	789	163	0.206591	592	162	0.273649	639	186	0.29108	269	79	0.29368	239	75	0.313808	65	19	0.292308
XM_01124 14924	Magi1	chr6	93675453	93913991	81	57	0.703704	99	91	0.919192	84	72	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	42	29	0.690476	42	30	0.714286	99	81	0.818182	111	97	0.873874	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 15199	Hebp1	chr6	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 15400	Hoxa3	chr6	52169061	52180119	78	26	0.333333	57	14	0.245614	76	10	0.131579	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	81	30	0.37037	52	10	0.192308	57	14	0.245614	18	2	0.111111	24	5	0.208333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 16494	Kcna6	chr6	1.27E+08	1.27E+08	541	12	0.022181	362	10	0.027624	653	16	0.024502	85	0	0	230	3	0.013043	466	19	0.040773	577	53	0.091854	392	15	0.038265	130	4	0.030769	276	12	0.043478	40	5	0.125
XM_01124 16640	Klra9	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 16640	Klra9	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 16641	Klrc1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 16641	Klrc1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

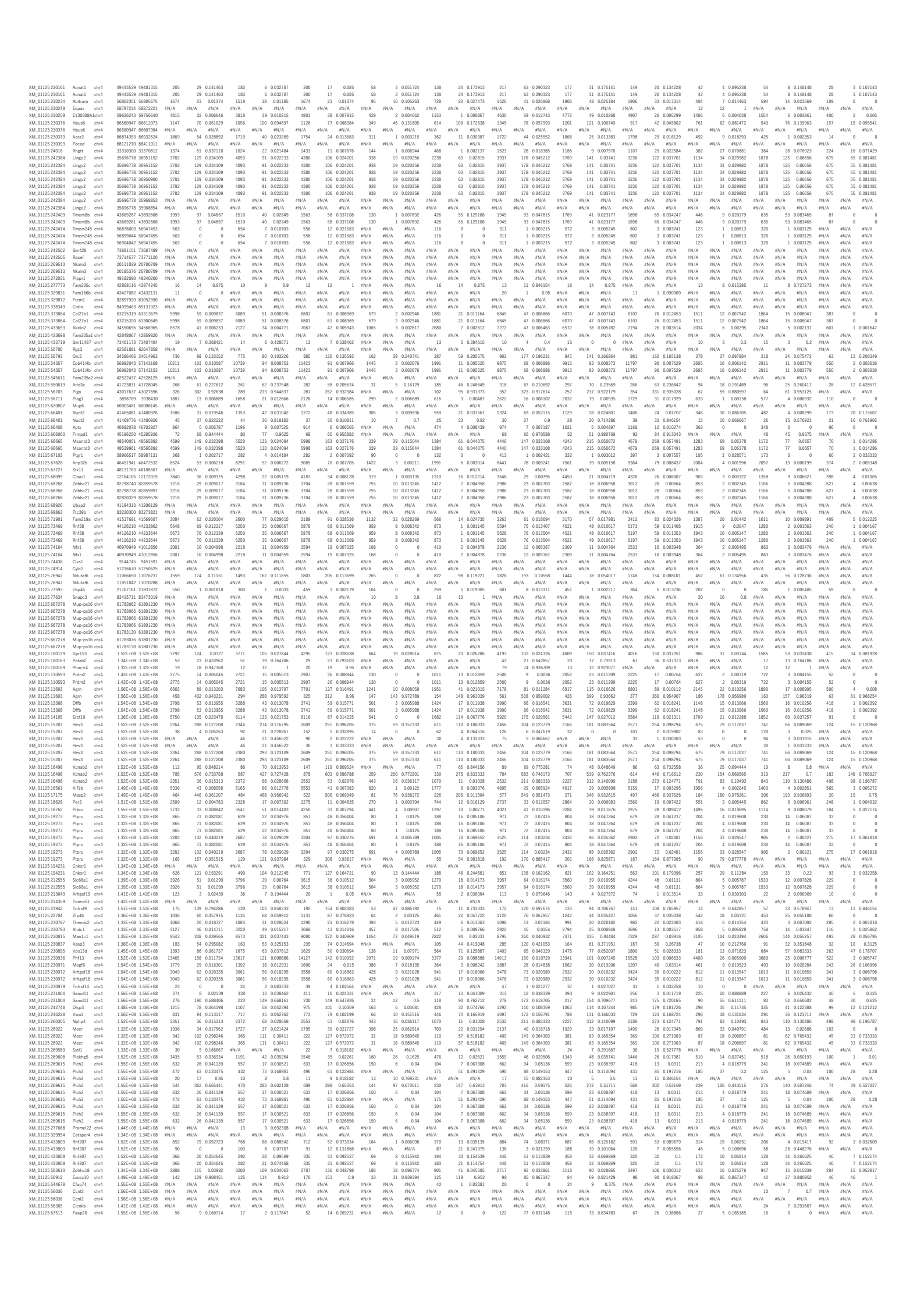
XM_01124 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1356	97	0.071534	1395	56	0.040143	1473	73	0.049559	132	0	0	338	1	0.002959	1468	69	0.047003	1316	52	0.039514	1582	55	0.034766	240	0	0	495	18	0.036364	180	0	0
XM_01124 75430	Anapc15	chr7	1.02E+08	1.02E+08	831	96	0.115523	785	51	0.064968	882	69	0.078231	132	0	0	213	1	0.004695	872	67	0.076835	857	49	0.057176	985	47	0.047716	124	0	0	236	18	0.076271	102	0	0
XM_01124 76858	Nlrp14	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 76932	Arfip2	chr7	1.06E+08	1.06E+08	1350	4	0.002963	1176	42	0.035714	1320	11	0.008333	110	1	0.009091	382	2	0.005236	1710	51	0.029825	1246	6	0.004815	1346	3	0.002229	393	1	0.002545	503	0	0	325	1	0.003077
XM_01124 76954	Denn2b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1200	35	0.029167	1122	14	0.012478	1241	20	0.016116	241	0	0	400	14	0.035	1258	47	0.037361	1151	29	0.025195	1075	31	0.028837	309	3	0.009709	340	13	0.038235	64	2	0.03125
XM_01124 76954	Denn2b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1200	35	0.029167	1122	14	0.012478	1241	20	0.016116	241	0	0	400	14	0.035	1258	47	0.037361	1151	29	0.025195	1075	31	0.028837	309	3	0.009709	340	13	0.038235	64	2	0.03125
XM_01124 76954	Denn2b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1336	22	0.016467	946	15	0.015856	1304	13	0.009969	583	3	0.005146	458	9	0.019651	1521	19	0.012492	1277	10	0.007831	993	20	0.020141	342	4	0.011696	782	14	0.017903	145	0	0
XM_01124 76954	Denn2b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1200	35	0.029167	1122	14	0.012478	1241	20	0.016116	241	0	0	400	14	0.035	1258	47	0.037361	1151	29	0.025195	1075	31	0.028837	309	3	0.009709	340	13	0.038235	64	2	0.03125
XM_01124 76954	Denn2b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1200	35	0.029167	1122	14	0.012478	1241	20	0.016116	241	0	0	400	14	0.035	1258	47	0.037361	1151	29	0.025195	1075	31	0.028837	309	3	0.009709	340	13	0.038235	64	2	0.03125
XM_01124 77252	9430038I0	chr7	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	15	13	0.866667
XM_01124 77252	9430038I0	chr7	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	15	13	0.866667
XM_01124 78388	Mvp	chr7	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 102640171	Gm38525	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 668035	Olfr687	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 105244931	Gm40453	chr7	1.16E+08	1.16E+08	80	80	1	60	59	0.983333	64	63	0.984375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	72	71	0.986111	72	71	0.986111	52	51	0.980769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 102636907	Gm4275	chr7	1.31E+08	1.31E+08	170	109	0.641176	182	92	0.505495	174	77	0.442529	44	15	0.340909	96	61	0.635417	206	101	0.490291	186	69	0.370968	194	65	0.335052	103	56	0.543689	14	6	0.428571	28	10	0.357143
XM_01124 101513	Mob2	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	87	61	0.701149	75	63	0.84	96	66	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	104	65	0.625	95	51	0.536842	116	70	0.603448	39	18	0.461538	35	15	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	87	61	0.701149	75	63	0.84	96	66	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	104	65	0.625	95	51	0.536842	116	70	0.603448	39	18	0.461538	35	15	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	87	61	0.701149	75	63	0.84	96	66	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	104	65	0.625	95	51	0.536842	116	70	0.603448	39	18	0.461538	35	15	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 101772	Ano1	chr7	1.45E+08	1.45E+08	142	130	0.915493	144	132	0.916667	147	134	0.911565	31	29	0.935484	66	61	0.924242	139	122	0.877698	126	98	0.777778	136	121	0.889706	49	44	0.897959	49	35	0.714286	26	22	0.846154
XM_01124 13360	Dhcr7	chr7	1.44E+08	1.44E+08	694	2	0.002882	536	1	0.001866	620	7	0.01129	117	0	0	386	0	0	838	6	0.00716	528	1	0.001894	602	10	0.016611	268	1	0.003731	363	0	0	191	1	0.005236
XM_01124 16535	Kcnq1	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1308	45	0.034404	1063	35	0.032926	1525	31	0.020328	327	17	0.051988	518	18	0.034749	1935	82	0.042377	1248	35	0.028045	1130	47	0.041593	366	64	0.174863	682	26	0.038123	206	5	0.024272
XM_01124 18218	Dusp8	chr7	1.42E+08	1.42E+08	2829	39	0.013786	2804	29	0.010342	3148	20	0.006353	247	1	0.004049	773	5	0.006468	3371	37	0.010976	3031	39	0.012867	3395	21	0.006186	465	1	0.002151	871	15	0.017222	302	10	0.033113
XM_01124 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01124 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01124 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01124 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01124 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	36	35	0.972222	22	20	0.909091	13	13	1	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	31	29	0.935484	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	10	10	1
XM_01124 233979	Tpcn2	chr7	1.45E+08	1.45E+08	410	4	0.009756	499	1	0.002004	452	4	0.00885	26	0	0	110	0	0	439	0	0	533	1	0.001876	573	2	0.00349	160	0	0	88	0	0	44	0	0
XM_01124 27267	Cars	chr7	1.44E+08	1.44E+08	670	5	0.007463	515	1	0.001942	628	9	0.014331	167	1	0.005988	221	1	0.004525	661	3	0.004539	507	13	0.025641	430	2	0.004651	72	0	0	308	0	0	40	0	0
XM_01124 320802	Ifitm10	chr7	1.42E+08	1.42E+08	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	24	0.631579	54	32	0.592593	20	16	0.8	11	7	0.636364	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 320802	Ifitm10	chr7	1.42E+08	1.42E+08	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	24	0.631579	54	32	0.592593	20	16	0.8	11	7	0.636364	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 320802	Ifitm10	chr7	1.42E+08	1.42E+08	1131	26	0.022989	898	24	0.026726	1061	38	0.035815	167	7	0.041916	447	13	0.029083	1641	107	0.065204	964	23	0.023859	1071	61	0.056956	319	12	0.037618	351	8	0.022792	240	5	0.020833
XM_01124 320802	Ifitm10	chr7	1.42E+08	1.42E+08	1306	43	0.032925	945	31	0.032804	1182	49	0.041455	219	9	0.041096	535	24	0.04486	1767	129	0.073005	1162	35	0.03012	1194	81	0.067839	319	12	0.037618	409	14	0.03423	263	5	0.019011
XM_01124 320802	Ifitm10	chr7	1.42E+08	1.42E+08	1306	43	0.032925	945	31	0.032804	1182	49	0.041455	219	9	0.041096	535	24	0.04486	1767	129	0.073005	1162	35	0.03012	1194	81	0.067839	319	12	0.037618	409	14	0.03423	263	5	0.019011
XM_01124 320802	Ifitm10	chr7	1.42E+08	1.42E+08	1306	43	0.032925	945	31	0.032804	1182	49	0.041455	219	9	0.041096	535	24	0.04486	1767	129	0.073005	1162	35	0.03012	1194	81	0.067839	319	12	0.037618	409	14	0.03423	263	5	0.019011
XM_01124 55925	Syt8	chr7	1.42E+08	1.42E+08	469	146	0.311301	448	99	0.220982	544	125	0.229779	167	35	0.209581	218	83	0.380734	468	162	0.346154	379	92	0.242744	404	81	0.200495	161	18	0.111801	177	30	0.169492	109	14	0.12844
XM_01124 55925	Syt8	chr7	1.42E+08	1.42E+08	469	146	0.311301	448	99	0.220982	544	125	0.229779	167	35	0.209581	218	83	0.380734	468	162	0.346154	379	92	0.242744	404	81	0.200495	161	18	0.111801	177	30	0.169492	109	14	0.12844
XM_01124 55925	Syt8	chr7	1.42E+08	1.42E+08	469	146	0.311301	448	99	0.220982	544	125	0.229779	167	35	0.209581	218	83	0.380734	468	162	0.346154	379	92	0.242744	404	81	0.200495	161	18	0.111801	177	30	0.169492	109	14	0.12844
XM_01124 78914	Nadsyn1	chr7	1.44E+08	1.44E+08	694	2	0.002882	536	1	0.001866	620	7	0.01129	117	0	0	386	0	0	838	6	0.00716	528	1	0.001894	602	10	0.016611	268	1	0.003731	363	0	0	191	1	0.005236
XM_01124 78914	Nadsyn1	chr7	1.44E+08	1.44E+08	694	2	0.002882	536	1	0.001866	620	7	0.01129	117	0	0	386	0	0	838	6	0.00716	528	1	0.001894	602	10	0.016611	268	1	0.003731	363	0	0	191	1	0.005236
XM_01124 78914	Nadsyn1	chr7	1.44E+08	1.44E+08	694	2	0.002882	536	1	0.001866	620	7	0.01129	117	0	0	386	0	0	838	6	0.00716	528	1	0.001894	602	10	0.016611	268	1	0.003731	363	0	0	191	1	0.005236
XM_01124 79196	Osbpl5	chr7	1.44E+08	1.44E+08	255	227	0.890196	271	235	0.867159	298	269	0.902685	65	57	0.876923	115	106	0.921739	224	190	0.848214	290	250	0.862069	279	237	0.849462	74	56	0.756757	98	62	0.632653	33	26	0.787879
XM_01124 100043629	Gm10013	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100861668	Gm21119	chr8	20614407	20623485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13642	Efnb2	chr8	8617235	8647015	#N/A	#N/A	#N/A	28	23	0.821429	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	70	64	0.914286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	30	15	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 170779	Cd209d	chr8	3872136	3878548	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 19332	Rab20	chr8	11453513	11471326	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	10	6	0.6	33	3	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 20300	Ccl25	chr8	4325358	4360020	3441	18	0.005231	3277	35	0.010681	3467	27	0.007788	697	5	0.007174	1013	17	0.016782	3447	28	0.008123	2510	19	0.00757	2886	23	0.00797	896	2	0.002232	1404	4	0.002849	670	4	0.00597
XM_01124 20300	Ccl25	chr8	4325358	4359895	3441	18	0.005231	3277	35	0.010681	3467	27	0.007788	697	5	0.007174	1013	17	0.016782	3447	28	0.008123	2510	19	0.00757	2886	23	0.00797	896	2	0.002232	1404	4	0.002849	670	4	0.00597
XM_01124 20300	Ccl25	chr8	4325358	4360000	3441	18	0.005231	3277	35	0.010681	3467	27	0.007788	697	5	0.007174	1013	17	0.016782	3447	28	0.008123	2510	19	0.00757	2886	23	0.00797	896	2	0.002232	1404	4	0.002849	670	4	0.00597
XM_01124 20911	Stxbp2	chr8	3631144	3642795	761	21	0.027595	567	15	0.026455	738	29	0.039295	135	1	0.007407	433	1	0.002309	932	40	0.042918	546	2	0.003663	668	16	0.023952	329	10	0.030395	334	11	0.032934	186	2	0.010753
XM_01124 21781	Tfdp1	chr8	13338784	13378448	4029	26	0.006453	3958	27	0.006822	3929	32	0.008145	453	1	0.002208	675	2	0.002963	4016	18	0.004482	2971	16	0.005385	4186	17	0.004061	1027	1	0.000974	1142	5	0.004378	207	1	0.004831
XM_01124 234086	Erich1	chr8	14025882	14090338	1602	13	0.008115	1160	12	0.010345	1456	15	0.010302	301	1	0.003322	437	1	0.002288	1274	7	0.005495	1195	7	0.005858	1551	13	0.008382	478	0	0	647	3	0.004637	143	0	0
XM_01124 244329	Mcph1	chr8	18595116	18808089	3223	14	0.004344	2888	8	0.00277	3321	20	0.006022	698	1	0.001433	1456	4	0.002747	3303	35	0.010596	2629	11	0.004184	2778	15	0.0054	979	5	0.005107	1210	7	0.005785	373	1	0.002681
XM_01124 244329	Mcph1	chr8	18595116	18808089	3223	14	0.004344	2888	8	0.00277	3321	20	0.006022	698	1	0.001433	1456	4	0.002747	3303	35	0.010596	2629	11	0.004184	2778	15	0.0054	979	5	0.005107	1210	7	0.005785	373	1	0.002681
XM_01124 244329	Mcph1	chr8	18595116	18808089	3223	14	0.004344	2888	8	0.00277	3321	20	0.006022	698	1	0.001433	1456	4	0.002747	3303	35	0.010596	2629	11	0.004184	2778	15	0.0054	979	5	0.005107	1210	7	0.005785	373	1	0.002681
XM_01124 244329	Mcph1	chr8	18595116	18729739	3223	14	0.004344	2888	8	0.00277	3321	20	0.006022	698	1	0.001433	1456	4	0.002747	3303	35	0.010596	2629	11	0.004184	2778	15	0.0054	979	5	0.005107	1210	7	0.005785	373	1	0.002681
XM_01124 270028	Fam155a	chr8	9398685	9773329	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 319581	Xkr5	chr8	18934166	18951105	811	10	0.01233	641	7	0.01092	683	13	0.019034	73	0	0	178	4	0.022472	900	18	0.02	578	6	0.010381	787	23	0.029225	154	2	0.012987	208	14	0.067308	96	3	0.03125
XM_01124 50770	Atp11a	chr8	12757260	12868728	6544	235	0.035911	6386	180	0.028187	6512	222	0.034091	1392	74	0.053161	2301	55	0.023903	5945	183	0.030782	4479	194	0.043313	6621	185	0.027941	1687	88	0.052164	2150	81	0.037674	616	11	0.017857
XM_01124 50770	Atp11a	chr8	12757152	12868728	6544	235	0.035911	6386	180	0.028187	6512	222	0.034091	1392	74	0.053161	2301	55	0.023903	5945	183	0.030782	4479	194	0.043313	6621	185	0.027941	1687	88	0.052164	2150	81	0.037674	616	11	0.017857
XM_01124 50770	Atp11a	chr8	12757016	12868728	6544	235	0.035911	6386	180	0.028187	6512	222	0.034091	1392	74	0.053161	2301	55	0.023903	5945	183	0.030782	4479	194	0.043313	6621	185	0.027941	1687	88	0.052164	2150	81	0.037674	616	11	0.017857
XM_01124 66423	Coprs	chr8	13886045	13890352	3111	17	0.005464	3183	24	0.00754	3449	26	0.007538	303	0	0	1116	4	0.003584	3406	22	0.006459	2511	15	0.005974	2966	15	0.005057	1141	2	0.001753	1546	6	0.003881	462	1	0.002165
XM_01124 67439	Xab2	chr8	3610089	3619093	205	3	0.014634	212	2	0.009434	229	4	0.017467	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	225	4	0.017778	136	0	0	244	4	0.016393	81	0	0	92	1	0.01087	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 71941	Cars2	chr8	11514017	11550778	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_01124 72148	Tdrp	chr8	13952008	13975478	2082	39	0.018732	1588	20	0.012594	2170	37	0.017051	359	4	0.011142	625	16	0.0256	2207	49	0.022202	1382	23	0.016643	1738	37	0.021289	396	1	0.002525	973	16	0.016444	258	4	0.015504
XM_01124 72148	Tdrp	chr8	13952008	13975031	4059	65	0.016014	3636	36	0.009901	4196	59	0.014061	891	10	0.011223	1191	21	0.017632	4075	73	0.017914	2846	38	0.013352	3807	52	0.013659	899	9	0.010011	1886	19	0.010074	506	7	0.013834
XM_01124 72148	Tdrp	chr8	13952008	13975010	4083	66	0.016165	3660	38	0.010383	4232	60	0.014178	910	10	0.010989	1206	22	0.018242	4112	73	0.017753	2860	38	0.013287	3830	52	0.013577	909	9	0.009901	1899	19	0.010005	506	7	0.013834
XM_01124 72267	Lrrc8e	chr8	4224268	4237470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 73072	Prr36	chr8	4209478	4217530	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	95	10	0.105263	90	3	0.033333	34	7	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100504014	Gm15056	chr8	20900606	20901984	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 102247	Gpat4	chr8	23171265	23208440	4923	36	0.007313	5379	40	0.007436	5815	28	0.004815	1011	4	0.003956	1859	8	0.004303	5528	59	0.010673	4350	32	0.007356	5502	30	0.005453	1435	7	0.004878	1771	7	0.003953	353	3	0.008499
XM_01124 104271	Tex15	chr8	33517444	33585585	1972	36	0.018256	1758	23	0.013083	1938	45	0.02322	241	7	0.029046	456	30	0.065789	1846	47	0.02546	1733	57	0.032891	1851	89	0.048082	128	4	0.03125	485	21	0.043299	104	6	0.057692
XM_01124 11497	Adam3	chr8	24677237	24726377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11497	Adam3	chr8	24696180	24726377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11499	Adam5	chr8	24727356	24824364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11979	Atp7b	chr8	22009784	22039913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18970	Polb	chr8	22628128	22653462	1769	6	0.003392	1697	8	0.004714	1612	10	0.006203	381	0	0	518	1	0.001931	1417	13	0.009174	1347	6	0.004454	1524	9	0.005906	504	2	0.003968	717	1	0.001395	219	1	0.004566
XM_01124 20377	Sfrp1	chr8	23411383	23449632	3100	96	0.030968	3467	56	0.016152	3617	62	0.017141	273	2	0.007326	882	9	0.010204	2914	134	0.045985	2004	121	0.060379	3506	95	0.027096	743	24	0.032301	522	15	0.028736	234	9	0.038462
XM_01124 209176	Ido2	chr8	24539747	24576408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 211323	Nrg1	chr8	31809465	31838328	56	54	0.964286	60	55	0.916667	59	55	0.932203	#N/A	#N/A	#N/A	42	40	0.952381	75	69	0.92	51	49	0.960784	13	12	0.923077	46	42	0.913043	52	49	0.942308	11	10	0.909091
XM_01124 23808	Ash2l	chr8	25816875	25847689	19	19	1	21	16	0.761905	21	20	0.952381	12	12	1	18	13	0.722222	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	13	3	0.230769	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 244418	Prag1	chr8	36094827	36147787	3514	94	0.02675	3120	76	0.024359	3702	92	0.024851	842	24	0.028504	1409	30	0.021292	3512	67	0.019077	2456	45	0.018322	2835	50	0.017637	999	25	0.025025	1340	29	0.021642	720	10	0.013889
XM_01124 244431	Sgcz	chr8	37517840	38123133	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 244431	Sgcz	chr8	37563141	38661705	199	5	0.025126	110	3	0.027273	94	2	0.021277	112	8	0.071429	109	0	0	190	9	0.047368	188	11	0.058511	148	4	0.027027	16	1	0.0625	97	2	0.020619	48	2	0.041667
XM_01124 270035	Letm2	chr8	25578478	25589459	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 320158	Zmat4	chr8	23676382	24063117	97	92	0.948454	30	26	0.866667	54	51	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	59	54	0.915254	75	61	0.813333	26	19	0.730769	50	40	0.8	59	34	0.576271	30	22	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 320158	Zmat4	chr8	23669489	24063117	637	20	0.031397	589	14	0.023769	592	6	0.010135	58	0	0	81	0	0	560	41	0.073214	561	33	0.058824	620	52	0.083871	205	23	0.112195	232	21	0.090517	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22077764	22125418	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22074103	22125418	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22073615	22125418	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22074104	22125268	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22080107	22125418	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22079105	22125265	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_01124 330721	Nek5	chr8	22077753	22107931	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 50768	Dlc1	chr8	36658713	36952706	423	42	0.099291	306	31	0.101307	412	37	0.089806	30	2	0.066667	111	16	0.144144	432	48	0.111111	372	22	0.05914	314	29	0.092357	129	16	0.124031	177	23	0.129944	123	20	0.162602
XM_01124 50768	Dlc1	chr8	36788115	36952705	423	42	0.099291	306	31	0.101307	412	37	0.089806	30	2	0.066667	111	16	0.144144	432	48	0.111111	372	22	0.05914	314	29	0.092357	129	16	0.124031	177	23	0.129944	123	20	0.162602
XM_01124 67207	Lsm1	chr8	25785318	25797837	3906	21	0.005376	3906	21	0.005376	4110	28	0.006813	363	1	0.002755	1053	2	0.001899	3894	25	0.00642	3399	14	0.004119	4152	18	0.004335	1152	1	0.000868	1314	2	0.001522	419	2	0.004773
XM_01124 70952	Poteg	chr8	27447634	27579281	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	29	0.527273	10	3	0.3	11	2	0.181818	12	2	0.166667	20	6	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 72108	Ddhd2	chr8	25725346	25754420	5423	23	0.004241	5097	24	0.004709	5183	39	0.007525	947	2	0.002112	1502	7	0.00466	5268	32	0.006074	3757	21	0.00559	4358	18	0.00413	1746	14	0.008018	1862	14	0.007519	547	2	0.003656
XM_01124 72108	Ddhd2	chr8	25725346	25748507	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 72108	Ddhd2	chr8	25725346	25753146	5423	23	0.004241	5097	24	0.004709	5183	39	0.007525	947	2	0.002112	1502	7	0.00466	5268	32	0.006074	3757	21	0.00559	4358	18	0.00413	1746	14	0.008018	1862	14	0.007519	587	41	0.069847
XM_01124 75029	Purg	chr8	33385619	33389495	3691	49	0.013276	3223	46	0.014272	3880	43	0.011082	647	3	0.004637	1003	22	0.021934	4001	76	0.018995	3112	44	0.014139	3696	64	0.017316	909	11	0.012101	1184	17	0.014358	120	2	0.016667
XM_01124 75029	Purg	chr8	33385619	33417472	3691	49	0.013276	3223	46	0.014272	3880	43	0.011082	647	3	0.004637	1003	22	0.021934	4001	76	0.018995	3112	44	0.014139	3696	64	0.017316	909	11	0.012101	1184	17	0.014358	120	2	0.016667
XM_01124 76615	Got1l1	chr8	27197459	27223845	101	68	0.673267	87	58	0.666667	67	47	0.701493	#N/A	#N/A	#N/A	24	11	0.458333	102	76	0.745098	59	24	0.40678	80	45	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	33	18	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 109821	F11	chr8	45240659	45253111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 14107	Fat1	chr8	44935892	45052257	628	13	0.020701	565	15	0.026549	558	18	0.032258	71	1	0.014085	340	9	0.026471	869	18	0.020713	362	3	0.008287	516	6	0.011628	222	9	0.040541	376	6	0.015957	107	2	0.018692
XM_01124 16363	Irf2	chr8	46740252	46847458	6145	32	0.005207	6043	46	0.007612	6921	64	0.009247	1337	8	0.005984	1730	3	0.001734	7073	39	0.005514	5348	27	0.005049	6792	25	0.003681	1861	4	0.002149	1903	5	0.002627	663	1	0.001508
XM_01124 17773	Mtnr1a	chr8	45085097	45089233	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18536	Pcm1	chr8	41239484	41313982	1747	8	0.004579	1415	8	0.005654	1411	7	0.004961	118	0	0	654	3	0.004587	1765	8	0.004533	1090	8	0.007339	1463	8	0.005468	387	2	0.005168	635	4	0.006299	154	3	0.019481
XM_01124 212326	Fam149a	chr8	45338589	45382286	1757	82	0.04667	1470	65	0.044218	1672	72	0.043062	293	20	0.068259	686	34	0.049563	1594	104	0.065245	1209	130	0.107527	1364	97	0.071114	521	39	0.074856	518	57	0.110039	375	24	0.064
XM_01124 21892	Tll1	chr8	64013098	64205527	3510	62	0.017664	3437	59	0.017166	3576	35	0.009787	380	3	0.007895	1312	18	0.01372	3266	89	0.02725	2573	69	0.026817	2874	89	0.030967	1026	24	0.023392	1237	73	0.059014	296	16	0.054054
XM_01124 22702	Zfp42	chr8	43295067	43300617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234199	Fgl1	chr8	41191434	41217978	30	8	0.266667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	14	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	13	3	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234199	Fgl1	chr8	41191436	41215194	68	31	0.455882	82	25	0.304878	68	17	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	46	26	0.565217	63	25	0.396825	54	20	0.37037	64	20	0.3125	27	16	0.592593	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234219	Helt	chr8	46292043	46293564	2468	109	0.044165	2229	80	0.035891	2312	73	0.031574	309	12	0.038835	766	21	0.027415	2504	151	0.060304	1816	92	0.050661	2123	57	0.026849	691	15	0.021708	761	16	0.021025	177	10	0.056497
XM_01124 234311	Ddx60	chr8	61928087	61986089	302	3	0.009934	213	0	0	260	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	254	5	0.019685	262	3	0.01145	182	2	0.010989	112	0	0	77	1	0.012987	77	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 23965	Tenm3	chr8	48225673	48844175	4243	92	0.021683	4152	79	0.019027	4890	112	0.022904	1138	14	0.012302	1926	36	0.018692	4391	77	0.017536	3478	95	0.027315	4049	41	0.010126	1226	6	0.004894	1569	32	0.020395	538	6	0.011152
XM_01124 23965	Tenm3	chr8	48225673	48843958	4900	97	0.019796	4579	82	0.017908	5450	121	0.022202	1160	15	0.012931	2114	38	0.017975	5227	89	0.017027	3998	101	0.025263	4657	47	0.010092	1310	6	0.00458	1763	32	0.018151	538	6	0.011152
XM_01124 23965	Tenm3	chr8	48225673	48844013	4769	96	0.02013	4489	81	0.018044	5285	121	0.022895	1160	15	0.012931	2114	38	0.017975	4988	86	0.017241	3861	101	0.026159	4523	46	0.01017	1300	6	0.004615	1713	32	0.018681	538	6	0.011152
XM_01124 244448	Triml1	chr8	43129806	43142670	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 244448	Triml1	chr8	43129865	43180391	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 320981	Enpp6	chr8	46939197	47096723	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 382010	Cep44	chr8	56532985	56550784	1264	9	0.00712	1072	3	0.002799	1204	7	0.005814	98	1	0.010204	727	5	0.006878	1228	2	0.001629	971	10	0.010299	938	4	0.004264	548	2	0.00365	776	0	0	105	0	0
XM_01124 59009	Sh3rf1	chr8	61224083	61465293	3424	122	0.035631	2918	101	0.034613	3273	87	0.026581	484	15	0.030992	1043	57	0.05465	3424	138	0.040304	2200	86	0.039091	2960	90	0.030405	813	38	0.04674	1056	18	0.017045	281	12	0.042705
XM_01124 71069	Stox2	chr8	47180048	47220312	245	231	0.942857	255	232	0.909804	263	250	0.95057	37	35	0.945946	136	129	0.948529	238	208	0.87395	163	141	0.865031	271	237	0.874539	96	87	0.90625	75	63	0.84	34	32	0.941176
XM_01124 72333	Palld	chr8	61511431	61902700	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 100038489	Apela	chr8	65028417	65037230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 110385	Pde4c	chr8	70723959	70751177	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	112	66	0.589286	110	35	0.318182	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 110385	Pde4c	chr8	70723835	70749027	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	112	66	0.589286	110	35	0.318182	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 110385	Pde4c	chr8	70723972	70751177	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	112	66	0.589286	110	35	0.318182	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 110385	Pde4c	chr8	70742996	70751177	178	119	0.668539	171	113	0.660819	181	129	0.712707	101	71	0.70297	116	65	0.560345	259	133	0.513514	152	100	0.657895	178	109	0.61236	42	26	0.619048	77	49	0.636364	36	24	0.666667
XM_01124 110877	Slc18a1	chr8	69038125	69089235	997	8	0.008024	790	15	0.018987	923	8	0.008667	268	0	0	351	0	0	881	4	0.00454	705	5	0.007092	801	4	0.004994	215	0	0	312	2	0.00641	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13864	Nr2f6	chr8	71374118	71380833	11051	103	0.00932	10967	88	0.008024	11438	89	0.007781	1819	5	0.002749	2222	18	0.008101	12202	155	0.012703	9534	97	0.010174	12969	92	0.007094	2474	12	0.00485	3494	14	0.004007	1086	0	0
XM_01124 13864	Nr2f6	chr8	71374118	71378368	195	31	0.158974	188	47	0.25	147	26	0.176871	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	288	108	0.375	194	58	0.298969	308	94	0.305195	60	4	0.066667	75	10	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 16161	Il12rb1	chr8	70812014	70823542	120	95	0.791667	130	92	0.707692	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	120	94	0.783333	100	84	0.84	166	124	0.746988	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 211135	D130040H	chr8	69271060	69303384	116	1	0.008621	10	0	0	86	1	0.011628	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	102	4	0.039216	61	8	0.131148	72	2	0.027778	61	1	0.016393	12	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 211135	D130040H	chr8	69271199	69303384	116	1	0.008621	10	0	0	86	1	0.011628	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	102	4	0.039216	61	8	0.131148	72	2	0.027778	61	1	0.016393	12	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234353	Psd3	chr8	67884839	68206064	167	67	0.401198	168	64	0.380952	191	83	0.434555	14	2	0.142857	78	27	0.346154	144	49	0.340278	131	53	0.40458	128	55	0.429688	57	27	0.473684	46	14	0.304348	22	14	0.636364
XM_01124 234356	Csgalnact1	chr8	68356781	68735621	1171	15	0.01281	890	16	0.017978	1231	18	0.014622	201	1	0.004975	417	15	0.035971	994	8	0.008048	893	59	0.066069	924	25	0.027056	495	3	0.006061	506	2	0.003953	305	1	0.003279
XM_01124 234362	Zfp868	chr8	69610654	69625557	70	11	0.157143	166	14	0.084337	111	17	0.153153	#N/A	#N/A	#N/A	92	12	0.130435	342	20	0.05848	226	17	0.075221	181	17	0.093923	#N/A	#N/A	#N/A	123	1	0.00813	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234362	Zfp868	chr8	69610654	69625423	70	11	0.157143	166	14	0.084337	111	17	0.153153	#N/A	#N/A	#N/A	92	12	0.130435	342	20	0.05848	226	17	0.075221	181	17	0.093923	#N/A	#N/A	#N/A	123	1	0.00813	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234362	Zfp868	chr8	69610654	69625553	70	11	0.157143	166	14	0.084337	111	17	0.153153	#N/A	#N/A	#N/A	92	12	0.130435	342	20	0.05848	226	17	0.075221	181	17	0.093923	#N/A	#N/A	#N/A	123	1	0.00813	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 234366	Gatad2a	chr8	69908650	69996393	4322	47	0.010875	3371	33	0.009789	3598	43	0.011951	494	0	0	1164	16	0.013746	4503	42	0.009327	2893	25	0.008642	3831	36	0.009397	1144	2	0.001748	1047	4	0.00382	235	2	0.008511
XM_01124 234371	Tmem161a	chr8	70172329	70183664	141	120	0.851064	184	154	0.836957	157	135	0.859873	49	45	0.918367	104	89	0.855769	187	160	0.855615	147	138	0.938776	131	117	0.89313	51	46	0.901961	107	89	0.831776	75	68	0.906667

XM_01124 72193	Scaf11	chr15	96411699	96460690	7912	33	0.004171	7823	51	0.006519	8457	43	0.005085	1092	2	0.001832	1886	3	0.001591	8253	59	0.007149	7837	39	0.004976	8977	54	0.006015	1445	3	0.002076	2082	3	0.001441	516	5	0.00969
XM_01124 72572	Spats2	chr15	99125926	99213215	4194	42	0.010014	4087	21	0.005138	4080	32	0.007843	536	2	0.003731	470	2	0.004255	4155	37	0.008905	3980	24	0.00603	4030	24	0.005955	1242	10	0.008052	1137	7	0.006157	490	4	0.008163
XM_01124 72778	Dnajc22	chr15	99099134	99104689	1516	54	0.03562	1211	24	0.019818	1500	37	0.024667	148	7	0.047297	323	9	0.027864	1834	76	0.041439	1260	22	0.01746	1598	18	0.011264	424	20	0.04717	437	9	0.020595	126	0	0
XM_01124 73542	Tssk5	chr15	76372118	76375189	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 73542	Tssk5	chr15	76372156	76375188	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 73542	Tssk5	chr15	76372361	76375191	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 73542	Tssk5	chr15	76372422	76375190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 73542	Tssk5	chr15	76372181	76375191	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74174	Gtsf1	chr15	1.03E+08	1.03E+08	68	60	0.882353	103	93	0.902913	126	118	0.936508	#N/A	#N/A	#N/A	121	111	0.917355	42	38	0.904762	56	49	0.875	73	63	0.863014	74	53	0.716216	44	33	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74174	Gtsf1	chr15	1.03E+08	1.03E+08	68	60	0.882353	103	93	0.902913	126	118	0.936508	#N/A	#N/A	#N/A	121	111	0.917355	42	38	0.904762	56	49	0.875	73	63	0.863014	74	53	0.716216	44	33	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74174	Gtsf1	chr15	1.03E+08	1.03E+08	68	60	0.882353	103	93	0.902913	126	118	0.936508	#N/A	#N/A	#N/A	121	111	0.917355	42	38	0.904762	56	49	0.875	73	63	0.863014	74	53	0.716216	44	33	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74548	Gsdmc4	chr15	63891140	63911834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74548	Gsdmc4	chr15	63891140	63911636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74548	Gsdmc4	chr15	63891140	63904506	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74548	Gsdmc4	chr15	63891140	63911834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 74868	Tmem65	chr15	58797253	58823663	6168	28	0.00454	5305	30	0.005655	6603	52	0.007875	1141	15	0.013146	2101	24	0.011423	6540	48	0.007339	5654	33	0.005837	5278	35	0.006631	1538	2	0.0013	2026	4	0.001974	904	2	0.002212
XM_01124 75729	Fam227a	chr15	79610990	79649714	184	178	0.967391	148	138	0.932432	76	73	0.960526	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	106	96	0.90566	84	79	0.940476	189	176	0.931217	#N/A	#N/A	#N/A	69	66	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 75729	Fam227a	chr15	79611973	79658924	2260	102	0.045133	2092	145	0.069312	2324	165	0.070998	288	1	0.003472	778	85	0.109254	1927	109	0.056565	2041	23	0.011269	2011	94	0.046743	722	81	0.112188	989	128	0.129424	123	2	0.01626
XM_01124 75729	Fam227a	chr15	79610990	79637106	165	151	0.915152	123	119	0.96748	148	142	0.959459	24	24	1	42	40	0.952381	178	165	0.926966	188	151	0.803191	117	95	0.811966	42	38	0.904762	10	10	1	26	22	0.846154
XM_01124 75729	Fam227a	chr15	79610990	79658924	2260	102	0.045133	2092	145	0.069312	2324	165	0.070998	288	1	0.003472	778	85	0.109254	1927	109	0.056565	2041	23	0.011269	2011	94	0.046743	722	81	0.112188	989	128	0.129424	123	2	0.01626
XM_01124 75761	Apol7a	chr15	77388219	77398931	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 78541	Asb8	chr15	98134637	98165594	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	1	0.071429	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 83925	Trps1	chr15	50654757	50890175	1247	15	0.012029	853	8	0.009379	1135	6	0.005286	128	1	0.007813	260	0	0	1029	13	0.012634	1359	21	0.015453	1450	15	0.010345	123	6	0.04878	276	2	0.007246	62	0	0
XM_01124 83925	Trps1	chr15	50654757	50888025	1157	34	0.029386	821	18	0.021924	894	24	0.026846	284	7	0.024648	270	4	0.014815	968	41	0.042355	887	112	0.126268	844	37	0.043839	301	25	0.083056	444	11	0.024775	156	6	0.038462
XM_01124 83925	Trps1	chr15	50654757	50890175	1247	15	0.012029	853	8	0.009379	1135	6	0.005286	128	1	0.007813	260	0	0	1029	13	0.012634	1359	21	0.015453	1450	15	0.010345	123	6	0.04878	276	2	0.007246	62	0	0
XM_01124 83925	Trps1	chr15	50654757	50890631	1193	15	0.012573	789	8	0.010139	1073	6	0.005592	86	0	0	241	0	0	994	12	0.012072	1288	19	0.014752	1390	12	0.008633	109	3	0.027523	250	0	0	62	0	0
XM_01124 102634841	Gm38469	chr15	96134817	96287398	12994	71	0.005464	13780	83	0.006023	14031	84	0.005987	2330	4	0.001717	3307	11	0.003326	14668	124	0.008454	13818	71	0.005138	15306	111	0.007252	3597	10	0.00278	4498	16	0.003557	604	3	0.004967
XM_01124 106248	Qtrt2	chr16	43861407	43889797	1175	6	0.005106	941	7	0.007439	1151	7	0.006082	316	0	0	505	0	0	1386	16	0.011544	1196	9	0.007525	980	11	0.011224	573	2	0.00349	445	2	0.004494	359	1	0.002786
XM_01124 106326	Osbpl11	chr16	33169763	33243266	158	142	0.898734	169	151	0.893491	196	176	0.897959	#N/A	#N/A	#N/A	110	102	0.927273	136	113	0.830882	131	109	0.832061	161	117	0.726708	86	58	0.674419	86	65	0.755814	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 106338	Nsun3	chr16	62771750	62786884	1886	28	0.014846	1944	34	0.01749	2036	23	0.011297	459	3	0.006536	1244	30	0.024116	2226	29	0.013028	2171	19	0.008752	2126	15	0.007056	872	7	0.008028	1067	16	0.014995	226	1	0.004425
XM_01124 106389	Eaf2	chr16	36800615	36828319	899	12	0.013348	1026	5	0.004873	1121	12	0.010705	90	1	0.011111	434	1	0.002304	975	2	0.002051	1069	6	0.005613	980	4	0.004082	140	1	0.007143	225	0	0	66	0	0
XM_01124 11515	Adcy9	chr16	4284886	4420330	5577	60	0.010758	4359	54	0.012388	5140	43	0.008366	422	2	0.004739	1407	30	0.021322	5526	96	0.017372	4787	71	0.014832	4347	64	0.014723	1377	29	0.02106	1523	20	0.013132	540	18	0.033333
XM_01124 11515	Adcy9	chr16	4284886	4437236	65	46	0.707692	24	16	0.666667	43	30	0.697674	33	17	0.515152	25	21	0.84	56	31	0.553571	52	28	0.538462	44	33	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	26	19	0.730769	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 11877	Arvcf	chr16	18389160	18406308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 12265	Ciita	chr16	10489695	10531064	342	295	0.862573	222	173	0.779279	355	301	0.847887	56	47	0.839286	36	21	0.583333	331	247	0.746224	235	161	0.685106	257	184	0.715953	112	71	0.633929	78	48	0.615385	30	17	0.566667
XM_01124 12524	Cd86	chr16	36603874	36642502	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 12667	Chrd	chr16	20733050	20742382	3694	69	0.018679	3904	33	0.008453	3894	72	0.01849	605	22	0.036364	901	11	0.012209	4052	81	0.01999	3508	87	0.0248	4148	73	0.017599	754	14	0.018568	1122	9	0.008021	11	2	0.181818
XM_01124 12667	Chrd	chr16	20733050	20742382	3694	69	0.018679	3904	33	0.008453	3894	72	0.01849	605	22	0.036364	901	11	0.012209	4052	81	0.01999	3508	87	0.0248	4148	73	0.017599	754	14	0.018568	1122	9	0.008021	11	2	0.181818
XM_01124 12667	Chrd	chr16	20733050	20742382	3694	69	0.018679	3904	33	0.008453	3894	72	0.01849	605	22	0.036364	901	11	0.012209	4052	81	0.01999	3508	87	0.0248	4148	73	0.017599	754	14	0.018568	1122	9	0.008021	11	2	0.181818
XM_01124 12667	Chrd	chr16	20731425	20742382	163	69	0.423313	98	20	0.204082	157	56	0.356688	36	20	0.555556	39	12	0.307692	200	75	0.375	165	62	0.375758	181	63	0.348066	32	10	0.3125	16	1	0.0625	16	1	0.0625
XM_01124 13840	Epha6	chr16	60397825	60610911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13972	Gnb1l	chr16	18526142	18566680	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	21	18	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 13972	Gnb1l	chr16	18497386	18566680	236	229	0.970339	244	232	0.95082	298	281	0.942953	21	18	0.857143	150	139	0.926667	300	273	0.91	142	120	0.84507	122	98	0.803279	183	163	0.89071	142	123	0.866197	30	26	0.866667
XM_01124 13972	Gnb1l	chr16	18498897	18566680	3609	243	0.067332	3031	245	0.080831	4176	311	0.074473	620	18	0.029032	1371	141	0.102845	3747	279	0.07446	3169	135	0.0426	2658	107	0.040256	1108	167	0.150722	1208	125	0.103477	331	27	0.081571
XM_01124 13972	Gnb1l	chr16	18498897	18566680	3609	243	0.067332	3031	245	0.080831	4176	311	0.074473	620	18	0.029032	1371	141	0.102845	3747	279	0.07446	3169	135	0.0426	2658	107	0.040256	1108	167	0.150722	1208	125	0.103477	331	27	0.081571
XM_01124 13972	Gnb1l	chr16	18497386	18566680	236	229	0.970339	244	232	0.95082	298	281	0.942953	21	18	0.857143	150	139	0.926667	300	273	0.91	142	120	0.84507	122	98	0.803279	183	163	0.89071	142	123	0.866197	30	26	0.866667
XM_01124 18171	Nr1i2	chr16	38249198	38294839	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 18171	Nr1i2	chr16	38250795	38294839	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 19090	Prkdc	chr16	15724794	15842236	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 19128	Pros1	chr16	62890334	62929346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 20357	Sema5b	chr16	35541154	35664261	4652	102	0.021926	5111	104	0.020348	5347	92	0.017206	347	5	0.014409	1663	34	0.020445	4654	159	0.034164	4750	132	0.027789	4742	136	0.02868	1272	44	0.034591	1558	34	0.021823	396	8	0.020202
XM_01124 20357	Sema5b	chr16	35541154	35658587	4652	102	0.021926	5111	104	0.020348	5347	92	0.017206	347	5	0.014409	1663	34	0.020445	4654	159	0.034164	4750	132	0.027789	4742	136	0.02868	1272	44	0.034591	1558	34	0.021823	396	8	0.020202
XM_01124 20440	St6gal1	chr16	23250800	23360348	32	27	0.84375	18	12	0.666667	12	8	0.666667	10	9	0.9	14	10	0.714286	18	15	0.833333	29	25	0.862069	24	21	0.875	14	6	0.428571	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 207227	Stxbp5l	chr16	37107075	37297585	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 207227	Stxbp5l	chr16	37107075	37225134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 207683	Igsf11	chr16	38892476	39027159	97	88	0.907216	81	69	0.851852	90	82	0.911111	#N/A	#N/A	#N/A	75	67	0.893333	105	98	0.933333	69	53	0.768116	108	84	0.777778	54	45	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 207798	Gramd1c	chr16	43980350	44065380	101	99	0.980198	62	61	0.983871	106	103	0.971698	#N/A	#N/A	#N/A	75	72	0.96	120	111	0.925	122	112	0.918033	76	70	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 208166	Gm609	chr16	45411767	45454968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 208166	Gm609	chr16	45411767	45493004	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	40	31	0.775	22	14	0.636364	42	34	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 208177	Phldb2	chr16	45746243	45953442	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 208211	Alg1	chr16	5236395	5244909	136	119	0.875	99	92	0.929293	144	138	0.958333	41	40	0.97561	125	118	0.944	212	191	0.900943	146	129	0.883562	165	148	0.89697	27	24	0.888889	118	112	0.949153	12	12	1
XM_01124 208643	Eif4g1	chr16	20672720	20692883	4809	21	0.004367	5423	37	0.006823	5411	17	0.003142	727	2	0.002751	1472	5	0.003397	4921	47	0.009551	4825	35	0.007254	5579	36	0.006453	1558	4	0.002567	1299	3	0.002309	136	0	0
XM_01124 212517	Cfap44	chr16	44394748	44482694	251	93	0.370518	235	88	0.374468	246	82	0.333333	12	1	0.083333	126	38	0.301587	210	62	0.295238	184	57	0.309783	196	77	0.392857	162	64	0.395062	106	49	0.462264	40	38	0.95
XM_01124 224014	Fgd4	chr16	16416910	16600534	2588	22	0.008501	2423	14	0.005778	2390	26	0.010879	254	0	0	760	5	0.006579	2184	22	0.010073	2123	8	0.003768	2222	15	0.006751	610	0	0	828	6	0.007246	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 224088	Atp13a3	chr16	30312423	30388528	5349	53	0.009908	5738	55	0.009585	5432	46	0.008468	472	1	0.002119	1317	8	0.006074	4764	60	0.012594	5090	63	0.012377	6457	67	0.010376	1216	3	0.002467	1154	9	0.007799	214	0	0
XM_01124 224111	Ubxn7	chr16	32332206	32380668	2958	38	0.012847	2890	36	0.012457	3154	46	0.014585	486	3	0.006173	842	1	0.001188	2873	25	0.008702	2644	26	0.009834	2693	32	0.011883	962	15	0.015593	826	3	0.003632	327	0	0
XM_01124 224139	Golgb1	chr16	36875173	36933081	3005	15	0.004992	2889	15	0.005192	3526	23	0.006523	646	1	0.001548	1299	4	0.003079	3352	25	0.007458	2820	20	0.007092	3066	12	0.003914	1032	0	0	1119	3	0.002681	515	6	0.01165
XM_01124 224250	Cldnd1	chr16	58727924	58734240	2583	122	0.047232	2373	94	0.039612	2476	105	0.042407	368	0	0	855	43	0.050292	2764	94	0.034009	2646	85	0.032124	2807	76	0.027075	623	9	0.014446	858	43	0.050117	267	1	0.003745
XM_01124 224291	Csnka2ip	chr16	64477810	64556151	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 22661	Zfp148	chr16	33381167	33498645	3929	27	0.006872	3743	25	0.006679	3561	27	0.007582	432	1	0.002315	823	7	0.008505	3866	32	0.008277	3661	22	0.006009	3299	13	0.003941	1188	3	0.002525	767	3	0.003911	218	1	0.004587
XM_01124 239839	Ccdc14	chr16	34690557	34721517	732	21	0.028689	670	20	0.029851	807	20	0.024783	298	7	0.02349	328	21	0.064024	723	24	0.033195	615	24	0.039024	517	17	0.032882	280	17	0.060714	263	11	0.041825	83	2	0.024096
XM_01124 239839	Ccdc14	chr16	34715429	34725204	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	10	10	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 239845	Gpr156	chr16	37916185	37997934	2539	83	0.03269	2553	96	0.037603	2477	73	0.029471	534	12	0.022472	760	22	0.028947	2278	69	0.03029	2061	69	0.033479	2051	46	0.022428	734	34	0.046322	955	58	0.060733	438	19	0.043379
XM_01124 239849	Cd200r4	chr16	44811672	44839134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 239853	Adgrg7	chr16	56747353	56796006	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 245308	Zdhhc19	chr16	32496241	32507214	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 268857	Nlrc3	chr16	3943807	3979017	76	72	0.947368	90	86	0.955556	121	120	0.991736	#N/A	#N/A	#N/A	93	87	0.935484	111	109	0.981982	87	87	1	93	90	0.967742	89	85	0.955056	74	71	0.959459	11	11	1
XM_01124 268857	Nlrc3	chr16	3943807	3979017	76	72	0.947368	90	86	0.955556	121	120	0.991736	#N/A	#N/A	#N/A	93	87	0.935484	111	109	0.981982	87	87	1	93	90	0.967742	89	85	0.955056	74	71	0.959459	11	11	1
XM_01124 268857	Nlrc3	chr16	3943807	3976420	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7409988	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7409988	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7409988	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7409988	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7409988	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7409988	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 268859	Rbfox1	chr16	6348882	7412480	352	24	0.068182	287	20	0.069686	359	19	0.052925	58	6	0.103448	144	2	0.013889	372	38	0.102151	206	16	0.07767	232	17	0.073276	112	15	0.133929	117	11	0.094017	57	12	0.210526
XM_01124 27883	Tango2	chr16	18300825	18331465	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 27886	Ess2	chr16	17901765	17911339	1717	14	0.008154	1752	15	0.008562	1871	15	0.008017	546	3	0.005495	700	6	0.008571	1795	14	0.007799	1495	7	0.004682	1640	22	0.013415	634	3	0.004732	842	5	0.005938	282	0	0
XM_01124 27886	Ess2	chr16	17901765	17911315	1717	14	0.008154	1752	15	0.008562	1871	15	0.008017	546	3	0.005495	700	6	0.008571	1795	14	0.007799	1495	7	0.004682	1640	22	0.013415	634	3	0.004732	842	5	0.005938	282	0	0
XM_01124 332175	Zdhhc23	chr16	43965033	43979820	3517	286	0.081319	3713	200	0.053865	4014	318	0.079223	215	57	0.265116	1086	138	0.127072	3376	309	0.091528	3579	276	0.077117	3571	217	0.060767	915	99	0.108197	1190	172	0.144538	169	79	0.467456
XM_01124 332175	Zdhhc23	chr16	43965033	43979708	3517	286	0.081319	3713	200	0.053865	4014	318	0.079223	215	57	0.265116	1086	138	0.127072	3376	309	0.091528	3579	276	0.077117	3571	217	0.060767	915	99	0.108197	1190	172	0.144538	169	79	0.467456
XM_01124 332175	Zdhhc23	chr16	43965033	43978992	3394	169	0.049794	3644	131	0.03595	3867	174	0.044996	161	5	0.031056	1023	77	0.075269	3217	155	0.048182	3441	139	0.040395	3466	114	0.032891	885	72	0.081356	1119	101	0.090259	124	36	0.290323
XM_01124 385658	Nxpe3	chr16	55843196	55897104	186	119	0.639785	164	107	0.652439	134	65	0.485075	12	7	0.583333	63	50	0.793651	114	60	0.526316	110	62	0.563636	169	121	0.715976	33	19	0.575758	85	61	0.717647	11	1	0.090909
XM_01124 385658	Nxpe3	chr16	55843196	55895281	3087	68	0.022028	3113	77	0.024735	3194	20	0.006262	430	0	0	901	38	0.042175	2875	9	0.00313	2477	28	0.011304	2335	53	0.022698	730	6	0.008219	938	32	0.034115	197	1	0.005076
XM_01124 385658	Nxpe3	chr16	55843196	55897104	186	119	0.639785	164	107	0.652439	134	65	0.485075	12	7	0.583333	63	50	0.793651	114	60	0.526316	110	62	0.563636	169	121	0.715976	33	19	0.575758	85	61	0.717647	11	1	0.090909
XM_01124 385658	Nxpe3	chr16	55843196	55897104	186	119	0.639785	164	107	0.652439	134	65	0.485075	12	7	0.583333	63	50	0.793651	114	60	0.526316	110	62	0.563636	169	121	0.715976	33	19	0.575758	85	61	0.717647	11	1	0.090909
XM_01124 385674	Zfp174	chr16	3847190	3872455	1029	34	0.033042	841	21	0.02497	833	41	0.04922	112	0	0	471	17	0.036093	1017	29	0.028515	984	10	0.010163	753	36	0.047809	335	7	0.020896	422	21	0.049763	128	2	0.015625
XM_01124 51789	Tnk2	chr16	32644099	32683493	2759	37	0.013411	2731	17	0.006225	2822	29	0.010276	320	4	0.0125	396	10	0.025253	3232	14	0.004332	2625	14	0.005333	2450	14	0.005714	606	7	0.011551	883	17	0.019253	162	1	0.006173
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34517316	59	44	0.745763	39	25	0.641026	46	25	0.543478	#N/A	#N/A	#N/A	21	13	0.619048	64	54	0.84375	40	28	0.7	37	26	0.702703	12	6	0.5	11	5	0.454545	11	8	0.727273
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34573277	8183	107	0.013076	8269	93	0.011247	9125	125	0.013699	862	8	0.009281	1979	17	0.00859	7816	107	0.01369	7535	89	0.011812	8598	100	0.011631	1552	13	0.008376	1438	28	0.019471	460	6	0.013043
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34490742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34490742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	33969073	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	34008305	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	34012959	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	34012959	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	34012966	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	34152023	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 545156	Kalrn	chr16	34175827	34542190	27	27	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	18	17	0.944444	18	14	0.777778	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 54613	St3gal6	chr16	58469742	58523496	1895	24	0.012665	1693	17	0.010041	1952	20	0.010246	311	1	0.003215	621	6	0.009662	2088	35	0.016762	1631	19	0.011649	1408	18	0.012784	614	6	0.009772	829	7	0.008444	195	1	0.005128
XM_01124 54613	St3gal6	chr16	58469742	58509699	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 54613	St3gal6	chr16	58469742	58500372	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 54613	St3gal6	chr16	58469742	58497666	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 54613	St3gal6	chr16	58469742	58523496	1895	24	0.012665	1693	17	0.010041	1952	20	0.010246	311	1	0.003215	621	6	0.009662	2088	35	0.016762	1631	19	0.011649	1408	18	0.012784	614	6	0.009772	829	7	0.008444	195	1	0.005128
XM_01124 54613	St3gal6	chr16	58470737	58523496	1895	24	0.012665	1693	17	0.010041	1952	20	0.010246	311	1	0.003215	621	6	0.009662	2088	35	0.016762	1631	19	0.011649	1408	18	0.012784	614	6	0.009772	829	7	0.008444	195	1	0.005128
XM_01124 56375	B4galt4	chr16	38751139	38768849	149	134	0.899329	98	85	0.867347	133	122	0.917293	20	17	0.85	36	31	0.861111	66	51	0.772727	122	87	0.713115	87	67	0.770115	43	26	0.604651	42	32	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907397	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907507	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907397	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907397	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907397	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907422	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42875689	43634392	2838	25	0.008809	2667	26	0.009749	3028	24	0.007926	389	2	0.005141	1147	6	0.005231	3163	26	0.00822	2928	12	0.004098	2915	22	0.007547	529	1	0.00189	860	3	0.003488	176	1	0.005682
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907454	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907454	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	43363898	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907397	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 56490	Zbtb20	chr16	42907397	43634392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 66497	Cmss1	chr16	57301999	57342001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 67203	Nde1	chr16	14169451	14192849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	31	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 67501	Ccdc50	chr16	27387065	27452218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 69009	Thap7	chr16	17527959	17531151	2437	90	0.036931	2126	106	0.049859	2337	85	0.036371	415	2	0.004819	1387	32	0.023071	2732	112	0.040996	2009	81	0.040319	2215	117	0.052822	1078	39	0.036178	1080	48	0.044444	369	11	0.02981
XM_01124 69707	Iqcg	chr16	33014539	33056042	1121	12	0.010705	1045	12	0.011483	1105	9	0.008145	180	0	0	405	0	0	1070	7	0.006542	948	4	0.004219	1044	12	0.011494	315	13	0.04127	391	0	0	96	1	0.010417
XM_01124 70508	Bbx	chr16	50191857	50432330	3475	28	0.008058	3771	21	0.005569	3570	32	0.008964	455	2	0.004396	1109	3	0.002705	3528	16	0.004535	3538	20	0.005653	4047	23	0.005683	612	4	0.006536	719	2	0.002782	112	3	0.026786
XM_01124 70508	Bbx	chr16	50191844	50364531	13	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	10	0	0	46	0	0	33	1	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 70508	Bbx	chr16	50191857	50432330	3475	28	0.008058	3771	21	0.005569	3570	32	0.008964	455	2	0.004396	1109	3	0.002705	3528	16	0.004535	3538	20	0.005653	4047	23	0.005683	612	4	0.006536	719	2	0.002782	112	3	0.026786
XM_01124 70508	Bbx	chr16	50196603	50432330	3475	28	0.008058	3771	21	0.005569	3570	32	0.008964	455	2	0.004396	1109	3	0.002705	3528	16	0.004535	3538	20	0.005653	4047	23	0.005683	612	4	0.006536	719	2	0.002782	112	3	0.026786
XM_01124 70508	Bbx	chr16	50196845	50432390	3475	28	0.008058	3771	21	0.005569	3570	32	0.008964	455	2	0.004396	1109	3	0.002705	3528	16	0.004535	3538	20	0.005653	4047	23	0.005683	612	4	0.006536	719	2	0.002782	112	3	0.026786
XM_01124 70573	Tbccd1	chr16	22818441	22844648	455	56	0.123077	552	33	0.059783	497	66	0.132797	92	1	0.01087	230	41	0.178261	473	149	0.315011	594	42	0.070707	602	27	0.04485	187	84	0.449198	199	17	0.085427	38	2	0.052632
XM_01124 70620	Ube2v2	chr16	15552676	15593845	2063	11	0.005332	1610	9	0.00559	2087	11	0.005271	344	1	0.002907	374	4	0.010695	2385	14	0.00587	2197	11	0.005007	1959	8	0.004084	429	1	0.002331	720	2	0.002778	151	1	0.006623
XM_01124 71027	Tmem30c	chr16	57266390	57293184	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 71027	Tmem30c	chr16	57266390	57293184	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 71751	Map3k13	chr16	21873180	21933439	17	16	0.941176	13	13	1	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	17	16	0.941176	27	23	0.851852	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 71751	Map3k13	chr16	21846227	21933439	28	7	0.25	44	21	0.477273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	20	0.454545	101	40	0.39604	30	17	0.566667	26	16	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01124 72020	Zfp654	chr16	64780347	64851937	4279	32	0.007478	4629	25	0.005401	5253	32	0.006092	365	2	0.005479	983	6	0.006104	4699	18	0.003831	5069	26	0.005129	5684	34	0.005982	1047	4	0.00382	1249	4	0.003203	168	1	0.005952
XM_01124 73379	Dcbld2	chr16	58408732	58469110	3840	33	0.008594	3984	33	0.008283	4070	39	0.009582	371	4	0.010782	1027	5	0.004869	3853	20	0.005191	3855	27	0.007004	3902	25	0.006407	1295	3	0.002317	1563	10	0.006398	180	0	0
XM_01124 74374	Clec16a	chr16	10545351	10744870	2305	30	0.013015	1705	20	0.01173	2197	23	0.010469	516	2	0.003876	970	12	0.012371	2686	27	0.010052	1965	25	0.012723	2059	16	0.007771	705	8	0.011348	1016	7	0.00689	314	5	0.015924
XM_01124 74603	Cd200r3	chr16	44943604	45057723	80	69	0.8625	101	85	0.841584	109	90	0.825688	15	13	0.866667	42	36	0.857143	124	104	0.83871	100	72	0.72	94	70	0.744681	67	56	0.835821	22	17	0.772727	26	25	0.961538

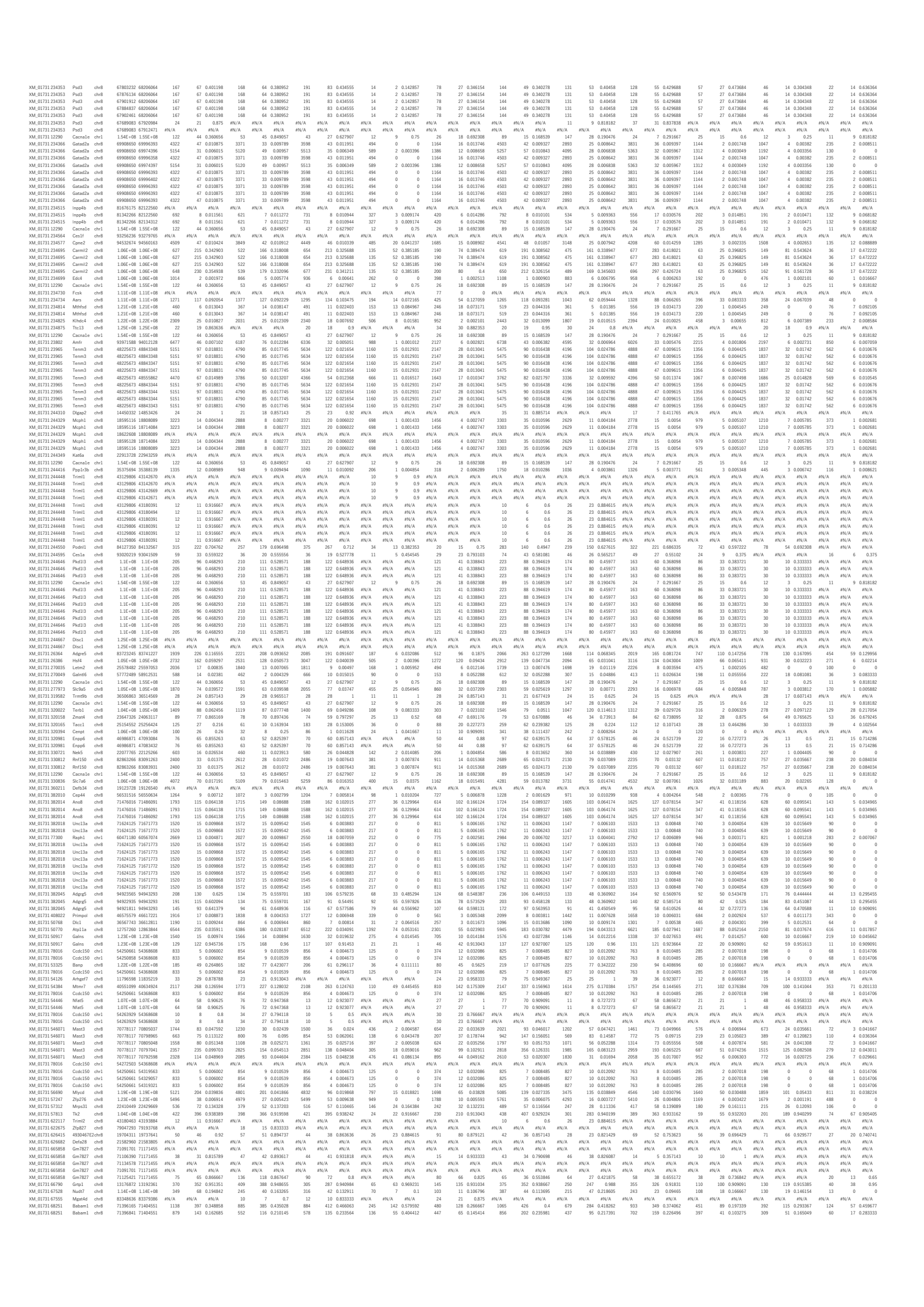


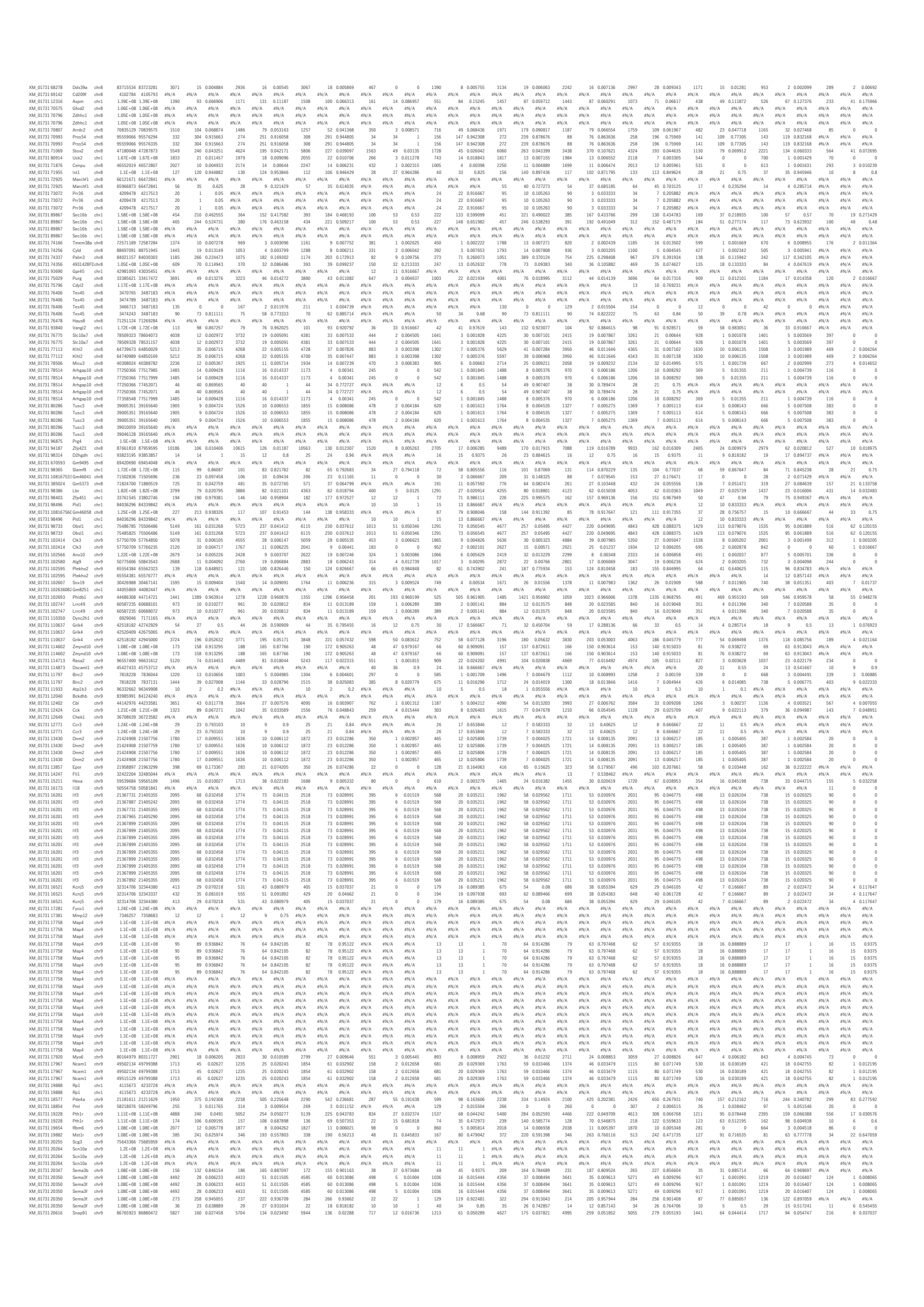


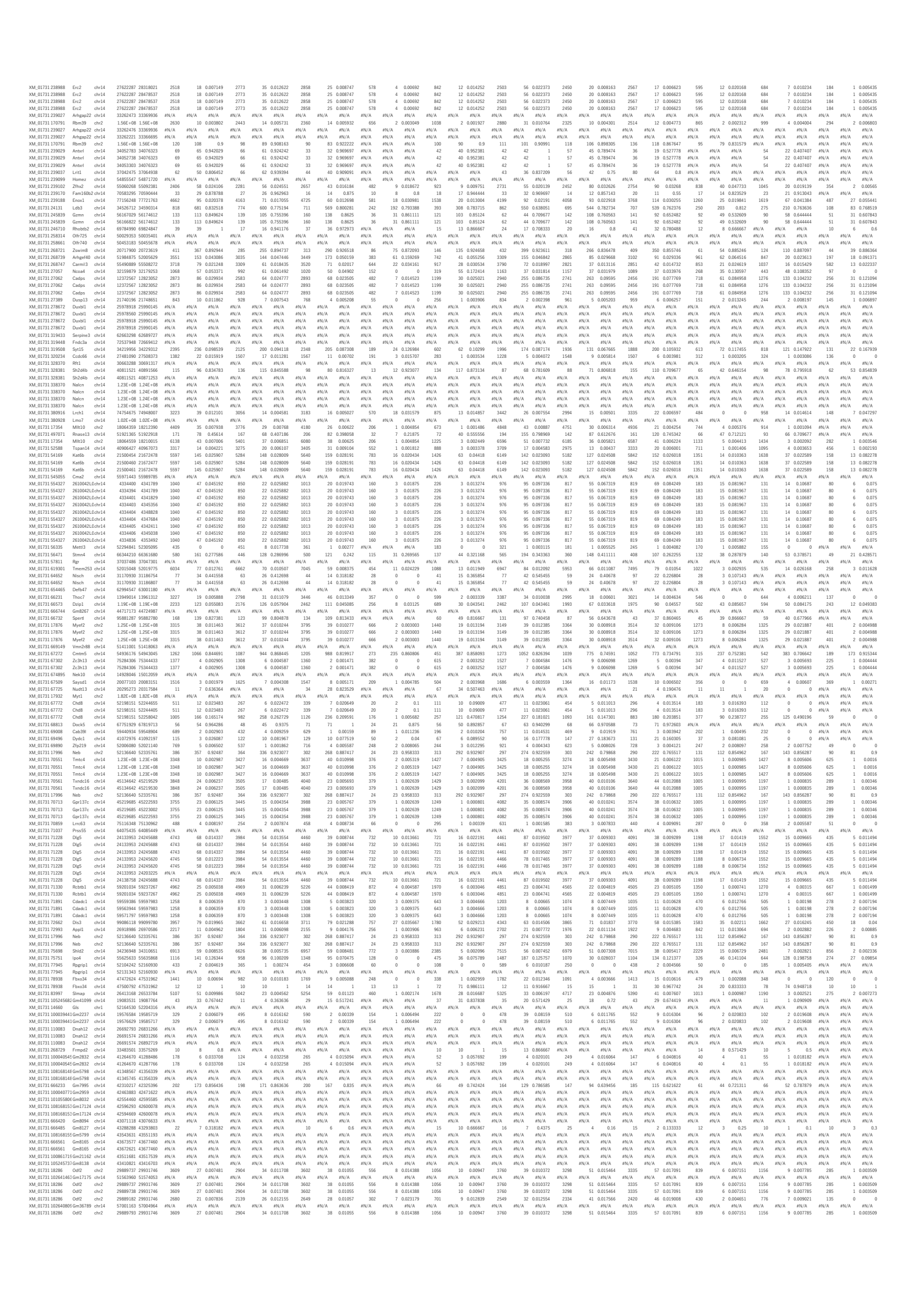




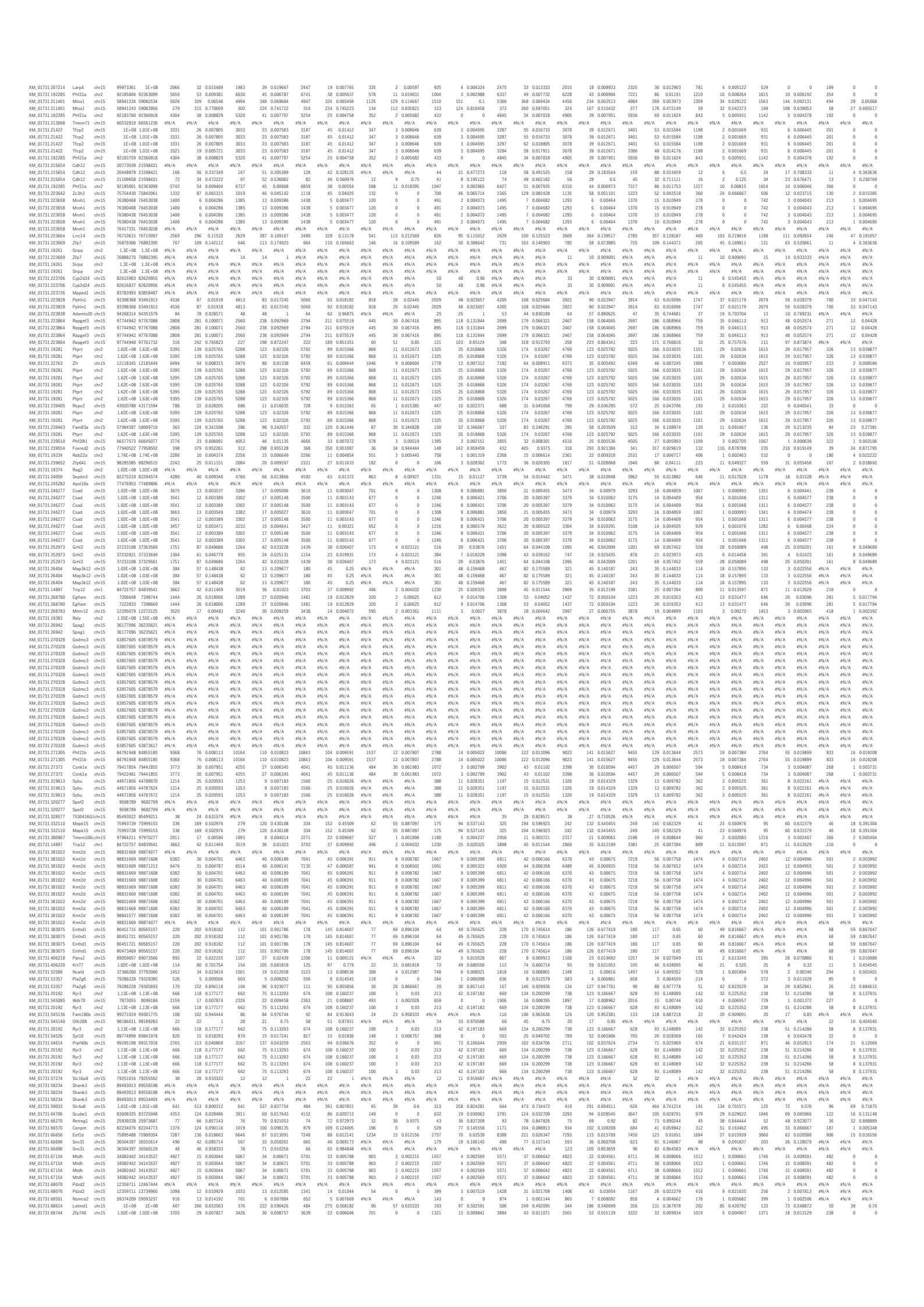
XM_01731	108167412	Gm45975	chr7	27556544	27559502	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	38	0.974359	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	108167412	Gm45975	chr7	27556544	27559503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	38	0.974359	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	108167415	Gm45978	chr7	29619477	29622580	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	10524293	Gm39002	chr7	44420590	44424471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	10524293	Gm39002	chr7	44420590	44431151	30	3	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	24	1	0.041667	26	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	36	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	72585	Lypd1	chr1	1.26E+08	1.26E+08	1077	49	0.045497	1042	28	0.026871	1277	34	0.026625	270	10	0.037037	319	16	0.050157	1079	42	0.038925	1046	24	0.022945	998	34	0.034068	305	9	0.029508	398	18	0.045226	124	15	0.120968
XM_01731	108167434	Gm45988	chr7	64130874	64133546	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	73103	3110009E1	chr1	1.2E+08	1.2E+08	1707	63	0.036907	1534	59	0.038462	1722	13	0.007549	278	30	0.107914	644	39	0.060559	2210	63	0.028507	1595	39	0.024451	1707	18	0.010545	357	2	0.005602	699	44	0.062947	437	1	0.002288
XM_01731	73103	3110009E1	chr1	1.2E+08	1.2E+08	58	44	0.758621	39	15	0.384615	54	36	0.666667	11	9	0.818182	11	7	0.636364	67	52	0.776119	51	41	0.803922	64	43	0.671875	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	73103	3110009E1	chr1	1.2E+08	1.2E+08	1707	63	0.036907	1534	59	0.038462	1722	13	0.007549	278	30	0.107914	644	39	0.060559	2210	63	0.028507	1595	39	0.024451	1707	18	0.010545	357	2	0.005602	699	44	0.062947	437	1	0.002288
XM_01731	73122	Tgfbrap1	chr1	43054576	43092292	3813	30	0.007868	3506	23	0.00656	3922	22	0.005609	606	3	0.00495	1325	2	0.001509	3851	32	0.00831	4033	25	0.006199	3862	22	0.005697	1002	2	0.001996	1356	9	0.006637	251	1	0.003984
XM_01731	73435	Tex35	chr1	1.57E+08	1.57E+08	80	73	0.9125	72	71	0.986111	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333	60	53	0.883333	32	28	0.875	76	69	0.907895	24	24	1	62	59	0.951613	22	15	0.681818
XM_01731	73435	Tex35	chr1	1.57E+08	1.57E+08	80	73	0.9125	72	71	0.986111	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333	60	53	0.883333	32	28	0.875	76	69	0.907895	24	24	1	62	59	0.951613	22	15	0.681818
XM_01731	73435	Tex35	chr1	1.57E+08	1.57E+08	80	73	0.9125	72	71	0.986111	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333	60	53	0.883333	32	28	0.875	76	69	0.907895	24	24	1	62	59	0.951613	22	15	0.681818
XM_01731	73435	Tex35	chr1	1.57E+08	1.57E+08	80	73	0.9125	72	71	0.986111	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333	60	53	0.883333	32	28	0.875	76	69	0.907895	24	24	1	62	59	0.951613	22	15	0.681818
XM_01731	73435	Tex35	chr1	1.57E+08	1.57E+08	80	73	0.9125	72	71	0.986111	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333	60	53	0.883333	32	28	0.875	76	69	0.907895	24	24	1	62	59	0.951613	22	15	0.681818
XM_01731	73463	C2cd6	chr1	59050727	59084517	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	628475	Gm6882	chr7	21427000	21427941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	620736	Gm6176	chr7	22050481	22051504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	381959	Gm1096	chr7	24687908	24694760	43	32	0.744186	47	42	0.893617	37	31	0.837838	10	6	0.6	26	25	0.961538	28	23	0.821429	25	23	0.92	35	33	0.942857	#N/A	#N/A	#N/A	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	73844	Ankrd45	chr1	1.61E+08	1.61E+08	577	187	0.32409	531	123	0.231638	485	139	0.286598	10	2	0.2	421	130	0.308789	500	232	0.464	385	130	0.337662	479	106	0.221294	219	75	0.342466	217	88	0.40553	81	24	0.296296
XM_01731	73844	Ankrd45	chr1	1.61E+08	1.61E+08	577	187	0.32409	531	123	0.231638	485	139	0.286598	10	2	0.2	421	130	0.308789	500	232	0.464	385	130	0.337662	479	106	0.221294	219	75	0.342466	217	88	0.40553	81	24	0.296296
XM_01731	12269	C4bp	chr1	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	10050295	Gm3336	chr8	70718495	70722632	685	317	0.462774	651	280	0.430108	701	308	0.439372	49	20	0.408163	376	225	0.598404	745	289	0.387919	664	222	0.334337	673	212	0.315007	233	105	0.450644	341	152	0.445748	70	29	0.414286
XM_01731	101966	D8Ertd738	chr8	84246233	84251711	10	9	0.9	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	40	0.930233	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	101985	Usb1	chr8	95331413	95347509	4990	93	0.018637	5256	105	0.019977	5178	117	0.022596	1060	2	0.001887	1550	59	0.038065	5548	134	0.024153	4416	85	0.019248	5647	70	0.012396	1605	57	0.035514	2289	68	0.029707	700	3	0.004286
XM_01731	102075	Plekhg4	chr8	1.05E+08	1.05E+08	80	76	0.95	80	71	0.8875	80	75	0.9375	22	21	0.954545	36	30	0.833333	79	66	0.835443	52	45	0.865385	77	72	0.935065	30	25	0.833333	21	19	0.904762	24	23	0.958333
XM_01731	102075	Plekhg4	chr8	1.05E+08	1.05E+08	1152	274	0.237847	1097	173	0.157703	1140	215	0.188596	266	43	0.161654	415	120	0.289157	1308	376	0.287462	865	230	0.265896	958	397	0.414405	349	85	0.243553	507	172	0.33925	106	49	0.462264
XM_01731	102098	Arhgef18	chr8	3393025	3456601	1144	110	0.096154	1023	49	0.047898	1036	95	0.091699	277	14	0.050542	239	44	0.1841	1069	289	0.270346	780	78	0.1	915	96	0.104918	246	18	0.073171	332	65	0.195783	180	25	0.138889
XM_01731	102141	Snx25	chr8	46033266	46116268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109136	Mmaa	chr8	79263597	79294232	2792	24	0.008596	2086	14	0.006711	2374	10	0.004212	544	0	0	1049	1	0.000953	3067	15	0.004891	2505	30	0.011976	2522	14	0.005551	704	2	0.002841	1249	5	0.004003	595	2	0.003361
XM_01731	109151	Chd9	chr8	90828302	91054516	519	36	0.069364	406	8	0.019704	355	9	0.025352	#N/A	#N/A	#N/A	152	0	0	583	34	0.058319	392	13	0.033163	471	50	0.106157	80	2	0.025	145	1	0.006897	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	109151	Chd9	chr8	90844274	91054461	80	67	0.8375	79	72	0.911392	90	75	0.833333	29	28	0.965517	34	26	0.764706	88	82	0.931818	49	38	0.77551	85	72	0.847059	39	35	0.897436	20	19	0.95	12	6	0.5
XM_01731	109151	Chd9	chr8	90828302	91054516	519	36	0.069364	406	8	0.019704	355	9	0.025352	#N/A	#N/A	#N/A	152	0	0	583	34	0.058319	392	13	0.033163	471	50	0.106157	80	2	0.025	145	1	0.006897	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	109151	Chd9	chr8	90828302	91054516	519	36	0.069364	406	8	0.019704	355	9	0.025352	#N/A	#N/A	#N/A	152	0	0	583	34	0.058319	392	13	0.033163	471	50	0.106157	80	2	0.025	145	1	0.006897	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	109151	Chd9	chr8	90937644	91054461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	110877	Slc18a1	chr8	69038125	69089238	997	8	0.008024	790	15	0.018987	923	8	0.008667	268	0	0	351	0	0	881	4	0.00454	705	5	0.007092	801	4	0.004994	215	0	0	312	2	0.00641	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11497	Adam3	chr8	24677237	24726377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	117148	Necab2	chr8	1.19E+08	1.19E+08	5057	237	0.046866	4597	196	0.042637	5393	218	0.040423	757	26	0.034346	1302	88	0.067588	5198	314	0.060408	4065	239	0.058795	5612	228	0.040627	888	45	0.050676	1247	75	0.060144	264	30	0.113636
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	11886	Asah1	chr8	41340646	41397644	42	36	0.857143	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	14	11	0.785714	60	41	0.683333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	74577	Glb1l	chr1	75196971	75210794	1097	21	0.019143	864	8	0.009259	1012	13	0.012846	278	10	0.035971	595	6	0.010084	1204	19	0.015781	1002	19	0.018962	1099	19	0.017288	390	3	0.007692	529	11	0.020794	256	4	0.015625
XM_01731	11979	Atp7b	chr8	21992783	22039913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12354	Car7	chr8	1.05E+08	1.05E+08	1587	9	0.005671	1287	7	0.005439	1495	3	0.002007	216	0	0	377	0	0	1723	18	0.010447	1464	27	0.018443	1648	16	0.009709	568	0	0	312	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12367	Casp3	chr8	46617624	46639689	1916	17	0.008873	1838	8	0.004353	1727	12	0.006948	339	0	0	561	3	0.005348	2099	8	0.003811	1442	11	0.007628	1658	10	0.006031	684	2	0.002924	537	6	0.011173	343	0	0
XM_01731	12398	Cbfa2t3	chr8	1.23E+08	1.23E+08	546	338	0.619048	376	298	0.792553	442	321	0.726244	127	97	0.76378	152	109	0.717105	603	322	0.533997	425	263	0.618824	512	313	0.611328	134	92	0.686567	156	87	0.557692	96	65	0.677083
XM_01731	12398	Cbfa2t3	chr8	1.23E+08	1.23E+08	293	258	0.880546	291	249	0.85567	242	206	0.85124	56	52	0.928571	98	93	0.94898	284	243	0.855634	229	197	0.860262	282	231	0.819149	94	73	0.776596	116	85	0.732759	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12554	Cdh13	chr8	1.18E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12564	Cdh8	chr8	99025954	99058736	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12725	Clcn3	chr8	60910860	60946442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12725	Clcn3	chr8	60923195	60983313	3293	55	0.016702	3169	47	0.014831	3340	56	0.016766	690	3	0.004348	1294	1	0.000773	3573	76	0.021271	2779	44	0.015833	3353	61	0.018193	835	11	0.013174	1446	17	0.011757	415	3	0.007229
XM_01731	12745	Clgn	chr8	83389854	83427935	666	7	0.010511	516	8	0.015504	697	16	0.022956	148	6	0.040541	147	2	0.013605	742	46	0.061995	437	18	0.04119	466	26	0.055794	203	4	0.019704	176	7	0.039773	149	3	0.020134
XM_01731	12826	Col4a1	chr8	11203708	11312889	2780	31	0.011151	2504	29	0.011581	2811	25	0.008894	467	42	0.089936	1179	7	0.005937	2937	49	0.016684	2179	41	0.018816	2375	37	0.015579	585	5	0.008547	882	13	0.014739	283	3	0.010601
XM_01731	13000	Csnk2a2	chr8	95447972	95488868	4658	54	0.011593	5142	93	0.018086	4925	67	0.013604	1032	5	0.004845	1072	42	0.039179	5237	79	0.015085	3950	69	0.017468	5009	77	0.015372	1176	4	0.003401	1114	31	0.027828	55	0	0
XM_01731	13479	Dpep1	chr8	1.23E+08	1.23E+08	60	44	0.733333	65	55	0.846154	100	81	0.81	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	158	108	0.683544	113	77	0.681416	153	97	0.633987	48	35	0.729167	11	3	0.272727	24	21	0.875
XM_01731	13859	Eps15l1	chr8	72345957	72421576	936	2	0.002137	629	0	0	622	1	0.001608	167	0	0	184	0	0	749	23	0.030708	364	2	0.005495	411	3	0.007299	251	0	0	383	1	0.002611	44	0	0
XM_01731	13859	Eps15l1	chr8	72340990	72421483	936	2	0.002137	629	0	0	622	1	0.001608	167	0	0	184	0	0	749	23	0.030708	364	2	0.005495	411	3	0.007299	251	0	0	383	1	0.002611	44	0	0
XM_01731	13909	Ces3b	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	14081	Acsl1	chr8	46488346	46536051	292	136	0.465753	109	28	0.256881	212	122	0.575472	52	21	0.403846	186	126	0.677419	358	227	0.634078	256	121	0.472656	258	127	0.492248	155	61	0.393548	158	78	0.493671	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	14107	Fat1	chr8	44933100	45052257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	14232	Fkbp8	chr8	70527784	70535328	427	2	0.004684	514	6	0.011673	618	2	0.003236	44	0	0	131	1	0.007634	546	20	0.03663	419	2	0.004773	770	4	0.005195	146	2	0.013699	262	5	0.019084	40	0	0
XM_01731	14232	Fkbp8	chr8	70528029	70535328	439	5	0.01139	537	10	0.018622	633	5	0.007899	44	0	0	131	1	0.007634	546	20	0.03663	419	2	0.004773	780	4	0.005128	146	2	0.013699	272	7	0.025735	40	0	0
XM_01731	142682	Zcchc14	chr8	1.22E+08	1.22E+08	9510	138	0.014511	9274	130	0.014018	9709	95	0.009785	1358	6	0.004418	2885	49	0.016984	9281	265	0.028553	7562	97	0.012827	9552	81	0.00848	2326	16	0.006879	3913	65	0.016611	473	3	0.006342
XM_01731	14300	Frg1	chr8	41389181	41417138	2847	22	0.007727	2535	14	0.005523	2842	12	0.004222	492	2	0.004065	1104	8	0.007246	2628	16	0.006088	1686	9	0.005338	2136	10	0.004682	783	3	0.003831	986	5	0.005071	454	1	0.002203
XM_01731	14339	Aktip	chr8	91123567	91131884	896	7	0.007813	704	4	0.005682	844	4	0.004739	120	0	0	259	0	0	1040	9	0.008654	782	7	0.008951	873	2	0.002291	183	0	0	129	0	0	44	0	0
XM_01731	14339	Aktip	chr8	91123567	91134037	1867	19	0.010177	1466	15	0.010232	1819	15	0.008246	248	1	0.004032	689	0	0	2180	30	0.013761	1537	13	0.008458	1824	5	0.002741	419	0	0	413	1	0.002421	218	1	0.004587
XM_01731	14388	Gab1	chr8	80764438	80821668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	14388	Gab1	chr8	80764431	80868599	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	14766	Adgrg1	chr8	94994478	95014208	#N/A	#N/A	#N/A	34	27	0.794118	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	70	43	0.614286	13	2	0.153846	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	16363	Irf2	chr8	46791901	46847458	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16532	Kcnu1	chr8	25849624	25937943	67	63	0.940299	69	59	0.855072	93	89	0.956989	45	41	0.911111	48	43	0.895833	59	52	0.881356	42	36	0.857143	81	68	0.839506	13	3	0.230769	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16532	Kcnu1	chr8	25849624	25937943	67	63	0.940299	69	59	0.855072	93	89	0.956989	45	41	0.911111	48	43	0.895833	59	52	0.881356	42	36	0.857143	81	68	0.839506	13	3	0.230769	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16532	Kcnu1	chr8	25848627	25937943	19	19	1	21	16	0.761905	21	20	0.952381	12	12	1	18	13	0.722222	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	13	3	0.230769	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	170737	Znrf1	chr8	1.12E+08	1.12E+08	5909	61	0.010323	6117	103	0.016838	6580	84	0.012766	878	28	0.031891	1579	22	0.013933	6343	46	0.007252	4500	53	0.011778	6386	45	0.007047	1141	8	0.007011	2092	10	0.00478	366	3	0.008197
XM_01731	170776	Cd209c	chr8	3940221	3954731	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	170776	Cd209c	chr8	3940221	3954731	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	75472	Cfap126	chr1	1.71E+08	1.71E+08	59	53	0.898305	34	26	0.764706	32	29	0.90625	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	51	49	0.960784	44	33	0.75	46	37	0.804348	10	6	0.6	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	17773	Mtnr1a	chr8	45085097	45089233	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	17925	Myo9b	chr8	71272576	71360713	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	18166	Npy1r	chr8	66699471	66706800	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	12	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18536	Pcm1	chr8	41239538	41334088	1747	8	0.004579	1415	8	0.005654	1411	7	0.004961	118	0	0	654	3	0.004587	1765	8	0.004533	1090	8	0.007339	1463	8	0.005468	387	2	0.005168	635	4	0.006299	154	3	0.019481
XM_01731	75605	Kdm5b	chr1	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	75605	Kdm5b	chr1	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	192169	Ufsp2	chr8	45975578	45996958	499	23	0.046092	368	27	0.07337	389	37	0.095116	44	0	0	628	19	0.030255	609	14	0.022989	453	5	0.011038	278	39	0.140288	95	1	0.010526	187	1	0.005348	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	19663	Rbpms	chr8	33786201	33845437	523	447	0.854685	436	344	0.788991	565	468	0.828319	93	80	0.860215	246	223	0.906504	590	476	0.80678	379	300	0.791557	502	377	0.750996	146	116	0.794521	232	183	0.788793	117	103	0.880342
XM_01731	19663	Rbpms	chr8	33786201	33844187	523	447	0.854685	436	344	0.788991	565	468	0.828319	93	80	0.860215	246	223	0.906504	590	476	0.80678	379	300	0.791557	502	377	0.750996	146	116	0.794521	232	183	0.788793	117	103	0.880342
XM_01731	20284	Scrg1	chr8	57455882	57479360	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20444	St3gal2	chr8	1.11E+08	1.11E+08	60	60	1	53	53	1	46	46	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	52	0.962963	12	11	0.916667	14	14	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20497	Slc12a3	chr8	94329111	94366222	121	108	0.892562	200	172	0.86	53	41	0.773585	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	145	137	0.944828	133	111	0.834586	238	219	0.920168	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20497	Slc12a3	chr8	94329111	94366222	121	108	0.892562	200	172	0.86	53	41	0.773585	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	145	137	0.944828	133	111	0.834586	238	219	0.920168	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20497	Slc12a3	chr8	94329111	94344148	121	108	0.892562	200	172	0.86	53	41	0.773585	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	145	137	0.944828	133	111	0.834586	238	219	0.920168	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	208936	Adamts18	chr8	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	208936	Adamts18	chr8	1.14E+08	1.14E+08	820	15	0.018293	677	6	0.008863	867	9	0.010381	189	36	0.190476	395	46	0.116456	923	33	0.035753	690	31	0.044928	729	15	0.020576	319	4	0.012539	253	39	0.15415	117	27	0.230769
XM_01731	20911	Stxbp2	chr8	3631141	3642795	761	21	0.027595	567	15	0.026455	738	29	0.039295	135	1	0.007407	433	1	0.002309	932	40	0.042918	546	2	0.003663	668	16	0.023952	329	10	0.030395	334	11	0.032934	186	2	0.010753
XM_01731	211135	D130040H	chr8	69289211	69303384	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	211135	D130040H	chr8	69289211	69303384	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	211323	Nrg1	chr8	31809465	31917499	107	29	0.271028	92	31	0.336957	158	39	0.246835	35	8	0.228571	100	36	0.36	147	72	0.489796	99	52	0.525253	102	49	0.480392	100	63	0.63	54	23	0.425926	24	15	0.625
XM_01731	211323	Nrg1	chr8	31809465	31838328	56	54	0.964286	60	55	0.916667	59	55	0.932203	#N/A	#N/A	#N/A	42	40	0.952381	75	69	0.92	51	49	0.960784	13	12	0.923077	46	42	0.913043	52	49	0.942308	11	10	0.909091
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	212999	Tnpo2	chr8	85036873	85057585	810	7	0.008642	727	4	0.005502	933	4	0.004287	#N/A	#N/A	#N/A	179	0	0	884	8	0.00905	558	2	0.003584	1348	15	0.011128	125	0	0	171	0	0	10	0	0
XM_01731	212999	Tnpo2	chr8	85036873	85057585	810	7	0.008642	727	4	0.005502	933	4	0.004287	#N/A	#N/A	#N/A	179	0	0	884	8	0.00905	558	2	0.003584	1348	15	0.011128	125	0	0	171	0	0	10	0	0
XM_01731	214627	Tent4b	chr8	88199849	88259727	7883	86	0.01091	6974	79	0.011328	7884	75	0.009513	746	0	0	1429	16	0.011197	7644	66	0.008634	4901	43	0.008774	7320	87	0.011885	2044	16	0.007828	1672	19	0.011364	190	12	0.063158
XM_01731	21781	Tfdp1	chr8	13338725	13378448	4029	26	0.006453	3958	27	0.006822	3929	32	0.008145	453	1	0.002208	675	2	0.002963	4016	18	0.004482	2971	16	0.005385	4186	17	0.004061	1027	1	0.000974	1142	5	0.004378	207	1	0.004831
XM_01731	21781	Tfdp1	chr8	13338787	13378448	4029	26	0.006453	3958	27	0.006822	3929	32	0.008145	453	1	0.002208	675	2	0.002963	4016	18	0.004482	2971	16	0.005385	4186	17	0.004061	1027	1	0.000974	1142	5	0.004378	207	1	0.004831
XM_01731	21781	Tfdp1	chr8	13338944	13378448	4029	26	0.006453	3958	27	0.006822	3929	32	0.008145	453	1	0.002208	675	2	0.002963	4016	18	0.004482	2971	16	0.005385	4186	17	0.004061	1027	1	0.000974	1142	5	0.004378	207	1	0.004831
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	21968	Tom1	chr8	75033642	75070111	2144	59	0.027519	2075	37	0.017831	2062	54	0.026188	344	7	0.020349	537	20	0.037244	2101	55	0.026178	1625	11	0.006769	2430	53	0.021811	547	25	0.045704	882	58	0.06576	148	1	0.006757
XM_01731	22427	Wrn	chr8	33234372	33361524	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234072	Adprhl1	chr8	13218792	13254519	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234072	Adprhl1	chr8	13218788	13254542	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234094	Arhgef10	chr8	14911669	15001080	457	13	0.028446	#N/A	#N/A	#N/A	417	17	0.040767	#N/A	#N/A	#N/A	310	1	0.003226	814	14	0.017199	484	2	0.004132	307	7	0.022801	196	1	0.005102	#N/A	#N/A	#N/A	32	10	0.3125
XM_01731	234094	Arhgef10	chr8	14908487	15001080	123	91	0.739837	48	39	0.8125	78	59	0.75641	26	19	0.730769	36	26	0.722222	118	73	0.618644	71	58	0.816901	79	56	0.708861	22	18	0.818182	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234094	Arhgef10	chr8	14911669	15001080	457	13	0.028446	#N/A	#N/A	#N/A	417	17	0.040767	#N/A	#N/A	#N/A	310	1	0.003226	814	14	0.017199	484	2	0.004132	307	7	0.022801	196	1	0.005102	#N/A	#N/A	#N/A	32	10	0.3125
XM_01731	234094	Arhgef10	chr8	14911669	15001080	457	13	0.028446	#N/A	#N/A	#N/A	417	17	0.040767	#N/A	#N/A	#N/A	310	1	0.003226	814	14	0.017199	484	2	0.004132	307	7	0.022801	196	1	0.005102	#N/A	#N/A	#N/A	32	10	0.3125
XM_01731	234094	Arhgef10	chr8	14911670	15001080	457	13	0.028446	#N/A	#N/A	#N/A	417	17	0.040767	#N/A	#N/A	#N/A	310	1	0.003226	814	14	0.017199	484	2	0.004132	307	7	0.022801	196	1	0.005102	#N/A	#N/A	#N/A	32	10	0.3125
XM_01731	234094	Arhgef10	chr8	14910789	15001080	388	11	0.028351	#N/A	#N/A	#N/A	417	17	0.040767	#N/A	#N/A	#N/A	228	1	0.004386	778	12	0.015424	484	2	0.004132	232	7	0.030172	160	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333
XM_01731	234129	Tpte	chr8	22283315	22369739	80	54	0.675	76	54	0.710526	77	47	0.61039	#N/A	#N/A	#N/A	42	33	0.785714	86	58	0.674419	70	52	0.742857	87	72	0.827586	65	43	0.661538	10	9	0.9	20	16	0.8
XM_01731	12290	Cacna1e	chr1	1.54E+08	1.55E+08	122	44	0.360656	53	45	0.849057	43	27	0.627907	12	9	0.75	26	18	0.692308	89	15	0.168539	147	28	0.190476	24	7	0.291667	25	15	0.6	12	3	0.25	11	9	0.818182
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827795	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736155	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45627446	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45627446	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45736153	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45627446	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45627446	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234214	Sorbs2	chr8	45627446	45827905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234311	Ddx60	chr8	61928087	61988156	302	3	0.009934	213	0	0	260	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	254	5	0.019685	262	3	0.01145	182	2	0.010989	112	0	0	77	1	0.012987	77	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234311	Ddx60	chr8	61928087	61979249	302	3	0.009934	213	0	0	260	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	254	5	0.019685	262	3	0.01145	182	2	0.010989	112	0	0	77	1	0.012987	77	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	234353	Psd3	chr8	67689083	68205915	167	67	0.401198	168	64	0.380952	191	83	0.434555	14	2	0.142857	78	27	0.346154	144	49	0.340278	131	53	0.40458	128	55	0.429688	57	27	0.473684	46	14	0.304348	22	14	0.636364
XM_01731	234353	Psd3	chr8	67689083	68206064	167	67	0.401198	168	64	0.380952	191	83	0.434555	14	2	0.142857	78	27	0.346154	144	49	0.340278	131	53	0.40458	128	55	0.429688	57	27	0.473684	46	14	0.304348	22	14	0.636364
XM_01731	234353	Psd3	chr8	67689083	68062871	3224	17	0.005273	4071	27	0.006632	3619	26	0.007184	425	2	0.004706	1004	6	0.005976	3262	19	0.005825	2900	19	0.006552	3992	29	0.007265	791	4	0.005057	1269	3	0.002364	184	1	0.005435
XM_01731	234353	Psd3	chr8	67689083	67974608	168	67	0.39881	114	42	0.368421	138	44	0.318841	#N/A	#N/A	#N/A	96	50	0.520833	158	88	0.556962	116	63	0.543103	122	89	0.729508	65	29	0.446154	69	40	0.57971	#N/A	#N/A	#N/A

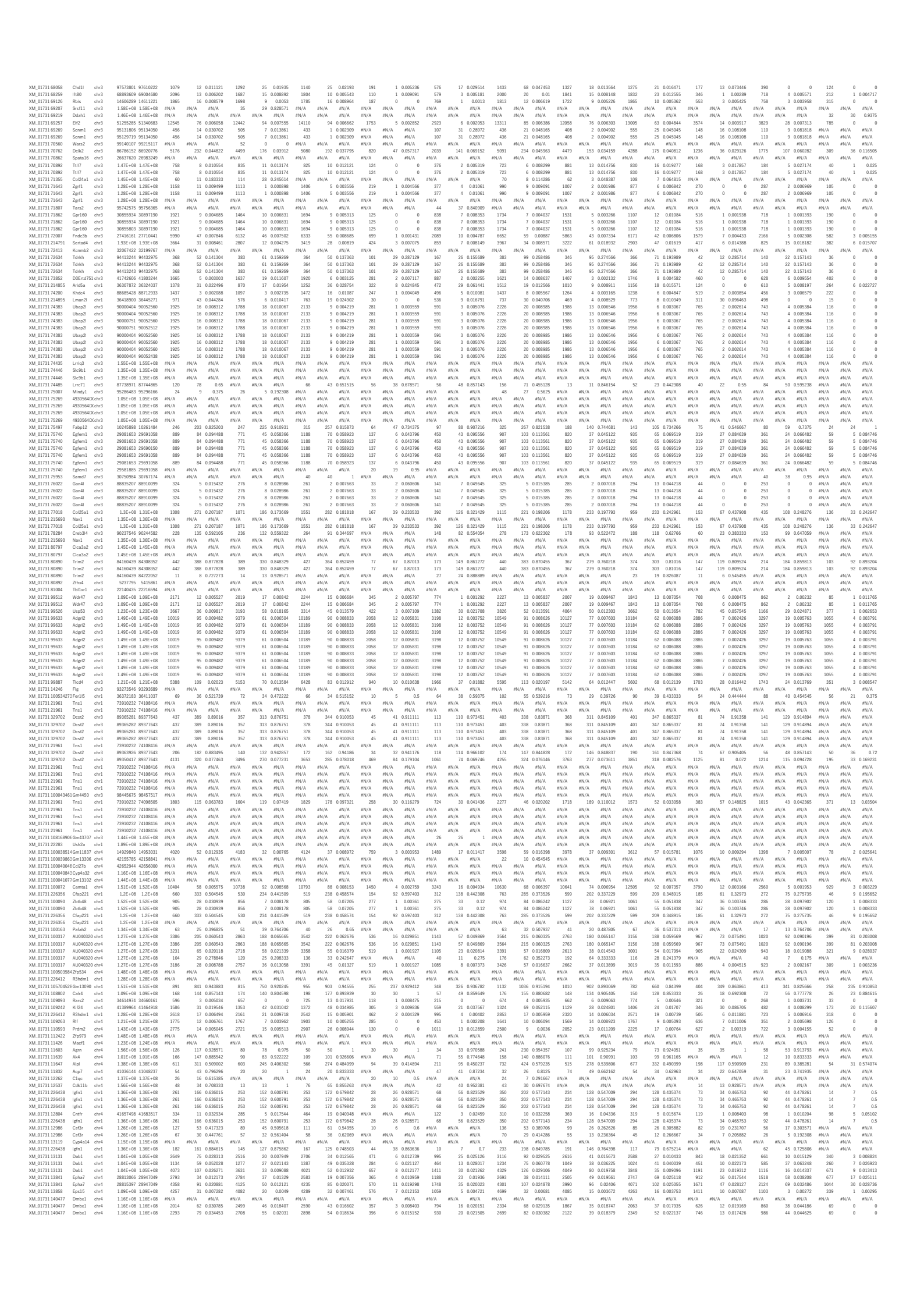






XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889958	29931746	3637	29	0.007974	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3334	51	0.015297	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889958	29931746	3637	29	0.007974	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3334	51	0.015297	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889221	29931746	2737	21	0.007673	2210	27	0.012217	2749	29	0.010549	322	7	0.021739	734	9	0.012262	2639	32	0.012126	2390	41	0.017155	2500	46	0.0184	478	2	0.004184	807	8	0.009913	155	0	0
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889828	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889959	29931745	3637	29	0.007974	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3334	51	0.015297	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889959	29931746	3637	29	0.007974	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3334	51	0.015297	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889959	29931746	3637	29	0.007974	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3334	51	0.015297	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889789	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	100862072	Gm21451	chr14	69390796	69473639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100862072	Gm21451	chr14	69390417	69473639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100862072	Gm21451	chr14	69390797	69473639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889960	29931746	3637	29	0.007974	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3334	51	0.015297	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889795	29931746	3609	27	0.007481	2904	34	0.011708	3602	38	0.01055	556	8	0.014388	1056	10	0.00947	3760	39	0.010372	3298	51	0.015464	3335	57	0.017091	839	6	0.007151	1156	9	0.007785	285	1	0.003509
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889221	29931746	2737	21	0.007673	2210	27	0.012217	2749	29	0.010549	322	7	0.021739	734	9	0.012262	2639	32	0.012126	2390	41	0.017155	2500	46	0.0184	478	2	0.004184	807	8	0.009913	155	0	0
XM_01731	18286	Odf2	chr2	29889242	29931746	2865	25	0.008726	2354	29	0.012319	2941	34	0.011561	363	7	0.019284	794	10	0.012594	2823	34	0.012044	2516	43	0.017091	2661	46	0.017287	561	4	0.00713	863	8	0.00927	186	1	0.005376
XM_01731	100040870	Gm3005	chr14	3571696	3578183	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100040935	Gm3050	chr14	3743497	3800975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100040807	Gm2977	chr14	3504104	3562932	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100041054	Gm3115	chr14	4084164	4087240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	102635694	Gm32966	chr14	4102641	4163215	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100041262	Gm3239	chr14	4660753	4679736	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	666808	Gm10410	chr14	4930503	4992398	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	666808	Gm10410	chr14	4930503	4968226	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100042100	Gm3667	chr14	6881335	6890560	1676	41	0.024463	1415	27	0.019081	1493	34	0.022773	160	2	0.0125	522	6	0.011494	1429	85	0.059482	1414	163	0.115276	998	129	0.129259	450	33	0.073333	587	64	0.109029	128	8	0.0625
XM_01731	100041958	Lamtor3-ps	chr14	6409557	6425622	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	5	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100041958	Lamtor3-ps	chr14	6409557	6415878	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18389	Oprl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100042125	Gm3685	chr14	7037616	7044907	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18389	Oprl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100041275	Gm3248	chr14	5893204	5961681	295	7	0.023729	153	2	0.013072	233	8	0.034335	#N/A	#N/A	#N/A	48	0	0	335	21	0.062687	267	38	0.142322	197	16	0.081218	30	2	0.066667	36	2	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18389	Oprl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18389	Oprl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100041177	Gm3182	chr14	4481808	4489857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	108168186	Gm7876	chr14	4709301	4717358	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	108168187	LOC10816	chr14	6499086	6537277	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	108168185	Gm9611	chr14	42293794	42297348	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	100861708	Gm21154	chr14	43396709	43673070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	675947	Gm9195	chr14	72431660	72461654	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	102632425	Gm30500	chr14	72472092	72491848	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	26	11	0.423077	22	6	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	108168203	Gm46487	chr14	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	105242418	Gm38690	chr14	3208675	3218237	487	6	0.01232	332	7	0.021084	384	6	0.015625	22	0	0	109	1	0.009174	583	54	0.092624	432	22	0.050926	274	19	0.069343	170	3	0.017647	190	7	0.036842	48	3	0.0625
XM_01731	102640268	Gm2956	chr14	3332742	3353742	552	9	0.016304	569	18	0.031634	566	19	0.033569	99	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	597	17	0.028476	614	35	0.057003	440	28	0.063636	171	10	0.05848	180	15	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	102640268	Gm2956	chr14	3332017	3341781	552	9	0.016304	569	18	0.031634	566	19	0.033569	99	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	597	17	0.028476	614	35	0.057003	440	28	0.063636	171	10	0.05848	180	15	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	218695	Gm10044	chr14	7755325	7793645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	218695	Gm10044	chr14	7755325	7793645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	218695	Gm10044	chr14	7755325	7793645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	105782	Scrib	chr15	76047163	76069771	6680	119	0.017814	6736	132	0.019596	7261	117	0.016113	1849	16	0.008653	2680	47	0.017537	7565	105	0.01388	5693	104	0.018268	7083	151	0.021319	1364	15	0.010997	3145	44	0.01399	726	4	0.00551
XM_01731	105782	Scrib	chr15	76047163	76069771	6680	119	0.017814	6736	132	0.019596	7261	117	0.016113	1849	16	0.008653	2680	47	0.017537	7565	105	0.01388	5693	104	0.018268	7083	151	0.021319	1364	15	0.010997	3145	44	0.01399	726	4	0.00551
XM_01731	18796	Plcb2	chr2	1.19E+08	1.19E+08	133	43	0.323308	112	24	0.214286	105	31	0.295238	48	14	0.291667	58	14	0.241379	163	14	0.08589	194	75	0.386598	167	83	0.497006	12	0	0	88	19	0.215909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	105835	Sgsm3	chr15	80977799	81012290	1624	145	0.089286	1187	134	0.11289	1616	210	0.12995	258	59	0.228682	505	42	0.083168	1854	247	0.133225	1583	166	0.104864	1324	242	0.182779	336	19	0.056548	530	70	0.132075	39	14	0.358974
XM_01731	18796	Plcb2	chr2	1.19E+08	1.19E+08	133	43	0.323308	112	24	0.214286	105	31	0.295238	48	14	0.291667	58	14	0.241379	163	14	0.08589	194	75	0.386598	167	83	0.497006	12	0	0	88	19	0.215909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	105837	Mtbp	chr15	55571319	55626423	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	105837	Mtbp	chr15	55583954	55626423	101	97	0.960396	75	74	0.986667	92	90	0.978261	28	28	1	65	62	0.953846	102	97	0.95098	82	76	0.926829	70	66	0.942857	47	43	0.914894	26	25	0.961538	20	19	0.95
XM_01731	106039	Gga1	chr15	78877167	78894585	4090	55	0.013447	4252	62	0.014581	4162	66	0.015858	627	1	0.001595	656	9	0.01372	4440	76	0.017117	4138	68	0.016433	4891	60	0.012267	457	11	0.02407	1380	11	0.007971	246	0	0
XM_01731	106068	Slc45a4	chr15	73577418	73645469	2358	110	0.04665	2235	138	0.061745	2441	131	0.053667	306	32	0.104575	457	19	0.041575	2701	113	0.041836	2174	97	0.044618	2277	90	0.039526	502	35	0.069721	744	25	0.033602	240	2	0.008333
XM_01731	106068	Slc45a4	chr15	73577418	73634239	105	97	0.92381	72	68	0.944444	81	74	0.91358	#N/A	#N/A	#N/A	36	30	0.833333	102	97	0.95098	75	63	0.84	123	104	0.845528	#N/A	#N/A	#N/A	42	35	0.833333	30	28	0.933333
XM_01731	110253	Triobp	chr15	78947890	79004869	292	1	0.003425	265	4	0.015094	290	1	0.003448	105	0	0	189	0	0	354	4	0.011299	256	1	0.003906	319	2	0.00627	110	1	0.009091	65	0	0	75	2	0.026667
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389542	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389537	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389539	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389541	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39270432	39682729	170	164	0.964706	146	144	0.986301	152	149	0.980263	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	126	120	0.952381	148	141	0.952703	158	144	0.911392	50	49	0.98	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389837	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389543	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389546	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389832	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389832	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389539	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389834	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389836	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389830	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389830	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	116838	Rims2	chr15	39389834	39682729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12297	Cacnb3	chr15	98632313	98644529	1439	375	0.260598	1420	334	0.235211	1412	377	0.266997	381	99	0.259843	410	124	0.302439	1524	436	0.286089	1135	240	0.211454	1243	214	0.172164	414	115	0.277778	518	142	0.274131	179	36	0.201117
XM_01731	12297	Cacnb3	chr15	98628436	98644529	540	170	0.314815	272	73	0.268382	312	86	0.275641	118	50	0.423729	140	51	0.364286	534	167	0.312734	305	77	0.252459	333	70	0.21021	156	36	0.230769	128	21	0.164063	47	11	0.234043
XM_01731	12297	Cacnb3	chr15	98631810	98644529	1462	383	0.26197	1434	341	0.237796	1426	385	0.269986	381	99	0.259843	410	124	0.302439	1559	448	0.287364	1161	259	0.223084	1260	218	0.173016	414	115	0.277778	518	142	0.274131	179	36	0.201117
XM_01731	12563	Cdh6	chr15	13028699	13173506	1975	62	0.031392	1835	52	0.028338	2097	64	0.03052	340	4	0.011765	732	23	0.031421	2026	87	0.042942	1545	50	0.032362	1338	54	0.040359	497	34	0.06841	754	16	0.02122	81	0	0
XM_01731	12563	Cdh6	chr15	13028699	13176407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	12805	Cntn1	chr15	92051203	92341953	716	26	0.036313	685	18	0.026277	637	9	0.014129	128	3	0.023438	228	5	0.02193	767	52	0.067797	690	101	0.146377	607	41	0.067545	235	21	0.089362	304	41	0.134868	116	32	0.275862
XM_01731	12805	Cntn1	chr15	92160681	92285995	245	161	0.657143	221	135	0.61086	218	120	0.550459	12	4	0.333333	58	38	0.655172	177	74	0.418079	175	60	0.342857	203	104	0.512315	71	20	0.28169	40	23	0.575	22	11	0.5
XM_01731	13132	Dab2	chr15	6386388	6440715	1086	34	0.031308	916	15	0.016376	728	15	0.020604	#N/A	#N/A	#N/A	331	8	0.024169	746	12	0.016086	909	3	0.0033	914	8	0.008753	149	1	0.006711	215	1	0.004651	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	13350	Dgat1	chr15	76502015	76506653	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	13363	Dhh	chr15	98893027	98895951	1390	135	0.097122	1853	153	0.082569	1521	150	0.098619	217	20	0.092166	438	51	0.116438	1533	203	0.13242	1525	281	0.184262	1575	119	0.075556	262	28	0.10687	352	32	0.090909	101	14	0.138614
XM_01731	14368	Fzd6	chr15	39006420	39037796	3208	83	0.025873	3092	58	0.018758	3442	74	0.021499	860	33	0.038372	836	45	0.053828	3519	66	0.018755	3245	46	0.014176	3232	52	0.016089	672	9	0.013393	980	9	0.009184	313	11	0.035144
XM_01731	14731	Gpaa1	chr15	76331999	76334900	1725	83	0.048116	1518	67	0.044137	1940	73	0.037629	413	1	0.002421	701	48	0.068474	2295	68	0.02963	1506	50	0.033201	1731	43	0.024841	656	30	0.045732	831	43	0.051745	339	2	0.0059
XM_01731	14787	Rhpn1	chr15	75704249	75714419	1256	34	0.02707	1291	34	0.026336	1378	44	0.03193	377	5	0.013263	623	12	0.019262	1497	71	0.047428	1138	32	0.02812	1106	48	0.0434	344	9	0.026163	570	11	0.019298	77	1	0.012987
XM_01731	14787	Rhpn1	chr15	75704251	75714419	1256	34	0.02707	1291	34	0.026336	1378	44	0.03193	377	5	0.013263	623	12	0.019262	1497	71	0.047428	1138	32	0.02812	1106	48	0.0434	344	9	0.026163	570	11	0.019298	77	1	0.012987
XM_01731	15370	Nr4a1	chr15	1.01E+08	1.01E+08	175	153	0.874286	205	197	0.960976	191	176	0.921466	114	104	0.912281	144	126	0.875	303	273	0.90099	165	149	0.90303	183	167	0.912568	112	103	0.919643	137	122	0.890511	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	15425	Hoxc6	chr15	1.03E+08	1.03E+08	795	66	0.083019	797	55	0.069009	826	37	0.044794	180	5	0.027778	204	16	0.078431	896	107	0.11942	690	66	0.095652	716	39	0.054469	221	15	0.067873	271	18	0.066421	105	12	0.114286
XM_01731	19212	Pter	chr2	12972322	13001667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16421	Itgb7	chr15	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	48	0.872727	24	23	0.958333	45	33	0.733333	41	28	0.682927	34	27	0.794118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91049993	3487	77	0.022082	3090	38	0.012298	3132	49	0.015645	400	4	0.01	828	28	0.033816	3133	159	0.05075	3151	41	0.013012	3028	56	0.018494	851	25	0.029377	782	19	0.024297	260	2	0.007692
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	192140	Tmc2	chr2	1.3E+08	1.3E+08	200	169	0.845	187	160	0.855615	218	189	0.866972	47	36	0.765957	79	71	0.898734	231	174	0.753247	226	156	0.690265	223	130	0.58296	63	30	0.47619	90	52	0.577778	34	15	0.441176
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91050382	2977	75	0.025193	2671	35	0.013104	2646	42	0.015873	346	4	0.011561	660	22	0.033333	2619	132	0.050401	2525	37	0.014653	2683	54	0.020127	656	25	0.03811	573	18	0.031414	227	2	0.008811
XM_01731	16564	Kif2a	chr15	90933275	91026991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	17305	Mfng	chr15	78755882	78771946	144	6	0.041667	156	9	0.057692	108	6	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A	24	1	0.041667	120	1	0.008333	148	1	0.006757	178	8	0.044944	58	2	0.034483	38	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	19224	Ptgs1	chr2	36219392	36258593	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	18521	Pcbp2	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3343	15	0.004487	3156	24	0.007605	3780	20	0.005291	384	13	0.033854	796	12	0.015075	3577	23	0.00643	2816	14	0.004972	3274	21	0.006414	977	1	0.001024	1227	5	0.004075	20	0	0
XM_01731	18521	Pcbp2	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3343	15	0.004487	3156	24	0.007605	3780	20	0.005291	384	13	0.033854	796	12	0.015075	3577	23	0.00643	2816	14	0.004972	3274	21	0.006414	977	1	0.001024	1227	5	0.004075	20	0	0
XM_01731	18521	Pcbp2	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3343	15	0.004487	3156	24	0.007605	3780	20	0.005291	384	13	0.033854	796	12	0.015075	3577	23	0.00643	2816	14	0.004972	3274	21	0.006414	977	1	0.001024	1227	5	0.004075	20	0	0
XM_01731	18521	Pcbp2	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3343	15	0.004487	3156	24	0.007605	3780	20	0.005291	384	13	0.033854	796	12	0.015075	3577	23	0.00643	2816	14	0.004972	3274	21	0.006414	977	1	0.001024	1227	5	0.004075	20	0	0
XM_01731	18521	Pcbp2	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3343	15	0.004487	3156	24	0.007605	3780	20	0.005291	384	13	0.033854	796	12	0.015075	3577	23	0.00643	2816	14	0.004972	3274	21	0.006414	977	1	0.001024	1227	5	0.004075	20	0	0
XM_01731	18606	Enpp2	chr15	54838902	54920271	249	30	0.120482	194	19	0.097938	217	19	0.087558	13	1	0.076923	149	7	0.04698	238	16	0.067227	203	12	0.059113	225	18	0.08	105	5	0.047619	116	14	0.12069	11	1	0.090909
XM_01731	18606	Enpp2	chr15	54838902	54952789	1959	28	0.014293	1967	11	0.005592	2259	10	0.004427	224	5	0.022321	545	6	0.011009	1673	28	0.016736	1890	26	0.013757	2044	22	0.010763	394	3	0.007614	441	3	0.006803	160	2	0.0125
XM_01731	18606	Enpp2	chr15	54838902	54926538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	19009	Pou6f1	chr15	1.01E+08	1.01E+08	2513	46	0.018305	2328	40	0.017182	2001	26	0.012994	39	3	0.076923	212	4	0.018868	2170	39	0.017972	2180	43	0.019725	2603	30	0.011525	439	3	0.006834	517	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	19009	Pou6f1	chr15	1.01E+08	1.01E+08	2513	46	0.018305	2328	40	0.017182	2001	26	0.012994	39	3	0.076923	212	4	0.018868	2170	39	0.017972	2180	43	0.019725	2603	30	0.011525	439	3	0.006834	517	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	19009	Pou6f1	chr15	1.01E+08	1.01E+08	2513	46	0.018305	2328	40	0.017182	2001	26	0.012994	39	3	0.076923	212	4	0.018868	2170	39	0.017972	2180	43	0.019725	2603	30	0.011525	439	3	0.006834	517	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	19011	Endou	chr15	97711015	97721137	206	156	0.757282	140	109	0.778571	200	145	0.725	97	71	0.731959	122	80	0.655738	200	106	0.53	182	102	0.56044	165	100	0.606061	128	73	0.570313	102	68	0.666667	30	17	0.566667
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	6340	129	0.020347	6228	196	0.031471	6935	136	0.019611	433	4	0.009238	596	3	0.005034	5554	133	0.023947	5772	245	0.042446	5497	195	0.035474	1067	43	0.0403	1211	49	0.040462	400	11	0.0275
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	6340	129	0.020347	6228	196	0.031471	6935	136	0.019611	433	4	0.009238	596	3	0.005034	5554	133	0.023947	5772	245	0.042446	5497	195	0.035474	1067	43	0.0403	1211	49	0.040462	400	11	0.0275
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	#N/A	#N/A	#N/A	40	40	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	2945	81	0.027504	3205	124	0.03869	3408	81	0.023768	279	2	0.007168	373	2	0.005362	2474	58	0.023444	3074	107	0.034808	2752	103	0.037427	480	11	0.022917	915	20	0.021858	176	4	0.022727
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	6340	129	0.020347	6228	196	0.031471	6935	136	0.019611	433	4	0.009238	596	3	0.005034	5554	133	0.023947	5772	245	0.042446	5497	195	0.035474	1067	43	0.0403	1211	49	0.040462	400	11	0.0275
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	6340	129	0.020347	6228	196	0.031471	6935	136	0.019611	433	4	0.009238	596	3	0.005034	5554	133	0.023947	5772	245	0.042446	5497	195	0.035474	1067	43	0.0403	1211	49	0.040462	400	11	0.0275
XM_01731	20273	Scn8a	chr15	1.01E+08	1.01E+08	6340	129	0.020347	6228	196	0.031471	6935	136	0.019611	433	4	0.009238	596	3	0.005034	5554	133	0.023947	5772	245	0.042446	5497	195	0.035474	1067	43	0.0403	1211	49	0.040462	400	11	0.0275
XM_01731	20286	Zc3h7b	chr15	81756860	81796269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20401	Sh3bp1	chr15	78899773	78912052	2293	319	0.139119	2032	257	0.126476	2534	329	0.129834	325	52	0.16	788	86	0.109137	2547	372	0.146054	1994	266	0.1334	2365	327	0.138266	649	34	0.052388	865	90	0.104046	240	20	0.083333
XM_01731	20491	Sla	chr15	66780864	66803848	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01731	20683	Sp1	chr15	1.02E+08	1.02E+08	2345	18	0.007676	1927	6	0.003114	2323	30	0.012914	235	0	0	579	3	0.005181	2965	24	0.008094	2301	16	0.006953	3240	15	0.00463	450	2	0.004444	700	2	0.002857	110	0	0





XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231051	Kmt2c	chr5	25272022	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XM_01732 231086	Hadhb	chr5	30155596	30184588	755	10	0.013245	609	2	0.003284	751	12	0.015979	204	0	0	260	3	0.011538	871	15	0.017222	734	13	0.017711	547	22	0.040219	233	6	0.025751	314	2	0.006369	151	0	0
XM_01732 231125	Zfyve28	chr5	34194893	34224258	185	170	0.918919	163	154	0.944785	209	194	0.92823	53	48	0.90566	72	67	0.930556	171	151	0.883041	180	169	0.938889	143	128	0.895105	70	64	0.914286	67	64	0.955224	26	24	0.923077
XM_01732 231293	Cwh43	chr5	73406051	73442410	1224	44	0.035948	1226	61	0.049755	1151	56	0.048653	228	10	0.04386	413	22	0.053269	1203	71	0.059019	928	33	0.03556	1109	60	0.054103	281	22	0.078292	381	24	0.062992	205	3	0.014634
XM_01732 231326	Aasdh	chr5	76873659	76905529	52	40	0.769231	88	77	0.875	64	51	0.796875	#N/A	#N/A	#N/A	55	40	0.727273	72	40	0.555556	58	33	0.568966	60	39	0.65	40	27	0.675	59	44	0.745763	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231386	Ythdc1	chr5	86803980	86836659	3665	37	0.010095	3707	50	0.013488	3766	43	0.011418	891	1	0.001122	1516	17	0.011214	3649	38	0.010414	3336	36	0.010791	3310	33	0.00997	923	12	0.013001	1062	8	0.007533	818	5	0.006112
XM_01732 231430	Cox18	chr5	90214724	90224595	1708	16	0.009368	1614	15	0.009294	2029	19	0.009364	168	3	0.017857	497	2	0.004024	1701	6	0.003527	1556	4	0.002571	1784	10	0.005605	568	2	0.003521	601	4	0.006656	253	2	0.007905
XM_01732 231470	Fras1	chr5	96618413	96784733	44	35	0.795455	31	22	0.709677	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	30	19	0.633333	27	22	0.814815	21	19	0.904762	10	5	0.5	16	12	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231470	Fras1	chr5	96616773	96784733	44	35	0.795455	31	22	0.709677	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	30	19	0.633333	27	22	0.814815	21	19	0.904762	10	5	0.5	16	12	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231506	Lin54	chr5	1E+08	1.01E+08	4694	72	0.015339	4689	45	0.009597	4846	57	0.011762	824	12	0.014563	946	8	0.008457	4630	75	0.016199	4223	58	0.013734	4595	59	0.01284	1026	20	0.019493	990	39	0.039394	160	1	0.00625
XM_01732 231507	Plac8	chr5	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231507	Plac8	chr5	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231510	Gpat3	chr5	1.01E+08	1.01E+08	1800	16	0.008889	1862	10	0.005371	1972	15	0.007606	413	0	0	733	3	0.004093	1835	6	0.00327	1593	13	0.008161	1438	7	0.004868	741	3	0.004049	686	0	0	140	0	0
XM_01732 231583	Slc26a1	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231583	Slc26a1	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231589	Vmn2r13	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231589	Vmn2r13	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231589	Vmn2r13	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231591	Vmn2r14	chr5	1.09E+08	1.09E+08	38	25	0.657895	41	40	0.97561	41	33	0.804878	#N/A	#N/A	#N/A	34	18	0.529412	30	17	0.566667	43	18	0.418605	23	9	0.391304	24	10	0.416667	27	6	0.222222	23	8	0.347826
XM_01732 231591	Vmn2r14	chr5	1.09E+08	1.09E+08	38	25	0.657895	41	40	0.97561	41	33	0.804878	#N/A	#N/A	#N/A	34	18	0.529412	30	17	0.566667	43	18	0.418605	23	9	0.391304	24	10	0.416667	27	6	0.222222	23	8	0.347826
XM_01732 231591	Vmn2r14	chr5	1.09E+08	1.09E+08	38	25	0.657895	41	40	0.97561	41	33	0.804878	#N/A	#N/A	#N/A	34	18	0.529412	30	17	0.566667	43	18	0.418605	23	9	0.391304	24	10	0.416667	27	6	0.222222	23	8	0.347826
XM_01732 231712	Trafd1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	1813	4	0.002206	1618	10	0.00618	1766	6	0.003398	207	1	0.004831	709	0	0	2117	13	0.006141	1780	10	0.005618	1703	9	0.005285	320	2	0.00625	621	3	0.004831	315	0	0
XM_01732 231712	Trafd1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	1813	4	0.002206	1618	10	0.00618	1766	6	0.003398	207	1	0.004831	709	0	0	2117	13	0.006141	1780	10	0.005618	1703	9	0.005285	320	2	0.00625	621	3	0.004831	315	0	0
XM_01732 231712	Trafd1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	28	1	0.035714	30	1	0.033333	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	22	0	0	34	0	0	26	0	0	24	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231724	Rad9b	chr5	1.22E+08	1.22E+08	2789	294	0.105414	2757	305	0.110627	2944	218	0.074049	362	20	0.055249	1519	76	0.050033	2833	290	0.102365	2858	293	0.102519	2792	305	0.109241	1125	26	0.023111	1383	107	0.077368	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231760	Rimbp2	chr5	1.29E+08	1.29E+08	253	9	0.035573	232	43	0.185345	324	79	0.243827	53	1	0.018868	90	3	0.033333	408	80	0.196078	208	55	0.264423	175	13	0.074286	59	3	0.050847	80	15	0.1875	66	8	0.121212
XM_01732 231760	Rimbp2	chr5	1.29E+08	1.29E+08	253	9	0.035573	232	43	0.185345	324	79	0.243827	53	1	0.018868	90	3	0.033333	436	82	0.188073	208	55	0.264423	175	13	0.074286	59	3	0.050847	80	15	0.1875	66	8	0.121212
XM_01732 231769	Sfswap	chr5	1.3E+08	1.3E+08	2275	22	0.00967	2591	37	0.01428	2219	30	0.01352	442	12	0.027149	683	11	0.016105	2505	14	0.005589	2029	11	0.005421	2328	46	0.019759	671	11	0.016393	921	18	0.019544	188	0	0
XM_01732 231803	Mepce	chr5	1.38E+08	1.38E+08	2024	13	0.006423	1827	13	0.007115	1938	21	0.010836	156	0	0	656	7	0.010671	2425	13	0.005361	1801	14	0.007773	1981	13	0.006562	445	5	0.011236	912	3	0.003289	167	1	0.005988
XM_01732 231866	Zfp12	chr5	1.43E+08	1.43E+08	507	109	0.21499	610	104	0.170492	680	58	0.085294	77	22	0.285714	140	34	0.242857	460	151	0.328261	582	126	0.216495	642	108	0.168224	175	34	0.194286	142	42	0.295775	26	5	0.192308
XM_01732 231874	Ccz1	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1122	7	0.006239	1119	12	0.010724	1216	8	0.006579	316	1	0.003165	474	24	0.050633	1244	8	0.006431	1026	5	0.004873	1060	1	0.000943	373	4	0.010724	407	3	0.007371	119	0	0
XM_01732 269109	Dpp10	chr1	1.23E+08	1.24E+08	914	63	0.068928	903	13	0.014396	1189	49	0.041211	#N/A	#N/A	#N/A	389	40	0.102828	1030	110	0.106796	862	104	0.12065	798	106	0.132832	277	29	0.104693	195	54	0.276923	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 242894	Actr3b	chr5	25812922	25850688	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A	34	16	0.470588	#N/A	#N/A	#N/A	32	17	0.53125	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 243219	2900026A(	chr5	1.13E+08	1.13E+08	2823	66	0.023379	2296	33	0.014373	2717	58	0.021347	419	16	0.038186	723	37	0.051176	3325	98	0.029474	3322	56	0.016857	3353	59	0.017596	780	8	0.010256	736	27	0.036685	199	3	0.015075
XM_01732 243312	Elfn1	chr5	1.4E+08	1.4E+08	1996	98	0.049098	2432	91	0.037418	2217	110	0.049617	404	21	0.05198	725	30	0.041379	2004	103	0.051397	1988	103	0.051811	2097	160	0.076299	419	35	0.083532	559	47	0.084079	15	2	0.133333
XM_01732 26414	Mapk10	chr5	1.03E+08	1.03E+08	82	44	0.536585	48	22	0.458333	54	15	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	58	24	0.413793	78	35	0.448718	66	31	0.469697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26414	Mapk10	chr5	1.03E+08	1.03E+08	82	44	0.536585	48	22	0.458333	54	15	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	58	24	0.413793	78	35	0.448718	66	31	0.469697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26414	Mapk10	chr5	1.03E+08	1.03E+08	82	44	0.536585	48	22	0.458333	54	15	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	58	24	0.413793	78	35	0.448718	66	31	0.469697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26414	Mapk10	chr5	1.03E+08	1.03E+08	82	44	0.536585	48	22	0.458333	54	15	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	58	24	0.413793	78	35	0.448718	66	31	0.469697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26414	Mapk10	chr5	1.03E+08	1.03E+08	82	44	0.536585	48	22	0.458333	54	15	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	58	24	0.413793	78	35	0.448718	66	31	0.469697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26431	Git2	chr5	1.15E+08	1.15E+08	8146	48	0.005892	7392	38	0.005141	8430	64	0.007592	1193	1	0.000838	2864	14	0.004888	7708	48	0.006227	7923	60	0.007573	8156	41	0.005027	1854	10	0.005394	2904	7	0.00241	376	0	0
XM_01732 269113	Nup54	chr5	92415545	92435255	2778	18	0.006479	2353	12	0.0051	2837	22	0.007755	650	4	0.006154	1214	3	0.002471	2988	15	0.00502	3217	7	0.002176	2509	14	0.00558	809	2	0.002472	885	3	0.00339	587	2	0.003407
XM_01732 269633	Wdr86	chr5	24712886	24730698	1334	50	0.037481	1782	102	0.057239	1371	69	0.050328	89	0	0	634	61	0.096215	1708	104	0.06089	1627	146	0.089736	1448	99	0.06837	337	59	0.175074	505	46	0.091089	22	0	0
XM_01732 269693	Ccdc60	chr5	1.16E+08	1.16E+08	721	88	0.122053	605	80	0.132231	672	104	0.154762	34	1	0.029412	174	6	0.034483	470	83	0.176596	446	44	0.098655	625	70	0.112	132	21	0.159091	152	38	0.25	10	0	0
XM_01732 269693	Ccdc60	chr5	1.16E+08	1.16E+08	721	88	0.122053	605	80	0.132231	672	104	0.154762	34	1	0.029412	174	6	0.034483	470	83	0.176596	446	44	0.098655	625	70	0.112	132	21	0.159091	152	38	0.25	10	0	0
XM_01732 269116	Nfasc	chr1	1.33E+08	1.33E+08	1262	144	0.114105	1207	120	0.09942	1481	127	0.085753	383	29	0.075718	404	37	0.091584	1372	115	0.083819	1148	95	0.082753	1084	85	0.078413	184	31	0.168478	460	34	0.073913	162	21	0.12963
XM_01732 269695	Rnft2	chr5	1.18E+08	1.18E+08	1965	10	0.005089	1479	11	0.007437	1595	24	0.015047	400	1	0.0025	532	2	0.003759	1993	7	0.003512	1835	14	0.007629	1570	8	0.005096	532	2	0.003759	497	1	0.002012	293	0	0
XM_01732 269116	Nfasc	chr1	1.33E+08	1.33E+08	1262	144	0.114105	1207	120	0.09942	1481	127	0.085753	383	29	0.075718	404	37	0.091584	1372	115	0.083819	1148	95	0.082753	1084	85	0.078413	184	31	0.168478	460	34	0.073913	162	21	0.12963
XM_01732 269116	Nfasc	chr1	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 27405	Abcg3	chr5	1.05E+08	1.05E+08	312	296	0.948718	349	327	0.936963	243	231	0.950617	22	20	0.909091	142	123	0.866197	277	256	0.924188	308	250	0.811688	341	282	0.826979	63	48	0.761905	124	95	0.766129	36	25	0.694444
XM_01732 27405	Abcg3	chr5	1.05E+08	1.05E+08	312	296	0.948718	349	327	0.936963	243	231	0.950617	22	20	0.909091	142	123	0.866197	277	256	0.924188	308	250	0.811688	341	282	0.826979	63	48	0.761905	124	95	0.766129	36	25	0.694444
XM_01732 277854	Depdc5	chr5	32863917	32994018	963	8	0.008307	814	6	0.007371	786	11	0.013995	288	2	0.006944	198	1	0.005051	966	4	0.004141	1016	6	0.005906	1066	5	0.00469	230	1	0.004348	630	5	0.007937	110	0	0
XM_01732 269116	Nfasc	chr1	1.33E+08	1.33E+08	1262	144	0.114105	1207	120	0.09942	1481	127	0.085753	383	29	0.075718	404	37	0.091584	1372	115	0.083819	1148	95	0.082753	1084	85	0.078413	184	31	0.168478	460	34	0.073913	162	21	0.12963
XM_01732 277854	Depdc5	chr5	32863704	32964609	963	8	0.008307	814	6	0.007371	786	11	0.013995	288	2	0.006944	198	1	0.005051	966	4	0.004141	1016	6	0.005906	1066	5	0.00469	230	1	0.004348	630	5	0.007937	110	0	0
XM_01732 319387	Adgrl3	chr5	81019085	81795997	362	1	0.002762	151	0	0	399	11	0.027569	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	269	5	0.018587	499	16	0.032064	246	15	0.060976	#N/A	#N/A	#N/A	130	3	0.023077	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 319387	Adgrl3	chr5	81019085	81802140	362	1	0.002762	151	0	0	399	11	0.027569	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	269	5	0.018587	499	16	0.032064	246	15	0.060976	#N/A	#N/A	#N/A	130	3	0.023077	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 319387	Adgrl3	chr5	81019085	81827665	362	1	0.002762	151	0	0	399	11	0.027569	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	269	5	0.018587	499	16	0.032064	246	15	0.060976	#N/A	#N/A	#N/A	130	3	0.023077	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 319772	C130050O	chr5	1.39E+08	1.39E+08	153	119	0.777778	62	48	0.774194	112	96	0.857143	33	24	0.727273	99	73	0.737374	213	153	0.71831	155	120	0.774194	111	81	0.72973	48	36	0.75	33	20	0.606061	12	7	0.583333
XM_01732 320827	Cracd	chr5	76657642	76873546	5082	105	0.020661	4850	76	0.01567	5989	94	0.015695	521	19	0.036468	2037	57	0.027982	4720	150	0.03178	4365	115	0.026346	4125	101	0.024485	1367	53	0.038771	1797	64	0.035615	760	20	0.026316
XM_01732 320916	Wscd2	chr5	1.13E+08	1.14E+08	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 320951	Pisd	chr5	32736302	32764864	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 330119	Adamts3	chr5	89696004	89883668	2945	98	0.033277	3091	103	0.033323	3196	96	0.030038	411	29	0.07056	765	34	0.044444	2770	89	0.03213	2880	83	0.028819	2934	132	0.04499	523	21	0.040153	835	69	0.082635	96	13	0.135417
XM_01732 330217	Gal3st4	chr5	1.38E+08	1.38E+08	459	87	0.189542	458	59	0.128821	501	56	0.111776	109	20	0.183486	175	50	0.285714	534	144	0.269663	483	72	0.149068	471	65	0.138004	230	54	0.234783	208	41	0.197115	61	12	0.196721
XM_01732 333789	N4bp2	chr5	65798173	65829724	12	11	0.916667	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	38	0.95	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381677	Vgf	chr5	1.37E+08	1.37E+08	673	57	0.084695	677	63	0.093058	723	65	0.089903	104	10	0.096154	170	23	0.135294	720	55	0.076389	480	63	0.13125	643	47	0.073095	178	21	0.117978	97	31	0.319588	104	12	0.115385
XM_01732 381677	Vgf	chr5	1.37E+08	1.37E+08	18	18	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	11	11	1	24	20	0.833333	64	49	0.765625	36	26	0.722222	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381680	Nxpe5	chr5	1.38E+08	1.38E+08	37	33	0.891892	13	11	0.846154	10	7	0.7	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	69	50	0.724638	63	38	0.603175	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_01732 381680	Nxpe5	chr5	1.38E+08	1.38E+08	37	33	0.891892	13	11	0.846154	10	7	0.7	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	69	50	0.724638	63	38	0.603175	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_01732 381680	Nxpe5	chr5	1.38E+08	1.38E+08	37	33	0.891892	13	11	0.846154	10	7	0.7	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	69	50	0.724638	63	38	0.603175	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XM_01732 381693	Wdr95	chr5	1.49E+08	1.5E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381738	Drc1	chr5	30281352	30366694	1003	170	0.169492	907	168	0.185226	997	157	0.157472	181	46	0.254144	354	60	0.169492	983	190	0.193286	892	146	0.163677	858	122	0.142191	195	46	0.235897	294	89	0.302721	70	14	0.2
XM_01732 381738	Drc1	chr5	30281335	30366695	1003	170	0.169492	907	168	0.185226	997	157	0.157472	181	46	0.254144	354	60	0.169492	983	190	0.193286	892	146	0.163677	858	122	0.142191	195	46	0.235897	294	89	0.302721	70	14	0.2
XM_01732 381738	Drc1	chr5	30286458	30366695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 384185	Arl9	chr5	77002919	77010959	782	693	0.886189	781	685	0.877081	671	614	0.915052	131	129	0.984733	294	255	0.867347	733	678	0.924966	656	620	0.945122	685	595	0.868613	269	257	0.95539	225	216	0.96	158	138	0.873418
XM_01732 384219	Vmn2r11	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 384219	Vmn2r11	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 384219	Vmn2r11	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 403174	Msantd1	chr5	34914593	34926989	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 269181	Mgat4a	chr1	37439340	37541047	3594	73	0.020312	3860	78	0.020207	3621	84	0.023198	595	20	0.033613	1166	19	0.016295	3790	100	0.026385	3541	82	0.023157	3263	75	0.022985	964	28	0.029046	1110	45	0.040541	186	15	0.080645
XM_01732 269181	Mgat4a	chr1	37439340	37541060	3594	73	0.020312	3860	78	0.020207	3621	84	0.023198	595	20	0.033613	1166	19	0.016295	3790	100	0.026385	3541	82	0.023157	3263	75	0.022985	964	28	0.029046	1110	45	0.040541	186	15	0.080645
XM_01732 269181	Mgat4a	chr1	37439340	37541047	3594	73	0.020312	3860	78	0.020207	3621	84	0.023198	595	20	0.033613	1166	19	0.016295	3790	100	0.026385	3541	82	0.023157	3263	75	0.022985	964	28	0.029046	1110	45	0.040541	186	15	0.080645
XM_01732 269181	Mgat4a	chr1	37439340	37541047	3594	73	0.020312	3860	78	0.020207	3621	84	0.023198	595	20	0.033613	1166	19	0.016295	3790	100	0.026385	3541	82	0.023157	3263	75	0.022985	964	28	0.029046	1110	45	0.040541	186	15	0.080645
XM_01732 269181	Mgat4a	chr1	37439340	37541047	3594	73	0.020312	3860	78	0.020207	3621	84	0.023198	595	20	0.033613	1166	19	0.016295	3790	100	0.026385	3541	82	0.023157	3263	75	0.022985	964	28	0.029046	1110	45	0.040541	186	15	0.080645
XM_01732 50791	Magi2	chr5	19903673	20704792	115	80	0.695652	54	32	0.592593	38	34	0.894737	13	5	0.384615	64	40	0.625	59	20	0.338983	77	31	0.402597	48	15	0.3125	32	13	0.40625	34	18	0.529412	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 50791	Magi2	chr5	20180543	20704792	60	47	0.783333	66	56	0.848485	72	61	0.847222	#N/A	#N/A	#N/A	50	45	0.9	54	35	0.648148	60	32	0.533333	58	25	0.431034	61	33	0.540984	64	27	0.421875	20	9	0.45
XM_01732 50849	Rnf10	chr5	1.15E+08	1.15E+08	1178	6	0.005093	1218	10	0.00821	1476	10	0.006775	279	0	0	435	4	0.009195	1394	8	0.005739	1335	5	0.003745	1469	9	0.006127	469	2	0.004264	355	1	0.002817	39	0	0
XM_01732 50878	Stag3	chr5	1.38E+08	1.38E+08	1396	83	0.059456	1218	80	0.065681	1401	119	0.084939	96	2	0.020833	369	2	0.00542	1329	155	0.116629	942	145	0.153928	958	125	0.13048	183	5	0.027322	281	10	0.035587	156	45	0.288462
XM_01732 50878	Stag3	chr5	1.38E+08	1.38E+08	1396	83	0.059456	1218	80	0.065681	1401	119	0.084939	96	2	0.020833	369	2	0.00542	1329	155	0.116629	942	145	0.153928	958	125	0.13048	183	5	0.027322	281	10	0.035587	156	45	0.288462
XM_01732 52397	Zfp644	chr5	1.07E+08	1.07E+08	4968	40	0.008052	4226	38	0.008992	5428	36	0.006632	1043	3	0.002876	1793	6	0.003346	5574	67	0.01202	4598	36	0.007829	4263	30	0.007037	1213	6	0.004946	2032	5	0.002461	567	2	0.003527
XM_01732 52398	Septin11	chr5	93090995	93182295	54	47	0.87037	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	32	28	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	31	0.96875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 52398	Septin11	chr5	93093416	93182368	3967	80	0.020166	3611	35	0.009693	3937	30	0.00762	807	5	0.006196	1650	28	0.01697	4458	60	0.013459	3717	42	0.011299	3348	35	0.010454	1049	4	0.003813	1619	34	0.021001	620	4	0.006452
XM_01732 52398	Septin11	chr5	93093416	93182295	3967	80	0.020166	3611	35	0.009693	3937	30	0.00762	807	5	0.006196	1650	28	0.01697	4458	60	0.013459	3717	42	0.011299	3348	35	0.010454	1049	4	0.003813	1619	34	0.021001	620	4	0.006452
XM_01732 52398	Septin11	chr5	93092933	93174958	3325	61	0.018346	3149	22	0.006986	3334	19	0.005699	652	1	0.001534	1433	23	0.01605	3684	50	0.013572	3200	23	0.007188	2850	26	0.009123	897	3	0.003344	1335	33	0.024719	524	4	0.007634
XM_01732 52822	Rufy3	chr5	88583065	88651396	231	192	0.831169	160	112	0.7	229	167	0.729258	12	11	0.916667	47	30	0.638298	215	173	0.804651	124	95	0.766129	151	115	0.761589	70	50	0.714286	56	52	0.928571	34	29	0.852941
XM_01732 52822	Rufy3	chr5	88564964	88639082	6103	54	0.008848	5565	43	0.007727	6669	36	0.005398	863	4	0.004635	2130	17	0.007981	6939	59	0.008503	5283	33	0.006246	4866	41	0.008426	1600	3	0.001875	1825	8	0.004384	375	0	0
XM_01732 53886	Cdkl2	chr5	92006076	92042725	874	42	0.048055	789	34	0.043093	755	26	0.034437	128	0	0	239	10	0.041841	1002	15	0.01497	933	12	0.012862	938	16	0.017058	153	3	0.019608	293	9	0.030717	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 53886	Cdkl2	chr5	92006076	92042716	874	42	0.048055	789	34	0.043093	755	26	0.034437	128	0	0	239	10	0.041841	1002	15	0.01497	933	12	0.012862	938	16	0.017058	153	3	0.019608	293	9	0.030717	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 53886	Cdkl2	chr5	92006076	92042725	874	42	0.048055	789	34	0.043093	755	26	0.034437	128	0	0	239	10	0.041841	1002	15	0.01497	933	12	0.012862	938	16	0.017058	153	3	0.019608	293	9	0.030717	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 53886	Cdkl2	chr5	92022316	92042727	874	42	0.048055	789	34	0.043093	755	26	0.034437	128	0	0	239	10	0.041841	1002	15	0.01497	933	12	0.012862	938	16	0.017058	153	3	0.019608	293	9	0.030717	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 54216	Pcdh7	chr5	57716145	58132831	1470	21	0.014286	1211	16	0.013212	1377	13	0.009441	177	3	0.016949	537	7	0.013035	1419	40	0.028189	1246	34	0.027287	1292	24	0.018576	423	12	0.028369	560	12	0.021429	112	3	0.026786
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 54403	Slc4a4	chr5	88793862	89239653	16	10	0.625	21	7	0.333333	16	3	0.1875	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	21	14	0.666667	25	16	0.64	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 545725	Mterf1a	chr5	3890600	3893928	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 545725	Mterf1a	chr5	3890584	3893928	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 545824	Zar1l	chr5	1.51E+08	1.51E+08	290	198	0.682759	151	100	0.662252	262	161	0.614504	22	15	0.681818	112	83	0.741071	259	197	0.760618	188	107	0.569149	171	107	0.625731	85	37	0.435294	144	85	0.590278	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 56041	Uso1	chr5	92137910	92202800	3245	73	0.022496	3316	96	0.028951	3370	68	0.020178	463	0	0	1234	18	0.014587	3440	82	0.023837	3032	76	0.025066	3545	35	0.009873	753	1	0.001328	1155	6	0.005195	446	1	0.002242
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 56325	Abcb9	chr5	1.24E+08	1.24E+08	532	436	0.819549	457	362	0.792123	435	341	0.783908	126	104	0.825397	337	297	0.881306	807	653	0.80917	565	426	0.753982	570	419	0.735088	176	134	0.761364	340	275	0.808824	112	93	0.830357
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 56361	Pus1	chr5	1.11E+08	1.11E+08	940	4	0.004255	682	2	0.002933	707	9	0.01273	70	0	0	252	1	0.003968	1027	3	0.002921	627	3	0.004785	739	2	0.002706	282	1	0.003546	291	1	0.003436	60	0	0
XM_01732 56361	Pus1	chr5	1.11E+08	1.11E+08	940	4	0.004255	682	2	0.002933	707	9	0.01273	70	0	0	252	1	0.003968	1027	3	0.002921	627	3	0.004785	739	2	0.002706	282	1	0.003546	291	1	0.003436	60	0	0
XM_01732 56430	Clip1	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5400	60	0.011111	5129	34	0.006629	5132	55	0.010717	1439	7	0.004864	1732	10	0.005774	5638	70	0.012416	5145	40	0.007775	5624	57	0.010135	1237	4	0.003234	1731	11	0.006355	383	0	0
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 56430	Clip1	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5367	60	0.011179	5093	33	0.006479	5132	55	0.010717	1439	7	0.004864	1675	10	0.00597	5553	69	0.012426	5110	40	0.007828	5573	57	0.010228	1198	4	0.003339	1698	11	0.006478	383	0	0
XM_01732 56430	Clip1	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5367	60	0.011179	5093	33	0.006479	5132	55	0.010717	1439	7	0.004864	1675	10	0.00597	5553	69	0.012426	5110	40	0.007828	5573	57	0.010228	1198	4	0.003339	1698	11	0.006478	383	0	0
XM_01732 26921	Map4k4	chr1	39900902	40026306	7411	93	0.012549	7056	107	0.015164	7761	103	0.013271	985	10	0.010152	2017	30	0.014874	7387	66	0.008935	7310	68	0.009302	7709	52	0.006745	932	21	0.022532	2081	10	0.004805	247	0	0
XM_01732 56430	Clip1	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5389	60	0.011134	5117	34	0.006645	5132	55	0.010717	1439	7	0.004864	1697	10	0.005893	5591	69	0.012341	5133	40	0.007793	5607	57	0.010166	1224	4	0.003268	1720	11	0.006395	383	0	0
XM_01732 56430	Clip1	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5389	60	0.011134	5117	34	0.006645	5132	55	0.010717	1439	7	0.004864	1697	10	0.005893	5591	69	0.012341	5133	40	0.007793	5607	57	0.010166	1224	4	0.003268	1720	11	0.006395	383	0	0
XM_01732 56430	Clip1	chr5	1.24E+08	1.24E+08	5389	60	0.011134	5117	34	0.006645	5132	55	0.010717	1439	7	0.004864	1697	10	0.005893	5591	69	0.012341	5133	40	0.007793	5607	57	0.010166	1224	4	0.003268	1720	11	0.006395	383	0	0
XM_01732 56873	Lmbr1	chr5	29229802	29378419	342	2	0.005848	220	2	0.009091	412	1	0.002427	#N/A	#N/A	#N/A	190	1	0.005263	466	5	0.01073	186	4	0.021505	330	1	0.00303	56	0	0	94	0	0	26	0	0
XM_01732 56874	Rnf32	chr5	29195982	29227635	419	6	0.01432	401	3	0.007481	234	3	0.012821	72	0	0	90	0	0	357	6	0.016807	273	10	0.03663	300	9	0.03	#N/A	#N/A	#N/A	120	2	0.016667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 269224	Pask	chr1	93309444	93343399	3338	13	0.003895	2988	10	0.003347	3241	25	0.007714	496	1	0.002016	1312	8	0.006098	3931	31	0.007886	3043	32	0.010516	2746	19	0.006919	1166	2	0.001715	964	4	0.004149	414	3	0.007246
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2308	50	0.021664	2452	40	0.016313	2270	20	0.008811	422	1	0.00237	561	5	0.008913	1924	56	0.029106	2137	42	0.019654	2184	56	0.025641	366	7	0.019126	733	11	0.015007	67	1	0.014925
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2308	50	0.021664	2452	40	0.016313	2270	20	0.008811	422	1	0.00237	561	5	0.008913	1924	56	0.029106	2137	42	0.019654	2184	56	0.025641	366	7	0.019126	733	11	0.015007	67	1	0.014925
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57080	Gtf2ird1	chr5	1.34E+08	1.34E+08	2028	151	0.074458	2103	88	0.041845	2006	135	0.067298	318	23	0.072327	503	76	0.151093	1635	99	0.06055	1840	72	0.03913	1893	112	0.059165	277	22	0.079422	636	60	0.09434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 59310	Myl10	chr5	1.37E+08	1.37E+08	140	109	0.778571	178	132	0.741573	167	129	0.772455	39	29	0.74359	62	50	0.806452	175	122	0.697143	97	65	0.670103	111	70	0.630631	82	54	0.658537	96	72	0.75	22	12	0.545455
XM_01732 59310	Myl10	chr5	1.37E+08	1.37E+08	80	29	0.3625	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	86	50	0.581395	91	51	0.56044	64	20	0.3125	44	18	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 622486	Smok3c	chr5	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 626391	Zfp951	chr5	1.05E+08	1.05E+08	168	55	0.327381	163	66	0.404908	173	56	0.323699	#N/A	#N/A	#N/A	74	21	0.283784	217	61	0.281106	134	58	0.432836	121	41	0.338843	94	68	0.723404	72	22	0.305556	69	44	0.637681
XM_01732 271639	Adcy10	chr1	1.65E+08	1.66E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 627479	Vmn2r8	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	5	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 627569	Vmn2r12	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 627569	Vmn2r12	chr5	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 271639	Adcy10	chr1	1.65E+08	1.66E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 664837	Gm7361	chr5	26256452	26264312	20	19	0.95	22	18	0.818182	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	14	0.56	20	14	0.7	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 665775	Bod1l	chr5	41787538	41844315	2037	23	0.011291	1828	17	0.0093	2093	22	0.010511	275	0	0	464	19	0.040948	1912	11	0.005753	1756	13	0.007403	1781	18	0.010107	391	0	0	873	1	0.001145	44	0	0
XM_01732 665775	Bod1l	chr5	41787538	41844315	2037	23	0.011291	1828	17	0.0093	2093	22	0.010511	275	0	0	464	19	0.040948	1912	11	0.005753	1756	13	0.007403	1781	18	0.010107	391	0	0	873	1	0.001145	44	0	0
XM_01732 665775	Bod1l	chr5	41787538	41844315	2037	23	0.011291	1828	17	0.0093	2093	22	0.010511	275	0	0	464	19	0.040948	1912	11	0.005753	1756	13	0.007403	1781	18	0.010107	391	0	0	873	1	0.001145	44	0	0
XM_01732 665775	Bod1l	chr5	41787538	41844315	2037	23	0.011291	1828	17	0.0093	2093	22	0.010511	275	0	0	464	19	0.040948	1912	11	0.005753	1756	13	0.007403	1781	18	0.010107	391	0	0	873	1	0.001145	44	0	0
XM_01732 66587	Fastk	chr5	24441038	24445264	3228	218	0.067534	2795	218	0.077996	3149	241	0.076532	759	1	0.001318	1025	45	0.043902	3833	323	0.084268	3399	293	0.086202	3157	270	0.085524	1048	63	0.060115	1812	79	0.043598	383	0	0
XM_01732 66587	Fastk	chr5	24441038	24445261	3228	218	0.067534	2795	218	0.077996	3149	241	0.076532	759	1	0.001318	1025	45	0.043902	3833	323	0.084268	3399	293	0.086202	3157	270	0.085524	1048	63	0.060115	1812	79	0.043598	383	0	0

XM_01732 108655	Foxp1	chr6	98925342	99522741	2553	48	0.018801	2385	49	0.020545	2836	52	0.018336	545	25	0.045872	500	18	0.036	2904	62	0.02135	2740	50	0.018248	2835	60	0.021164	735	20	0.027211	1067	33	0.030928	346	19	0.054913
XM_01732 108655	Foxp1	chr6	98925342	99469430	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 108655	Foxp1	chr6	98925342	99522741	2553	48	0.018801	2385	49	0.020545	2836	52	0.018336	545	25	0.045872	500	18	0.036	2904	62	0.02135	2740	50	0.018248	2835	60	0.021164	735	20	0.027211	1067	33	0.030928	346	19	0.054913
XM_01732 108655	Foxp1	chr6	98925342	99445668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 108655	Foxp1	chr6	98925342	99096983	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	35	0.795455	54	44	0.814815	52	46	0.884615	26	19	0.730769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1
XM_01732 108655	Foxp1	chr6	98925342	99028550	2635	79	0.029981	3007	67	0.022281	3457	75	0.021695	759	36	0.047431	928	28	0.030172	3024	96	0.031746	2578	84	0.032583	3110	79	0.025402	809	16	0.019778	859	46	0.053551	271	22	0.081181
XM_01732 109135	Plekha5	chr6	1.4E+08	1.41E+08	5460	37	0.006777	5026	50	0.009948	6037	44	0.007288	914	4	0.004376	1594	29	0.018193	5706	31	0.005433	5173	32	0.006186	5241	35	0.006678	1469	16	0.010892	2112	3	0.00142	718	1	0.001393
XM_01732 109135	Plekha5	chr6	1.4E+08	1.41E+08	5460	37	0.006777	5026	50	0.009948	6037	44	0.007288	914	4	0.004376	1594	29	0.018193	5706	31	0.005433	5173	32	0.006186	5241	35	0.006678	1469	16	0.010892	2112	3	0.00142	718	1	0.001393
XM_01732 109135	Plekha5	chr6	1.4E+08	1.41E+08	5460	37	0.006777	5026	50	0.009948	6037	44	0.007288	914	4	0.004376	1594	29	0.018193	5706	31	0.005433	5173	32	0.006186	5241	35	0.006678	1469	16	0.010892	2112	3	0.00142	718	1	0.001393
XM_01732 109246	Tspan9	chr6	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109246	Tspan9	chr6	1.28E+08	1.28E+08	30	21	0.7	33	25	0.757576	39	31	0.794872	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	44	32	0.727273	28	19	0.678571	22	13	0.590909	15	10	0.666667	31	18	0.580645	11	4	0.363636
XM_01732 109593	Lmo3	chr6	1.38E+08	1.38E+08	276	33	0.119565	203	8	0.039409	234	11	0.047009	47	1	0.021277	104	11	0.105769	242	27	0.11157	199	8	0.040201	105	3	0.028571	99	8	0.080808	99	10	0.10101	39	0	0
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34709434	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34709434	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34598495	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	42	0.636364	49	23	0.469388	22	18	0.818182	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34598495	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	42	0.636364	49	23	0.469388	22	18	0.818182	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34709434	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34709434	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 109624	Cald1	chr6	34598499	34771046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	42	0.636364	49	23	0.469388	22	18	0.818182	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524285	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524285	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524284	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524285	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524284	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524286	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524287	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 113864	Vmn1r14	chr6	57226155	57234350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 114142	Foxp2	chr6	14901678	15441960	3259	69	0.021172	3512	45	0.012813	3505	69	0.019686	412	4	0.009709	1128	25	0.022163	3345	55	0.016442	2976	41	0.013777	2618	32	0.012223	1126	42	0.0373	945	18	0.019048	660	13	0.019697
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524285	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 114875	Plcz1	chr6	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524286	59634509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59524286	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 11569	Aebp2	chr6	1.41E+08	1.41E+08	2735	274	0.100183	2405	221	0.091892	2614	286	0.109411	501	60	0.11976	598	58	0.09699	2813	258	0.091717	2012	276	0.137177	2470	313	0.126721	795	100	0.125786	562	128	0.227758	244	6	0.02459
XM_01732 116732	Tsga13	chr6	30897159	30921570	45	32	0.711111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	30	11	0.366667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59547420	59636417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59542981	59636417	499	456	0.913828	291	278	0.955326	518	492	0.949807	149	140	0.939597	342	329	0.961988	487	439	0.901437	511	453	0.886497	429	389	0.90676	201	177	0.880597	124	108	0.870968	120	115	0.958333
XM_01732 11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	324	245	0.756173	372	310	0.833333	310	260	0.83871	55	45	0.818182	131	103	0.78626	306	177	0.578431	253	146	0.577075	332	215	0.64759	135	76	0.562963	123	69	0.560976	32	29	0.90625
XM_01732 381260	Gm973	chr1	59542981	59636417	499	456	0.913828	291	278	0.955326	518	492	0.949807	149	140	0.939597	342	329	0.961988	487	439	0.901437	511	453	0.886497	429	389	0.90676	201	177	0.880597	124	108	0.870968	120	115	0.958333
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	7046	80	0.011354	7816	63	0.00806	8428	82	0.009729	705	4	0.005674	1512	5	0.003307	7898	111	0.014054	6709	81	0.012073	6596	92	0.013948	1545	20	0.012945	2292	31	0.013525	418	4	0.009569
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12288	Cacna1c	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6
XM_01732 12332	Capg	chr6	72538282	72562981	626	99	0.158147	488	75	0.153689	416	69	0.165865	118	12	0.101695	259	47	0.181467	692	94	0.135838	540	56	0.103704	336	64	0.190476	129	14	0.108527	206	26	0.126214	51	6	0.117647
XM_01732 12417	Cbx3	chr6	51470154	51481822	4968	37	0.007448	4359	27	0.006194	5226	57	0.010907	865	4	0.004624	1901	9	0.004734	5478	45	0.008215	4914	28	0.005698	5460	31	0.005678	1777	2	0.001125	2419	6	0.00248	690	3	0.004348
XM_01732 12661	Chl1	chr6	1.04E+08	1.04E+08	471	14	0.029724	536	14	0.026119	566	18	0.031802	#N/A	#N/A	#N/A	224	6	0.026786	432	26	0.060185	607	27	0.044481	457	28	0.061269	175	10	0.057143	220	8	0.036364	61	4	0.065574
XM_01732 12661	Chl1	chr6	1.04E+08	1.04E+08	471	14	0.029724	536	14	0.026119	566	18	0.031802	#N/A	#N/A	#N/A	224	6	0.026786	432	26	0.060185	607	27	0.044481	457	28	0.061269	175	10	0.057143	220	8	0.036364	61	4	0.065574
XM_01732 12661	Chl1	chr6	1.04E+08	1.04E+08	397	9	0.02267	427	10	0.023419	433	9	0.020785	#N/A	#N/A	#N/A	129	1	0.007752	318	16	0.050314	452	17	0.037611	367	26	0.070845	121	6	0.049587	132	5	0.037879	61	4	0.065574
XM_01732 13191	Dctn1	chr6	83179586	83200117	210	75	0.357143	114	37	0.324561	118	41	0.347458	#N/A	#N/A	#N/A	63	19	0.301587	178	101	0.567416	136	62	0.455882	140	56	0.4	64	23	0.359375	74	32	0.432432	34	11	0.323529
XM_01732 13426	Dync1i1	chr6	5728076	6028039	#N/A	#N/A	#N/A	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 13619	Phc1	chr6	1.22E+08	1.22E+08	3474	17	0.004893	3631	33	0.009088	3756	18	0.004792	493	3	0.006085	1025	3	0.002927	3694	36	0.009746	3593	24	0.00668	3398	18	0.005297	678	4	0.0059	1085	4	0.003687	143	0	0
XM_01732 13860	Eps8	chr6	1.37E+08	1.38E+08	25	16	0.64	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	10	5	0.5	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381287	A530032D	chr1	85094157	85101801	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 14433	Gapdh	chr6	1.25E+08	1.25E+08	1581	10	0.006325	1161	9	0.007752	1472	9	0.006114	202	0	0	490	3	0.006122	1771	9	0.005082	1503	15	0.00998	1463	4	0.002734	424	3	0.007075	596	3	0.005034	53	0	0
XM_01732 381287	A530032D	chr1	85088391	85100954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 14699	Gngt1	chr6	3993035	3996901	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 14699	Gngt1	chr6	3989082	3996901	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 14699	Gngt1	chr6	3991872	3996901	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 14812	Grin2b	chr6	1.36E+08	1.36E+08	896	184	0.205357	683	127	0.185944	750	155	0.206667	193	28	0.145078	276	44	0.15942	904	165	0.182522	661	169	0.255673	694	191	0.275216	269	79	0.29368	239	75	0.313808	65	19	0.292308
XM_01732 14924	Magi1	chr6	93675453	94283929	3732	37	0.009914	3900	35	0.008974	4321	62	0.014349	412	0	0	1359	19	0.013981	3838	43	0.011204	3368	34	0.010095	4243	42	0.009899	1006	3	0.002982	1448	4	0.002762	334	2	0.005988
XM_01732 14924	Magi1	chr6	93675453	94283929	3732	37	0.009914	3900	35	0.008974	4321	62	0.014349	412	0	0	1359	19	0.013981	3838	43	0.011204	3368	34	0.010095	4243	42	0.009899	1006	3	0.002982	1448	4	0.002762	334	2	0.005988
XM_01732 15277	Hk2	chr6	82725030	82754051	142	110	0.774648	110	88	0.8	144	104	0.722222	#N/A	#N/A	#N/A	63	41	0.650794	163	93	0.570552	168	102	0.607143	150	111	0.74	22	12	0.545455	11	9	0.818182	28	23	0.821429
XM_01732 15400	Hoxa3	chr6	52169061	52211162	711	21	0.029536	531	18	0.033898	788	53	0.067259	168	6	0.035714	381	7	0.018373	848	46	0.054245	733	9	0.012278	676	9	0.013314	137	14	0.10219	389	21	0.053985	80	4	0.05
XM_01732 15400	Hoxa3	chr6	52169059	52180646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 15400	Hoxa3	chr6	52169059	52183608	565	123	0.217699	639	85	0.13302	600	81	0.135	101	16	0.158416	280	70	0.25	607	206	0.339374	493	135	0.273834	391	104	0.265985	165	49	0.29697	257	63	0.245136	57	16	0.280702
XM_01732 15893	Ica1	chr6	8630527	8670671	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	10	9	0.9	28	19	0.678571	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16192	Il5ra	chr6	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16438	Itpr1	chr6	1.08E+08	1.09E+08	1826	6	0.003286	1698	6	0.003534	1894	8	0.004224	431	1	0.00232	690	2	0.002899	2246	12	0.005343	2052	9	0.004386	2028	13	0.00641	718	0	0	591	1	0.001692	279	2	0.007168
XM_01732 16438	Itpr1	chr6	1.08E+08	1.09E+08	1826	6	0.003286	1698	6	0.003534	1894	8	0.004224	431	1	0.00232	690	2	0.002899	2246	12	0.005343	2052	9	0.004386	2028	13	0.00641	718	0	0	591	1	0.001692	279	2	0.007168
XM_01732 16438	Itpr1	chr6	1.08E+08	1.09E+08	1826	6	0.003286	1698	6	0.003534	1894	8	0.004224	431	1	0.00232	690	2	0.002899	2246	12	0.005343	2052	9	0.004386	2028	13	0.00641	718	0	0	591	1	0.001692	279	2	0.007168
XM_01732 16438	Itpr1	chr6	1.08E+08	1.09E+08	1826	6	0.003286	1698	6	0.003534	1894	8	0.004224	431	1	0.00232	690	2	0.002899	2246	12	0.005343	2052	9	0.004386	2028	13	0.00641	718	0	0	591	1	0.001692	279	2	0.007168
XM_01732 16439	Itpr2	chr6	1.46E+08	1.46E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16628	Klra10	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16633	Klra2	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16633	Klra2	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16633	Klra2	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16637	Klra6	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	27	15	0.555556	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	23	9	0.391304	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	12	0	0
XM_01732 16641	Klrc1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16642	Klrc2	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381308	Ifi211	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 16977	Lrrc23	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 171195	Vmn1r30	chr6	58434848	58443624	137	119	0.868613	116	112	0.965517	160	138	0.8625	42	41	0.97619	128	117	0.914063	127	108	0.850394	123	92	0.747967	142	100	0.704225	26	12	0.461538	94	60	0.638298	26	17	0.653846
XM_01732 171195	Vmn1r30	chr6	58434848	58440073	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381318	Nsl1	chr1	1.91E+08	1.91E+08	1578	169	0.107098	1225	183	0.149388	1294	148	0.114374	366	64	0.174863	565	119	0.210619	1677	142	0.084675	1609	131	0.081417	1643	173	0.105295	458	72	0.157205	463	112	0.241901	178	5	0.02809
XM_01732 171202	Vmn1r16	chr6	57320739	57323635	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 17294	Mest	chr6	30738027	30748464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	29	0.527273	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	76	51	0.671053	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 17342	Mitf	chr6	97873727	98021360	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 18139	Zfp638	chr6	83867106	83986871	341	25	0.073314	350	25	0.071429	268	13	0.048507	118	3	0.025424	136	1	0.007353	320	31	0.096875	335	27	0.080597	533	14	0.026266	110	1	0.009091	86	13	0.151163	40	0	0
XM_01732 18139	Zfp638	chr6	83867106	83986871	341	25	0.073314	350	25	0.071429	268	13	0.048507	118	3	0.025424	136	1	0.007353	320	31	0.096875	335	27	0.080597	533	14	0.026266	110	1	0.009091	86	13	0.151163	40	0	0
XM_01732 18139	Zfp638	chr6	83867077	83986871	341	25	0.073314	350	25	0.071429	268	13	0.048507	118	3	0.025424	136	1	0.007353	320	31	0.096875	335	27	0.080597	533	14	0.026266	110	1	0.009091	86	13	0.151163	40	0	0
XM_01732 18139	Zfp638	chr6	83867106	83986871	341	25	0.073314	350	25	0.071429	268	13	0.048507	118	3	0.025424	136	1	0.007353	320	31	0.096875	335	27	0.080597	533	14	0.026266	110	1	0.009091	86	13	0.151163	40	0	0
XM_01732 18139	Zfp638	chr6	83867106	83984063	341	25	0.073314	350	25	0.071429	268	13	0.048507	118	3	0.025424	136	1	0.007353	320	31	0.096875	335	27	0.080597	533	14	0.026266	110	1	0.009091	86	13	0.151163	40	0	0
XM_01732 18139	Zfp638	chr6	83914344	83986871	1843	3	0.001628	1887	7	0.00371	2158	14	0.006487	383	0	0	730	0	0	1764	6	0.003401	1668	12	0.007194	1622	14	0.008631	603	1	0.001658	804	2	0.002488	152	0	0
XM_01732 381337	Fam178b	chr1	36562698	36683171	73	68	0.931507	70	69	0.985714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	115	102	0.886957	184	173	0.940217	108	100	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 18181	Nrf1	chr6	30083160	30144861	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 18181	Nrf1	chr6	30048935	30144861	5826	43	0.007381	5628	45	0.007996	6292	48	0.007629	313	3	0.009585	1090	1	0.000917	5550	30	0.005405	5414	19	0.003509	6022	27	0.004484	985	4	0.004061	1332	8	0.006006	78	1	0.012821
XM_01732 381337	Fam178b	chr1	36562698	36683186	73	68	0.931507	70	69	0.985714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	115	102	0.886957	184	173	0.940217	108	100	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 18488	Cntn3	chr6	1.02E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381337	Fam178b	chr1	36597687	36683189	73	68	0.931507	70	69	0.985714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	115	102	0.886957	184	173	0.940217	108	100	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381337	Fam178b	chr1	36600422	36683190	73	68	0.931507	70	69	0.985714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	115	102	0.886957	184	173	0.940217	108	100	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381337	Fam178b	chr1	36562698	36600936	40	37	0.925	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 18575	Pde1c	chr6	56100439	56362714	165	22	0.133333	226	17	0.075221	182	17	0.093407	55	8	0.145455	69	7	0.101449	234	19	0.081197	192	16	0.083333	181	25	0.138122	99	12	0.121212	60	3	0.05	10	1	0.1
XM_01732 19016	Pparg	chr6	1.15E+08	1.15E+08	3367	85	0.025245	2926	57	0.019481	3491	69	0.019765	399	13	0.032581	1335	33	0.024719	3916	145	0.037028	2891	91	0.031477	2878	106	0.036831	1191	43	0.036104	1178	68	0.057725	350	8	0.022857
XM_01732 19016	Pparg	chr6	1.15E+08	1.15E+08	3367	85	0.025245	2926	57	0.019481	3491	69	0.019765	399	13	0.032581	1335	33	0.024719	3916	145	0.037028	2891	91	0.031477	2878	106	0.036831	1191	43	0.036104	1178	68	0.057725	350	8	0.022857
XM_01732 192196	Luc7l2	chr6	38554979	38609953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381339	Tmem182	chr1	40805573	40856887	170	152	0.894118	170	164	0.964706	170	155	0.911765	75	71	0.946667	158	148	0.936709	155	143	0.922581	150	139	0.926667	194	166	0.85567	130	115	0.884615	175	150	0.857143	70	63	0.9
XM_01732 194352	Trpv5	chr6	41651661	41681118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 194352	Trpv5	chr6	41651661	41681224	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 194388	Tet3	chr6	83362373	83456214	4313	111	0.025736	3805	61	0.016032	4488	84	0.018717	559	37	0.06619	856	27	0.031542	4324	87	0.02012	4144	95	0.022925	4186	62	0.014811	698	35	0.050143	1208	14	0.011589	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 19691	Recql	chr6	1.42E+08	1.42E+08	3770	14	0.003714	3641	13	0.00357	3780	28	0.007407	646	2	0.003096	1233	3	0.002433	4295	29	0.006752	3480	24	0.006897	3510	18	0.005128	1284	6	0.004673	1622	5	0.003083	430	2	0.004651
XM_01732 109232	Sccpdh	chr1	1.8E+08	1.8E+08	4600	122	0.026522	4499	106	0.023561	5175	129	0.024928	898	18	0.020045	1639	35	0.021354	4326	108	0.024965	4321	101	0.023374	4280	87	0.020327	1526	38	0.024902	1506	24	0.015936	313	3	0.009585
XM_01732 20276	Scnn1a	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 20449	St8sia1	chr6	1.43E+08	1.43E+08	3139	139	0.044282	2716	178	0.065538	3537	177	0.050042	736	29	0.039402	945	58	0.061376	3074	134	0.043591	2620	74	0.028244	2581	166	0.064316	944	103	0.10911	982	61	0.062118	334	20	0.05988
XM_01732 20454	St3gal5	chr6	72098953	72154571	2694	13	0.004826	2514	8	0.003182	2625	35	0.013333	483	3	0.006211	717	6	0.008368	2840	27	0.009507	2386	11	0.00461	2702	19	0.007032	710	2	0.002817	897	8	0.008919	39	0	0
XM_01732 20678	Sox5	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 208665	Akr1d1	chr6	37530060	37574921	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 208665	Akr1d1	chr6	37530060	37574882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 209773	Dennd2a	chr6	39462374	39558144	4430	127	0.028668	4923	107	0.021735	4676	102	0.021814	768	10	0.013021	1146	17	0.014834	4423	101	0.022835	3917	131	0.033444	4156	69	0.016603	1039	28	0.026949	1315	29	0.022053	419	6	0.01432
XM_01732 209773	Dennd2a	chr6	39462909	39558143	4430	127	0.028668	4923	107	0.021735	4676	102	0.021814	768	10	0.013021	1146	17	0.014834	4423	101	0.022835	3917	131	0.033444	4156	69	0.016603	1039	28	0.026949	1315	29	0.022053	419	6	0.01432
XM_01732 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 211651	Fancd2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	961	3	0.003122	933	7	0.007503	860	3	0.003488	95	0	0	424	1	0.002358	837	8	0.009558	632	2	0.003165	481	1	0.002079	466	1	0.002146	349	2	0.005731	163	1	0.006135
XM_01732 211651	Fancd2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 212541	Rho	chr6	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 213522	Plekhg6	chr6	1.25E+08	1.25E+08	383	168	0.438642	298	160	0.536913	406	203	0.5	52	48	0.923077	116	60	0.517241	482	211	0.437759	257	134	0.521401	356	149	0.418539	116	54	0.465517	122	42	0.344262	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 213895	Bms1	chr6	1.18E+08	1.18E+08	1722	8	0.004646	1677	7	0.004174	1586	11	0.006936	399	1	0.002506	843	1	0.001186	1476	10	0.006775	1409	6	0.004258	1423	15	0.010541	449	2	0.004454	784	2	0.002551	241	0	0
XM_01732 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 21391	Tbxas1	chr6	38864159	39084590	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 21391	Tbxas1	chr6	38911456	39084590	242	228	0.942149	167	157	0.94012	201	196	0.975124	20	20	1	87	84	0.965517	256	244	0.953125	204	191	0.936275	170	156	0.917647	72	63	0.875	55	50	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 213945	Col28a1	chr6	7997100	8193709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 213945	Col28a1	chr6	7997100	8171214	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 21426	Tfec	chr6	16830927	16898462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	34	31	0.911765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 214704	Iqub	chr6	24445442	24503735	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_01732 21841	Tia1	chr6	86404216	86427225	999	25	0.025025	1338	16	0.011958	1337	24	0.017951	252	0	0	518	15	0.028958	1163	12	0.010318	1076	8	0.007435	1459	15	0.010281	491	5	0.010183	461	15	0.032538	278	5	0.017986
XM_01732 21841	Tia1	chr6	86404203	86432797	999	25	0.025025	1338	16	0.011958	1337	24	0.017951	252	0	0	518	15	0.028958	1163	12	0.010318	1076	8	0.007435	1459	15	0.010281	491	5	0.010183	461	15	0.032538	278	5	0.017986
XM_01732 22026	Nr2c2	chr6	92091655	92171045	7877	88	0.011172	7109	87	0.012238	7440	92	0.012366	1518	11	0.007246	2432	28	0.011513	8026	94	0.011712	7254	97	0.013372	8260	71	0.008596	1805	19	0.010526	2336	21	0.00899	822	3	0.00365
XM_01732 22214	Ube2h	chr6	30211293	30304036	2981	22	0.00738	2164	19	0.00878	2866	13	0.004536	346	0	0	881	1	0.001135	3353	24	0.007158	2204	8	0.00363	2830	6	0.00212	743	0	0	763	1	0.001311	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 231991	Creb5	chr6	53289489	53700364	2610	67	0.02567	2575	61	0.023689	2730	62	0.022711	476	6	0.012605	1165	27	0.023176	2986	49	0.01641	2588	82	0.031685	2234	50	0.022381	712	20	0.02809	1063	24	0.022578	383	5	0.013055
XM_01732 231991	Creb5	chr6	53287375	53700364	4362	89	0.020403	4322	88	0.020361	4747	90	0.018959	800	7	0.00875	1829	36	0.019683	4850	90	0.018557	4511	115	0.025493	3853	119	0.030885	1412	39	0.02762	1642	36	0.021924	829	9	0.010856
XM_01732 231991	Creb5	chr6	53287226	53700364	3841	77	0.020047	3869	81	0.020936	4247	76	0.017895	629	3	0.004769	1642	26	0.015834	4312	83	0.019249	3999	107	0.026757	3469	113	0.032574	1222	30	0.02455	1374	32	0.02329	783	9	0.011494
XM_01732 232016	Itprid1	chr6	55805290	55978743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 232023	Vopp1	chr6	57752264	57827983	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 232023	Vopp1	chr6	57752264	57827983	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 232201	Arhgap25	chr6	87458544	87533261	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90757545	98	77	0.785714	76	64	0.842105	106	83	0.783019	#N/A	#N/A	#N/A	54	38	0.703704	78	54	0.692308	114	76	0.666667	118	85	0.720339	22	15	0.681818	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90698659	66	56	0.848485	60	53	0.883333	45	35	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	114	96	0.842105	114	98	0.859649	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 232288	Frmd4b	chr6	97286867	97431454	31	16	0.516129	10	10	1	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	25	17	0.68	33	23	0.69697	32	27	0.84375	12	10	0.833333	13	4	0.307692	21	10	0.47619	12	2	0.166667

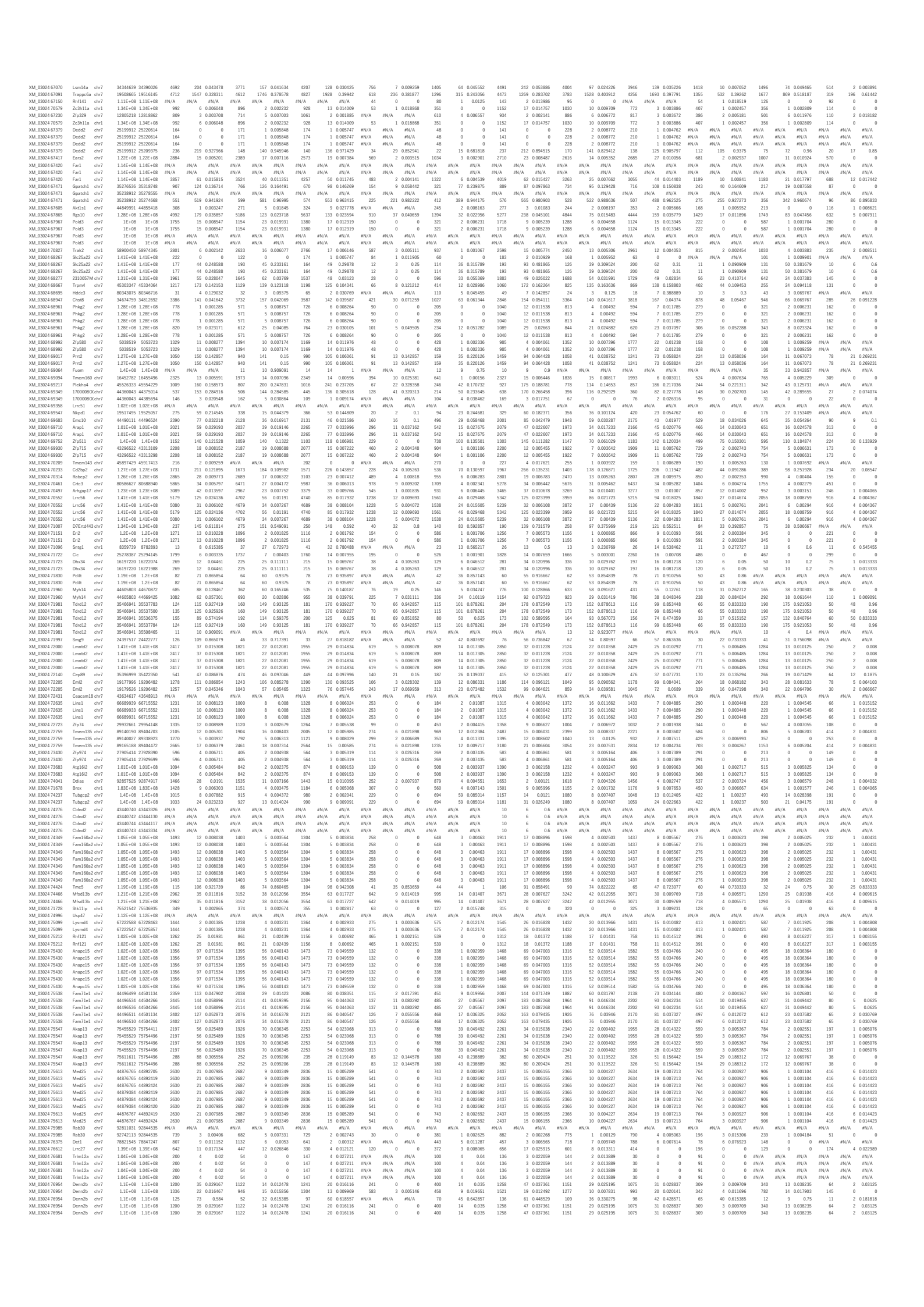
XM_01732 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_01732 233895	Prr14	chr7	1.27E+08	1.27E+08	33	31	0.939394	46	41	0.891304	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	35	34	0.971429	23	21	0.913043	26	25	0.961538	48	45	0.9375	55	52	0.945455	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 233905	Zfp646	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4849	34	0.007012	4786	41	0.008567	4967	22	0.004429	415	2	0.004819	1599	4	0.002502	4786	22	0.004597	4503	25	0.005552	4912	20	0.004072	1742	10	0.005741	2211	6	0.002714	410	2	0.004878
XM_01732 233905	Zfp646	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4849	34	0.007012	4786	41	0.008567	4967	22	0.004429	415	2	0.004819	1599	4	0.002502	4786	22	0.004597	4503	25	0.005552	4912	20	0.004072	1742	10	0.005741	2211	6	0.002714	410	2	0.004878
XM_01732 233908	Fus	chr7	1.28E+08	1.28E+08	1594	54	0.033877	1388	57	0.041066	1645	45	0.027356	266	15	0.056391	606	16	0.026403	1391	40	0.028756	1251	28	0.022382	1422	38	0.026723	568	25	0.044014	598	23	0.038462	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01732 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01732 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01732 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01732 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_01732 233979	Tpcn2	chr7	1.45E+08	1.45E+08	410	4	0.009756	499	1	0.002004	452	4	0.00885	26	0	0	110	0	0	439	0	0	533	1	0.001876	573	2	0.00349	160	0	0	88	0	0	44	0	0
XM_01732 23966	Tenm4	chr7	96436760	96911093	253	235	0.928854	235	215	0.914894	273	243	0.89011	51	44	0.862745	227	200	0.881057	309	239	0.773463	243	169	0.695473	141	104	0.737589	112	79	0.705357	128	81	0.632813	78	51	0.653846
XM_01732 243822	Fam71e2	chr7	4757299	4771363	273	238	0.871795	193	166	0.860104	270	243	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	107	92	0.859813	212	183	0.863208	116	83	0.715517	257	211	0.821012	108	80	0.740741	60	40	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 243822	Fam71e2	chr7	4757284	4771362	273	238	0.871795	193	166	0.860104	270	243	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	107	92	0.859813	212	183	0.863208	116	83	0.715517	257	211	0.821012	108	80	0.740741	60	40	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 243862	Psg22	chr7	18718055	18727438	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 243864	Mill2	chr7	18839972	18863609	78	2	0.025641	70	7	0.1	35	5	0.142857	12	2	0.166667	29	2	0.068966	77	4	0.051948	54	2	0.037037	36	8	0.222222	12	2	0.166667	49	2	0.040816	10	4	0.4
XM_01732 243864	Mill2	chr7	18853887	18869696	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 243931	Tshz3	chr7	36712026	36773553	506	374	0.73913	544	383	0.704044	520	374	0.719231	129	77	0.596899	170	122	0.717647	546	406	0.74359	496	315	0.635081	492	323	0.656504	139	94	0.676259	158	110	0.696203	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 67812	Ubxn4	chr1	1.28E+08	1.28E+08	2946	12	0.004073	2973	17	0.005718	3012	23	0.007636	438	1	0.002283	873	8	0.009164	2607	16	0.006137	1985	10	0.005038	2451	12	0.004896	720	0	0	1039	15	0.014437	98	0	0
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37773002	2861	224	0.078294	2777	170	0.061217	2742	168	0.061269	457	60	0.131291	584	71	0.121575	2434	255	0.104766	2251	222	0.098623	2311	197	0.085244	469	51	0.108742	610	65	0.106557	158	6	0.037975
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37774039	1140	218	0.191228	1053	155	0.147198	1120	171	0.152679	320	51	0.159375	347	71	0.204611	1077	273	0.253482	936	208	0.222222	921	159	0.172638	233	42	0.180258	209	65	0.311005	80	5	0.0625
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37770933	5307	113	0.021293	5169	109	0.021087	5509	106	0.019241	594	21	0.035354	1547	33	0.021332	4718	114	0.024163	4503	161	0.035754	4485	147	0.032776	1090	30	0.027523	1582	33	0.02086	315	10	0.031746
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37757681	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37772767	2807	158	0.056288	2819	124	0.043987	2738	115	0.042001	425	39	0.091765	556	52	0.093525	2563	196	0.076473	2349	166	0.070668	2322	140	0.060293	445	34	0.076404	606	41	0.067657	158	6	0.037975
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37773591	1695	227	0.133923	1377	168	0.122004	1520	176	0.115789	479	63	0.131524	466	72	0.154506	1504	283	0.188165	1223	221	0.180703	1223	183	0.149632	391	54	0.138107	441	68	0.154195	168	9	0.053571
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37770933	5307	113	0.021293	5169	109	0.021087	5509	106	0.019241	594	21	0.035354	1547	33	0.021332	4718	114	0.024163	4503	161	0.035754	4485	147	0.032776	1090	30	0.027523	1582	33	0.02086	315	10	0.031746
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37772371	3204	75	0.023408	3161	58	0.018349	3116	56	0.017972	458	15	0.032751	714	15	0.021008	2800	60	0.021429	2753	103	0.037414	2620	87	0.033206	543	22	0.040516	655	11	0.016794	178	4	0.022472
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37771397	4438	96	0.021631	4372	83	0.018984	4460	70	0.015695	422	15	0.035545	1154	22	0.019064	4014	94	0.023418	3859	137	0.035501	3782	129	0.034109	810	25	0.030864	1239	22	0.017756	118	4	0.033898
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37770576	5104	111	0.021748	5137	107	0.020829	5437	106	0.019496	348	7	0.020115	1383	28	0.020246	4363	112	0.02567	4424	160	0.036166	4456	145	0.03254	959	18	0.01877	1434	32	0.022315	227	6	0.026432
XM_01732 243937	Zfp536	chr7	37318023	37773877	1185	219	0.18481	1053	155	0.147198	1120	171	0.152679	320	51	0.159375	347	71	0.204611	1119	273	0.243968	971	209	0.215242	921	159	0.172638	233	42	0.180258	209	65	0.311005	80	5	0.0625
XM_01732 244071	Agbl1	chr7	76229591	76886363	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 244141	Nars2	chr7	96950839	97063496	840	4	0.004762	741	1	0.00135	628	8	0.012739	#N/A	#N/A	#N/A	172	1	0.005814	727	5	0.006878	642	4	0.006231	653	3	0.004594	268	3	0.011194	241	0	0	261	0	0
XM_01732 244219	Zfp668	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4414	96	0.021749	4316	78	0.018072	4492	65	0.01447	405	10	0.024691	1355	44	0.032472	4191	69	0.016464	4095	98	0.023932	4538	83	0.01829	1465	46	0.031399	1907	20	0.010488	365	2	0.005479
XM_01732 244219	Zfp668	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4849	34	0.007012	4786	41	0.008567	4967	22	0.004429	415	2	0.004819	1599	4	0.002502	4786	22	0.004597	4503	25	0.005552	4912	20	0.004072	1742	10	0.005741	2211	6	0.002714	410	2	0.004878
XM_01732 244233	Cd163l1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	131	108	0.824427	144	115	0.798611	102	80	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	54	44	0.814815	132	96	0.727273	78	49	0.628205	87	64	0.735632	39	25	0.641026	84	52	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 244233	Cd163l1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	131	108	0.824427	144	115	0.798611	102	80	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	54	44	0.814815	132	96	0.727273	78	49	0.628205	87	64	0.735632	39	25	0.641026	84	52	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 244233	Cd163l1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	131	108	0.824427	144	115	0.798611	102	80	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	54	44	0.814815	132	96	0.727273	78	49	0.628205	87	64	0.735632	39	25	0.641026	84	52	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 244233	Cd163l1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	131	108	0.824427	144	115	0.798611	102	80	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	54	44	0.814815	132	96	0.727273	78	49	0.628205	87	64	0.735632	39	25	0.641026	84	52	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 244233	Cd163l1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	94	83	0.882979	87	77	0.885057	53	47	0.886792	#N/A	#N/A	#N/A	60	49	0.816667	65	49	0.753846	66	37	0.560606	56	38	0.678571	36	27	0.75	42	32	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 244233	Cd163l1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 67921	Ube2f	chr1	91249690	91286520	3603	16	0.004441	3733	13	0.003482	3952	28	0.007085	386	4	0.010363	1031	3	0.00291	4285	22	0.005134	3270	13	0.003976	3751	23	0.006132	1162	3	0.002582	1312	4	0.003049	199	2	0.01005
XM_01732 245886	Ankrd27	chr7	35586226	35639226	3441	34	0.009881	2887	23	0.007967	3714	47	0.012655	246	11	0.044715	1085	10	0.009217	3709	34	0.009167	2912	17	0.005838	3166	21	0.006633	542	3	0.005535	1190	5	0.004202	110	2	0.018182
XM_01732 246190	Otoa	chr7	1.21E+08	1.21E+08	170	154	0.905882	162	145	0.895062	193	175	0.906736	49	39	0.795918	99	90	0.909091	172	151	0.877907	162	125	0.771605	168	147	0.875	41	37	0.902439	49	46	0.938776	47	32	0.680851
XM_01732 246694	Hps5	chr7	46760466	46795587	1679	74	0.044074	1412	79	0.055949	1491	77	0.051643	157	0	0	658	60	0.091185	1749	101	0.057747	1426	68	0.047686	1483	69	0.046527	506	20	0.039526	435	22	0.050575	91	0	0
XM_01732 246694	Hps5	chr7	46760466	46795587	1679	74	0.044074	1412	79	0.055949	1491	77	0.051643	157	0	0	658	60	0.091185	1749	101	0.057747	1426	68	0.047686	1483	69	0.046527	506	20	0.039526	435	22	0.050575	91	0	0
XM_01732 257910	Olfr671	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 67923	Eloc	chr1	16641725	16655504	1265	6	0.004743	916	3	0.003275	1209	5	0.004136	366	0	0	523	3	0.005736	1441	12	0.008328	1127	2	0.001775	913	9	0.009858	472	2	0.004237	696	2	0.002874	194	3	0.015464
XM_01732 258961	Olfr631	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 259058	Olfr646	chr7	1.04E+08	1.04E+08	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	13	13	1	11	7	0.636364	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	28	16	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1
XM_01732 68187	Fam135a	chr1	24011090	24100361	5020	45	0.008964	5584	33	0.00591	5316	32	0.00602	592	0	0	1838	6	0.003264	5412	56	0.010347	5201	48	0.009229	6171	41	0.006644	1420	7	0.00493	1591	6	0.003771	675	3	0.004444
XM_01732 259099	Olfr676	chr7	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 259277	Klk8	chr7	43797940	43803822	680	8	0.011765	444	3	0.006757	447	5	0.011186	#N/A	#N/A	#N/A	313	28	0.089457	550	4	0.007273	364	9	0.024725	461	19	0.041215	273	11	0.040293	385	11	0.028571	185	4	0.021622
XM_01732 26411	Map4k1	chr7	28982050	29003279	623	22	0.035313	509	35	0.068762	626	30	0.047923	20	0	0	376	44	0.117021	794	42	0.052897	647	19	0.029366	522	48	0.091954	249	23	0.092369	277	22	0.079422	110	1	0.009091
XM_01732 68393	Mogat1	chr1	78511139	78538173	402	34	0.084577	382	16	0.041885	456	20	0.04386	48	0	0	144	12	0.083333	387	43	0.111111	291	24	0.082474	346	24	0.069364	167	17	0.101796	59	2	0.033898	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26918	Ern2	chr7	1.22E+08	1.22E+08	60	22	0.366667	43	13	0.302326	53	13	0.245283	#N/A	#N/A	#N/A	72	27	0.375	47	5	0.106383	40	7	0.175	12	0	0	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 68393	Mogat1	chr1	78511140	78606964	402	34	0.084577	382	16	0.041885	456	20	0.04386	48	0	0	144	12	0.083333	387	43	0.111111	291	24	0.082474	346	24	0.069364	167	17	0.101796	59	2	0.033898	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 26939	Polr3e	chr7	1.21E+08	1.21E+08	6012	41	0.00682	6786	43	0.006337	7012	47	0.006703	1173	2	0.001705	2267	11	0.004852	5911	55	0.009305	5554	32	0.005762	6206	31	0.004995	1273	8	0.006284	1760	9	0.005114	188	4	0.021277
XM_01732 68393	Mogat1	chr1	78511939	78538173	416	44	0.105769	398	29	0.072864	468	30	0.064103	48	0	0	144	12	0.083333	387	43	0.111111	302	35	0.115894	360	35	0.097222	167	17	0.101796	59	2	0.033898	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 269881	Map3k10	chr7	27656379	27674629	2439	14	0.00574	2316	10	0.004318	2470	15	0.006073	666	1	0.001502	1068	3	0.002809	2408	14	0.005814	2681	16	0.005968	2614	16	0.006121	868	2	0.002304	1027	1	0.000974	80	2	0.025
XM_01732 269881	Map3k10	chr7	27656379	27674629	2439	14	0.00574	2316	10	0.004318	2470	15	0.006073	666	1	0.001502	1068	3	0.002809	2408	14	0.005814	2681	16	0.005968	2614	16	0.006121	868	2	0.002304	1027	1	0.000974	80	2	0.025
XM_01732 269881	Map3k10	chr7	27656379	27674629	2439	14	0.00574	2316	10	0.004318	2470	15	0.006073	666	1	0.001502	1068	3	0.002809	2408	14	0.005814	2681	16	0.005968	2614	16	0.006121	868	2	0.002304	1027	1	0.000974	80	2	0.025
XM_01732 269881	Map3k10	chr7	27656379	27673323	3058	238	0.077829	2837	137	0.04829	2987	157	0.052561	793	35	0.044136	1263	133	0.105305	2942	183	0.062203	3118	139	0.04458	3176	112	0.035264	1050	52	0.049524	1203	109	0.090607	143	41	0.286713
XM_01732 68421	Lmbrd1	chr1	24676992	24765446	197	164	0.832487	162	139	0.858025	184	155	0.842391	#N/A	#N/A	#N/A	156	138	0.884615	197	153	0.77665	210	152	0.72381	194	151	0.778351	61	32	0.52459	44	27	0.613636	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 269954	Ttll13	chr7	80246374	80260821	234	4	0.017094	194	1	0.005155	100	0	0	52	0	0	134	5	0.037313	276	2	0.007246	120	0	0	233	8	0.034335	79	0	0	46	9	0.195652	20	0	0
XM_01732 269955	Rccd1	chr7	80310798	80324687	1399	466	0.333095	940	390	0.414894	1213	463	0.381698	294	41	0.139456	664	234	0.35241	1394	511	0.366571	1309	541	0.413293	1376	611	0.444041	304	52	0.171053	412	97	0.235437	70	0	0
XM_01732 27267	Cars	chr7	1.44E+08	1.44E+08	670	5	0.007463	515	1	0.001942	628	9	0.014331	167	1	0.005988	221	1	0.004525	661	3	0.004539	507	13	0.025641	430	2	0.004651	72	0	0	308	0	0	40	0	0
XM_01732 29865	Cabp5	chr7	13385960	13408887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 29865	Cabp5	chr7	13386200	13408887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 319748	Zfp865	chr7	5028619	5033226	201	194	0.965174	113	110	0.973451	202	199	0.985149	120	118	0.983333	78	78	1	268	265	0.988806	239	234	0.979079	148	147	0.993243	44	44	1	90	87	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 319748	Zfp865	chr7	5020411	5033226	2893	50	0.017283	2982	52	0.017438	2866	51	0.017795	656	0	0	767	1	0.001304	3160	50	0.015823	2712	18	0.006637	3248	31	0.009544	857	6	0.007001	1229	17	0.013832	326	8	0.02454
XM_01732 320225	Catsperg1	chr7	29181532	29213847	728	407	0.559066	798	411	0.515038	885	408	0.461017	30	15	0.5	168	103	0.613095	852	605	0.710094	567	355	0.626102	543	424	0.780847	182	124	0.681319	80	55	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 320360	Ric3	chr7	1.09E+08	1.09E+08	818	28	0.03423	789	23	0.029151	852	7	0.008216	277	13	0.046931	331	9	0.02719	882	64	0.072562	575	36	0.062609	575	28	0.048696	296	15	0.050676	354	34	0.096045	50	4	0.08
XM_01732 320635	Cyb5r2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	288	24	0.083333	325	16	0.049231	224	16	0.071429	10	3	0.3	61	10	0.163934	226	31	0.137168	261	16	0.061303	293	15	0.051195	52	0	0	80	6	0.075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 320635	Cyb5r2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	288	24	0.083333	325	16	0.049231	224	16	0.071429	10	3	0.3	61	10	0.163934	226	31	0.137168	261	16	0.061303	293	15	0.051195	52	0	0	80	6	0.075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 320635	Cyb5r2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	288	24	0.083333	325	16	0.049231	224	16	0.071429	10	3	0.3	61	10	0.163934	226	31	0.137168	261	16	0.061303	293	15	0.051195	52	0	0	80	6	0.075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 330463	Zfp78	chr7	6362812	6382606	19	14	0.736842	12	8	0.666667	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	17	10	0.588235	15	7	0.466667	15	2	0.133333	13	11	0.846154	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 330463	Zfp78	chr7	6362812	6382606	19	14	0.736842	12	8	0.666667	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	17	10	0.588235	15	7	0.466667	15	2	0.133333	13	11	0.846154	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 68691	Kansl1l	chr1	66719362	66817596	6649	37	0.005565	6507	43	0.006608	7043	78	0.011075	1253	4	0.003192	1767	11	0.006225	6980	48	0.006877	7503	49	0.006531	8737	64	0.007325	1682	10	0.005945	1841	14	0.007605	729	3	0.004115
XM_01732 330490	Nlrp9c	chr7	26364887	26394238	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 330490	Nlrp9c	chr7	26364887	26394238	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 330490	Nlrp9c	chr7	26371287	26394238	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 68691	Kansl1l	chr1	66719362	66817596	6649	37	0.005565	6507	43	0.006608	7043	78	0.011075	1253	4	0.003192	1767	11	0.006225	6980	48	0.006877	7503	49	0.006531	8737	64	0.007325	1682	10	0.005945	1841	14	0.007605	729	3	0.004115
XM_01732 68691	Kansl1l	chr1	66719362	66817596	6649	37	0.005565	6507	43	0.006608	7043	78	0.011075	1253	4	0.003192	1767	11	0.006225	6980	48	0.006877	7503	49	0.006531	8737	64	0.007325	1682	10	0.005945	1841	14	0.007605	729	3	0.004115
XM_01732 330657	Prss53	chr7	1.28E+08	1.28E+08	90	49	0.544444	98	54	0.55102	101	45	0.445545	27	8	0.296296	26	17	0.653846	90	66	0.733333	76	56	0.736842	99	64	0.646465	48	30	0.625	51	32	0.627451	12	6	0.5
XM_01732 333193	Proser3	chr7	30539129	30552297	493	63	0.127789	244	0	0	293	8	0.027304	30	0	0	201	49	0.243781	686	69	0.100583	558	54	0.096774	523	45	0.086042	20	0	0	129	9	0.069767	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 378425	Nlrp12	chr7	3221014	3246920	208	203	0.975962	190	180	0.947368	190	184	0.968421	#N/A	#N/A	#N/A	23	23	1	115	113	0.982609	118	104	0.881356	107	96	0.897196	60	56	0.933333	55	49	0.890909	27	21	0.777778
XM_01732 381838	Vmn2r43	chr7	8244625	8260565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381925	Plpp4	chr7	1.29E+08	1.29E+08	1495	118	0.07893	1829	105	0.057408	2044	116	0.056751	133	46	0.345865	520	56	0.107692	1761	234	0.132879	1565	192	0.122684	1732	160	0.092379	53	26	0.490566	407	50	0.12285	60	1	0.016667
XM_01732 381925	Plpp4	chr7	1.29E+08	1.29E+08	1495	118	0.07893	1829	105	0.057408	2044	116	0.056751	133	46	0.345865	520	56	0.107692	1761	234	0.132879	1565	192	0.122684	1732	160	0.092379	53	26	0.490566	407	50	0.12285	60	1	0.016667
XM_01732 381979	Brsk1	chr7	4690636	4715999	1280	45	0.035156	1163	54	0.046432	1246	30	0.024077	35	0	0	317	9	0.028391	1330	56	0.042105	1226	40	0.032626	1049	100	0.095329	280	16	0.057143	89	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381979	Brsk1	chr7	4692654	4715999	1474	233	0.158073	1400	275	0.196429	1484	255	0.171833	83	41	0.493976	409	93	0.227384	1537	256	0.166558	1402	203	0.144793	1250	285	0.228	369	88	0.238482	194	86	0.443299	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 381983	Lmtk3	chr7	45783134	45804144	695	109	0.156835	658	81	0.1231	719	87	0.121001	67	3	0.044776	180	40	0.222222	794	102	0.128463	687	60	0.087336	542	38	0.070111	233	4	0.017167	166	16	0.096386	53	1	0.018868
XM_01732 384619	Kash5	chr7	45183619	45204915	1466	222	0.151432	1575	313	0.19873	1825	425	0.232877	278	44	0.158273	387	85	0.219638	1398	263	0.188126	1247	287	0.230152	1269	233	0.183609	453	108	0.238411	603	122	0.202322	66	24	0.363636
XM_01732 68736	Tyw5	chr1	57388235	57406473	2215	186	0.083973	2019	216	0.106984	2280	169	0.074123	549	2	0.003643	1327	130	0.097965	2779	158	0.056855	2349	190	0.080885	2047	149	0.072789	900	2	0.002222	1418	170	0.119887	279	3	0.010753
XM_01732 384619	Kash5	chr7	45191592	45204916	1466	222	0.151432	1575	313	0.19873	1825	425	0.232877	278	44	0.158273	387	85	0.219638	1398	263	0.188126	1247	287	0.230152	1269	233	0.183609	453	108	0.238411	603	122	0.202322	66	24	0.363636
XM_01732 384763	Zfp667	chr7	6286313	6307676	1063	9	0.008467	1114	8	0.007181	1000	7	0.007	406	0	0	458	3	0.00655	1233	10	0.00811	1038	6	0.00578	1071	4	0.003735	337	3	0.008902	461	0	0	20	0	0
XM_01732 414069	BC024978	chr7	27196254	27208680	2932	12	0.004093	2668	9	0.003373	2906	22	0.007571	774	2	0.002584	1086	2	0.001842	3229	13	0.004026	2429	20	0.008234	2659	21	0.007898	1044	2	0.001916	1081	5	0.004625	398	1	0.002513
XM_01732 414069	BC024978	chr7	27200656	27210184	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 434223	Gm1966	chr7	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 434232	Iqck	chr7	1.19E+08	1.19E+08	3261	127	0.038945	3148	76	0.024142	3689	105	0.028463	584	32	0.054795	1195	54	0.045188	3598	167	0.046415	3289	104	0.031621	3058	125	0.040876	1030	52	0.050485	844	14	0.016588	573	0	0
XM_01732 434232	Iqck	chr7	1.19E+08	1.19E+08	3261	127	0.038945	3148	76	0.024142	3689	105	0.028463	584	32	0.054795	1195	54	0.045188	3598	167	0.046415	3289	104	0.031621	3058	125	0.040876	1030	52	0.050485	844	14	0.016588	573	0	0
XM_01732 446101	Xrra1	chr7	99863468	99917824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 446101	Xrra1	chr7	99905951	99917824	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 50490	Nox4	chr7	87244430	87398710	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 50995	Uba2	chr7	34141487	34168590	2666	72	0.027007	2502	59	0.023581	2610	64	0.024521	375	10	0.026667	912	34	0.037281	2723	82	0.030114	2224	70	0.031475	1925	64	0.033247	600	30	0.05	809	24	0.029666	300	5	0.016667
XM_01732 69028	Mitd1	chr1	37878888	37890248	906	4	0.004415	909	6	0.006601	848	4	0.004717	60	0	0	301	7	0.023256	1052	12	0.011407	1057	3	0.002838	891	3	0.003367	181	0	0	366	0	0	170	2	0.011765
XM_01732 52432	Ppp2r2d	chr7	1.39E+08	1.39E+08	4527	26	0.005743	4254	39	0.009168	4368	25	0.005723	330	7	0.021212	1395	7	0.005018	4006	25	0.006241	3932	23	0.005849	4638	25	0.00539	583	0	0	1293	10	0.007734	70	0	0
XM_01732 11790	Speg	chr1	75380777	75432320	56	50	0.892857	70	56	0.8	68	53	0.779412	20	11	0.55	44	36	0.818182	30	22	0.733333	70	57	0.814286	68	46	0.676471	26	13	0.5	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 52855	Lair1	chr7	4007082	4073567	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 52855	Lair1	chr7	4007082	4073567	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 52855	Lair1	chr7	4007082	4073567	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604517	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_01732 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604463	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_01732 53609	Clasrp	chr7	19581038	19603301	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_01732 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	237	12	0.050633	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	975	36	0.036923	72	11	0.152778
XM_01732 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	759	11	0.014493	477	0	0	411	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	1	0.006536	914	3	0.003282	725	10	0.013793	592	6	0.010135	#N/A	#N/A	#N/A	332	4	0.012048	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 54678	Zfp108	chr7	24254726	24262445	172	12	0.069767	133	3	0.022556	181	9	0.049724	12	0	0	60	6	0.1	188	14	0.074468	147	19	0.129252	123	6	0.04878	63	0	0	108	3	0.027778	44	0	0
XM_01732 54678	Zfp108	chr7	24254744	24262445	172	12	0.069767	133	3	0.022556	181	9	0.049724	12	0	0	60	6	0.1	188	14	0.074468	147	19	0.129252	123	6	0.04878	63	0	0	108	3	0.027778	44	0	0
XM_01732 54678	Zfp108	chr7	24254759	24262445	172	12	0.069767	133	3	0.022556	181	9	0.049724	12	0	0	60	6	0.1	188	14	0.074468	147	19	0.129252	123	6	0.04878	63	0	0	108	3	0.027778	44	0	0
XM_01732 11790	Speg	chr1	75380777	75432320	56	50	0.892857	70	56	0.8	68	53	0.779412	20	11	0.55	44	36	0.818182	30	22	0.733333	70	57	0.814286	68	46	0.676471	26	13	0.5	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 56460	Pkp3	chr7	1.41E+08	1.41E+08	499	331	0.663327	338	194	0.573964	413	200	0.484262	109	99	0.908257	167	120	0.718563	736	456	0.619565	455	230	0.505495	459	280	0.610022	157	100	0.636943	262	200	0.763359	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 56538	Klk11	chr7	43777210	43779263	147	123	0.836735	96	83	0.864583	121	101	0.834711	12	10	0.833333	36	28	0.777778	164	121	0.737805	100	69	0.69	110	67	0.609091	44	26	0.590909	50	31	0.62	13	8	0.615385
XM_01732 56546	Sec1	chr7	45677686	45686034	87	48	0.551724	37	28	0.756757	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	56	40	0.714286	69	49	0.710145	69	39	0.565217	43	30	0.697674	11	9	0.818182	29	20	0.689655	10	7	0.7
XM_01732 56844	Tssc4	chr7	1.43E+08	1.43E+08	565	3	0.00531	535	11	0.020561	504	5	0.009921	112	1	0.008929	155	0	0	719	10	0.013908	617	13	0.02107	619	14	0.022617	189	3	0.015873	309	1	0.003236	133	0	0
XM_01732 69368	Wdfy1	chr1	79723010	79776143	489	3	0.006135	671	46	0.068554	437	23	0.052632	42	0	0	113	0	0	405	1	0.002469	574	3	0.005226	630	6	0.009524	56	0	0	134	1	0.007463	66	0	0
XM_01732 69368	Wdfy1	chr1	79723010	79762042	2706	218	0.080562	2142	179	0.083567	2780	220	0.079137	704	0	0	761	86	0.113009	2927	166	0.056713	2267	136	0.059991	2230	109	0.048879	910	66	0.072527	895	53	0.059218	314	0	0
XM_01732 57442	Kcne3	chr7	1E+08	1E+08	239	175	0.732218	279	230	0.824373	226	183	0.809735	36	24	0.666667	164	131	0.79878	293	218	0.744027	213	173	0.812207	179	133	0.743017	80	58	0.725	90	72	0.8	12	0	0
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	41	38	0.926829	110	104	0.945455	104	97	0.932692	12	11	0.916667	20	20	1	153	111	0.72549	82	64	0.780488	96	75	0.78125	12	10	0.833333	67	61	0.910448	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_01732 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	2483	134	0.053967	2317	137	0.059128	2562	122	0.047619	586	14	0.023891	1096	35	0.031934	2880	156	0.054167	2443	149	0.060991	2304	104	0.045139	1098	34	0.030965	921	39	0.042345	302	0	0
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730559	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730560	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730560	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730560	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730560	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730560	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_01732 57775	Usp29	chr7	6730559	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5

XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8369	153	0.018282	7724	122	0.015795	8300	133	0.016024	1452	21	0.014463	2953	46	0.015577	8725	163	0.018682	7895	109	0.013806	6871	151	0.021976	2274	44	0.019349	3832	88	0.022965	1047	10	0.009551
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8369	153	0.018282	7724	122	0.015795	8300	133	0.016024	1452	21	0.014463	2953	46	0.015577	8725	163	0.018682	7895	109	0.013806	6871	151	0.021976	2274	44	0.019349	3832	88	0.022965	1047	10	0.009551
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8265	152	0.018391	7600	122	0.016053	8208	140	0.017057	1452	21	0.014463	2939	51	0.017353	8565	157	0.01833	7810	116	0.014853	6793	149	0.021934	2209	41	0.01856	3739	88	0.023536	1011	10	0.009891
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8369	153	0.018282	7724	122	0.015795	8300	133	0.016024	1452	21	0.014463	2953	46	0.015577	8725	163	0.018682	7895	109	0.013806	6871	151	0.021976	2274	44	0.019349	3832	88	0.022965	1047	10	0.009551
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	2389	191	0.07995	2377	166	0.069836	2625	162	0.061714	248	15	0.060484	736	58	0.078804	2923	258	0.088265	2231	219	0.098162	2042	195	0.095495	741	37	0.049933	1010	75	0.074257	207	9	0.043478
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	2389	191	0.07995	2377	166	0.069836	2625	162	0.061714	248	15	0.060484	736	58	0.078804	2923	258	0.088265	2231	219	0.098162	2042	195	0.095495	741	37	0.049933	1010	75	0.074257	207	9	0.043478
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8369	153	0.018282	7724	122	0.015795	8300	133	0.016024	1452	21	0.014463	2953	46	0.015577	8725	163	0.018682	7895	109	0.013806	6871	151	0.021976	2274	44	0.019349	3832	88	0.022965	1047	10	0.009551
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8115	150	0.018484	7480	121	0.016176	8066	137	0.016985	1442	21	0.014563	2879	50	0.017367	8389	155	0.018477	7666	115	0.015001	6686	147	0.021986	2158	41	0.018999	3660	87	0.02377	964	10	0.010373
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8189	150	0.018317	7534	121	0.016061	8144	138	0.016945	1452	21	0.014463	2909	51	0.017532	8478	155	0.018283	7732	115	0.014873	6741	149	0.022104	2187	41	0.018747	3703	87	0.023494	987	10	0.010132
XM_03024 13593	Ebf3	chr7	1.37E+08	1.37E+08	8227	150	0.018233	7567	121	0.01599	8176	139	0.017001	1452	21	0.014463	2924	51	0.017442	8522	156	0.018306	7771	115	0.014799	6767	149	0.022019	2198	41	0.018653	3721	87	0.023381	999	10	0.01001
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080226	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080224	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080249	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 66646	Rpe	chr1	66700828	66719736	1012	7	0.006917	1085	26	0.023963	796	6	0.007538	153	0	0	376	9	0.023936	1242	12	0.009662	1302	5	0.00384	1181	8	0.006774	443	0	0	362	0	0	173	1	0.00578
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080222	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080220	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080268	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080205	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080308	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080228	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080187	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080214	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080237	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080226	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080243	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080337	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080214	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080247	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080226	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 66646	Rpe	chr1	66700797	66719516	1012	7	0.006917	1085	26	0.023963	796	6	0.007538	153	0	0	376	9	0.023936	1242	12	0.009662	1302	5	0.00384	1181	8	0.006774	443	0	0	362	0	0	173	1	0.00578
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080224	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080224	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080224	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13854	Epn1	chr7	5080155	5098179	3017	22	0.007292	3013	25	0.008297	3385	17	0.005022	282	3	0.010638	803	2	0.002491	2991	37	0.01237	3027	29	0.00958	3184	25	0.007852	572	2	0.003497	1061	15	0.014138	480	2	0.004167
XM_03024 13875	Erf	chr7	25242560	25249368	6074	34	0.005598	6137	37	0.006029	5915	37	0.006255	850	5	0.005882	1831	10	0.005461	6395	45	0.007037	5693	41	0.007202	7361	76	0.010325	1170	4	0.003419	2041	19	0.009309	379	3	0.007916
XM_03024 13875	Erf	chr7	25242560	25251104	3637	132	0.036294	3558	74	0.020798	3838	124	0.032308	717	13	0.018131	1050	20	0.019048	3966	111	0.027988	3184	163	0.051193	4085	173	0.04235	861	38	0.044135	1301	52	0.039969	135	0	0
XM_03024 13875	Erf	chr7	25242560	25250516	5076	104	0.020489	5026	56	0.011142	5012	111	0.022147	741	13	0.017544	1443	11	0.007623	5279	85	0.016102	4686	127	0.027102	6073	151	0.024864	1079	39	0.036145	1665	45	0.027027	135	0	0
XM_03024 14113	Fbl	chr7	28168893	28179269	887	4	0.00451	378	4	0.010582	574	4	0.006969	62	0	0	103	0	0	621	5	0.008052	632	2	0.003165	755	2	0.002649	117	0	0	234	5	0.021368	42	0	0
XM_03024 110648	Lmx1a	chr1	1.68E+08	1.68E+08	4668	84	0.017995	5327	86	0.016144	5331	79	0.014819	926	22	0.023758	1912	40	0.020921	4586	134	0.029219	4651	169	0.036336	4803	109	0.022694	1391	12	0.008627	1638	51	0.031136	429	16	0.037296
XM_03024 14256	Flt3l	chr7	45131183	45136489	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51862534	51994516	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51862534	51994516	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51862023	51995005	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51862557	51994516	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51861851	51995005	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51861823	51995005	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51862534	51994516	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14453	Gas2	chr7	51861862	51995005	2403	27	0.011236	2125	21	0.009882	2136	30	0.014045	564	0	0	1046	17	0.016252	2119	22	0.010382	1978	36	0.0182	1987	73	0.036739	531	18	0.033898	1289	16	0.012413	206	2	0.009709
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25072551	1477	277	0.187542	1072	227	0.211754	1615	302	0.186997	49	18	0.367347	425	58	0.136471	1732	272	0.157044	1365	393	0.287912	1553	319	0.205409	519	58	0.111753	505	162	0.320792	56	13	0.232143
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25015980	25072551	1477	277	0.187542	1072	227	0.211754	1615	302	0.186997	49	18	0.367347	425	58	0.136471	1732	272	0.157044	1365	393	0.287912	1553	319	0.205409	519	58	0.111753	505	162	0.320792	56	13	0.232143
XM_03024 14809	Grik5	chr7	25009849	25075694	2305	119	0.051627	2737	50	0.018268	2979	124	0.041625	481	8	0.016632	699	45	0.064378	2705	178	0.065804	2329	105	0.045084	2967	98	0.03303	642	46	0.071651	907	77	0.084895	365	11	0.030137
XM_03024 14814	Grin2d	chr7	45831883	45871194	782	46	0.058824	882	38	0.043084	753	35	0.046481	62	16	0.258065	251	30	0.119522	896	39	0.043527	792	42	0.05303	960	29	0.030208	128	13	0.101563	197	18	0.091371	117	11	0.094017
XM_03024 14814	Grin2d	chr7	45831883	45870353	861	102	0.118467	565	85	0.150442	648	84	0.12963	138	25	0.181159	166	39	0.23494	937	107	0.114194	668	99	0.148204	677	98	0.144756	151	17	0.112583	239	64	0.267782	88	23	0.261364
XM_03024 14814	Grin2d	chr7	45831883	45870353	861	102	0.118467	565	85	0.150442	648	84	0.12963	138	25	0.181159	166	39	0.23494	937	107	0.114194	668	99	0.148204	677	98	0.144756	151	17	0.112583	239	64	0.267782	88	23	0.261364
XM_03024 14814	Grin2d	chr7	45831883	45861971	1091	887	0.813016	894	692	0.774049	1003	783	0.780658	330	275	0.833333	448	369	0.823661	1105	1004	0.908597	774	457	0.590439	984	773	0.785569	289	240	0.83045	301	230	0.76412	277	228	0.823105
XM_03024 15373	Hmx3	chr7	1.32E+08	1.32E+08	3281	81	0.024688	3312	54	0.016304	3646	76	0.020845	425	9	0.021176	1199	24	0.020017	3427	84	0.024511	2766	77	0.027838	3269	75	0.022943	1117	29	0.025962	1163	26	0.022356	437	14	0.032037
XM_03024 15461	Hras	chr7	1.41E+08	1.41E+08	5080	31	0.006102	4679	34	0.007267	4689	38	0.008104	1228	5	0.004072	1538	24	0.015605	5239	32	0.006108	3872	17	0.00439	5136	22	0.004283	1811	5	0.002761	2041	6	0.00294	916	4	0.004367
XM_03024 15461	Hras	chr7	1.41E+08	1.41E+08	5080	31	0.006102	4679	34	0.007267	4689	38	0.008104	1228	5	0.004072	1538	24	0.015605	5239	32	0.006108	3872	17	0.00439	5136	22	0.004283	1811	5	0.002761	2041	6	0.00294	916	4	0.004367
XM_03024 15469	Prmt1	chr7	44976755	44986342	1696	11	0.006486	1391	10	0.007189	1559	9	0.005773	122	0	0	654	13	0.019878	1458	21	0.014403	1319	4	0.003033	1297	6	0.004626	271	0	0	756	1	0.001323	78	0	0
XM_03024 15469	Prmt1	chr7	44976755	44986353	1696	11	0.006486	1391	10	0.007189	1559	9	0.005773	122	0	0	654	13	0.019878	1458	21	0.014403	1319	4	0.003033	1297	6	0.004626	271	0	0	756	1	0.001323	78	0	0
XM_03024 16002	Igf2	chr7	1.43E+08	1.43E+08	4301	138	0.032086	4138	131	0.031658	4723	121	0.025619	691	23	0.033285	1422	41	0.028833	4656	119	0.025558	3800	200	0.052632	3814	116	0.030414	1213	43	0.035449	1415	64	0.04523	169	1	0.005917
XM_03024 16068	Il18bp	chr7	1.02E+08	1.02E+08	78	72	0.923077	59	55	0.932203	69	58	0.84058	12	11	0.916667	10	9	0.9	88	79	0.897727	73	55	0.753425	81	74	0.91358	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16156	Il11	chr7	4772373	4782907	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	11	8	0.727273	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16156	Il11	chr7	4772373	4777439	1606	124	0.07721	1640	87	0.053049	1816	126	0.069383	365	24	0.065753	402	40	0.099502	1609	196	0.121815	1290	104	0.08062	1420	103	0.072535	412	47	0.114078	392	44	0.112245	95	15	0.157895
XM_03024 16156	Il11	chr7	4772373	4777261	1606	124	0.07721	1640	87	0.053049	1816	126	0.069383	365	24	0.065753	402	40	0.099502	1609	196	0.121815	1290	104	0.08062	1420	103	0.072535	412	47	0.114078	392	44	0.112245	95	15	0.157895
XM_03024 16332	Inppl1	chr7	1.02E+08	1.02E+08	3932	21	0.005341	3763	23	0.006112	4539	29	0.006389	892	7	0.007848	1390	3	0.002158	4794	36	0.007509	3260	22	0.006748	3596	14	0.003893	1398	3	0.002146	1703	6	0.003523	561	0	0
XM_03024 16504	Kcnc3	chr7	44590455	44602300	3781	48	0.012695	3449	32	0.009278	3797	39	0.010271	797	3	0.003764	1044	19	0.018199	3550	50	0.014085	3359	51	0.015183	3114	56	0.017983	1062	24	0.022599	1118	20	0.017889	216	28	0.12963
XM_03024 16504	Kcnc3	chr7	44590456	44602300	3781	48	0.012695	3449	32	0.009278	3797	39	0.010271	797	3	0.003764	1044	19	0.018199	3550	50	0.014085	3359	51	0.015183	3114	56	0.017983	1062	24	0.022599	1118	20	0.017889	216	28	0.12963
XM_03024 16504	Kcnc3	chr7	44593318	44602300	2276	57	0.025044	1794	24	0.013378	2091	38	0.018173	382	9	0.02356	415	22	0.053012	2132	79	0.037054	1873	65	0.034704	1724	57	0.033063	551	29	0.052632	531	31	0.05838	336	16	0.047619
XM_03024 16504	Kcnc3	chr7	44586939	44602245	1267	254	0.200474	1001	159	0.158841	1231	141	0.114541	184	29	0.157609	283	61	0.215548	1284	322	0.250779	1180	220	0.186441	937	225	0.240128	283	67	0.236749	444	69	0.155405	113	28	0.247788
XM_03024 16504	Kcnc3	chr7	44586990	44602300	1267	254	0.200474	1001	159	0.158841	1231	141	0.114541	184	29	0.157609	283	61	0.215548	1284	322	0.250779	1180	220	0.186441	937	225	0.240128	283	67	0.236749	444	69	0.155405	113	28	0.247788
XM_03024 16504	Kcnc3	chr7	44586994	44602300	1267	254	0.200474	1001	159	0.158841	1231	141	0.114541	184	29	0.157609	283	61	0.215548	1284	322	0.250779	1180	220	0.186441	937	225	0.240128	283	67	0.236749	444	69	0.155405	113	28	0.247788
XM_03024 16797	Lat	chr7	1.26E+08	1.26E+08	893	759	0.849944	1125	991	0.880889	1172	1059	0.903584	173	161	0.930636	382	319	0.835079	1151	1016	0.882711	947	832	0.878564	881	788	0.894438	288	262	0.909722	377	342	0.907162	169	147	0.869822
XM_03024 16801	Arhgef1	chr7	24903993	24926594	3688	83	0.022505	2864	80	0.027933	3575	74	0.020699	427	27	0.063232	958	27	0.028184	3710	88	0.02372	3277	51	0.015563	3682	70	0.019011	815	30	0.03681	1451	62	0.042729	385	9	0.023377
XM_03024 16801	Arhgef1	chr7	24903994	24926594	3688	83	0.022505	2864	80	0.027933	3575	74	0.020699	427	27	0.063232	958	27	0.028184	3710	88	0.02372	3277	51	0.015563	3682	70	0.019011	815	30	0.03681	1451	62	0.042729	385	9	0.023377
XM_03024 16801	Arhgef1	chr7	24903993	24926594	3688	83	0.022505	2864	80	0.027933	3575	74	0.020699	427	27	0.063232	958	27	0.028184	3710	88	0.02372	3277	51	0.015563	3682	70	0.019011	815	30	0.03681	1451	62	0.042729	385	9	0.023377
XM_03024 16828	Ldha	chr7	46842274	46855627	298	241	0.808725	294	270	0.918367	320	267	0.834375	50	48	0.96	116	94	0.810345	410	288	0.702439	301	229	0.760797	385	283	0.735065	88	62	0.704545	82	74	0.902439	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16866	Lhb	chr7	45417985	45421855	88	27	0.306818	73	16	0.219178	87	27	0.310345	#N/A	#N/A	#N/A	38	16	0.421053	68	7	0.102941	76	18	0.236842	71	6	0.084507	38	19	0.5	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16890	Lipe	chr7	25379645	25389806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16890	Lipe	chr7	25379645	25389708	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16890	Lipe	chr7	25379645	25394212	190	1	0.005263	198	1	0.005051	220	3	0.013636	25	1	0.04	66	0	0	264	2	0.007576	164	0	0	157	0	0	85	1	0.011765	125	0	0	10	0	0
XM_03024 16890	Lipe	chr7	25379645	25390367	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 16985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	140	81	0.578571	156	107	0.685897	158	103	0.651899	52	35	0.673077	90	64	0.711111	192	119	0.619792	150	98	0.653333	115	79	0.686957	68	48	0.705882	62	24	0.387097	56	30	0.535714
XM_03024 16985	Lsp1	chr7	1.42E+08	1.42E+08	140	81	0.578571	156	107	0.685897	158	103	0.651899	52	35	0.673077	90	64	0.711111	192	119	0.619792	150	98	0.653333	115	79	0.686957	68	48	0.705882	62	24	0.387097	56	30	0.535714
XM_03024 170711	Otud7a	chr7	63444745	63766232	3727	91	0.024416	4101	66	0.016094	4537	99	0.021821	359	7	0.019499	991	33	0.0333	3607	216	0.059884	3383	309	0.091339	3267	275	0.084175	1108	86	0.077617	785	82	0.104459	333	50	0.15015
XM_03024 170711	Otud7a	chr7	63444745	63766232	3727	91	0.024416	4101	66	0.016094	4537	99	0.021821	359	7	0.019499	991	33	0.0333	3607	216	0.059884	3383	309	0.091339	3267	275	0.084175	1108	86	0.077617	785	82	0.104459	333	50	0.15015
XM_03024 170711	Otud7a	chr7	63444993	63766232	3727	91	0.024416	4101	66	0.016094	4537	99	0.021821	359	7	0.019499	991	33	0.0333	3607	216	0.059884	3383	309	0.091339	3267	275	0.084175	1108	86	0.077617	785	82	0.104459	333	50	0.15015
XM_03024 17136	Mag	chr7	30899175	30914921	341	287	0.841642	226	188	0.831858	263	216	0.821293	101	85	0.841584	73	61	0.835616	327	286	0.874618	251	197	0.784861	185	131	0.708108	89	64	0.719101	102	83	0.813725	54	39	0.722222
XM_03024 17136	Mag	chr7	30899175	30914900	341	287	0.841642	226	188	0.831858	263	216	0.821293	101	85	0.841584	73	61	0.835616	327	286	0.874618	251	197	0.784861	185	131	0.708108	89	64	0.719101	102	83	0.813725	54	39	0.722222
XM_03024 17136	Mag	chr7	30899175	30914900	341	287	0.841642	226	188	0.831858	263	216	0.821293	101	85	0.841584	73	61	0.835616	327	286	0.874618	251	197	0.784861	185	131	0.708108	89	64	0.719101	102	83	0.813725	54	39	0.722222
XM_03024 17258	Mef2a	chr7	67231165	67376456	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	16	16	1	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	10	10	1	12	12	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 17537	Meis3	chr7	16174985	16186510	1902	16	0.008412	1939	24	0.012378	2133	20	0.009376	174	0	0	495	1	0.00202	1875	16	0.008533	1335	15	0.011236	1618	15	0.009271	693	15	0.021645	679	5	0.007364	155	2	0.012903
XM_03024 17537	Meis3	chr7	16174992	16186510	1902	16	0.008412	1939	24	0.012378	2133	20	0.009376	174	0	0	495	1	0.00202	1875	16	0.008533	1335	15	0.011236	1618	15	0.009271	693	15	0.021645	679	5	0.007364	155	2	0.012903
XM_03024 17537	Meis3	chr7	16174992	16186510	1902	16	0.008412	1939	24	0.012378	2133	20	0.009376	174	0	0	495	1	0.00202	1875	16	0.008533	1335	15	0.011236	1618	15	0.009271	693	15	0.021645	679	5	0.007364	155	2	0.012903
XM_03024 17537	Meis3	chr7	16174990	16186510	1902	16	0.008412	1939	24	0.012378	2133	20	0.009376	174	0	0	495	1	0.00202	1875	16	0.008533	1335	15	0.011236	1618	15	0.009271	693	15	0.021645	679	5	0.007364	155	2	0.012903
XM_03024 17537	Meis3	chr7	16174988	16186510	1902	16	0.008412	1939	24	0.012378	2133	20	0.009376	174	0	0	495	1	0.00202	1875	16	0.008533	1335	15	0.011236	1618	15	0.009271	693	15	0.021645	679	5	0.007364	155	2	0.012903
XM_03024 17537	Meis3	chr7	16174997	16186510	1902	16	0.008412	1939	24	0.012378	2133	20	0.009376	174	0	0	495	1	0.00202	1875	16	0.008533	1335	15	0.011236	1618	15	0.009271	693	15	0.021645	679	5	0.007364	155	2	0.012903
XM_03024 66875	Swt1	chr1	1.51E+08	1.51E+08	2611	16	0.006128	2709	6	0.002215	2639	9	0.00341	295	2	0.00678	721	1	0.001387	2487	18	0.007238	2734	17	0.006218	2717	20	0.007361	628	5	0.007962	708	3	0.004237	288	2	0.006944
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2908	51	0.017538	2105	54	0.025653	2709	36	0.013289	697	12	0.017217	1013	27	0.026654	3432	29	0.00845	3118	23	0.007377	2598	52	0.020015	707	13	0.018388	1382	9	0.006512	365	10	0.027397
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1569	42	0.026769	1169	50	0.042772	1527	33	0.021611	449	12	0.026726	577	23	0.039861	1974	22	0.011145	1689	16	0.009473	1480	45	0.030405	478	13	0.027197	847	8	0.009445	113	10	0.088496
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2908	51	0.017538	2105	54	0.025653	2709	36	0.013289	697	12	0.017217	1013	27	0.026654	3432	29	0.00845	3118	23	0.007377	2598	52	0.020015	707	13	0.018388	1382	9	0.006512	365	10	0.027397
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1569	42	0.026769	1169	50	0.042772	1527	33	0.021611	449	12	0.026726	577	23	0.039861	1974	22	0.011145	1689	16	0.009473	1480	45	0.030405	478	13	0.027197	847	8	0.009445	113	10	0.088496
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2908	51	0.017538	2105	54	0.025653	2709	36	0.013289	697	12	0.017217	1013	27	0.026654	3432	29	0.00845	3118	23	0.007377	2598	52	0.020015	707	13	0.018388	1382	9	0.006512	365	10	0.027397
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1569	42	0.026769	1169	50	0.042772	1527	33	0.021611	449	12	0.026726	577	23	0.039861	1974	22	0.011145	1689	16	0.009473	1480	45	0.030405	478	13	0.027197	847	8	0.009445	113	10	0.088496
XM_03024 17955	Nap1l4	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1569	42	0.026769	1169	50	0.042772	1527	33	0.021611	449	12	0.026726	577	23	0.039861	1974	22	0.011145	1689	16	0.009473	1480	45	0.030405	478	13	0.027197	847	8	0.009445	113	10	0.088496
XM_03024 18223	Numbl	chr7	27258977	27282145	2395	318	0.132777	3060	216	0.070588	2863	249	0.086972	376	31	0.082447	695	124	0.178417	3114	260	0.083494	2392	123	0.051421	2903	156	0.053738	650	76	0.116923	1008	64	0.063492	173	6	0.034682
XM_03024 18400	Slc22a18	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18550	Furin	chr7	80389194	80402400	6585	42	0.006378	6561	51	0.007773	7276	38	0.005223	1129	2	0.001771	1222	9	0.007365	6597	36	0.005457	6251	29	0.004639	7250	33	0.004552	1479	4	0.002705	1642	2	0.001218	130	1	0.007692
XM_03024 18550	Furin	chr7	80389194	80402289	6585	42	0.006378	6561	51	0.007773	7276	38	0.005223	1129	2	0.001771	1222	9	0.007365	6597	36	0.005457	6251	29	0.004639	7250	33	0.004552	1479	4	0.002705	1642	2	0.001218	130	1	0.007692
XM_03024 18616	Peg3	chr7	6703892	6730462	236	139	0.588983	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	374	198	0.529412	268	123	0.458955	298	133	0.446309	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_03024 18616	Peg3	chr7	6703892	6726483	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	16	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18616	Peg3	chr7	6703892	6730462	236	139	0.588983	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	374	198	0.529412	268	123	0.458955	298	133	0.446309	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_03024 18704	Pik3c2a	chr7	1.16E+08	1.16E+08	2291	21	0.009166	1815	12	0.006612	2267	23	0.010146	487	0	0	904	2	0.002212	2678	12	0.004481	1834	11	0.005998	1942	9	0.004634	964	5	0.005187	1003	1	0.000997	197	0	0
XM_03024 18722	Pira1	chr7	3731626	3739563	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18733	Pirb	chr7	3712532	3720372	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18751	Prkcb	chr7	1.22E+08	1.23E+08	3411	76	0.022281	3613	60	0.016607	3602	71	0.019711	666	7	0.010511	1040	23	0.022115	3091	111	0.035911	3169	162	0.05112	3473	160	0.04607	783	20	0.025543	855	57	0.066667	149	1	0.006711
XM_03024 18752	Prkcg	chr7	3310564	3331099	589	566	0.960951	765	734	0.959477	746	717	0.961126	219	210	0.958904	195	180	0.923077	564	539	0.955674	414	378	0.913043	521	487	0.934741	70	63	0.9	190	179	0.942105	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18807	Pld3	chr7	27531367	27553215	663	0	0	652	3	0.004601	661	6	0.009077	157	4	0.025478	216	9	0.041667	762	4	0.005249	734	8	0.010899	773	4	0.005175	84	1	0.011905	291	8	0.027491	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18971	Pold1	chr7	44532744	44546027	75	74	0.986667	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	68	67	0.985294	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	58	55	0.948276	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18975	Polg	chr7	79449382	79467911	183	8	0.043716	177	2	0.011299	190	7	0.036842	#N/A	#N/A	#N/A	69	0	0	210	4	0.019048	156	6	0.038462	166	2	0.012048	71	0	0	54	1	0.018519	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25180002	2440	70	0.028689	2361	57	0.024142	2246	68	0.030276	308	19	0.061688	344	15	0.043605	2319	54	0.023286	2084	85	0.040787	2282	95	0.04163	304	10	0.032895	393	18	0.045802	88	10	0.113636
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25174672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25179945	2530	75	0.029644	2421	61	0.025196	2246	68	0.030276	308	19	0.061688	344	15	0.043605	2403	60	0.024969	2084	85	0.040787	2378	101	0.042473	304	10	0.032895	393	18	0.045802	88	10	0.113636
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25180774	1265	25	0.019763	1177	29	0.024639	1108	35	0.031588	138	3	0.021739	109	6	0.055046	953	27	0.028332	1046	27	0.025813	1152	71	0.061632	130	1	0.007692	199	3	0.015075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25180012	2425	68	0.028041	2351	57	0.024245	2246	68	0.030276	308	19	0.061688	344	15	0.043605	2305	54	0.023427	2084	85	0.040787	2266	95	0.041924	304	10	0.032895	393	18	0.045802	88	10	0.113636
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25178895	2534	76	0.029992	2399	61	0.025427	2232	69	0.030914	308	19	0.061688	300	11	0.036667	2413	61	0.02528	2062	83	0.040252	2342	101	0.043126	270	10	0.037037	363	18	0.049587	88	10	0.113636
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25174669	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25132532	641	29	0.045242	575	6	0.010435	585	38	0.064957	139	5	0.035971	222	27	0.121622	709	39	0.055007	524	28	0.053435	568	19	0.033451	96	0	0	259	14	0.054054	22	0	0
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25180764	1265	25	0.019763	1177	29	0.024639	1108	35	0.031588	138	3	0.021739	109	6	0.055046	953	27	0.028332	1046	27	0.025813	1152	71	0.061632	130	1	0.007692	199	3	0.015075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66967	Edem3	chr1	1.52E+08	1.52E+08	3229	40	0.012388	3284	48	0.014616	3182	29	0.009114	514	0	0	976	15	0.015369	3066	45	0.014677	3028	22	0.007266	3462	31	0.008954	730	7	0.009589	1228	5	0.004072	367	5	0.013624
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25132532	641	29	0.045242	575	6	0.010435	585	38	0.064957	139	5	0.035971	222	27	0.121622	709	39	0.055007	524	28	0.053435	568	19	0.033451	96	0	0	259	14	0.054054	22	0	0
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25180783	1265	25	0.019763	1177	29	0.024639	1108	35	0.031588	138	3	0.021739	109	6	0.055046	953	27	0.028332	1046	27	0.025813	1152	71	0.061632	130	1	0.007692	199	3	0.015075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 18987	Pou2f2	chr7	25087350	25180781	1265	25	0.019763	1177	29	0.024639	1108	35	0.031588	138	3	0.021739	109	6	0.055046	953	27	0.028332	1046	27	0.025813	1152	71	0.061632	130	1	0.007692	199	3	0.015075	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19024	Ppfibp2	chr7	1.08E+08	1.08E+08	750	28	0.037333	575	5	0.008696	767	36	0.046936	45	0	0	382	28	0.073298	871	64	0.073479	1087	42	0.038638	1045	48	0.045933	205	16	0.078049	360	9	0.025	109	2	0.018349
XM_03024 19060	Ppp5c	chr7	17004647	17025523	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19144	Klk6	chr7	43824438	43831795	104	84	0.807692	94	79	0.840426	72	63	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	113	64	0.566372	63	27	0.428571	79	37	0.468354	28	11	0.392857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19259	Ptpn5	chr7	47077795	47134026	67	7	0.104478	51	14	0.27451	77	1	0.012987	13	8	0.615385	33	9	0.272727	143	45	0.314685	174	29	0.166667	131	33	0.251908	11	6	0.545455	37	5	0.135135	40	25	0.625
XM_03024 19259	Ptpn5	chr7	47077795	47133695	231	7	0.030303	147	16	0.108844	249	2	0.008032	96	9	0.09375	105	9	0.085714	383	49	0.127937	334	32	0.095808	255	37	0.145098	95	6	0.063158	181	11	0.060773	40	25	0.625
XM_03024 195646	Hs3st2	chr7	1.21E+08	1.22E+08	2782	172	0.061826	3417	135	0.039508	3463	124	0.035807	458	21	0.045852	1132	60	0.053004	2694	352	0.130661	2792	336	0.120344	3071	351	0.114295	994	105	0.105634	821	150	0.182704	274	44	0.160584
XM_03024 195646	Hs3st2	chr7	1.21E+08	1.21E+08	2804	173	0.061698	3429	137	0.039953	3492	128	0.036655	458	21	0.045852	1145	61	0.053275	2711	357	0.131686	2818	339	0.120298	3086	360	0.116656	1005	112	0.111443	831	154	0.185319	274	44	0.160584
XM_03024 19647	Rbbp6	chr7	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19698	Relb	chr7	19606217	19628481	2864	30	0.010475	2636	23	0.008725	2540	26	0.010236	357	0	0	680	8	0.011765	2779	12	0.004318	2421	13	0.00537	2632	16	0.006079	385	3	0.007792	670	6	0.008955	144	0	0
XM_03024 19771	Rlbp1	chr7	79374865	79392241	734	133	0.181199	702	113	0.160969	707	98	0.138614	128	48	0.375	301	38	0.126246	623	114	0.182986	526	90	0.171103	598	116	0.19398	344	29	0.084302	264	15	0.056818	46	22	0.478261
XM_03024 19771	Rlbp1	chr7	79374865	79392250	734	133	0.181199	702	113	0.160969	707	98	0.138614	128	48	0.375	301	38	0.126246	623	114	0.182986	526	90	0.171103	598	116	0.19398	344	29	0.084302	264	15	0.056818	46	22	0.478261
XM_03024 19771	Rlbp1	chr7	79374865	79387007	183	174	0.95082	112	109	0.973214	112	108	0.964286	11	11	1	108	105	0.972222	176	163	0.926136	176	164	0.931818	139	133	0.956835	78	74	0.948718	78	76	0.974359	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19899	Rpl18	chr7	45715467	45720831	1805	228	0.126316	1473	149	0.101154	1627	171	0.105101	492	48	0.097561	670	123	0.183582	2267	335	0.147772	1744	196	0.112385	1761	171	0.097104	705	69	0.097872	953	91	0.095488	220	20	0.090909

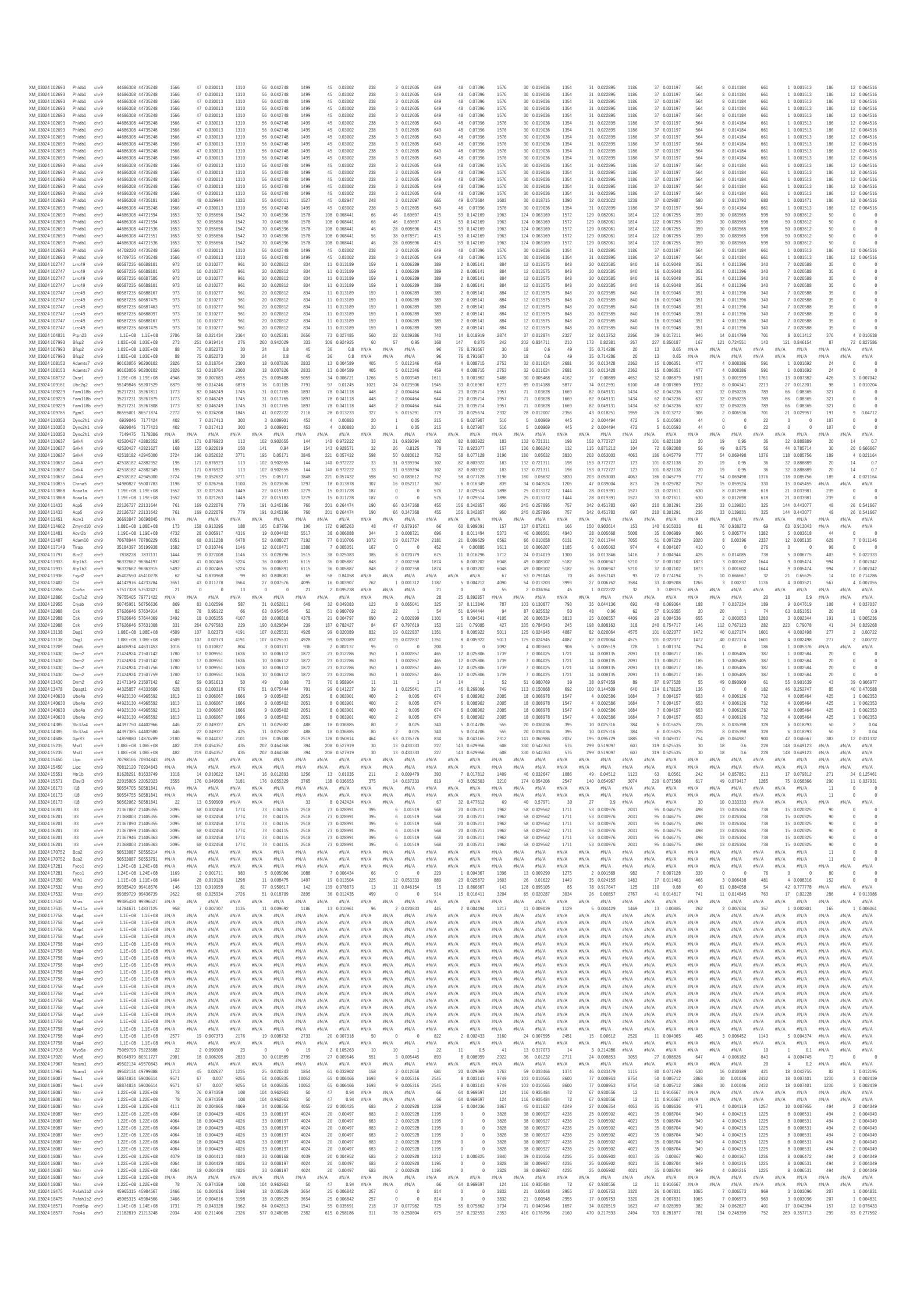
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29125179	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29005658	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29003340	29104651	196	157	0.80102	130	106	0.815385	106	85	0.801887	29	16	0.551724	88	73	0.829545	138	93	0.673913	82	57	0.695122	119	79	0.663866	23	13	0.565217	109	74	0.678899	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20190	Ryr1	chr7	29064560	29125169	679	50	0.073638	654	50	0.076453	702	48	0.068376	178	8	0.044944	305	22	0.072131	618	30	0.048544	487	47	0.096509	451	66	0.146341	188	17	0.090426	330	33	0.1	68	1	0.014706
XM_03024 20210	Saa3	chr7	46711998	46719615	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	14	0	0	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20266	Scn1b	chr7	31116524	31126411	4014	60	0.014948	3330	48	0.014414	3631	54	0.014872	443	7	0.015801	644	10	0.015528	4508	74	0.016415	3403	43	0.012636	3843	50	0.013011	1000	6	0.006	1247	18	0.014435	225	0	0
XM_03024 20352	Sema4b	chr7	80198045	80226646	2576	53	0.020575	2708	57	0.021049	3224	70	0.021712	534	3	0.005618	1149	37	0.032202	3011	84	0.027898	2601	50	0.019223	2885	48	0.016638	660	4	0.006061	1207	35	0.028998	516	14	0.027132
XM_03024 20399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1016	6	0.005906	1030	20	0.019417	1070	14	0.013084	124	0	0	350	4	0.011429	1039	4	0.00385	893	13	0.014558	1146	12	0.010471	231	2	0.008658	356	1	0.002809	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20399	Sh2b1	chr7	1.26E+08	1.26E+08	177	119	0.672316	148	101	0.682432	101	78	0.772277	22	15	0.681818	100	87	0.87	179	156	0.871508	147	104	0.707483	163	140	0.858896	64	56	0.875	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82175184	82307410	1457	265	0.181881	1572	253	0.160941	1789	243	0.13583	220	15	0.068182	614	106	0.172638	1225	234	0.19102	1387	287	0.206921	1242	226	0.181965	444	86	0.193694	637	108	0.169545	187	42	0.224599
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82175210	82307410	1457	265	0.181881	1572	253	0.160941	1789	243	0.13583	220	15	0.068182	614	106	0.172638	1225	234	0.19102	1387	287	0.206921	1242	226	0.181965	444	86	0.193694	637	108	0.169545	187	42	0.224599
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82174820	82307410	1457	265	0.181881	1572	253	0.160941	1789	243	0.13583	220	15	0.068182	614	106	0.172638	1225	234	0.19102	1387	287	0.206921	1242	226	0.181965	444	86	0.193694	637	108	0.169545	187	42	0.224599
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82173808	82307410	376	235	0.625	414	241	0.582126	431	218	0.5058	42	11	0.261905	168	94	0.559524	289	190	0.657439	326	192	0.588957	379	166	0.437995	161	77	0.478261	134	75	0.559701	50	16	0.32
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82174822	82307410	1457	265	0.181881	1572	253	0.160941	1789	243	0.13583	220	15	0.068182	614	106	0.172638	1225	234	0.19102	1387	287	0.206921	1242	226	0.181965	444	86	0.193694	637	108	0.169545	187	42	0.224599
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82174821	82307410	1457	265	0.181881	1572	253	0.160941	1789	243	0.13583	220	15	0.068182	614	106	0.172638	1225	234	0.19102	1387	287	0.206921	1242	226	0.181965	444	86	0.193694	637	108	0.169545	187	42	0.224599
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82173808	82307410	376	235	0.625	414	241	0.582126	431	218	0.5058	42	11	0.261905	168	94	0.559524	289	190	0.657439	326	192	0.588957	379	166	0.437995	161	77	0.478261	134	75	0.559701	50	16	0.32
XM_03024 20408	Sh3gl3	chr7	82174810	82307410	1457	265	0.181881	1572	253	0.160941	1789	243	0.13583	220	15	0.068182	614	106	0.172638	1225	234	0.19102	1387	287	0.206921	1242	226	0.181965	444	86	0.193694	637	108	0.169545	187	42	0.224599
XM_03024 20480	Clpb	chr7	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20480	Clpb	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1981	17	0.008582	1896	19	0.010021	2075	15	0.007229	254	2	0.007874	721	4	0.005548	2020	28	0.013861	1588	6	0.003778	1994	15	0.007523	668	2	0.002994	637	2	0.00314	115	0	0
XM_03024 20480	Clpb	chr7	1.02E+08	1.02E+08	1981	17	0.008582	1896	19	0.010021	2075	15	0.007229	254	2	0.007874	721	4	0.005548	2020	28	0.013861	1588	6	0.003778	1994	15	0.007523	668	2	0.002994	637	2	0.00314	115	0	0
XM_03024 20514	Slc1a5	chr7	16781345	16798243	1495	9	0.00602	1048	11	0.010496	1332	30	0.022523	51	0	0	276	1	0.003623	1336	9	0.006737	1059	4	0.003777	1284	11	0.008567	302	3	0.009934	199	1	0.005025	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	2716	86	0.031664	2476	71	0.028675	2431	59	0.02427	310	18	0.058065	770	33	0.042857	2612	87	0.033308	2678	58	0.021658	2812	57	0.02027	641	19	0.029641	510	31	0.060784	134	20	0.149254
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	67	12	0.179104	13	4	0.307692	12	1	0.083333	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	40	4	0.1
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	2716	86	0.031664	2476	71	0.028675	2431	59	0.02427	310	18	0.058065	770	33	0.042857	2612	87	0.033308	2678	58	0.021658	2812	57	0.02027	641	19	0.029641	510	31	0.060784	134	20	0.149254
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	724	99	0.13674	597	68	0.113903	682	83	0.121701	110	1	0.009091	303	48	0.158416	970	121	0.124742	838	95	0.113365	538	29	0.053903	146	18	0.123288	148	3	0.02027	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	67	12	0.179104	13	4	0.307692	12	1	0.083333	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	40	4	0.1
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	2716	86	0.031664	2476	71	0.028675	2431	59	0.02427	310	18	0.058065	770	33	0.042857	2612	87	0.033308	2678	58	0.021658	2812	57	0.02027	641	19	0.029641	510	31	0.060784	134	20	0.149254
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	724	99	0.13674	597	68	0.113903	682	83	0.121701	110	1	0.009091	303	48	0.158416	970	121	0.124742	838	95	0.113365	538	29	0.053903	146	18	0.123288	148	3	0.02027	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	67	12	0.179104	13	4	0.307692	12	1	0.083333	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	40	4	0.1
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	3096	154	0.049742	2760	66	0.023913	2970	123	0.041414	418	9	0.021531	1221	21	0.017199	3053	53	0.01736	3047	150	0.049229	3192	55	0.017231	773	13	0.016818	1016	17	0.016732	227	3	0.013216
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	67	12	0.179104	13	4	0.307692	12	1	0.083333	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	40	4	0.1
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	2716	86	0.031664	2476	71	0.028675	2431	59	0.02427	310	18	0.058065	770	33	0.042857	2612	87	0.033308	2678	58	0.021658	2812	57	0.02027	641	19	0.029641	510	31	0.060784	134	20	0.149254
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20679	Sox6	chr7	1.15E+08	1.16E+08	746	101	0.135389	597	68	0.113903	704	84	0.119318	110	1	0.009091	303	48	0.158416	996	125	0.125502	862	96	0.111369	558	29	0.051971	146	18	0.123288	168	3	0.017857	88	13	0.147727
XM_03024 207278	Fchsd2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	3658	32	0.008748	4059	26	0.006406	3977	39	0.009806	559	0	0	1250	14	0.0112	3671	30	0.008172	4488	31	0.006907	4722	29	0.006141	1260	3	0.002381	1432	10	0.006983	73	0	0
XM_03024 67198	Spats2l	chr1	57774104	57948398	1035	63	0.06087	1022	54	0.052838	1013	75	0.074038	63	0	0	307	44	0.143322	1091	105	0.096242	1148	68	0.059233	1271	76	0.059795	151	3	0.019868	439	15	0.034169	10	0	0
XM_03024 207425	Wdr11	chr7	1.3E+08	1.3E+08	2196	13	0.00592	2161	15	0.006941	2427	15	0.00618	288	4	0.013889	1110	5	0.004505	2295	15	0.006536	2342	6	0.002562	2281	13	0.005699	764	1	0.001309	896	0	0	424	1	0.002358
XM_03024 207728	Pde2a	chr7	1.01E+08	1.02E+08	2402	41	0.017069	2109	15	0.007112	2639	21	0.007958	345	1	0.002899	622	16	0.025723	2491	20	0.008029	2317	19	0.0082	2235	16	0.007159	469	1	0.002132	727	5	0.006878	232	0	0
XM_03024 67198	Spats2l	chr1	57774775	57948398	4195	92	0.021931	4595	69	0.015016	4471	85	0.019011	530	2	0.003774	1278	55	0.043036	3947	119	0.030149	4458	111	0.024899	4813	137	0.028465	814	12	0.014742	1474	39	0.026459	304	8	0.026316
XM_03024 67198	Spats2l	chr1	57845375	57946920	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20909	Stx4a	chr7	1.28E+08	1.28E+08	3071	26	0.008466	3069	22	0.007168	3296	26	0.007888	526	5	0.009506	1069	3	0.002806	2935	25	0.008518	2993	25	0.008353	3041	20	0.006577	870	3	0.003448	776	3	0.003866	100	0	0
XM_03024 20909	Stx4a	chr7	1.28E+08	1.28E+08	1071	10	0.009337	1022	2	0.001957	1117	7	0.006267	158	4	0.025316	408	0	0	884	5	0.005656	965	3	0.003109	855	4	0.004678	302	1	0.003311	370	1	0.002703	40	0	0
XM_03024 209225	Zfp710	chr7	80026148	80092751	3171	36	0.011353	2876	28	0.009736	3290	36	0.010942	368	0	0	372	1	0.002688	3183	57	0.017908	2630	33	0.012548	3626	24	0.006619	471	7	0.014862	843	1	0.001186	146	0	0
XM_03024 209225	Zfp710	chr7	80026991	80092751	3720	32	0.008602	3696	28	0.007576	4152	38	0.009152	359	0	0	557	2	0.003591	3981	44	0.011052	3354	26	0.007752	4636	28	0.00604	629	1	0.00159	1097	2	0.001823	146	0	0
XM_03024 20927	Abcc8	chr7	46108039	46180039	2160	82	0.037963	1643	70	0.042605	1969	52	0.026409	334	13	0.038922	531	28	0.052731	2381	81	0.034019	1664	46	0.027644	1985	90	0.04534	455	21	0.046154	649	28	0.043143	88	19	0.215909
XM_03024 20981	Syt3	chr7	44384645	44400030	254	3	0.011811	246	5	0.020325	212	1	0.004717	10	8	0.8	126	4	0.031746	287	6	0.020906	162	0	0	152	5	0.032895	174	0	0	80	1	0.0125	33	1	0.030303
XM_03024 20981	Syt3	chr7	44382773	44400030	124	96	0.774194	36	30	0.833333	80	72	0.9	10	8	0.8	103	88	0.854369	116	95	0.818966	94	71	0.755319	27	18	0.666667	22	9	0.409091	66	56	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20981	Syt3	chr7	44384099	44400030	254	3	0.011811	246	5	0.020325	212	1	0.004717	10	8	0.8	126	4	0.031746	287	6	0.020906	162	0	0	152	5	0.032895	174	0	0	80	1	0.0125	33	1	0.030303
XM_03024 210135	Zfp180	chr7	24081877	24107709	1524	546	0.358268	1399	542	0.38742	1364	544	0.398827	299	119	0.397993	738	247	0.334688	1363	481	0.352898	1133	397	0.350397	1269	464	0.365642	746	216	0.289544	676	188	0.278107	262	114	0.435115
XM_03024 67273	Ndufa10	chr1	92439486	92473825	2851	20	0.007015	2689	18	0.006694	3255	33	0.010138	304	1	0.003289	1326	15	0.011312	2544	12	0.004717	2812	21	0.007468	2619	14	0.005346	865	2	0.002312	944	0	0	370	1	0.002703
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2504	32	0.01278	1935	15	0.007752	2137	27	0.012635	284	8	0.028169	956	14	0.014644	2657	73	0.027475	2094	23	0.010984	2383	20	0.008393	505	2	0.00396	902	17	0.018847	176	0	0
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	2504	32	0.01278	1935	15	0.007752	2137	27	0.012635	284	8	0.028169	956	14	0.014644	2657	73	0.027475	2094	23	0.010984	2383	20	0.008393	505	2	0.00396	902	17	0.018847	176	0	0
XM_03024 67292	Pigc	chr1	1.62E+08	1.62E+08	1439	8	0.005559	1230	3	0.002439	1490	4	0.002685	278	1	0.003597	557	10	0.017953	1354	8	0.005908	1363	10	0.007337	1681	9	0.005354	395	1	0.002532	572	8	0.013986	65	0	0
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	203	171	0.842365	178	159	0.893258	195	162	0.830769	60	53	0.883333	92	82	0.891304	179	156	0.871508	120	104	0.866667	221	195	0.882353	89	70	0.786517	66	62	0.939394	52	48	0.923077
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	275	207	0.752727	290	235	0.810345	354	271	0.765537	#N/A	#N/A	#N/A	76	49	0.644737	357	274	0.767507	334	278	0.832335	341	269	0.788856	56	45	0.803571	108	78	0.722222	42	35	0.833333
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1371	673	0.490883	1440	908	0.630556	1493	830	0.555928	263	178	0.676806	561	259	0.461676	1627	680	0.417947	1337	772	0.577412	1398	938	0.670959	384	256	0.666667	575	381	0.662609	91	52	0.571429
XM_03024 210274	Shank2	chr7	1.44E+08	1.44E+08	1371	673	0.490883	1440	908	0.630556	1493	830	0.555928	263	178	0.676806	561	259	0.461676	1627	680	0.417947	1337	772	0.577412	1398	938	0.670959	384	256	0.666667	575	381	0.662609	91	52	0.571429
XM_03024 211535	Ccdc114	chr7	45923517	45948963	124	41	0.330645	74	55	0.743243	142	62	0.43662	22	3	0.136364	92	31	0.336957	98	35	0.357143	63	20	0.31746	52	29	0.557692	84	27	0.321429	30	26	0.866667	77	15	0.194805
XM_03024 211535	Ccdc114	chr7	45924498	45948781	124	41	0.330645	74	55	0.743243	142	62	0.43662	22	3	0.136364	92	31	0.336957	98	35	0.357143	63	20	0.31746	52	29	0.557692	84	27	0.321429	30	26	0.866667	77	15	0.194805
XM_03024 212111	Inpp5a	chr7	1.39E+08	1.4E+08	4523	48	0.010612	5229	58	0.011092	5182	57	0.011	777	2	0.002574	1349	11	0.008154	4841	49	0.010122	4703	44	0.009356	5644	37	0.006556	994	4	0.004024	1385	16	0.011552	310	1	0.003226
XM_03024 212503	Paox	chr7	1.4E+08	1.4E+08	422	75	0.177725	436	74	0.169725	446	59	0.132287	60	25	0.416667	231	32	0.138528	529	143	0.270321	401	90	0.224439	573	128	0.223386	195	31	0.158974	149	32	0.214765	56	44	0.785714
XM_03024 212508	Mtg1	chr7	1.4E+08	1.4E+08	1639	16	0.009762	1515	16	0.010561	1572	23	0.014631	132	2	0.015152	607	18	0.029654	1403	36	0.025659	1380	19	0.013768	1586	7	0.004414	344	3	0.008721	441	12	0.027211	95	1	0.010526
XM_03024 212974	Pgghg	chr7	1.41E+08	1.41E+08	282	0	0	84	1	0.011905	246	0	0	85	1	0.011765	209	1	0.004785	389	4	0.010283	298	1	0.003356	211	2	0.009479	139	0	0	184	0	0	20	0	0
XM_03024 213011	Zfp583	chr7	6310131	6331229	477	14	0.02935	376	11	0.029255	325	9	0.027692	#N/A	#N/A	#N/A	286	7	0.024476	452	21	0.04646	333	50	0.15015	216	24	0.111111	155	6	0.03871	226	12	0.053097	66	1	0.015152
XM_03024 213011	Zfp583	chr7	6310131	6331229	477	14	0.02935	376	11	0.029255	325	9	0.027692	#N/A	#N/A	#N/A	286	7	0.024476	452	21	0.04646	333	50	0.15015	216	24	0.111111	155	6	0.03871	226	12	0.053097	66	1	0.015152
XM_03024 213011	Zfp583	chr7	6310131	6332955	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 213011	Zfp583	chr7	6310131	6332955	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 213573	Cracr2b	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2336	110	0.047089	1939	90	0.046416	2711	105	0.038731	432	31	0.071759	741	43	0.05803	2963	129	0.043537	1902	57	0.029968	2186	57	0.026075	620	13	0.020968	824	48	0.058252	273	14	0.051282
XM_03024 21804	Tgfb1i1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	280	6	0.021429	269	22	0.081784	330	21	0.063636	90	4	0.044444	138	17	0.123188	375	27	0.072	339	23	0.067847	305	55	0.180328	110	14	0.127273	90	6	0.066667	75	5	0.066667
XM_03024 67387	Unc50	chr1	37430151	37438985	851	9	0.010576	907	8	0.00882	1161	11	0.009475	#N/A	#N/A	#N/A	418	1	0.002392	1124	11	0.009786	1242	7	0.005636	997	4	0.004012	211	0	0	419	1	0.002387	134	2	0.014925
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4535	18	0.003969	4789	25	0.00522	5252	23	0.004379	927	0	0	1840	28	0.015217	5045	35	0.006938	4446	16	0.003599	4401	58	0.013179	1408	2	0.00142	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4475	16	0.003575	4748	25	0.005265	5183	23	0.004438	927	0	0	1780	28	0.01573	4934	35	0.007094	4353	15	0.003446	4341	58	0.013361	1348	2	0.001484	1526	22	0.014417	645	0	0
XM_03024 21843	Tial1	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4668	19	0.00407	4938	25	0.005063	5431	24	0.004419	986	0	0	1905	29	0.015223	5160	36	0.006977	4536	16	0.003527	4536	59	0.013007	1503	2	0.001331	1631	23	0.014102	645	0	0
XM_03024 21872	Tjp1	chr7	65296165	65516851	136	112	0.823529	164	137	0.835366	79	65	0.822785	#N/A	#N/A	#N/A	61	51	0.836066	111	100	0.900901	144	125	0.868056	146	113	0.773973	48	35	0.729167	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21957	Tnnt3	chr7	1.43E+08	1.43E+08	78	59	0.75641	54	41	0.759259	48	37	0.770833	32	25	0.78125	42	36	0.857143	90	61	0.677778	65	45	0.692308	60	42	0.7	11	2	0.181818	32	19	0.59375	14	10	0.714286
XM_03024 21957	Tnnt3	chr7	1.42E+08	1.43E+08	82	66	0.804878	89	79	0.88764	93	78	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	33	25	0.757576	102	73	0.715686	83	63	0.759036	102	78	0.764706	43	29	0.674419	47	35	0.744681	27	18	0.666667
XM_03024 21957	Tnnt3	chr7	1.42E+08	1.43E+08	82	66	0.804878	89	79	0.88764	93	78	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	33	25	0.757576	102	73	0.715686	83	63	0.759036	102	78	0.764706	43	29	0.674419	47	35	0.744681	27	18	0.666667
XM_03024 21957	Tnnt3	chr7	1.42E+08	1.43E+08	82	66	0.804878	89	79	0.88764	93	78	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	33	25	0.757576	102	73	0.715686	83	63	0.759036	102	78	0.764706	43	29	0.674419	47	35	0.744681	27	18	0.666667
XM_03024 21957	Tnnt3	chr7	1.42E+08	1.43E+08	82	66	0.804878	89	79	0.88764	93	78	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	33	25	0.757576	102	73	0.715686	83	63	0.759036	102	78	0.764706	43	29	0.674419	47	35	0.744681	27	18	0.666667
XM_03024 22088	Tsg101	chr7	46889363	46919976	1569	2	0.001275	1983	7	0.00353	2020	11	0.005446	280	0	0	578	2	0.00346	1843	8	0.004341	2006	17	0.008475	2080	9	0.004327	426	3	0.007042	705	2	0.002837	164	0	0
XM_03024 22116	Tsks	chr7	44943207	44958029	342	286	0.836257	320	272	0.85	429	379	0.88345	12	12	1	100	92	0.92	560	483	0.8625	354	297	0.838983	258	193	0.748062	106	63	0.59434	82	65	0.792683	12	12	1
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5061275	5079938	3396	141	0.041519	3168	73	0.023043	3370	88	0.026113	700	45	0.064286	1463	24	0.016405	4416	239	0.054121	3171	128	0.040366	3298	113	0.034263	1297	3	0.002313	1126	43	0.038188	419	10	0.023866
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5060885	5079938	2006	137	0.068295	1580	68	0.043038	1989	78	0.039216	431	40	0.092807	1008	23	0.022817	2628	225	0.085616	1821	121	0.066447	1882	101	0.053666	687	1	0.001456	657	43	0.065449	203	8	0.039409
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5060885	5079938	2006	137	0.068295	1580	68	0.043038	1989	78	0.039216	431	40	0.092807	1008	23	0.022817	2628	225	0.085616	1821	121	0.066447	1882	101	0.053666	687	1	0.001456	657	43	0.065449	203	8	0.039409
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5060885	5079938	2006	137	0.068295	1580	68	0.043038	1989	78	0.039216	431	40	0.092807	1008	23	0.022817	2628	225	0.085616	1821	121	0.066447	1882	101	0.053666	687	1	0.001456	657	43	0.065449	203	8	0.039409
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5060885	5079938	2006	137	0.068295	1580	68	0.043038	1989	78	0.039216	431	40	0.092807	1008	23	0.022817	2628	225	0.085616	1821	121	0.066447	1882	101	0.053666	687	1	0.001456	657	43	0.065449	203	8	0.039409
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5060885	5079938	2006	137	0.068295	1580	68	0.043038	1989	78	0.039216	431	40	0.092807	1008	23	0.022817	2628	225	0.085616	1821	121	0.066447	1882	101	0.053666	687	1	0.001456	657	43	0.065449	203	8	0.039409
XM_03024 22185	U2af2	chr7	5060885	5079938	2006	137	0.068295	1580	68	0.043038	1989	78	0.039216	431	40	0.092807	1008	23	0.022817	2628	225	0.085616	1821	121	0.066447	1882	101	0.053666	687	1	0.001456	657	43	0.065449	203	8	0.039409
XM_03024 22215	Ube3a	chr7	59228804	59306733	1533	3	0.001957	1618	4	0.002472	1578	7	0.004436	332	2	0.006024	820	3	0.003659	2056	8	0.003891	2021	7	0.003464	1919	6	0.003127	484	1	0.002066	982	9	0.009165	130	0	0
XM_03024 22215	Ube3a	chr7	59229181	59306733	1533	3	0.001957	1618	4	0.002472	1578	7	0.004436	332	2	0.006024	820	3	0.003659	2056	8	0.003891	2021	7	0.003464	1919	6	0.003127	484	1	0.002066	982	9	0.009165	130	0	0
XM_03024 22215	Ube3a	chr7	59229739	59306733	1533	3	0.001957	1618	4	0.002472	1578	7	0.004436	332	2	0.006024	820	3	0.003659	2056	8	0.003891	2021	7	0.003464	1919	6	0.003127	484	1	0.002066	982	9	0.009165	130	0	0
XM_03024 22215	Ube3a	chr7	59228802	59306733	1533	3	0.001957	1618	4	0.002472	1578	7	0.004436	332	2	0.006024	820	3	0.003659	2056	8	0.003891	2021	7	0.003464	1919	6	0.003127	484	1	0.002066	982	9	0.009165	130	0	0
XM_03024 22215	Ube3a	chr7	59228804	59306733	1533	3	0.001957	1618	4	0.002472	1578	7	0.004436	332	2	0.006024	820	3	0.003659	2056	8	0.003891	2021	7	0.003464	1919	6	0.003127	484	1	0.002066	982	9	0.009165	130	0	0
XM_03024 22215	Ube3a	chr7	59228764	59306733	1533	3	0.001957	1618	4	0.002472	1578	7	0.004436	332	2	0.006024	820	3	0.003659	2056	8	0.003891	2021	7	0.003464	1919	6	0.003127	484	1	0.002066	982	9	0.009165	130	0	0
XM_03024 22228	Ucp2	chr7	1E+08	1E+08	1606	228	0.141968	1477	211	0.142857	1671	284	0.169958	169	49	0.289941	650	147	0.226154	1634	107	0.065483	1556	167	0.107326	1653	171	0.103448	357	64	0.179272	559	50	0.089445	198	20	0.10101
XM_03024 22260	Nr1h2	chr7	44549616	44553968	890	4	0.004494	1023	6	0.005865	956	2	0.002092	167	0	0	415	0	0	1022	4	0.003914	952	7	0.007353	1096	11	0.010036	314	2	0.006369	295	2	0.00678	110	0	0
XM_03024 22260	Nr1h2	chr7	44549616	44553968	890	4	0.004494	1023	6	0.005865	956	2	0.002092	167	0	0	415	0	0	1022	4	0.003914	952	7	0.007353	1096	11	0.010036	314	2	0.006369	295	2	0.00678	110	0	0
XM_03024 22276	Uros	chr7	1.34E+08	1.34E+08	3463	31	0.008952	3296	23	0.006978	3809	58	0.015227	805	1	0.001242	1462	13	0.008892	3444	27	0.00784	3049	41	0.013447	3240	21	0.006481	1222	10	0.008183	1281	11	0.008587	343	1	0.002915
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91373846	91398838	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 22276	Uros	chr7	1.34E+08	1.34E+08	3463	31	0.008952	3296	23	0.006978	3809	58	0.015227	805	1	0.001242	1462	13	0.008892	3444	27	0.00784	3049	41	0.013447	3240	21	0.006481	1222	10	0.008183	1281	11	0.008587	343	1	0.002915
XM_03024 22276	Uros	chr7	1.34E+08	1.34E+08	3463	31	0.008952	3296	23	0.006978	3809	58	0.015227	805	1	0.001242	1462	13	0.008892	3444	27	0.00784	3049	41	0.013447	3240	21	0.006481	1222	10	0.008183	1281	11	0.008587	343	1	0.002915
XM_03024 22276	Uros	chr7	1.34E+08	1.34E+08	3463	31	0.008952	3296	23	0.006978	3809	58	0.015227	805	1	0.001242	1462	13	0.008892	3444	27	0.00784	3049	41	0.013447	3240	21	0.006481	1222	10	0.008183	1281	11	0.008587	343	1	0.002915
XM_03024 22276	Uros	chr7	1.34E+08	1.34E+08	35	12	0.342857	#N/A	#N/A	#N/A	42	6	0.142857	33	0	0	34	9	0.264706	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	30	4	0.133333	26	7	0.269231	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398838	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91373846	91398844	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91373846	91398844	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 22689	Zfp27	chr7	29893331	29906164	550	101	0.183636	532	96	0.180451	564	75	0.132979	156	3	0.019231	386	22	0.056995	635	99	0.155906	544	51	0.09375	481	89	0.185031	240	17	0.070833	189	10	0.05291	154	1	0.006494
XM_03024 22689	Zfp27	chr7	29893331	29898878	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22690	Zfp28	chr7	6383432	6395217	1227	33	0.026895	1000	10	0.01	1173	5	0.004263	301	8	0.026578	527	3	0.005693	1360	10	0.007353	1153	9	0.007806	1072	11	0.010261	250	1	0.004	698	6	0.008596	239	5	0.020921
XM_03024 22690	Zfp28	chr7	6383432	6395217	1227	33	0.026895	1000	10	0.01	1173	5	0.004263	301	8	0.026578	527	3	0.005693	1360	10	0.007353	1153	9	0.007806	1072	11	0.010261	250	1	0.004	698	6	0.008596	239	5	0.020921
XM_03024 22690	Zfp28	chr7	6383206	6395217	1227	33	0.026895	1000	10	0.01	1173	5	0.004263	301	8	0.026578	527	3	0.005693	1360	10	0.007353	1153	9	0.007806	1072	11	0.010261	250	1	0.004	698	6	0.008596	239	5	0.020921
XM_03024 22717	Zfp59	chr7	27838717	27856793	542	2	0.00369	550	4	0.007273	614	2	0.003257	85	0	0	221	0	0	701	1	0.001427	575	1	0.001739	630	2	0.003175	196	0	0	199	0	0	77	0	0
XM_03024 22717	Zfp59	chr7	27836046	27856793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22717	Zfp59	chr7	27836046	27856793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22717	Zfp59	chr7	27843086	27856793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22717	Zfp59	chr7	27844526	27856793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22719	Zfp61	chr7	24291045	24303840	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	35	0.875
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398834	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 22756	Zfp94	chr7	24301795	24316698	1068	80	0.074906	944	97	0.102754	947	95	0.100317	184	0	0	500	73	0.146	1012	50	0.049407	682	73	0.107038	845	61	0.072189	374	21	0.05615	377	74	0.196286	224	24	0.107143
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398834	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 22756	Zfp94	chr7	24301795	24316697	1068	80	0.074906	944	97	0.102754	947	95	0.100317	184	0	0	500	73	0.146	1012	50	0.049407	682	73	0.107038	845	61	0.072189	374	21	0.05615	377	74	0.196286	224	24	0.107143
XM_03024 22776	Zim1	chr7	6674444	6696532	268	8	0.029851	187	3	0.016043	212	2	0.009434	51	1	0.019608	126	3	0.02381	244	5	0.020492	204	6	0.029412	132	2	0.015152	48	0	0	108	1	0.009259	48	2	0.041667
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398834	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398834	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 232791	Cnot3	chr7	3645280	3661101	3890	20	0.005141	3580	15	0.00419	3288	32	0.009732	552	4	0.007246	1436	18	0.012535	4033	20	0.004959	3262	13	0.003985	3859	49	0.012698	1209	2	0.001654	1340	14	0.010448	699	4	0.005722
XM_03024 232791	Cnot3	chr7	3645250	3661101	3890	20	0.005141	3580	15	0.00419	3288	32	0.009732	552	4	0.007246	1436	18	0.012535	4033	20	0.004959	3262	13	0.003985	3859	49	0.012698	1209	2	0.001654	1340	14	0.010448	699	4	0.005722
XM_03024 232791	Cnot3	chr7	3645289	3661101	3890	20	0.005141	3580	15	0.00419	3288	32	0.009732	552	4	0.007246	1436	18	0.012535	4033	20	0.004959	3262	13	0.003985	3859	49	0.012698	1209	2	0.001654	1340	14	0.010448	699	4	0.005722
XM_03024 232791	Cnot3	chr7	3645247	3661101	3890	20	0.005141	3580	15	0.00419	3288	32	0.009732	552	4	0.007246	1436	18	0.012535	4033	20	0.004959	3262	13	0.003985	3859	49	0.012698	1209	2	0.001654	1340	14	0.010448	699	4	0.005722
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398834	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 232798	Leng8	chr7	4137035	4148177	1414	4	0.002829	1483	6	0.004046	1383	3	0.002169	401	1	0.002494	617	1	0.001621	2091	12	0.005739	1372	7	0.005102	1302	6	0.004608	388	1	0.002577	578	2	0.00346	330	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91374286	91398836	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0

XM_03024 232811	Kmt5c	chr7	4740152	4747514	1124	7	0.006228	849	2	0.002356	1054	5	0.004744	198	2	0.010101	399	2	0.005013	949	1	0.001054	972	7	0.007202	942	6	0.006369	186	1	0.005376	433	1	0.002309	126	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91373846	91398836	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 232813	Shisa7	chr7	4825552	4844866	1563	111	0.071017	1254	71	0.056619	1306	90	0.068913	213	13	0.061033	477	29	0.060797	1402	195	0.139087	1272	112	0.08805	1450	163	0.112414	247	16	0.064777	341	32	0.093842	32	1	0.03125
XM_03024 232813	Shisa7	chr7	4825552	4837108	3347	28	0.008366	3383	23	0.006799	3373	28	0.008301	198	0	0	658	5	0.007599	3215	31	0.009642	2952	20	0.006775	3324	34	0.010229	764	6	0.007853	1120	10	0.008929	219	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91373846	91398836	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 232821	Ccdc106	chr7	5053852	5060785	1012	221	0.218379	948	196	0.206751	1073	233	0.217148	107	53	0.495327	470	105	0.223404	1612	308	0.191067	1039	161	0.154957	1118	199	0.177996	287	58	0.202091	528	72	0.136364	131	18	0.137405
XM_03024 232821	Ccdc106	chr7	5056683	5060785	417	75	0.179856	59	17	0.288136	329	43	0.130699	40	12	0.3	36	22	0.611111	348	89	0.255747	190	44	0.231579	243	71	0.292181	102	18	0.176471	278	22	0.079137	73	6	0.082192
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91373846	91398836	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398836	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398836	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 232878	Zscan22	chr7	12900839	12909059	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67444	Ilkap	chr1	91375827	91398730	2212	13	0.005877	2181	11	0.005044	2426	9	0.00371	549	1	0.001821	637	4	0.006279	2546	13	0.005106	2731	10	0.003662	2265	26	0.011479	728	2	0.002747	727	0	0	120	0	0
XM_03024 232878	Zscan22	chr7	12897798	12909059	720	5	0.006944	533	2	0.003752	560	3	0.005357	117	0	0	327	4	0.012232	658	7	0.010638	646	3	0.004644	524	4	0.007634	229	0	0	370	5	0.013514	89	0	0
XM_03024 232933	Ccdc61	chr7	18890883	18910404	198	2	0.010101	216	2	0.009259	84	0	0	33	0	0	146	0	0	201	1	0.004975	242	1	0.004132	180	0	0	132	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232933	Ccdc61	chr7	18890883	18910412	198	2	0.010101	216	2	0.009259	84	0	0	33	0	0	146	0	0	201	1	0.004975	242	1	0.004132	180	0	0	132	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232933	Ccdc61	chr7	18890883	18910403	198	2	0.010101	216	2	0.009259	84	0	0	33	0	0	146	0	0	201	1	0.004975	242	1	0.004132	180	0	0	132	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232933	Ccdc61	chr7	18890883	18910414	198	2	0.010101	216	2	0.009259	84	0	0	33	0	0	146	0	0	201	1	0.004975	242	1	0.004132	180	0	0	132	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232943	Klc3	chr7	19394440	19403851	2014	45	0.022344	2138	57	0.02666	2548	33	0.012951	219	3	0.013699	686	12	0.017493	2232	34	0.015233	2244	40	0.017825	2528	17	0.006725	521	2	0.003839	593	1	0.001686	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232943	Klc3	chr7	19394440	19403851	2014	45	0.022344	2138	57	0.02666	2548	33	0.012951	219	3	0.013699	686	12	0.017493	2232	34	0.015233	2244	40	0.017825	2528	17	0.006725	521	2	0.003839	593	1	0.001686	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232943	Klc3	chr7	19394440	19404174	2094	91	0.043457	2182	69	0.031622	2592	45	0.017361	275	42	0.152727	726	30	0.041322	2326	73	0.031384	2336	70	0.029966	2580	48	0.018605	577	21	0.036395	653	32	0.049005	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232943	Klc3	chr7	19394440	19399920	137	0	0	68	2	0.029412	104	1	0.009615	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	192	1	0.005208	104	0	0	109	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232944	Mark4	chr7	19425102	19459330	1193	7	0.005868	925	4	0.004324	1160	13	0.011207	#N/A	#N/A	#N/A	154	1	0.006494	1162	8	0.006885	1388	11	0.007925	1252	7	0.005591	230	1	0.004348	255	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232969	Zfp428	chr7	24504548	24515680	45	17	0.377778	14	8	0.571429	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	66	27	0.409091	17	8	0.470588	70	37	0.528571	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	10	8	0.8
XM_03024 67459	Nvl	chr1	1.81E+08	1.81E+08	1396	9	0.006447	1412	9	0.006374	1351	5	0.003701	308	0	0	498	0	0	1438	14	0.009736	1464	16	0.010929	1639	5	0.003051	326	1	0.003067	508	1	0.001969	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232969	Zfp428	chr7	24507680	24515680	2719	20	0.007356	2549	17	0.006669	2267	9	0.00397	243	0	0	518	7	0.013514	2957	20	0.006764	2012	14	0.006958	2527	13	0.005144	539	4	0.007421	748	7	0.009358	182	0	0
XM_03024 232970	Phldb3	chr7	24610306	24624905	1691	58	0.034299	1466	27	0.018417	1654	49	0.029625	239	0	0	635	55	0.086614	1937	46	0.023748	1356	33	0.024336	1727	48	0.027794	364	5	0.013736	459	24	0.052288	167	10	0.05988
XM_03024 232970	Phldb3	chr7	24610306	24624905	1691	58	0.034299	1466	27	0.018417	1654	49	0.029625	239	0	0	635	55	0.086614	1937	46	0.023748	1356	33	0.024336	1727	48	0.027794	364	5	0.013736	459	24	0.052288	167	10	0.05988
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24933492	535	10	0.018692	668	16	0.023952	717	12	0.016736	22	0	0	84	1	0.011905	727	12	0.016506	631	32	0.050713	827	17	0.020556	160	3	0.01875	180	3	0.016667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24932466	1535	74	0.048208	1649	63	0.038205	1900	70	0.036842	197	5	0.025381	473	32	0.067653	1673	89	0.053198	1494	98	0.065596	1765	81	0.045892	398	9	0.022613	551	25	0.045372	138	2	0.014493
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24933492	535	10	0.018692	668	16	0.023952	717	12	0.016736	22	0	0	84	1	0.011905	727	12	0.016506	631	32	0.050713	827	17	0.020556	160	3	0.01875	180	3	0.016667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24944110	2766	100	0.036153	3136	98	0.03125	3116	86	0.027599	532	14	0.026316	735	40	0.054422	2801	105	0.037487	1872	30	0.016026	2424	93	0.038366	442	10	0.022624	703	42	0.059744	84	7	0.083333
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24937634	#N/A	#N/A	#N/A	56	40	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	46	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24944310	1344	54	0.040179	1264	52	0.041139	1393	42	0.030151	76	2	0.026316	342	21	0.061404	1584	46	0.02904	857	11	0.012835	1184	42	0.035473	70	1	0.014286	217	36	0.165899	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 232974	Erfl	chr7	24926956	24932982	663	18	0.027149	795	19	0.023899	835	18	0.021557	53	2	0.037736	120	3	0.025	838	15	0.0179	711	33	0.046414	988	20	0.020243	192	4	0.020833	231	6	0.025974	22	1	0.045455
XM_03024 233005	Cyp2a22	chr7	26932173	26938165	45	32	0.711111	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	33	29	0.878788	30	25	0.833333	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233005	Cyp2a22	chr7	26936309	26939410	45	32	0.711111	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	33	29	0.878788	30	25	0.833333	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233038	Nccrp1	chr7	28543592	28547748	279	237	0.849462	237	192	0.810127	234	202	0.863248	42	33	0.785714	109	94	0.862385	305	200	0.655738	351	158	0.450142	293	195	0.665529	96	61	0.635417	133	103	0.774436	63	34	0.539683
XM_03024 233038	Nccrp1	chr7	28543592	28546023	147	42	0.285714	102	26	0.254902	160	25	0.15625	20	3	0.15	80	19	0.2375	233	57	0.244635	291	44	0.151203	166	44	0.26506	62	6	0.096774	92	47	0.51087	20	3	0.15
XM_03024 233057	Zfp940	chr7	29832361	29853695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	72	3	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67647	4930523C(	chr1	1.6E+08	1.6E+08	661	350	0.529501	582	351	0.603093	544	287	0.527574	64	10	0.15625	259	51	0.196911	735	325	0.442177	749	301	0.401869	714	378	0.529412	170	94	0.552941	164	64	0.390244	60	33	0.55
XM_03024 233064	Wdr62	chr7	30240138	30281908	58	11	0.189655	75	37	0.493333	72	18	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	105	51	0.485714	69	47	0.681159	72	29	0.402778	12	11	0.916667	35	7	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233064	Wdr62	chr7	30240138	30281908	58	11	0.189655	75	37	0.493333	72	18	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	105	51	0.485714	69	47	0.681159	72	29	0.402778	12	11	0.916667	35	7	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233064	Wdr62	chr7	30240138	30280351	2504	6	0.002396	2790	33	0.011828	2540	17	0.006693	214	2	0.009346	799	0	0	2672	20	0.007485	2329	10	0.004294	2955	14	0.004738	691	2	0.002894	764	2	0.002618	193	0	0
XM_03024 233103	Garre1	chr7	34236707	34313545	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_03024 233103	Garre1	chr7	34236707	34313129	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_03024 233103	Garre1	chr7	34236707	34313055	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_03024 233103	Garre1	chr7	34236707	34313548	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_03024 233103	Garre1	chr7	34236707	34313129	2323	14	0.006027	2495	17	0.006814	2827	27	0.009551	344	1	0.002907	1050	5	0.004762	2730	20	0.007326	1955	9	0.004604	2336	10	0.004281	574	1	0.001742	809	2	0.002472	364	0	0
XM_03024 233147	Zfp939	chr7	39449660	39477427	1432	16	0.011173	1397	11	0.007874	1697	14	0.00825	409	3	0.007335	555	3	0.005405	1483	12	0.008092	1291	20	0.015492	1304	15	0.011503	561	6	0.010695	544	5	0.009191	236	1	0.004237
XM_03024 233147	Zfp939	chr7	39449479	39477427	1432	16	0.011173	1397	11	0.007874	1697	14	0.00825	409	3	0.007335	555	3	0.005405	1483	12	0.008092	1291	20	0.015492	1304	15	0.011503	561	6	0.010695	544	5	0.009191	236	1	0.004237
XM_03024 233147	Zfp939	chr7	39449480	39477427	1432	16	0.011173	1397	11	0.007874	1697	14	0.00825	409	3	0.007335	555	3	0.005405	1483	12	0.008092	1291	20	0.015492	1304	15	0.011503	561	6	0.010695	544	5	0.009191	236	1	0.004237
XM_03024 233208	Scaf1	chr7	45002946	45016094	3259	33	0.010126	3143	17	0.005409	3508	27	0.007697	597	0	0	491	1	0.002037	3817	34	0.008908	3439	23	0.006688	3505	23	0.006562	858	6	0.006993	1146	3	0.002618	262	0	0
XM_03024 233246	Ano5	chr7	51510007	51597754	192	138	0.71875	119	91	0.764706	137	89	0.649635	#N/A	#N/A	#N/A	62	47	0.758065	174	100	0.574713	152	89	0.585526	147	73	0.496599	46	38	0.826087	21	10	0.47619	24	16	0.666667
XM_03024 677296	Fcrl6	chr1	1.73E+08	1.73E+08	272	154	0.566176	227	127	0.559471	282	157	0.556738	66	34	0.515152	111	75	0.675676	291	201	0.690722	216	116	0.537037	242	112	0.46281	108	56	0.518519	98	76	0.77551	59	23	0.389831
XM_03024 233274	Siglech	chr7	55768168	55779448	61	55	0.901639	54	45	0.833333	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	50	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A	54	43	0.796296	#N/A	#N/A	#N/A	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233274	Siglech	chr7	55768278	55777572	61	55	0.901639	54	45	0.833333	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	50	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A	54	43	0.796296	#N/A	#N/A	#N/A	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233274	Siglech	chr7	55768263	55777572	61	55	0.901639	54	45	0.833333	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	50	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A	54	43	0.796296	#N/A	#N/A	#N/A	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233332	Adamts17	chr7	66839699	67153171	4009	113	0.028187	3791	113	0.029807	4061	104	0.025609	766	9	0.011749	1275	53	0.041569	3959	103	0.026017	3584	104	0.029018	3754	121	0.032232	1229	42	0.034174	1581	29	0.018343	316	14	0.044304
XM_03024 233405	Vps33b	chr7	80269621	80291323	1360	38	0.027941	963	38	0.03946	1203	52	0.043225	288	18	0.0625	466	7	0.015021	1254	28	0.022329	1071	20	0.018674	1153	22	0.019081	251	10	0.039841	383	13	0.033943	95	7	0.073684
XM_03024 233489	Picalm	chr7	90130195	90209443	3731	15	0.00402	2948	10	0.003392	3577	23	0.00643	567	2	0.003527	849	2	0.002356	3976	30	0.007545	3495	22	0.006295	4023	26	0.006463	903	2	0.002215	1115	11	0.009865	373	2	0.005362
XM_03024 233489	Picalm	chr7	90130196	90209443	3731	15	0.00402	2948	10	0.003392	3577	23	0.00643	567	2	0.003527	849	2	0.002356	3976	30	0.007545	3495	22	0.006295	4023	26	0.006463	903	2	0.002215	1115	11	0.009865	373	2	0.005362
XM_03024 233489	Picalm	chr7	90130196	90209443	3731	15	0.00402	2948	10	0.003392	3577	23	0.00643	567	2	0.003527	849	2	0.002356	3976	30	0.007545	3495	22	0.006295	4023	26	0.006463	903	2	0.002215	1115	11	0.009865	373	2	0.005362
XM_03024 67769	Gpatch2	chr1	1.87E+08	1.87E+08	174	1	0.005747	218	1	0.004587	146	4	0.027397	#N/A	#N/A	#N/A	66	0	0	187	3	0.016043	156	1	0.00641	254	2	0.007874	10	0	0	198	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233529	Kctd14	chr7	97453216	97459557	959	23	0.023983	801	12	0.014981	1069	11	0.01029	116	0	0	356	9	0.025281	1104	16	0.014493	825	30	0.036364	899	21	0.023359	285	6	0.021053	323	4	0.012384	33	0	0
XM_03024 67769	Gpatch2	chr1	1.87E+08	1.87E+08	1822	20	0.010977	1966	20	0.010173	1888	11	0.005826	320	0	0	540	4	0.007407	1476	16	0.01084	1776	8	0.004505	2053	10	0.004871	324	1	0.003086	652	1	0.001534	66	0	0
XM_03024 233545	Emsy	chr7	98588924	98656824	3114	16	0.005138	2268	8	0.003527	3004	19	0.006325	569	1	0.001757	1075	3	0.002791	3436	36	0.010477	2725	11	0.004037	2222	10	0.0045	852	2	0.002347	1378	3	0.002177	506	1	0.001976
XM_03024 233545	Emsy	chr7	98588924	98656823	3114	16	0.005138	2268	8	0.003527	3004	19	0.006325	569	1	0.001757	1075	3	0.002791	3436	36	0.010477	2725	11	0.004037	2222	10	0.0045	852	2	0.002347	1378	3	0.002177	506	1	0.001976
XM_03024 233545	Emsy	chr7	98587130	98656826	3114	16	0.005138	2268	8	0.003527	3004	19	0.006325	569	1	0.001757	1075	3	0.002791	3436	36	0.010477	2725	11	0.004037	2222	10	0.0045	852	2	0.002347	1378	3	0.002177	506	1	0.001976
XM_03024 67769	Gpatch2	chr1	1.87E+08	1.87E+08	1822	20	0.010977	1966	20	0.010173	1888	11	0.005826	320	0	0	540	4	0.007407	1476	16	0.01084	1776	8	0.004505	2053	10	0.004871	324	1	0.003086	652	1	0.001534	66	0	0
XM_03024 67769	Gpatch2	chr1	1.87E+08	1.87E+08	1822	20	0.010977	1966	20	0.010173	1888	11	0.005826	320	0	0	540	4	0.007407	1476	16	0.01084	1776	8	0.004505	2053	10	0.004871	324	1	0.003086	652	1	0.001534	66	0	0
XM_03024 233552	Gdpd5	chr7	99381852	99460984	2588	71	0.027434	2173	30	0.013806	2284	30	0.013135	343	11	0.03207	999	45	0.045045	2399	61	0.025427	2094	48	0.022923	2138	58	0.027128	892	44	0.049327	719	3	0.004172	30	0	0
XM_03024 233552	Gdpd5	chr7	99381852	99460984	2588	71	0.027434	2173	30	0.013806	2284	30	0.013135	343	11	0.03207	999	45	0.045045	2399	61	0.025427	2094	48	0.022923	2138	58	0.027128	892	44	0.049327	719	3	0.004172	30	0	0
XM_03024 233571	P2ry6	chr7	1.01E+08	1.01E+08	88	83	0.943182	72	67	0.930556	79	74	0.936709	20	19	0.95	39	35	0.897436	81	77	0.950617	90	76	0.844444	75	61	0.813333	41	36	0.878049	29	25	0.862069	14	12	0.857143
XM_03024 233575	Pgap2	chr7	1.02E+08	1.02E+08	14	14	1	11	9	0.818182	10	8	0.8	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	49	40	0.816327	13	10	0.769231	36	31	0.861111	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
XM_03024 233575	Pgap2	chr7	1.02E+08	1.02E+08	2061	17	0.008248	1788	4	0.002237	1935	13	0.006718	122	0	0	682	1	0.001466	2222	11	0.00495	2019	10	0.004953	2150	20	0.009302	446	1	0.002242	408	1	0.002451	134	2	0.014925
XM_03024 233575	Pgap2	chr7	1.02E+08	1.02E+08	2048	16	0.007813	1788	4	0.002237	1925	12	0.006234	122	0	0	682	1	0.001466	2198	10	0.00455	2001	9	0.004498	2140	20	0.009346	446	1	0.002242	408	1	0.002451	134	2	0.014925
XM_03024 233649	Cnga4	chr7	1.05E+08	1.05E+08	1493	12	0.008038	1403	5	0.003564	1304	5	0.003834	258	0	0	648	3	0.00463	1911	17	0.008896	1598	4	0.002503	1437	8	0.005567	276	1	0.003623	398	2	0.005025	232	1	0.00431
XM_03024 233651	Dchs1	chr7	1.06E+08	1.06E+08	803	64	0.079701	628	37	0.058917	732	52	0.071038	65	10	0.153846	492	54	0.109756	694	88	0.126801	511	65	0.127202	505	62	0.122772	358	34	0.094972	290	49	0.168966	22	6	0.272727
XM_03024 233724	Tmem41b	chr7	1.1E+08	1.1E+08	552	60	0.108696	164	62	0.378049	587	49	0.083475	#N/A	#N/A	#N/A	282	23	0.08156	432	60	0.138889	195	12	0.061538	341	29	0.085044	365	39	0.106849	256	0	0	202	3	0.014851
XM_03024 233752	Insc	chr7	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233752	Insc	chr7	1.15E+08	1.15E+08	394	34	0.086294	380	32	0.084211	438	41	0.093607	162	6	0.037037	191	32	0.167539	474	48	0.101266	441	92	0.208617	232	11	0.047414	88	6	0.068182	194	13	0.06701	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233765	Plekha7	chr7	1.16E+08	1.16E+08	2916	53	0.018176	2215	39	0.017607	2762	41	0.014844	115	0	0	873	12	0.013746	2956	45	0.015223	2154	21	0.009749	2159	36	0.016674	791	5	0.006321	899	7	0.007786	107	0	0
XM_03024 233765	Plekha7	chr7	1.16E+08	1.16E+08	2916	53	0.018176	2215	39	0.017607	2762	41	0.014844	115	0	0	873	12	0.013746	2956	45	0.015223	2154	21	0.009749	2159	36	0.016674	791	5	0.006321	899	7	0.007786	107	0	0
XM_03024 233765	Plekha7	chr7	1.16E+08	1.16E+08	2460	36	0.014634	2444	28	0.011457	2556	24	0.00939	332	2	0.006024	768	16	0.020833	2318	27	0.011648	2139	23	0.010753	2551	34	0.013328	417	2	0.004796	415	2	0.004819	70	0	0
XM_03024 67792	Rgs8	chr1	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233789	Smg1	chr7	1.18E+08	1.18E+08	4025	29	0.007205	3735	17	0.004552	3918	21	0.00536	643	1	0.001555	1055	1	0.000948	4376	23	0.005256	3793	29	0.007646	4089	15	0.003668	1219	1	0.00082	1171	4	0.003416	226	1	0.004425
XM_03024 67792	Rgs8	chr1	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233806	Tmem159	chr7	1.2E+08	1.2E+08	274	4	0.014599	288	20	0.069444	462	14	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A	147	2	0.013605	361	6	0.01662	358	9	0.02514	366	10	0.027322	76	7	0.092105	211	6	0.028436	44	1	0.022727
XM_03024 233813	Vwa3a	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233813	Vwa3a	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233813	Vwa3a	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233813	Vwa3a	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233813	Vwa3a	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233824	Cog7	chr7	1.22E+08	1.22E+08	1532	15	0.009791	1469	25	0.017018	1498	6	0.004005	343	1	0.002915	715	2	0.002797	1348	11	0.00816	1254	6	0.004785	1388	3	0.002161	429	0	0	903	3	0.003322	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233865	D430042O	chr7	1.26E+08	1.26E+08	2166	7	0.003232	1919	16	0.008338	2303	14	0.006079	333	1	0.003003	1013	12	0.011846	2542	17	0.006688	2165	9	0.004157	2243	8	0.003567	679	6	0.008837	969	11	0.011352	243	0	0
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	40	23	0.575	29	18	0.62069	27	15	0.555556	11	8	0.727273	11	8	0.727273	31	18	0.580645	23	15	0.652174	33	19	0.575758	17	6	0.352941	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1784	4	0.002242	7405	61	0.008238	6571	43	0.006544	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2182	18	0.008249	604	2	0.003311
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1784	4	0.002242	7405	61	0.008238	6571	43	0.006544	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2182	18	0.008249	604	2	0.003311
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1784	4	0.002242	7405	61	0.008238	6571	43	0.006544	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2182	18	0.008249	604	2	0.003311
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1784	4	0.002242	7405	61	0.008238	6571	43	0.006544	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2182	18	0.008249	604	2	0.003311
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233871	Atxn2l	chr7	1.26E+08	1.27E+08	6444	23	0.003569	5708	68	0.011913	6802	46	0.006763	914	2	0.002188	1795	11	0.006128	7405	61	0.008238	6583	50	0.007595	6791	46	0.006774	1658	18	0.010856	2198	20	0.009099	619	16	0.025848
XM_03024 233875	Ino80e	chr7	1.27E+08	1.27E+08	544	2	0.003676	338	3	0.008876	517	6	0.011605	55	0	0	259	1	0.003861	714	10	0.014006	607	5	0.008237	652	5	0.007669	119	0	0	176	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233876	Hirip3	chr7	1.27E+08	1.27E+08	619	40	0.06462	364	11	0.03022	580	33	0.056897	55	0	0	312	25	0.080128	797	34	0.04266	671	32	0.04769	714	34	0.047619	145	24	0.165517	249	43	0.172691	12	6	0.5
XM_03024 233878	Sez6l2	chr7	1.27E+08	1.27E+08	778	21	0.026992	639	12	0.018779	788	13	0.016497	78	5	0.064103	301	30	0.099668	997	21	0.021063	782	23	0.029412	664	43	0.064759	148	18	0.121622	307	13	0.042345	42	0	0
XM_03024 233878	Sez6l2	chr7	1.27E+08	1.27E+08	778	21	0.026992	639	12	0.018779	788	13	0.016497	78	5	0.064103	301	30	0.099668	997	21	0.021063	782	23	0.029412	664	43	0.064759	148	18	0.121622	307	13	0.042345	42	0	0
XM_03024 233878	Sez6l2	chr7	1.27E+08	1.27E+08	778	21	0.026992	639	12	0.018779	788	13	0.016497	78	5	0.064103	301	30	0.099668	997	21	0.021063	782	23	0.029412	664	43	0.064759	148	18	0.121622	307	13	0.042345	42	0	0
XM_03024 233895	Prr14	chr7	1.27E+08	1.27E+08	33	31	0.939394	46	41	0.891304	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	35	34	0.971429	23	21	0.913043	26	25	0.961538	48	45	0.9375	55	52	0.945455	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233895	Prr14	chr7	1.27E+08	1.27E+08	33	31	0.939394	46	41	0.891304	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	35	34	0.971429	23	21	0.913043	26	25	0.961538	48	45	0.9375	55	52	0.945455	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233895	Prr14	chr7	1.27E+08	1.27E+08	2219	11	0.004957	1928	18	0.009336	2025	15	0.007407	217	0	0	833	3	0.003601	2655	19	0.007156	2066	25	0.012101	2520	18	0.007143	727	10	0.013755	700	7	0.01	392	1	0.002551
XM_03024 233902	Fbxl19	chr7	1.28E+08	1.28E+08	2215	106	0.047856	2315	110	0.047516	2300	103	0.044783	339	15	0.044248	495	6	0.012121	2254	60	0.026619	2501	137	0.054778	2797	101	0.03611	336	6	0.017857	750	25	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 233905	Zfp646	chr7	1.28E+08	1.28E+08	4849	34	0.007012	4786	41	0.008567	4967	22	0.004429	415	2	0.004819	1599	4	0.002502	4786	22	0.004597	4503	25	0.005552	4912	20	0.004072	1742	10	0.005741	2211	6	0.002714	410	2	0.004878
XM_03024 233977	Ppfia1	chr7	1.44E+08	1.45E+08	2980	19	0.006376	2807	23	0.008194	3150	23	0.007302	594	1	0.001684	978	4	0.00409	2902	12	0.004135	2981	16	0.005367	2961	16	0.005404	710	4	0.005634	1090	4	0.00367	110	0	0
XM_03024 233979	Tpcn2	chr7	1.45E+08	1.45E+08	410	4	0.009756	499	1	0.002004	452	4	0.00885	26	0	0	110	0	0	439	0	0	533	1	0.001876	573	2	0.00349	160	0	0	88	0	0	44	0	0
XM_03024 23859	Dlg2	chr7	91259342	92449106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23859	Dlg2	chr7	91711425	92449106	111	85	0.765766	156	122	0.782051	132	111	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	63	48	0.761905	114	85	0.745614	87	60	0.689655	84	54	0.642857	44	29	0.659091	63	32	0.507937	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23859	Dlg2	chr7	91538625	92449106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96209921	96911093	3877	115	0.029662	3625	87	0.024	4198	95	0.02263	514	11	0.021401	1319	30	0.022745	3789	155	0.040908	3142	225	0.07161	3357	264	0.078642	1557	91	0.058446	1515	148	0.09769	362	42	0.116022
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96209975	96911093	4093	121	0.029563	3835	87	0.022686	4415	97	0.021971	526	12	0.022814	1372	30	0.021866	3954	160	0.040465	3300	242	0.073333	3516	284	0.080774	1602	93	0.058052	1582	151	0.095449	362	42	0.116022
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96209871	96911093	3437	101	0.029386	3288	79	0.024027	3810	90	0.023622	466	11	0.023605	1147	25	0.021796	3412	135	0.039566	2834	194	0.068454	3047	244	0.080079	1415	86	0.060777	1341	135	0.100671	310	37	0.119355
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96171273	96911093	93	30	0.322581	78	26	0.333333	69	25	0.362319	13	1	0.076923	26	11	0.423077	102	29	0.284314	74	11	0.148649	62	7	0.112903	26	7	0.269231	30	4	0.133333	28	9	0.321429
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96209775	96911093	3066	91	0.02968	3007	72	0.023944	3538	87	0.02459	466	11	0.023605	992	21	0.021169	3007	128	0.042567	2548	173	0.067896	2808	230	0.081909	1263	81	0.064133	1235	127	0.102834	243	31	0.127572
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96210163	96911093	5537	139	0.025104	5303	123	0.023194	5916	120	0.020284	706	16	0.022663	1815	35	0.019284	5143	175	0.034027	4307	314	0.072905	4567	339	0.074228	2057	101	0.049101	2080	168	0.080769	609	70	0.114943
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96209975	96911093	4093	121	0.029563	3835	87	0.022686	4415	97	0.021971	526	12	0.022814	1372	30	0.021866	3954	160	0.040465	3300	242	0.073333	3516	284	0.080774	1602	93	0.058052	1582	151	0.095449	362	42	0.116022
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96209975	96911093	4093	121	0.029563	3835	87	0.022686	4415	97	0.021971	526	12	0.022814	1372	30	0.021866	3954	160	0.040465	3300	242	0.073333	3516	284	0.080774	1602	93	0.058052	1582	151	0.095449	362	42	0.116022
XM_03024 23966	Tenm4	chr7	96210157	96911093	5537	139	0.025104	5303	123	0.023194	5916	120	0.020284	706	16	0.022663	1815	35	0.019284	5143	175	0.034027	4307	314	0.072905	4567	339	0.074228	2057	101	0.049101	2080	168	0.080769	609	70	0.114943
XM_03024 23991	Cib1	chr7	80227156	80232774	2156	49	0.022727	1363	36	0.026412	1936	41	0.021178	427	1	0.002342	760	34	0.044737	2415	58	0.024017	2016	38	0.018849	1662	27	0.016245	608	23	0.037829	915	6	0.006557	331	12	0.036254
XM_03024 24058	Sigirr	chr7	1.41E+08	1.41E+08	74	49	0.662162	60	46	0.766667	45	35	0.777778	13	11	0.846154	22	14	0.636364	77	45	0.584416	68	50	0.735294	66	47	0.712121	12	6	0.5	55	41	0.745455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 243842	Bicra	chr7	15970671	16048146	1963	11	0.005604	1911	14	0.007326	2190	28	0.012785	291	0	0	492	1	0.002033	2597	25	0.009626	2007	17	0.00847	2803	9	0.003211	152	1	0.006579	570	18	0.031579	48	0	0
XM_03024 243846	Ccdc9	chr7	16272013	16286807	1406	13	0.009246	1430	8	0.005594	1396	5	0.003582	164	1	0.006098	239	0	0	1689	5	0.00296	1357	6	0.004422	1702	9	0.005288	246	0	0	276	1	0.003623	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67921	Ube2f	chr1	91250749	91285958	3989	16	0.004011	4092	13	0.003177	4401	29	0.006589	386	4	0.010363	1070	3	0.002804	4629	28	0.006049	3610	15	0.004155	4151	25	0.006023	1162	3	0.002582	1345	5	0.003717	199	2	0.01005
XM_03024 243862	Psg22	chr7	18718051	18724654	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 243864	Mill2	chr7	18839972	18863609	78	2	0.025641	70	7	0.1	35	5	0.142857	12	2	0.166667	29	2	0.068966	77	4	0.051948	54	2	0.037037	36	8	0.222222	12	2	0.166667	49	2	0.040816	10	4	0.4
XM_03024 243864	Mill2	chr7	18839958	18861739	78	2	0.025641	70	7	0.1	35	5	0.142857	12	2	0.166667	29	2	0.068966	77	4	0.051948	54	2	0.037037	36	8	0.222222	12	2	0.166667	49	2	0.040816	10	4	0.4
XM_03024 243866	Bhmg1	chr7	19098899	19106927	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	19	1	0.052632	12	0	0
XM_03024 243866	Bhmg1	chr7	19098899	19118531	441	54	0.122449	155	2	0.012903	285	47	0.164912	70	0	0	217	0	0	260	3	0.011538	408	60	0.147059	304	66	0.217105	155	0	0	222	0	0	60	2	0.033333
XM_03024 243866	Bhmg1	chr7	19098899	19118531	441	54	0.122449	155	2	0.012903	285	47	0.164912	70	0	0	217	0	0	260	3	0.011538	408	60	0.147059	304	66	0.217105	155	0	0	222	0	0	60	2	0.033333
XM_03024 243866	Bhmg1	chr7	19098899	19118531	441	54	0.122449	155	2	0.012903	285	47	0.164912	70	0	0	217	0	0	260	3	0.011538	408	60	0.147059	304	66	0.217105	155	0	0	222	0	0	60	2	0.033333
XM_03024 243880	Nlrp4a	chr7	26444212	26454203	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 243897	Ggn	chr7	29168391	29173938	261	48	0.183908	308	57	0.185065	299	54	0.180602	34	6	0.176471	36	11	0.305556	289	110	0.380623	260	61	0.234615	305	71	0.232787	67	10	0.149254	100	23	0.23	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 243906	Zfp14	chr7	30036357	30051394	542	82	0.151292	468	80	0.17094	567	107	0.188713	72	19	0.263889	192	39	0.203125	728	100	0.137363	545	60	0.110092	545	59	0.108257	58	14	0.241379	105	15	0.142857	81	12	0.148148
XM_03024 243910	Nfkbid	chr7	30421736	30428126	1412	30	0.021246	1315	39	0.029658	1678	27	0.016091	214	3	0.014019	329	7	0.021277	1423	9	0.006325	1328	33	0.024849	1093	13	0.011894	413	7	0.016949	994	29	0.029175	161	0	0
XM_03024 243910	Nfkbid	chr7	30422340	30428126	1432	34	0.023743	1315	39	0.029658	1698	29	0.017079	214	3	0.014019	349	10	0.028653	1463	21	0.014354	1328	33	0.024849	1093	13	0.011894	413	7	0.016949	1038	59	0.05684	161	0	0
XM_03024 243910	Nfkbid	chr7	30422340	30428749	1432	34	0.023743	1315	39	0.029658	1698	29	0.017079	214	3	0.014019	349	10	0.028653	1463	21	0.014354	1328	33	0.024849	1093	13	0.011894	413	7	0.016949	1038	59	0.05684	161	0	0
XM_03024 67923	Eloc	chr1	16641725	16656879	1265	6	0.004743	916	3	0.003275	1209	5	0.004136	366	0	0	523	3	0.005736	1441	12	0.008328	1127	2	0.001775	913	9	0.009858	472	2	0.004237	696	2	0.002874	194	3	0.015464
XM_03024 243914	Lgi4	chr7	31063641	31070922	30	30	1	48	40	0.833333	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	90	79	0.877778	74	67	0.905405	121	102	0.842975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 243937	Zfp536	chr7	37318023	37770933	5307	113	0.021293	5169	109	0.021087	5509	106	0.019241	594	21	0.035354	1547	33	0.021332	4718	114	0.024163	4503	161	0.035754	4485	147	0.032776	1090	30	0.027523	1582	33	0.02086	315	10	0.031746
XM_03024 243958	Siglecg	chr7	43408201	43418349	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 243961	Shank1	chr7	44310985	44360094	2211	62	0.028042	2183	60	0.027485	2352	66	0.028061	280	4	0.014286	511	13	0.02544	2458	63	0.025631	1837	40	0.021775	2029	54	0.026614	605	19	0.031405	691	7	0.01013	260	6	0.023077
XM_03024 243961	Shank1	chr7	44310165	44360094	2142	57	0.026611	2105	52	0.024703	2277	57	0.025033	280	4	0.014286	497	12	0.024145	2403	60	0.024969	1739	39	0.022427	1949	51	0.026167	579	19	0.032815	677	7	0.01034	260	6	0.023077
XM_03024 67923	Eloc	chr1	16641725	16656782	1265	6	0.004743	916	3	0.003275	1209	5	0.004136	366	0	0	523	3	0.005736	1441	12	0.008328	1127	2	0.001775	913	9	0.009858	472	2	0.004237	696	2	0.002874	194	3	0.015464
XM_03024 243961	Shank1	chr7	44335784	44360094	3837	140	0.036487	3793	104	0.027419	4386	118	0.026904	547	18	0.032907	899	54	0.060067	3901	161	0.041271	3146	170	0.054037	3381	178	0.052647	1000	65	0.065	962	46	0.047817	150	21	0.14
XM_03024 67923	Eloc	chr1	16641725	16655517	1265	6	0.004743	916	3	0.003275	1209	5	0.004136	366	0	0	523	3	0.005736	1441	12	0.008328	1127	2	0.001775	913	9	0.009858	472	2	0.004237	696	2	0.002874	194	3	0.015464
XM_03024 243983	Zdhhc13	chr7	48789003	48827440	2459	11	0.004473	1839	43	0.023382	2284	32	0.014011	474	6	0.012658	1016	23	0.022638	2232	62	0.027778	2313	36	0.015564	1833	13	0.007092	792	1	0.001263	727	19	0.026135	376	1	0.00266
XM_03024 244049	Mctp2	chr7	72077827	72307105	213	17	0.079812	319	14	0.043887	231	23	0.099567	28	0	0	97	0	0	178	0	0	168	10	0.059524	165	13	0.078788	109	0	0	153	16	0.104575	24	0	0

XM_03024 434234	Rexo5	chr7	1.2E+08	1.2E+08	1271	13	0.010228	1096	2	0.001825	1116	2	0.001792	154	0	0	586	1	0.001706	1256	7	0.005573	1156	1	0.000865	866	9	0.010393	591	2	0.003384	345	0	0	221	0	0
XM_03024 69080	Gmppa	chr1	75435937	75443175	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 434540	Psg20	chr7	18673985	18686277	42	26	0.619048	33	13	0.393939	42	20	0.47619	10	5	0.5	33	22	0.666667	28	12	0.428571	33	12	0.363636	34	9	0.264706	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 434676	Scgb1b19	chr7	33287307	33288491	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 436008	Gm5737	chr7	1.21E+08	1.21E+08	94	10	0.106383	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	23	0.267442	151	23	0.152318	72	15	0.208333	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 446099	Nlrp4e	chr7	23301282	23336901	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 50877	Neu3	chr7	99811434	99828457	196	0	0	141	1	0.007092	181	1	0.005525	99	0	0	175	1	0.005714	223	2	0.008969	145	1	0.006897	129	0	0	52	3	0.057692	97	0	0	107	0	0
XM_03024 52432	Ppp2r2d	chr7	1.39E+08	1.39E+08	4527	26	0.005743	4254	39	0.009168	4368	25	0.005723	330	7	0.021212	1395	7	0.005018	4006	25	0.006241	3932	23	0.005849	4638	25	0.00539	583	0	0	1293	10	0.007734	70	0	0
XM_03024 52432	Ppp2r2d	chr7	1.39E+08	1.39E+08	4557	30	0.006583	4254	39	0.009168	4368	25	0.005723	330	7	0.021212	1419	10	0.007047	4046	28	0.00692	3956	25	0.00632	4638	25	0.00539	583	0	0	1293	10	0.007734	70	0	0
XM_03024 52432	Ppp2r2d	chr7	1.39E+08	1.39E+08	4527	26	0.005743	4254	39	0.009168	4368	25	0.005723	330	7	0.021212	1395	7	0.005018	4006	25	0.006241	3932	23	0.005849	4638	25	0.00539	583	0	0	1293	10	0.007734	70	0	0
XM_03024 52432	Ppp2r2d	chr7	1.39E+08	1.39E+08	4557	30	0.006583	4254	39	0.009168	4368	25	0.005723	330	7	0.021212	1419	10	0.007047	4046	28	0.00692	3956	25	0.00632	4638	25	0.00539	583	0	0	1293	10	0.007734	70	0	0
XM_03024 52432	Ppp2r2d	chr7	1.39E+08	1.39E+08	4527	26	0.005743	4254	39	0.009168	4368	25	0.005723	330	7	0.021212	1395	7	0.005018	4006	25	0.006241	3932	23	0.005849	4638	25	0.00539	583	0	0	1293	10	0.007734	70	0	0
XM_03024 52443	Mrpl48	chr7	1.01E+08	1.01E+08	3665	12	0.003274	3956	19	0.004803	4131	21	0.005084	565	5	0.00885	1506	6	0.003984	4440	19	0.004279	4059	37	0.009116	4141	20	0.00483	1164	1	0.000859	1341	2	0.001491	492	2	0.004065
XM_03024 52857	Gramd1a	chr7	31130127	31150191	2745	10	0.003643	2412	14	0.005804	2609	28	0.010732	397	4	0.010076	904	4	0.004425	2922	22	0.007529	2543	16	0.006292	2803	14	0.004995	773	2	0.002587	1026	4	0.003899	185	0	0
XM_03024 53333	Tomm40	chr7	19701313	19715442	2243	5	0.002229	1884	10	0.005308	2039	25	0.012261	358	0	0	560	6	0.010714	2621	16	0.006105	2356	14	0.005942	2074	9	0.004339	409	0	0	1101	7	0.006358	94	1	0.010638
XM_03024 53415	Htatip2	chr7	49759045	49774000	1164	15	0.012887	849	17	0.020024	1320	11	0.008333	93	0	0	478	11	0.023013	1297	24	0.018504	1148	14	0.012195	978	9	0.009202	278	3	0.010791	723	5	0.006916	172	0	0
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604463	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604517	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604465	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604465	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604463	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604465	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19603303	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604465	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53609	Clasrp	chr7	19581038	19604465	2268	64	0.028219	2289	50	0.021844	2329	64	0.02748	402	21	0.052239	768	25	0.032552	2189	47	0.021471	2276	49	0.021529	2265	56	0.024724	592	28	0.047297	882	47	0.053288	411	20	0.048662
XM_03024 53896	Slc7a10	chr7	35186095	35201114	3508	120	0.034208	3788	123	0.032471	4222	138	0.032686	499	4	0.008016	1119	49	0.043789	3806	161	0.042302	3016	124	0.041114	3292	105	0.031896	1235	62	0.050202	1274	76	0.059655	725	38	0.052414
XM_03024 53896	Slc7a10	chr7	35186095	35200926	3508	120	0.034208	3788	123	0.032471	4222	138	0.032686	499	4	0.008016	1119	49	0.043789	3806	161	0.042302	3016	124	0.041114	3292	105	0.031896	1235	62	0.050202	1274	76	0.059655	725	38	0.052414
XM_03024 53896	Slc7a10	chr7	35195210	35201114	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	42	0.875	20	14	0.7	20	17	0.85	48	37	0.770833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	732	11	0.015027	463	0	0	395	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	153	1	0.006536	889	3	0.003375	702	10	0.014245	577	6	0.010399	#N/A	#N/A	#N/A	319	3	0.009404	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	237	12	0.050633	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	975	36	0.036923	72	11	0.152778
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	335	8	0.023881	239	0	0	119	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	83	1	0.012048	449	3	0.006682	371	7	0.018868	322	6	0.018634	#N/A	#N/A	#N/A	96	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	237	12	0.050633	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	975	36	0.036923	72	11	0.152778
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	237	12	0.050633	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	975	36	0.036923	72	11	0.152778
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	225	1	0.004444	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	951	16	0.016824	60	0	0
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	1691	372	0.219988	1549	270	0.174306	1778	255	0.14342	294	55	0.187075	576	169	0.293403	1837	446	0.242787	1602	229	0.142946	1794	263	0.1466	429	66	0.153846	701	78	0.11127	168	50	0.297619
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	225	1	0.004444	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	951	16	0.016824	60	0	0
XM_03024 54006	Deaf1	chr7	1.41E+08	1.41E+08	2252	58	0.025755	1834	38	0.02072	1896	51	0.026899	225	1	0.004444	630	19	0.030159	2898	30	0.010352	2516	51	0.02027	2387	27	0.011311	292	0	0	951	16	0.016824	60	0	0
XM_03024 54200	Sult2b1	chr7	45729981	45759672	1511	181	0.119788	1314	140	0.106545	1493	131	0.087743	373	24	0.064343	364	52	0.142857	1372	230	0.167638	1350	165	0.122222	1306	174	0.133231	474	42	0.088608	201	33	0.164179	54	9	0.166667
XM_03024 54200	Sult2b1	chr7	45729981	45759672	1511	181	0.119788	1314	140	0.106545	1493	131	0.087743	373	24	0.064343	364	52	0.142857	1372	230	0.167638	1350	165	0.122222	1306	174	0.133231	474	42	0.088608	201	33	0.164179	54	9	0.166667
XM_03024 69368	Wdfy1	chr1	79723010	79762643	1346	215	0.159733	972	172	0.176955	1280	213	0.166406	161	0	0	462	85	0.183983	1216	163	0.134046	959	130	0.135558	955	103	0.107853	399	64	0.160401	465	52	0.111828	196	0	0
XM_03024 54204	Septin1	chr7	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	14	5	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54204	Septin1	chr7	1.27E+08	1.27E+08	2740	31	0.011314	2453	23	0.009376	2825	47	0.016637	646	0	0	814	12	0.014742	3425	42	0.012263	2228	19	0.008528	2341	36	0.015378	698	0	0	971	18	0.018538	487	2	0.004107
XM_03024 54204	Septin1	chr7	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54399	Bet1l	chr7	1.41E+08	1.41E+08	1574	31	0.019695	1557	42	0.026975	1592	47	0.029523	185	9	0.048649	639	16	0.025039	2009	41	0.020408	1700	35	0.020588	2101	62	0.02951	476	22	0.046218	919	2	0.002176	289	12	0.041522
XM_03024 69368	Wdfy1	chr1	79723010	79762470	2442	218	0.089271	1886	176	0.093319	2476	216	0.087237	600	0	0	695	86	0.123741	2457	165	0.067155	1952	135	0.06916	1869	109	0.05832	791	66	0.083439	877	53	0.060433	284	0	0
XM_03024 545909	Vmn2r39	chr7	9014750	9030682	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69368	Wdfy1	chr1	79726406	79762643	1346	215	0.159733	972	172	0.176955	1280	213	0.166406	161	0	0	462	85	0.183983	1216	163	0.134046	959	130	0.135558	955	103	0.107853	399	64	0.160401	465	52	0.111828	196	0	0
XM_03024 545938	Zfp607a	chr7	27860495	27880684	582	3	0.005155	296	1	0.003378	473	10	0.021142	127	0	0	173	0	0	627	3	0.004785	458	1	0.002183	410	1	0.002439	151	1	0.006623	230	0	0	40	0	0
XM_03024 545975	Cers3	chr7	66733118	66823692	335	315	0.940299	329	307	0.933131	375	344	0.917333	51	51	1	192	169	0.880208	363	338	0.931129	357	303	0.848739	305	269	0.881967	101	88	0.871287	153	125	0.816993	84	74	0.880952
XM_03024 55987	Cpxm2	chr7	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69399	1700025G(	chr1	1.52E+08	1.52E+08	1279	15	0.011728	1152	13	0.011285	1106	13	0.011754	110	0	0	557	41	0.073609	1085	11	0.010138	1243	3	0.002414	1020	13	0.012745	172	31	0.180233	358	1	0.002793	73	0	0
XM_03024 55992	Trim3	chr7	1.06E+08	1.06E+08	2643	20	0.007567	2287	13	0.005684	2439	35	0.01435	305	2	0.006557	860	16	0.018605	2649	21	0.007928	2389	25	0.010465	2630	20	0.007605	484	0	0	825	6	0.007273	264	0	0
XM_03024 56018	Stard10	chr7	1.01E+08	1.01E+08	4763	140	0.029393	4798	108	0.022509	5211	137	0.026291	621	17	0.027375	1070	36	0.033645	5291	122	0.023058	4638	116	0.025011	5349	99	0.018508	1160	35	0.030172	1665	27	0.016216	255	8	0.031373
XM_03024 56188	Fxyd1	chr7	31051678	31055473	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	4	0.114286
XM_03024 56188	Fxyd1	chr7	31051678	31055710	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	4	0.114286
XM_03024 56372	1110004F1	chr7	1.16E+08	1.16E+08	1223	1	0.000818	1036	18	0.017375	990	6	0.006061	305	2	0.006557	501	7	0.013972	1313	12	0.009139	1086	11	0.010129	1008	6	0.005952	579	1	0.001727	465	1	0.002151	194	0	0
XM_03024 56372	1110004F1	chr7	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56457	Clptm1	chr7	19633241	19664460	1290	6	0.004651	1052	4	0.003802	1129	4	0.003543	94	1	0.010638	272	1	0.003676	1131	12	0.01061	939	4	0.00426	1249	13	0.010408	226	1	0.004425	417	1	0.002398	92	0	0
XM_03024 56457	Clptm1	chr7	19633241	19664942	1338	52	0.038864	1091	41	0.03758	1177	52	0.04418	94	1	0.010638	288	17	0.059028	1184	61	0.05152	966	31	0.032091	1289	42	0.032583	226	1	0.004425	450	31	0.068889	92	0	0
XM_03024 56546	Sec1	chr7	45677686	45694092	469	439	0.936034	313	287	0.916933	365	348	0.953425	110	103	0.936364	228	217	0.951754	454	432	0.951542	358	325	0.907821	389	343	0.881748	79	51	0.64557	156	136	0.871795	47	35	0.744681
XM_03024 56707	Zfp111	chr7	24193298	24207963	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56734	Tulp2	chr7	45513700	45522382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56734	Tulp2	chr7	45486255	45522382	62	51	0.822581	48	41	0.854167	44	43	0.977273	#N/A	#N/A	#N/A	44	41	0.931818	40	33	0.825	48	35	0.729167	60	41	0.683333	24	19	0.791667	50	49	0.98	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56734	Tulp2	chr7	45513702	45522382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56734	Tulp2	chr7	45514577	45522382	552	390	0.706522	601	431	0.717138	676	503	0.744083	98	76	0.77551	270	184	0.681481	635	492	0.774803	569	448	0.787346	547	411	0.751371	164	140	0.853659	237	174	0.734177	58	49	0.844828
XM_03024 56843	Trpm5	chr7	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56844	Tssc4	chr7	1.43E+08	1.43E+08	1056	5	0.004735	860	13	0.015116	847	7	0.008264	163	1	0.006135	218	0	0	1332	18	0.013514	1047	13	0.012416	989	16	0.016178	236	3	0.012712	446	1	0.002242	177	1	0.00565
XM_03024 56869	Zfp109	chr7	24227841	24237702	1001	132	0.131868	817	104	0.127295	1057	144	0.136235	206	32	0.15534	392	70	0.178571	1084	116	0.107011	1120	104	0.092857	910	114	0.125275	290	72	0.248276	418	54	0.129187	205	38	0.185366
XM_03024 56869	Zfp109	chr7	24227841	24237702	1001	132	0.131868	817	104	0.127295	1057	144	0.136235	206	32	0.15534	392	70	0.178571	1084	116	0.107011	1120	104	0.092857	910	114	0.125275	290	72	0.248276	418	54	0.129187	205	38	0.185366
XM_03024 69527	Mrps9	chr1	42851271	42905683	1087	2	0.00184	1119	5	0.004468	1036	9	0.008687	148	1	0.006757	445	2	0.004494	1068	23	0.021536	1019	7	0.006869	999	3	0.003003	225	1	0.004444	246	0	0	115	0	0
XM_03024 56869	Zfp109	chr7	24227841	24252339	12	12	1	23	22	0.956522	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57373	Akip1	chr7	1.1E+08	1.1E+08	1336	22	0.016467	946	15	0.015856	1304	13	0.009969	583	3	0.005146	458	9	0.019651	1521	19	0.012492	1277	10	0.007831	993	20	0.020141	342	4	0.011696	782	14	0.017903	145	0	0
XM_03024 57444	Isg20	chr7	78914034	78920396	381	166	0.435696	305	140	0.459016	314	126	0.401274	45	21	0.466667	189	87	0.460317	346	128	0.369942	284	151	0.53169	318	173	0.544025	132	75	0.568182	154	107	0.694805	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57444	Isg20	chr7	78913778	78920396	367	154	0.419619	305	140	0.459016	314	126	0.401274	45	21	0.466667	178	76	0.426966	346	128	0.369942	272	139	0.511029	318	173	0.544025	132	75	0.568182	144	97	0.673611	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57444	Isg20	chr7	78913396	78917518	367	154	0.419619	305	140	0.459016	314	126	0.401274	45	21	0.466667	178	76	0.426966	346	128	0.369942	272	139	0.511029	318	173	0.544025	132	75	0.568182	144	97	0.673611	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	15	1	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	919	482	0.524483	704	416	0.590909	913	616	0.674699	151	102	0.675497	312	187	0.599359	1108	505	0.455776	859	550	0.640279	811	504	0.621455	328	199	0.606707	256	177	0.691406	80	70	0.875
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	949	495	0.521602	740	438	0.591892	913	616	0.674699	151	102	0.675497	342	203	0.593567	1142	531	0.464974	883	571	0.646659	831	514	0.618532	356	215	0.603933	280	192	0.685714	80	70	0.875
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	2615	177	0.067686	2448	196	0.080065	2722	176	0.064658	586	14	0.023891	1120	44	0.039286	2948	174	0.059023	2529	176	0.069593	2422	154	0.063584	1126	39	0.034636	943	41	0.043478	302	0	0
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	919	482	0.524483	704	416	0.590909	913	616	0.674699	151	102	0.675497	312	187	0.599359	1108	505	0.455776	859	550	0.640279	811	504	0.621455	328	199	0.606707	256	177	0.691406	80	70	0.875
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	2596	173	0.066641	2428	192	0.079077	2698	173	0.064122	586	14	0.023891	1120	44	0.039286	2948	174	0.059023	2518	175	0.0695	2406	153	0.063591	1126	39	0.034636	932	41	0.043991	302	0	0
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	2615	177	0.067686	2448	196	0.080065	2722	176	0.064658	586	14	0.023891	1120	44	0.039286	2948	174	0.059023	2529	176	0.069593	2422	154	0.063584	1126	39	0.034636	943	41	0.043478	302	0	0
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	15	13	0.866667	18	13	0.722222	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	15	12	0.8	15	12	0.8	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57752	Tacc2	chr7	1.31E+08	1.31E+08	15	13	0.866667	18	13	0.722222	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	15	12	0.8	15	12	0.8	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_03024 57775	Usp29	chr7	6730561	6967220	256	154	0.601563	338	153	0.452663	355	174	0.490141	100	63	0.63	164	85	0.518293	385	206	0.535065	268	123	0.458955	288	128	0.444444	120	52	0.433333	180	98	0.544444	40	20	0.5
XM_03024 69726	Smyd3	chr1	1.79E+08	1.79E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 58188	Vstm2b	chr7	40898013	40930044	1373	65	0.047342	1079	31	0.02873	1348	43	0.031899	301	12	0.039867	488	13	0.026639	1190	72	0.060504	1037	67	0.064609	1094	36	0.032907	431	18	0.041763	520	25	0.048077	210	11	0.052381
XM_03024 58188	Vstm2b	chr7	40898134	40929972	1942	87	0.044799	1666	51	0.030612	1962	58	0.029562	397	14	0.035264	693	20	0.02886	1811	121	0.066814	1515	100	0.066007	1584	66	0.041667	631	30	0.047544	850	51	0.06	258	13	0.050388
XM_03024 58188	Vstm2b	chr7	40898771	40929972	3448	127	0.036833	3055	79	0.025859	3916	95	0.024259	737	28	0.037992	1183	33	0.027895	3498	200	0.057176	3154	246	0.077996	3013	144	0.047793	1127	58	0.051464	1469	80	0.054459	356	21	0.058989
XM_03024 59047	Pnkp	chr7	44857126	44862927	1097	38	0.03464	961	20	0.020812	1114	26	0.023339	174	12	0.068966	410	17	0.041463	1678	37	0.02205	1246	14	0.011236	1313	20	0.015232	345	9	0.026087	523	11	0.021033	124	22	0.177419
XM_03024 59047	Pnkp	chr7	44857123	44865337	1097	38	0.03464	961	20	0.020812	1114	26	0.023339	174	12	0.068966	410	17	0.041463	1678	37	0.02205	1246	14	0.011236	1313	20	0.015232	345	9	0.026087	523	11	0.021033	124	22	0.177419
XM_03024 59047	Pnkp	chr7	44857126	44862927	1097	38	0.03464	961	20	0.020812	1114	26	0.023339	174	12	0.068966	410	17	0.041463	1678	37	0.02205	1246	14	0.011236	1313	20	0.015232	345	9	0.026087	523	11	0.021033	124	22	0.177419
XM_03024 59047	Pnkp	chr7	44856479	44865337	1192	39	0.032718	1083	25	0.023084	1122	39	0.034759	360	12	0.033333	463	16	0.034557	1608	43	0.026741	1315	15	0.011407	1444	29	0.020083	338	7	0.02071	589	11	0.018676	145	22	0.151724
XM_03024 59047	Pnkp	chr7	44856479	44862927	1192	39	0.032718	1083	25	0.023084	1122	39	0.034759	360	12	0.033333	463	16	0.034557	1608	43	0.026741	1315	15	0.011407	1444	29	0.020083	338	7	0.02071	589	11	0.018676	145	22	0.151724
XM_03024 59052	Mettl9	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 59052	Mettl9	chr7	1.21E+08	1.21E+08	4662	34	0.007293	4215	31	0.007355	4495	22	0.004894	540	3	0.005556	1142	6	0.005254	5096	25	0.004906	4527	30	0.006627	4819	38	0.007885	685	3	0.00438	1109	7	0.006312	147	1	0.006803
XM_03024 626359	Wdr93	chr7	79742948	79785952	782	62	0.079284	752	100	0.132979	955	96	0.100524	189	0	0	338	41	0.121302	825	86	0.104242	634	93	0.146688	880	105	0.119318	362	42	0.116022	461	3	0.006508	80	1	0.0125
XM_03024 626359	Wdr93	chr7	79746505	79785952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 626359	Wdr93	chr7	79742948	79769471	782	62	0.079284	752	100	0.132979	955	96	0.100524	189	0	0	338	41	0.121302	825	86	0.104242	634	93	0.146688	880	105	0.119318	362	42	0.116022	461	3	0.006508	80	1	0.0125
XM_03024 626359	Wdr93	chr7	79742948	79755916	782	62	0.079284	752	100	0.132979	955	96	0.100524	189	0	0	338	41	0.121302	825	86	0.104242	634	93	0.146688	880	105	0.119318	362	42	0.116022	461	3	0.006508	80	1	0.0125
XM_03024 70060	Spata3	chr1	86018314	86029961	1717	111	0.064648	1520	82	0.053947	1792	125	0.069754	173	7	0.040462	483	37	0.076605	1828	106	0.057987	1470	116	0.078912	1494	68	0.045515	553	21	0.037975	554	49	0.088448	142	6	0.042254
XM_03024 70060	Spata3	chr1	86018314	86029961	1717	111	0.064648	1520	82	0.053947	1792	125	0.069754	173	7	0.040462	483	37	0.076605	1828	106	0.057987	1470	116	0.078912	1494	68	0.045515	553	21	0.037975	554	49	0.088448	142	6	0.042254
XM_03024 70060	Spata3	chr1	86018314	86029266	1717	111	0.064648	1520	82	0.053947	1792	125	0.069754	173	7	0.040462	483	37	0.076605	1828	106	0.057987	1470	116	0.078912	1494	68	0.045515	553	21	0.037975	554	49	0.088448	142	6	0.042254
XM_03024 628779	Hs3st4	chr7	1.24E+08	1.24E+08	4049	137	0.033836	4215	109	0.02586	4364	97	0.022227	453	10	0.022075	610	21	0.034426	3810	491	0.128871	3396	756	0.222615	3963	691	0.174363	962	256	0.266112	873	270	0.309278	198	49	0.247475
XM_03024 70060	Spata3	chr1	86018031	86026520	1717	111	0.064648	1520	82	0.053947	1792	125	0.069754	173	7	0.040462	483	37	0.076605	1828	106	0.057987	1470	116	0.078912	1494	68	0.045515	553	21	0.037975	554	49	0.088448	142	6	0.042254
XM_03024 628779	Hs3st4	chr7	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70060	Spata3	chr1	86018031	86029961	1717	111	0.064648	1520	82	0.053947	1792	125	0.069754	173	7	0.040462	483	37	0.076605	1828	106	0.057987	1470	116	0.078912	1494	68	0.045515	553	21	0.037975	554	49	0.088448	142	6	0.042254
XM_03024 63872	Zfp296	chr7	19578222	19580656	1122	123	0.109626	1113	72	0.06469	1487	107	0.071957	297	50	0.16835	548	49	0.089416	1350	100	0.074074	825	69	0.083636	1155	93	0.080519	257	23	0.089494	596	69	0.115772	106	7	0.066038
XM_03024 64540	Tspan4	chr7	1.41E+08	1.41E+08	68	62	0.911765	40	29	0.725	45	35	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	54	46	0.851852	34	29	0.852941	34	31	0.911765	#N/A	#N/A	#N/A	40	31	0.775	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84689939	2621	14	0.005341	2771	23	0.0083	3563	17	0.004771	639	1	0.001565	773	3	0.003881	3059	12	0.003923	2784	7	0.002514	3185	20	0.006279	941	2	0.002125	1068	1	0.000936	291	0	0
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84689939	2621	14	0.005341	2771	23	0.0083	3563	17	0.004771	639	1	0.001565	773	3	0.003881	3059	12	0.003923	2784	7	0.002514	3185	20	0.006279	941	2	0.002125	1068	1	0.000936	291	0	0
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84660465	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84679392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84679409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84689945	2621	14	0.005341	2771	23	0.0083	3563	17	0.004771	639	1	0.001565	773	3	0.003881	3059	12	0.003923	2784	7	0.002514	3185	20	0.006279	941	2	0.002125	1068	1	0.000936	291	0	0
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84679395	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84689945	2621	14	0.005341	2771	23	0.0083	3563	17	0.004771	639	1	0.001565	773	3	0.003881	3059	12	0.003923	2784	7	0.002514	3185	20	0.006279	941	2	0.002125	1068	1	0.000936	291	0	0
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84660465	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84679408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84679392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 65098	Zfand6	chr7	84615045	84642437	96	79	0.822917	76	64	0.842105	87	76	0.873563	12	9	0.75	13	10	0.769231	123	117	0.95122	98	81	0.826531	73	63	0.863014	11	10	0.909091	35	30	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66056	Zfp524	chr7	5015216	5018493	1663	17	0.010222	1329	7	0.005267	1580	8	0.005063	220	1	0.004545	591	1	0.001692	2240	17	0.007589	1486	7	0.004711	1564	11	0.007033	281	1	0.003559	977	6	0.006141	159	0	0
XM_03024 66071	Ethe1	chr7	24592180	24608925	51	41	0.803922	41	35	0.853659	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	47	40	0.851064	14	14	1	64	55	0.859375	29	25	0.862069	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66071	Ethe1	chr7	24592203	24608925	51	41	0.803922	41	35	0.853659	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	47	40	0.851064	14	14	1	64	55	0.859375	29	25	0.862069	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66071	Ethe1	chr7	24592180	24608925	51	41	0.803922	41	35	0.853659	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	47	40	0.851064	14	14	1	64	55	0.859375	29	25	0.862069	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70225	Ppil3	chr1	58430994	58445495	288	2	0.006944	308	2	0.006494	288	0	0	48	0	0	88	0	0	351	6	0.017094	333	1	0.003003	300	0	0	104	1	0.009615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66091	Ndufa3	chr7	3617347	3620165	712	3	0.004213	500	2	0.004	613	7	0.011419	178	0	0	310	2	0.006452	800	11	0.01375	688	7	0.010174	606	3	0.00495	119	6	0.05042	158	1	0.006329	89	1	0.011236
XM_03024 70225	Ppil3	chr1	58430994	58445591	288	2	0.006944	308	2	0.006494	288	0	0	48	0	0	88	0	0	351	6	0.017094	333	1	0.003003	300	0	0	104	1	0.009615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66124	Josd2	chr7	44468029	44471652	2204	221	0.100272	2149	182	0.084691	2259	240	0.106242	358	34	0.094972	666	118	0.177177	2277	330	0.144928	1795	242	0.134819	2173	199	0.091578	774	84	0.108527	745	143	0.191946	268	57	0.212687
XM_03024 70225	Ppil3	chr1	58430994	58445156	288	2	0.006944	308	2	0.006494	288	0	0	48	0	0	88	0	0	351	6	0.017094	333	1	0.003003	300	0	0	104	1	0.009615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66190	Acer3	chr7	98213808	98309513	4092	20	0.004888	3878	34	0.008767	4182	20	0.004782	590	2	0.00339	1494	5	0.003347	4334	35	0.008076	3926	14	0.003566	4121	21	0.005096	1115	3	0.002691	1462	6	0.004104	497	0	0
XM_03024 66245	Hspbp1	chr7	4660515	4685188	1005	42	0.041791	716	13	0.018156	959	38	0.039625	188	8	0.042553	406	16	0.039409	1084	47	0.043358	754	41	0.054377	768	71	0.092448	327	16	0.04893	306	7	0.022876	94	3	0.031915
XM_03024 70225	Ppil3	chr1	58430994	58445481	288	2	0.006944	308	2	0.006494	288	0	0	48	0	0	88	0	0	351	6	0.017094	333	1	0.003003	300	0	0	104	1	0.009615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66394	Nosip	chr7	45062441	45078203	774	97	0.125323	745	82	0.110067	745	70	0.09396	229	1	0.004367	245	0	0	692	100	0.144509	660	126	0.190909	731	145	0.198358	259	1	0.003861	252	1	0.003968	107	0	0
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	59989068	60043174	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6175	106	0.017166	609	3	0.004926	1354	45	0.033235	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	59990007	60043141	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6163	97	0.015739	609	3	0.004926	1354	45	0.033235	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	59990007	60043156	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6163	97	0.015739	609	3	0.004926	1354	45	0.033235	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	59985796	60043481	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6175	106	0.017166	609	3	0.004926	1354	45	0.033235	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	60020780	60043141	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6163	97	0.015739	609	3	0.004926	1354	45	0.033235	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	60020780	60043176	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6175	106	0.017166	609	3	0.004926	1354	45	0.033235	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 667823	Trim5	chr7	1.04E+08	1.04E+08	107	30	0.280374	69	11	0.15942	126	40	0.31746	#N/A	#N/A	#N/A	65	25	0.384615	54	15	0.277778	36	25	0.694444	60	37	0.616667	40	15	0.375	33	2	0.060606	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70375	Ica1l	chr1	60020780	60043063	5833	71	0.012172	6347	53	0.00835	6127	63	0.010282	609	3	0.004926	1314	6	0.004566	5091	46	0.009036	4448	64	0.014388	4258	45	0.010568	1739	9	0.005175	1434	18	0.012552	417	7	0.016787
XM_03024 668381	Scgb1b12	chr7	32334198	32335382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 668501	Zfp507	chr7	35772343	35803000	1519	25	0.016458	1649	13	0.007884	1806	14	0.007752	285	21	0.073684	626	12	0.019169	1871	11	0.005879	1581	28	0.01771	1470	11	0.007483	406	0	0	572	1	0.001748	135	0	0
XM_03024 668620	Zfp936	chr7	43114166	43191951	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 668620	Zfp936	chr7	43178372	43191951	312	274	0.878205	326	298	0.91411	383	340	0.887728	66	59	0.893939	373	327	0.876676	299	243	0.812709	262	211	0.805344	227	173	0.762115	251	161	0.641434	232	177	0.762931	74	66	0.891892
XM_03024 668661	2410002F2	chr7	44246732	44252317	2046	6	0.002933	1958	12	0.006129	1918	18	0.009385	540	4	0.007407	773	2	0.002587	2258	16	0.007086	1776	12	0.006757	1885	16	0.008488	544	4	0.007353	1054	13	0.012334	387	3	0.007752
XM_03024 668661	2410002F2	chr7	44246719	44252317	2046	6	0.002933	1958	12	0.006129	1918	18	0.009385	540	4	0.007407	773	2	0.002587	2258	16	0.007086	1776	12	0.006757	1885	16	0.008488	544	4	0.007353	1054	13	0.012334	387	3	0.007752
XM_03024 668661	2410002F2	chr7	44246752	44252317	2046	6	0.002933	1958	12	0.006129	1918	18	0.009385	540	4	0.007407	773	2	0.002587	2258	16	0.007086	1776	12	0.006757	1885	16	0.008488	544	4	0.007353	1054	13	0.012334	387	3	0.007752
XM_03024 668661	2410002F2	chr7	44247329	44252317	2046	6	0.002933	1958	12	0.006129	1918	18	0.009385	540	4	0.007407	773	2	0.002587	2258	16	0.007086	1776	12	0.006757	1885	16	0.008488	544	4	0.007353	1054	13	0.012334	387	3	0.007752
XM_03024 668661	2410002F2	chr7	44246736	44252317	2046	6	0.002933	1958	12	0.006129	1918	18	0.009385	540	4	0.007407	773	2	0.002587	2258	16	0.007086	1776	12	0.006757	1885	16	0.008488	544	4	0.007353	1054	13	0.012334	387	3	0.007752
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67645432	67728622	1188	4	0.003367	1212	17	0.014026	1140	4	0.003509	155	1	0.006452	435	4	0.009195	1009	7	0.006938	1049	6	0.00572	1117	4	0.003581	386	5	0.012953	437	5	0.011442	105	0	0
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67654336	67728293	71	69	0.971831	87	81	0.931034	65	60	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	71	69	0.971831	48	45	0.9375	52	46	0.884615	86	74	0.860465	83	81	0.975904	51	48	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67645433	67728622	1188	4	0.003367	1212	17	0.014026	1140	4	0.003509	155	1	0.006452	435	4	0.009195	1009	7	0.006938	1049	6	0.00572	1117	4	0.003581	386	5	0.012953	437	5	0.011442	105	0	0
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67645433	67728622	1188	4	0.003367	1212	17	0.014026	1140	4	0.003509	155	1	0.006452	435	4	0.009195	1009	7	0.006938	1049	6	0.00572	1117	4	0.003581	386	5	0.012953	437	5	0.011442	105	0	0
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67645433	67728622	1188	4	0.003367	1212	17	0.014026	1140	4	0.003509	155	1	0.006452	435	4	0.009195	1009	7	0.006938	1049	6	0.00572	1117	4	0.003581	386	5	0.012953	437	5	0.011442	105	0	0
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67654336	67728293	71	69	0.971831	87	81	0.931034	65	60	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	71	69	0.971831	48	45	0.9375	52	46	0.884615	86	74	0.860465	83	81	0.975904	51	48	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67645433	67728622	1188	4	0.003367	1212	17	0.014026	1140	4	0.003509	155	1	0.006452	435	4	0.009195	1009	7	0.006938	1049	6	0.00572	1117	4	0.003581	386	5	0.012953	437	5	0.011442	105	0	0
XM_03024 67009	Ttc23	chr7	67645432	67728622	1188	4	0.003367	1212	17	0.014026	1140	4	0.003509	155	1	0.006452	435	4	0.009195	1009	7	0.006938	1049	6	0.00572	1117	4	0.003581	386	5	0.012953	437	5	0.011442	105	0	0



XM_03024 320394	Cenpt	chr8	1.06E+08	1.06E+08	100	26	0.26	32	8	0.25	86	1	0.011628	24	1	0.041667	11	10	0.909091	341	38	0.111437	242	2	0.008264	24	0	0	120	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320394	Cenpt	chr8	1.06E+08	1.06E+08	410	308	0.75122	340	250	0.735294	325	255	0.784615	11	2	0.181818	272	223	0.819853	472	381	0.807203	321	253	0.788162	319	205	0.642633	67	54	0.80597	164	126	0.768293	10	6	0.6
XM_03024 78016	Ccdc150	chr1	54250661	54368033	833	5	0.006002	854	9	0.010539	856	4	0.004673	125	0	0	374	12	0.032086	825	7	0.008485	827	10	0.012092	763	8	0.010485	285	2	0.007018	198	0	0	68	1	0.014706
XM_03024 320795	Pkn1	chr8	83666533	83699181	4208	41	0.009743	4203	31	0.007376	4660	31	0.006652	603	7	0.011609	1100	8	0.007273	5108	29	0.005677	3343	9	0.002692	4337	21	0.004842	1242	2	0.00161	1233	1	0.000811	435	3	0.006897
XM_03024 330721	Nek5	chr8	22073615	22125267	603	16	0.026534	460	11	0.023913	580	26	0.044828	142	2	0.014085	206	1	0.004854	586	8	0.013652	360	14	0.038889	430	12	0.027907	261	1	0.003831	227	1	0.004405	90	0	0
XM_03024 330812	Rnf150	chr8	82863268	83083931	2400	33	0.01375	2612	28	0.01072	2486	19	0.007643	381	3	0.007874	911	14	0.015368	2689	65	0.024173	2130	79	0.037089	2235	70	0.03132	607	11	0.018122	757	27	0.035667	238	20	0.084034
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900836	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900836	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900837	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900836	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900836	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900836	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83919002	83941949	378	301	0.796296	429	369	0.86014	355	295	0.830986	72	64	0.888889	117	104	0.888889	375	323	0.861333	266	215	0.808271	423	292	0.690307	78	55	0.705128	114	102	0.894737	48	37	0.770833
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83922998	83941949	201	184	0.915423	128	111	0.867188	144	127	0.881944	20	20	1	71	69	0.971831	192	144	0.75	99	69	0.69697	147	92	0.62585	33	29	0.878788	70	58	0.828571	10	9	0.9
XM_03024 330814	Adgrl1	chr8	83900842	83941949	11147	173	0.01552	10384	195	0.018779	11830	196	0.016568	2004	34	0.016966	2486	19	0.007643	11903	221	0.018567	7784	111	0.01426	9822	167	0.017003	2948	29	0.009837	2891	62	0.021446	215	2	0.009302
XM_03024 330817	Dhps	chr8	85071727	85075162	1569	64	0.04079	1568	62	0.039541	1597	59	0.036944	270	7	0.025926	531	83	0.156309	1738	57	0.032796	1329	49	0.03687	1753	76	0.043354	308	3	0.00974	279	39	0.139785	88	0	0
XM_03024 330836	Slc7a6	chr8	1.06E+08	1.06E+08	4072	70	0.017191	5109	79	0.015463	5259	86	0.016353	400	15	0.0375	1162	18	0.015491	4281	59	0.013782	3731	55	0.014741	4532	32	0.007061	1026	32	0.031189	883	20	0.02265	128	0	0
XM_03024 330836	Slc7a6	chr8	1.06E+08	1.06E+08	4072	70	0.017191	5109	79	0.015463	5259	86	0.016353	400	15	0.0375	1162	18	0.015491	4281	59	0.013782	3731	55	0.014741	4532	32	0.007061	1026	32	0.031189	883	20	0.02265	128	0	0
XM_03024 330836	Slc7a6	chr8	1.06E+08	1.06E+08	4072	70	0.017191	5129	98	0.019107	5219	81	0.01552	400	15	0.0375	1138	3	0.002636	4281	59	0.013782	3731	55	0.014741	4532	32	0.007061	1026	32	0.031189	905	38	0.041989	128	0	0
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	46	38	0.826087	24	22	0.916667	30	29	0.966667	12	11	0.916667	43	42	0.976744	20	19	0.95	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	21	16	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	46	38	0.826087	24	22	0.916667	30	29	0.966667	12	11	0.916667	43	42	0.976744	20	19	0.95	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	21	16	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	33	19	0.575758	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 353287	Clec18a	chr8	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 382014	Ano8	chr8	71476016	71486091	1793	115	0.064138	1715	149	0.08688	1588	162	0.102015	277	36	0.129964	614	102	0.166124	1724	154	0.089327	1605	103	0.064174	1625	127	0.078154	347	41	0.118156	628	60	0.095541	143	5	0.034965
XM_03024 382014	Ano8	chr8	71476019	71486091	1793	115	0.064138	1715	149	0.08688	1588	162	0.102015	277	36	0.129964	614	102	0.166124	1724	154	0.089327	1605	103	0.064174	1625	127	0.078154	347	41	0.118156	628	60	0.095541	143	5	0.034965
XM_03024 382018	Unc13a	chr8	71624125	71671773	1520	15	0.009868	1572	15	0.009542	1545	6	0.003883	217	0	0	811	5	0.006165	1762	11	0.006243	1147	7	0.006103	1533	13	0.00848	740	3	0.004054	639	10	0.015649	90	0	0
XM_03024 382034	Gse1	chr8	1.21E+08	1.21E+08	10286	76	0.007389	10412	64	0.006147	10591	61	0.00576	1786	4	0.00224	2656	7	0.002636	11433	89	0.007784	8007	49	0.00612	11563	62	0.005362	2739	9	0.003286	3771	14	0.003713	496	1	0.002016
XM_03024 382034	Gse1	chr8	1.21E+08	1.21E+08	6407	51	0.00796	6341	42	0.006624	6771	45	0.006646	1198	2	0.001669	1586	4	0.002522	6910	60	0.008683	4853	33	0.0068	6703	31	0.004625	1554	6	0.003861	2370	12	0.005063	436	0	0
XM_03024 382034	Gse1	chr8	1.2E+08	1.21E+08	5464	41	0.007504	5379	37	0.006879	6169	39	0.006322	810	5	0.006173	1530	4	0.002614	5898	33	0.005595	4228	23	0.00544	6155	39	0.006336	1888	7	0.003708	2466	4	0.001622	282	1	0.003546
XM_03024 382045	Adgrg5	chr8	94923565	94943293	208	130	0.625	134	75	0.559701	183	106	0.579235	68	33	0.485294	124	68	0.548387	236	106	0.449153	133	48	0.360902	164	92	0.560976	92	50	0.543478	171	76	0.444444	44	13	0.295455
XM_03024 382053	Ces3a	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 382053	Ces3a	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 382056	Crtc1	chr8	70382352	70439609	1307	10	0.007651	1040	9	0.008654	1406	16	0.01138	127	0	0	471	5	0.010616	1654	17	0.010278	1102	8	0.00726	1480	11	0.007432	469	0	0	602	6	0.009967	24	1	0.041667
XM_03024 403185	Cfap97d2	chr8	13705751	13742643	258	180	0.697674	272	191	0.702206	327	223	0.681957	#N/A	#N/A	#N/A	202	148	0.732673	368	261	0.709239	144	72	0.5	268	133	0.496269	140	53	0.378571	112	52	0.464286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 408022	Primpol	chr8	46578597	46617221	1916	17	0.008873	1838	8	0.004353	1727	12	0.006948	339	0	0	561	3	0.005348	2099	8	0.003811	1442	11	0.007628	1658	10	0.006031	684	2	0.002924	537	6	0.011173	343	0	0
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 436062	Cibar2	chr8	1.2E+08	1.2E+08	159	71	0.446541	76	40	0.526316	147	72	0.489796	59	23	0.389831	34	23	0.676471	233	100	0.429185	126	62	0.492063	156	72	0.461538	58	34	0.586207	86	24	0.27907	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 436062	Cibar2	chr8	1.2E+08	1.2E+08	13	6	0.461538	34	25	0.735294	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 497652	Acd	chr8	1.06E+08	1.06E+08	1889	90	0.047644	1835	39	0.021253	1839	44	0.023926	405	8	0.019753	690	81	0.117391	1985	114	0.057431	1329	38	0.028593	1783	110	0.061694	369	1	0.00271	913	71	0.077766	336	3	0.008929
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 50783	Lsm4	chr8	70673231	70678752	1418	118	0.083216	1604	126	0.078554	1362	111	0.081498	143	0	0	443	56	0.126411	1597	123	0.077019	859	53	0.0617	1356	96	0.070796	344	31	0.090116	457	68	0.148796	217	0	0
XM_03024 50788	Fbxl8	chr8	1.05E+08	1.05E+08	1359	12	0.00883	1192	7	0.005872	1693	27	0.015948	368	0	0	562	7	0.012456	1647	44	0.026715	1143	9	0.007874	1398	17	0.01216	429	0	0	542	15	0.027675	95	0	0
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 50931	Il27ra	chr8	84030286	84042599	793	35	0.044136	956	35	0.036611	792	30	0.037879	39	11	0.282051	234	15	0.064103	833	36	0.043217	690	48	0.069565	767	55	0.071708	202	10	0.049505	195	9	0.046154	44	0	0
XM_03024 78255	Ralgps2	chr1	1.57E+08	1.57E+08	2891	15	0.005189	3627	31	0.008547	3172	42	0.013241	236	1	0.004237	594	1	0.001684	2703	15	0.005549	3674	22	0.005988	3679	23	0.006252	387	1	0.002584	824	3	0.003641	212	1	0.004717
XM_03024 52335	Atxn1l	chr8	1.1E+08	1.1E+08	802	4	0.004988	772	7	0.009067	948	8	0.008439	56	0	0	204	1	0.004902	726	9	0.012397	587	0	0	992	14	0.014113	130	1	0.007692	164	0	0	10	0	0
XM_03024 52348	Vps37a	chr8	40511742	40550757	4724	28	0.005927	4918	33	0.00671	5241	28	0.005342	764	5	0.006545	1048	2	0.001908	5467	22	0.004024	3872	8	0.002066	4297	30	0.006982	1313	4	0.003046	1716	11	0.00641	626	3	0.004792
XM_03024 53325	Banp	chr8	1.22E+08	1.22E+08	5231	55	0.010514	5337	57	0.01068	5628	67	0.011905	648	1	0.001543	1893	31	0.016376	5537	46	0.008308	4486	46	0.010254	5630	72	0.012789	1438	6	0.004172	1817	16	0.008806	375	0	0
XM_03024 53325	Banp	chr8	1.22E+08	1.22E+08	5231	55	0.010514	5337	57	0.01068	5628	67	0.011905	648	1	0.001543	1893	31	0.016376	5537	46	0.008308	4486	46	0.010254	5630	72	0.012789	1438	6	0.004172	1817	16	0.008806	375	0	0
XM_03024 53325	Banp	chr8	1.22E+08	1.22E+08	80	56	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	27	14	0.518519	12	4	0.333333	28	13	0.464286	119	80	0.672269	68	52	0.764706	42	9	0.214286	40	10	0.25	14	5	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 53325	Banp	chr8	1.22E+08	1.22E+08	80	56	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	27	14	0.518519	12	4	0.333333	28	13	0.464286	119	80	0.672269	68	52	0.764706	42	9	0.214286	40	10	0.25	14	5	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54126	Arhgef7	chr8	11728001	11835219	6866	76	0.011069	8090	80	0.009889	7872	60	0.007622	1164	6	0.005155	1557	17	0.010918	6879	83	0.012066	5875	75	0.012766	7661	59	0.007701	1414	39	0.027581	2293	28	0.012211	299	4	0.013378
XM_03024 54126	Arhgef7	chr8	11728246	11835213	6866	76	0.011069	8090	80	0.009889	7872	60	0.007622	1164	6	0.005155	1577	19	0.012048	6927	91	0.013137	5875	75	0.012766	7661	59	0.007701	1414	39	0.027581	2293	28	0.012211	299	4	0.013378
XM_03024 54384	Mtmr7	chr8	40548199	40634935	2117	268	0.126594	1773	227	0.128032	2108	263	0.124763	110	49	0.445455	810	142	0.175309	2147	337	0.156963	1614	275	0.170384	1757	254	0.144565	271	102	0.376384	709	100	0.141044	353	71	0.201133
XM_03024 54446	Nfat5	chr8	1.07E+08	1.07E+08	5175	26	0.005024	5337	41	0.007682	6050	60	0.009917	1234	3	0.002431	1547	19	0.012282	5966	68	0.011398	4287	32	0.007464	5277	33	0.006254	1565	4	0.002556	1686	6	0.003559	621	2	0.003221
XM_03024 54446	Nfat5	chr8	1.07E+08	1.07E+08	5175	26	0.005024	5337	41	0.007682	6050	60	0.009917	1234	3	0.002431	1547	19	0.012282	5966	68	0.011398	4287	32	0.007464	5277	33	0.006254	1565	4	0.002556	1686	6	0.003559	621	2	0.003221
XM_03024 54446	Nfat5	chr8	1.07E+08	1.07E+08	5175	26	0.005024	5337	41	0.007682	6050	60	0.009917	1234	3	0.002431	1547	19	0.012282	5966	68	0.011398	4287	32	0.007464	5277	33	0.006254	1565	4	0.002556	1686	6	0.003559	621	2	0.003221
XM_03024 54446	Nfat5	chr8	1.07E+08	1.07E+08	5175	26	0.005024	5337	41	0.007682	6050	60	0.009917	1234	3	0.002431	1547	19	0.012282	5966	68	0.011398	4287	32	0.007464	5277	33	0.006254	1565	4	0.002556	1686	6	0.003559	621	2	0.003221
XM_03024 78465	Ccdc190	chr1	1.7E+08	1.7E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 546071	Mast3	chr8	70778117	70797035	2357	235	0.099703	2825	154	0.054513	2851	138	0.048404	305	18	0.059016	962	99	0.102911	2818	356	0.126331	1985	165	0.083123	2959	193	0.065225	687	51	0.074236	1515	125	0.082508	279	12	0.043011
XM_03024 78465	Ccdc190	chr1	1.7E+08	1.7E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54672	Adgrg3	chr8	95017122	95045250	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56229	Thsd1	chr8	22220938	22262955	11	9	0.818182	29	28	0.965517	23	21	0.913043	11	11	1	10	8	0.8	10	10	1	12	12	1	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56229	Thsd1	chr8	22220938	22262955	11	9	0.818182	29	28	0.965517	23	21	0.913043	11	11	1	10	8	0.8	10	10	1	12	12	1	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56229	Thsd1	chr8	22220938	22262955	11	9	0.818182	29	28	0.965517	23	21	0.913043	11	11	1	10	8	0.8	10	10	1	12	12	1	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56229	Thsd1	chr8	22226997	22262957	72	27	0.375	60	34	0.566667	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	18	6	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56453	Mbtps1	chr8	1.2E+08	1.2E+08	4258	298	0.069986	4681	261	0.055757	4750	235	0.049474	1050	40	0.038095	1722	108	0.062718	5048	369	0.073098	3806	229	0.060168	4488	272	0.060606	1146	104	0.09075	1797	109	0.060657	293	4	0.013652
XM_03024 56453	Mbtps1	chr8	1.2E+08	1.2E+08	4258	298	0.069986	4681	261	0.055757	4750	235	0.049474	1050	40	0.038095	1722	108	0.062718	5048	369	0.073098	3806	229	0.060168	4488	272	0.060606	1146	104	0.09075	1797	109	0.060657	293	4	0.013652
XM_03024 56523	Pmfbp1	chr8	1.09E+08	1.1E+08	266	239	0.898496	305	258	0.845902	328	255	0.777439	#N/A	#N/A	#N/A	211	177	0.838863	228	205	0.899123	112	90	0.803571	217	123	0.56682	121	101	0.834711	194	163	0.840206	105	80	0.761905
XM_03024 56523	Pmfbp1	chr8	1.09E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56527	Mast1	chr8	84911903	84925746	18	13	0.722222	18	15	0.833333	20	13	0.65	22	16	0.727273	17	11	0.647059	18	7	0.388889	15	9	0.6	11	6	0.545455	14	8	0.571429	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 11905	Serpinc1	chr1	1.61E+08	1.61E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57247	Zfp276	chr8	1.23E+08	1.23E+08	5496	38	0.006914	4979	27	0.005423	5499	53	0.009638	949	0	0	1788	10	0.005593	5761	35	0.006075	4293	16	0.003727	5410	26	0.004806	1169	4	0.003422	1679	2	0.001191	488	0	0
XM_03024 78772	Hhipl2	chr1	1.83E+08	1.83E+08	13	13	1	10	10	1	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	55	48	0.872727	11	11	1	28	24	0.857143	21	17	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	42	16	0.380952
XM_03024 57429	Sult5a1	chr8	1.23E+08	1.23E+08	127	67	0.527559	160	78	0.4875	175	107	0.611429	42	22	0.52381	46	27	0.586957	134	79	0.589552	90	39	0.433333	128	58	0.453125	41	26	0.634146	53	29	0.54717	23	8	0.347826
XM_03024 57429	Sult5a1	chr8	1.23E+08	1.23E+08	83	24	0.289157	111	32	0.288288	104	37	0.355769	23	3	0.130435	28	10	0.357143	94	40	0.425532	66	18	0.272727	87	20	0.229885	18	4	0.222222	37	13	0.351351	13	1	0.076923
XM_03024 57813	Tk2	chr8	1.04E+08	1.04E+08	1039	72	0.069297	1170	61	0.052137	1146	57	0.049738	193	11	0.056995	443	38	0.085779	1128	115	0.10195	1037	85	0.081967	1239	73	0.058918	404	14	0.034653	473	34	0.071882	177	1	0.00565
XM_03024 58994	Smpd3	chr8	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	18	15	0.833333	18	15	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	12	11	0.916667	18	18	1
XM_03024 622117	Triml2	chr8	43180463	43190356	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 622675	Zfp827	chr8	79027486	79193768	84	1	0.011905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	1	0.020833	44	0	0	52	2	0.038462	52	0	0	51	0	0	48	1	0.020833	40	0	0
XM_03024 64296	Abhd8	chr8	71456705	71464707	2151	42	0.019526	1574	76	0.048285	1625	24	0.014769	297	2	0.006734	697	26	0.037303	2157	41	0.019008	1293	8	0.006187	1718	56	0.032596	592	14	0.023649	738	26	0.03523	172	1	0.005814
XM_03024 64933	Ap3m2	chr8	22787354	22807292	1556	8	0.005141	1478	21	0.014208	1690	11	0.006509	304	4	0.013158	406	0	0	1614	11	0.006815	1317	11	0.008352	1540	14	0.009091	458	3	0.00655	569	2	0.003515	95	2	0.021053
XM_03024 65115	Bean1	chr8	1.04E+08	1.04E+08	33	25	0.757576	11	7	0.636364	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	35	26	0.742857	35	19	0.542857	11	9	0.818182	35	16	0.457143	28	17	0.607143	24	12	0.5	13	10	0.769231
XM_03024 65115	Bean1	chr8	1.04E+08	1.04E+08	2777	61	0.021966	2316	24	0.010363	2599	43	0.016545	80	0	0	495	6	0.012121	2650	69	0.026038	1807	44	0.02435	2091	34	0.01626	455	10	0.021978	664	15	0.02259	294	20	0.068027
XM_03024 654824	Ankrd37	chr8	45998495	46000414	395	31	0.078481	512	12	0.023438	407	27	0.066339	65	4	0.061538	278	12	0.043165	330	23	0.069697	262	32	0.122137	458	21	0.045852	87	2	0.022989	195	12	0.061538	34	3	0.088235
XM_03024 654824	Ankrd37	chr8	45998495	46000373	395	31	0.078481	512	12	0.023438	407	27	0.066339	65	4	0.061538	278	12	0.043165	330	23	0.069697	262	32	0.122137	458	21	0.045852	87	2	0.022989	195	12	0.061538	34	3	0.088235
XM_03024 66083	Setd6	chr8	95715634	95721507	1919	29	0.015112	2029	25	0.012321	1907	15	0.007866	71	1	0.014085	578	5	0.008651	1885	19	0.01008	1415	14	0.009894	2332	28	0.012007	401	4	0.009975	462	6	0.012987	20	0	0
XM_03024 66083	Setd6	chr8	95715636	95721507	1919	29	0.015112	2029	25	0.012321	1907	15	0.007866	71	1	0.014085	578	5	0.008651	1885	19	0.01008	1415	14	0.009894	2332	28	0.012007	401	4	0.009975	462	6	0.012987	20	0	0
XM_03024 66369	Dus2	chr8	1.06E+08	1.06E+08	2172	39	0.017956	1825	9	0.004932	2027	7	0.003453	296	13	0.043919	870	6	0.006897	1864	36	0.019313	1140	12	0.010526	1649	27	0.016374	739	3	0.00406	660	13	0.019697	110	0	0
XM_03024 78825	Desi2	chr1	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	58	55	0.948276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66369	Dus2	chr8	1.06E+08	1.06E+08	2200	63	0.028636	1825	9	0.004932	2047	24	0.011724	296	13	0.043919	894	26	0.029083	1864	36	0.019313	1140	12	0.010526	1649	27	0.016374	739	3	0.00406	682	30	0.043988	110	0	0
XM_03024 66501	1700029H	chr8	13553504	13562554	230	222	0.965217	200	193	0.965	174	169	0.971264	#N/A	#N/A	#N/A	169	161	0.952663	188	170	0.904255	116	109	0.939655	216	187	0.865741	50	43	0.86	130	117	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66501	1700029H	chr8	13550735	13562555	230	222	0.965217	200	193	0.965	174	169	0.971264	#N/A	#N/A	#N/A	169	161	0.952663	188	170	0.904255	116	109	0.939655	216	187	0.865741	50	43	0.86	130	117	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66522	Pgpep1	chr8	70646437	70659848	3437	33	0.009601	3194	25	0.007827	3462	18	0.005199	537	2	0.003724	935	2	0.002139	3941	32	0.00812	2695	20	0.007421	3726	23	0.006173	1172	16	0.013652	1224	5	0.004085	215	0	0
XM_03024 66522	Pgpep1	chr8	70646437	70660446	2631	25	0.009502	2588	25	0.00966	2747	14	0.005096	374	1	0.002674	668	1	0.001497	3089	19	0.006151	2179	12	0.005507	2998	16	0.005337	907	14	0.015436	903	4	0.00443	128	0	0
XM_03024 66522	Pgpep1	chr8	70646437	70658906	3437	33	0.009601	3194	25	0.007827	3462	18	0.005199	537	2	0.003724	935	2	0.002139	3941	32	0.00812	2695	20	0.007421	3726	23	0.006173	1172	16	0.013652	1224	5	0.004085	215	0	0
XM_03024 66522	Pgpep1	chr8	70646437	70659672	3437	33	0.009601	3194	25	0.007827	3462	18	0.005199	537	2	0.003724	935	2	0.002139	3941	32	0.00812	2695	20	0.007421	3726	23	0.006173	1172	16	0.013652	1224	5	0.004085	215	0	0
XM_03024 66522	Pgpep1	chr8	70646437	70660383	2891	25	0.008648	2743	25	0.009114	2912	14	0.004808	407	1	0.002457	763	1	0.001311	3335	21	0.006297	2306	14	0.006071	3154	18	0.005707	964	14	0.014523	989	4	0.004044	164	0	0
XM_03024 66566	Ntpcr	chr8	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 80914	Uck2	chr1	1.67E+08	1.67E+08	6488	56	0.008631	6467	57	0.008814	6958	49	0.007042	1049	7	0.006673	2084	17	0.008157	6375	48	0.007529	6117	37	0.006049	6313	35	0.005544	1916	3	0.001566	2085	1	0.00048	378	1	0.002646
XM_03024 66756	Cfap97	chr8	46162095	46195586	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	3	0.1875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 80914	Uck2	chr1	1.67E+08	1.67E+08	6488	56	0.008631	6467	57	0.008814	6958	49	0.007042	1049	7	0.006673	2084	17	0.008157	6375	48	0.007529	6117	37	0.006049	6313	35	0.005544	1916	3	0.001566	2085	1	0.00048	378	1	0.002646
XM_03024 80914	Uck2	chr1	1.67E+08	1.67E+08	6488	56	0.008631	6467	57	0.008814	6958	49	0.007042	1049	7	0.006673	2084	17	0.008157	6375	48	0.007529	6117	37	0.006049	6313	35	0.005544	1916	3	0.001566	2085	1	0.00048	378	1	0.002646
XM_03024 66822	Fbxo25	chr8	13907736	13942875	2275	17	0.007473	2037	13	0.006382	2433	28	0.011508	587	5	0.008518	914	2	0.002188	2527	21	0.00831	2008	8	0.003984	2103	9	0.00428	683	2	0.002928	960	7	0.007292	324	0	0
XM_03024 66855	Tcf25	chr8	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66869	Zfp869	chr8	69705137	69716901	1106	5	0.004521	1115	6	0.005381	1133	12	0.010591	198	1	0.005051	335	1	0.002985	1185	9	0.007595	784	6	0.007653	1076	9	0.008364	209	0	0	457	1	0.002188	144	0	0
XM_03024 67260	Cers4	chr8	4492818	4529603	346	8	0.023121	297	9	0.030303	368	5	0.013587	67	3	0.044776	118	0	0	425	7	0.016471	258	3	0.011628	359	4	0.011142	169	2	0.011834	159	1	0.006289	20	0	0
XM_03024 67260	Cers4	chr8	4493176	4529603	396	9	0.022727	297	9	0.030303	470	6	0.012766	67	3	0.044776	178	3	0.016854	507	8	0.015779	335	3	0.008955	431	5	0.011601	169	2	0.011834	235	1	0.004255	20	0	0
XM_03024 67260	Cers4	chr8	4503910	4529603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67378	Bbs2	chr8	94067958	94096360	349	23	0.065903	225	6	0.026667	315	0	0	95	0	0	135	0	0	325	1	0.003077	330	1	0.00303	324	1	0.003086	170	1	0.005882	90	1	0.011111	60	10	0.166667
XM_03024 81898	Sf3b1	chr1	54987023	55027395	2522	18	0.007137	1993	10	0.005018	2232	12	0.005376	236	1	0.004237	986	5	0.005071	2362	13	0.005504	1971	11	0.005581	2049	9	0.004392	813	1	0.00123	682	2	0.002933	146	0	0
XM_03024 67439	Xab2	chr8	3610089	3621309	803	7	0.008717	771	10	0.01297	882	11	0.012472	#N/A	#N/A	#N/A	407	0	0	992	8	0.008065	507	2	0.003945	890	9	0.010112	388	1	0.002577	644	3	0.004658	39	0	0
XM_03024 67903	Gipc1	chr8	83649408	83664682	96	88	0.916667	78	73	0.935897	54	50	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	45	40	0.888889	50	46	0.92	54	50	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68119	Cmtm3	chr8	1.04E+08	1.04E+08	1693	58	0.034259	1431	33	0.023061	1647	52	0.031573	299	13	0.043478	724	11	0.015193	1656	19	0.011473	1287	28	0.021756	1301	24	0.018447	605	6	0.009917	540	9	0.016667	177	7	0.039548
XM_03024 68119	Cmtm3	chr8	1.04E+08	1.04E+08	452	32	0.070796	384	20	0.052083	364	33	0.090659	80	10	0.125	270	7	0.025926	408	9	0.022059	332	17	0.051205	376	15	0.039894	216	5	0.023148	214	6	0.028037	86	7	0.081395
XM_03024 68119	Cmtm3	chr8	1.04E+08	1.04E+08	709	38	0.053597	599	24	0.040067	604	35	0.057947	80	10	0.125	321	7	0.021807	642	12	0.018692	502	19	0.037849	589	19	0.032258	286	5	0.017483	276	6	0.021739	86	7	0.081395
XM_03024 68119	Cmtm3	chr8	1.04E+08	1.04E+08	384	27	0.070313	314	18	0.057325	328	30	0.091463	80	10	0.125	195	7	0.035897	360	9	0.025	308	17	0.055195	325	14	0.043077	167	5	0.02994	151	6	0.039735	76	6	0.078947
XM_03024 68119	Cmtm3	chr8	1.04E+08	1.04E+08	1898	60	0.031612	1565	41	0.026198	1854	59	0.031823	318	14	0.044025	810	15	0.018519	1847	21	0.01137	1397	28	0.020043	1438	25	0.017385	700	7	0.01	628	18	0.028662	190	7	0.036842
XM_03024 68119	Cmtm3	chr8	1.04E+08	1.04E+08	2293	104	0.045355	1892	92	0.048626	2223	118	0.053081	375	19	0.050667	965	18	0.018653	2211	50	0.022614	1665	59	0.035435	1775	58	0.032676	765	10	0.013072	733	50	0.068213	223	19	0.085202
XM_03024 68153	Gtf2e2	chr8	33733726	33777169	1813	58	0.031991	1430	57	0.03986	1875	48	0.0256	201	0	0	723	18	0.024896	2123	54	0.025436	1320	48	0.036364	1546	25	0.016171	724	12	0.016575	645	0	0	195	22	0.112821
XM_03024 68544	Trir	chr8	85026813	85029618	2448	37	0.015114	2537	24	0.00946	2383	34	0.014268	362	3	0.008287	1105	13	0.011765	2852	33	0.011571	1994	35	0.017553	3164	49	0.015487	341	0	0	760	21	0.027632	294	2	0.006803
XM_03024 68544	Trir	chr8	85026811	85029618	2448	37	0.015114	2537	24	0.00946	2383	34	0.014268	362	3	0.008287	1105	13	0.011765	2852	33	0.011571	1994	35	0.017553	3164	49	0.015487	341	0	0	760	21	0.027632	294	2	0.006803
XM_03024 68999	Anapc10	chr8	79711736	79727412	2089	14	0.006702	2079	6	0.002886	2061	6	0.002911	386	0	0	662	1	0.001511	2152	12	0.005576	1330	4	0.003008	1922	12	0.006243	625	4	0.0064	709	4	0.005642	399	2	0.005013
XM_03024 68999	Anapc10	chr8	79711891	79727412	2089	14	0.006702	2079	6	0.002886	2061	6	0.002911	386	0	0	662	1	0.001511	2152	12	0.005576	1330	4	0.003008	1922	12	0.006243	625	4	0.0064	709	4	0.005642	399	2	0.005013
XM_03024 68999	Anapc10	chr8	79711738	79775350	2089	14	0.006702	2079	6	0.002886	2061	6	0.002911	386	0	0	662	1	0.001511	2152	12	0.005576	1330	4	0.003008	1922	12	0.006243	625	4	0.0064	709	4	0.005642	399	2	0.005013
XM_03024 69697	Camsap3	chr8	3587298	3609075	2085	26	0.01247	1931	18	0.009322	2269	11	0.004848	361	5	0.01385	783	10	0.012771	1808	23	0.012721	1299	13	0.010008	1977	18	0.009105	657	5	0.00761	917	8	0.008724	66	1	0.015152
XM_03024 70575	Gfod2	chr8	1.06E+08	1.06E+08	2146	158	0.073625	2091	145	0.069345	2079	139	0.066859	413	32	0.077482	761	88	0.115637	2095	161	0.07685	1641	58	0.035344	2173	98	0.045099	855	41	0.047953	793	45	0.056747	185	19	0.102703
XM_03024 70616	Sugp1	chr8	70042769	70071969	1131	6	0.005305	1112	6	0.005396	1079	9	0.008341	163	0	0	734	2	0.002725	1009	6	0.005946	735	3	0.004082	1030	8	0.007767	464	4	0.008621	733	2	0.002729	244	3	0.012295
XM_03024 70616	Sugp1	chr8	70042770	70071964	1131	6	0.005305	1112	6	0.005396	1079	9	0.008341	163	0	0	734	2	0.002725	1009	6	0.005946	735	3	0.004082	1030	8	0.007767	464	4	0.008621	733	2	0.002729	244	3	0.012295
XM_03024 70796	Zdhhc1	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70796	Zdhhc1	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70796	Zdhhc1	chr8	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70885	Ints10	chr8	68796733	68828643	290	285	0.982759	238	224	0.941176	281	273	0.97153	84	81	0.964286	93	87	0.935484	265	248	0.935849	239	230	0.962343	274	262	0.956204	99	91	0.919192	60	59	0.983333	36	35	0.972222
XM_03024 70885	Ints10	chr8	68793967	68828643	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_03024 70885	Ints10	chr8	68793974	68828643	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_03024 70885	Ints10	chr8	68793959	68828643	1244	45	0.036174	979	42	0.042901	1471	36	0.024473	280	0	0	581	11	0.018933	1423	29	0.020379	1027	8	0.00779	1283	31	0.024162	431	21	0.048724	450	9	0.02	39	0	0
XM_03024 71069	Stox2	chr8	47180048	47413847	4418	48	0.010865	4399	56	0.01273	4521	42	0.00929	842	8	0.009501	1509	4	0.002651	4065	64	0.015744	3489	56	0.01605	3949	63	0.015953	1183	6	0.005072	1572	12	0.007634	405	4	0.009877
XM_03024 71069	Stox2	chr8	47180048	47287873	5549	240	0.043251	4624	195	0.042171	5806	227	0.039097	1563	49	0.03135	1728	45	0.026042	6060	263	0.043399	3438	370	0.107621	4324	193	0.044635	1130	79	0.069912	2221	134	0.060333	564	41	0.072695
XM_03024 71069	Stox2	chr8	47180048	47293294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93691	Klf7	chr1	64029448	64122345	2288	37	0.016171	2168	31	0.014299	2210	37	0.016742	357	10	0.028011	607	22	0.036244	2780	37	0.013309	2372	20	0.008432	2830	26	0.009187	269	0	0	629	16	0.025437	389	3	0.007712
XM_03024 93691	Klf7	chr1	64029448	64122344	2288	37	0.016171	2168	31	0.014299	2210	37	0.016742	357	10	0.028011	607	22	0.036244	2780	37	0.013309	2372	20	0.008432	2830	26	0.009187	269	0	0	629	16	0.025437	389	3	0.007712
XM_03024 71310	Tbc1d9	chr8	83200814	83272940	34	29	0.852941	35	27	0.771429	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	50	30	0.6	46	32	0.695652	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71831	Iqcm	chr8	75448687	75984508	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71839	Osgin1	chr8	1.19E+08	1.19E+08	742	400	0.539084	612	339	0.553922	693	355	0.512266	153	86	0.562092	271	115	0.424354	824	242	0.293689	520	232	0.446154	649	382	0.588598	243	112	0.460905	290	142	0.489655	164	98	0.597561
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550781	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550781	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550753	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550753	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550710	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550767	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550305	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 71941	Cars2	chr8	11514017	11550722	2464	10	0.004058	2451	35	0.01428	2637	15	0.005688	340	1	0.002941	1000	19	0.019	2978	54	0.018133	1883	32	0.016994	2328	28	0.012027	732	2	0.002732	773	2	0.002587	210	2	0.009524
XM_03024 72054	Cyp4f18	chr8	71988482	72007197	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



XM_03024 235169	Foxred1	chr9	35204208	35211171	3173	69	0.021746	2829	52	0.018381	2858	43	0.015045	946	1	0.001057	1632	38	0.023284	3335	100	0.029985	2798	57	0.020372	2997	63	0.021021	1128	14	0.012411	1223	23	0.018806	287	1	0.003484
XM_03024 235180	Fez1	chr9	36821398	36878926	365	69	0.189041	346	72	0.208092	415	62	0.149398	48	11	0.229167	192	31	0.161458	384	59	0.153646	337	94	0.278932	342	44	0.128655	84	23	0.27381	105	25	0.238095	80	13	0.1625
XM_03024 235180	Fez1	chr9	36821780	36878926	365	69	0.189041	346	72	0.208092	415	62	0.149398	48	11	0.229167	192	31	0.161458	384	59	0.153646	337	94	0.278932	342	44	0.128655	84	23	0.27381	105	25	0.238095	80	13	0.1625
XM_03024 235184	Msantd2	chr9	37489513	37526113	5651	40	0.007078	5784	37	0.006397	6342	42	0.006623	639	2	0.00313	1753	7	0.003993	5090	37	0.007269	5244	30	0.005721	5802	33	0.005688	1807	9	0.004981	1774	3	0.001691	593	2	0.003373
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40465323	111	45	0.405405	76	17	0.223684	106	43	0.40566	#N/A	#N/A	#N/A	38	23	0.605263	150	83	0.553333	122	55	0.45082	101	46	0.455446	24	6	0.25	33	17	0.515152	39	30	0.769231
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40533614	67	60	0.895522	46	42	0.913043	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	15	10	0.666667	76	64	0.842105	39	30	0.769231	84	69	0.821429	15	11	0.733333	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40465323	111	45	0.405405	76	17	0.223684	106	43	0.40566	#N/A	#N/A	#N/A	38	23	0.605263	150	83	0.553333	122	55	0.45082	101	46	0.455446	24	6	0.25	33	17	0.515152	39	30	0.769231
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40533614	67	60	0.895522	46	42	0.913043	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	15	10	0.666667	76	64	0.842105	39	30	0.769231	84	69	0.821429	15	11	0.733333	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40465323	111	45	0.405405	76	17	0.223684	106	43	0.40566	#N/A	#N/A	#N/A	38	23	0.605263	150	83	0.553333	122	55	0.45082	101	46	0.455446	24	6	0.25	33	17	0.515152	39	30	0.769231
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40533614	67	60	0.895522	46	42	0.913043	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	15	10	0.666667	76	64	0.842105	39	30	0.769231	84	69	0.821429	15	11	0.733333	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40414523	191	27	0.141361	110	5	0.045455	140	43	0.307143	60	10	0.166667	114	9	0.078947	142	6	0.042254	141	12	0.085106	159	85	0.534591	85	11	0.129412	111	1	0.009009	40	6	0.15
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40533614	67	60	0.895522	46	42	0.913043	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	15	10	0.666667	76	64	0.842105	39	30	0.769231	84	69	0.821429	15	11	0.733333	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40533614	67	60	0.895522	46	42	0.913043	59	53	0.898305	#N/A	#N/A	#N/A	15	10	0.666667	76	64	0.842105	39	30	0.769231	84	69	0.821429	15	11	0.733333	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40392309	579	465	0.803109	585	496	0.847863	521	427	0.819578	137	117	0.854015	176	151	0.857955	591	439	0.742809	719	620	0.862309	702	566	0.806268	160	129	0.80625	115	110	0.956522	10	9	0.9
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40376461	133	91	0.684211	168	103	0.613095	128	97	0.757813	45	5	0.111111	116	93	0.801724	113	83	0.734513	117	75	0.641026	162	109	0.67284	20	10	0.5	40	22	0.55	22	19	0.863636
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40346327	112	96	0.857143	126	113	0.896825	105	90	0.857143	10	8	0.8	61	54	0.885246	108	94	0.87037	86	70	0.813953	118	90	0.762712	58	50	0.862069	54	47	0.87037	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40346327	112	96	0.857143	126	113	0.896825	105	90	0.857143	10	8	0.8	61	54	0.885246	108	94	0.87037	86	70	0.813953	118	90	0.762712	58	50	0.862069	54	47	0.87037	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40414497	191	27	0.141361	110	5	0.045455	140	43	0.307143	60	10	0.166667	114	9	0.078947	142	6	0.042254	141	12	0.085106	159	85	0.534591	85	11	0.129412	111	1	0.009009	40	6	0.15
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40414496	191	27	0.141361	110	5	0.045455	140	43	0.307143	60	10	0.166667	114	9	0.078947	142	6	0.042254	141	12	0.085106	159	85	0.534591	85	11	0.129412	111	1	0.009009	40	6	0.15
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40414494	191	27	0.141361	110	5	0.045455	140	43	0.307143	60	10	0.166667	114	9	0.078947	142	6	0.042254	141	12	0.085106	159	85	0.534591	85	11	0.129412	111	1	0.009009	40	6	0.15
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40340635	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40392490	579	465	0.803109	585	496	0.847863	521	427	0.819578	137	117	0.854015	176	151	0.857955	547	408	0.745887	719	620	0.862309	702	566	0.806268	160	129	0.80625	115	110	0.956522	10	9	0.9
XM_03024 235283	Gramd1b	chr9	40293233	40376437	133	91	0.684211	168	103	0.613095	128	97	0.757813	45	5	0.111111	116	93	0.801724	113	83	0.734513	117	75	0.641026	162	109	0.67284	20	10	0.5	40	22	0.55	22	19	0.863636
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906430	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906430	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906827	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906430	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906430	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906906	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906441	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906430	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235315	Rnf214	chr9	45863525	45906440	5019	21	0.004184	4760	24	0.005042	5106	26	0.005092	983	1	0.001017	1736	9	0.005184	5205	18	0.003458	4255	25	0.005875	5022	37	0.007368	1351	2	0.00148	1666	3	0.001801	493	2	0.004057
XM_03024 235323	Usp28	chr9	48985334	49042514	3600	26	0.007222	2646	21	0.007937	3347	19	0.005677	624	1	0.001603	1218	2	0.001642	3539	27	0.007629	3461	7	0.002023	3078	14	0.004548	953	3	0.003148	1208	7	0.005795	110	0	0
XM_03024 235323	Usp28	chr9	48985334	49042514	3600	26	0.007222	2646	21	0.007937	3347	19	0.005677	624	1	0.001603	1218	2	0.001642	3539	27	0.007629	3461	7	0.002023	3078	14	0.004548	953	3	0.003148	1208	7	0.005795	110	0	0
XM_03024 235330	Ttc12	chr9	49438264	49486275	149	1	0.006711	125	0	0	140	2	0.014286	30	2	0.066667	100	0	0	183	1	0.005464	139	3	0.021583	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	42	2	0.047619	22	0	0
XM_03024 235345	Hoatz	chr9	51081310	51105834	88	58	0.659091	92	65	0.706522	71	50	0.704225	22	18	0.818182	63	40	0.634921	68	32	0.470588	42	23	0.547619	72	23	0.319444	22	15	0.681818	48	20	0.416667	27	11	0.407407
XM_03024 235345	Hoatz	chr9	51081310	51102953	1633	54	0.033068	1773	51	0.028765	1654	63	0.038089	316	8	0.025316	648	35	0.054012	1719	83	0.048284	1653	95	0.057471	1491	93	0.062374	605	61	0.100826	634	33	0.05205	144	2	0.013889
XM_03024 235402	Lingo1	chr9	56618464	56796081	4000	169	0.04225	3426	130	0.037945	4491	166	0.036963	807	25	0.030979	1393	68	0.048816	3945	177	0.044867	3414	223	0.065319	3444	140	0.04065	1046	36	0.034417	1008	50	0.049603	175	14	0.08
XM_03024 235402	Lingo1	chr9	56618460	56795479	4000	169	0.04225	3426	130	0.037945	4491	166	0.036963	817	34	0.041616	1393	68	0.048816	3945	177	0.044867	3414	223	0.065319	3444	140	0.04065	1046	36	0.034417	1008	50	0.049603	175	14	0.08
XM_03024 235402	Lingo1	chr9	56618460	56795479	4000	169	0.04225	3426	130	0.037945	4491	166	0.036963	817	34	0.041616	1393	68	0.048816	3945	177	0.044867	3414	223	0.065319	3444	140	0.04065	1046	36	0.034417	1008	50	0.049603	175	14	0.08
XM_03024 235439	Herc1	chr9	66350412	66508775	2004	4	0.001996	1794	6	0.003344	2045	12	0.005868	264	1	0.003788	356	4	0.011236	2380	16	0.006723	2287	9	0.003935	1893	9	0.004754	497	2	0.004024	714	9	0.012605	282	1	0.003546
XM_03024 235439	Herc1	chr9	66350412	66508775	2004	4	0.001996	1794	6	0.003344	2045	12	0.005868	264	1	0.003788	356	4	0.011236	2380	16	0.006723	2287	9	0.003935	1893	9	0.004754	497	2	0.004024	714	9	0.012605	282	1	0.003546
XM_03024 235439	Herc1	chr9	66407985	66508775	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235439	Herc1	chr9	66399767	66508775	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235439	Herc1	chr9	66399767	66508775	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235442	Rab8b	chr9	66843609	66889717	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235461	Mindy2	chr9	70599014	70657174	2268	16	0.007055	1775	9	0.00507	2071	16	0.007726	285	2	0.007018	772	4	0.005181	2300	20	0.008696	2481	17	0.006852	1970	20	0.010152	514	0	0	497	7	0.014085	60	0	0
XM_03024 235469	Zfp280d	chr9	72274944	72363771	2738	42	0.01534	2535	12	0.004734	3018	28	0.009278	314	4	0.012739	902	7	0.007761	2796	18	0.006438	2243	9	0.004012	2124	15	0.007062	985	3	0.003046	971	6	0.006179	362	3	0.008287
XM_03024 235469	Zfp280d	chr9	72274944	72340695	2738	42	0.01534	2535	12	0.004734	3018	28	0.009278	314	4	0.012739	902	7	0.007761	2796	18	0.006438	2243	9	0.004012	2124	15	0.007062	985	3	0.003046	971	6	0.006179	362	3	0.008287
XM_03024 235534	Pxylp1	chr9	96823336	96891483	209	193	0.923445	158	149	0.943038	114	106	0.929825	#N/A	#N/A	#N/A	120	111	0.925	136	128	0.941176	110	105	0.954545	105	83	0.790476	23	18	0.782609	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235534	Pxylp1	chr9	96823336	96889335	3120	212	0.067949	2904	152	0.052342	3040	110	0.036184	665	1	0.001504	1054	89	0.08444	3232	125	0.038676	2827	116	0.041033	2826	85	0.030078	820	13	0.015854	958	8	0.008351	298	3	0.010067
XM_03024 235567	Dnajc13	chr9	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077
XM_03024 235606	Apeh	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2948	108	0.036635	2410	96	0.039834	2859	89	0.03113	776	13	0.016753	1084	24	0.02214	2972	156	0.05249	2414	82	0.033969	2713	73	0.026907	1076	30	0.027881	1163	45	0.038693	367	5	0.013624
XM_03024 235606	Apeh	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2948	108	0.036635	2410	96	0.039834	2859	89	0.03113	776	13	0.016753	1084	24	0.02214	2972	156	0.05249	2414	82	0.033969	2713	73	0.026907	1076	30	0.027881	1163	45	0.038693	367	5	0.013624
XM_03024 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3576	43	0.012025	3602	45	0.012493	3563	39	0.010946	385	11	0.028571	1167	24	0.020566	3552	61	0.017173	2971	31	0.010434	3821	37	0.009683	848	12	0.014151	1311	10	0.007628	223	4	0.017937
XM_03024 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	156	118	0.75641	124	99	0.798387	139	97	0.697842	39	32	0.820513	40	15	0.375	167	111	0.664671	156	113	0.724359	164	124	0.756098	#N/A	#N/A	#N/A	84	57	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235611	Plxnb1	chr9	1.09E+08	1.09E+08	156	118	0.75641	124	99	0.798387	139	97	0.697842	39	32	0.820513	40	15	0.375	167	111	0.664671	156	113	0.724359	164	124	0.756098	#N/A	#N/A	#N/A	84	57	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235633	Als2cl	chr9	1.11E+08	1.11E+08	270	35	0.12963	449	35	0.077951	446	36	0.080717	76	3	0.039474	92	17	0.184783	739	66	0.08931	488	28	0.057377	474	53	0.111814	109	6	0.055046	112	13	0.116071	45	3	0.066667
XM_03024 235633	Als2cl	chr9	1.11E+08	1.11E+08	270	35	0.12963	449	35	0.077951	446	36	0.080717	76	3	0.039474	92	17	0.184783	739	66	0.08931	488	28	0.057377	474	53	0.111814	109	6	0.055046	112	13	0.116071	45	3	0.066667
XM_03024 235633	Als2cl	chr9	1.11E+08	1.11E+08	91	80	0.879121	102	98	0.960784	82	77	0.939024	10	9	0.9	20	18	0.9	98	92	0.938776	94	86	0.914894	118	115	0.974576	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23807	Arih2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23807	Arih2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1985	80	0.040302	2520	72	0.028571	2054	70	0.03408	#N/A	#N/A	#N/A	436	3	0.006881	2307	89	0.038578	2203	61	0.02769	2529	51	0.020166	208	11	0.052885	283	13	0.045936	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23807	Arih2	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1948	95	0.048768	2398	75	0.031276	1949	80	0.041047	#N/A	#N/A	#N/A	402	0	0	2217	101	0.045557	2096	69	0.03292	2456	63	0.025651	186	22	0.11828	217	12	0.0553	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23938	Map2k5	chr9	63163768	63381682	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244682	Cntn5	chr9	9658784	10171993	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244713	Zfp317	chr9	19622041	19649743	300	0	0	209	0	0	463	0	0	82	0	0	292	0	0	483	2	0.004141	370	1	0.002703	393	2	0.005089	159	2	0.012579	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244713	Zfp317	chr9	19622286	19649743	300	0	0	209	0	0	463	0	0	82	0	0	292	0	0	483	2	0.004141	370	1	0.002703	393	2	0.005089	159	2	0.012579	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244713	Zfp317	chr9	19622050	19649743	300	0	0	209	0	0	463	0	0	82	0	0	292	0	0	483	2	0.004141	370	1	0.002703	393	2	0.005089	159	2	0.012579	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244713	Zfp317	chr9	19622041	19649743	300	0	0	209	0	0	463	0	0	82	0	0	292	0	0	483	2	0.004141	370	1	0.002703	393	2	0.005089	159	2	0.012579	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244713	Zfp317	chr9	19622286	19649743	300	0	0	209	0	0	463	0	0	82	0	0	292	0	0	483	2	0.004141	370	1	0.002703	393	2	0.005089	159	2	0.012579	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244713	Zfp317	chr9	19622286	19649743	300	0	0	209	0	0	463	0	0	82	0	0	292	0	0	483	2	0.004141	370	1	0.002703	393	2	0.005089	159	2	0.012579	148	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244721	Zfp846	chr9	20581590	20605404	483	1	0.00207	453	0	0	454	6	0.013216	111	1	0.009009	159	0	0	351	2	0.005698	498	4	0.008032	421	4	0.009501	138	0	0	56	0	0	56	1	0.017857
XM_03024 244723	Olfm2	chr9	20667691	20746333	1484	26	0.01752	1182	18	0.015228	1301	21	0.016141	80	0	0	347	16	0.04611	1126	33	0.029307	1111	17	0.015302	1060	20	0.018868	390	8	0.020513	126	4	0.031746	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244723	Olfm2	chr9	20667691	20726756	5272	184	0.034901	4980	159	0.031928	5733	172	0.030002	963	27	0.028037	1637	56	0.034209	5243	148	0.028228	4719	152	0.03221	4680	114	0.024359	1309	29	0.022154	1577	43	0.027267	307	9	0.029316
XM_03024 244723	Olfm2	chr9	20667691	20673128	25	21	0.84	16	12	0.75	14	10	0.714286	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	19	14	0.736842	19	12	0.631579	15	10	0.666667	25	16	0.64	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48314156	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48162004	48399933	45	30	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	50	32	0.64	33	3	0.090909	44	25	0.568182	85	48	0.564706	118	63	0.533898	54	34	0.62963	52	25	0.480769	33	15	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48354987	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48343326	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244853	Nxpe4	chr9	48343326	48399933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 244882	Tnfaip8l3	chr9	54025607	54047448	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	24	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	45	33	0.733333	42	14	0.333333	42	30	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	36	16	0.444444	59	40	0.677966
XM_03024 244886	Tmem266	chr9	55326919	55438345	2213	13	0.005874	2686	19	0.007074	2374	19	0.008003	496	1	0.002016	1052	1	0.000951	2391	22	0.009201	2385	34	0.014256	2529	15	0.005931	623	2	0.00321	843	3	0.003559	198	0	0
XM_03024 244886	Tmem266	chr9	55326919	55438345	2213	13	0.005874	2686	19	0.007074	2374	19	0.008003	496	1	0.002016	1052	1	0.000951	2391	22	0.009201	2385	34	0.014256	2529	15	0.005931	623	2	0.00321	843	3	0.003559	198	0	0
XM_03024 244886	Tmem266	chr9	55326918	55438345	2213	13	0.005874	2686	19	0.007074	2374	19	0.008003	496	1	0.002016	1052	1	0.000951	2391	22	0.009201	2385	34	0.014256	2529	15	0.005931	623	2	0.00321	843	3	0.003559	198	0	0
XM_03024 244886	Tmem266	chr9	55326919	55438345	2213	13	0.005874	2686	19	0.007074	2374	19	0.008003	496	1	0.002016	1052	1	0.000951	2391	22	0.009201	2385	34	0.014256	2529	15	0.005931	623	2	0.00321	843	3	0.003559	198	0	0
XM_03024 244891	Scaper	chr9	55549879	55938221	974	4	0.004107	1117	7	0.006267	782	1	0.001279	105	0	0	177	0	0	939	3	0.003195	1291	4	0.003098	1241	8	0.006446	229	1	0.004367	331	3	0.009063	70	0	0
XM_03024 244891	Scaper	chr9	55549879	55937996	974	4	0.004107	1117	7	0.006267	782	1	0.001279	105	0	0	177	0	0	939	3	0.003195	1291	4	0.003098	1241	8	0.006446	229	1	0.004367	331	3	0.009063	70	0	0
XM_03024 244958	Mrap2	chr9	87144236	87184051	860	24	0.027907	755	12	0.015894	889	36	0.040495	167	4	0.023952	285	27	0.094737	806	24	0.029777	601	12	0.019967	555	20	0.036036	182	3	0.016484	321	23	0.071651	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 245000	Atr	chr9	95881299	95951651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 245020	Slc35g2	chr9	1.01E+08	1.01E+08	210	10	0.047619	400	16	0.04	276	29	0.105072	#N/A	#N/A	#N/A	137	2	0.014599	224	13	0.058036	303	24	0.079208	275	4	0.014545	115	15	0.130435	140	2	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 245902	Ccdc15	chr9	37267462	37350218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 245902	Ccdc15	chr9	37267462	37350218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 257996	Olfr884	chr9	38044423	38048153	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 258555	Olfr862	chr9	19883383	19884673	59	52	0.881356	30	26	0.866667	61	46	0.754098	#N/A	#N/A	#N/A	45	35	0.777778	79	57	0.721519	76	44	0.578947	33	17	0.515152	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 26432	Plod2	chr9	92539636	92608428	55	37	0.672727	40	29	0.725	47	35	0.744681	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	83	58	0.698795	46	23	0.5	42	25	0.595238	10	9	0.9	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 266690	Cyb5r4	chr9	87022008	87077381	1544	14	0.009067	1577	17	0.01078	1480	14	0.009459	315	0	0	825	1	0.001212	1545	11	0.00712	1248	12	0.009615	1427	22	0.015417	615	4	0.006504	746	2	0.002681	285	14	0.049123
XM_03024 26940	Ecsit	chr9	22072239	22086296	1637	7	0.004276	1547	6	0.003878	1727	20	0.011581	155	1	0.006452	542	21	0.038745	1699	13	0.007652	1160	17	0.014655	1424	12	0.008427	453	1	0.002208	474	2	0.004219	191	0	0
XM_03024 26940	Ecsit	chr9	22072239	22086296	1637	7	0.004276	1547	6	0.003878	1727	20	0.011581	155	1	0.006452	542	21	0.038745	1699	13	0.007652	1160	17	0.014655	1424	12	0.008427	453	1	0.002208	474	2	0.004219	191	0	0
XM_03024 270118	Maml2	chr9	13296561	13709402	474	4	0.008439	322	16	0.049689	347	6	0.017291	122	3	0.02459	190	4	0.021053	469	2	0.004264	404	5	0.012376	302	3	0.009934	93	1	0.010753	135	1	0.007407	67	0	0
XM_03024 270118	Maml2	chr9	13532688	13709402	76	74	0.973684	104	96	0.923077	93	90	0.967742	#N/A	#N/A	#N/A	39	33	0.846154	73	67	0.917808	62	58	0.935484	82	72	0.878049	17	17	1	29	26	0.896552	21	18	0.857143
XM_03024 270120	Fat3	chr9	15910189	16252332	130	113	0.869231	68	59	0.867647	80	75	0.9375	24	23	0.958333	20	19	0.95	114	101	0.885965	126	89	0.706349	86	57	0.662791	34	21	0.617647	50	35	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 270150	Ccdc153	chr9	44243144	44246943	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 270150	Ccdc153	chr9	44243144	44246943	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 270156	Nkapd1	chr9	50605240	50617316	2225	21	0.009438	2018	86	0.042616	2298	22	0.009574	559	9	0.0161	982	13	0.013238	2633	34	0.012913	1998	7	0.003504	2218	11	0.004959	435	0	0	765	3	0.003922	180	0	0
XM_03024 270192	Rab6b	chr9	1.03E+08	1.03E+08	2332	38	0.016295	1724	35	0.020302	2367	33	0.013942	248	6	0.024194	561	5	0.008913	2081	34	0.016338	1862	25	0.013426	2049	29	0.014153	605	4	0.006612	739	6	0.008119	206	4	0.019417
XM_03024 270198	Pfkfb4	chr9	1.09E+08	1.09E+08	1164	37	0.031787	776	26	0.033505	1094	34	0.031079	156	11	0.070513	250	6	0.024	1366	41	0.030015	1126	17	0.015098	1084	48	0.04428	293	11	0.037543	438	24	0.054795	77	4	0.051948
XM_03024 270201	Klhl18	chr9	1.1E+08	1.1E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	326	30	0.092025	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	240	49	0.204167
XM_03024 270201	Klhl18	chr9	1.1E+08	1.1E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	326	30	0.092025	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	240	49	0.204167
XM_03024 270201	Klhl18	chr9	1.1E+08	1.1E+08	1095	10	0.009132	1048	5	0.004771	1042	5	0.004798	326	30	0.092025	251	1	0.003984	1046	5	0.00478	1025	6	0.005854	882	6	0.006803	385	2	0.005195	393	0	0	240	49	0.204167
XM_03024 10263780	LOC10263	chr1	89932075	89934593	6872	394	0.057334	6268	249	0.039726	7891	272	0.03447	924	32	0.034632	1896	125	0.065928	6989	634	0.090714	6026	434	0.072021	5968	487	0.081602	1692	139	0.082151	1987	172	0.086563	843	77	0.09134
XM_03024 27965	Spg21	chr9	65453289	65487456	22	21	0.954545	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 28135	Cep63	chr9	1.03E+08	1.03E+08	2760	12	0.004348	2790	21	0.007527	2740	33	0.012044	506	7	0.013834	1199	16	0.013344	2869	49	0.017079	2726	16	0.005869	2851	44	0.015433	834	10	0.01199	1065	14	0.013146	64	1	0.015625
XM_03024 28135	Cep63	chr9	1.03E+08	1.03E+08	2760	12	0.004348	2790	21	0.007527	2740	33	0.012044	506	7	0.013834	1199	16	0.013344	2869	49	0.017079	2726	16	0.005869	2851	44	0.015433	834	10	0.01199	1065	14	0.013146	64	1	0.015625
XM_03024 319675	Cep295	chr9	15316921	15357849	1705	14	0.008211	1330	3	0.002256	1430	4	0.002797	382	2	0.005236	857	1	0.001167	1532	6	0.003916	1485	16	0.010774	1253	4	0.003192	469	4	0.008529	587	0	0	289	0	0
XM_03024 319675	Cep295	chr9	15316921	15357849	1705	14	0.008211	1330	3	0.002256	1430	4	0.002797	382	2	0.005236	857	1	0.001167	1532	6	0.003916	1485	16	0.010774	1253	4	0.003192	469	4	0.008529	587	0	0	289	0	0
XM_03024 319675	Cep295	chr9	15316921	15357732	1705	14	0.008211	1330	3	0.002256	1430	4	0.002797	382	2	0.005236	857	1	0.001167	1532	6	0.003916	1485	16	0.010774	1253	4	0.003192	469	4	0.008529	587	0	0	289	0	0
XM_03024 319675	Cep295	chr9	15316921	15357673	1705	14	0.008211	1330	3	0.002256	1430	4	0.002797	382	2	0.005236	857	1	0.001167	1532	6	0.003916	1485	16	0.010774	1253	4	0.003192	469	4	0.008529	587	0	0	289	0	0
XM_03024 319899	Dock6	chr9	21800556	21830165	479	254	0.530271	650	248	0.381538	534	229	0.428839	98	67	0.683673	260	172	0.661538	575	303	0.526957	522	226	0.43295	673	331	0.491828	138	65	0.471014	150	78	0.52	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320563	Islr2	chr9	58196297	58202351	66	0	0	70	2	0.028571	76	1	0.013158	50	0	0	60	0	0	75	3	0.04	11	0	0	62	4	0.064516	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320563	Islr2	chr9	58196297	58202664	130	0	0	130	2	0.015385	140	1	0.007143	50	0	0	60	0	0	138	3	0.021739	55	1	0.018182	109	8	0.073394	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320563	Islr2	chr9	58196297	58201900	58	2	0.034483	52	0	0	48	0	0	22	2	0.090909	47	2	0.042553	56	3	0.053571	21	0	0	48	1	0.020833	28	0	0	30	1	0.033333	12	0	0
XM_03024 320615	Dop1a	chr9	86467141	86554630	3044	25	0.008213	2813	16	0.005688	3093	40	0.012932	378	0	0	933	1	0.001072	2277	10	0.004392	3279	31	0.009454	3901	26	0.006665	610	1	0.001639	636	1	0.001572	38	0	0
XM_03024 320752	Dpy19l2	chr9	24557047	24658634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 330890	Piwil4	chr9	14703064	14728742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	39	33	0.846154	44	30	0.681818	25	19	0.76	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 330908	Opcml	chr9	27790928	28925410	113	7	0.061947	96	1	0.010417	75	5	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	71	14	0.197183	91	4	0.043956	142	6	0.042254	56	6	0.107143	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 330908	Opcml	chr9	28661840	28925410	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 330914	Arhgap32	chr9	32032337	32261230	4817	41	0.008512	5561	41	0.007373	5604	35	0.006246	674	12	0.017804	1299	30	0.023095	5154	59	0.011447	5383	47	0.008731	4863	45	0.009254	1350	2	0.001481	1475	6	0.004068	208	12	0.057692
XM_03024 330914	Arhgap32	chr9	32032604	32261223	4817	41	0.008512	5561	41	0.007373	5604	35	0.006246	674	12	0.017804	1299	30	0.023095	5154	59	0.011447	5383	47	0.008731	4853	39	0.008036	1350	2	0.001481	1475	6	0.004068	208	12	0.057692
XM_03024 330938	Dixdc1	chr9	50662752	50729044	514	31	0.060311	562	44	0.078292	596	22	0.036913	50	1	0.02	143	10	0.06993	491	34	0.069246	477	57	0.119497	424	27	0.063679	217	0	0	222	15	0.067568	11	2	0.181818
XM_03024 330938	Dixdc1	chr9	50701916	50729044	514	31	0.060311	562	44	0.078292	596	22	0.036913	50	1	0.02	143	10	0.06993	491	34	0.069246	477	57	0.119497	424	27	0.063679	217	0	0	222	15	0.067568	11	2	0.181818
XM_03024 330941	AI593442	chr9	52673042	52679219	71	2	0.028169	94	5	0.053191	77	2	0.025974	#N/A	#N/A	#N/A				74	9	0.121622	98	6	0.061224	69	6	0.086957	15	0	0	14	1	0.071429	10	0	0
XM_03024 331026	Gmppb	chr9	1.08E+08	1.08E+08	627	3	0.004785	778	8	0.010283	433	2	0.004619	101	0	0	151	1	0.006623	685	6	0.008759	491	2	0.004073	503	5	0.00994	126	0	0	179	0	0	36	0	0
XM_03024 382062	AB124611	chr9	21526157	21540618	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 382066	Prdm10	chr9	31276110	31381731	140	137	0.978571	161	156	0.968944	123	120	0.97561	20	20	1	132	130	0.984848	140	133	0.95	93	89	0.956989	111	103	0.927928	129	115	0.891473	128	120	0.9375	36	33	0.916667
XM_03024 382066	Prdm10	chr9	31303482	31330626	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12355	Nr1i3	chr1	1.71E+08	1.71E+08	67	29	0.432836	52	15	0.288462	21	4	0.190476	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	90	61	0.677778	43	34	0.790698	54	39	0.722222	12	8	0.666667	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 382090	Cep162	chr9	87189573	87255528	616	0	0	496	4	0.008065	426	2	0.004695	30	0	0	262	3	0.01145	574	1	0.001742	697	4	0.005739	439	5	0.01139	30	0	0	79	0	0	55	0	0
XM_03024 382117	Tcaim	chr9	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 434377	Zfp560	chr9	20345979	20385182	1336	84	0.062874	955	81	0.084817	1040	38	0.036538	182	14	0.076923	537	59	0.10987	1141	71	0.062226	969	95	0.098039	1091	45	0.041247	355	16	0.04507	392	31	0.079082	405	3	0.007407
XM_03024 434377	Zfp560	chr9	20345979	20351472	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 434436	Lsmem2	chr9	1.08E+08	1.08E+08	462	328	0.709957	551	378	0.686025	612	483	0.789216	192	156	0.8125	251	210	0.836653	646	568	0.879257	456	418	0.916667	533	479	0.898687	191	171	0.895288	204	192	0.941176	126	105	0.833333
XM_03024 434436	Lsmem2	chr9	1.08E+08	1.08E+08	462	328	0.709957	551	378	0.686025	612	483	0.789216	192	156	0.8125	251	210	0.836653	646	568	0.879257	456	418	0.916667	533	479	0.898687	191	171	0.895288	204	192	0.941176	126	105	0.833333
XM_03024 50876	Tmod2	chr9	75565621	75611342	2449	155	0.063291	2065	152	0.073608	2336	171	0.073202	302	80	0.264901	629	78	0.124006	2086	161	0.077181	1824	187	0.102522	1738	156	0.089758	596	65	0.10906	661	64	0.096823	322	34	0.10559
XM_03024 50876	Tmod2	chr9	75565621	75611342	2449	155	0.063291	2065	152	0.073608	2336	171	0.073202	302	80	0.264901	629	78	0.124006	2086	161	0.077181	1824	187	0.102522	1738	156	0.089758	596	65	0.10906	661	64	0.096823	322	34	0.10559
XM_03024 53376	Usp2	chr9	44072165	44095627	171	135	0.789474	107	80	0.747664	140	113	0.807143	38	33	0.868421	80	53	0.6625	241	171	0.709544	121	82	0.677686	146	114	0.780822	28	22	0.785714	58	43	0.741379	17	15	0.882353
XM_03024 53376	Usp2	chr9	44067127	44095627	715	4	0.005594	723	4	0.005533	719	3	0.004172	160	0	0	248	3	0.012097	747	3	0.004016	684	3	0.004386	720	3	0.004167	325	1	0.003077	204	2	0.009804	124	1	0.008065
XM_03024 53376	Usp2	chr9	44072165	44095627	171	135	0.789474	107	80	0.747664	140	113	0.807143	38	33	0.868421	80	53	0.6625	241	171	0.709544	121	82	0.677686	146	114	0.780822	28	22	0.785714	58	43	0.741379	17	15	0.882353
XM_03024 53376	Usp2	chr9	44085776	44095627	2462	18	0.007311	2103	11	0.005231	2576	29	0.011258	281	1	0.003559	973	2	0.002055	2826	36	0.012739	2482	22	0.008864	2468	27	0.01094	666	6	0.009009	764	1	0.001309	547	4	0.007313
XM_03024 53376	Usp2	chr9	44085776	44095627	2462	18	0.007311	2103	11	0.005231	2576	29	0.011258	281	1	0.003559	973	2	0.002055	2826	36	0.012739	2482	22	0.008864	2468	27	0.01094	666	6	0.009009	764	1	0.001309	547	4	0.007313
XM_03024 53376	Usp2	chr9	44085776	44095627	2462	18	0.007311	2103	11	0.005231	2576	29	0.011258	281	1	0.003559	973	2	0.002055	2826	36	0.012739	2482	22	0.008864	2468	27	0.01094	666	6	0.009009	764	1	0.001309	547	4	0.007313
XM_03024 115487111	Gm29667	chr1	1E+08	1E+08	44	39	0.886364	30	24	0.8	22	17	0.772727	12	11	0.916667	32	27	0.84375	31	22	0.709677	42	11	0.261905	32	13	0.40625	#N/A	#N/A	#N/A	28	10	0.357143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54721	Tyk2	chr9	21104068	21131278	75	0	0	81	0	0	63	4	0.063492	#N/A	#N/A	#N/A	89	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	75	0	0	69	0	0	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54721	Tyk2	chr9	21104068	21131260	75	0	0	81	0	0	63	4	0.063492	#N/A	#N/A	#N/A	89	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	75	0	0	69	0	0	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_03024 72230	Zfp558	chr9	18453558	18473686	287	1	0.003484	126	1	0.007937	223	3	0.013453	#N/A	#N/A	#N/A	195	3	0.015385	139	1	0.007194	174	1	0.005747	108	0	0	108	2	0.018519	102	1	0.009804	72	0	0
XM_03024 72230	Zfp558	chr9	18453558	18473656	287	1	0.003484	126	1	0.007937	223	3	0.013453	#N/A	#N/A	#N/A	195	3	0.015385	139	1	0.007194	174	1	0.005747	108	0	0	108	2	0.018519	102	1	0.009804	72	0	0
XM_03024 72230	Zfp558	chr9	18453558	18473686	287	1	0.003484	126	1	0.007937	223	3	0.013453	#N/A	#N/A	#N/A	195	3	0.015385	139	1	0.007194	174	1	0.005747	108	0	0	108	2	0.018519	102	1	0.009804	72	0	0
XM_03024 72230	Zfp558	chr9	18453558	18473686	287	1	0.003484	126	1	0.007937	223	3	0.013453	#N/A	#N/A	#N/A	195	3	0.015385	139	1	0.007194	174	1	0.005747	108	0	0	108	2	0.018519	102	1	0.009804	72	0	0
XM_03024 72230	Zfp558	chr9	18453558	18478301	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 72507	Dzip1l	chr9	99629501	99670071	594	36	0.060606	580	14	0.024138	593	22	0.037099	63	1	0.015873	342	16	0.046784	604	32	0.05298	512	42	0.082031	393	18	0.045802	256	15	0.058594	387	11	0.028424	143	1	0.006993
XM_03024 72507	Dzip1l	chr9	99629515	99669246	594	36	0.060606	580	14	0.024138	593	22	0.037099	63	1	0.015873	342	16	0.046784	604	32	0.05298	512	42	0.082031	393	18	0.045802	256	15	0.058594	387	11	0.028424	143	1	0.006993
XM_03024 72507	Dzip1l	chr9	99629508	99670071	594	36	0.060606	580	14	0.024138	593	22	0.037099	63	1	0.015873	342	16	0.046784	604	32	0.05298	512	42	0.082031	393	18	0.045802	256	15	0.058594	387	11	0.028424	143	1	0.006993
XM_03024 72565	Uaca	chr9	60837588	60880370	202	113	0.559406	167	108	0.646707	178	111	0.623596	54	33	0.611111	120	64	0.533333	248	119	0.479839	229	140	0.611354	150	84	0.56	86	50	0.581395	69	44	0.637681	45	38	0.844444
XM_03024 72654	Ccdc12	chr9	1.11E+08	1.11E+08	3627	174	0.047974	3663	141	0.038493	3722	160	0.042988	349	38	0.108883	911	78	0.08562	4105	174	0.042387	3727	166	0.04454	3967	195	0.049156	1204	31	0.025748	1322	64	0.048411	439	44	0.100228
XM_03024 72654	Ccdc12	chr9	1.11E+08	1.11E+08	3627	174	0.047974	3663	141	0.038493	3722	160	0.042988	349	38	0.108883	911	78	0.08562	4105	174	0.042387	3727	166	0.04454	3967	195	0.049156	1204	31	0.025748	1322	64	0.048411	439	44	0.100228
XM_03024 72826	Fam76b	chr9	13827700	13846530	3466	40	0.011541	3459	24	0.006938	3717	21	0.00565	486	1	0.002058	1368	5	0.003655	4010	26	0.006484	3667	32	0.008726	4029	40	0.009928	621	3	0.004831	1611	9	0.005587	447	1	0.002237
XM_03024 72828	Ubash3b	chr9	41010760	41053320	160	150	0.9375	91	86	0.945055	108	105	0.972222	49	46	0.938776	41	37	0.902439	92	72	0.782609	150	106	0.706667	139	91	0.654676	40	25	0.625	35	20	0.571429	22	13	0.590909
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 72831	Dhx30	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XM_03024 73336	Prss44	chr9	1.11E+08	1.11E+08	249	82	0.329317	162	35	0.216049	226	55	0.243363	#N/A	#N/A	#N/A	73	51	0.69863	229	68	0.296943	216	69	0.319444	164	39	0.237805	26	4	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73673	Rec114	chr9	58652878	58822706	10327	186	0.018011	10231	166	0.016225	11425	187	0.016368	1452	8	0.00551	3002	41	0.013658	9759	275	0.028179	8683	183	0.021076	9901	200	0.0202	2237	56	0.025034	3361	85	0.02529	1184	18	0.015203
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57130688	57142213	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57131189	57142213	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57131189	57142213	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57134221	57142213	216	197	0.912037	216	206	0.953704	246	225	0.914634	11	8	0.727273	156	144	0.923077	216	196	0.907407	164	146	0.890244	178	163	0.91573	107	89	0.831776	90	78	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57130748	57142213	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57131189	57142213	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57131189	57142213	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 73744	Man2c1	chr9	57130688	57140281	745	5	0.006711	683	3	0.004392	746	6	0.008043	91	1	0.010989	239	1	0.004184	775	3	0.003871	574	2	0.003484	590	3	0.005085	229	0	0	310	0	0	76	0	0
XM_03024 74080	Nmnat3	chr9	98296989	98411428	119	1	0.008403	66	0	0	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	177	0	0	124	0	0	80	18	0.225	100	1	0.01	100	0	0	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74090	Paqr5	chr9	61953738	62026852	816	62	0.07598	607	46	0.075783	764	83	0.108639	176	26	0.147727	308	36	0.116883	779	56	0.071887	567	31	0.054674	674	47	0.069733	188	10	0.053191	269	4	0.01487	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	549	295	0.537341	467	238	0.509636	485	226	0.465979	74	39	0.527027	293	151	0.515358	485	361	0.74433	416	265	0.637019	444	238	0.536036	200	71	0.355	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	508	281	0.55315	437	227	0.519451	453	215	0.474614	74	39	0.527027	247	130	0.526316	457	340	0.743982	388	253	0.652062	408	217	0.531863	180	67	0.372222	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	549	295	0.537341	467	238	0.509636	485	226	0.465979	74	39	0.527027	293	151	0.515358	485	361	0.74433	416	265	0.637019	444	238	0.536036	200	71	0.355	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	549	295	0.537341	467	238	0.509636	485	226	0.465979	74	39	0.527027	293	151	0.515358	485	361	0.74433	416	265	0.637019	444	238	0.536036	200	71	0.355	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	2478	89	0.035916	2385	48	0.020126	2589	61	0.023561	342	4	0.011696	911	15	0.016465	2376	106	0.044613	2232	83	0.037186	2308	101	0.043761	675	22	0.032593	811	29	0.035758	20	0	0
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	2478	89	0.035916	2385	48	0.020126	2589	61	0.023561	342	4	0.011696	911	15	0.016465	2376	106	0.044613	2232	83	0.037186	2308	101	0.043761	675	22	0.032593	811	29	0.035758	20	0	0
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	1453	68	0.0468	1333	36	0.027007	1586	49	0.030895	118	3	0.025424	410	6	0.014634	1536	92	0.059896	1313	67	0.051028	1382	83	0.060058	385	15	0.038961	547	21	0.038391	20	0	0
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	1886	76	0.040297	1710	39	0.022807	2017	55	0.027268	237	3	0.012658	561	8	0.01426	1923	98	0.050962	1665	68	0.040841	1674	86	0.051374	502	17	0.033865	659	23	0.034901	20	0	0
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	549	295	0.537341	467	238	0.509636	485	226	0.465979	74	39	0.527027	293	151	0.515358	485	361	0.74433	416	265	0.637019	444	238	0.536036	200	71	0.355	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	2478	89	0.035916	2385	48	0.020126	2589	61	0.023561	342	4	0.011696	911	15	0.016465	2376	106	0.044613	2232	83	0.037186	2308	101	0.043761	675	22	0.032593	811	29	0.035758	20	0	0
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	1886	76	0.040297	1710	39	0.022807	2017	55	0.027268	237	3	0.012658	561	8	0.01426	1923	98	0.050962	1665	68	0.040841	1674	86	0.051374	502	17	0.033865	659	23	0.034901	20	0	0
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	80	69	0.8625	32	27	0.84375	42	40	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	71	56	0.788732	96	83	0.864583	76	55	0.723684	26	13	0.5	34	27	0.794118	11	2	0.181818
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	46	40	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	46	40	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	46	40	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	549	295	0.537341	467	238	0.509636	485	226	0.465979	74	39	0.527027	293	151	0.515358	485	361	0.74433	416	265	0.637019	444	238	0.536036	200	71	0.355	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	549	295	0.537341	467	238	0.509636	485	226	0.465979	74	39	0.527027	293	151	0.515358	485	361	0.74433	416	265	0.637019	444	238	0.536036	200	71	0.355	161	66	0.409938	53	23	0.433962
XM_03024 74100	Arpp21	chr9	1.12E+08	1.12E+08	2478	89	0.035916	2385	48	0.020126	2589	61	0.023561	342	4	0.011696	911	15	0.016465	2376	106	0.044613	2232	83	0.037186	2308	101	0.043761	675	22	0.032593	811	29	0.035758	20	0	0
XM_03024 74360	Cep57	chr9	13807791	13826632	3466	40	0.011541	3459	24	0.006938	3717	21	0.00565	486	1	0.002058	1368	5	0.003655	4010	26	0.006484	3667	32	0.008726	4029	40	0.009928	599	3	0.005008	1579	8	0.005066	447	1	0.002237
XM_03024 74360	Cep57	chr9	13807791	13826906	3466	40	0.011541	3459	24	0.006938	3717	21	0.00565	486	1	0.002058	1368	5	0.003655	4010	26	0.006484	3667	32	0.008726	4029	40	0.009928	621	3	0.004831	1611	9	0.005587	447	1	0.002237
XM_03024 74361	4931429L1	chr9	46303765	46319894	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74361	4931429L1	chr9	46303765	46319894	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74361	4931429L1	chr9	46303765	46319894	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74361	4931429L1	chr9	46303766	46319894	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74388	Dpp8	chr9	65053146	65084503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091
XM_03024 74769	Pik3cb	chr9	99038403	99140235	6587	62	0.009412	6480	43	0.006636	7716	58	0.007517	875	4	0.004571	2536	2	0.000789	6726	56	0.008326	5880	29	0.004932	5641	19	0.003368	2422	7	0.00289	2312	15	0.006488	462	1	0.002165
XM_03024 74770	Hhatl	chr9	1.22E+08	1.22E+08	943	401	0.425239	1008	437	0.433532	1006	411	0.408549	229	106	0.462882	405	181	0.446914	1002	446	0.44511	831	344	0.413959	961	448	0.466181	215	69	0.32093	376	153	0.406915	115	32	0.278261
XM_03024 75686	Nudt16	chr9	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75723	Amotl1	chr9	14541966	14615020	1302	82	0.06298	1540	69	0.044805	1546	77	0.049806	171	8	0.046784	369	62	0.168022	1507	108	0.071666	1615	75	0.04644	1358	89	0.065538	349	7	0.020057	446	41	0.091928	55	9	0.163636
XM_03024 75723	Amotl1	chr9	14541966	14643558	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75782	Lca5	chr9	83393419	83428838	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76183	Celf6	chr9	59578298	59609033	1095	49	0.044749	790	44	0.055696	921	62	0.067318	322	14	0.043478	392	27	0.068878	930	64	0.068817	825	34	0.041212	767	74	0.09648	382	34	0.089005	423	56	0.132388	159	40	0.251572
XM_03024 76257	Slc38a3	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2407	76	0.031575	1928	55	0.028527	2066	53	0.025653	365	14	0.038356	950	34	0.035789	2541	119	0.046832	2065	60	0.029056	2338	74	0.031651	503	9	0.017893	798	40	0.050125	208	7	0.033654
XM_03024 76257	Slc38a3	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2407	76	0.031575	1928	55	0.028527	2066	53	0.025653	365	14	0.038356	950	34	0.035789	2541	119	0.046832	2065	60	0.029056	2338	74	0.031651	503	9	0.017893	798	40	0.050125	208	7	0.033654
XM_03024 76491	Abhd14b	chr9	1.06E+08	1.06E+08	460	5	0.01087	288	1	0.003472	492	0	0	114	0	0	142	1	0.007042	681	1	0.001468	462	2	0.004329	462	4	0.008658	110	0	0	193	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	4898	26	0.005308	4846	29	0.005984	5480	34	0.006204	574	1	0.001742	1156	4	0.00346	4522	26	0.00575	4490	19	0.004232	4962	23	0.004635	1152	4	0.003472	1223	3	0.002453	412	0	0
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	4898	26	0.005308	4846	29	0.005984	5480	34	0.006204	574	1	0.001742	1156	4	0.00346	4522	26	0.00575	4490	19	0.004232	4962	23	0.004635	1152	4	0.003472	1223	3	0.002453	412	0	0
XM_03024 76499	Clasp2	chr9	1.14E+08	1.14E+08	4898	26	0.005308	4846	29	0.005984	5480	34	0.006204	574	1	0.001742	1156	4	0.00346	4522	26	0.00575	4490	19	0.004232	4962	23	0.004635	1152	4	0.003472	1223	3	0.002453	412	0	0
XM_03024 76863	Dcun1d5	chr9	7178305	7207042	402	7	0.017413	303	3	0.009901	453	4	0.00883	20	1	0.05	215	6	0.027907	516	5	0.00969	445	2	0.004494	472	5	0.010593	44	0	0	22	0	0	107	0	0
XM_03024 76863	Dcun1d5	chr9	7178305	7220880	402	7	0.017413	303	3	0.009901	453	4	0.00883	20	1	0.05	215	6	0.027907	516	5	0.00969	445	2	0.004494	472	5	0.010593	44	0	0	22	0	0	107	0	0
XM_03024 76863	Dcun1d5	chr9	7184520	7220880	2437	34	0.013952	2565	29	0.011306	2851	26	0.00912	616	3	0.00487	1091	17	0.015582	2467	19	0.007702	2563	24	0.009364	2304	15	0.00651	815	9	0.011043	1016	5	0.004921	310	0	0
XM_03024 76886	Fam81a	chr9	70089304	70141549	3457	17	0.004918	3419	25	0.007312	3690	28	0.007588	548	2	0.00365	1211	8	0.006606	2993	32	0.010692	2753	11	0.003996	3180	18	0.00566	793	2	0.002522	1357	3	0.002211	90	1	0.011111
XM_03024 76898	B3gat1	chr9	26734088	26761342	2194	136	0.061987	1896	81	0.042722	2175	113	0.051954	153	26	0.169935	439	35	0.079727	2179	193	0.088573	1459	201	0.137766	1876	168	0.089552	371	29	0.078167	757	131	0.173052	80	16	0.2
XM_03024 77116	Mtmr2	chr9	13766042	13808858	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	14	14	1	12	11	0.916667	10	10	1	17	16	0.941176	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1
XM_03024 77305	Wdr82	chr9	1.06E+08	1.06E+08	3772	33	0.008749	3768	33	0.008758	3892	21	0.005396	497	0	0	1656	11	0.006643	4133	27	0.006533	3341	19	0.005687	3397	39	0.011481	1288	11	0.00854	1111	5	0.0045	310	1	0.003226
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	261	243	0.931034	146	135	0.924658	98	84	0.857143	13	13	1	121	115	0.950413	234	209	0.893162	162	146	0.901235	193	175	0.906736	59	53	0.898305	129	126	0.976744	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2440	98	0.040164	1843	74	0.040152	2147	90	0.041919	513	13	0.025341	952	36	0.037815	2595	62	0.023892	1917	92	0.047992	1801	46	0.025541	697	14	0.020086	745	10	0.013423	216	3	0.013889
XM_03024 78267	Klhdc8b	chr9	1.08E+08	1.08E+08	683	22	0.032211	536	23	0.04291	682	28	0.041056	#N/A	#N/A	#N/A	99	5	0.050505	796	23	0.028894	547	8	0.014625	748	34	0.045455	196	6	0.030612	88	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78658	Ncapd3	chr9	27045973	27096522	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78893	Cnot10	chr9	1.15E+08	1.15E+08	1216	8	0.006579	1306	8	0.006126	1326	10	0.007541	188	0	0	441	1	0.002268	1223	12	0.009812	1155	8	0.006926	1059	11	0.010387	538	2	0.003717	534	0	0	144	1	0.006944
XM_03024 80288	Bcl9l	chr9	44483127	44510347	3145	22	0.006995	3240	15	0.00463	3206	23	0.007174	460	1	0.002174	518	2	0.003861	3524	23	0.006527	3282	23	0.007008	4330	24	0.005543	371	2	0.005391	1042	2	0.001919	149	0	0
XM_03024 80987	Nckipsd	chr9	1.09E+08	1.09E+08	2339	23	0.009833	2335	16	0.006852	2285	19	0.008315	462	5	0.010823	751	8	0.010652	2672	22	0.008234	2372	13	0.005481	2584	38	0.014706	623	5	0.008026	1140	4	0.003509	319	3	0.009404
XM_03024 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	99	89	0.89899	48	37	0.770833	42	29	0.690476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	25	0.78125
XM_03024 81907	Tmem108	chr9	1.03E+08	1.04E+08	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	99	89	0.89899	48	37	0.770833	42	29	0.690476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	25	0.78125
XM_03024 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	505	0	0	453	0	0	494	1	0.002024	124	0	0	208	0	0	469	1	0.002132	641	2	0.00312	292	1	0.003425	219	1	0.004566	303	0	0	115	0	0
XM_03024 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	505	0	0	453	0	0	494	1	0.002024	124	0	0	208	0	0	469	1	0.002132	641	2	0.00312	292	1	0.003425	219	1	0.004566	303	0	0	115	0	0
XM_03024 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	505	0	0	453	0	0	494	1	0.002024	124	0	0	208	0	0	469	1	0.002132	641	2	0.00312	292	1	0.003425	219	1	0.004566	303	0	0	115	0	0
XM_03024 83486	Rbm5	chr9	1.08E+08	1.08E+08	505	0	0	453	0	0	494	1	0.002024	124	0	0	208	0	0	469	1	0.002132	641	2	0.00312	292	1	0.003425	219	1	0.004566	303	0	0	115	0	0
XM_03024 83946	Phip	chr9	82866159	82975700	5380	48	0.008922	5536	51	0.009212	6062	43	0.007093	958	1	0.001044	1857	3	0.001616	5768	51	0.008842	5448	42	0.007709	5366	68	0.012672	1587	5	0.003151	1515	3	0.00198	559	0	0
XM_03024 83946	Phip	chr9	82866159	82940889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 83946	Phip	chr9	82866159	82981668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 83946	Phip	chr9	82866159	82975486	5862	50	0.00853	5877	53	0.009018	6475	47	0.007259	1033	1	0.000968	2009	3	0.001493	6273	54	0.008608	5915	44	0.007439	5924	68	0.011479	1751	6	0.003427	1683	3	0.001783	609	0	0
XM_03024 83946	Phip	chr9	82866159	82981668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 83964	Jam3	chr9	27097384	27152341	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 84004	Mcam	chr9	44135165	44142727	1330	42	0.031579	1211	22	0.018167	1111	22	0.019802	33	0	0	241	14	0.058091	1490	31	0.020805	1441	19	0.013185	1197	9	0.007519	180	3	0.016667	411	17	0.041363	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 84004	Mcam	chr9	44135101	44142727	1330	42	0.031579	1211	22	0.018167	1111	22	0.019802	33	0	0	241	14	0.058091	1490	31	0.020805	1441	19	0.013185	1197	9	0.007519	180	3	0.016667	411	17	0.041363	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	749	92	0.12283	541	71	0.131238	611	28	0.045827	10	5	0.5	209	14	0.066986	786	164	0.208651	759	64	0.084321	764	72	0.094241	131	6	0.045802	175	23	0.131429	161	8	0.049689
XM_03024 84585	Rnf123	chr9	1.08E+08	1.08E+08	32	5	0.15625	29	6	0.206897	25	7	0.28	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	41	17	0.414634	15	7	0.466667	33	10	0.30303	10	3	0.3	14	5	0.357143	12	3	0.25
XM_03024 93836	Rnf111	chr9	70425424	70503796	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
XM_03024 93836	Rnf111	chr9	70425424	70503840	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
XM_03024 93836	Rnf111	chr9	70425431	70503809	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
XM_03024 93836	Rnf111	chr9	70425885	70503796	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
XM_03024 93836	Rnf111	chr9	70425885	70503840	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
XM_03024 93836	Rnf111	chr9	70425424	70503756	5305	72	0.013572	5583	54	0.009672	5643	50	0.008861	529	15	0.028355	1225	1	0.000816	4566	32	0.007008	4528	23	0.00508	5322	44	0.008268	1253	16	0.012769	1204	5	0.004153	271	1	0.00369
XM_03024 94180	Acsbg1	chr9	54604886	54661765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115487164	Gm1113	chr9	35509222	35517150	425	374	0.88	395	336	0.850633	512	442	0.863281	130	113	0.869231	268	235	0.876866	414	333	0.804348	276	191	0.692029	363	268	0.738292	114	88	0.77193	155	103	0.664516	68	36	0.529412
XM_03024 102634778	Gm32280	chr9	48670083	48674689	271	251	0.926199	232	213	0.918103	268	252	0.940299	39	33	0.846154	122	111	0.909836	299	268	0.896321	240	224	0.933333	255	235	0.921569	111	102	0.918919	80	74	0.925	97	91	0.938144
XM_03024 546160	Fbxw25	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115487193	Gm51691	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 102631503	Gm29825	chr9	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115486419	LOC11548	chr9	1.18E+08	1.18E+08	43	32	0.744186	20	15	0.75	53	40	0.754717	#N/A	#N/A	#N/A	100	84	0.84	61	49	0.803279	39	26	0.666667	17	6	0.352941	51	31	0.607843	47	28	0.595745	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115486419	LOC11548	chr9	1.18E+08	1.18E+08	374	341	0.911765	259	244	0.942085	433	389	0.898383	86	82	0.953488	259	224	0.864865	414	365	0.881643	443	344	0.776524	348	258	0.741379	196	144	0.734694	149	111	0.744966	60	51	0.85
XM_03024 115486419	LOC11548	chr9	1.18E+08	1.18E+08	43	32	0.744186	20	15	0.75	53	40	0.754717	#N/A	#N/A	#N/A	100	84	0.84	61	49	0.803279	39	26	0.666667	17	6	0.352941	51	31	0.607843	47	28	0.595745	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 671650	Gm20783	chr9	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12506	Cd48	chr1	1.72E+08	1.72E+08	351	273	0.777778	282	210	0.744681	286	219	0.765734	132	98	0.742424	175	142	0.811429	308	233	0.756494	295	203	0.688136	275	202	0.734545	60	48	0.8	171	132	0.77193	79	65	0.822785
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	469	444	0.946695	301	288	0.956811	294	284	0.965986	91	86	0.945055	168	158	0.940476	455	442	0.971429	266	245	0.921053	308	297	0.964286	105	100	0.952381	181	170	0.939227	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	540	508	0.940741	346	324	0.936416	340	325	0.955882	101	94	0.930693	208	191	0.918269	553	525	0.949367	352	319	0.90625	413	391	0.946731	152	138	0.907895	232	219	0.943966	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	469	444	0.946695	301	288	0.956811	294	284	0.965986	91	86	0.945055	168	158	0.940476	455	442	0.971429	266	245	0.921053	308	297	0.964286	105	100	0.952381	181	170	0.939227	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	91	84	0.923077	45	36	0.8	46	41	0.891304	10	8	0.8	60	48	0.8	98	83	0.846939	86	74	0.860465	105	94	0.895238	47	38	0.808511	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105244034	Gm33887	chr1	1.82E+08	1.82E+08	469	444	0.946695	301	288	0.956811	294	284	0.965986	91	86	0.945055	168	158	0.940476	455	442	0.971429	266	245	0.921053	308	297	0.964286	105	100	0.952381	181	170	0.939227	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105245043	Gm2396	chr9	88874733	88934797	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100040944	Gm3055	chr10	81745416	81751833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100043292	Gm4340	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100503659	Cbarp	chr10	80130549	80137857	4399	24	0.005456	3988	19	0.004764	4032	12	0.002976	637	2	0.00314	1066	1	0.000938	4987	32	0.006417	4039	23	0.005694	4306	34	0.007896	733	4	0.005457	1538	9	0.005852	334	1	0.002994
XM_03024 100503659	Cbarp	chr10	80130549	80138101	4399	24	0.005456	3988	19	0.004764	4032	12	0.002976	637	2	0.00314	1066	1	0.000938	4987	32	0.006417	4039	23	0.005694	4306	34	0.007896	733	4	0.005457	1538	9	0.005852	334	1	0.002994
XM_03024 100503659	Cbarp	chr10	80130549	80139365	4372	21	0.004803	3988	19	0.004764	4047	12	0.002965	647	2	0.003091	1066	1	0.000938	5008	32	0.00639	4040	21	0.005198	4316	34	0.007878	733	4	0.005457	1577	46	0.029169	334	1	0.002994
XM_03024 100861880	Gm21293	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12523	Cd84	chr1	1.72E+08	1.72E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100861891	Gm21304	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100861901	Gm21312	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103220	Ttc41	chr10	86706897	86776844	2319	14	0.006037	2387	13	0.005446	2368	15	0.006334	467	4	0.008565	940	4	0.004255	2804	12	0.00428	2020	11	0.005446	2485	11	0.004427	831	1	0.001203	1012	1	0.000988	304	3	0.009868
XM_03024 104303	Arl1	chr10	88730920	88744094	2443	99	0.040524	2106	123	0.058405	2170	83	0.038249	308	0	0	1147	97	0.084568	2475	70	0.028283	2011	109	0.054202	2136	122	0.057116	681	42	0.061674	652	33	0.050613	125	0	0
XM_03024 106947	Slc39a3	chr10	81028540	81035522	652	3	0.004601	771	58	0.075227	772	71	0.091969	99	30	0.30303	373	42	0.112601	653	56	0.085758	721	38	0.052705	779	76	0.097561	134	0	0	297	44	0.148148	135	0	0
XM_03024 106947	Slc39a3	chr10	81028540	81037338	652	3	0.004601	711	3	0.004219	703	4	0.00569	66	0	0	331	4	0.012085	593	2	0.003373	685	4	0.005839	704	3	0.004261	134	0	0	255	4	0.015686	135	0	0
XM_03024 108707	Fam207a	chr10	77486661	77516924	227	31	0.136564	240	27	0.1125	258	25	0.096899	69	8	0.115942	109	25	0.229358	309	66	0.213592	245	30	0.122449	285	30	0.105263	71	10	0.140845	101	12	0.118812	36	3	0.083333
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67185495	67256320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	1	0.02381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67096372	67256320	7363	38	0.005161	6938	46	0.00663	7137	54	0.007566	1252	12	0.009585	2122	5	0.002356	7017	36	0.00513	6560	22	0.003354	6901	36	0.005217	1819	6	0.003299	1972	9	0.004564	503	1	0.001988
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67096351	67256320	7363	38	0.005161	6938	46	0.00663	7137	54	0.007566	1252	12	0.009585	2122	5	0.002356	7017	36	0.00513	6560	22	0.003354	6901	36	0.005217	1819	6	0.003299	1972	9	0.004564	503	1	0.001988
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67096351	67256320	7363	38	0.005161	6938	46	0.00663	7137	54	0.007566	1252	12	0.009585	2122	5	0.002356	7017	36	0.00513	6560	22	0.003354	6901	36	0.005217	1819	6	0.003299	1972	9	0.004564	503	1	0.001988
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67185496	67256320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	1	0.02381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67185496	67256320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	1	0.02381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 108829	Jmjd1c	chr10	67096374	67256320	7363	38	0.005161	6938	46	0.00663	7137	54	0.007566	1252	12	0.009585	2122	5	0.002356	7017	36	0.00513	6560	22	0.003354	6901	36	0.005217	1819	6	0.003299	1972	9	0.004564	503	1	0.001988

XM_03024 209462	Hace1	chr10	45577815	45712268	2185	10	0.004577	1767	9	0.005093	2366	11	0.004649	130	1	0.007692	561	3	0.005348	1676	7	0.004177	1975	22	0.011139	1845	9	0.004878	707	1	0.001414	679	1	0.001473	219	1	0.004566
XM_03024 209462	Hace1	chr10	45615073	45712268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20979	Syt1	chr10	1.08E+08	1.09E+08	950	59	0.062105	731	16	0.021888	927	28	0.030205	50	1	0.02	448	20	0.044643	791	58	0.073325	816	54	0.066176	700	33	0.047143	247	18	0.072874	339	39	0.115044	85	7	0.082353
XM_03024 20979	Syt1	chr10	1.08E+08	1.09E+08	906	59	0.065121	707	16	0.022631	915	28	0.030601	50	1	0.02	400	20	0.05	731	56	0.076607	790	52	0.065823	663	32	0.048265	188	16	0.085106	296	38	0.128378	85	7	0.082353
XM_03024 20979	Syt1	chr10	1.08E+08	1.09E+08	906	59	0.065121	707	16	0.022631	915	28	0.030601	50	1	0.02	400	20	0.05	731	56	0.076607	790	52	0.065823	663	32	0.048265	188	16	0.085106	296	38	0.128378	85	7	0.082353
XM_03024 12633	Cflar	chr1	58713180	58758884	1784	9	0.005045	1827	7	0.003831	2404	19	0.007903	220	0	0	763	3	0.003932	1960	14	0.007143	2045	12	0.005868	2320	17	0.007328	562	1	0.001779	436	2	0.004587	303	1	0.0033
XM_03024 213402	Armc2	chr10	41914990	42018281	191	7	0.036649	202	6	0.029703	99	3	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A	57	5	0.087719	169	7	0.04142	110	3	0.027273	150	8	0.053333	76	5	0.065789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 213402	Armc2	chr10	41914990	42018268	191	7	0.036649	202	6	0.029703	99	3	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A	57	5	0.087719	169	7	0.04142	110	3	0.027273	150	8	0.053333	76	5	0.065789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 213402	Armc2	chr10	41914990	42003911	37	22	0.594595	39	20	0.512821	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	12	11	0.916667	24	5	0.208333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21423	Tcf3	chr10	80409541	80433976	2652	116	0.043741	2202	109	0.0495	2488	100	0.040193	349	13	0.037249	626	53	0.084665	2994	149	0.049766	1794	73	0.040691	2552	87	0.034091	1275	17	0.013333	969	32	0.033024	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215748	Cnksr3	chr10	7119061	7210001	465	27	0.058065	447	14	0.03132	474	25	0.052743	72	9	0.125	157	19	0.121019	730	28	0.038356	381	31	0.081365	548	19	0.034672	133	25	0.18797	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215772	Adgb	chr10	10335703	10475093	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215789	Phactr2	chr10	13224780	13474417	3085	49	0.015883	3095	43	0.013893	3660	48	0.013115	592	10	0.016892	975	14	0.014359	2828	57	0.020156	2643	47	0.017783	2898	43	0.014838	809	10	0.012361	598	5	0.008361	50	1	0.02
XM_03024 215798	Adgrg6	chr10	14402583	14545723	4220	107	0.025355	4321	82	0.018977	4491	116	0.025829	657	6	0.009132	1106	112	0.101266	3578	81	0.022638	3775	69	0.018278	3778	88	0.023293	1164	6	0.005155	1058	54	0.05104	211	2	0.009479
XM_03024 215814	Ccdc28a	chr10	18213678	18235805	348	172	0.494253	259	115	0.444015	416	196	0.471154	#N/A	#N/A	#N/A	236	95	0.402542	270	145	0.537037	346	87	0.251445	303	124	0.409241	145	51	0.351724	164	81	0.493902	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18458105	18533892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18469529	18533892	46	35	0.76087	22	13	0.590909	59	36	0.610169	21	12	0.571429	21	13	0.619048	54	33	0.611111	56	40	0.714286	46	30	0.652174	21	18	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18425439	18533892	76	44	0.578947	50	28	0.56	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	50	20	0.4	70	33	0.471429	52	35	0.673077	34	19	0.558824	48	33	0.6875	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18318230	18533892	4617	86	0.018627	5070	58	0.01144	5565	80	0.014376	683	14	0.020498	1294	26	0.020093	4882	80	0.016387	4738	83	0.017518	5078	96	0.018905	972	29	0.029835	1916	46	0.024008	190	19	0.1
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18317665	18533892	2039	69	0.03384	2280	41	0.017982	2489	51	0.02049	243	10	0.041152	679	25	0.036819	2255	62	0.027494	2221	51	0.022963	2226	80	0.035939	453	25	0.055188	945	41	0.043386	36	17	0.472222
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18470350	18533892	46	35	0.76087	22	13	0.590909	59	36	0.610169	21	12	0.571429	21	13	0.619048	54	33	0.611111	56	40	0.714286	46	30	0.652174	21	18	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215819	Nhsl1	chr10	18469807	18533892	46	35	0.76087	22	13	0.590909	59	36	0.610169	21	12	0.571429	21	13	0.619048	54	33	0.611111	56	40	0.714286	46	30	0.652174	21	18	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215890	Clvs2	chr10	33512286	33623400	679	213	0.313697	638	263	0.412226	588	195	0.331633	60	56	0.933333	326	124	0.380368	580	193	0.332759	596	156	0.261745	286	63	0.22028	104	90	0.865385	99	40	0.40404	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 215951	Afg1l	chr10	42312581	42478256	1340	16	0.01194	1297	11	0.008481	1474	6	0.004071	140	0	0	328	12	0.036585	1466	7	0.004775	1069	9	0.008419	1375	9	0.006545	450	5	0.011111	435	0	0	236	0	0
XM_03024 215999	Mcu	chr10	59446984	59617409	1043	5	0.004794	989	9	0.0091	1030	4	0.003883	120	0	0	327	1	0.003058	1020	5	0.004902	1290	9	0.006977	1396	6	0.004298	159	0	0	171	0	0	63	0	0
XM_03024 216080	Ube2d1	chr10	71254980	71285384	4410	29	0.006576	4256	30	0.007049	4655	26	0.005585	725	4	0.005517	1147	3	0.002616	3840	22	0.005729	3772	15	0.003977	3943	23	0.005833	940	1	0.001064	1141	1	0.000876	153	0	0
XM_03024 216131	Trappc10	chr10	78186778	78228845	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216136	Ilvbl	chr10	78574847	78584493	44	39	0.886364	17	14	0.823529	45	40	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	47	36	0.765957	22	15	0.681818	39	35	0.897436	11	9	0.818182	20	17	0.85	20	18	0.9
XM_03024 216136	Ilvbl	chr10	78574850	78582075	44	39	0.886364	17	14	0.823529	45	40	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	47	36	0.765957	22	15	0.681818	39	35	0.897436	11	9	0.818182	20	17	0.85	20	18	0.9
XM_03024 216136	Ilvbl	chr10	78574472	78582075	44	39	0.886364	17	14	0.823529	45	40	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	47	36	0.765957	22	15	0.681818	39	35	0.897436	11	9	0.818182	20	17	0.85	20	18	0.9
XM_03024 216151	Polrmt	chr10	79736127	79746604	1538	38	0.024707	1347	32	0.023756	1219	41	0.033634	608	1	0.001645	584	25	0.042808	1671	42	0.025135	977	57	0.058342	1037	29	0.027965	418	1	0.002392	523	18	0.034417	281	2	0.007117
XM_03024 216152	Plppr3	chr10	79864781	79874958	2151	30	0.013947	2060	26	0.012621	1902	33	0.01735	208	0	0	484	19	0.039256	2314	12	0.005186	1753	34	0.019395	1692	25	0.014775	452	4	0.00885	612	8	0.013072	272	9	0.033088
XM_03024 216156	Wdr18	chr10	79960152	79969247	321	27	0.084112	291	8	0.027491	438	34	0.077626	81	5	0.061728	196	13	0.066327	429	64	0.149184	346	32	0.092486	412	32	0.07767	238	23	0.096639	88	9	0.102273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216161	Sbno2	chr10	80056997	80105671	49	14	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	58	18	0.310345	#N/A	#N/A	#N/A	52	19	0.365385	75	26	0.346667	65	24	0.369231	42	26	0.619048	12	12	1	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216166	Plk5	chr10	80356839	80365489	2666	126	0.047262	2623	115	0.043843	2817	98	0.034789	439	16	0.036446	417	16	0.038369	2748	140	0.050946	2274	67	0.029464	2285	61	0.026696	476	18	0.037815	702	34	0.048433	176	5	0.028409
XM_03024 216169	Abhd17a	chr10	80583650	80587649	1896	1663	0.87711	1783	1602	0.898486	2199	1932	0.878581	413	368	0.891041	472	420	0.889831	2323	1899	0.817477	1886	1523	0.807529	2039	1739	0.852869	761	625	0.821288	681	588	0.863436	312	273	0.875
XM_03024 216177	AU041133	chr10	82138345	82152034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216177	AU041133	chr10	82142045	82152034	46	46	1	56	54	0.964286	51	46	0.901961	#N/A	#N/A	#N/A	59	55	0.932203	71	70	0.985915	66	65	0.984848	36	36	1	12	11	0.916667	12	11	0.916667	10	10	1
XM_03024 216190	Appl2	chr10	83600039	83638924	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216190	Appl2	chr10	83600039	83638924	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216233	Socs2	chr10	95391812	95416706	5064	44	0.008689	5433	19	0.003497	5577	44	0.00789	1142	1	0.000876	1575	9	0.005714	5711	40	0.007004	4524	28	0.006189	5087	48	0.009436	1543	9	0.005833	1651	5	0.003028	345	3	0.008696
XM_03024 216233	Socs2	chr10	95411504	95416706	5064	44	0.008689	5433	19	0.003497	5577	44	0.00789	1142	1	0.000876	1575	9	0.005714	5711	40	0.007004	4524	28	0.006189	5087	48	0.009436	1543	9	0.005833	1651	5	0.003028	345	3	0.008696
XM_03024 216233	Socs2	chr10	95411501	95417305	4583	39	0.00851	5166	15	0.002904	5170	36	0.006963	1142	1	0.000876	1452	9	0.006198	5198	39	0.007503	4061	23	0.005664	4647	47	0.010114	1443	8	0.005544	1529	5	0.00327	345	3	0.008696
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1377	25	0.018155	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1377	25	0.018155	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XM_03024 216345	Zfc3h1	chr10	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216363	Rab3ip	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4255	65	0.015276	4053	48	0.011843	4854	51	0.010507	605	11	0.018182	1075	33	0.030698	4936	57	0.011548	3850	45	0.011688	4593	76	0.016547	1310	19	0.014504	1405	36	0.025623	110	10	0.090909
XM_03024 216395	Rxylt1	chr10	1.22E+08	1.22E+08	1921	11	0.005726	1802	26	0.014428	2352	18	0.007653	351	2	0.005698	766	1	0.001305	1894	5	0.00264	1700	5	0.002941	1617	5	0.003092	593	0	0	726	4	0.00551	456	1	0.002193
XM_03024 216395	Rxylt1	chr10	1.22E+08	1.22E+08	1921	11	0.005726	1802	26	0.014428	2352	18	0.007653	351	2	0.005698	766	1	0.001305	1894	5	0.00264	1700	5	0.002941	1617	5	0.003092	593	0	0	726	4	0.00551	456	1	0.002193
XM_03024 216440	Os9	chr10	1.27E+08	1.27E+08	482	15	0.03112	482	13	0.026971	619	15	0.024233	23	3	0.130435	120	6	0.05	555	33	0.059459	516	14	0.027132	629	7	0.011129	115	5	0.043478	120	5	0.041667	14	0	0
XM_03024 216445	Arhgap9	chr10	1.27E+08	1.27E+08	174	130	0.747126	178	146	0.820225	220	178	0.809091	10	8	0.8	13	12	0.923077	224	169	0.754464	143	121	0.846154	123	98	0.796748	46	34	0.73913	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216445	Arhgap9	chr10	1.27E+08	1.27E+08	174	130	0.747126	178	146	0.820225	220	178	0.809091	10	8	0.8	13	12	0.923077	224	169	0.754464	143	121	0.846154	123	98	0.796748	46	34	0.73913	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216445	Arhgap9	chr10	1.27E+08	1.27E+08	46	29	0.630435	43	31	0.72093	43	33	0.767442	10	8	0.8	29	18	0.62069	41	27	0.658537	28	18	0.642857	38	14	0.368421	25	22	0.88	29	22	0.758621	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21665	Tdg	chr10	82629814	82650285	1469	9	0.006127	887	5	0.005637	1014	7	0.006903	287	0	0	556	10	0.017986	1438	9	0.006259	1089	4	0.003673	1043	5	0.004794	165	3	0.018182	667	0	0	132	0	0
XM_03024 21853	Timeless	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21853	Timeless	chr10	1.28E+08	1.28E+08	1315	159	0.120913	1085	146	0.134562	1247	124	0.099439	136	9	0.066176	414	19	0.045894	1330	145	0.109023	1024	97	0.094727	1112	106	0.095324	456	37	0.08114	591	84	0.142132	43	12	0.27907
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590703	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590703	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590473	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81577332	81590703	657	22	0.033486	508	12	0.023622	585	9	0.015385	64	1	0.015625	203	1	0.004926	690	22	0.031884	549	11	0.020036	574	17	0.029617	131	1	0.007634	129	1	0.007752	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590473	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590473	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590473	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575262	81590703	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575262	81590473	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21886	Tle2	chr10	81575116	81590473	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XM_03024 21917	Tmpo	chr10	91147571	91181752	428	29	0.067757	313	10	0.031949	314	10	0.031847	46	5	0.108696	349	17	0.048711	1025	51	0.049756	330	19	0.057576	344	17	0.049419	213	3	0.014085	296	8	0.027027	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21987	Tpd52l1	chr10	31332373	31445987	1925	18	0.009351	1611	14	0.00869	2064	23	0.011143	475	1	0.002105	641	3	0.00468	1747	30	0.017172	1652	25	0.015133	1551	12	0.007737	657	2	0.003044	691	9	0.013025	164	1	0.006098
XM_03024 21987	Tpd52l1	chr10	31332373	31445986	1925	18	0.009351	1611	14	0.00869	2064	23	0.011143	475	1	0.002105	641	3	0.00468	1747	30	0.017172	1652	25	0.015133	1551	12	0.007737	657	2	0.003044	691	9	0.013025	164	1	0.006098
XM_03024 21987	Tpd52l1	chr10	31332373	31445985	1925	18	0.009351	1611	14	0.00869	2064	23	0.011143	475	1	0.002105	641	3	0.00468	1747	30	0.017172	1652	25	0.015133	1551	12	0.007737	657	2	0.003044	691	9	0.013025	164	1	0.006098
XM_03024 22025	Nr2c1	chr10	94147603	94195686	1241	53	0.042707	1262	88	0.069731	1340	94	0.070149	223	19	0.085202	222	19	0.085586	1203	71	0.059019	1371	71	0.051787	1524	79	0.051837	362	17	0.046961	254	16	0.062992	305	1	0.003279
XM_03024 22288	Utrn	chr10	12382187	12868645	3735	12	0.003213	3779	18	0.004763	3951	32	0.008099	411	1	0.002433	1391	3	0.002157	4396	24	0.00546	3554	22	0.00619	3829	25	0.006529	936	2	0.002137	1238	5	0.004039	306	1	0.003268
XM_03024 22288	Utrn	chr10	12382187	12868317	3735	12	0.003213	3779	18	0.004763	3951	32	0.008099	411	1	0.002433	1427	3	0.002102	4396	24	0.00546	3554	22	0.00619	3829	25	0.006529	966	3	0.003106	1238	5	0.004039	306	1	0.003268
XM_03024 22288	Utrn	chr10	12382187	12612647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22295	Cdh23	chr10	60302748	60686970	4567	134	0.029341	3753	92	0.024514	4559	96	0.021057	757	21	0.027741	1542	40	0.02594	4645	172	0.037029	3824	105	0.027458	3720	100	0.026882	1278	48	0.037559	1670	78	0.046707	451	7	0.015521
XM_03024 22353	Vip	chr10	5639193	5647617	168	11	0.065476	122	6	0.04918	156	16	0.102564	20	3	0.15	95	15	0.157895	160	16	0.1	154	10	0.064935	134	25	0.186567	32	1	0.03125	93	7	0.075269	28	8	0.285714
XM_03024 22353	Vip	chr10	5639193	5647617	168	11	0.065476	122	6	0.04918	156	16	0.102564	20	3	0.15	95	15	0.157895	160	16	0.1	154	10	0.064935	134	25	0.186567	32	1	0.03125	93	7	0.075269	28	8	0.285714
XM_03024 22364	Vpreb3	chr10	75943024	75949648	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22364	Vpreb3	chr10	75943024	75949648	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22781	Ikzf4	chr10	1.29E+08	1.29E+08	315	53	0.168254	20	10	0.5	175	31	0.177143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	344	58	0.168605	332	48	0.144578	186	41	0.22043	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22781	Ikzf4	chr10	1.29E+08	1.29E+08	315	53	0.168254	20	10	0.5	175	31	0.177143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	344	58	0.168605	332	48	0.144578	186	41	0.22043	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22781	Ikzf4	chr10	1.29E+08	1.29E+08	1128	302	0.26773	1213	257	0.211871	1225	291	0.237551	231	96	0.415584	422	130	0.308057	1326	390	0.294118	1056	228	0.215909	1344	300	0.223214	420	103	0.245238	557	133	0.238779	30	29	0.966667
XM_03024 22781	Ikzf4	chr10	1.29E+08	1.29E+08	1128	302	0.26773	1213	257	0.211871	1225	291	0.237551	231	96	0.415584	422	130	0.308057	1326	390	0.294118	1056	228	0.215909	1344	300	0.223214	420	103	0.245238	557	133	0.238779	30	29	0.966667
XM_03024 22781	Ikzf4	chr10	1.29E+08	1.29E+08	315	53	0.168254	20	10	0.5	175	31	0.177143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	344	58	0.168605	332	48	0.144578	186	41	0.22043	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 101055758	Gm7592	chr1	85534523	85552170	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237256	Zc3h12d	chr10	7861910	7870397	114	110	0.964912	134	126	0.940299	150	140	0.933333	50	46	0.92	90	86	0.955556	130	124	0.953846	162	145	0.895062	140	130	0.928571	39	38	0.974359	72	67	0.930556	20	16	0.8
XM_03024 237339	L3mbtl3	chr10	26274461	26375716	3022	175	0.057909	3059	216	0.070611	3858	220	0.057024	534	0	0	757	60	0.07926	3214	156	0.048538	2806	164	0.058446	2911	180	0.061834	874	57	0.065217	718	58	0.08078	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237339	L3mbtl3	chr10	26274461	26376036	2995	175	0.058431	3029	216	0.071311	3820	220	0.057592	534	0	0	744	59	0.079301	3111	156	0.050145	2715	164	0.060405	2886	180	0.06237	874	57	0.065217	700	57	0.081429	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237339	L3mbtl3	chr10	26274461	26375719	3022	175	0.057909	3059	216	0.070611	3858	220	0.057024	534	0	0	757	60	0.07926	3214	156	0.048538	2806	164	0.058446	2911	180	0.061834	874	57	0.065217	718	58	0.08078	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237459	Cdk17	chr10	93206992	93246920	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237459	Cdk17	chr10	93161111	93241343	4852	44	0.009068	4599	29	0.006306	5202	31	0.005959	563	2	0.003552	1062	6	0.00565	4966	60	0.012082	4489	37	0.008242	5326	63	0.011829	729	2	0.002743	934	2	0.002141	387	1	0.002584
XM_03024 237459	Cdk17	chr10	93161116	93246924	4852	44	0.009068	4599	29	0.006306	5202	31	0.005959	563	2	0.003552	1062	6	0.00565	4966	60	0.012082	4489	37	0.008242	5326	63	0.011829	729	2	0.002743	934	2	0.002141	387	1	0.002584
XM_03024 237542	Osbpl8	chr10	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23887	Ggt5	chr10	75589327	75615191	330	132	0.4	217	156	0.718894	222	130	0.585586	105	41	0.390476	48	22	0.458333	398	148	0.371859	249	118	0.473896	291	86	0.295533	124	62	0.5	125	55	0.44	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23924	Katna1	chr10	7725990	7763149	384	94	0.244792	349	63	0.180516	338	67	0.198225	39	25	0.641026	263	37	0.140684	322	85	0.263975	195	45	0.230769	340	62	0.182353	135	27	0.2	171	29	0.169591	23	20	0.869565
XM_03024 258224	Olfr1358	chr10	78498183	78520566	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65
XM_03024 268288	Samd3	chr10	26229758	26272916	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268288	Samd3	chr10	26229626	26260806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268297	Scml4	chr10	42924053	42960360	147	137	0.931973	76	70	0.921053	122	115	0.942623	49	44	0.897959	28	24	0.857143	152	134	0.881579	134	101	0.753731	98	73	0.744898	46	32	0.695652	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268345	Kcnc2	chr10	1.12E+08	1.12E+08	591	13	0.021997	380	13	0.034211	357	16	0.044818	#N/A	#N/A	#N/A	705	22	0.031206	519	44	0.084778	253	14	0.055336	352	23	0.065341	213	11	0.051643	154	12	0.077922	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268354	Tafa2	chr10	1.23E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	57	48	0.842105	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86075102	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86209547	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86198765	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86129281	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86262889	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86198777	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27204	Syn3	chr10	86312112	86493215	49	47	0.959184	16	16	1	37	37	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	46	43	0.934783	42	38	0.904762	42	34	0.809524	30	28	0.933333	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27400	Hsd17b6	chr10	1.28E+08	1.28E+08	19	18	0.947368	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	28	22	0.785714	11	10	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27400	Hsd17b6	chr10	1.28E+08	1.28E+08	19	18	0.947368	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	28	22	0.785714	11	10	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27400	Hsd17b6	chr10	1.28E+08	1.28E+08	19	18	0.947368	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	28	22	0.785714	11	10	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27400	Hsd17b6	chr10	1.28E+08	1.28E+08	19	18	0.947368	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	28	22	0.785714	11	10	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27400	Hsd17b6	chr10	1.28E+08	1.28E+08	19	18	0.947368	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	28	22	0.785714	11	10	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 28169	Agpat3	chr10	78269174	78298317	458	100	0.218341	357	100	0.280112	352	94	0.267045	77	18	0.233766	166	30	0.180723	503	73	0.145129	412	68	0.165049	384	66	0.171875	122	42	0.344262	153	42	0.27451	68	41	0.602941
XM_03024 28240	Trpm2	chr10	77908916	77932900	86	80	0.930233	75	71	0.946667	124	106	0.854839	32	31	0.96875	44	39	0.886364	150	128	0.853333	114	89	0.780702	98	81	0.826531	30	26	0.866667	36	28	0.777778	22	16	0.727273
XM_03024 28240	Trpm2	chr10	77908916	77932903	86	80	0.930233	75	71	0.946667	124	106	0.854839	32	31	0.96875	44	39	0.886364	150	128	0.853333	114	89	0.780702	98	81	0.826531	30	26	0.866667	36	28	0.777778	22	16	0.727273
XM_03024 319277	Washc4	chr10	83543952	83596384	2146	8	0.003728	1522	6	0.003942	2177	9	0.004134	210	0	0	972	4	0.004115	2062	8	0.00388	2187	14	0.006401	1556	19	0.012211	674	0	0	771	6	0.007782	279	1	0.003584
XM_03024 319277	Washc4	chr10	83560541	83596384	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319415	Hs3st5	chr10	36506590	36834397	1832	45	0.024563	1907	37	0.019402	2287	44	0.019239	321	4	0.012461	741	21	0.02834	1926	109	0.056594	1730	110	0.063584	1432	115	0.080307	568	31	0.054577	858	114	0.132867	461	60	0.130152
XM_03024 319468	Ppm1h	chr10	1.23E+08	1.23E+08	2753	69	0.025064	3056	75	0.024542	3263	72	0.022066	407	16	0.039312	990	16	0.016162	3127	113	0.036137	2590	85	0.032819	3043	91	0.029905	962	13	0.013514	1069	29	0.027128	325	15	0.046154
XM_03024 319586	Celf5	chr10	81459227	81473271	1448	557	0.384669	1393	526	0.377602	1464	546	0.372951	314	144	0.458599	586	205	0.349829	1427	485	0.339874	1368	390	0.285088	1255	453	0.360956	437	140	0.320366	703	203	0.288762	161	82	0.509317
XM_03024 319880	Tmcc3	chr10	94311682	94590954	887	26	0.029312	1052	41	0.038973	1129	31	0.027458	156	8	0.051282	291	4	0.013746	978	51	0.052147	929	44	0.047363	997	34	0.034102	169	10	0.059172	220	10	0.045455	60	6	0.1
XM_03024 319880	Tmcc3	chr10	94408893	94590954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320091	Ano4	chr10	88948935	89257448	388	42	0.108247	295	36	0.122034	414	32	0.077295	94	11	0.117021	199	43	0.21608	475	54	0.113684	453	21	0.046358	370	21	0.056757	127	15	0.11811	171	38	0.222222	40	2	0.05
XM_03024 320091	Ano4	chr10	88948935	89257504	388	42	0.108247	295	36	0.122034	414	32	0.077295	94	11	0.117021	199	43	0.21608	475	54	0.113684	453	21	0.046358	370	21	0.056757	127	15	0.11811	171	38	0.222222	40	2	0.05
XM_03024 320150	Zdhhc17	chr10	1.11E+08	1.11E+08	4315	39	0.009038	4388	29	0.006609	4467	30	0.006716	475	1	0.002105	987	2	0.002026	4783	32	0.00669	4736	36	0.007601	4830	42	0.008696	965	0	0	910	4	0.004396	351	3	0.008547
XM_03024 320495	Ipcef1	chr10	6885779	6980563	555	286	0.515315	574	340	0.592334	695	360	0.517986	192	106	0.552083	279	121	0.433692	746	264	0.353887	590	208	0.352542	533	187	0.350844	281	64	0.227758	213	106	0.497653	91	46	0.505495
XM_03024 327743	Ccn6	chr10	39150970	39173492	62	35	0.564516	#N/A	#N/A	#N/A	72	20	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	42	0.777778	75	38	0.506667	52	35	0.673077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327743	Ccn6	chr10	39150970	39174376	62	35	0.564516	#N/A	#N/A	#N/A	72	20	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	42	0.777778	75	38	0.506667	52	35	0.673077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327743	Ccn6	chr10	39150970	39173491	62	35	0.564516	#N/A	#N/A	#N/A	72	20	0.277778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	42	0.777778	75	38	0.506667	52	35	0.673077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327747	Mettl24	chr10	40682445	40812733	1306	12	0.009188	1249	41	0.032826	1291	19	0.014717	160	1	0.00625	452	10	0.022124	1149	24	0.020888	1091	14	0.012832	903	17	0.018826	372	43	0.115591	341	26	0.076246	52	3	0.057692
XM_03024 327747	Mettl24	chr10	40741712	40811086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327747	Mettl24	chr10	40682445	40811086	1306	12	0.009188	1249	41	0.032826	1291	19	0.014717	160	1	0.00625	452	10	0.022124	1149	24	0.020888	1091	14	0.012832	903	17	0.018826	372	43	0.115591	341	26	0.076246	52	3	0.057692
XM_03024 327747	Mettl24	chr10	40737004	40811086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327799	Usp44	chr10	93833780	93859425	3990	93	0.023308	4271	90	0.021072	4453	88	0.019762	587	21	0.035775	1597	41	0.025673	3986	67	0.016809	3328	88	0.026442	3443	137	0.039791	1297	32	0.024672	1486	73	0.049125	422	14	0.033175
XM_03024 327799	Usp44	chr10	93833834	93859425	3990	93	0.023308	4271	90	0.021072	4453	88	0.019762	587	21	0.035775	1597	41	0.025673	3986	67	0.016809	3328	88	0.026442	3443	137	0.039791	1297	32	0.024672	1486	73	0.049125	422	14	0.033175
XM_03024 327799	Usp44	chr10	93819985	93849006	49	12	0.244898	11	0	0	15	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	36	3	0.083333	60	20	0.333333	37	3	0.081081	11	0	0	13	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.06E+08	1.07E+08	774	26	0.033592	877	33	0.037628	956	42	0.043933	277	17	0.061372	436	26	0.059633	745	43	0.057718	652	52	0.079755	678	41	0.060472	255	11	0.043137	366	19	0.051913	209	27	0.129187
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.06E+08	1.07E+08	774	26	0.033592	877	33	0.037628	956	42	0.043933	277	17	0.061372	436	26	0.059633	745	43	0.057718	652	52	0.079755	678	41	0.060472	255	11	0.043137	366	19	0.051913	209	27	0.129187
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.06E+08	1.07E+08	774	26	0.033592	877	33	0.037628	956	42	0.043933	277	17	0.061372	436	26	0.059633	745	43	0.057718	652	52	0.079755	678	41	0.060472	255	11	0.043137	366	19	0.051913	209	27	0.129187
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.06E+08	1.07E+08	774	26	0.033592	877	33	0.037628	956	42	0.043933	277	17	0.061372	436	26	0.059633	745	43	0.057718	652	52	0.079755	678	41	0.060472	255	11	0.043137	366	19	0.051913	209	27	0.129187
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.06E+08	1.07E+08	774	26	0.033592	877	33	0.037628	956	42	0.043933	277	17	0.061372	436	26	0.059633	745	43	0.057718	652	52	0.079755	678	41	0.060472	255	11	0.043137	366	19	0.051913	209	27	0.129187
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.06E+08	1.07E+08	774	26	0.033592	877	33	0.037628	956	42	0.043933	277	17	0.061372	436	26	0.059633	745	43	0.057718	652	52	0.079755	678	41	0.060472	255	11	0.043137	366	19	0.051913	209	27	0.129187
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 327814	Ppfia2	chr10	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 331623	Bend3	chr10	43479134	43515412	5305	35	0.006598	5130	39	0.007602	5505	42	0.007629	558	0	0	1025	1	0.000976	6055	49	0.008092	5098	26	0.0051	4901	18	0.003673	1069	15	0.014032	1226	2	0.001631	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 331623	Bend3	chr10	43492314	43515414	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 333670	Gm867	chr10	75937719	75940667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 333670	Gm867	chr10	75939388	75940667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 380654	Cfap54	chr10	92775612	93083102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 380660	Acss3	chr10	1.07E+08	1.07E+08	350	11	0.031429	380	6	0.015789	410	7	0.017073	93	0	0	152	5	0.032895	365	13	0.035616	323	6	0.018576	365	4	0.010959	147	4	0.027211	140	7	0.05	61	4	0.065574
XM_03024 380669	Lin28b	chr10	45376619	45486312	5028	114	0.022673	4678	74	0.015819	5238	78	0.014891	531	12	0.022599	1387	38	0.027397	4270	191	0.044731	4451	167	0.03752	3813	139	0.036454	1307	63	0.048202	1840	175	0.095109	461	46	0.099783

XM_03024 382427	Best3	chr10	1.17E+08	1.17E+08	355	272	0.766197	318	241	0.757862	403	278	0.689826	57	43	0.754386	179	129	0.72067	326	281	0.861963	281	224	0.797153	275	223	0.810909	154	125	0.811688	127	113	0.889764	107	93	0.869159
XM_03024 407790	Ndufa4l2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	2078	82	0.039461	1753	53	0.030234	1993	40	0.02007	591	70	0.118443	764	56	0.073298	2245	103	0.04588	1676	81	0.048329	1640	46	0.028049	562	17	0.030249	715	21	0.029371	201	6	0.029851
XM_03024 408062	Zfp873	chr10	82048098	82065157	784	9	0.01148	765	8	0.010458	944	12	0.012712	175	0	0	378	1	0.002646	740	14	0.018919	665	30	0.045113	785	11	0.014013	270	4	0.014815	292	8	0.027397	103	1	0.009709
XM_03024 432442	Akap7	chr10	25169090	25298223	496	484	0.975806	318	305	0.959119	483	466	0.964803	130	128	0.984615	196	190	0.969388	562	543	0.966192	419	392	0.935561	317	294	0.927445	152	136	0.894737	46	41	0.891304	98	94	0.959184
XM_03024 432442	Akap7	chr10	25169090	25299126	496	484	0.975806	318	305	0.959119	483	466	0.964803	130	128	0.984615	196	190	0.969388	562	543	0.966192	419	392	0.935561	317	294	0.927445	152	136	0.894737	46	41	0.891304	98	94	0.959184
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023889	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023889	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023726	3848	32	0.008316	3707	41	0.01106	3809	12	0.00315	619	2	0.003231	1095	1	0.000913	4395	25	0.005688	3794	9	0.002372	3981	20	0.005024	1241	0	0	1267	2	0.001579	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023683	3848	32	0.008316	3707	41	0.01106	3809	12	0.00315	619	2	0.003231	1095	1	0.000913	4395	25	0.005688	3794	9	0.002372	3991	20	0.005011	1241	0	0	1267	2	0.001579	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023651	3848	32	0.008316	3707	41	0.01106	3809	12	0.00315	619	2	0.003231	1095	1	0.000913	4395	25	0.005688	3794	9	0.002372	3991	20	0.005011	1241	0	0	1267	2	0.001579	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023976	3770	31	0.008223	3619	39	0.010776	3711	12	0.003234	590	1	0.001695	1036	1	0.000965	4299	24	0.005583	3698	9	0.002434	3874	20	0.005163	1182	0	0	1219	2	0.001641	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023957	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023889	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023962	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023889	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023911	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63020300	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	37	14	0.378378	43	10	0.232558	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 432467	Hnrnph3	chr10	63015424	63023892	3809	32	0.008401	3660	41	0.011202	3750	12	0.0032	619	2	0.003231	1065	1	0.000939	4331	25	0.005772	3739	9	0.002407	3911	20	0.005114	1194	0	0	1249	2	0.001601	231	0	0
XM_03024 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_03024 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_03024 432508	Cpsf6	chr10	1.17E+08	1.17E+08	4875	65	0.013333	5202	76	0.01461	5257	116	0.022066	363	1	0.002755	1264	25	0.019778	4379	43	0.00982	4171	47	0.011268	4341	62	0.014282	921	18	0.019544	1450	25	0.017241	261	0	0
XM_03024 52463	Tet1	chr10	62812371	62868954	52	47	0.903846	36	30	0.833333	56	46	0.821429	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	81	72	0.888889	76	59	0.776316	66	56	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 52463	Tet1	chr10	62808165	62868954	52	47	0.903846	36	30	0.833333	56	46	0.821429	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	81	72	0.888889	76	59	0.776316	66	56	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 52551	Sgta	chr10	81044071	81060168	307	110	0.358306	216	139	0.643519	281	152	0.540925	103	0	0	128	0	0	258	68	0.263566	322	119	0.369565	330	146	0.442424	113	46	0.40708	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 52666	Arhgef25	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1396	242	0.173352	1304	231	0.177147	1597	238	0.149029	123	11	0.089431	213	34	0.159624	1433	285	0.198883	1522	263	0.172799	1469	339	0.230769	199	20	0.100503	399	78	0.195489	21	1	0.047619
XM_03024 53605	Nap1l1	chr10	1.11E+08	1.11E+08	4202	38	0.009043	3853	27	0.007008	4683	38	0.008114	325	1	0.003077	1305	6	0.004598	4145	40	0.00965	4223	21	0.004973	4263	27	0.006334	1364	4	0.002933	784	6	0.007653	120	0	0
XM_03024 53605	Nap1l1	chr10	1.11E+08	1.11E+08	4202	38	0.009043	3853	27	0.007008	4683	38	0.008114	325	1	0.003077	1305	6	0.004598	4145	40	0.00965	4223	21	0.004973	4263	27	0.006334	1364	4	0.002933	784	6	0.007653	120	0	0
XM_03024 54712	Plxnc1	chr10	94793376	94945015	5076	104	0.020489	6013	127	0.021121	6597	136	0.020615	1027	14	0.013632	1410	22	0.015603	6070	117	0.019275	5106	102	0.019976	5830	109	0.018696	1616	34	0.02104	1761	48	0.027257	576	6	0.010417
XM_03024 56200	Ddx21	chr10	62580247	62602292	1126	35	0.031083	843	29	0.034401	845	7	0.008284	66	1	0.015152	424	32	0.075472	1059	7	0.00661	1096	13	0.011861	1109	10	0.009017	212	0	0	298	3	0.010067	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56422	Hbs1l	chr10	21296017	21368889	1892	5	0.002643	1724	8	0.00464	1892	10	0.005285	419	3	0.00716	722	9	0.012465	1789	11	0.006149	1812	11	0.006071	1564	11	0.007033	552	4	0.007246	740	2	0.002703	257	1	0.003891
XM_03024 56422	Hbs1l	chr10	21296017	21368889	1892	5	0.002643	1724	8	0.00464	1892	10	0.005285	419	3	0.00716	722	9	0.012465	1789	11	0.006149	1812	11	0.006071	1564	11	0.007033	552	4	0.007246	740	2	0.002703	257	1	0.003891
XM_03024 56530	Cnpy2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	578	93	0.1609	481	38	0.079002	448	36	0.080357	126	1	0.007937	151	8	0.05298	604	71	0.11755	497	20	0.040241	331	19	0.057402	169	4	0.023669	115	8	0.069565	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 56533	Rgs17	chr10	5825787	5922183	1459	20	0.013708	1654	19	0.011487	1558	12	0.007702	186	2	0.010753	388	10	0.025773	1384	35	0.025289	1248	28	0.022436	1343	38	0.028295	268	5	0.018657	441	33	0.07483	135	6	0.044444
XM_03024 59090	Midn	chr10	80149046	80158368	4812	24	0.004988	4467	34	0.007611	5091	19	0.003732	615	2	0.003252	1593	6	0.003766	6453	52	0.008058	5462	45	0.008239	5917	30	0.00507	1176	8	0.006803	2068	6	0.002901	368	1	0.002717
XM_03024 59090	Midn	chr10	80150611	80158368	4967	30	0.00604	5077	35	0.006894	5250	24	0.004571	477	1	0.002096	1452	3	0.002066	6907	49	0.007094	5982	38	0.006352	6848	33	0.004819	1068	4	0.003745	1873	7	0.003737	334	1	0.002994
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961951	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961951	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961951	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961950	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76905871	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	52	40	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	48	38	0.791667	54	45	0.833333	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961950	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961951	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961950	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961950	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 59093	Pcbp3	chr10	76761854	76961950	1848	136	0.073593	1263	92	0.072842	1503	120	0.07984	84	7	0.083333	464	63	0.135776	2199	178	0.080946	1750	136	0.077714	1477	131	0.088693	470	30	0.06383	537	63	0.117318	127	29	0.228346
XM_03024 627488	Gm6763	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 633979	Ak9	chr10	41303438	41359041	330	22	0.066667	386	14	0.036269	435	20	0.045977	28	0	0	136	2	0.014706	366	18	0.04918	341	12	0.035191	367	10	0.027248	76	10	0.131579	188	5	0.026596	50	0	0
XM_03024 637578	Gm20765	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 64009	Syne1	chr10	5020203	5488250	11	8	0.727273	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	59	50	0.847458	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 64009	Syne1	chr10	5020203	5488313	11	8	0.727273	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	59	50	0.847458	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 64009	Syne1	chr10	5020203	5488314	11	8	0.727273	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	59	50	0.847458	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 64009	Syne1	chr10	5020203	5161540	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 64009	Syne1	chr10	5020203	5068931	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 64451	Dip2a	chr10	76285522	76345280	3442	20	0.005811	3338	25	0.00749	3561	31	0.008705	251	0	0	824	12	0.014563	3453	23	0.006661	3107	25	0.008046	3253	30	0.009222	836	3	0.003589	1070	13	0.01215	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66043	Atp5d	chr10	80141430	80145814	827	1	0.001209	405	0	0	560	5	0.008929	166	0	0	54	0	0	1040	3	0.002885	790	5	0.006329	717	1	0.001395	110	2	0.018182	290	39	0.134483	135	0	0
XM_03024 66043	Atp5d	chr10	80141416	80145814	894	1	0.001119	445	0	0	606	5	0.008251	166	0	0	54	0	0	1117	3	0.002686	836	5	0.005981	763	3	0.003932	110	2	0.018182	318	39	0.122642	135	0	0
XM_03024 66043	Atp5d	chr10	80138768	80145814	4399	24	0.005456	3988	19	0.004764	4032	12	0.002976	637	2	0.00314	1066	1	0.000938	4987	32	0.006417	4039	23	0.005694	4306	34	0.007896	733	4	0.005457	1538	9	0.005852	334	1	0.002994
XM_03024 66043	Atp5d	chr10	80138768	80145814	4399	24	0.005456	3988	19	0.004764	4032	12	0.002976	637	2	0.00314	1066	1	0.000938	4987	32	0.006417	4039	23	0.005694	4306	34	0.007896	733	4	0.005457	1538	9	0.005852	334	1	0.002994
XM_03024 66043	Atp5d	chr10	80141462	80145814	683	1	0.001464	287	0	0	425	4	0.009412	166	0	0	54	0	0	871	3	0.003444	677	5	0.007386	581	0	0	90	2	0.022222	220	39	0.177273	135	0	0
XM_03024 66253	Aig1	chr10	13647054	13869033	2435	33	0.013552	2529	49	0.019375	2351	35	0.014887	566	2	0.003534	960	26	0.027083	2368	30	0.012669	2348	27	0.011499	2517	32	0.012714	524	3	0.005725	810	14	0.017284	210	2	0.009524
XM_03024 66253	Aig1	chr10	13652707	13869038	2435	33	0.013552	2529	49	0.019375	2351	35	0.014887	566	2	0.003534	960	26	0.027083	2368	30	0.012669	2348	27	0.011499	2517	32	0.012714	524	3	0.005725	810	14	0.017284	210	2	0.009524
XM_03024 66253	Aig1	chr10	13652707	13811313	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66253	Aig1	chr10	13855127	13869034	2435	33	0.013552	2529	49	0.019375	2351	35	0.014887	566	2	0.003534	960	26	0.027083	2368	30	0.012669	2348	27	0.011499	2517	32	0.012714	524	3	0.005725	810	14	0.017284	210	2	0.009524
XM_03024 66605	1700017N	chr10	1.01E+08	1.01E+08	745	3	0.004027	860	6	0.006977	991	9	0.009082	38	0	0	475	0	0	984	5	0.005081	940	3	0.003191	839	8	0.009535	275	1	0.003636	289	1	0.00346	80	1	0.0125
XM_03024 66686	Dcbld1	chr10	52233590	52321378	2732	28	0.010249	2525	20	0.007921	2942	30	0.010197	230	1	0.004348	1050	4	0.00381	2458	20	0.008137	2445	20	0.00818	2594	17	0.006554	588	1	0.001701	645	5	0.007752	36	0	0
XM_03024 66686	Dcbld1	chr10	52233590	52321378	2732	28	0.010249	2525	20	0.007921	2942	30	0.010197	230	1	0.004348	1050	4	0.00381	2458	20	0.008137	2445	20	0.00818	2594	17	0.006554	588	1	0.001701	645	5	0.007752	36	0	0
XM_03024 667692	Gm8764	chr10	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67019	Actr6	chr10	89711966	89732301	#N/A	#N/A	#N/A	60	2	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	104	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67019	Actr6	chr10	89711966	89732300	#N/A	#N/A	#N/A	60	2	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	104	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 670558	H60c	chr10	3256202	3268090	149	128	0.85906	145	111	0.765517	114	91	0.798246	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	78	69	0.884615	100	66	0.66	158	117	0.740506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 670558	H60c	chr10	3256202	3268091	149	128	0.85906	145	111	0.765517	114	91	0.798246	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	78	69	0.884615	100	66	0.66	158	117	0.740506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67074	Mon2	chr10	1.23E+08	1.23E+08	24	21	0.875	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	59	54	0.915254	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67112	Fgf22	chr10	79755051	79757795	569	27	0.047452	1007	30	0.029791	759	40	0.052701	174	10	0.057471	330	23	0.069697	867	52	0.059977	843	32	0.03796	951	46	0.04837	208	11	0.052885	330	38	0.115152	140	0	0
XM_03024 67125	Tspan31	chr10	1.27E+08	1.27E+08	421	25	0.059382	518	17	0.032819	446	31	0.069507	32	13	0.40625	179	40	0.223464	469	21	0.044776	317	10	0.031546	544	37	0.068015	101	9	0.089109	95	18	0.189474	93	25	0.268817
XM_03024 67125	Tspan31	chr10	1.27E+08	1.27E+08	526	26	0.04943	627	17	0.027113	582	32	0.054983	32	13	0.40625	179	40	0.223464	606	21	0.034653	426	10	0.023474	681	37	0.054332	145	9	0.062069	130	18	0.138462	93	25	0.268817
XM_03024 67226	Tmem19	chr10	1.15E+08	1.15E+08	1001	7	0.006993	1001	6	0.005994	1087	4	0.00368	201	2	0.00995	225	1	0.004444	994	5	0.00503	1120	11	0.009821	913	6	0.006572	413	0	0	448	1	0.002232	186	0	0
XM_03024 67282	Washc3	chr10	88201100	88225362	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XM_03024 67345	Herc4	chr10	63244073	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XM_03024 67345	Herc4	chr10	63244073	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XM_03024 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67569	Mgat4c	chr10	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67596	Tespa1	chr10	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67851	Mtres1	chr10	43525133	43540939	1205	3	0.00249	1018	5	0.004912	1321	6	0.004542	187	2	0.010695	495	2	0.00404	1115	10	0.008969	816	2	0.002451	1299	2	0.00154	325	2	0.006154	392	1	0.002551	72	1	0.013889
XM_03024 67884	Cfap410	chr10	77978614	77985438	2935	128	0.043612	2475	125	0.050505	2768	118	0.04263	512	14	0.027344	1233	64	0.051906	3099	129	0.041626	2498	81	0.032426	2637	80	0.030338	749	46	0.061415	1221	63	0.051597	409	3	0.007335
XM_03024 67933	Hcfc2	chr10	82699012	82795865	4010	25	0.006234	3519	13	0.003694	3605	23	0.00638	823	0	0	1384	3	0.002168	4483	74	0.016507	3230	48	0.014861	3614	45	0.012452	1232	14	0.011364	1571	30	0.019096	736	2	0.002717
XM_03024 67933	Hcfc2	chr10	82699012	82758262	4010	25	0.006234	3519	13	0.003694	3605	23	0.00638	823	0	0	1384	3	0.002168	4483	74	0.016507	3230	48	0.014861	3614	45	0.012452	1232	14	0.011364	1571	30	0.019096	736	2	0.002717
XM_03024 67933	Hcfc2	chr10	82699012	82754997	4010	25	0.006234	3519	13	0.003694	3605	23	0.00638	823	0	0	1384	3	0.002168	4483	74	0.016507	3230	48	0.014861	3614	45	0.012452	1232	14	0.011364	1571	30	0.019096	736	2	0.002717
XM_03024 67972	Atp2b1	chr10	98940440	99025587	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68094	Smarcc2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	5388	33	0.006125	5375	27	0.005023	5576	44	0.007891	715	2	0.002797	1520	11	0.007237	5111	33	0.006457	4431	22	0.004965	5552	44	0.007925	1145	3	0.00262	1770	9	0.005085	190	2	0.010526
XM_03024 68114	Pwwp3a	chr10	80226431	80244032	1216	5	0.004112	948	13	0.013713	1034	16	0.015474	160	0	0	363	1	0.002755	1272	4	0.003145	1050	11	0.010476	1020	7	0.006863	338	1	0.002959	475	4	0.008421	89	0	0
XM_03024 68652	Tab2	chr10	7905653	7955420	7626	40	0.005245	7884	56	0.007103	8159	49	0.006006	912	4	0.004386	2072	7	0.003378	7970	61	0.007654	7890	47	0.005957	8485	42	0.00495	1838	7	0.003808	1428	7	0.004902	462	1	0.002165
XM_03024 68778	Gucd1	chr10	75506820	75517329	2149	81	0.037692	1870	48	0.025668	2056	70	0.034047	309	20	0.064725	451	20	0.044346	2505	110	0.043912	2129	55	0.025834	2547	101	0.039654	419	15	0.0358	765	21	0.027451	113	7	0.061947
XM_03024 68778	Gucd1	chr10	75506822	75517829	2407	291	0.120897	2094	224	0.106972	2396	336	0.140234	379	90	0.237467	601	155	0.257903	2857	406	0.142107	2395	291	0.121503	2805	314	0.111943	543	115	0.211786	903	144	0.159468	203	75	0.369458
XM_03024 69090	Ascc1	chr10	60003231	60099986	1086	195	0.179558	1169	168	0.143713	1147	194	0.169137	293	61	0.208191	506	84	0.166008	1262	230	0.18225	876	97	0.110731	1115	220	0.197309	382	96	0.251309	434	102	0.235023	90	0	0
XM_03024 69692	Hddc2	chr10	31313330	31328204	1697	26	0.015321	1454	11	0.007565	1917	15	0.007825	248	1	0.004032	489	32	0.06544	1632	9	0.005515	1844	26	0.0141	1695	52	0.030678	370	0	0	656	15	0.022866	159	2	0.012579
XM_03024 69692	Hddc2	chr10	31313330	31326015	1697	26	0.015321	1454	11	0.007565	1917	15	0.007825	248	1	0.004032	489	32	0.06544	1632	9	0.005515	1844	26	0.0141	1695	52	0.030678	370	0	0	656	15	0.022866	159	2	0.012579
XM_03024 69917	Nabp2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	858	43	0.050117	651	57	0.087558	795	68	0.085535	290	22	0.075862	245	20	0.081633	1002	65	0.06487	871	60	0.068886	806	54	0.066998	185	13	0.07027	321	17	0.05296	74	8	0.108108
XM_03024 69917	Nabp2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	574	43	0.074913	454	56	0.123348	524	68	0.129771	187	22	0.117647	148	20	0.135135	619	63	0.101777	640	57	0.089063	537	51	0.094972	126	13	0.103175	253	17	0.067194	62	8	0.129032
XM_03024 70097	Sash1	chr10	8722217	8886480	2919	40	0.013703	2911	48	0.016489	2843	28	0.009849	219	1	0.004566	1303	39	0.029931	3146	32	0.010172	2366	12	0.005072	2699	19	0.00704	899	30	0.03337	1323	2	0.001512	259	1	0.003861
XM_03024 70097	Sash1	chr10	8722217	8945608	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	50	41	0.82	11	5	0.454545	26	20	0.769231	32	23	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70097	Sash1	chr10	8722217	8762631	38	29	0.763158	79	64	0.810127	52	44	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	27	20	0.740741	29	19	0.655172	25	21	0.84	10	6	0.6	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70248	Dazap1	chr10	80261469	80288405	1391	20	0.014378	1278	15	0.011737	1427	25	0.017519	184	8	0.043478	376	6	0.015957	1538	53	0.03446	1339	15	0.011202	1618	19	0.011743	375	5	0.013333	405	3	0.007407	178	3	0.016854
XM_03024 70248	Dazap1	chr10	80261362	80288408	1391	20	0.014378	1266	14	0.011058	1417	20	0.014114	184	8	0.043478	376	6	0.015957	1538	53	0.03446	1339	15	0.011202	1618	19	0.011743	375	5	0.013333	405	3	0.007407	178	3	0.016854
XM_03024 70427	Mier2	chr10	79540245	79555030	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_03024 70427	Mier2	chr10	79540245	79554897	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_03024 70427	Mier2	chr10	79540245	79554884	3794	21	0.005535	3018	34	0.011266	3874	39	0.010067	342	2	0.005848	530	7	0.013208	3689	46	0.01247	3278	33	0.010067	3278	31	0.009457	861	3	0.003484	797	3	0.003764	60	2	0.033333
XM_03024 70503	Ddo	chr10	40631609	40649428	617	410	0.664506	464	300	0.646552	537	361	0.672253	129	75	0.581395	200	152	0.76	589	433	0.735144	456	317	0.695175	488	331	0.678279	237	168	0.708861	252	165	0.654762	147	102	0.693878
XM_03024 70503	Ddo	chr10	40631609	40640036	617	410	0.664506	464	300	0.646552	537	361	0.672253	129	75	0.581395	200	152	0.76	589	433	0.735144	456	317	0.695175	488	331	0.678279	237	168	0.708861	252	165	0.654762	147	102	0.693878
XM_03024 70503	Ddo	chr10	40631609	40645213	617	410	0.664506	464	300	0.646552	537	361	0.672253	129	75	0.581395	200	152	0.76	589	433	0.735144	456	317	0.695175	488	331	0.678279	237	168	0.708861	252	165	0.654762	147	102	0.693878
XM_03024 70503	Ddo	chr10	40631609	40639623	617	410	0.664506	464	300	0.646552	537	361	0.672253	129	75	0.581395	200	152	0.76	589	433	0.735144	456	317	0.695175	488	331	0.678279	237	168	0.708861	252	165	0.654762	147	102	0.693878
XM_03024 70615	Ankrd24	chr10	81629553	81647610	369	15	0.04065	533	10	0.018762	387	12	0.031008	103	8	0.07767	160	7	0.04375	393	13	0.033079	435	11	0.025287	514	10	0.019455	143	5	0.034965	232	15	0.064655	30	0	0
XM_03024 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_03024 70615	Ankrd24	chr10	81640021	81647610	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70615	Ankrd24	chr10	81627821	81647610	1443	534	0.370062	1441	426	0.295628	1329	515	0.387509	272	108	0.397059	587	213	0.362862	1555	523	0.336334	1298	474	0.365177	1597	541	0.33876	360	35	0.097222	669	196	0.292975	127	0	0
XM_03024 70615	Ankrd24	chr10	81632371	81647610	48	47	0.979167	11	10	0.909091	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	61	55	0.901639	22	15	0.681818	11	7	0.636364	13	6	0.461538	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70719	Arhgap45	chr10	80016722	80031470	584	299	0.511986	653	317	0.485452	527	213	0.404175	48	22	0.458333	237	130	0.548523	560	250	0.446429	540	270	0.5	700	265	0.378571	154	70	0.454545	234	101	0.431624	92	35	0.380435
XM_03024 70976	Ccdc105	chr10	78746924	78787802	632	83	0.131329	535	41	0.076636	568	46	0.080986	178	17	0.095506	306	26	0.084967	674	138	0.204748	349	38	0.108883	434	65	0.14977	158	46	0.291139	188	24	0.12766	70	8	0.114286
XM_03024 71137	Rfx4	chr10	84756036	84906157	2272	106	0.046655	1964	76	0.038697	2418	86	0.035567	311	18	0.057878	985	57	0.057868	2311	130	0.056253	2120	64	0.030189	2090	110	0.052632	645	17	0.026357	1197	54	0.045113	180	6	0.033333
XM_03024 71137	Rfx4	chr10	84758188	84906157	1677	109	0.064997	1602	94	0.058677	1848	93	0.050325	315	11	0.034921	829	38	0.045838	1708	158	0.092506	1522	116	0.076216	1413	96	0.067941	715	54	0.075524	828	72	0.086957	132	7	0.05303
XM_03024 71361	Aifm2	chr10	61732935	61738655	137	100	0.729927	126	101	0.801587	119	86	0.722689	13	12	0.923077	11	11	1	184	127	0.690217	107	65	0.607477	94	70	0.744681	13	12	0.923077	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71371	Arid5b	chr10	68092523	68279355	820	0	0	793	3	0.003783	776	6	0.007732	173	2	0.011561	533	2	0.003752	990	8	0.008081	663	3	0.004525	682	2	0.002933	364	3	0.008242	444	0	0	48	0	0
XM_03024 71371	Arid5b	chr10	68092523	68278761	876	0	0	873	3	0.003436	886	7	0.007901	195	2	0.010256	557	2	0.003591	1130	11	0.009735	730	3	0.00411	768	2	0.002604	386	3	0.007772	474	0	0	48	0	0
XM_03024 71564	Izumo4	chr10	80702132	80705373	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XM_03024 71564	Izumo4	chr10	80702388	80705375	3158	30	0.0095	2517	26	0.01033	2762	32	0.011586	592	14	0.023649	1096	6	0.005474	3323	32	0.00963	2705	18	0.006654	2733	36	0.013172	822	6	0.007299	1277	6	0.004699	175	1	0.005714
XM_03024 71721	Fam13c	chr10	70439972	70558736	1665	51	0.030631	1543	25	0.016202	2216	53	0.023917	338	9	0.026627	645	8	0.012403	1365	39	0.028571	1244	27	0.021704	1322	17	0.012859	558	2	0.003584	552	1	0.001812	332	1	0.003012
XM_03024 71721	Fam13c	chr10	70504990	70558732	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	140	110	0.785714	150	99	0.66	190	141	0.742105	44	32	0.727273	91	69	0.758242	196	147	0.75	116	95	0.818966	132	89	0.674242	79	56	0.708861	84	60	0.714286	45	42	0.933333
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	140	110	0.785714	150	99	0.66	190	141	0.742105	44	32	0.727273	91	69	0.758242	196	147	0.75	116	95	0.818966	132	89	0.674242	79	56	0.708861	84	60	0.714286	45	42	0.933333
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	140	110	0.785714	150	99	0.66	190	141	0.742105	44	32	0.727273	80	58	0.725	196	147	0.75	116	95	0.818966	132	89	0.674242	66	43	0.651515	84	60	0.714286	34	31	0.911765
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	5125	102	0.019902	4778	166	0.034743	5098	109	0.021381	329	1	0.00304	699	42	0.060086	4892	91	0.018602	5065	97	0.019151	5200	113	0.021731	1500	47	0.031333	1349	28	0.020756	252	24	0.095238
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71750	R3hdm2	chr10	1.27E+08	1.27E+08	237	164	0.691983	157	127	0.808917	293	215	0.733788	60	42	0.7	125	99	0.792	298	177	0.59396	238	174	0.731092	248	204	0.822581	155	122	0.787097	100	90	0.9	33	21	0.636364
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5153	31	0.006016	5086	32	0.006292	5207	29	0.005569	541	5	0.009242	1679	5	0.002978	5207	33	0.006338	4541	25	0.005505	5013	40	0.007979	1163	2	0.00172	1918	3	0.001564	503	4	0.007952
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	4929	28	0.005681	4942	31	0.006273	5019	28	0.005579	477	5	0.010482	1607	5	0.003111	5011	33	0.006586	4383	23	0.005248	4853	40	0.008242	1099	2	0.00182	1822	3	0.001647	443	4	0.009029
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_03024 72068	Cnot2	chr10	1.16E+08	1.17E+08	5103	30	0.005879	5052	32	0.006334	5161	29	0.005619	520	5	0.009615	1659	5	0.003014	5157	33	0.006399	4503	25	0.005552	4972	40	0.008045	1145	2	0.001747	1891	3	0.001586	490	4	0.008163
XM_03024 72580	Zup1	chr10	33919142	33951273	290	60	0.206897	288	60	0.208333	225	59	0.262222	47	0	0	230	55	0.23913	291	54	0.185567	125	28	0.224	273	42	0.153846	158	19	0.120253	62	52	0.83871	22	20	0.909091
XM_03024 72843	Prdm4	chr10	85891970	85917076	3711	34	0.009162	4439	27	0.006082	4107	30	0.007305	485	1	0.002062	1164	3	0.002577	3635	27	0.007428	4311	25	0.005799	4760	28	0.005882	882	6	0.006803	1497	5	0.00334	503	2	0.003976
XM_03024 73132	Slc25a16	chr10	62920632	62946436	994	8	0.008048	546	2	0.003663	798	4	0.005013	79	0	0	230	0	0	857	3	0.003501	674	5	0.007418	718	3	0.004178	366	0	0	175	1	0.005714	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73192	Xpot	chr10	1.22E+08	1.22E+08	3096	28	0.009044	2712	12	0.004425	2958	18	0.006085	441	1	0.002268	946	2	0.002114	3074	19	0.006181	2823	10	0.003542	2958	13	0.004395	830	2	0.00241	1142	3	0.002627	142	1	0.007042
XM_03024 73192	Xpot	chr10	1.22E+08	1.22E+08	3096	28	0.009044	2712	12	0.004425	2958	18	0.006085	441	1	0.002268	946	2	0.002114	3074	19	0.006181	2823	10	0.003542	2958	13	0.004395	830	2	0.00241	1142	3	0.002627	142	1	0.007042
XM_03024 73192	Xpot	chr10	1.22E+08	1.22E+08	3096	28	0.009044	2712	12	0.004425	2958	18	0.006085	441	1	0.002268	946	2	0.002114	3074	19	0.006181	2823	10	0.003542	2958	13	0.004395	830	2	0.00241	1142	3	0.002627	142	1	0.007042
XM_03024 73218	Sppl2b	chr10	80855254	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_03024 73218	Sppl2b	chr10	80855255	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_03024 73218	Sppl2b	chr10	80855242	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_03024 73218	Sppl2b	chr10	80855242	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XM_03024 73218	Sppl2b	chr10	80857129	80868708	3025	99	0.032727	2959	76	0.025684	3189	71	0.022264	519	23	0.044316	1021	29	0.028404	3270	208	0.063609	2636	110	0.04173	2483	113	0.045509	813	6	0.00738	1004	23	0.022908	410	10	0.02439
XM_03024 73218	Sppl2b	chr10	80855298	80868708	3202	268	0.083698	3103	214	0.068966	3428	284	0.082847	568	74	0.130282	1092	92	0.084249	3475	407	0.117122	2783	245	0.088034	2617	246	0.094001	890	69	0.077528	1062	73	0.068738	440	34	0.077273
XM_03024 73419	Armt1	chr10	4432646	4455140	2570	11	0.00428	2349	15	0.006386	2100	13	0.00619	250	0	0	515	1	0.001942	2447	27	0.011034	2280	7	0.00307	2168	12	0.005535	612	17	0.027778	567	1	0.001764	100	0	0
XM_03024 73419	Armt1	chr10	4429275	4455140	42	29	0.690476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	23	0.71875	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	30	20	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73681	Trmt11	chr10	30534712	30600671	1793	19	0.010597	1532	18	0.011749	1634	17	0.010404	195	0	0	789	14	0.017744	1562	9	0.005762	1428	6	0.004202	1531	9	0.005879	583	2	0.003431	506	3	0.005929	66	0	0
XM_03024 73681	Trmt11	chr10	30534712	30600679	1793	19	0.010597	1532	18	0.011749	1634	17	0.010404	195	0	0	789	14	0.017744	1562	9	0.005762	1428	6	0.004202	1531	9	0.005879	583	2	0.003431	506	3	0.005929	66	0	0
XM_03024 73681	Trmt11	chr10	30534712	30601581	870	5	0.005747	661	10	0.015129	752	14	0.018617	145	0	0	372	0	0	755	18	0.023841	652	3	0.004601	700	7	0.01	268	1	0.003731	251	11	0.043825	66	0	0

XM_03024 73681	Trmt11	chr10	30534712	30600686	1793	19	0.010597	1532	18	0.011749	1634	17	0.010404	195	0	0	789	14	0.017744	1562	9	0.005762	1428	6	0.004202	1531	9	0.005879	583	2	0.003431	506	3	0.005929	66	0	0
XM_03024 73827	Tmem198b	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	478	39	0.08159	746	16	0.021448	2460	60	0.02439	1977	21	0.010622	1899	55	0.028963	728	12	0.016484	1100	57	0.051818	235	1	0.004255
XM_03024 73827	Tmem198b	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	478	39	0.08159	746	16	0.021448	2460	60	0.02439	1977	21	0.010622	1899	55	0.028963	728	12	0.016484	1100	57	0.051818	235	1	0.004255
XM_03024 73827	Tmem198b	chr10	1.29E+08	1.29E+08	1866	11	0.005895	1589	20	0.012587	1830	10	0.005464	366	0	0	637	1	0.00157	2206	10	0.004533	1831	9	0.004915	1706	16	0.009379	706	6	0.008499	1004	3	0.002988	235	1	0.004255
XM_03024 73827	Tmem198b	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	434	10	0.023041	746	16	0.021448	2438	49	0.020098	2007	21	0.010463	1866	37	0.019829	728	12	0.016484	1030	5	0.004854	235	1	0.004255
XM_03024 73827	Tmem198b	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2109	42	0.019915	1725	33	0.01913	1970	37	0.018782	478	39	0.08159	746	16	0.021448	2460	60	0.02439	1977	21	0.010622	1899	55	0.028963	728	12	0.016484	1100	57	0.051818	235	1	0.004255
XM_03024 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_03024 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XM_03024 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74238	Mterf2	chr10	85119441	85127972	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74330	Dnajc14	chr10	1.29E+08	1.29E+08	1866	11	0.005895	1589	20	0.012587	1830	10	0.005464	366	0	0	637	1	0.00157	2206	10	0.004533	1831	9	0.004915	1706	16	0.009379	706	6	0.008499	1004	3	0.002988	235	1	0.004255
XM_03024 74330	Dnajc14	chr10	1.29E+08	1.29E+08	243	31	0.127572	136	13	0.095588	140	27	0.192857	112	39	0.348214	149	15	0.100671	254	50	0.19685	246	12	0.04878	193	39	0.202073	22	6	0.272727	96	54	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74392	Specc1l	chr10	75212235	75312393	2775	13	0.004685	2746	14	0.005098	3298	20	0.006064	685	4	0.005839	1020	2	0.001961	3135	33	0.010526	2757	25	0.009068	2654	10	0.003768	615	2	0.003252	809	2	0.002472	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74694	Tbc1d30	chr10	1.21E+08	1.21E+08	1854	15	0.008091	1904	6	0.003151	2027	21	0.01036	367	7	0.019074	932	17	0.01824	1876	28	0.014925	2062	20	0.009699	2091	19	0.009087	601	3	0.004992	910	8	0.008791	142	4	0.028169
XM_03024 74782	Glt8d2	chr10	82650431	82691095	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74978	Lrriq1	chr10	1.03E+08	1.03E+08	58	8	0.137931	82	5	0.060976	78	5	0.064103	#N/A	#N/A	#N/A	56	2	0.035714	66	6	0.090909	28	4	0.142857	66	2	0.030303	54	3	0.055556	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74978	Lrriq1	chr10	1.03E+08	1.03E+08	58	8	0.137931	82	5	0.060976	78	5	0.064103	#N/A	#N/A	#N/A	56	2	0.035714	66	6	0.090909	28	4	0.142857	66	2	0.030303	54	3	0.055556	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74978	Lrriq1	chr10	1.03E+08	1.03E+08	58	8	0.137931	82	5	0.060976	78	5	0.064103	#N/A	#N/A	#N/A	56	2	0.035714	66	6	0.090909	28	4	0.142857	66	2	0.030303	54	3	0.055556	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744983	89819891	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744983	89819891	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744994	89819891	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744984	89819891	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75317	Parpbp	chr10	88092044	88146950	1639	36	0.021965	1332	5	0.003754	1853	37	0.019968	262	1	0.003817	907	49	0.054024	1871	49	0.026189	1545	51	0.03301	1173	14	0.011935	648	22	0.033951	581	2	0.003442	293	2	0.006826
XM_03024 75406	Ndufs7	chr10	80249141	80256793	170	7	0.041176	156	4	0.025641	170	1	0.005882	34	0	0	46	0	0	168	2	0.011905	170	3	0.017647	181	1	0.005525	38	0	0	135	1	0.007407	22	0	0
XM_03024 75886	Gstt4	chr10	75814943	75822566	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	66	0.767442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	29	11	0.37931	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75906	Fam184a	chr10	53633035	53751276	2400	60	0.025	2522	37	0.014671	2938	29	0.009871	139	1	0.007194	728	4	0.005495	2599	91	0.035013	2595	50	0.019268	2841	67	0.023583	394	4	0.010152	636	15	0.023585	359	14	0.038997
XM_03024 75906	Fam184a	chr10	53633035	53751277	2400	60	0.025	2522	37	0.014671	2938	29	0.009871	139	1	0.007194	728	4	0.005495	2599	91	0.035013	2595	50	0.019268	2841	67	0.023583	394	4	0.010152	636	15	0.023585	359	14	0.038997
XM_03024 75906	Fam184a	chr10	53633035	53751276	2400	60	0.025	2522	37	0.014671	2938	29	0.009871	139	1	0.007194	728	4	0.005495	2599	91	0.035013	2595	50	0.019268	2841	67	0.023583	394	4	0.010152	636	15	0.023585	359	14	0.038997
XM_03024 75906	Fam184a	chr10	53633035	53751269	2400	60	0.025	2522	37	0.014671	2938	29	0.009871	139	1	0.007194	728	4	0.005495	2599	91	0.035013	2595	50	0.019268	2841	67	0.023583	394	4	0.010152	636	15	0.023585	359	14	0.038997
XM_03024 75906	Fam184a	chr10	53633035	53751272	2400	60	0.025	2522	37	0.014671	2938	29	0.009871	139	1	0.007194	728	4	0.005495	2599	91	0.035013	2595	50	0.019268	2841	67	0.023583	394	4	0.010152	636	15	0.023585	359	14	0.038997
XM_03024 75973	Ccdc162	chr10	41538844	41716505	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76138	Ccdc138	chr10	58497702	58576244	745	42	0.056376	707	20	0.028289	545	17	0.031193	92	0	0	234	7	0.029915	653	36	0.05513	704	9	0.012784	645	19	0.029457	322	39	0.121118	206	3	0.014563	265	4	0.015094
XM_03024 76138	Ccdc138	chr10	58497702	58576244	745	42	0.056376	707	20	0.028289	545	17	0.031193	92	0	0	234	7	0.029915	653	36	0.05513	704	9	0.012784	645	19	0.029457	322	39	0.121118	206	3	0.014563	265	4	0.015094
XM_03024 76142	Ppp1r14c	chr10	3365974	3464978	1598	34	0.021277	1573	25	0.015893	1498	21	0.014019	188	4	0.021277	833	18	0.021609	1618	74	0.045735	1260	56	0.044444	1474	55	0.037313	483	8	0.016563	740	38	0.051351	173	7	0.040462
XM_03024 76306	Slc18b1	chr10	23805205	23827969	41	41	1	35	35	1	44	44	1	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	32	27	0.84375	23	22	0.956522	31	30	0.967742	32	30	0.9375	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76306	Slc18b1	chr10	23796988	23827969	1281	29	0.022639	1327	29	0.021854	1522	26	0.017083	289	4	0.013841	467	28	0.059957	1280	46	0.035938	1241	11	0.008864	1314	18	0.013699	272	1	0.003676	267	27	0.101124	30	0	0
XM_03024 76306	Slc18b1	chr10	23796859	23827969	1281	29	0.022639	1327	29	0.021854	1522	26	0.017083	289	4	0.013841	467	28	0.059957	1280	46	0.035938	1241	11	0.008864	1314	18	0.013699	272	1	0.003676	267	27	0.101124	30	0	0
XM_03024 76306	Slc18b1	chr10	23797012	23827969	1281	29	0.022639	1327	29	0.021854	1522	26	0.017083	289	4	0.013841	467	28	0.059957	1280	46	0.035938	1241	11	0.008864	1314	18	0.013699	272	1	0.003676	267	27	0.101124	30	0	0
XM_03024 76743	Gje1	chr10	14716140	14717529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89873506	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89873506	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89872915	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89873733	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	89873733	90973300	1581	42	0.026565	1408	30	0.021307	1730	31	0.017919	250	1	0.004	272	11	0.040441	1373	20	0.014567	1259	42	0.03336	1157	35	0.030251	397	3	0.007557	252	9	0.035714	108	1	0.009259
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90571164	90973300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90576483	90973300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90576512	90973300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829403	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829792	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90828983	90973300	1636	58	0.035452	1046	23	0.021989	1419	38	0.026779	309	3	0.009709	485	13	0.026804	1730	71	0.04104	1221	59	0.048321	1054	36	0.034156	73	1	0.013699	353	11	0.031161	252	25	0.099206
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829792	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829404	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829404	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90828983	90973300	1636	58	0.035452	1046	23	0.021989	1419	38	0.026779	309	3	0.009709	485	13	0.026804	1730	71	0.04104	1221	59	0.048321	1054	36	0.034156	73	1	0.013699	353	11	0.031161	252	25	0.099206
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829405	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90829794	90973300	1908	91	0.047694	1313	47	0.035796	1703	67	0.039342	355	5	0.014085	629	19	0.030207	1989	114	0.057315	1475	86	0.058305	1293	68	0.052591	182	16	0.087912	441	15	0.034014	285	25	0.087719
XM_03024 77531	Anks1b	chr10	90828983	90973300	1636	58	0.035452	1046	23	0.021989	1419	38	0.026779	309	3	0.009709	485	13	0.026804	1730	71	0.04104	1221	59	0.048321	1054	36	0.034156	73	1	0.013699	353	11	0.031161	252	25	0.099206
XM_03024 77987	Ascc3	chr10	50592663	50851202	3387	18	0.005314	3440	19	0.005523	3531	40	0.011328	722	1	0.001385	1438	1	0.000695	3698	49	0.01325	3777	17	0.004501	3237	17	0.005252	1170	1	0.000855	1260	4	0.003175	608	2	0.003289
XM_03024 77987	Ascc3	chr10	50592663	50851202	3387	18	0.005314	3440	19	0.005523	3531	40	0.011328	722	1	0.001385	1438	1	0.000695	3698	49	0.01325	3777	17	0.004501	3237	17	0.005252	1170	1	0.000855	1260	4	0.003175	608	2	0.003289
XM_03024 78334	Cdk19	chr10	40349287	40483818	1936	9	0.004649	1894	26	0.013728	2038	6	0.002944	401	7	0.017456	770	35	0.045455	2287	42	0.018365	2040	13	0.006373	2005	25	0.012469	828	4	0.004831	663	5	0.007541	157	3	0.019108
XM_03024 78428	Pym1	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2261	81	0.035825	2086	70	0.033557	2449	73	0.029808	276	4	0.014493	622	11	0.017685	2477	66	0.026645	2229	62	0.027815	2339	60	0.025652	698	46	0.065903	421	18	0.042755	157	1	0.006369
XM_03024 78428	Pym1	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2261	81	0.035825	2086	70	0.033557	2449	73	0.029808	276	4	0.014493	622	11	0.017685	2477	66	0.026645	2229	62	0.027815	2339	60	0.025652	698	46	0.065903	421	18	0.042755	157	1	0.006369
XM_03024 78428	Pym1	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2261	81	0.035825	2086	70	0.033557	2449	73	0.029808	276	4	0.014493	622	11	0.017685	2477	66	0.026645	2229	62	0.027815	2339	60	0.025652	698	46	0.065903	421	18	0.042755	157	1	0.006369
XM_03024 78428	Pym1	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2261	81	0.035825	2086	70	0.033557	2449	73	0.029808	276	4	0.014493	622	11	0.017685	2477	66	0.026645	2229	62	0.027815	2339	60	0.025652	698	46	0.065903	421	18	0.042755	157	1	0.006369
XM_03024 78670	Plekhj1	chr10	80796099	80798568	6071	31	0.005106	5135	23	0.004479	6952	44	0.006329	1561	5	0.003203	2169	6	0.002766	7024	36	0.005125	5276	33	0.006255	5570	29	0.005206	1628	6	0.003686	2630	8	0.003042	924	3	0.003247
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2295	105	0.045752	2100	102	0.048571	2473	114	0.046098	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2495	89	0.035671	2367	87	0.036755	2467	113	0.045805	449	27	0.060134	652	52	0.079755	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2295	105	0.045752	2100	102	0.048571	2473	114	0.046098	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2495	89	0.035671	2367	87	0.036755	2467	113	0.045805	449	27	0.060134	652	52	0.079755	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2235	48	0.021477	2036	43	0.02112	2394	42	0.017544	427	5	0.01171	497	6	0.012072	2410	21	0.008714	2306	35	0.015178	2402	55	0.022898	417	1	0.002398	606	7	0.011551	308	5	0.016234
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2295	105	0.045752	2100	102	0.048571	2473	114	0.046098	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2495	89	0.035671	2367	87	0.036755	2467	113	0.045805	449	27	0.060134	652	52	0.079755	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1834	128	0.069793	1709	111	0.06495	2034	140	0.06883	261	22	0.084291	342	38	0.111111	1852	121	0.065335	1889	80	0.04235	1939	107	0.055183	252	27	0.107143	420	50	0.119048	258	10	0.03876
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2150	130	0.060465	1986	115	0.057905	2323	143	0.061558	376	23	0.06117	463	41	0.088553	2246	121	0.053874	2156	88	0.040816	2259	111	0.049137	332	27	0.081325	542	51	0.094096	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2165	130	0.060046	1996	115	0.057615	2323	143	0.061558	376	23	0.06117	463	41	0.088553	2259	121	0.053564	2190	88	0.040183	2295	112	0.048802	332	27	0.081325	542	51	0.094096	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2165	130	0.060046	1996	115	0.057615	2323	143	0.061558	376	23	0.06117	463	41	0.088553	2259	121	0.053564	2190	88	0.040183	2295	112	0.048802	332	27	0.081325	542	51	0.094096	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2295	105	0.045752	2100	102	0.048571	2473	114	0.046098	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2495	89	0.035671	2367	87	0.036755	2467	113	0.045805	449	27	0.060134	652	52	0.079755	322	12	0.037267
XM_03024 80904	Dtx3	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2295	105	0.045752	2100	102	0.048571	2473	114	0.046098	446	23	0.05157	533	41	0.076923	2495	89	0.035671	2367	87	0.036755	2467	113	0.045805	449	27	0.060134	652	52	0.079755	322	12	0.037267
XM_03024 83767	Wasf1	chr10	40883480	40938569	5807	39	0.006716	5334	33	0.006187	6076	44	0.007242	715	3	0.004196	1750	7	0.004	6072	40	0.006588	5633	50	0.008876	6006	47	0.007826	1528	8	0.005236	1952	9	0.004611	492	1	0.002033
XM_03024 94213	Ddx50	chr10	62616015	62648479	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 94213	Ddx50	chr10	62616015	62651008	3345	12	0.003587	3482	20	0.005744	3618	35	0.009674	596	1	0.001678	1097	0	0	3208	11	0.003429	3071	20	0.006513	3605	19	0.00527	876	2	0.002283	1049	2	0.001907	524	2	0.003817
XM_03024 94213	Ddx50	chr10	62616015	62651176	3345	12	0.003587	3482	20	0.005744	3618	35	0.009674	596	1	0.001678	1097	0	0	3208	11	0.003429	3071	20	0.006513	3605	19	0.00527	876	2	0.002283	1049	2	0.001907	524	2	0.003817
XM_03024 94213	Ddx50	chr10	62616015	62651186	3345	12	0.003587	3482	20	0.005744	3618	35	0.009674	596	1	0.001678	1097	0	0	3208	11	0.003429	3071	20	0.006513	3605	19	0.00527	876	2	0.002283	1049	2	0.001907	524	2	0.003817
XM_03024 12823	Col19a1	chr1	24257683	24587735	987	22	0.02229	1093	29	0.026532	1130	25	0.022124	232	5	0.021552	413	8	0.01937	993	94	0.094663	968	54	0.055785	1025	42	0.040976	267	21	0.078652	407	51	0.125307	155	25	0.16129
XM_03024 74399	Duxf3	chr10	58229505	58233089	44	26	0.590909	58	32	0.551724	40	24	0.6	52	37	0.711538	121	83	0.68595	30	16	0.533333	36	14	0.388889	28	15	0.535714	42	14	0.333333	107	56	0.523364	106	50	0.471698
XM_03024 115487413	Gm51776	chr10	81792065	81793291	51	40	0.784314	72	57	0.791667	72	54	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	51	48	0.941176	36	28	0.777778	51	40	0.784314	51	37	0.72549	33	18	0.545455	42	37	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 102635315	Gm32687	chr10	81864826	81881083	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 102635315	Gm32687	chr10	81863921	81881083	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115487414	Gm51777	chr10	81951414	81952640	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710999	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85699376	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 626858	Gm6713	chr10	85694381	85710996	90	71	0.788889	77	66	0.857143	44	35	0.795455	15	14	0.933333	46	43	0.934783	83	51	0.614458	29	20	0.689655	40	32	0.8	16	14	0.875	55	34	0.618182	47	20	0.425532
XM_03024 115487433	Gm47679	chr10	5732991	5736941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 102632693	Gm30698	chr10	29361396	29362623	3762	20	0.005316	3358	18	0.00536	3641	23	0.006317	709	2	0.002821	1230	1	0.000813	3708	24	0.006472	3485	24	0.006887	3621	23	0.006352	669	4	0.005979	1089	2	0.001837	157	1	0.006369
XM_03024 115487435	Gm51791	chr10	77431737	77432296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115487436	Gm51792	chr10	81687169	81700356	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115487437	Gm51793	chr10	81845934	81858279	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 105245236	Gm19802	chr10	81978089	81992573	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12829	Col4a4	chr1	82476410	82587034	799	30	0.037547	889	25	0.028121	795	27	0.033962	65	2	0.030769	480	32	0.066667	826	36	0.043584	793	55	0.069357	747	32	0.042838	224	14	0.0625	372	9	0.024194	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 115487466	Gm48175	chr10	85954905	85955286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100141474	4933428G	chr11	97488514	97500341	3930	3399	0.864885	3430	2925	0.85277	4382	3681	0.840027	826	718	0.869249	1621	1415	0.872918	3860	3543	0.917876	3300	3020	0.915152	3611	3345	0.926336	1207	1094	0.906379	1452	1335	0.919421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100141474	4933428G	chr11	97490762	97500341	3930	3399	0.864885	3430	2925	0.85277	4382	3681	0.840027	826	718	0.869249	1621	1415	0.872918	3860	3543	0.917876	3300	3020	0.915152	3611	3345	0.926336	1207	1094	0.906379	1452	1335	0.919421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100141474	4933428G	chr11	97490934	97500168	3930	3399	0.864885	3430	2925	0.85277	4382	3681	0.840027	826	718	0.869249	1621	1415	0.872918	3860	3543	0.917876	3300	3020	0.915152	3611	3345	0.926336	1207	1094	0.906379	1452	1335	0.919421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12835	Col6a3	chr1	90766860	90844001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12835	Col6a3	chr1	90766860	90844000	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12835	Col6a3	chr1	90766860	90843997	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886041	93946985	5565	114	0.020485	6045	142	0.02349	6362	121	0.019019	882	19	0.021542	1581	28	0.01771	5605	121	0.021588	5640	150	0.026596	6165	130	0.021087	2032	37	0.018209	1902	38	0.019979	645	13	0.020155
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93885984	93946985	5565	114	0.020485	6045	142	0.02349	6362	121	0.019019	882	19	0.021542	1581	28	0.01771	5605	121	0.021588	5640	150	0.026596	6165	130	0.021087	2032	37	0.018209	1902	38	0.019979	645	13	0.020155
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886168	93946985	5493	59	0.010741	5946	62	0.010427	6286	56	0.008909	871	11	0.012629	1569	18	0.011472	5525	56	0.010136	5548	64	0.011536	6074	47	0.007738	2005	22	0.010973	1880	17	0.009043	633	2	0.00316
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886176	93946985	5493	59	0.010741	5946	62	0.010427	6286	56	0.008909	871	11	0.012629	1569	18	0.011472	5525	56	0.010136	5548	64	0.011536	6074	47	0.007738	2005	22	0.010973	1880	17	0.009043	633	2	0.00316
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886055	93946985	5565	114	0.020485	6045	142	0.02349	6362	121	0.019019	882	19	0.021542	1581	28	0.01771	5605	121	0.021588	5640	150	0.026596	6165	130	0.021087	2032	37	0.018209	1902	38	0.019979	645	13	0.020155
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886174	93946985	5493	59	0.010741	5946	62	0.010427	6286	56	0.008909	871	11	0.012629	1569	18	0.011472	5525	56	0.010136	5548	64	0.011536	6074	47	0.007738	2005	22	0.010973	1880	17	0.009043	633	2	0.00316
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886044	93946985	5565	114	0.020485	6045	142	0.02349	6362	121	0.019019	882	19	0.021542	1581	28	0.01771	5605	121	0.021588	5640	150	0.026596	6165	130	0.021087	2032	37	0.018209	1902	38	0.019979	645	13	0.020155
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886202	93946985	5493	59	0.010741	5946	62	0.010427	6286	56	0.008909	871	11	0.012629	1569	18	0.011472	5525	56	0.010136	5548	64	0.011536	6074	47	0.007738	2005	22	0.010973	1880	17	0.009043	633	2	0.00316
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886169	93946985	5493	59	0.010741	5946	62	0.010427	6286	56	0.008909	871	11	0.012629	1569	18	0.011472	5525	56	0.010136	5548	64	0.011536	6074	47	0.007738	2005	22	0.010973	1880	17	0.009043	633	2	0.00316
XM_03024 103537	Mbtd1	chr11	93886169	93946985	5493	59	0.010741	5946	62	0.010427	6286	56	0.008909	871	11	0.012629	1569	18	0.011472	5525	56	0.010136	5548	64	0.011536	6074	47	0.007738	2005	22	0.010973	1880	17	0.009043	633	2	0.00316
XM_03024 103554	Psme4	chr11	30809853	30881150	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103677	Smg6	chr11	74987742	75163918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12835	Col6a3	chr1	90766860	90843992	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103737	Pex12	chr11	83295072	83298920	934	2	0.002141	605	6	0.009917	780	9	0.011538	#N/A	#N/A	#N/A	528	16	0.030303	1059	4	0.003777	722	8	0.01108	724	0	0	346	9	0.026012	360	13	0.036111	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103737	Pex12	chr11	83295072	83298931	934	2	0.002141	605	6	0.009917	780	9	0.011538	#N/A	#N/A	#N/A	528	16	0.030303	1059	4	0.003777	722	8	0.01108	724	0	0	346	9	0.026012	360	13	0.036111	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103737	Pex12	chr11	83295072	83299005	934	2	0.002141	605	6	0.009917	780	9	0.011538	#N/A	#N/A	#N/A	528	16	0.030303	1059	4	0.003777	722	8	0.01108	724	0	0	346	9	0.026012	360	13	0.036111	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 103742	Mien1	chr11	98437708	98458230	1305	20	0.015326	1092	18	0.016484	1221	15	0.012285	212	2	0.009434	347	5	0.014409	1561	17	0.01089	1432	15	0.010475	1335	19	0.014232	223	3	0.013453	589	10	0.016978	10	2	0.2
XM_03024 104457	0610010K1	chr11	70235206	70237912	2428	20	0.008237	1988	12	0.006036	2119	22	0.010382	305	1	0.003279	960	6	0.00625	2611	22	0.008426	2195	20	0.009112	2338	16	0.006843	860	2	0.002326	1132	3	0.00265	185	1	0.005405
XM_03024 104601	Mycbpap	chr11	94501347	94521365	611	100	0.163666	405	65	0.160494	583	107	0.183533	63	32	0.507937	231	40	0.17316	704	141	0.200284	521	103	0.197697	486	144	0.296296	232	48	0.206897	133	50	0.37594	20	17	0.85
XM_03024 104681	Slc16a6	chr11	1.09E+08	1.09E+08	6296	48	0.007624	5578	28	0.00502	6131	40	0.006524	726	10	0.013774	1413	9	0.006369	6258	39	0.006232	5663	36	0.006357	5932	38	0.006406	1662	5	0.003008	1831	2	0.001092	403	5	0.012407
XM_03024 104681	Slc16a6	chr11	1.09E+08	1.09E+08	6341	48	0.00757	5578	28	0.00502	6131	40	0.006524	726	10	0.013774	1413	9	0.006369	6294	39	0.006196	5663	36	0.006357	5965	38	0.00637	1662	5	0.003008	1831	2	0.001092	403	5	0.012407
XM_03024 104709	Pik3r6	chr11	68503071	68552698	46	30	0.652174	24	20	0.833333	28	23	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	44	26	0.590909	38	31	0.815789	30	13	0.433333	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	12	8	0.666667
XM_03024 107476	Acaca	chr11	84177858	84401651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 107476	Acaca	chr11	84180253	84401651	2813	9	0.003199	2389	11	0.004604	2555	12	0.004697	140	0	0	460	8	0.017391	2863	13	0.004541	2917	17	0.005828	3362	19	0.005651	574	2	0.003484	699	1	0.001431	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 107476	Acaca	chr11	84129661	84401651	2202	15	0.006812	2188	17	0.00777	2549	20	0.007846	125	0	0	1111	5	0.0045	1867	11	0.005892	2236	33	0.014758	1981	17	0.008582	846	3	0.003546	849	7	0.008245	78	0	0
XM_03024 107817	Jmjd6	chr11	1.17E+08	1.17E+08	4481	19	0.00424	4432	26	0.005866	4334	39	0.008999	823	3	0.003645	1262	5	0.003962	5061	33	0.00652	4561	22	0.004824	5122	50	0.009762	1130	3	0.002655	1467	5	0.003408	466	4	0.008584
XM_03024 108072	Grm6	chr11	50850369	50866208	1793	28	0.015616	2191	42	0.019169	2272	37	0.016285	206	17	0.082524	965	23	0.023834	1654	45	0.027207	1946	53	0.027235	2036	43	0.02112	788	19	0.024112	709	24	0.03385	155	4	0.025806
XM_03024 108083	Pip4k2b	chr11	97715159	97734523	47	34	0.723404	10	7	0.7	28	19	0.678571	10	10	1	54	45	0.833333	38	23	0.605263	45	25	0.555556	34	19	0.558824	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	25	18	0.72
XM_03024 108686	Ccdc88a	chr11	29373405	29509228	3954	58	0.014669	4389	51	0.01162	4371	40	0.009151	671	1	0.00149	1093	4	0.00366	3884	54	0.013903	3855	49	0.012711	4059	40	0.009855	1039	13	0.012512	1503	3	0.001996	273	0	0
XM_03024 108903	Tbcd	chr11	1.22E+08	1.22E+08	187	163	0.871658	174	144	0.827586	174	139	0.798851	14	14	1	108	82	0.759259	195	152	0.779487	157	121	0.770701	193	149	0.772021	75	49	0.653333	84	73	0.869048	26	21	0.807692
XM_03024 109934	Abr	chr11	76416734	76571645	2296	201	0.087544	2179	143	0.065626	2316	157	0.067789	498	54	0.108434	876	117	0.133562	2486	182	0.07321	2284	186	0.081436	2128	133	0.0625	671	49	0.073025	1010	77	0.076238	281	19	0.067616
XM_03024 109934	Abr	chr11	76416738	76455713	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 110172	Slc35b1	chr11	95384891	95391776	866	27	0.031178	883	49	0.055493	875	49	0.056	116	0	0	232	42	0.181034	831	28	0.033694	778	1	0.001285	981	16	0.01631	173	2	0.011561	267	26	0.097378	85	2	0.023529
XM_03024 110880	Scn4a	chr11	1.06E+08	1.06E+08	450	308	0.684444	332	232	0.698795	351	223	0.635328	61	59	0.967213	152	99	0.651316	432	274	0.634259	389	257	0.660668	338	244	0.721893	119	64	0.537815	123	67	0.544715	59	39	0.661017
XM_03024 11298	Aanat	chr11	1.17E+08	1.17E+08	38	37	0.973684	28	25	0.892857	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	36	0.947368	20	20	1	22	22	1	24	18	0.75	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 11298	Aanat	chr11	1.17E+08	1.17E+08	38	37	0.973684	28	25	0.892857	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	36	0.947368	20	20	1	22	22	1	24	18	0.75	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 114230	Aipl1	chr11	72028717	72042460	398	6	0.015075	351	1	0.002849	453	10	0.022075	36	0	0	206	0	0	339	1	0.00295	504	10	0.019841	595	11	0.018487	113	0	0	42	1	0.02381	50	1	0.02
XM_03024 114230	Aipl1	chr11	72028717	72042460	398	6	0.015075	351	1	0.002849	453	10	0.022075	36	0	0	206	0	0	339	1	0.00295	504	10	0.019841	595	11	0.018487	113	0	0	42	1	0.02381	50	1	0.02
XM_03024 11484	Aspa	chr11	73304987	73326484	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	3	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 11488	Adam11	chr11	1.03E+08	1.03E+08	3183	56	0.017593	3647	77	0.021113	3729	87	0.023331	370	25	0.067568	599	19	0.03172	3519	73	0.020745	3360	111	0.033036	3725	97	0.02604	521	21	0.040307	850	18	0.021176	200	3	0.015
XM_03024 11492	Adam19	chr11	46055958	46147345	1789	81	0.045277	1975	106	0.053671	2087	98	0.046957	265	16	0.060377	426	19	0.044601	1829	53	0.028978	1614	146	0.090458	1815	101	0.055647	358	24	0.067039	542	68	0.125461	233	9	0.038627
XM_03024 11640	Akap1	chr11	88843590	88864596	2253	20	0.008877	1849	21	0.011357	2184	21	0.009615	248	0	0	488	2	0.004098	2365	20	0.008457	1810	12	0.00663	2137	23	0.010763	653	1	0.001531	678	9	0.013274	202	1	0.00495

XM_03024 216848	Chd3	chr11	69343273	69366460	406	1	0.002463	192	0	0	375	22	0.058667	136	8	0.058824	22	0	0	526	33	0.062738	356	4	0.011236	348	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	162	1	0.006173	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398542	69416349	1058	23	0.021739	770	10	0.012987	1046	10	0.00956	324	1	0.003086	473	1	0.002114	1517	38	0.025049	1043	14	0.013423	1303	6	0.004605	394	9	0.022843	395	9	0.022785	287	6	0.020906
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398542	69420367	1166	214	0.183533	974	107	0.109856	1030	95	0.092233	176	12	0.068182	368	70	0.190217	1229	90	0.07323	910	70	0.076923	932	62	0.066524	414	31	0.074879	333	18	0.054054	97	8	0.082474
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398542	69418140	1860	23	0.012366	1723	8	0.004643	1864	12	0.006438	398	0	0	1066	5	0.00469	2435	26	0.010678	1840	9	0.004891	2332	10	0.004288	653	2	0.003063	802	9	0.011222	326	2	0.006135
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398542	69414359	315	16	0.050794	276	7	0.025362	358	5	0.013966	86	1	0.011628	76	1	0.013158	448	18	0.040179	344	10	0.02907	362	5	0.013812	131	8	0.061069	113	6	0.053097	41	4	0.097561
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69411230	1198	11	0.009182	1137	8	0.007036	1350	9	0.006667	102	0	0	487	0	0	1674	12	0.007168	1281	12	0.009368	1389	11	0.007919	266	1	0.003759	673	2	0.002972	227	0	0
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69409629	2751	18	0.006543	2340	17	0.007265	2708	16	0.005908	472	0	0	1054	0	0	3510	27	0.007692	2265	24	0.010596	3039	20	0.006581	652	2	0.003067	1161	4	0.003445	338	0	0
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69410897	2849	17	0.005967	2472	17	0.006877	2878	20	0.006949	436	0	0	1037	0	0	3676	28	0.007617	2528	29	0.011472	3152	25	0.007931	584	1	0.001712	1203	4	0.003325	461	0	0
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69412434	692	5	0.007225	732	4	0.005464	743	5	0.006729	33	0	0	282	0	0	1043	6	0.005753	812	7	0.008621	879	8	0.009101	142	0	0	355	2	0.005634	173	0	0
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69411230	1198	11	0.009182	1137	8	0.007036	1350	9	0.006667	102	0	0	487	0	0	1674	12	0.007168	1281	12	0.009368	1389	11	0.007919	266	1	0.003759	673	2	0.002972	227	0	0
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69410897	2849	17	0.005967	2472	17	0.006877	2878	20	0.006949	436	0	0	1037	0	0	3676	28	0.007617	2528	29	0.011472	3152	25	0.007931	584	1	0.001712	1203	4	0.003325	461	0	0
XM_03024 216850	Kdm6b	chr11	69398861	69413621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216859	Acap1	chr11	69881566	69895561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216867	Slc16a11	chr11	70213695	70216413	1171	141	0.12041	848	106	0.125	1000	129	0.129	285	50	0.175439	406	69	0.169951	1241	166	0.133763	1119	91	0.081323	1030	88	0.085437	279	22	0.078853	468	48	0.102564	53	8	0.150943
XM_03024 216874	Camta2	chr11	70669466	70688145	2606	32	0.012279	2315	19	0.008207	2385	35	0.014675	266	1	0.003759	711	14	0.019691	2703	27	0.009989	2504	28	0.011182	2417	15	0.006206	817	15	0.01836	607	3	0.004942	186	1	0.005376
XM_03024 216874	Camta2	chr11	70669466	70688139	2606	32	0.012279	2315	19	0.008207	2385	35	0.014675	266	1	0.003759	711	14	0.019691	2703	27	0.009989	2504	28	0.011182	2417	15	0.006206	817	15	0.01836	607	3	0.004942	186	1	0.005376
XM_03024 216874	Camta2	chr11	70669466	70688139	2606	32	0.012279	2315	19	0.008207	2385	35	0.014675	266	1	0.003759	711	14	0.019691	2703	27	0.009989	2504	28	0.011182	2417	15	0.006206	817	15	0.01836	607	3	0.004942	186	1	0.005376
XM_03024 216961	Coro6	chr11	77462321	77470484	2803	102	0.03639	2768	119	0.042991	2733	125	0.045737	331	17	0.05136	682	35	0.05132	3034	76	0.025049	2810	91	0.032384	3130	86	0.027476	636	37	0.058176	1104	36	0.032609	215	30	0.139535
XM_03024 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77515921	4143	62	0.014965	3829	47	0.012275	4196	45	0.010724	621	7	0.011272	1455	21	0.014433	5148	122	0.023699	4070	76	0.018673	4145	104	0.02509	1237	25	0.02021	1925	68	0.035325	392	5	0.012755
XM_03024 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_03024 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_03024 216964	Trp53i13	chr11	77508105	77513388	4822	34	0.007051	4357	39	0.008951	5261	38	0.007223	890	2	0.002247	1901	30	0.015781	5987	65	0.010857	4742	28	0.005905	4889	35	0.007159	1253	13	0.010375	2477	26	0.010497	549	2	0.003643
XM_03024 216965	Taok1	chr11	77534390	77625359	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 216965	Taok1	chr11	77534390	77607899	2944	14	0.004755	2892	31	0.010719	3189	13	0.004077	423	3	0.007092	560	1	0.001786	3163	22	0.006955	2704	16	0.005917	2815	13	0.004618	747	5	0.006693	647	22	0.034003	185	1	0.005405
XM_03024 216971	Fam222b	chr11	78115559	78157335	1129	76	0.067316	1020	61	0.059804	1158	73	0.06304	191	14	0.073298	418	30	0.07177	1283	79	0.061574	1059	65	0.061379	1017	49	0.048181	447	27	0.060403	401	10	0.024938	152	0	0
XM_03024 216974	Proca1	chr11	78192677	78205763	348	334	0.95977	342	333	0.973684	488	464	0.95082	52	46	0.884615	148	143	0.966216	371	353	0.951482	371	349	0.940701	444	411	0.925676	121	114	0.942149	152	143	0.940789	83	78	0.939759
XM_03024 216976	Rskr	chr11	78290712	78294145	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217011	Nle1	chr11	82900768	82908380	1632	9	0.005515	1657	19	0.011467	1577	10	0.006341	294	1	0.003401	607	0	0	1560	13	0.008333	1588	7	0.004408	1283	11	0.008574	502	1	0.001992	442	3	0.006787	242	1	0.004132
XM_03024 217026	Heatr6	chr11	83754057	83783754	1849	8	0.004327	2044	16	0.007828	1966	7	0.003561	298	1	0.003356	949	6	0.006322	1817	10	0.005504	1832	8	0.004367	1913	10	0.005227	495	2	0.00404	848	1	0.001179	290	1	0.003448
XM_03024 217030	Synrg	chr11	83964393	84044578	2460	17	0.006911	2219	14	0.006309	2568	22	0.008567	468	2	0.004274	1271	7	0.005507	2344	18	0.007679	2378	18	0.007569	2149	14	0.006515	600	3	0.005	1402	3	0.00214	337	1	0.002967
XM_03024 217031	Tada2a	chr11	84078920	84129644	2202	15	0.006812	2188	17	0.00777	2549	20	0.007846	125	0	0	1111	5	0.0045	1867	11	0.005892	2236	33	0.014758	1981	17	0.008582	846	3	0.003546	849	7	0.008245	78	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870553	1861	14	0.007523	1890	14	0.007407	2072	18	0.008687	363	2	0.00551	741	7	0.009447	2051	26	0.012677	1884	12	0.006369	2529	10	0.003954	724	5	0.006906	857	5	0.005834	117	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870553	1861	14	0.007523	1890	14	0.007407	2072	18	0.008687	363	2	0.00551	741	7	0.009447	2051	26	0.012677	1884	12	0.006369	2529	10	0.003954	724	5	0.006906	857	5	0.005834	117	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870837	1756	13	0.007403	1847	14	0.00758	1980	16	0.008081	363	2	0.00551	724	7	0.009669	1961	24	0.012239	1797	11	0.006121	2463	8	0.003248	711	5	0.007032	840	4	0.004762	105	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870795	1756	13	0.007403	1847	14	0.00758	1980	16	0.008081	363	2	0.00551	724	7	0.009669	1961	24	0.012239	1819	11	0.006047	2463	8	0.003248	711	5	0.007032	840	4	0.004762	105	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870785	1756	13	0.007403	1847	14	0.00758	1980	16	0.008081	363	2	0.00551	724	7	0.009669	1961	24	0.012239	1841	11	0.005975	2463	8	0.003248	711	5	0.007032	840	4	0.004762	105	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870790	1756	13	0.007403	1847	14	0.00758	1980	16	0.008081	363	2	0.00551	724	7	0.009669	1961	24	0.012239	1830	11	0.006011	2463	8	0.003248	711	5	0.007032	840	4	0.004762	105	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870230	1959	14	0.007147	2015	15	0.007444	2183	20	0.009162	399	2	0.005013	784	7	0.008929	2187	26	0.011888	1993	12	0.006021	2665	11	0.004128	773	5	0.006468	903	5	0.005537	151	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870790	1756	13	0.007403	1847	14	0.00758	1980	16	0.008081	363	2	0.00551	724	7	0.009669	1961	24	0.012239	1830	11	0.006011	2463	8	0.003248	711	5	0.007032	840	4	0.004762	105	0	0
XM_03024 217039	Ggnbp2	chr11	84832361	84870790	1756	13	0.007403	1847	14	0.00758	1980	16	0.008081	363	2	0.00551	724	7	0.009669	1961	24	0.012239	1830	11	0.006011	2463	8	0.003248	711	5	0.007032	840	4	0.004762	105	0	0
XM_03024 217066	Elobl	chr11	88964658	88966917	28	28	1	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	67	44	0.656716	68	53	0.779412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	37	26	0.702703	#N/A	#N/A	#N/A	47	29	0.617021
XM_03024 217082	Hlf	chr11	90336535	90389583	885	7	0.00791	790	8	0.010127	926	4	0.00432	154	2	0.012987	270	3	0.011111	1419	7	0.004933	1010	3	0.00297	845	5	0.005917	106	0	0	399	1	0.002506	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217125	Samd14	chr11	95009395	95026087	2220	99	0.044595	2422	127	0.052436	2860	151	0.052797	317	33	0.104101	657	41	0.062405	2339	85	0.03634	2128	139	0.06532	2424	137	0.056518	491	13	0.026477	705	60	0.085106	87	18	0.206897
XM_03024 217127	Kat7	chr11	95274868	95310241	2901	31	0.010686	2641	12	0.004544	2949	16	0.005426	443	1	0.002257	913	3	0.003286	2974	10	0.003362	2420	8	0.003306	2849	10	0.00351	1013	6	0.005923	807	2	0.002478	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217127	Kat7	chr11	95274868	95309646	2901	31	0.010686	2641	12	0.004544	2949	16	0.005426	443	1	0.002257	913	3	0.003286	2974	10	0.003362	2420	8	0.003306	2849	10	0.00351	1013	6	0.005923	807	2	0.002478	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217127	Kat7	chr11	95274868	95310241	2901	31	0.010686	2641	12	0.004544	2949	16	0.005426	443	1	0.002257	913	3	0.003286	2974	10	0.003362	2420	8	0.003306	2849	10	0.00351	1013	6	0.005923	807	2	0.002478	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217127	Kat7	chr11	95274259	95309570	2901	31	0.010686	2641	12	0.004544	2949	16	0.005426	443	1	0.002257	913	3	0.003286	2974	10	0.003362	2420	8	0.003306	2849	10	0.00351	1013	6	0.005923	807	2	0.002478	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217127	Kat7	chr11	95274868	95309576	2901	31	0.010686	2641	12	0.004544	2949	16	0.005426	443	1	0.002257	913	3	0.003286	2974	10	0.003362	2420	8	0.003306	2849	10	0.00351	1013	6	0.005923	807	2	0.002478	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217138	Prr15l	chr11	96928893	96935648	274	160	0.583942	308	176	0.571429	300	164	0.546667	44	26	0.590909	125	60	0.48	373	203	0.544236	264	134	0.507576	377	200	0.530504	56	35	0.625	52	16	0.307692	20	6	0.3
XM_03024 217138	Prr15l	chr11	96926161	96935648	271	178	0.656827	224	155	0.691964	312	196	0.628205	88	66	0.75	130	92	0.707692	396	221	0.558081	210	120	0.571429	263	181	0.688213	124	64	0.516129	126	60	0.47619	44	17	0.386364
XM_03024 217138	Prr15l	chr11	96928762	96937833	274	160	0.583942	308	176	0.571429	300	164	0.546667	44	26	0.590909	125	60	0.48	373	203	0.544236	264	134	0.507576	377	200	0.530504	56	35	0.625	52	16	0.307692	20	6	0.3
XM_03024 217138	Prr15l	chr11	96928889	96935648	274	160	0.583942	308	176	0.571429	300	164	0.546667	44	26	0.590909	125	60	0.48	373	203	0.544236	264	134	0.507576	377	200	0.530504	56	35	0.625	52	16	0.307692	20	6	0.3
XM_03024 217140	Scrn2	chr11	97029893	97033951	1010	47	0.046535	943	29	0.030753	990	42	0.042424	151	0	0	544	15	0.027574	1130	36	0.031858	909	26	0.028603	1063	48	0.045155	380	18	0.047368	460	20	0.043478	206	6	0.029126
XM_03024 217151	Arl5c	chr11	97989575	97996285	805	118	0.146584	624	80	0.128205	965	114	0.118135	179	31	0.173184	355	49	0.138028	830	53	0.063855	557	214	0.384201	616	80	0.12987	288	48	0.166667	281	47	0.16726	103	13	0.126214
XM_03024 217154	Stac2	chr11	98036623	98050700	3496	75	0.021453	3616	128	0.035398	3758	95	0.025279	416	19	0.045673	968	22	0.022727	3324	154	0.04633	3010	93	0.030897	3888	130	0.033436	942	41	0.043524	855	53	0.061988	171	14	0.081871
XM_03024 100039060	Gm2026	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217198	Plekhh3	chr11	1.01E+08	1.01E+08	3570	44	0.012325	3007	38	0.012637	3325	25	0.007519	439	2	0.004556	1205	12	0.009959	3983	69	0.017324	3081	30	0.009737	3557	34	0.009559	746	1	0.00134	1682	12	0.007134	208	1	0.004808
XM_03024 100039060	Gm2026	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217198	Plekhh3	chr11	1.01E+08	1.01E+08	625	447	0.7152	425	316	0.743529	502	380	0.756972	138	96	0.695652	265	186	0.701887	778	489	0.628535	658	471	0.715805	560	364	0.65	277	177	0.638989	288	219	0.760417	81	69	0.851852
XM_03024 100039060	Gm2026	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217203	Tmem106a	chr11	1.02E+08	1.02E+08	404	3	0.007426	381	2	0.005249	420	4	0.009524	72	0	0	43	1	0.023256	384	2	0.005208	483	3	0.006211	507	2	0.003945	120	0	0	151	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217216	Hrob	chr11	1.02E+08	1.02E+08	936	14	0.014957	1013	13	0.012833	855	8	0.009357	139	2	0.014388	269	6	0.022305	963	16	0.016615	836	9	0.010766	1011	8	0.007913	155	0	0	355	2	0.005634	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100039060	Gm2026	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217216	Hrob	chr11	1.02E+08	1.02E+08	148	136	0.918919	142	130	0.915493	164	155	0.945122	20	19	0.95	10	10	1	152	135	0.888158	142	124	0.873239	172	165	0.959302	58	47	0.810345	43	36	0.837209	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217218	Atxn7l3	chr11	1.02E+08	1.02E+08	3055	20	0.006547	2689	31	0.011528	2745	26	0.009472	380	1	0.002632	412	4	0.009709	3440	20	0.005814	3483	31	0.0089	3956	26	0.006572	553	4	0.007233	862	4	0.00464	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100039123	Gm14295	chr2	1.77E+08	1.77E+08	274	20	0.072993	224	26	0.116071	314	41	0.130573	52	1	0.019231	71	12	0.169014	337	22	0.065282	259	8	0.030888	233	13	0.055794	124	5	0.040323	108	8	0.074074	56	0	0
XM_03024 217246	Ace3	chr11	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217246	Ace3	chr11	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217246	Ace3	chr11	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100039123	Gm14295	chr2	1.77E+08	1.77E+08	274	20	0.072993	224	26	0.116071	314	41	0.130573	52	1	0.019231	71	12	0.169014	337	22	0.065282	259	8	0.030888	233	13	0.055794	124	5	0.040323	108	8	0.074074	56	0	0
XM_03024 217303	Cd300a	chr11	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217310	Hid1	chr11	1.15E+08	1.15E+08	2161	81	0.037483	1963	79	0.040245	2054	44	0.021422	350	3	0.008571	628	11	0.017516	2473	39	0.01577	2216	96	0.043321	2314	34	0.014693	598	5	0.008361	614	25	0.040717	75	2	0.026667
XM_03024 217316	Slc16a5	chr11	1.15E+08	1.15E+08	16	1	0.0625	44	9	0.204545	53	19	0.358491	#N/A	#N/A	#N/A	36	14	0.388889	82	41	0.5	44	15	0.340909	50	3	0.06	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217325	Llgl2	chr11	1.16E+08	1.16E+08	2943	270	0.091743	2543	318	0.125049	2730	269	0.098535	776	85	0.109536	985	107	0.108629	3548	314	0.088501	2666	241	0.090398	2802	268	0.095646	1053	112	0.106363	1136	112	0.098592	287	59	0.205575
XM_03024 217325	Llgl2	chr11	1.16E+08	1.16E+08	3050	329	0.107869	2652	382	0.144042	2833	339	0.119661	796	105	0.13191	1144	221	0.193182	3693	390	0.105605	2768	296	0.106936	2923	329	0.112556	1115	152	0.136323	1198	168	0.140234	287	59	0.205575
XM_03024 217331	Unk	chr11	1.16E+08	1.16E+08	79	20	0.253165	99	20	0.20202	57	9	0.157895	#N/A	#N/A	#N/A	56	9	0.160714	85	22	0.258824	92	14	0.152174	104	8	0.076923	31	5	0.16129	26	5	0.192308	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 217331	Unk	chr11	1.16E+08	1.16E+08	1320	26	0.019697	1087	13	0.01196	1364	23	0.016862	118	0	0	388	7	0.018041	1630	22	0.013497	959	20	0.020855	1405	17	0.0121	317	3	0.009464	216	3	0.013889	71	0	0
XM_03024 217335	Fbf1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	901	11	0.012209	577	5	0.008666	774	12	0.015504	216	1	0.00463	369	4	0.01084	976	10	0.010246	756	8	0.010582	634	6	0.009464	198	0	0	286	0	0	259	0	0
XM_03024 217335	Fbf1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	901	11	0.012209	577	5	0.008666	774	12	0.015504	216	1	0.00463	369	4	0.01084	976	10	0.010246	756	8	0.010582	634	6	0.009464	198	0	0	286	0	0	259	0	0
XM_03024 217335	Fbf1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	901	11	0.012209	577	5	0.008666	774	12	0.015504	216	1	0.00463	369	4	0.01084	976	10	0.010246	756	8	0.010582	634	6	0.009464	198	0	0	286	0	0	259	0	0
XM_03024 217335	Fbf1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	901	11	0.012209	577	5	0.008666	774	12	0.015504	216	1	0.00463	369	4	0.01084	976	10	0.010246	756	8	0.010582	634	6	0.009464	198	0	0	286	0	0	259	0	0
XM_03024 217335	Fbf1	chr11	1.16E+08	1.16E+08	901	11	0.012209	577	5	0.008666	774	12	0.015504	216	1	0.00463	369	4	0.01084	976	10	0.010246	756	8	0.010582	634	6	0.009464	198	0	0	286	0	0	259	0	0
XM_03024 217344	Rhbdf2	chr11	1.17E+08	1.17E+08	433	150	0.34642	384	176	0.458333	347	145	0.417867	122	65	0.532787	195	95	0.487179	665	229	0.344361	576	157	0.272569	444	188	0.423423	144	23	0.159722	215	66	0.306977	106	23	0.216981
XM_03024 217344	Rhbdf2	chr11	1.17E+08	1.17E+08	433	150	0.34642	384	176	0.458333	347	145	0.417867	122	65	0.532787	195	95	0.487179	665	229	0.344361	576	157	0.272569	444	188	0.423423	144	23	0.159722	215	66	0.306977	106	23	0.216981
XM_03024 217351	Tnrc6c	chr11	1.18E+08	1.18E+08	2229	102	0.04576	2149	87	0.040484	2275	108	0.047473	130	32	0.246154	421	2	0.004751	2401	105	0.043732	2265	86	0.037969	2300	80	0.034783	270	31	0.114815	465	46	0.098925	96	0	0
XM_03024 217351	Tnrc6c	chr11	1.18E+08	1.18E+08	4092	120	0.029326	4308	104	0.024141	4378	124	0.028323	452	36	0.079646	1334	2	0.001499	4383	111	0.025325	4218	108	0.025605	4100	86	0.020976	699	32	0.04578	1348	48	0.035608	96	0	0
XM_03024 217353	Tmc6	chr11	1.18E+08	1.18E+08	3000	148	0.049333	2791	81	0.029022	3084	107	0.034695	445	13	0.029213	794	16	0.020151	3265	62	0.018989	3107	78	0.025105	3212	85	0.026463	937	2	0.002134	897	67	0.074693	367	0	0
XM_03024 217353	Tmc6	chr11	1.18E+08	1.18E+08	2916	122	0.041838	2761	68	0.024629	3033	76	0.025058	445	13	0.029213	794	16	0.020151	3147	33	0.010486	2993	28	0.009355	3089	34	0.011007	937	2	0.002134	864	50	0.05787	367	0	0
XM_03024 217356	Tmc8	chr11	1.18E+08	1.18E+08	1669	202	0.121031	1318	151	0.114568	1714	179	0.104434	114	7	0.061404	625	63	0.1008	1769	87	0.04918	1607	106	0.065961	1667	175	0.104979	550	14	0.025455	452	79	0.174779	107	13	0.121495
XM_03024 217364	Engase	chr11	1.18E+08	1.18E+08	1615	69	0.042724	1396	82	0.058739	1649	61	0.036992	468	42	0.089744	682	36	0.052786	1733	112	0.064628	1509	89	0.058979	1631	55	0.033722	739	40	0.054127	788	2	0.002538	44	0	0
XM_03024 217364	Engase	chr11	1.18E+08	1.18E+08	1615	69	0.042724	1396	82	0.058739	1649	61	0.036992	468	42	0.089744	682	36	0.052786	1733	112	0.064628	1509	89	0.058979	1631	55	0.033722	739	40	0.054127	788	2	0.002538	44	0	0
XM_03024 217364	Engase	chr11	1.18E+08	1.18E+08	1711	150	0.087668	1485	154	0.103704	1746	145	0.083047	484	56	0.115702	728	76	0.104396	1852	222	0.11987	1602	172	0.107366	1719	128	0.074462	760	57	0.075	835	45	0.053892	66	14	0.212121
XM_03024 217364	Engase	chr11	1.18E+08	1.18E+08	1615	69	0.042724	1396	82	0.058739	1649	61	0.036992	468	42	0.089744	682	36	0.052786	1733	112	0.064628	1509	89	0.058979	1631	55	0.033722	739	40	0.054127	788	2	0.002538	44	0	0
XM_03024 217366	Lrrc45	chr11	1.21E+08	1.21E+08	750	5	0.006667	627	1	0.001595	713	5	0.007013	208	2	0.009615	489	4	0.00818	1009	4	0.003964	799	18	0.022528	833	11	0.013205	411	0	0	588	4	0.006803	302	1	0.003311
XM_03024 217366	Lrrc45	chr11	1.21E+08	1.21E+08	750	5	0.006667	627	1	0.001595	713	5	0.007013	208	2	0.009615	489	4	0.00818	1009	4	0.003964	799	18	0.022528	833	11	0.013205	411	0	0	588	4	0.006803	302	1	0.003311
XM_03024 21833	Thra	chr11	98740776	98768139	859	123	0.14319	654	109	0.166667	762	100	0.131234	119	39	0.327731	110	63	0.572727	902	148	0.16408	823	129	0.156744	863	103	0.119351	128	76	0.59375	136	56	0.411765	62	30	0.483871
XM_03024 21877	Tk1	chr11	1.18E+08	1.18E+08	904	57	0.063053	886	48	0.054176	916	42	0.045852	98	12	0.122449	413	25	0.060533	903	59	0.065338	695	41	0.058993	883	39	0.044168	265	11	0.041509	396	38	0.09596	148	7	0.047297
XM_03024 21927	Tnfaip1	chr11	78522905	78536270	996	16	0.016064	950	21	0.022105	1051	19	0.018078	345	1	0.002899	520	7	0.013462	1393	28	0.020101	1019	7	0.006869	1190	16	0.013445	423	2	0.004728	313	2	0.00639	50	0	0
XM_03024 21927	Tnfaip1	chr11	78522905	78536270	996	16	0.016064	950	21	0.022105	1051	19	0.018078	345	1	0.002899	520	7	0.013462	1393	28	0.020101	1019	7	0.006869	1190	16	0.013445	423	2	0.004728	313	2	0.00639	50	0	0
XM_03024 22032	Traf4	chr11	78158498	78165579	2018	23	0.011397	1914	12	0.00627	2426	69	0.028442	378	0	0	377	3	0.007958	2304	75	0.032552	2376	63	0.026515	2738	28	0.010226	288	2	0.006944	761	42	0.055191	84	0	0
XM_03024 22057	Tob1	chr11	94209842	94215495	107	0	0	67	3	0.044776	92	1	0.01087	44	0	0	23	6	0.26087	321	1	0.003115	164	5	0.030488	152	3	0.019737	58	1	0.017241	137	8	0.058394	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22059	Trp53	chr11	69580348	69591869	1988	38	0.019115	2245	32	0.014254	2029	39	0.019221	159	1	0.006289	720	19	0.026389	2160	23	0.010648	1976	3	0.001518	2428	14	0.005766	509	2	0.003929	780	1	0.001282	230	1	0.004348
XM_03024 22059	Trp53	chr11	69580377	69591660	1988	38	0.019115	2245	32	0.014254	2029	39	0.019221	159	1	0.006289	720	19	0.026389	2160	23	0.010648	1976	3	0.001518	2428	14	0.005766	509	2	0.003929	780	1	0.001282	230	1	0.004348
XM_03024 22059	Trp53	chr11	69580377	69591660	1988	38	0.019115	2245	32	0.014254	2029	39	0.019221	159	1	0.006289	720	19	0.026389	2160	23	0.010648	1976	3	0.001518	2428	14	0.005766	509	2	0.003929	780	1	0.001282	230	1	0.004348
XM_03024 22210	Ube2b	chr11	51985555	52004145	1384	45	0.032514	1168	31	0.026541	1263	23	0.018211	199	6	0.030151	370	5	0.013514	1519	31	0.020408	1335	40	0.029963	1498	24	0.016021	431	5	0.011601	717	22	0.030683	227	0	0
XM_03024 22210	Ube2b	chr11	51985555	52000790	3111	193	0.062038	2578	179	0.069434	3026	152	0.050231	588	47	0.079932	923	91	0.098592	3160	182	0.057595	2285	174	0.076149	2709	151	0.05574	743	71	0.095559	798	91	0.114035	198	0	0
XM_03024 22344	Vezf1	chr11	88068201	88079614	4213	30	0.007121	4114	40	0.009723	4431	35	0.007899	578	2	0.00346	1164	6	0.005155	4759	28	0.005884	3790	24	0.006332	4405	41	0.009308	392	5	0.012755	1191	4	0.003359	102	1	0.009804
XM_03024 22344	Vezf1	chr11	88068567	88084729	4409	31	0.007031	4324	40	0.009251	4605	35	0.0076	578	2	0.00346	1234	6	0.004862	4864	29	0.005962	3965	24	0.006053	4704	43	0.009141	392	5	0.012755	1191	4	0.003359	102	1	0.009804
XM_03024 22344	Vezf1	chr11	88068567	88084729	4409	31	0.007031	4324	40	0.009251	4605	35	0.0076	578	2	0.00346	1234	6	0.004862	4864	29	0.005962	3965	24	0.006053	4704	43	0.009141	392	5	0.012755	1191	4	0.003359	102	1	0.009804
XM_03024 22412	Wnt9b	chr11	1.04E+08	1.04E+08	365	120	0.328767	358	135	0.377095	425	151	0.355294	132	57	0.431818	224	54	0.241071	660	178	0.269697	394	112	0.284264	393	163	0.414758	192	42	0.21875	170	24	0.141176	77	19	0.246753
XM_03024 22671	Rnf112	chr11	61448434	61454187	437	61	0.139588	372	37	0.099462	387	48	0.124031	116	9	0.077586	167	20	0.11976	460	66	0.143478	325	30	0.092308	370	45	0.121622	151	7	0.046358	103	5	0.048544	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100042784	Prdm11	chr2	92965151	93015129	4204	276	0.065652	4399	309	0.070243	4458	315	0.070659	624	48	0.076923	1218	82	0.067323	4333	332	0.076621	3886	258	0.066392	4770	465	0.097484	741	73	0.098516	1708	158	0.092506	269	40	0.148699
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916215	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916215	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916188	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916215	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916215	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916188	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916215	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 22678	Zfp2	chr11	50897265	50916215	1204	10	0.008306	952	14	0.014706	1120	18	0.016071	95	7	0.073684	530	5	0.009434	1462	22	0.015048	1176	12	0.010204	825	20	0.024242	399	3	0.007519	498	11	0.022088	10	2	0.2
XM_03024 100042784	Prdm11	chr2	92965151	93015129	186	179	0.962366	222	213	0.959459	177	170	0.960452	13	11	0.846154	69	62	0.898551	168	157	0.934524	149	129	0.865772	152	130	0.855263	68	55	0.808824	70	61	0.871429	42	38	0.904762
XM_03024 100042784	Prdm11	chr2	92965151	92993357	76	64	0.842105	116	113	0.974138	76	70	0.921053	13	10	0.769231	34	33	0.970588	99	90	0.909091	113	93	0.823009	103	91	0.883495	40	34	0.85	45	35	0.777778	43	29	0.674419
XM_03024 100042784	Prdm11	chr2	92965151	93014662	4239	248	0.058504	4414	276	0.062528	4522	294	0.065015	650	63	0.096923	1239	75	0.060533	4379	311	0.071021	3930	255	0.064885	4801	463	0.096438	722	59	0.081717	1728	156	0.090278	281	40	0.142349
XM_03024 22720	Zfp62	chr11	49203561	49218785	1751	10	0.005711	1802	5	0.002775	1782	7	0.003928	228	0	0	414	0	0	1871	9	0.00481	2032	12	0.005906	2231	18	0.008068	512	1	0.001953	397	5	0.012594	274	0	0
XM_03024 22720	Zfp62	chr11	49203557	49218785	1751	10	0.005711	1802	5	0.002775	1782	7	0.003928	228	0	0	414	0	0	1871	9	0.00481	2032	12	0.005906	2231	18	0.008068	512	1	0.001953	397	5	0.012594	274	0	0
XM_03024 100042784	Prdm11	chr2	92965151	92985697	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22720	Zfp62	chr11	49203561	49218785	1751	10	0.005711	1802	5	0.002775	1782	7	0.003928	228	0	0	414	0	0	1871	9	0.00481	2032	12	0.005906	2231	18	0.008068	512	1	0.001953	397	5	0.012594	274	0	0
XM_03024 22720	Zfp62	chr11	49203561	49218785	1751	10	0.005711	1802	5	0.002775	1782	7	0.003928	228	0	0	414	0	0	1871	9	0.00481	2032	12	0.005906	2231	18	0.008068	512	1	0.001953	397	5	0.012594	274	0	0
XM_03024 22720	Zfp62	chr11	49203557	49218785	1751	10	0.005711	1802	5	0.002775	1782	7	0.003928	228	0	0	414	0	0	1871	9	0.00481	2032	12	0.005906	2231	18	0.008068	512	1	0.001953	397	5	0.012594	274	0	0
XM_03024 22778	Ikzf1	chr11	11684962	11772930	3736	124	0.033191	4600	145	0.031522	4609	135	0.029291	589	36	0.061121	921	39	0.042345	3709	169	0.045565	4097	185	0.045155	4474	172	0.038444	951	37	0.038906	1143	45	0.03937	393	28	0.071247
XM_03024 22778	Ikzf1	chr11	11684970	11772930	3775	124	0.032848	4622	146	0.031588	4639	135	0.029101	599	36	0.0601	921	39	0.042345	3742	169	0.045163	4124	185	0.044859	4502	174	0.038649	966	37	0.038302	1157	45	0.038894	393	28	0.071247
XM_03024 22778	Ikzf1	chr11	11684970	11772930	3775	124	0.032848	4622	146	0.031588	4639	135	0.029101	599	36	0.0601	921	39	0.042345	3742	169	0.045163	4124	185	0.044859	4502	174	0.038649	966	37	0.038302	1157	45	0.038894	393	28	0.071247
XM_03024 22778	Ikzf1	chr11	11684971	11772930	3775	124	0.032848	4622	146	0.031588	4639	135	0.029101	599	36	0.0601	921	39	0.042345	3742	169	0.045163	4124	185	0.044859	4502	174	0.038649	966	37	0.038302	1157	45	0.038894	393	28	0.071247
XM_03024 22778	Ikzf1	chr11	11690129	11772930	3775	124	0.032848	4622	146	0.031588	4639	135	0.029101	599	36	0.0601	921	39	0.042345	3742	169	0.045163	4124	185	0.044859	4502	174	0.038649	966	37	0.038302	1157	45	0.038894	393	28	0.071247
XM_03024 237625	Pla2g3	chr11	3489589	3494168	1010	630	0.623762	818	409	0.5	1045	585	0.559809	184	62	0.336957	362	225	0.621547	1095	656	0.599087	881	485	0.550511	806	492	0.610422	301	164	0.54485	304	157	0.516447	138	43	0.311594
XM_03024 237758	Zfp454	chr11	50872718	50887634	658	199	0.302432	748	162	0.216578	722	174	0.240997	81	32	0.395062	334	61	0.182635	637	174	0.273155	737	197	0.2673	613	179	0.292007	244	37	0.151639	271	44	0.162362	54	23	0.425926
XM_03024 237775	Zfp867	chr11	59461796	59472527	709	137	0.19323	662	87	0.13142	801	78	0.097378	80	27	0.3375	238	50	0.210084	547	78	0.142596	457	27	0.059081	442	31	0.070136	174	33	0.189655	216	47	0.217593	72	0	0
XM_03024 100043381	Gm14308	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237860	Ssh2	chr11	77216269	77460220	2792	22	0.00788	2289	16	0.00699	2549	6	0.002354	500	3	0.006	894	2	0.002237	2865	11	0.003839	2532	9	0.003555	2476	16	0.006462	472	2	0.004237	1144	3	0.002622	755	4	0.005298
XM_03024 100043381	Gm14308	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 100043381	Gm14308	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237898	Usp32	chr11	84984437	85140281	1499	11	0.007338	1240	11	0.008871	1262	5	0.003962	190	0	0	672	3	0.004464	1456	9	0.006181	1412	5	0.003541	1713	19	0.011092	508	0	0	856	1	0.001168	187	0	0
XM_03024 237898	Usp32	chr11	84984437	85140281	1499	11	0.007338	1240	11	0.008871	1262	5	0.003962	190	0	0	672	3	0.004464	1456	9	0.006181	1412	5	0.003541	1713	19	0.011092	508	0	0	856	1	0.001168	187	0	0
XM_03024 100043381	Gm14308	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237926	Rsad1	chr11	94539798	94556860	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237926	Rsad1	chr11	94539798	94556860	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 237943	Gpatch8	chr11	1.02E+08	1.03E+08	3159	39	0.012346	3084	31	0.010052	3240	34	0.010494	299	6	0.020067	885	0	0	3239	70	0.021612	3216	28	0.008706	2969	33	0.011115	799	7	0.008761	687	8	0.011645	120	0	0
XM_03024 237943	Gpatch8	chr11	1.02E+08	1.03E+08	3159	39	0.012346	3084	31	0.010052	3240	34	0.010494	299	6	0.020067	885	0	0	3239	70	0.021612	3216	28	0.008706	2969	33	0.011115	799	7	0.008761	687	8	0.011645	120	0	0
XM_03024 237943	Gpatch8	chr11	1.02E+08	1.03E+08	3159	39	0.012346	3084	31	0.010052	3240	34	0.010494	299	6	0.020067	885	0	0	3239	70	0.021612	3216	28	0.008706	2969	33	0.011115	799	7	0.008761	687	8	0.011645	120	0	0
XM_03024 237943	Gpatch8	chr11	1.02E+08	1.03E+08	3159	39	0.012346	3084	31	0.010052	3240	34	0.010494	299	6	0.020067	885	0	0	3239	70	0.021612	3216	28	0.008706	2969	33	0.011115	799	7	0.008761	687	8	0.011645	120	0	0
XM_03024 237987	Otop2	chr11	1.15E+08	1.15E+08	1537	340	0.22121	1610	345	0.214286	1688	357	0.211493	374	82	0.219251	468	111	0.237179	1755	437	0.249003	1398	228	0.16309	1639	481	0.293472	352	60	0.170455	588	174	0.295918	125	46	0.368
XM_03024 237987	Otop2	chr11	1.15E+08	1.15E+08	1537	340	0.22121	1610	345	0.214286	1688	357	0.211493	374	82	0.219251	468	111	0.237179	1755	437	0.249003	1398	228	0.16309	1639	481	0.293472	352	60	0.170455	588	174	0.295918	125	46	0.368
XM_03024 237988	Cdr2l	chr11	1.15E+08	1.15E+08	3009	71	0.023596	3007	80	0.026605	3095	67	0.021648	869	69	0.079402	752	23	0.030585	2911	84	0.028856	2858	72	0.025192	3005	81	0.026955	871	14	0.016073	941	33	0.035069	414	7	0.016908
XM_03024 23801	Aloxe3	chr11	69125417	69149115	312	4	0.012821	238	1	0.004202	161	0	0	70	1	0.014286	80	5	0.0625	347	1	0.002882	314	1	0.003185	264	1	0.003788	176	0	0	91	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238023	Hexdc	chr11	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	41	0.97619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_03024 64010	Sav1	chr12	69965009	69988141	1989	35	0.017597	2119	60	0.028315	1755	27	0.015385	190	1	0.005263	559	15	0.026834	1570	77	0.049045	1938	83	0.042828	2142	62	0.028945	273	9	0.032967	754	22	0.029178	253	2	0.007905
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892593	1365	7	0.005128	726	4	0.00551	916	6	0.00655	201	0	0	241	1	0.004149	1196	16	0.013378	1165	8	0.006867	851	11	0.012926	358	2	0.005587	302	2	0.006623	210	0	0
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892359	1377	12	0.008715	736	7	0.009511	916	6	0.00655	201	0	0	241	1	0.004149	1196	16	0.013378	1165	8	0.006867	851	11	0.012926	358	2	0.005587	302	2	0.006623	210	0	0
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892641	1342	7	0.005216	709	3	0.004231	895	5	0.005587	201	0	0	241	1	0.004149	1183	16	0.013525	1155	7	0.006061	841	11	0.01308	346	2	0.00578	287	2	0.006969	210	0	0
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892639	1342	7	0.005216	709	3	0.004231	895	5	0.005587	201	0	0	241	1	0.004149	1183	16	0.013525	1155	7	0.006061	841	11	0.01308	346	2	0.00578	287	2	0.006969	210	0	0
XM_03024 66244	Nemf	chr12	69311541	69357180	1152	3	0.002604	1047	3	0.002865	1093	6	0.005489	44	0	0	415	5	0.012048	1139	4	0.003512	1133	5	0.004413	1236	5	0.004045	285	3	0.010526	333	2	0.006006	40	0	0
XM_03024 66266	Eapp	chr12	54673441	54695899	2207	52	0.023561	2089	46	0.02202	2385	48	0.020126	293	0	0	759	22	0.028986	2346	47	0.020034	1898	16	0.00843	1834	36	0.019629	773	4	0.005175	897	25	0.027871	54	0	0
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892639	1342	7	0.005216	709	3	0.004231	895	5	0.005587	201	0	0	241	1	0.004149	1183	16	0.013525	1155	7	0.006061	841	11	0.01308	346	2	0.00578	287	2	0.006969	210	0	0
XM_03024 66323	1700001K	chr12	1.11E+08	1.11E+08	29	20	0.689655	38	26	0.684211	48	36	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	49	18	0.367347	15	3	0.2	29	12	0.413793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 66323	1700001K	chr12	1.11E+08	1.11E+08	29	20	0.689655	38	26	0.684211	48	36	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	49	18	0.367347	15	3	0.2	29	12	0.413793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816513	73892254	1377	12	0.008715	736	7	0.009511	916	6	0.00655	201	0	0	241	1	0.004149	1196	16	0.013378	1165	8	0.006867	851	11	0.012926	358	2	0.005587	302	2	0.006623	210	0	0
XM_03024 66323	1700001K	chr12	1.11E+08	1.11E+08	29	20	0.689655	38	26	0.684211	48	36	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	49	18	0.367347	15	3	0.2	29	12	0.413793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892625	1342	7	0.005216	709	3	0.004231	895	5	0.005587	201	0	0	241	1	0.004149	1183	16	0.013525	1155	7	0.006061	841	11	0.01308	346	2	0.00578	287	2	0.006969	210	0	0
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46817790	5526	101	0.018277	5902	80	0.013555	6548	77	0.011759	1236	17	0.013754	2147	33	0.01537	6367	167	0.026229	6649	177	0.026621	5747	108	0.018792	1626	62	0.03813	1716	55	0.032051	501	21	0.041916
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46819480	5140	108	0.021012	5506	92	0.016709	6007	98	0.016314	1110	21	0.018919	2161	46	0.021286	5957	159	0.026691	6109	165	0.027009	5294	116	0.021912	1635	67	0.040979	1697	63	0.037124	514	32	0.062257
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892608	1342	7	0.005216	709	3	0.004231	895	5	0.005587	201	0	0	241	1	0.004149	1183	16	0.013525	1155	7	0.006061	841	11	0.01308	346	2	0.00578	287	2	0.006969	210	0	0
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46819480	5140	108	0.021012	5506	92	0.016709	6007	98	0.016314	1110	21	0.018919	2161	46	0.021286	5957	159	0.026691	6109	165	0.027009	5294	116	0.021912	1635	67	0.040979	1697	63	0.037124	514	32	0.062257
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46701066	46818518	5619	102	0.018153	5941	81	0.013634	6599	77	0.011668	1236	17	0.013754	2186	33	0.015096	6421	168	0.026164	6713	179	0.026665	5792	111	0.019164	1668	65	0.038969	1716	55	0.032051	501	21	0.041916
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46701066	46818516	5619	102	0.018153	5941	81	0.013634	6599	77	0.011668	1236	17	0.013754	2186	33	0.015096	6421	168	0.026164	6713	179	0.026665	5792	111	0.019164	1668	65	0.038969	1716	55	0.032051	501	21	0.041916
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46818493	5619	102	0.018153	5941	81	0.013634	6599	77	0.011668	1236	17	0.013754	2186	33	0.015096	6421	168	0.026164	6713	179	0.026665	5792	111	0.019164	1668	65	0.038969	1716	55	0.032051	501	21	0.041916
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46818026	5619	102	0.018153	5941	81	0.013634	6599	77	0.011668	1236	17	0.013754	2186	33	0.015096	6421	168	0.026164	6703	179	0.026704	5792	111	0.019164	1668	65	0.038969	1716	55	0.032051	501	21	0.041916
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46817261	3275	79	0.024122	3868	67	0.017322	4104	52	0.012671	790	15	0.018987	1118	25	0.022361	3645	117	0.032099	4085	125	0.0306	3449	72	0.020876	1036	45	0.043436	823	36	0.043742	384	16	0.041667
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46818026	5619	102	0.018153	5941	81	0.013634	6599	77	0.011668	1236	17	0.013754	2186	33	0.015096	6421	168	0.026164	6703	179	0.026704	5792	111	0.019164	1668	65	0.038969	1716	55	0.032051	501	21	0.041916
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46752672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892328	1377	12	0.008715	736	7	0.009511	916	6	0.00655	201	0	0	241	1	0.004149	1196	16	0.013378	1165	8	0.006867	851	11	0.012926	358	2	0.005587	302	2	0.006623	210	0	0
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46697895	46817339	3576	82	0.022931	4126	73	0.017693	4402	56	0.012721	820	15	0.018293	1315	26	0.019772	4090	126	0.030807	4443	134	0.03016	3725	74	0.019866	1064	46	0.043233	853	37	0.043376	384	16	0.041667
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46701066	46819480	5140	108	0.021012	5506	92	0.016709	6007	98	0.016314	1110	21	0.018919	2161	46	0.021286	5957	159	0.026691	6109	165	0.027009	5294	116	0.021912	1635	67	0.040979	1697	63	0.037124	514	32	0.062257
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46701066	46819480	5140	108	0.021012	5506	92	0.016709	6007	98	0.016314	1110	21	0.018919	2161	46	0.021286	5957	159	0.026691	6109	165	0.027009	5294	116	0.021912	1635	67	0.040979	1697	63	0.037124	514	32	0.062257
XM_03024 664883	Nova1	chr12	46701066	46819480	5140	108	0.021012	5506	92	0.016709	6007	98	0.016314	1110	21	0.018919	2161	46	0.021286	5957	159	0.026691	6109	165	0.027009	5294	116	0.021912	1635	67	0.040979	1697	63	0.037124	514	32	0.062257
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892625	1342	7	0.005216	709	3	0.004231	895	5	0.005587	201	0	0	241	1	0.004149	1183	16	0.013525	1155	7	0.006061	841	11	0.01308	346	2	0.00578	287	2	0.006969	210	0	0
XM_03024 11909	Atf2	chr2	73816518	73892564	1365	7	0.005128	726	4	0.00551	916	6	0.00655	201	0	0	241	1	0.004149	1196	16	0.013378	1165	8	0.006867	851	11	0.012926	358	2	0.005587	302	2	0.006623	210	0	0
XM_03024 668212	Efr3b	chr12	3962554	4039103	3422	45	0.01315	3883	36	0.009271	4256	47	0.011043	678	6	0.00885	1080	6	0.005556	3552	47	0.013232	3493	72	0.020613	3553	40	0.011258	878	8	0.009112	945	33	0.034921	130	3	0.023077
XM_03024 668212	Efr3b	chr12	3962554	4038968	3437	47	0.013675	3895	37	0.009499	4256	47	0.011043	678	6	0.00885	1092	8	0.007326	3565	48	0.013464	3493	72	0.020613	3563	40	0.011226	878	8	0.009112	945	33	0.034921	130	3	0.023077
XM_03024 67039	Rbm25	chr12	83632208	83683127	1234	1	0.00081	859	4	0.004657	1053	4	0.003799	235	0	0	658	5	0.007599	1262	5	0.003962	1015	9	0.008867	1033	6	0.005808	627	4	0.00638	664	1	0.001506	184	1	0.005435
XM_03024 67039	Rbm25	chr12	83633739	83683127	1234	1	0.00081	859	4	0.004657	1053	4	0.003799	235	0	0	658	5	0.007599	1262	5	0.003962	1015	9	0.008867	1033	6	0.005808	627	4	0.00638	664	1	0.001506	184	1	0.005435
XM_03024 67039	Rbm25	chr12	83632209	83683127	1234	1	0.00081	859	4	0.004657	1053	4	0.003799	235	0	0	658	5	0.007599	1262	5	0.003962	1015	9	0.008867	1033	6	0.005808	627	4	0.00638	664	1	0.001506	184	1	0.005435
XM_03024 67039	Rbm25	chr12	83632209	83683127	1234	1	0.00081	859	4	0.004657	1053	4	0.003799	235	0	0	658	5	0.007599	1262	5	0.003962	1015	9	0.008867	1033	6	0.005808	627	4	0.00638	664	1	0.001506	184	1	0.005435
XM_03024 67039	Rbm25	chr12	83632209	83683127	1234	1	0.00081	859	4	0.004657	1053	4	0.003799	235	0	0	658	5	0.007599	1262	5	0.003962	1015	9	0.008867	1033	6	0.005808	627	4	0.00638	664	1	0.001506	184	1	0.005435
XM_03024 11981	Atp9a	chr2	1.69E+08	1.69E+08	5681	110	0.019363	5363	69	0.012866	5942	75	0.012622	791	4	0.005057	1110	12	0.010811	5259	97	0.018445	4446	91	0.020468	5119	74	0.014456	1337	14	0.010471	1269	21	0.016548	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67216	Mboat2	chr12	24831496	24964400	3121	57	0.018263	3196	55	0.017209	3589	65	0.018111	375	13	0.034667	904	15	0.016593	3213	73	0.02272	3637	119	0.032719	3649	123	0.033708	540	27	0.05	838	22	0.026253	33	1	0.030303
XM_03024 67216	Mboat2	chr12	24831498	24964400	3121	57	0.018263	3196	55	0.017209	3589	65	0.018111	375	13	0.034667	904	15	0.016593	3213	73	0.02272	3637	119	0.032719	3649	123	0.033708	540	27	0.05	838	22	0.026253	33	1	0.030303
XM_03024 67216	Mboat2	chr12	24831498	24964400	3121	57	0.018263	3196	55	0.017209	3589	65	0.018111	375	13	0.034667	904	15	0.016593	3213	73	0.02272	3637	119	0.032719	3649	123	0.033708	540	27	0.05	838	22	0.026253	33	1	0.030303
XM_03024 67216	Mboat2	chr12	24831496	24964400	3121	57	0.018263	3196	55	0.017209	3589	65	0.018111	375	13	0.034667	904	15	0.016593	3213	73	0.02272	3637	119	0.032719	3649	123	0.033708	540	27	0.05	838	22	0.026253	33	1	0.030303
XM_03024 68055	Dmac2l	chr12	69724936	69744665	1587	9	0.005671	1633	9	0.005511	1696	9	0.005307	254	0	0	594	3	0.005051	1732	9	0.005196	1737	14	0.00806	1936	10	0.005165	459	0	0	605	5	0.008264	216	0	0
XM_03024 68055	Dmac2l	chr12	69724943	69744665	1587	9	0.005671	1633	9	0.005511	1696	9	0.005307	254	0	0	594	3	0.005051	1732	9	0.005196	1737	14	0.00806	1936	10	0.005165	459	0	0	605	5	0.008264	216	0	0
XM_03024 68055	Dmac2l	chr12	69724969	69744665	1587	9	0.005671	1633	9	0.005511	1696	9	0.005307	254	0	0	594	3	0.005051	1732	9	0.005196	1737	14	0.00806	1936	10	0.005165	459	0	0	605	5	0.008264	216	0	0
XM_03024 68337	Crip2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	225	8	0.035556	162	4	0.024691	179	7	0.039106	#N/A	#N/A	#N/A	92	7	0.076087	261	32	0.122605	152	12	0.078947	247	8	0.032389	39	0	0	128	20	0.15625	63	20	0.31746
XM_03024 68497	Arel1	chr12	84918146	84970709	1323	52	0.039305	1471	52	0.03535	1116	51	0.045699	182	10	0.054945	696	13	0.018678	1327	40	0.030143	1398	54	0.038627	1132	31	0.027385	354	10	0.028249	441	40	0.090703	165	0	0
XM_03024 68497	Arel1	chr12	84918146	84970784	1323	52	0.039305	1471	52	0.03535	1116	51	0.045699	182	10	0.054945	696	13	0.018678	1313	40	0.030465	1398	54	0.038627	1132	31	0.027385	354	10	0.028249	441	40	0.090703	165	0	0
XM_03024 68519	Eml1	chr12	1.08E+08	1.09E+08	212	158	0.745283	172	131	0.761628	210	145	0.690476	#N/A	#N/A	#N/A	58	36	0.62069	257	169	0.657588	202	151	0.747525	191	112	0.586387	30	28	0.933333	103	48	0.466019	12	11	0.916667
XM_03024 68519	Eml1	chr12	1.08E+08	1.09E+08	4653	168	0.036106	4752	129	0.027146	5421	196	0.036156	684	10	0.01462	899	91	0.101224	4686	171	0.036492	5025	143	0.028458	4563	103	0.022573	1181	59	0.049958	1730	85	0.049133	190	2	0.010526
XM_03024 68519	Eml1	chr12	1.08E+08	1.09E+08	4653	168	0.036106	4752	129	0.027146	5421	196	0.036156	684	10	0.01462	899	91	0.101224	4686	171	0.036492	5025	143	0.028458	4563	103	0.022573	1181	59	0.049958	1730	85	0.049133	190	2	0.010526
XM_03024 68737	Angel1	chr12	86699719	86734303	237	214	0.902954	174	150	0.862069	225	195	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	179	158	0.882682	243	207	0.851852	239	163	0.682008	189	146	0.772487	30	19	0.633333	93	70	0.752688	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68775	Atp6v1c2	chr12	17284722	17311664	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	23	14	0.608696	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	2	0.117647	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68832	Ldah	chr12	8208095	8285752	199	1	0.005025	275	1	0.003636	94	1	0.010638	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	76	0	0	60	0	0	182	1	0.005495	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 12048	Bcl2l1	chr2	1.53E+08	1.53E+08	70	63	0.9	109	96	0.880734	100	93	0.93	17	16	0.941176	36	32	0.888889	65	58	0.892308	67	58	0.865672	98	77	0.785714	21	16	0.761905	36	33	0.916667	10	6	0.6
XM_03024 69641	Wdr20	chr12	1.11E+08	1.11E+08	3411	22	0.00645	3309	15	0.004533	3818	20	0.005238	565	1	0.00177	1142	6	0.005254	3197	30	0.009384	2983	15	0.005028	3754	20	0.005328	693	3	0.004329	1183	4	0.003381	111	1	0.009009
XM_03024 69641	Wdr20	chr12	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70373	Gpatch2l	chr12	86241795	86267137	1019	6	0.005888	765	2	0.002614	1002	12	0.011976	88	0	0	198	1	0.005051	1125	7	0.006222	1211	8	0.006606	1068	5	0.004682	166	1	0.006024	343	1	0.002915	20	0	0
XM_03024 70373	Gpatch2l	chr12	86258545	86294657	158	153	0.968354	162	155	0.95679	175	172	0.982857	13	12	0.923077	103	100	0.970874	206	199	0.966019	135	117	0.866667	108	96	0.888889	48	47	0.979167	34	33	0.970588	22	20	0.909091
XM_03024 70435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2718	28	0.010302	2404	20	0.008319	2928	20	0.006831	474	4	0.008439	969	2	0.002064	2890	28	0.009689	2311	16	0.006923	2798	12	0.004289	595	0	0	914	7	0.007659	124	0	0
XM_03024 70435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2718	28	0.010302	2404	20	0.008319	2928	20	0.006831	474	4	0.008439	969	2	0.002064	2890	28	0.009689	2311	16	0.006923	2798	12	0.004289	595	0	0	914	7	0.007659	124	0	0
XM_03024 70435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2718	28	0.010302	2404	20	0.008319	2928	20	0.006831	474	4	0.008439	969	2	0.002064	2890	28	0.009689	2311	16	0.006923	2798	12	0.004289	595	0	0	914	7	0.007659	124	0	0
XM_03024 70435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	360	167	0.463889	185	74	0.4	231	100	0.4329	110	34	0.309091	90	50	0.555556	325	208	0.64	296	150	0.506757	280	143	0.510714	65	43	0.661538	94	50	0.531915	80	40	0.5
XM_03024 70435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2718	28	0.010302	2404	20	0.008319	2928	20	0.006831	474	4	0.008439	969	2	0.002064	2890	28	0.009689	2311	16	0.006923	2798	12	0.004289	595	0	0	914	7	0.007659	124	0	0
XM_03024 70435	Inf2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	2718	28	0.010302	2404	20	0.008319	2928	20	0.006831	474	4	0.008439	969	2	0.002064	2890	28	0.009689	2311	16	0.006923	2798	12	0.004289	595	0	0	914	7	0.007659	124	0	0
XM_03024 70846	Ttc6	chr12	57576569	57737911	2414	194	0.080365	2810	153	0.054448	2606	156	0.059862	155	6	0.03871	835	62	0.074251	2441	254	0.104056	2696	340	0.126113	2665	207	0.077674	462	41	0.088745	935	89	0.095187	166	16	0.096386
XM_03024 70846	Ttc6	chr12	57673765	57737911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691488	78734516	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691489	78731306	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691488	78731306	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691489	78734516	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691484	78731306	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691485	78722351	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 70897	Fam71d	chr12	78691485	78734516	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71156	Lrrc72	chr12	36208343	36218219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71156	Lrrc72	chr12	36208343	36218219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71156	Lrrc72	chr12	36208343	36218219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71169	Nbas	chr12	13269321	13583806	1455	6	0.004124	1219	3	0.002461	1472	4	0.002717	326	1	0.003067	431	1	0.00232	1383	13	0.0094	1185	5	0.004219	1277	10	0.007831	174	0	0	530	1	0.001887	153	0	0
XM_03024 71375	Foxn3	chr12	99190081	99563535	2800	15	0.005357	2774	21	0.00757	2731	76	0.027829	322	0	0	749	1	0.001335	2716	16	0.005891	2586	14	0.005414	2609	14	0.005366	610	2	0.003279	980	1	0.00102	160	0	0
XM_03024 71375	Foxn3	chr12	99190081	99457980	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71375	Foxn3	chr12	99190081	99563666	2333	9	0.003858	2353	15	0.006375	2258	71	0.031444	294	0	0	534	0	0	2200	12	0.005455	2144	9	0.004198	2117	10	0.004724	531	2	0.003766	787	1	0.001271	160	0	0
XM_03024 71375	Foxn3	chr12	99190081	99458009	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71375	Foxn3	chr12	99190081	99458009	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71693	Colec11	chr12	28594172	28607558	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71916	Dus4l	chr12	31640050	31654866	2372	6	0.00253	2361	14	0.00593	2430	17	0.006996	125	0	0	860	1	0.001163	2702	11	0.004071	2182	4	0.001833	2461	8	0.003251	460	1	0.002174	772	1	0.001295	358	0	0
XM_03024 12075	Bfsp1	chr2	1.44E+08	1.44E+08	2587	17	0.006571	2230	6	0.002691	2404	27	0.011231	551	2	0.00363	894	2	0.002237	3051	13	0.004261	2552	15	0.005878	2381	15	0.0063	1050	0	0	913	1	0.001095	173	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360602	88461726	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	349	8	0.022923	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360549	88461726	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	339	0	0	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360588	88461719	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	349	8	0.022923	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360846	88461726	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	349	8	0.022923	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360602	88461726	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	349	8	0.022923	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360579	88461726	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	349	8	0.022923	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88360602	88461726	1022	2	0.001957	872	6	0.006881	1028	4	0.003891	151	0	0	352	0	0	902	3	0.003326	877	10	0.011403	838	4	0.004773	363	1	0.002755	349	8	0.022923	106	0	0
XM_03024 72113	Adck1	chr12	88401973	88461726	162	145	0.895062	88	76	0.863636	145	127	0.875862	30	21	0.7	79	71	0.898734	120	109	0.908333	77	69	0.896104	141	115	0.815603	79	58	0.734177	111	95	0.855856	12	11	0.916667
XM_03024 72258	Kcnk10	chr12	98429432	98577613	339	268	0.79056	252	183	0.72619	279	212	0.759857	58	45	0.775862	118	88	0.745763	281	190	0.676157	305	171	0.560656	277	158	0.570397	60	40	0.666667	132	61	0.462121	32	12	0.375
XM_03024 72308	Brf1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	5553	48	0.008644	4859	73	0.015024	5161	73	0.014145	683	22	0.032211	2016	23	0.011409	6043	74	0.012246	4325	46	0.010636	4385	80	0.018244	1269	12	0.009456	1696	6	0.003538	355	1	0.002817
XM_03024 72308	Brf1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	5553	48	0.008644	4859	73	0.015024	5161	73	0.014145	683	22	0.032211	2016	23	0.011409	6043	74	0.012246	4325	46	0.010636	4385	80	0.018244	1269	12	0.009456	1696	6	0.003538	355	1	0.002817
XM_03024 72308	Brf1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	5553	48	0.008644	4859	73	0.015024	5161	73	0.014145	683	22	0.032211	2016	23	0.011409	6043	74	0.012246	4325	46	0.010636	4385	80	0.018244	1269	12	0.009456	1696	6	0.003538	355	1	0.002817
XM_03024 72308	Brf1	chr12	1.13E+08	1.13E+08	5553	48	0.008644	4859	73	0.015024	5161	73	0.014145	683	22	0.032211	2016	23	0.011409	6043	74	0.012246	4325	46	0.010636	4385	80	0.018244	1269	12	0.009456	1696	6	0.003538	355	1	0.002817
XM_03024 72873	Bbof1	chr12	84408461	84441428	1822	5	0.002744	1376	10	0.007267	1984	9	0.004536	367	3	0.008174	664	4	0.006024	2382	12	0.005038	1687	8	0.004742	1518	20	0.013175	558	3	0.005376	536	1	0.001866	258	0	0
XM_03024 72873	Bbof1	chr12	84408461	84433786	1822	5	0.002744	1376	10	0.007267	1984	9	0.004536	367	3	0.008174	664	4	0.006024	2382	12	0.005038	1687	8	0.004742	1518	20	0.013175	558	3	0.005376	536	1	0.001866	258	0	0
XM_03024 73086	Rps6ka5	chr12	1.01E+08	1.01E+08	1300	77	0.059231	1330	69	0.05188	1239	63	0.050847	12	10	0.833333	251	38	0.151394	1173	87	0.074169	1428	97	0.067927	1741	70	0.040207	218	1	0.004587	230	42	0.182609	11	9	0.818182
XM_03024 73086	Rps6ka5	chr12	1.01E+08	1.01E+08	1286	63	0.048989	1317	57	0.04328	1226	50	0.040783	12	10	0.833333	238	26	0.109244	1158	72	0.062176	1414	84	0.059406	1730	59	0.034104	218	1	0.004587	230	42	0.182609	11	9	0.818182
XM_03024 73389	Hbp1	chr12	31926452	31950220	2973	47	0.015809	3016	36	0.011936	3313	61	0.018412	569	15	0.026362	963	45	0.046729	3326	60	0.01804	3103	47	0.015147	3665	35	0.00955	573	8	0.013962	1069	29	0.027128	302	22	0.072848
XM_03024 73422	Prox2	chr12	85085810	85097876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73828	Dcaf4	chr12	83520447	83541994	359	1	0.002786	398	0	0	394	0	0	89	0	0	174	5	0.028736	515	1	0.001942	209	0	0	382	0	0	161	0	0	197	5	0.025381	50	0	0
XM_03024 73828	Dcaf4	chr12	83520447	83541994	359	1	0.002786	398	0	0	394	0	0	89	0	0	174	5	0.028736	515	1	0.001942	209	0	0	382	0	0	161	0	0	197	5	0.025381	50	0	0
XM_03024 73828	Dcaf4	chr12	83520455	83541994	359	1	0.002786	398	0	0	394	0	0	89	0	0	174	5	0.028736	515	1	0.001942	209	0	0	382	0	0	161	0	0	197	5	0.025381	50	0	0
XM_03024 73834	Atp6v1d	chr12	78842982	78862008	3264	28	0.008578	3226	15	0.00465	3499	18	0.005144	584	1	0.001712	1146	5	0.004363	3521	23	0.006532	3329	16	0.004806	3215	14	0.004355	982	8	0.008147	966	2	0.00207	603	1	0.001658
XM_03024 74251	Ankrd9	chr12	1.11E+08	1.11E+08	4756	28	0.005887	5226	19	0.003636	5288	23	0.004349	931	6	0.006445	1889	5	0.002647	4695	28	0.005964	4863	58	0.011927	5380	23	0.004275	1057	5	0.00473	1894	5	0.00264	663	0	0
XM_03024 74251	Ankrd9	chr12	1.11E+08	1.11E+08	4756	28	0.005887	5226	19	0.003636	5288	23	0.004349	931	6	0.006445	1889	5	0.002647	4695	28	0.005964	4863	58	0.011927	5380	23	0.004275	1057	5	0.00473	1894	5	0.00264	663	0	0
XM_03024 74335	Xrcc3	chr12	1.12E+08	1.12E+08	1997	12	0.006009	1859	10	0.005379	2378	14	0.005887	439	1	0.002278	998	0	0	2196	10	0.004554	1936	9	0.004649	2239	12	0.00536	582	6	0.010309	1041	4	0.003842	247	1	0.004049
XM_03024 74521	Ppp4r4	chr12	1.04E+08	1.04E+08	4225	36	0.008521	3522	28	0.00795	4177	51	0.01221	733	9	0.012278	1158	6	0.005181	3999	48	0.012003	3959	34	0.008588	3577	32	0.008946	995	7	0.007035	1165	5	0.004292	276	1	0.003623
XM_03024 74521	Ppp4r4	chr12	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74521	Ppp4r4	chr12	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 74521	Ppp4r4	chr12	1.04E+08	1.04E+08	4225	36	0.008521	3522	28	0.00795	4177	51	0.01221	733	9	0.012278	1158	6	0.005181	3999	48	0.012003	3959	34	0.008588	3577	32	0.008946	995	7	0.007035	1165	5	0.004292	276	1	0.003623
XM_03024 75040	Efcab10	chr12	33394825	33401269	36	7	0.194444	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	64	8	0.125	65	13	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75216	Cep128	chr12	90998490	91384454	1032	3	0.002907	1104	9	0.008152	1038	4	0.003854	317	1	0.003155	442	0	0	1198	10	0.008347	859	3	0.003492	959	4	0.004171	392	0	0	689	1	0.001451	176	1	0.005682
XM_03024 75216	Cep128	chr12	90998490	91384454	1032	3	0.002907	1104	9	0.008152	1038	4	0.003854	317	1	0.003155	442	0	0	1198	10	0.008347	859	3	0.003492	959	4	0.004171	392	0	0	689	1	0.001451	176	1	0.005682
XM_03024 75302	Asxl2	chr12	3426890	3510811	2311	13	0.005625	1859	5	0.00269	2467	13	0.00527	300	0	0	961	5	0.005203	2279	8	0.00351	2153	11	0.005109	2218	5	0.002254	639	2	0.00313	741	0	0	309	2	0.006472
XM_03024 75302	Asxl2	chr12	3426857	3510811	2311	13	0.005625	1859	5	0.00269	2467	13	0.00527	300	0	0	961	5	0.005203	2279	8	0.00351	2153	11	0.005109	2218	5	0.002254	639	2	0.00313	741	0	0	309	2	0.006472
XM_03024 75302	Asxl2	chr12	3444356	3510811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75302	Asxl2	chr12	3469300	3510811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75302	Asxl2	chr12	3451681	3510811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75302	Asxl2	chr12	3451660	3510811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75553	Zc3h14	chr12	98746968	98787765	2515	43	0.017097	1980	46	0.023232	2306	41	0.01778	430	10	0.023256	752	32	0.042553	2352	47	0.019983	2381	54	0.02268	2450	58	0.023673	674	11	0.01632	654	14	0.021407	38	13	0.342105
XM_03024 75671	Tex22	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 76260	Ttc8	chr12	98920537	98983250	664	4	0.006024	667	4	0.005997	661	6	0.009077	#N/A	#N/A	#N/A	209	0	0	580	2	0.003448	604	12	0.019868	552	0	0	83	1	0.012048	162	1	0.006173	39	0	0
XM_03024 76357	Trmt5	chr12	73280011	73286716	2212	135	0.061031	2175	144	0.066207	2315	136	0.058747	499	12	0.024048	1072	78	0.072761	2412	223	0.092454	1947	215	0.110426	1925	153	0.079481	618	32	0.05178	981	21	0.021407	562	13	0.023132
XM_03024 76820	Cyria	chr12	12262134	12379058	2225	27	0.012135	2125	23	0.010824	2385	33	0.013836	391	3	0.007673	1069	7	0.006548	2646	32	0.012094	2150	56	0.026047	1943	53	0.027277	642	22	0.034268	711	33	0.046414	561	33	0.058824
XM_03024 76967	2700049A(	chr12	71136853	71243299	2367	16	0.00676	2595	14	0.005395	2433	20	0.00822	180	0	0	964	3	0.003112	2298	9	0.003916	2438	15	0.006153	2772	24	0.008658	545	3	0.005505	848	3	0.003538	60	0	0
XM_03024 77480	Kidins220	chr12	24974910	25063063	1255	8	0.006375	1316	15	0.011398	1374	6	0.004367	270	0	0	332	1	0.003012	1062	5	0.004708	1178	10	0.008489	1203	10	0.008313	265	1	0.003774	333	1	0.003003	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77480	Kidins220	chr12	24974910	25063063	1255	8	0.006375	1316	15	0.011398	1374	6	0.004367	270	0	0	332	1	0.003012	1062	5	0.004708	1178	10	0.008489	1203	10	0.008313	265	1	0.003774	333	1	0.003003	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77480	Kidins220	chr12	24974910	25063063	1255	8	0.006375	1316	15	0.011398	1374	6	0.004367	270	0	0	332	1	0.003012	1062	5	0.004708	1178	10	0.008489	1203	10	0.008313	265	1	0.003774	333	1	0.003003	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78257	Lrrc9	chr12	72463324	72511967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78767	Efcab11	chr12	99717530	99884433	2350	83	0.035319	1638	56	0.034188	1860	43	0.023118	616	24	0.038961	1286	34	0.026439	2481	83	0.033454	2202	39	0.017711	1960	47	0.02398	362	15	0.041436	713	26	0.036466	449	20	0.044543
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34907015	3990	60	0.015038	3081	44	0.014281	3498	54	0.015437	620	4	0.006452	986	6	0.006085	3541	65	0.018356	3702	46	0.012426	3244	97	0.029901	689	10	0.014514	977	32	0.032753	554	6	0.01083
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34726347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34618749	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34529161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34529161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34529162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34529163	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34529163	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79221	Hdac9	chr12	34047580	34529163	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8692423	8752561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674395	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674398	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674749	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5106	27	0.005288	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674217	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674398	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674364	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674253	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674222	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674398	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 80913	Pum2	chr12	8674398	8752561	5441	49	0.009006	5747	37	0.006438	6218	38	0.006111	1288	14	0.01087	1800	2	0.001111	5096	27	0.005298	4973	27	0.005429	4242	28	0.006601	1275	3	0.002353	2306	2	0.000867	152	1	0.006579
XM_03024 93757	Immp2l	chr12	41024061	41496659	1284	8	0.006231	914	4	0.004376	887	7	0.007892	108	0	0	422	2	0.004739	1018	10	0.009823	1368	10	0.00731	961	5	0.005203	214	0	0	455	0	0	90	0	0
XM_03024 93835	Amn	chr12	1.11E+08	1.11E+08	1335	167	0.125094	1302	126	0.096774	1427	156	0.10932	186	15	0.080645	493	70	0.141988	1617	246	0.152134	1007	147	0.145978	1198	229	0.191152	411	52	0.126521	445	44	0.098876	235	34	0.144681
XM_03024 94090	Trim9	chr12	70244533	70347869	1528	27	0.01767	1411	12	0.008505	1751	35	0.019989	68	0	0	517	27	0.052224	1723	36	0.020894	1710	63	0.036842	1155	35	0.030303	320	3	0.009375	481	30	0.06237	80	3	0.0375

XM_03024 18193	Nsd1	chr13	55211678	55318325	8928	1159	0.129816	8776	1313	0.149613	9567	1240	0.129612	642	14	0.021807	1460	344	0.235616	9474	1082	0.114207	8685	1396	0.160737	9676	916	0.094667	1760	399	0.226705	1947	313	0.16076	202	9	0.044554
XM_03024 18193	Nsd1	chr13	55211678	55318325	8928	1159	0.129816	8776	1313	0.149613	9567	1240	0.129612	642	14	0.021807	1460	344	0.235616	9474	1082	0.114207	8685	1396	0.160737	9676	916	0.094667	1760	399	0.226705	1947	313	0.16076	202	9	0.044554
XM_03024 18193	Nsd1	chr13	55210423	55318325	4892	1360	0.278005	5062	1490	0.29435	5324	1461	0.274418	262	91	0.347328	1040	475	0.456731	5222	1334	0.255458	4782	1620	0.33877	5115	1095	0.214076	1030	497	0.482524	1122	426	0.379679	51	14	0.27451
XM_03024 18193	Nsd1	chr13	55212056	55318325	9040	1101	0.121792	8968	1298	0.144737	9764	1213	0.124232	679	4	0.005891	1491	300	0.201207	9542	938	0.098302	8866	1251	0.141101	9861	875	0.088733	1780	399	0.224157	2007	314	0.156452	202	9	0.044554
XM_03024 18193	Nsd1	chr13	55211546	55318325	8687	1173	0.135029	8588	1333	0.155217	9312	1254	0.134665	584	31	0.053082	1327	359	0.270535	9161	1101	0.120183	8536	1426	0.167057	9324	924	0.099099	1690	413	0.244379	1892	341	0.180233	117	9	0.076923
XM_03024 18193	Nsd1	chr13	55211852	55318325	8928	1145	0.128248	8784	1298	0.147769	9594	1219	0.127059	642	14	0.021807	1434	322	0.224547	9394	987	0.105067	8743	1306	0.149377	9747	916	0.093978	1760	399	0.226705	1947	313	0.16076	202	9	0.044554
XM_03024 18212	Ntrk2	chr13	58806472	58996032	579	14	0.02418	410	11	0.026829	499	16	0.032064	66	1	0.015152	240	5	0.020833	375	12	0.032	620	21	0.033871	463	16	0.034557	172	7	0.040698	303	10	0.033003	47	1	0.021277
XM_03024 18212	Ntrk2	chr13	58806885	58937027	739	24	0.032476	545	12	0.022018	633	20	0.031596	66	1	0.015152	240	5	0.020833	510	14	0.027451	766	33	0.043081	584	19	0.032534	172	7	0.040698	303	10	0.033003	47	1	0.021277
XM_03024 13434	Trdmt1	chr2	13504879	13544674	1023	4	0.00391	785	6	0.007643	720	5	0.006944	68	2	0.029412	249	1	0.004016	1230	5	0.004065	723	4	0.005533	850	10	0.011765	310	1	0.003226	274	0	0	154	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34875500	34906064	1919	38	0.019802	1887	15	0.007949	1848	18	0.00974	348	5	0.014368	692	3	0.004335	2602	24	0.009224	2293	10	0.004361	2154	22	0.010214	703	0	0	603	6	0.00995	151	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 19134	Prpf4b	chr13	34874820	34906064	700	30	0.042857	481	7	0.014553	647	13	0.020093	106	3	0.028302	328	11	0.033537	1068	14	0.013109	771	5	0.006485	568	9	0.015845	334	0	0	212	6	0.028302	44	0	0
XM_03024 193385	Ripor2	chr13	24636259	24733806	216	185	0.856481	236	206	0.872881	219	197	0.899543	54	46	0.851852	130	102	0.784615	296	209	0.706081	211	135	0.63981	213	172	0.807512	92	72	0.782609	102	69	0.676471	73	61	0.835616
XM_03024 193385	Ripor2	chr13	24636259	24706001	216	185	0.856481	236	206	0.872881	219	197	0.899543	54	46	0.851852	130	102	0.784615	296	209	0.706081	211	135	0.63981	213	172	0.807512	92	72	0.782609	102	69	0.676471	73	61	0.835616
XM_03024 193452	Zfp184	chr13	21945053	21960791	979	6	0.006129	955	4	0.004188	1110	13	0.011712	54	0	0	251	2	0.007968	868	8	0.009217	1097	12	0.010939	1020	11	0.010784	289	1	0.00346	291	0	0	118	1	0.008475
XM_03024 193452	Zfp184	chr13	21945236	21960791	979	6	0.006129	955	4	0.004188	1110	13	0.011712	54	0	0	251	2	0.007968	868	8	0.009217	1097	12	0.010939	1020	11	0.010784	289	1	0.00346	291	0	0	118	1	0.008475
XM_03024 19766	Ripk1	chr13	34002225	34035170	3065	14	0.004568	2932	18	0.006139	2993	18	0.006014	540	3	0.005556	1244	6	0.004823	3124	11	0.003521	3165	16	0.005055	3243	13	0.004009	852	4	0.004695	1206	3	0.002488	405	2	0.004938
XM_03024 20184	Uimc1	chr13	55028284	55100305	1852	26	0.014039	2112	21	0.009943	2359	36	0.015261	373	5	0.013405	643	4	0.006221	1730	20	0.011561	2051	22	0.010726	1976	24	0.012146	678	5	0.007375	674	5	0.007418	117	1	0.008547
XM_03024 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
XM_03024 20191	Ryr2	chr13	11553099	12106945	3407	115	0.033754	2740	111	0.040511	3008	107	0.035572	354	30	0.084746	1309	52	0.039725	3336	125	0.03747	2863	213	0.074397	2547	175	0.068708	593	23	0.038786	756	75	0.099206	259	25	0.096525
XM_03024 20238	Atxn1	chr13	45549755	45964904	4714	24	0.005091	4397	29	0.006595	4486	32	0.007133	507	2	0.003945	1087	5	0.0046	5112	30	0.005869	4184	22	0.005258	4998	30	0.006002	1182	1	0.000846	812	3	0.003695	276	2	0.007246
XM_03024 20238	Atxn1	chr13	45549755	45905110	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20238	Atxn1	chr13	45549755	45905110	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20238	Atxn1	chr13	45549755	45964384	6814	37	0.00543	6017	41	0.006814	6701	44	0.006566	840	2	0.002381	1760	6	0.003409	7567	46	0.006079	6309	41	0.006499	7285	39	0.005353	1656	3	0.001812	1368	2	0.001462	480	2	0.004167
XM_03024 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
XM_03024 13436	Dnmt3b	chr2	1.54E+08	1.54E+08	5763	165	0.028631	5960	168	0.028188	5600	190	0.033929	412	32	0.07767	846	63	0.074468	4755	146	0.030705	5221	130	0.024899	5391	145	0.026897	923	63	0.068256	1033	61	0.059051	282	17	0.060284
XM_03024 20719	Serpinb6a	chr13	33917927	33935703	120	2	0.016667	192	1	0.005208	66	1	0.015152	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	1	0.025641	177	2	0.011299	210	3	0.014286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 210106	Tent4a	chr13	69497952	69534236	13136	72	0.005481	13139	86	0.006545	13406	86	0.006415	2322	13	0.005599	3939	10	0.002539	15231	92	0.00604	12538	67	0.005344	13583	75	0.005522	3106	4	0.001288	3267	6	0.001837	921	4	0.004343
XM_03024 211378	6720489N	chr13	62598066	62625103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 212483	Fam193b	chr13	55539316	55571076	2668	14	0.005247	2166	6	0.00277	2749	11	0.004001	574	1	0.001742	872	1	0.001147	3021	18	0.005958	1972	7	0.00355	2196	7	0.003188	569	1	0.001757	946	4	0.004228	152	0	0
XM_03024 212483	Fam193b	chr13	55539316	55554448	49	46	0.938776	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	43	0.914894	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	40	35	0.875	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 21418	Tfap2a	chr13	40715302	40731494	2243	44	0.019617	2457	39	0.015873	2467	55	0.022294	82	2	0.02439	307	9	0.029316	2441	33	0.013519	2022	44	0.021761	1930	64	0.033161	753	16	0.021248	730	33	0.045205	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 218194	Phactr1	chr13	42866562	43138524	400	117	0.2925	367	106	0.288828	452	105	0.232301	65	18	0.276923	294	116	0.394558	456	140	0.307018	409	109	0.266504	412	118	0.286408	138	44	0.318841	150	19	0.126667	57	17	0.298246
XM_03024 218194	Phactr1	chr13	42866242	43138524	364	107	0.293956	331	91	0.274924	405	94	0.232099	65	18	0.276923	274	109	0.39781	436	143	0.327982	381	105	0.275591	409	121	0.295844	138	44	0.318841	127	17	0.133858	57	17	0.298246
XM_03024 218194	Phactr1	chr13	42866832	43138524	400	117	0.2925	367	106	0.288828	452	105	0.232301	65	18	0.276923	283	107	0.378092	456	140	0.307018	409	109	0.266504	401	111	0.276808	138	44	0.318841	150	19	0.126667	57	17	0.298246
XM_03024 218333	Ice1	chr13	70588688	70620643	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 218343	Ttc37	chr13	76098802	76189932	653	4	0.006126	500	9	0.018	548	2	0.00365	100	0	0	254	0	0	656	5	0.007622	568	3	0.005282	426	1	0.002347	318	0	0	258	1	0.003876	88	0	0
XM_03024 218454	Lhfpl2	chr13	94057155	94191931	3594	41	0.011408	3995	55	0.013767	3769	51	0.013531	393	6	0.015267	779	12	0.015404	3339	35	0.010482	3726	32	0.008588	4146	59	0.014231	806	6	0.007444	1022	13	0.01272	148	4	0.027027
XM_03024 218454	Lhfpl2	chr13	94057152	94191931	3594	41	0.011408	3995	55	0.013767	3769	51	0.013531	393	6	0.015267	779	12	0.015404	3339	35	0.010482	3726	32	0.008588	4146	59	0.014231	806	6	0.007444	1022	13	0.01272	148	4	0.027027
XM_03024 218461	Pde8b	chr13	95024503	95250401	60	14	0.233333	64	12	0.1875	68	12	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	33	8	0.242424	71	19	0.267606	54	5	0.092593	44	11	0.25	20	5	0.25	39	19	0.487179	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 218461	Pde8b	chr13	95024503	95223125	3627	108	0.029777	2857	88	0.030802	3837	89	0.023195	210	15	0.071429	1047	29	0.027698	3828	129	0.033699	2910	67	0.023024	3186	94	0.029504	557	34	0.061041	1193	52	0.043588	269	17	0.063197
XM_03024 218461	Pde8b	chr13	95024503	95223128	3627	108	0.029777	2857	88	0.030802	3837	89	0.023195	210	15	0.071429	1047	29	0.027698	3828	129	0.033699	2910	67	0.023024	3186	94	0.029504	557	34	0.061041	1193	52	0.043588	269	17	0.063197
XM_03024 218461	Pde8b	chr13	95024503	95250400	60	14	0.233333	64	12	0.1875	68	12	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	33	8	0.242424	71	19	0.267606	54	5	0.092593	44	11	0.25	20	5	0.25	39	19	0.487179	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 218543	Srek1	chr13	1.04E+08	1.04E+08	3233	19	0.005877	2897	5	0.001726	3465	34	0.009812	713	2	0.002805	1392	9	0.006466	3509	19	0.005415	3126	14	0.004479	2793	19	0.006803	1076	2	0.001859	1241	1	0.000806	570	2	0.003509
XM_03024 218613	Mier3	chr13	1.12E+08	1.12E+08	8172	43	0.005262	8722	64	0.007338	9939	61	0.006137	939	4	0.00426	2294	5	0.00218	8100	54	0.006667	8151	56	0.00687	9032	92	0.010186	1857	7	0.00377	2400	11	0.004583	160	0	0
XM_03024 218639	Arl15	chr13	1.14E+08	1.14E+08	3256	167	0.05129	3097	124	0.040039	3495	192	0.054936	230	3	0.013043	1259	77	0.06116	3337	198	0.059335	2895	133	0.045941	3171	107	0.033743	942	59	0.062633	1214	121	0.099671	187	16	0.085561
XM_03024 218693	Paip1	chr13	1.19E+08	1.19E+08	6986	31	0.004437	7908	47	0.005943	7662	41	0.005351	1013	2	0.001974	1827	4	0.002189	7124	57	0.008001	7223	50	0.006922	6974	48	0.006883	2258	6	0.002657	1997	13	0.00651	323	0	0
XM_03024 22017	Tpmt	chr13	47021987	47043325	4300	65	0.015116	3804	31	0.008149	4152	30	0.007225	756	3	0.003968	1715	17	0.009913	4191	38	0.009067	3868	31	0.008014	4183	16	0.003825	1054	5	0.004744	1788	20	0.011186	550	2	0.003636
XM_03024 22017	Tpmt	chr13	47021987	47043325	4300	65	0.015116	3804	31	0.008149	4152	30	0.007225	756	3	0.003968	1715	17	0.009913	4191	38	0.009067	3868	31	0.008014	4183	16	0.003825	1054	5	0.004744	1788	20	0.011186	550	2	0.003636
XM_03024 22017	Tpmt	chr13	47023611	47043304	4300	65	0.015116	3804	31	0.008149	4152	30	0.007225	756	3	0.003968	1715	17	0.009913	4191	38	0.009067	3868	31	0.008014	4183	16	0.003825	1054	5	0.004744	1788	20	0.011186	550	2	0.003636
XM_03024 22017	Tpmt	chr13	47023611	47043309	4300	65	0.015116	3804	31	0.008149	4152	30	0.007225	756	3	0.003968	1715	17	0.009913	4191	38	0.009067	3868	31	0.008014	4183	16	0.003825	1054	5	0.004744	1788	20	0.011186	550	2	0.003636
XM_03024 22746	Zfp85	chr13	67744464	67755202	748	3	0.004011	880	5	0.005682	851	6	0.007051	280	0	0	319	3	0.009404	754	4	0.005305	761	8	0.010512	663	1	0.001508	233	1	0.004292	326	2	0.006135	70	0	0
XM_03024 22758	Zscan12	chr13	21362846	21372288	904	26	0.028761	776	23	0.029639	814	34	0.041769	61	1	0.016393	219	0	0	829	43	0.05187	853	36	0.042204	724	43	0.059392	278	11	0.039568	334	5	0.01497	141	10	0.070922
XM_03024 235907	Zfp65	chr13	67705309	67724339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	18	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235907	Zfp65	chr13	67705309	67724339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	18	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235907	Zfp65	chr13	67705309	67724284	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	18	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235907	Zfp65	chr13	67705309	67724285	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	18	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235907	Zfp65	chr13	67705309	67729178	92	4	0.043478	64	5	0.078125	100	4	0.04	21	4	0.190476	37	3	0.081081	97	6	0.061856	96	3	0.03125	99	8	0.080808	38	0	0	38	7	0.184211	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235907	Zfp65	chr13	67705309	67715690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235956	Zfp825	chr13	74478483	74484022	45	41	0.911111	77	45	0.584416	69	38	0.550725	#N/A	#N/A	#N/A	87	66	0.758621	102	53	0.519608	105	50	0.47619	110	48	0.436364	#N/A	#N/A	#N/A	42	22	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 235956	Zfp825	chr13	74478483	74494012	499	4	0.008016	490	3	0.006122	478	3	0.006276	51	0	0	240	4	0.016667	488	1	0.002049	504	3	0.005952	544	1	0.001838	94	0	0	152	0	0	49	0	0
XM_03024 238463	Tubal3	chr13	3924701	3933730	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238690	Zfp458	chr13	67225137	67269795	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238690	Zfp458	chr13	67241086	67269795	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238690	Zfp458	chr13	67225137	67269133	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238690	Zfp458	chr13	67225137	67269133	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238690	Zfp458	chr13	67225137	67278498	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	15	0.9375	14	11	0.785714	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238871	Pde4d	chr13	1.09E+08	1.1E+08	22	2	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 238896	Cdc20b	chr13	1.13E+08	1.13E+08	62	2	0.032258	70	1	0.014286	47	0	0	12	0	0	78	1	0.012821	58	1	0.017241	11	0	0	50	1	0.02	88	5	0.056818	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23986	Eci2	chr13	34977748	35027115	111	1	0.009009	113	4	0.035398	43	1	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A	14	1	0.071429	26	4	0.153846	87	0	0	129	8	0.062016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 23986	Eci2	chr13	34977748	34994246	1230	65	0.052846	970	52	0.053608	837	55	0.065711	109	11	0.100917	482	50	0.103734	1176	65	0.055272	1078	58	0.053803	1286	75	0.05832	297	19	0.063973	529	36	0.068053	63	11	0.174603
XM_03024 23986	Eci2	chr13	34977748	34994246	1230	65	0.052846	970	52	0.053608	837	55	0.065711	109	11	0.100917	482	50	0.103734	1176	65	0.055272	1078	58	0.053803	1286	75	0.05832	297	19	0.063973	529	36	0.068053	63	11	0.174603
XM_03024 23986	Eci2	chr13	34977748	35027115	111	1	0.009009	113	4	0.035398	43	1	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A	14	1	0.071429	26	4	0.153846	87	0	0	129	8	0.062016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268670	Zfp759	chr13	67125019	67142404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268670	Zfp759	chr13	67121659	67142404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268670	Zfp759	chr13	67124976	67142404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	3399	271	0.079729	2899	349	0.120386	3365	249	0.073997	713	59	0.082749	971	90	0.092688	3512	233	0.066344	3020	193	0.063907	2866	289	0.100837	697	44	0.063128	1116	101	0.090502	169	2	0.011834
XM_03024 268706	Slc38a9	chr13	1.13E+08	1.13E+08	199	149	0.748744	145	98	0.675862	194	140	0.721649	75	58	0.773333	71	48	0.676056	265	154	0.581132	175	101	0.577143	176	87	0.494318	89	41	0.460674	92	43	0.467391	61	33	0.540984
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	1360	14	0.010294	989	5	0.005056	1230	23	0.018699	#N/A	#N/A	#N/A	346	4	0.011561	1685	18	0.010682	1146	7	0.006108	1182	12	0.010152	409	3	0.007335	370	1	0.002703	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 26886	Cenph	chr13	1.01E+08	1.01E+08	808	2	0.002475	699	13	0.018598	818	0	0	131	0	0	315	5	0.015873	743	9	0.012113	708	1	0.001412	712	6	0.008427	377	1	0.002653	255	6	0.023529	132	0	0
XM_03024 26886	Cenph	chr13	1.01E+08	1.01E+08	808	2	0.002475	699	13	0.018598	818	0	0	131	0	0	315	5	0.015873	743	9	0.012113	708	1	0.001412	712	6	0.008427	377	1	0.002653	255	6	0.023529	132	0	0
XM_03024 26886	Cenph	chr13	1.01E+08	1.01E+08	808	2	0.002475	699	13	0.018598	818	0	0	131	0	0	315	5	0.015873	743	9	0.012113	708	1	0.001412	712	6	0.008427	377	1	0.002653	255	6	0.023529	132	0	0
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	1360	14	0.010294	989	5	0.005056	1230	23	0.018699	#N/A	#N/A	#N/A	346	4	0.011561	1685	18	0.010682	1146	7	0.006108	1182	12	0.010152	409	3	0.007335	370	1	0.002703	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 26919	Zfp346	chr13	55105271	55134830	2272	21	0.009243	2456	17	0.006922	2405	12	0.00499	282	1	0.003546	712	2	0.002809	2299	13	0.005655	2280	7	0.00307	2325	11	0.004731	727	5	0.006878	839	5	0.005959	248	1	0.004032
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27015	Polk	chr13	96480689	96542512	5133	35	0.006819	4607	31	0.006729	5544	38	0.006854	947	1	0.001056	1622	12	0.007398	5660	36	0.00636	4609	24	0.005207	5070	20	0.003945	1683	6	0.003565	1858	8	0.004306	721	5	0.006935
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27052	Aoah	chr13	20898916	21036617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	1360	14	0.010294	989	5	0.005056	1230	23	0.018699	#N/A	#N/A	#N/A	346	4	0.011561	1685	18	0.010682	1146	7	0.006108	1182	12	0.010152	409	3	0.007335	370	1	0.002703	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 271127	Adamts16	chr13	70727798	70841839	689	29	0.04209	975	34	0.034872	1096	37	0.033759	179	8	0.044693	396	13	0.032828	996	54	0.054217	972	31	0.031893	1111	57	0.051305	379	7	0.01847	295	13	0.044068	133	3	0.022556
XM_03024 13821	Epb41l1	chr2	1.56E+08	1.57E+08	1360	14	0.010294	989	5	0.005056	1230	23	0.018699	#N/A	#N/A	#N/A	346	4	0.011561	1685	18	0.010682	1146	7	0.006108	1182	12	0.010152	409	3	0.007335	370	1	0.002703	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 27220	Cartpt	chr13	99898489	99910179	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	36	36	1	#N/A	#N/A	#N/A	42	38	0.904762	45	38	0.844444	#N/A	#N/A	#N/A	31	24	0.774194	32	27	0.84375
XM_03024 28126	Nop16	chr13	54585843	54590097	1218	134	0.110016	1041	32	0.03074	1095	83	0.075799	345	19	0.055072	513	70	0.136452	1042	76	0.072937	880	52	0.059091	1054	54	0.051233	450	10	0.022222	324	11	0.033951	60	0	0
XM_03024 319207	Pgbd1	chr13	21421850	21441081	456	7	0.015351	483	5	0.010352	412	4	0.009709	35	0	0	191	2	0.010471	437	4	0.009153	529	9	0.017013	516	12	0.023256	100	1	0.01	120	2	0.016667	20	0	0
XM_03024 319719	Simc1	chr13	54503918	54551290	3459	43	0.012431	3929	18	0.004581	3835	18	0.004694	459	2	0.004357	1218	5	0.004105	3429	32	0.009332	3627	22	0.006066	3872	14	0.003616	559	4	0.007156	980	2	0.002041	213	1	0.004695
XM_03024 319719	Simc1	chr13	54503916	54551290	3459	43	0.012431	3929	18	0.004581	3835	18	0.004694	459	2	0.004357	1218	5	0.004105	3429	32	0.009332	3627	22	0.006066	3872	14	0.003616	559	4	0.007156	980	2	0.002041	213	1	0.004695
XM_03024 320557	Fam169a	chr13	97071555	97128213	7001	283	0.040423	7044	234	0.03322	7581	253	0.033373	930	48	0.051613	1702	102	0.059929	6765	182	0.026903	6508	356	0.054702	6041	244	0.040391	1526	135	0.088467	2514	115	0.045744	298	9	0.030201
XM_03024 320557	Fam169a	chr13	97071555	97128213	7001	283	0.040423	7044	234	0.03322	7581	253	0.033373	930	48	0.051613	1702	102	0.059929	6765	182	0.026903	6508	356	0.054702	6041	244	0.040391	1526	135	0.088467	2514	115	0.045744	298	9	0.030201
XM_03024 320557	Fam169a	chr13	97071555	97129959	7001	283	0.040423	7044	234	0.03322	7581	253	0.033373	930	48	0.051613	1702	102	0.059929	6765	182	0.026903	6508	356	0.054702	6041	244	0.040391	1526	135	0.088467	2514	115	0.045744	298	9	0.030201
XM_03024 320557	Fam169a	chr13	97071556	97130293	7001	283	0.040423	7044	234	0.03322	7581	253	0.033373	930	48	0.051613	1702	102	0.059929	6765	182	0.026903	6508	356	0.054702	6041	244	0.040391	1526	135	0.088467	2514	115	0.045744	298	9	0.030201
XM_03024 320806	Gfm2	chr13	97137957	97181196	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
XM_03024 320806	Gfm2	chr13	97137968	97181196	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
XM_03024 320806	Gfm2	chr13	97137968	97181196	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
XM_03024 320806	Gfm2	chr13	97137968	97181196	948	2	0.00211	849	81	0.095406	887	64	0.072153	280	1	0.003571	562	86	0.153025	1079	1	0.000927	1004	6	0.005976	663	2	0.003017	456	11	0.024123	466	95	0.203863	94	0	0
XM_03024 328258	Slc25a48	chr13	56437960	56472367	1633	47	0.028781	1603	23	0.014348	1612	39	0.024194	209	6	0.028708	785	27	0.034395	1765	71	0.040227	1720	40	0.023256	1482	30	0.020243	678	21	0.030973	718	25	0.034819	141	6	0.042553
XM_03024 328274	Zfp459	chr13	67405033	67443302	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 328274	Zfp459	chr13	67405033	67421334	107	25	0.233645	141	35	0.248227	110	44	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	40	12	0.3	212	64	0.301887	127	42	0.330709	132	39	0.295455	34	13	0.382353	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XM_03024 328329	Mast4	chr13	1.03E+08	1.03E+08	136	11	0.080882	158	18	0.113924	198	24	0.121212	33	2	0.060606	102	16	0.156863	147	22	0.14966	140	11	0.078571	126	6	0.047619	62	4	0.064516	63	7	0.111111	11	0	0
XM_03024 328329	Mast4	chr13	1.03E+08	1.03E+08	483	66	0.136646	433	52	0.120092	522	73	0.139847	122	17	0.139344	200	30	0.15	435	123	0.282759	344	50	0.145349	336	53	0.157738	160	25	0.15625	176	29	0.164773	71	7	0.098592
XM_03024 328329	Mast4	chr13	1.03E+08	1.03E+08	136	11	0.080882	158	18	0.113924	198	24	0.121212	33	2	0.060606	102	16	0.156863	147	22	0.14966	140	11	0.078571	126	6	0.047619	62	4	0.064516	63	7	0.111111	11	0	0
XM_03024 328329	Mast4	chr13	1.03E+08	1.03E+08	483	66	0.136646	433	52	0.120092	522	73	0.139847	122	17	0.139344	200	30	0.15	435	123	0.282759	344	50	0.145349	336	53	0.157738	160	25	0.15625	176	29	0.164773	71	7	0.098592
XM_03024 353346	Gpr141	chr13	19749680	19824336	30	18	0.6	24	12	0.5	24	13	0.541667	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 408067	Zfp874b	chr13	67471513	67486241	54	50	0.925926	27	26	0.962963	43	41	0.953488	#N/A	#N/A	#N/A	42	42	1	34	33	0.970588	50	46	0.92	45	45	1	12	12	1	26	26	1	20	19	0.95
XM_03024 408067	Zfp874b	chr13	67471513	67486241	54	50	0.925926	27	26	0.962963	43	41	0.953488	#N/A	#N/A	#N/A	42	42	1	34	33	0.970588	50	46	0.92	45	45	1	12	12	1	26	26	1	20	19	0.95
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 408067	Zfp874b	chr13	67471513	67486241	54	50	0.925926	27	26	0.962963	43	41	0.953488	#N/A	#N/A	#N/A	42	42	1	34	33	0.970588	50	46	0.92	45	45	1	12	12	1	26	26	1	20	19	0.95
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6885262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6885262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 52552	Parp8	chr13	1.17E+08	1.17E+08	2705	26	0.009612	2385	20	0.008386	3077	31	0.010075	465	6	0.012903	866	5	0.005774	3034	27	0.008899	2570	75	0.029183	2441	111	0.045473	777	12	0.015444	1077	32	0.029712	192	5	0.026042
XM_03024 52552	Parp8	chr13	1.17E+08	1.17E+08	6333	50	0.007895	6290	53	0.008426	7146	65	0.009096	674	8	0.011869	1962	7	0.003568	6663	65	0.009755	6221	157	0.025237	6360	189	0.029717	1450	22	0.015172	2157	69	0.031989	461	8	0.017354
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 544971	Bdp1	chr13	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 56048	Lgals8	chr13	12439415	12464977	162	151	0.932099	135	120	0.888889	171	163	0.953216	51	50	0.980392	85	80	0.941176	221	207	0.936652	142	124	0.873239	105	101	0.961905	64	56	0.875	52	49	0.942308	46	46	1
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 56278	Gkap1	chr13	58233346	58274871	6269	269	0.04291	6978	250	0.035827	7170	266	0.037099	899	21	0.023359	1565	98	0.06262	6660	216	0.032432	5809	203	0.034946	6727	229	0.034042	2057	78	0.037919	1603	96	0.059888	208	24	0.115385
XM_03024 56278	Gkap1	chr13	58233346	58274504	7344	272	0.037037	8486	258	0.030403	8499	270	0.031768	1251	22	0.017586	1907	98	0.05139	7969	227	0.028485	6761	210	0.03106	7758	234	0.030162	2521	81	0.03213	2080	100	0.048077	473	24	0.05074
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6885262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 56349	Net1	chr13	3882561	3889446	31	10	0.322581	34	11	0.323529	29	8	0.275862	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	24	13	0.541667	29	10	0.344828	42	26	0.619048	10	5	0.5	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6746639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884812	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6884812	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6746639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872035	5042	35	0.006942	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1895	18	0.009499	5074	56	0.011037	5760	93	0.016146	4916	111	0.022579	1257	12	0.009547	1498	10	0.006676	409	2	0.00489
XM_03024 625662	Ankrd31	chr13	96748289	96909794	336	314	0.934524	202	192	0.950495	301	292	0.9701	36	36	1	147	135	0.918367	293	289	0.986348	191	186	0.973822	154	147	0.954545	100	96	0.96	98	95	0.969388	108	106	0.981481
XM_03024 628709	Gm10324	chr13	66110374	66123709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6885262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6885262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	16	15	0.9375
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 14007	Celf2	chr2	6539849	6872702	5031	29	0.005764	5295	72	0.013598	5781	48	0.008303	619	4	0.006462	1875	10	0.005333	5062	50	0.009878	5760	93	0.016146	4902	110	0.02244	1257	12	0.009547	1485	8	0.005387	409	2	0.00489
XM_03024 66222	Serpinb1a	chr13	32842707	32853206	#N/A	#N/A	#N/A	32	20	0.625	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_03024 192285	Phf21a	chr2	92183758	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_03024 66871	Cpne8	chr15	90487482	90650754	#N/A	#N/A	#N/A	31	27	0.870968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 67040	Ddx17	chr15	79527736	79546764	1427	250	0.175193	965	186	0.192746	1347	260	0.193022	287	43	0.149826	490	77	0.157143	1397	300	0.214746	1179	236	0.20017	1324	271	0.204683	445	56	0.125843	480	116	0.241667	70	8	0.114286
XM_03024 192285	Phf21a	chr2	92183757	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_03024 192285	Phf21a	chr2	92183757	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_03024 192285	Phf21a	chr2	92183758	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_03024 67154	Mtdh	chr15	34082687	34143537	4927	15	0.003044	5067	34	0.00671	5701	33	0.005788	903	2	0.002215	1557	4	0.002569	5571	37	0.006642	4823	22	0.004561	4711	38	0.008066	1512	1	0.000661	1746	15	0.008591	482	0	0
XM_03024 67197	Zcrb1	chr15	93386106	93398341	4706	176	0.037399	4970	166	0.0334	5262	190	0.036108	818	20	0.02445	2141	84	0.039234	4291	147	0.034258	4044	165	0.040801	4028	123	0.030536	1820	63	0.034615	2121	76	0.035832	700	33	0.047143
XM_03024 192285	Phf21a	chr2	92185002	92360918	5688	53	0.009318	6665	45	0.006752	6784	38	0.005601	578	11	0.019031	1027	3	0.002921	6375	49	0.007686	6264	43	0.006865	7253	86	0.011857	1210	10	0.008264	1631	10	0.006131	354	0	0
XM_03024 67429	Nudcd1	chr15	44375227	44428018	1624	16	0.009852	1425	10	0.007018	1341	7	0.00522	242	1	0.004132	899	12	0.013348	1425	6	0.004211	1276	11	0.008621	1290	12	0.009302	706	2	0.002833	506	0	0	118	0	0
XM_03024 67429	Nudcd1	chr15	44375227	44428018	1624	16	0.009852	1425	10	0.007018	1341	7	0.00522	242	1	0.004132	899	12	0.013348	1425	6	0.004211	1276	11	0.008621	1290	12	0.009302	706	2	0.002833	506	0	0	118	0	0
XM_03024 192285	Phf21a	chr2	92183758	92360918	4304	38	0.008829	5320	41	0.007707	5254	25	0.004758	352	2	0.005682	433	0	0	4845	34	0.007018	4905	39	0.007951	5936	69	0.011624	843	5	0.005931	1142	5	0.004378	192	0	0
XM_03024 67515	Ttc33	chr15	5187351	5218322	1225	55	0.044898	771	22	0.028534	1070	43	0.040187	146	9	0.061644	382	43	0.112565	1208	66	0.054636	802	36	0.044888	893	44	0.049272	269	22	0.081784	359	12	0.033426	74	4	0.054054
XM_03024 67959	Puf60	chr15	76070188	76082537	25	12	0.48	26	9	0.346154	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A	29	12	0.413793	49	12	0.244898	34	9	0.264706	19	3	0.157895	22	0	0	31	7	0.225806	10	4	0.4
XM_03024 68036	Zfp706	chr15	37001838	37007358	3238	22	0.006794	3207	20	0.006236	3636	33	0.009076	446	1	0.002242	1130	3	0.002655	3443	63	0.018298	3621	50	0.013808	3597	55	0.015291	809	7	0.008653	990	28	0.028283	212	7	0.033019
XM_03024 68070	Pdzd2	chr15	12359711	12550270	1000	44	0.044	888	58	0.065315	1093	47	0.043001	30	0	0	163	10	0.06135	1206	53	0.043947	803	57	0.070984	879	54	0.061433	296	21	0.070946	145	23	0.158621	76	2	0.026316
XM_03024 68070	Pdzd2	chr15	12359711	12550269	1000	44	0.044	888	58	0.065315	1093	47	0.043001	30	0	0	163	10	0.06135	1206	53	0.043947	803	57	0.070984	879	54	0.061433	296	21	0.070946	145	23	0.158621	76	2	0.026316
XM_03024 68070	Pdzd2	chr15	12359711	12493921	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68073	Atpsckmt	chr15	31602453	31617537	2288	6	0.002622	2412	14	0.005804	2259	19	0.008411	312	0	0	957	5	0.005225	2444	16	0.006547	2362	14	0.005927	2318	36	0.015531	676	0	0	793	16	0.020177	175	4	0.022857
XM_03024 68501	Nsmce2	chr15	59374211	59593237	916	13	0.014192	761	6	0.007884	652	5	0.007669	#N/A	#N/A	#N/A	143	0	0	874	1	0.001144	865	7	0.008092	858	4	0.004662	176	1	0.005682	399	1	0.002506	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68607	Serhl	chr15	83104337	83116676	33	32	0.969697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	22	12	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 68614	Letmd1	chr15	1E+08	1E+08	2992	65	0.021725	3468	54	0.015571	3461	68	0.019648	452	16	0.035398	1284	56	0.043614	3617	102	0.0282	3272	52	0.015892	2901	48	0.016546	1096	18	0.016423	1654	2	0.001209	424	0	0
XM_03024 68708	Rabl2	chr15	89582845	89591865	1008	5	0.00496	975	9	0.009231	842	6	0.007126	141	2	0.014184	508	3	0.005906	1119	8	0.007149	992	11	0.011089	670	6	0.008955	494	2	0.004049	254	2	0.007874	214	1	0.004673
XM_03024 68708	Rabl2	chr15	89582845	89591865	1008	5	0.00496	975	9	0.009231	842	6	0.007126	141	2	0.014184	508	3	0.005906	1119	8	0.007149	992	11	0.011089	670	6	0.008955	494	2	0.004049	254	2	0.007874	214	1	0.004673
XM_03024 68708	Rabl2	chr15	89582527	89591878	1008	5	0.00496	975	9	0.009231	842	6	0.007126	141	2	0.014184	508	3	0.005906	1119	8	0.007149	992	11	0.011089	670	6	0.008955	494	2	0.004049	254	2	0.007874	214	1	0.004673
XM_03024 68708	Rabl2	chr15	89582527	89591923	1008	5	0.00496	975	9	0.009231	842	6	0.007126	141	2	0.014184	508	3	0.005906	1119	8	0.007149	992	11	0.011089	670	6	0.008955	494	2	0.004049	254	2	0.007874	214	1	0.004673
XM_03024 68708	Rabl2	chr15	89582527	89591889	1008	5	0.00496	975	9	0.009231	842	6	0.007126	141	2	0.014184	508	3	0.005906	1119	8	0.007149	992	11	0.011089	670	6	0.008955	494	2	0.004049	254	2	0.007874	214	1	0.004673
XM_03024 68744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3426	30	0.008757	3639	22	0.006046	701	0	0	1321	13	0.009841	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
XM_03024 68744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3416	30	0.008782	3639	22	0.006046	701	0	0	1302	11	0.008449	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
XM_03024 68744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3426	30	0.008757	3639	22	0.006046	701	0	0	1321	13	0.009841	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
XM_03024 19261	Sirpa	chr2	1.3E+08	1.3E+08	862	8	0.009281	648	6	0.009259	1146	13	0.011344	214	1	0.004673	253	0	0	1121	8	0.007136	1071	3	0.002801	896	3	0.003348	67	0	0	276	2	0.007246	100	1	0.01
XM_03024 68744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3426	30	0.008757	3639	22	0.006046	701	0	0	1321	13	0.009841	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
XM_03024 68744	Zfp740	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3705	29	0.007827	3426	30	0.008757	3639	22	0.006046	701	0	0	1321	13	0.009841	3884	43	0.011071	3501	53	0.015139	3322	33	0.009934	1019	5	0.004907	1371	18	0.013129	238	0	0
XM_03024 19261	Sirpa	chr2	1.3E+08	1.3E+08	862	8	0.009281	648	6	0.009259	1146	13	0.011344	214	1	0.004673	253	0	0	1121	8	0.007136	1071	3	0.002801	896	3	0.003348	67	0	0	276	2	0.007246	100	1	0.01
XM_03024 69159	Rhebl1	chr15	98877778	98881495	1022	15	0.014677	1030	7	0.006796	1223	7	0.005724	117	0	0	299	1	0.003344	1152	23	0.019965	1096	11	0.010036	1036	17	0.016409	286	0	0	388	13	0.033505	54	0	0
XM_03024 19261	Sirpa	chr2	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89185194	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89185194	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89196474	2318	10	0.004314	2198	5	0.002275	2228	11	0.004937	434	1	0.002304	1192	5	0.004195	2164	11	0.005083	2212	8	0.003617	2165	9	0.004157	704	13	0.018466	1080	4	0.003704	394	0	0
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89196590	2318	10	0.004314	2198	5	0.002275	2228	11	0.004937	434	1	0.002304	1192	5	0.004195	2164	11	0.005083	2212	8	0.003617	2165	9	0.004157	704	13	0.018466	1080	4	0.003704	394	0	0
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89185452	89198427	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	43	38	0.883721	52	47	0.903846	63	50	0.793651	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182216	89189263	263	242	0.920152	219	204	0.931507	233	213	0.914163	48	44	0.916667	30	29	0.966667	314	291	0.926752	307	264	0.859935	233	199	0.854077	56	45	0.803571	81	73	0.901235	34	24	0.705882
XM_03024 69440	Dennd6b	chr15	89182213	89196421	2318	10	0.004314	2198	5	0.002275	2228	11	0.004937	434	1	0.002304	1192	5	0.004195	2164	11	0.005083	2212	8	0.003617	2165	9	0.004157	704	13	0.018466	1080	4	0.003704	394	0	0
XM_03024 69574	Cmbl	chr15	31565377	31590119	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	25	0.78125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 69612	Kansl2	chr15	98518808	98534360	3287	64	0.019471	2929	66	0.022533	3267	66	0.020202	413	2	0.004843	1137	74	0.065084	3241	59	0.018204	3164	65	0.020544	3258	88	0.02701	1136	2	0.001761	1102	1	0.000907	458	0	0
XM_03024 69612	Kansl2	chr15	98518808	98534770	3287	64	0.019471	2929	66	0.022533	3247	66	0.020326	413	2	0.004843	1137	74	0.065084	3213	59	0.018363	3140	65	0.020701	3238	88	0.027177	1136	2	0.001761	1102	1	0.000907	458	0	0
XM_03024 69612	Kansl2	chr15	98518808	98534290	3287	64	0.019471	2929	66	0.022533	3277	66	0.02014	413	2	0.004843	1137	74	0.065084	3255	59	0.018126	3176	65	0.020466	3268	88	0.026928	1136	2	0.001761	1102	1	0.000907	458	0	0
XM_03024 69694	Tatdn1	chr15	58899931	58933722	1687	10	0.005928	1703	12	0.007046	1895	18	0.009499	381	0	0	754	1	0.001326	1927	17	0.008822	1986	14	0.007049	1907	7	0.003671	671	2	0.002981	779	1	0.001284	270	1	0.003704
XM_03024 69694	Tatdn1	chr15	58899931	58933715	1687	10	0.005928	1703	12	0.007046	1895	18	0.009499	381	0	0	754	1	0.001326	1927	17	0.008822	1986	14	0.007049	1907	7	0.003671	671	2	0.002981	779	1	0.001284	270	1	0.003704
XM_03024 69694	Tatdn1	chr15	58901004	58933756	1687	10	0.005928	1703	12	0.007046	1895	18	0.009499	381	0	0	754	1	0.001326	1927	17	0.008822	1986	14	0.007049	1907	7	0.003671	671	2	0.002981	779	1	0.001284	270	1	0.003704
XM_03024 69694	Tatdn1	chr15	58899931	58933732	1687	10	0.005928	1703	12	0.007046	1895	18	0.009499	381	0	0	754	1	0.001326	1927	17	0.008822	1986	14	0.007049	1907	7	0.003671	671	2	0.002981	779	1	0.001284	270	1	0.003704
XM_03024 69694	Tatdn1	chr15	58899931	58933672	1687	10	0.005928	1703	12	0.007046	1895	18	0.009499	381	0	0	754	1	0.001326	1927	17	0.008822	1986	14	0.007049	1907	7	0.003671	671	2	0.002981	779	1	0.001284	270	1	0.003704
XM_03024 69694	Tatdn1	chr15	58899931	58933724	1687	10	0.005928	1703	12	0.007046	1895	18	0.009499	381	0	0	754	1	0.001326	1927	17	0.008822	1986	14	0.007049	1907	7	0.003671	671	2	0.002981	779	1	0.001284	270	1	0.003704
XM_03024 70113	Odf3b	chr15	89377447	89379197	1208	64	0.05298	794	21	0.026448	1165	48	0.041202	298	4	0.013423	478	11	0.023013	1175	35	0.029787	1091	21	0.019248	1228	36	0.029316	341	23	0.067449	229	10	0.043668	126	9	0.071429
XM_03024 70790	Ubr5	chr15	37967330	38019575	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211519	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211520	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211520	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89211520	89287015	3089	29	0.009388	2522	20	0.00793	3199	35	0.010941	84	1	0.011905	710	4	0.005634	2741	29	0.01058	2834	35	0.01235	2582	22	0.008521	735	7	0.009524	889	20	0.022497	30	0	0
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89259066	89287015	49	48	0.979592	22	22	1	33	32	0.969697	20	19	0.95	24	22	0.916667	51	47	0.921569	47	44	0.93617	52	50	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	35	0.972222
XM_03024 71474	Ppp6r2	chr15	89268503	89287015	135	125	0.925926	135	130	0.962963	130	128	0.984615	#N/A	#N/A	#N/A	86	79	0.918605	130	128	0.984615	175	171	0.977143	95	94	0.989474	55	47	0.854545	55	55	1	55	54	0.981818
XM_03024 71898	Apol9b	chr15	77729047	77736382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71919	Rpap3	chr15	97675097	97703307	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	52	15	0.288462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	16	0.380952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 71919	Rpap3	chr15	97675097	97701145	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 72193	Scaf11	chr15	96411699	96460690	7912	33	0.004171	7823	51	0.006519	8457	43	0.005085	1092	2	0.001832	1886	3	0.001591	8253	59	0.007149	7837	39	0.004976	8977	54	0.006015	1445	3	0.002076	2082	3	0.001441	516	5	0.00969
XM_03024 72277	Fam186a	chr15	99918345	99967093	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 72277	Fam186a	chr15	99918345	99967093	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 72277	Fam186a	chr15	99918345	99955656	11	8	0.727273	25	22	0.88	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	18	15	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 72301	Shisal1	chr15	84379203	84444327	1184	254	0.214527	1052	218	0.207224	1156	244	0.211073	290	79	0.272414	376	109	0.289894	1402	265	0.189016	1179	199	0.168787	964	145	0.150415	174	70	0.402299	244	64	0.262295	65	36	0.553846
XM_03024 14859	Gsta3	chr1	21240565	21265220	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19281	Ptprt	chr2	1.62E+08	1.63E+08	5395	139	0.025765	5288	123	0.02326	5792	89	0.015366	868	11	0.012673	1325	25	0.018868	5326	174	0.03267	4769	123	0.025792	5025	166	0.033035	1101	29	0.02634	1615	29	0.017957	326	13	0.039877
XM_03024 72709	C1qtnf6	chr15	78523346	78529654	553	237	0.428571	451	183	0.405765	479	197	0.411273	102	31	0.303922	155	50	0.322581	647	292	0.451314	551	240	0.435572	516	214	0.414729	154	59	0.383117	205	83	0.404878	100	42	0.42
XM_03024 72844	Kctd17	chr15	78428599	78438388	1435	114	0.079443	1195	87	0.072803	1291	97	0.075136	247	17	0.068826	196	9	0.045918	1690	96	0.056805	1280	313	0.244531	1298	167	0.128659	193	20	0.103627	408	22	0.053922	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73542	Tssk5	chr15	76371962	76375190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 73692	Cplane1	chr15	8169025	8270940	1134	50	0.044092	1124	54	0.048043	1359	54	0.039735	245	32	0.130612	588	32	0.054422	1175	26	0.022128	1053	5	0.004748	1101	37	0.033606	438	6	0.013699	340	31	0.091176	294	26	0.088435
XM_03024 74281	Spatc1	chr15	76268062	76292577	193	172	0.891192	211	193	0.914692	161	148	0.919255	36	35	0.972222	81	70	0.864198	232	214	0.922414	168	143	0.85119	173	150	0.867052	20	8	0.4	87	85	0.977011	12	10	0.833333
XM_03024 74369	Mei1	chr15	82085438	82126817	490	374	0.763265	440	306	0.695455	416	329	0.790865	54	28	0.518519	249	195	0.783133	429	296	0.689977	250	168	0.672	348	220	0.632184	226	133	0.588496	191	131	0.685864	39	22	0.564103
XM_03024 74775	Lmbr1l	chr15	98903918	98917583	1937	8	0.00413	1605	11	0.006854	1907	9	0.004719	292	2	0.006849	691	3	0.004342	2019	7	0.003467	1764	11	0.006236	1975	12	0.006076	547	1	0.001828	605	5	0.008264	322	2	0.006211
XM_03024 75002	Tmprss12	chr15	1E+08	1E+08	122	117	0.959016	99	93	0.939394	167	162	0.97006	#N/A	#N/A	#N/A	59	56	0.949153	220	201	0.913636	212	195	0.919811	165	153	0.927273	30	29	0.966667	36	35	0.972222	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75475	Oplah	chr15	76296603	76331179	1725	83	0.048116	1518	67	0.044137	1940	73	0.037629	413	1	0.002421	701	48	0.068474	2295	68	0.02963	1506	50	0.033201	1731	43	0.024841	656	30	0.045732	831	43	0.051745	339	2	0.0059
XM_03024 75475	Oplah	chr15	76296603	76307393	197	29	0.147208	204	9	0.044118	186	11	0.05914	80	8	0.1	70	18	0.257143	267	72	0.269663	145	28	0.193103	189	29	0.153439	24	2	0.083333	64	5	0.078125	36	5	0.138889
XM_03024 75646	Rai14	chr15	10568971	10715303	1703	18	0.01057	1425	8	0.005614	1686	25	0.014828	248	2	0.008065	505	3	0.005941	1934	15	0.007756	1848	13	0.007035	1966	16	0.008138	539	3	0.005566	463	3	0.006479	110	1	0.009091
XM_03024 75729	Fam227a	chr15	79610990	79658924	2260	102	0.045133	2092	145	0.069312	2324	165	0.070998	288	1	0.003472	778	85	0.109254	1927	109	0.056565	2041	23	0.011269	2011	94	0.046743	722	81	0.112188	989	128	0.129424	123	2	0.01626
XM_03024 75729	Fam227a	chr15	79610990	79658924	2260	102	0.045133	2092	145	0.069312	2324	165	0.070998	288	1	0.003472	778	85	0.109254	1927	109	0.056565	2041	23	0.011269	2011	94	0.046743	722	81	0.112188	989	128	0.129424	123	2	0.01626
XM_03024 75729	Fam227a	chr15	79610990	79658924	2260	102	0.045133	2092	145	0.069312	2324	165	0.070998	288	1	0.003472	778	85	0.109254	1927	109	0.056565	2041	23	0.011269	2011	94	0.046743	722	81	0.112188	989	128	0.129424	123	2	0.01626
XM_03024 19383	Raly	chr2	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 75729	Fam227a	chr15	79611973	79658956	2260	102	0.045133	2092	145	0.069312	2324	165	0.070998	288	1	0.003472	778	85	0.109254	1927	109	0.056565	2041	23	0.011269	2011	94	0.046743	722	81	0.112188	989	128	0.129424	123	2	0.01626
XM_03024 75777	Ttc23l	chr15	10497223	10558770	255	224	0.878431	189	179	0.94709	318	278	0.874214	45	41	0.911111	121	108	0.892562	205	172	0.839024	244	185	0.758197	251	225	0.896414	93	85	0.913978	91	66	0.725275	33	28	0.848485
XM_03024 77717	Smim41	chr15	1.01E+08	1.01E+08	65	52	0.8	24	23	0.958333	33	24	0.727273	10	7	0.7	36	35	0.972222	117	89	0.760684	39	35	0.897436	41	31	0.756098	22	21	0.954545	32	22	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77717	Smim41	chr15	1.01E+08	1.01E+08	65	52	0.8	24	23	0.958333	33	24	0.727273	10	7	0.7	36	35	0.972222	117	89	0.760684	39	35	0.897436	41	31	0.756098	22	21	0.954545	32	22	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 77980	Sbf1	chr15	89288279	89315150	2284	11	0.004816	2000	7	0.0035	1965	9	0.00458	367	2	0.00545	650	2	0.003077	2130	12	0.005634	1935	8	0.004134	2392	15	0.006271	504	1	0.001984	847	0	0	70	0	0
XM_03024 78541	Asb8	chr15	98134637	98165596	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	1	0.071429	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 78541	Asb8	chr15	98134637	98145720	2033	78	0.038367	2118	78	0.036827	1979	52	0.026276	306	7	0.022876	636	49	0.077044	1910	58	0.030366	1981	62	0.031297	2082	62	0.029779	571	25	0.043783	578	3	0.00519	283	1	0.003534
XM_03024 78733	Troap	chr15	99074982	99083409	1735	33	0.01902	1484	14	0.009434	1443	31	0.021483	204	1	0.004902	347	1	0.002882	1465	19	0.012969	1308	11	0.00841	1126	32	0.028419	409	0	0	498	3	0.006024	134	0	0
XM_03024 78733	Troap	chr15	99074982	99083409	1735	33	0.01902	1484	14	0.009434	1443	31	0.021483	204	1	0.004902	347	1	0.002882	1465	19	0.012969	1308	11	0.00841	1126	32	0.028419	409	0	0	498	3	0.006024	134	0	0
XM_03024 78834	Zfp623	chr15	75945950	75949402	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 79456	Recql4	chr15	76706160	76710616	2261	17	0.007519	2316	9	0.003886	2138	18	0.008419	408	2	0.004902	711	0	0	2268	14	0.006173	2223	29	0.013045	2380	20	0.008403	353	7	0.01983	1080	6	0.005556	200	4	0.02
XM_03024 19668	Rbpjl	chr2	1.64E+08	1.64E+08	248	20	0.080645	235	14	0.059574	292	18	0.061644	39	27	0.692308	30	0	0	180	19	0.105556	164	14	0.085366	165	18	0.109091	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 83925	Trps1	chr15	50654757	50889422	2074	45	0.021697	1468	24	0.016349	1819	29	0.015943	314	7	0.022293	431	4	0.009281	1746	50	0.028637	1954	125	0.063971	2062	47	0.022793	301	25	0.083056	576	11	0.019097	156	6	0.038462
XM_03024 83925	Trps1	chr15	50654757	50889421	2074	45	0.021697	1468	24	0.016349	1819	29	0.015943	314	7	0.022293	431	4	0.009281	1746	50	0.028637	1954	125	0.063971	2062	47	0.022793	301	25	0.083056	576	11	0.019097	156	6	0.038462
XM_03024 83925	Trps1	chr15	50654757	50890176	1247	15	0.012029	853	8	0.009379	1135	6	0.005286	128	1	0.007813	260	0	0	1029	13	0.012634	1359	21	0.015453	1450	15	0.010345	123	6	0.04878	276	2	0.007246	62	0	0
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77308434	142	137	0.964789	118	114	0.966102	100	96	0.96	26	23	0.884615	10	9	0.9	122	109	0.893443	144	139	0.965278	164	156	0.95122	32	29	0.90625	60	56	0.933333	30	28	0.933333
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77308434	142	137	0.964789	118	114	0.966102	100	96	0.96	26	23	0.884615	10	9	0.9	122	109	0.893443	144	139	0.965278	164	156	0.95122	32	29	0.90625	60	56	0.933333	30	28	0.933333
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77308434	142	137	0.964789	118	114	0.966102	100	96	0.96	26	23	0.884615	10	9	0.9	122	109	0.893443	144	139	0.965278	164	156	0.95122	32	29	0.90625	60	56	0.933333	30	28	0.933333
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77308434	142	137	0.964789	118	114	0.966102	100	96	0.96	26	23	0.884615	10	9	0.9	122	109	0.893443	144	139	0.965278	164	156	0.95122	32	29	0.90625	60	56	0.933333	30	28	0.933333
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245675	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77308434	142	137	0.964789	118	114	0.966102	100	96	0.96	26	23	0.884615	10	9	0.9	122	109	0.893443	144	139	0.965278	164	156	0.95122	32	29	0.90625	60	56	0.933333	30	28	0.933333
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245947	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77245947	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77203287	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77078990	77153950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 93686	Rbfox2	chr15	77091812	77245968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 94230	Cpsf1	chr15	76595808	76607611	2383	72	0.030214	2363	57	0.024122	2396	52	0.021703	472	20	0.042373	1032	7	0.006783	2296	85	0.037021	2484	56	0.022544	2748	49	0.017831	441	17	0.038549	1109	29	0.02615	198	14	0.070707
XM_03024 19730	Ralgds	chr2	28533432	28553073	1513	105	0.069399	1757	100	0.056915	1551	84	0.054159	73	32	0.438356	311	32	0.102894	1326	95	0.071644	1532	75	0.048956	1935	63	0.032558	436	32	0.073394	400	51	0.1275	219	8	0.03653
XM_03024 19730	Ralgds	chr2	28533432	28553073	1513	105	0.069399	1757	100	0.056915	1551	84	0.054159	73	32	0.438356	311	32	0.102894	1326	95	0.071644	1532	75	0.048956	1935	63	0.032558	436	32	0.073394	400	51	0.1275	219	8	0.03653
XM_03024 102633968	Gm31665	chr15	72972044	72979038	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	48	46	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1
XM_03024 19730	Ralgds	chr2	28513090	28553073	5891	127	0.021558	6573	138	0.020995	5990	155	0.025876	705	28	0.039716	1825	33	0.018082	5544	128	0.023088	4513	206	0.045646	5531	188	0.03399	1432	89	0.062151	1801	47	0.026097	964	44	0.045643
XM_03024 102634429	Gm6569	chr15	73831084	73839908	270	252	0.933333	329	299	0.908815	237	218	0.919831	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	153	0.944444	249	213	0.855422	243	192	0.790123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 19730	Ralgds	chr2	28533445	28553073	1513	105	0.069399	1757	100	0.056915	1551	84	0.054159	73	32	0.438356	311	32	0.102894	1326	95	0.071644	1532	75	0.048956	1935	63	0.032558	436	32	0.073394	400	51	0.1275	219	8	0.03653
XM_03024 115488470	LOC11548	chr15	98757230	98762046	3278	16	0.004881	3130	28	0.008946	3103	12	0.003867	602	2	0.003322	1179	5	0.004241	3484	13	0.003731	3097	23	0.007427	2938	28	0.00953	809	7	0.008653	1197	4	0.003342	246	0	0
XM_03024 20014	Rpn2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	4505	36	0.007991	4028	39	0.009682	4536	30	0.006614	854	1	0.001171	1759	2	0.001137	4479	20	0.004465	4103	22	0.005362	4754	33	0.006942	850	1	0.001176	1571	4	0.002546	811	3	0.003699
XM_03024 20014	Rpn2	chr2	1.57E+08	1.57E+08	4505	36	0.007991	4028	39	0.009682	4536	30	0.006614	854	1	0.001171	1759	2	0.001137	4479	20	0.004465	4103	22	0.005362	4754	33	0.006942	850	1	0.001176	1571	4	0.002546	811	3	0.003699
XM_03024 545126	CN725425	chr15	91199446	91262088	604	562	0.930464	571	541	0.947461	609	570	0.935961	217	210	0.967742	229	219	0.956332	663	617	0.930618	613	579	0.944535	534	492	0.921348	158	144	0.911392	77	72	0.935065	44	38	0.863636
XM_03024 105246049	Gm41408	chr15	96451909	96463246	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 20181	Rxra	chr2	27735154	27762959	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 14897	Trip12	chr1	84722757	84817673	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_03024	115488529	LOC11548	chr15	37005706	37008473	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20402	Zfp106	chr2	1.21E+08	1.21E+08	41	0	0	120	0	0	142	1	0.007042	#N/A	#N/A	#N/A	48	0	0	117	1	0.008547	171	1	0.005848	141	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	115488534	Gm52215	chr15	91041908	91049901	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	38	31	0.815789	30	20	0.666667	14	5	0.357143	36	32	0.888889	47	39	0.829787	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20402	Zfp106	chr2	1.21E+08	1.21E+08	41	0	0	120	0	0	142	1	0.007042	#N/A	#N/A	#N/A	48	0	0	117	1	0.008547	171	1	0.005848	141	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	115488536	Gm52217	chr15	51990975	51996565	3789	21	0.005542	4005	18	0.004494	4145	32	0.00772	582	1	0.001718	1513	6	0.003966	3506	16	0.004564	3281	23	0.00701	3530	21	0.005949	1262	9	0.007132	1262	6	0.004754	180	0	0
XM_03024	102637817	Gm34531	chr15	75470106	75480093	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20495	Slc12a1	chr2	1.25E+08	1.25E+08	471	322	0.683652	369	233	0.631436	438	290	0.6621	#N/A	#N/A	#N/A	206	140	0.679612	489	353	0.721881	453	334	0.737307	414	250	0.603865	124	76	0.612903	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20511	Slc1a2	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20511	Slc1a2	chr2	1.03E+08	1.03E+08	4190	114	0.027208	4779	73	0.015275	4709	80	0.016989	752	10	0.013298	1596	41	0.025689	4322	116	0.026839	4337	99	0.022827	3838	100	0.026055	1437	22	0.01531	1361	65	0.047759	417	8	0.019185
XM_03024	14897	Trip12	chr1	84722757	84839541	3662	42	0.011469	3519	36	0.01023	3703	37	0.009992	496	2	0.004032	1230	25	0.020325	3898	45	0.011544	2869	35	0.012199	3381	25	0.007394	809	11	0.013597	871	11	0.012629	210	0	0
XM_03024	100502698	Rubcn	chr16	32821702	32868372	198	2	0.010101	259	5	0.019305	259	5	0.019305	10	0	0	171	1	0.005848	351	19	0.054131	267	0	0	301	1	0.003322	87	0	0	78	0	0	46	0	0
XM_03024	100502698	Rubcn	chr16	32821702	32877663	3387	17	0.005019	3615	31	0.008575	3639	67	0.018412	663	8	0.012066	1375	38	0.027636	3490	73	0.020917	3261	24	0.00736	3549	27	0.007608	1112	5	0.004496	1548	2	0.001292	478	2	0.004184
XM_03024	100503609	Lnp1	chr16	56914100	56928188	29	23	0.793103	14	13	0.928571	38	32	0.842105	10	8	0.8	34	29	0.852941	27	23	0.851852	32	26	0.8125	11	9	0.818182	27	19	0.703704	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20612	Siglec1	chr2	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	102638083	Ccdc188	chr16	18217874	18220347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	28	25	0.892857	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91011095	4267	15	0.003515	3549	16	0.004508	4280	29	0.006776	555	1	0.001802	1405	4	0.002847	4786	26	0.005433	4324	23	0.005319	4389	18	0.004101	1052	2	0.001901	1319	4	0.003033	162	0	0
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91011095	4267	15	0.003515	3549	16	0.004508	4280	29	0.006776	555	1	0.001802	1405	4	0.002847	4786	26	0.005433	4324	23	0.005319	4389	18	0.004101	1052	2	0.001901	1319	4	0.003033	162	0	0
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	104015	Synj1	chr16	90936092	91013727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	106200	Txndc11	chr16	11074911	11134645	3849	13	0.003378	3338	23	0.00689	3666	26	0.007092	753	1	0.001328	1611	6	0.003724	3672	30	0.00817	3606	20	0.005546	3878	21	0.005415	1402	8	0.005706	1613	4	0.00248	478	3	0.006276
XM_03024	106200	Txndc11	chr16	11074911	11128624	340	126	0.370588	280	45	0.160714	268	63	0.235075	64	14	0.21875	162	61	0.376543	287	177	0.616725	236	136	0.576271	217	106	0.488479	151	82	0.543046	83	39	0.46988	30	17	0.566667
XM_03024	106248	Qtrt2	chr16	43861407	43889613	1175	6	0.005106	941	7	0.007439	1151	7	0.006082	316	0	0	505	0	0	1386	16	0.011544	1196	9	0.007525	980	11	0.011224	573	2	0.00349	445	2	0.004494	359	1	0.002786
XM_03024	106369	Ypel1	chr16	17077198	17087048	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	106393	Srl	chr16	4476979	4523088	82	67	0.817073	42	36	0.857143	73	69	0.945205	23	20	0.869565	39	29	0.74359	97	75	0.773196	63	48	0.761905	57	22	0.385965	20	15	0.75	32	30	0.9375	12	12	1
XM_03024	108105	B3gnt5	chr16	19760192	19772760	1041	7	0.006724	1041	16	0.01537	1076	26	0.024164	198	2	0.010101	299	1	0.003344	1105	20	0.0181	1124	48	0.042705	1100	41	0.037273	224	3	0.013393	377	13	0.034483	48	1	0.020833
XM_03024	110197	Dgkg	chr16	22466568	22657301	1459	16	0.010966	1383	19	0.013738	1604	31	0.019327	359	5	0.013928	638	4	0.00627	1510	22	0.01457	1381	32	0.023172	1361	19	0.01396	494	6	0.012146	443	12	0.027088	138	14	0.101449
XM_03024	110197	Dgkg	chr16	22466568	22657298	1459	16	0.010966	1383	19	0.013738	1604	31	0.019327	359	5	0.013928	638	4	0.00627	1510	22	0.01457	1381	32	0.023172	1361	19	0.01396	494	6	0.012146	443	12	0.027088	138	14	0.101449
XM_03024	110948	Hlcs	chr16	94129306	94303552	542	95	0.175277	495	38	0.076768	559	73	0.13059	#N/A	#N/A	#N/A	43	8	0.186047	589	68	0.11545	475	48	0.101053	512	60	0.117188	65	13	0.2	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	110948	Hlcs	chr16	94129746	94313592	900	7	0.007778	1038	7	0.006744	956	4	0.004184	326	2	0.006135	464	2	0.00431	1095	5	0.004566	877	5	0.005701	1076	22	0.020446	325	2	0.006154	404	2	0.00495	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	110948	Hlcs	chr16	94210682	94315239	186	76	0.408602	121	36	0.297521	132	41	0.310606	44	10	0.227273	87	46	0.528736	200	124	0.62	151	71	0.470199	159	105	0.660377	78	46	0.589744	74	36	0.486486	22	13	0.590909
XM_03024	14897	Trip12	chr1	84722757	84839541	3662	42	0.011469	3519	36	0.01023	3703	37	0.009992	496	2	0.004032	1230	25	0.020325	3898	45	0.011544	2869	35	0.012199	3381	25	0.007394	809	11	0.013597	871	11	0.012629	210	0	0
XM_03024	114565	Zbtb21	chr16	97945795	97962252	1323	123	0.092971	552	67	0.121377	1286	100	0.07776	110	0	0	364	67	0.184066	1042	87	0.083493	1200	54	0.045	963	103	0.106957	203	35	0.172414	289	1	0.00346	150	1	0.006667
XM_03024	114565	Zbtb21	chr16	97945843	97962626	1323	123	0.092971	552	67	0.121377	1286	100	0.07776	110	0	0	364	67	0.184066	1042	87	0.083493	1200	54	0.045	963	103	0.106957	203	35	0.172414	289	1	0.00346	150	1	0.006667
XM_03024	114565	Zbtb21	chr16	97945843	97962627	1323	123	0.092971	552	67	0.121377	1286	100	0.07776	110	0	0	364	67	0.184066	1042	87	0.083493	1200	54	0.045	963	103	0.106957	203	35	0.172414	289	1	0.00346	150	1	0.006667
XM_03024	114565	Zbtb21	chr16	97945843	97962627	1323	123	0.092971	552	67	0.121377	1286	100	0.07776	110	0	0	364	67	0.184066	1042	87	0.083493	1200	54	0.045	963	103	0.106957	203	35	0.172414	289	1	0.00346	150	1	0.006667
XM_03024	114565	Zbtb21	chr16	97945795	97962626	1323	123	0.092971	552	67	0.121377	1286	100	0.07776	110	0	0	364	67	0.184066	1042	87	0.083493	1200	54	0.045	963	103	0.106957	203	35	0.172414	289	1	0.00346	150	1	0.006667
XM_03024	114565	Zbtb21	chr16	97945795	97962626	1323	123	0.092971	552	67	0.121377	1286	100	0.07776	110	0	0	364	67	0.184066	1042	87	0.083493	1200	54	0.045	963	103	0.106957	203	35	0.172414	289	1	0.00346	150	1	0.006667
XM_03024	114604	Prdm15	chr16	97791520	97851664	5047	172	0.03408	5153	206	0.039977	5223	205	0.039249	780	26	0.033333	1521	89	0.058514	5649	181	0.032041	5054	206	0.04076	5352	217	0.040546	1088	61	0.056066	1832	88	0.048035	524	1	0.001908
XM_03024	114604	Prdm15	chr16	97791520	97851874	5047	172	0.03408	5153	206	0.039977	5223	205	0.039249	780	26	0.033333	1521	89	0.058514	5649	181	0.032041	5054	206	0.04076	5352	217	0.040546	1088	61	0.056066	1832	88	0.048035	524	1	0.001908
XM_03024	114604	Prdm15	chr16	97791520	97851843	5047	172	0.03408	5153	206	0.039977	5223	205	0.039249	780	26	0.033333	1521	89	0.058514	5649	181	0.032041	5054	206	0.04076	5352	217	0.040546	1088	61	0.056066	1832	88	0.048035	524	1	0.001908
XM_03024	114604	Prdm15	chr16	97791520	97851821	5047	172	0.03408	5153	206	0.039977	5223	205	0.039249	780	26	0.033333	1521	89	0.058514	5649	181	0.032041	5054	206	0.04076	5352	217	0.040546	1088	61	0.056066	1832	88	0.048035	524	1	0.001908
XM_03024	114604	Prdm15	chr16	97791520	97851837	5047	172	0.03408	5153	206	0.039977	5223	205	0.039249	780	26	0.033333	1521	89	0.058514	5649	181	0.032041	5054	206	0.04076	5352	217	0.040546	1088	61	0.056066	1832	88	0.048035	524	1	0.001908
XM_03024	20648	Snta1	chr2	1.54E+08	1.54E+08	3363	53	0.01576	3925	59	0.015032	4095	55	0.013431	436	3	0.006881	955	11	0.011518	3441	58	0.016856	2618	25	0.009549	3353	63	0.018789	641	5	0.0078	1323	9	0.006803	263	2	0.007605
XM_03024	11877	Arvcf	chr16	18348190	18406308	3362	71	0.021118	2999	64	0.02134	3356	81	0.024136	327	16	0.04893	496	24	0.048387	3317	69	0.020802	3218	56	0.017402	3140	69	0.021975	480	6	0.0125	808	23	0.028465	289	11	0.038062
XM_03024	11957	Atp5j	chr16	84827871	84835707	5563	57	0.010246	5948	48	0.00807	6737	50	0.007422	774	4	0.005168	1531	21	0.013717	5801	56	0.009654	5137	64	0.012459	5792	66	0.011395	1513	19	0.012558	2091	17	0.00813	633	1	0.00158
XM_03024	11957	Atp5j	chr16	84827871	84834797	5629	57	0.010126	6090	49	0.008046	6737	50	0.007422	774	4	0.005168	1671	22	0.013166	5873	56	0.009535	5197	64	0.012315	5792	66	0.011395	1513	19	0.012558	2192	17	0.007755	633	1	0.00158
XM_03024	11957	Atp5j	chr16	84827871	84834978	5629	57	0.010126	6090	49	0.008046	6737	50	0.007422	774	4	0.005168	1671	22	0.013166	5873	56	0.009535	5197	64	0.012315	5792	66	0.011395	1513	19	0.012558	2192	17	0.007755	633	1	0.00158
XM_03024	12013	Bach1	chr16	87698964	87733346	3373	20	0.005929	3023	11	0.003639	3388	34	0.010035	434	0	0	878	33	0.037585	3678	66	0.017945	3038	35	0.011521	3066	72	0.023483	1182	2	0.001692	1109	4	0.003607	233	0	0
XM_03024	12053	Bcl6	chr16	23965069	23988262	3896	31	0.007957	3140	7	0.002229	3690	28	0.007588	297	2	0.006734	1048	7	0.006679	4446	22	0.004948	3705	20	0.005398	4015	25	0.006227	904	5	0.005531	1046	3	0.002868	332	1	0.003012
XM_03024	12053	Bcl6	chr16	23965069	23988866	3477	30	0.008628	2834	6	0.002117	3367	26	0.007722	297	2	0.006734	871	6	0.006889	3984	21	0.005271	3298	18	0.005458	3692	24	0.006501	834	5	0.005995	899	1	0.001112	332	1	0.003012
XM_03024	14897	Trip12	chr1	84722757	84839541	3662	42	0.011469	3519	36	0.01023	3703	37	0.009992	496	2	0.004032	1230	25	0.020325	3898	45	0.011544	2869	35	0.012199	3381	25	0.007394	809	11	0.013597	871	11	0.012629	210	0	0
XM_03024	12265	Ciita	chr16	10488124	10531064	342	295	0.862573	222	173	0.779279	355	301	0.847887	56	47	0.839286	24	20	0.833333	331	247	0.746224	235	161	0.685106	257	184	0.715953	112	71	0.633929	68	46	0.676471	30	17	0.566667
XM_03024	12519	Cd80	chr16	38457430	38479558	67	58	0.865672	38	36	0.947368	61	54	0.885246	#N/A	#N/A	#N/A	64	53	0.828125	35	28	0.8	37	26	0.702703	39	25	0.641026	13	11	0.846154	21	11	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	12519	Cd80	chr16	38457431	38487235	67	58	0.865672	38	36	0.947368	61	54	0.885246	#N/A	#N/A	#N/A	64	53	0.828125	35	28	0.8	37	26	0.702703	39	25	0.641026	13	11	0.846154	21	11	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_03024	12667	Chrd	chr16	20731425	20742382	163	69	0.423313	98	20	0.204082	157	56	0.356688	36	20	0.555556	39	12	0.307692	200	75	0.375	165	62	0.375758	181	63	0.348066	32	10	0.3125	16	1	0.0625	16	1	0.0625
XM_03024	12667	Chrd	chr16	20731425	20742382	163	69	0.423313	98	20	0.204082	157	56	0.356688	36	20	0.555556	39	12	0.307692	200	75	0.375	165	62	0.375758	181	63	0.348066	32	10	0.3125	16	1	0.0625	16	1	0.0625
XM_03024	207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_03024	12667	Chrd	chr16	20733501	20742382	4186	281	0.067129	4236	199	0.046978	4362	294	0.0674	641	24	0.037441	1180	115	0.097458	4600	226	0.04913	3879	257	0.066254	4526	227	0.050155	897	56	0.06243	1332	92	0.069069	51	27	0.529412
XM_03024	207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_03024	12724	Clcn2	chr16	20702435	20716145	4189	29	0.006923	3801	39	0.01026	4209	26	0.006177	510	1	0.001961	1162	4	0.003442	4852	30	0.006183	3849	26	0.006755	4295	20	0.004657	1079	3	0.00278	1371	5	0.003647	229	0	0
XM_03024	207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_03024	207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_03024	207182	Ggt7	chr2	1.55E+08	1.56E+08	1370	116	0.084672	1298	138	0.106317	1486	149	0.100269	361	41	0.113573	523	46	0.087954	1563	78	0.049904	1107	118	0.106594	1171	66	0.056362	408	53	0.129902	597	32	0.053601	271	24	0.088561
XM_03024	13052	Cxadr	chr16	78301226	78340755	2369	27	0.011397	2232	18	0.008065	2518	24	0.009531	452	2	0.004425	793	5	0.006305	2496	37	0.014824	2283	11	0.004818	2127	22	0.010343	564	4	0.007092	518	0	0	292	0	0
XM_03024	13353	Dgcr6	chr16	18052883	18071633	246	65	0.264228	209	59	0.282297	181	52	0.287293	69	44	0.637681	113	64	0.566372	278	96	0.345324	144	43	0.298611	120	25	0.208333	83	13	0.156627	68	24	0.352941	59	27	0.457627
XM_03024	20732	Spint1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	2827	85	0.030067	2662	70	0.026296	3531	113	0.032002	503	11	0.021869	991	29	0.029263	3234	80	0.024737	2744	115	0.04191	2638	81	0.030705	977	34	0.0348	1139	37	0.032485	403	7	0.01737
XM_03024	13383	Dlg1	chr16	31664149	31873350	4072	26	0.006385	3674	26	0.007077	3934	22	0.005592	885	1	0.00113	1550	5	0.003226	4456	40	0.008977	3570	15	0.004202	3815	31	0.008126	1227	6	0.00489	1381	4	0.002896	775	0	0
XM_03024	13383	Dlg1	chr16	31664149	31873350	4072	26	0.006385	3674	26	0.007077	3934	22	0.005592	885	1	0.00113	1550	5	0.003226	4456	40	0.008977	3570	15	0.004202	3815	31	0.008126	1227	6	0.00489	1381	4	0.002896	775	0	0
XM_03024	13383	Dlg1	chr16	31752719	31873350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13383	Dlg1	chr16	31695504	31873350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13508	Dscam	chr16	96592915	96833493	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13682	Eif4a2	chr16	23107754	23113947	4009	29	0.007234	3533	29	0.008208	3665	22	0.006003	774	1	0.001292	1469	7	0.004765	4548	38	0.008355	4000	25	0.00625	3729	16	0.004291	1508	5	0.003316	1606	6	0.003736	127	1	0.007874
XM_03024	13682	Eif4a2	chr16	23107763	23113947	4009	29	0.007234	3533	29	0.008208	3665	22	0.006003	774	1	0.001292	1469	7	0.004765	4548	38	0.008355	4000	25	0.00625	3729	16	0.004291	1508	5	0.003316	1606	6	0.003736	127	1	0.007874
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95586599	211	13	0.061611	157	12	0.076433	277	5	0.018051	10	0	0	91	1	0.010989	333	18	0.054054	264	13	0.049242	170	4	0.023529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95586600	211	13	0.061611	157	12	0.076433	277	5	0.018051	10	0	0	91	1	0.010989	333	18	0.054054	264	13	0.049242	170	4	0.023529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95586598	211	13	0.061611	157	12	0.076433	277	5	0.018051	10	0	0	91	1	0.010989	333	18	0.054054	264	13	0.049242	170	4	0.023529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95586600	211	13	0.061611	157	12	0.076433	277	5	0.018051	10	0	0	91	1	0.010989	333	18	0.054054	264	13	0.049242	170	4	0.023529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95586599	211	13	0.061611	157	12	0.076433	277	5	0.018051	10	0	0	91	1	0.010989	333	18	0.054054	264	13	0.049242	170	4	0.023529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95418671	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95459373	87	63	0.724138	91	57	0.626374	88	67	0.761364	30	23	0.766667	68	43	0.632353	#N/A	#N/A	#N/A	57	41	0.719298	53	34	0.641509	11	10	0.909091	52	32	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13876	Erg	chr16	95359169	95459373	87	63	0.724138	91	57	0.626374	88	67	0.761364	30	23	0.766667	68	43	0.632353	#N/A	#N/A	#N/A	57	41	0.719298	53	34	0.641509	11	10	0.909091	52	32	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13972	Gnb1l	chr16	18538397	18566680	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	13972	Gnb1l	chr16	18498858	18566680	3609	243	0.067332	3031	245	0.080831	4176	311	0.074473	620	18	0.029032	1371	141	0.102845	3747	279	0.07446	3169	135	0.0426	2658	107	0.040256	1108	167	0.150722	1208	125	0.103477	331	27	0.081571
XM_03024	13972	Gnb1l	chr16	18498859	18566680	3609	243	0.067332	3031	245	0.080831	4176	311	0.074473	620	18	0.029032	1371	141	0.102845	3747	279	0.07446	3169	135	0.0426	2658	107	0.040256	1108	167	0.150722	1208	125	0.103477	331	27	0.081571
XM_03024	14390	Gabpa	chr16	84834901	84863783	5521	32	0.005796	5939	28	0.004715	6613	35	0.005293	750	2	0.002667	1593	7	0.004394	5731	23	0.004013	5014	28	0.005584	5617	48	0.008545	1457	3	0.002059	2160	9	0.004167	633	1	0.00158
XM_03024	15233	Hgd	chr16	37579742	37632026	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	15260	Hira	chr16	18922870	18970309	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	15547	Trmt2a	chr16	18248903	18253502	2482	20	0.008058	2633	17	0.006457	2519	19	0.007543	240	1	0.004167	1106	1	0.000904	2968	27	0.009097	2204	24	0.010889	2698	32	0.011861	515	11	0.021359	1175	5	0.004255	629	0	0
XM_03024	15547	Trmt2a	chr16	18248898	18253502	2482	20	0.008058	2633	17	0.006457	2519	19	0.007543	240	1	0.004167	1106	1	0.000904	2968	27	0.009097	2204	24	0.010889	2698	32	0.011861	515	11	0.021359	1175	5	0.004255	629	0	0
XM_03024	20744	Strbp	chr2	37577479	37697334	88	84	0.954545	116	115	0.991379	68	67	0.985294	#N/A	#N/A	#N/A	48	47	0.979167	92	86	0.934783	40	39	0.975	52	48	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	60	58	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	16419	Itgb5	chr16	33891852	33949153	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	2	0.090909
XM_03024	16423	Cd47	chr16	49851328	49912503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	16423	Cd47	chr16	49851328	49912503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	16423	Cd47	chr16	49851328	49912503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	16644	Kng1	chr16	23058220	23081692	24	10	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	16646	Kpna1	chr16	35983289	36037116	5930	139	0.02344	5414	93	0.017178	6282	132	0.021012	571	25	0.043783	1935	71	0.036693	5883	149	0.025327	5414	141	0.026044	5035	118	0.023436	1262	43	0.034073	1694	34	0.020071	335	17	0.050746
XM_03024	20744	Strbp	chr2	37577770	37682837	34	32	0.941176	148	143	0.966216	84	77	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	91	78	0.857143	112	110	0.982143	115	109	0.947826	84	81	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	170644	Ubn1	chr16	5052936	5086289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	171286	Slc12a8	chr16	33517333	33663408	253	24	0.094862	235	9	0.038298	289	36	0.124567	#N/A	#N/A	#N/A	74	27	0.364865	193	40	0.207254	148	23	0.155405	180	10	0.055556	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	171286	Slc12a8	chr16	33518407	33663408	253	24	0.094862	235	9	0.038298	267	15	0.05618	#N/A	#N/A	#N/A	51	5	0.098039	183	31	0.169399	137	17	0.124088	180	10	0.055556	92	11	0.119565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	171286	Slc12a8	chr16	33616395	33663408	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	18203	Ntan1	chr16	13818851	13835450	907	40	0.044101	905	56	0.061878	986	33	0.033469	#N/A	#N/A	#N/A	155	12	0.077419	1160	41	0.035345	1218	28	0.022989	961	43	0.044745	138	8	0.057971	270	16	0.059259	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	18203	Ntan1	chr16	13818846	13835450	907	40	0.044101	905	56	0.061878	986	33	0.033469	#N/A	#N/A	#N/A	155	12	0.077419	1160	41	0.035345	1218	28	0.022989	961	43	0.044745	138	8	0.057971	270	16	0.059259	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	18203	Ntan1	chr16	13818844	13835450	907	40	0.044101	905	56	0.061878	986	33	0.033469	#N/A	#N/A	#N/A	155	12	0.077419	1160	41	0.035345	1218	28	0.022989	961	43	0.044745	138	8	0.057971	270	16	0.059259	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	14897	Trip12	chr1	84722757	84839541	3662	42	0.011469	3519	36	0.01023	3703	37	0.009992	496	2	0.004032	1230	25	0.020325	3898	45	0.011544	2869	35	0.012199	3381	25	0.007394	809	11	0.013597	871	11	0.012629	210	0	0
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	18203	Ntan1	chr16	13818834	13835450	907	40	0.044101	905	56	0.061878	986	33	0.033469	#N/A	#N/A	#N/A	155	12	0.077419	1160	41	0.035345	1218	28	0.022989	961	43	0.044745	138	8	0.057971	270	16	0.059259	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	19876	Robo1	chr16	72563417	73047491	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	19876	Robo1	chr16	72662775	73047491	1413	18	0.012739	1616	12	0.007426	1697	18	0.010607	185	2	0.010811	543	5	0.009208	1420	41	0.028873	1685	40	0.023739	1430	48	0.033566	406	5	0.012315	426	11	0.025822	154	7	0.045455
XM_03024	20357	Sema5b	chr16	35541154	35664261	4652	102	0.021926	5111	104	0.020348	5347	92	0.017206	347	5	0.014409	1663	34	0.020445	4654	159	0.034164	4750	132	0.027789	4742	136	0.02868	1272	44	0.034591	1558	34	0.021823	396	8	0.020202
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	20604	Sst	chr16	23889573	23891342	408	15	0.036765	589	18	0.03056	574	16	0.027875	71	3	0.042254	202	4	0.019802	519	37	0.071291	504	20	0.039683	465	12	0.025806	148	2	0.013514	199	9	0.045226	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	20779	Src	chr2	1.57E+08	1.57E+08	3784	59	0.015592	4404	57	0.012943	4613	52	0.011272	298	5	0.016779	647	13	0.020093	4434	61	0.013757	3495	55	0.015737	4217	57	0.013517	537	12	0.022346	1404	12	0.008547	60	0	0
XM_03024	207227	Stxbp5l	chr16	37107075	37384794	1280	15	0.011719	1328	14	0.010542	1307	21	0.016067	224	1	0.004464	479	10	0.020877	1492	40	0.02681	1229	20	0.016273	1095	24	0.021918	450	3	0.006667	213	7	0.032864	30	1	0.033333
XM_03024	14897	Trip12	chr1	84722757	84839541	3662	42	0.011469	3519	36	0.01023	3703	37	0.009992	496	2	0.004032	1230	25	0.020325	3898	45	0.011544	2869	35	0.012199	3381	25	0.007394	809	11	0.013597	871	11	0.012629	210	0	0
XM_03024	207227	Stxbp5l	chr16	37107075	37384987	1280	15	0.011719	1328	14	0.010542	1307	21	0.016067	224	1	0.004464	479	10	0.020877	1492	40	0.02681	1229	20	0.016273	1095	24	0.021918	450	3	0.006667	213	7	0.032864	30	1	0.033333
XM_03024	207227	Stxbp5l	chr16	37107075	37384987	1280	15	0.011719	1328	14	0.010542	1307	21	0.016067	224	1	0.004464	479	10	0.020877	1492	40	0.02681	1229	20	0.016273	1095	24	0.021918	450	3	0.006667	213	7	0.032864	30	1	0.033333
XM_03024	207740	Ubald1	chr16	4874779	4880320	4299	20	0.004652	4030	18	0.004467	3634	18	0.004953	736	0	0	1079	0	0	4363	18	0.004126	3775	26	0.006887	5084	35	0.006884	638	2	0.003135	1729	3	0.001735	287	1	0.003484
XM_03024	207740	Ubald1	chr16	4874779	4879591	4621	24	0.005194	4381	20	0.004565	3977	21	0.00528	777	0	0	1233	1	0.000811	4776	21	0.004397	3983	35	0.008787	5428	40	0.007369	698	2	0.002865	1976	7	0.003543	287	1	0.003484
XM_03024	208146	Yeats2	chr16	20141502	20232573	1372	32	0.023324	1005	14	0.01393	1305	48	0.036782	131	11	0.083969	667	13	0.01949	1116	23	0.020609	866	10	0.011547	1094	19	0.017367	298	10	0.033557	551	0	0	88	2	0.022727
XM_03024	208146	Yeats2	chr16	20141058	20232573	1332	12	0.009009	985	3	0.003046	1260	13	0.010317	111	0	0	645	1	0.00155	1105	16	0.01448	855	4	0.004678	1072	5	0.004664	273	1	0.003663	551	0	0	88	2	0.022727
XM_03024	208177	Phldb2	chr16	45746243	45879744	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	208177	Phldb2	chr16	45746243	45953442	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	208624	Alg3	chr16	20605459	20610755	1283	32	0.024942	965	19	0.019689	1352	34	0.025148	393	1	0.002545	742	25	0.033693	1424	8	0.005618	1263	43	0.034046	993	48	0.048338	637	20	0.031397	393	28	0.071247	52	0	0
XM_03024	208624	Alg3	chr16	20605459	20610753	1283	32	0.024942	965	19	0.019689	1352	34	0.025148	393	1	0.002545	742	25	0.033693	1424	8	0.005618	1263	43	0.034046	993	48	0.048338	637	20	0.031397	393	28	0.071247	52	0	0
XM_03024	208643	Eif4g1	chr16	20672720	20692883	4809	21	0.004367	5423	37	0.006823	5411	17	0.003142	727	2	0.002751	1472	5	0.003397	4921	47	0.009551	4825	35	0.007254	5579	36	0.006453	1558	4	0.002567	1299	3	0.002309	136	0	0
XM_03024	208643	Eif4g1	chr16	20672720	20692883	4809	21	0.004367	5423	37	0.006823	5411	17	0.003142	727	2	0.002751	1472	5	0.003397	4921	47	0.009551	4825	35	0.007254	5579	36	0.006453	1558	4	0.002567	1299	3	0.002309	136	0	0
XM_03024	208643	Eif4g1	chr16	20672720	20692883	4809	21	0.004367	5423	37	0.006823	5411	17	0.003142	727	2	0.002751	1472	5	0.003397	4921	47	0.009551	4825	35	0.007254	5579	36	0.006453	1558	4	0.002567	1299	3	0.002309	136	0	0
XM_03024	208643	Eif4g1	chr16	20672720	20692883	4809	21	0.004367	5423	37	0.006823	5411	17	0.003142	727	2	0.002751	1472	5	0.003397	4921	47	0.009551	4825	35	0.007254	5579	36	0.006453	1558	4	0.002567	1299	3	0.002309	136	0	0
XM_03024	208643	Eif4g1	chr16	20672720	20692883	4809	21	0.004367	5423	37	0.006823	5411	17	0.003142	727	2	0.002751	1472	5	0.003397	4921	47	0.009551	4825	35	0.007254	5579	36	0.006453	1558	4	0.002567	1299	3	0.002309	136	0	0
XM_03024	210126	Lpp	chr16	24393685	24992578	3069	300	0.097752	2773	207	0.074648	3248	226	0.069581	607	29	0.047776	770	120	0.155844	3336	557	0.166966	2930	374	0.127645	3384	365	0.107861	723	222	0.307054	874	207	0.236842	407	155	0.380835
XM_03024	210126	Lpp	chr16	24393530	24992578	3069	300	0.097752	2773	207	0.074648	3248	226	0.069581	607	29	0.047776	770	120	0.155844	3336	557	0.166966	2930	374	0.127645	3384	365	0.107861	723	222	0.307054	874	207	0.236842	407	155	0.380835
XM_03024	210126	Lpp	chr16	24589712	24992578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	210126	Lpp	chr16	24565640	24992578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024	210126	Lpp	chr16	24393530	24992578	3069	300	0.097752	2773	207	0.074648	3248	226	0.069581	607	29	0.047776	770	120	0.155844	3336	557	0.166966	2930	374	0.127645	3384	365	0.107861	723	222	0.307054	874	207	0.236842	407	155	0.380835
XM_03024	212153	Ccdc191	chr16	43889871	43963697	1175	6	0.005106	941	7	0.007439	1151	7	0.006082	316	0	0	505	0	0	1386	16	0.011544	1196	9	0.007525	980	11	0.011224	573	2	0.00349	445	2	0.004494	359	1	0.002786
XM_03024	212153	Ccdc191	chr16	43889871	43963697	1175	6	0.005106	941	7	0.007439	1151	7	0.006082	316	0	0	505	0	0	1386	16	0.011544	1196	9	0.007525	980	11	0.011224	573	2	0.00349	445	2	0.004494	359	1	0.002786
XM_03024	212153	Ccdc191	chr16	43889871	43963697	1175	6	0.005106	941	7	0.007439	1151	7	0.006082	316	0	0	505	0	0	1386	16	0.011544	1196	9	0.007525	980	11	0.011224	573	2	0.00349	445	2	0.004494	359	1	0.002786
XM_03024	212514	Spice1	chr16	44355442	44388392	46	40	0.869565	46	40	0.869565	32	28	0.875	25	21	0.84	41	35	0.853659	42	30	0.714286	27	20	0.740741	35	26	0.742857	27	18	0.666667	16	14	0.875	10	10	1
XM_03024	212517	Cfap44	chr16	44394749	44482694	251	93	0.370518	235	88	0.374468	246	82	0.333333	12	1	0.083333	126	38	0.301587	210	62	0.295238	184	57	0.309783	196	77	0.392857	162	64	0.395062	106	49	0.462264	40	38	0.95
XM_03024	21762	Psmd2	chr16	20651122	20663414	1438	16	0.011127	1417	26	0.018349	1587	23	0.014493	90	0	0	651	7	0.010753	1418	7	0.004937	1549	20	0.012912	1092	6	0.005495	369	0	0	484	5	0.010331	70	0	0
XM_03024	21844	Tiam1	chr16	89787111	90143530	3099	52	0.01678	2919	45	0.015416	2946	36	0.01222	300	2	0.006667	773	3	0.003881	2913	64	0.02197	2604	148	0.056836	2372	101	0.04258	741	50	0.067476	668	36	0.053892	90	9	0.1
XM_03024	21844	Tiam1	chr16	89787111	90143393	3232	66	0.020421	2955	45	0.015228	3102	40	0.012895	314	3	0.009554	793	3	0.003783	3113	68	0.021844	2723	167	0.061329	2480	132	0.053226	754	51	0.067639	689	38	0.055152	107	10	0.093458

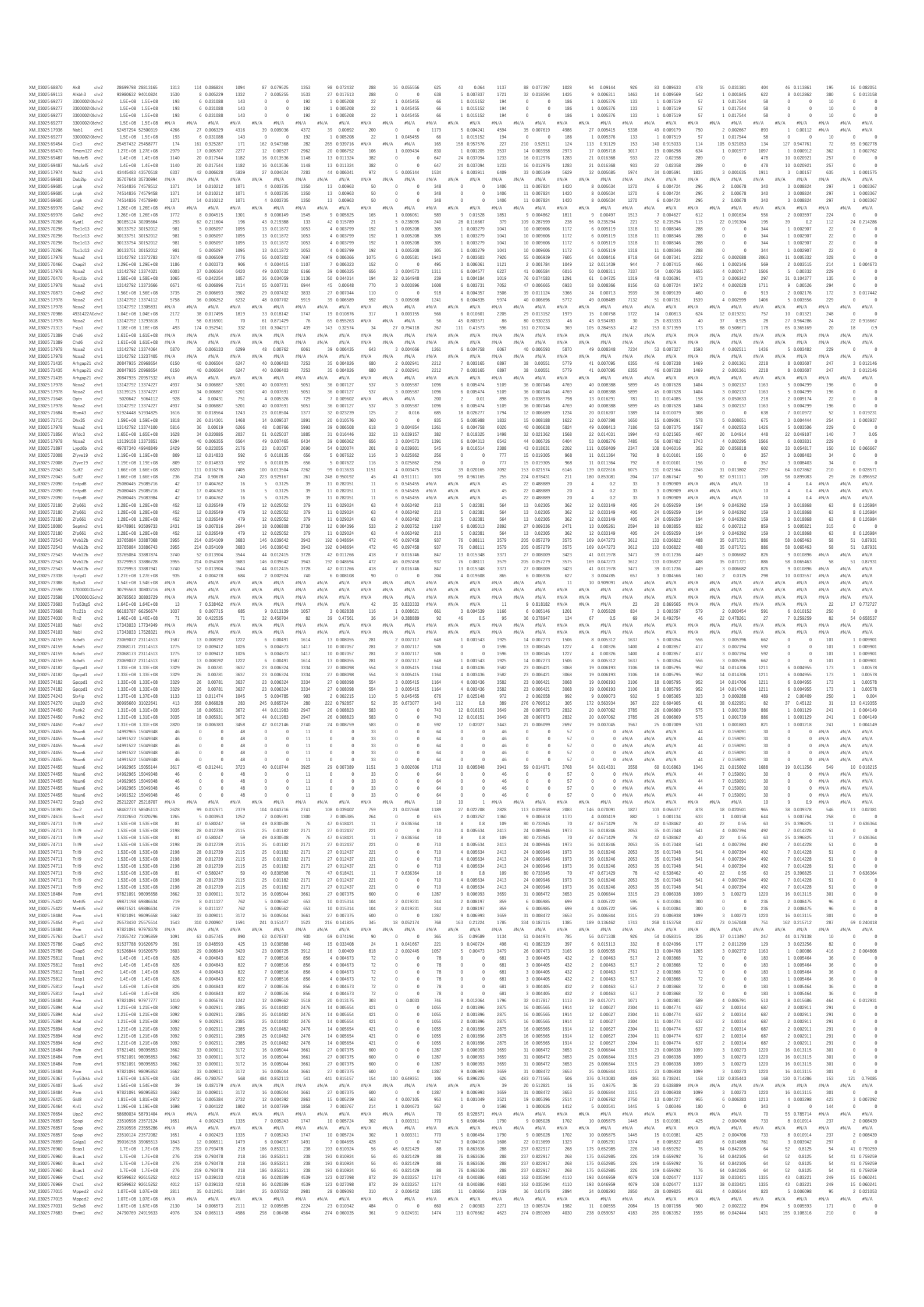
XM_03024 224727	Bag6	chr17	35135464	35147321	3218	161	0.050031	2819	113	0.040085	3258	140	0.042971	690	2	0.002899	1151	11	0.009557	3037	154	0.050708	2849	163	0.057213	3030	147	0.048515	978	35	0.035787	1349	75	0.055597	295	2	0.00678
XM_03024 224761	H2-M10.5	chr17	36772910	36775070	25	21	0.84	13	13	1	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	20	17	0.85	26	20	0.769231	15	6	0.4	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227634	Camsap1	chr2	25926924	25983215	5333	127	0.023814	5955	104	0.017464	5798	122	0.021042	431	17	0.039443	1423	40	0.02811	5856	124	0.021175	4918	120	0.0244	5704	140	0.024544	1150	13	0.011304	1655	52	0.03142	326	9	0.027607
XM_03024 224807	Tmem63b	chr17	45660172	45686343	2318	12	0.005177	1993	11	0.005519	2021	14	0.006927	542	2	0.00369	849	2	0.002356	2338	20	0.008554	2085	11	0.005276	2471	13	0.005261	796	5	0.006281	799	12	0.015019	219	0	0
XM_03024 224826	Ubr2	chr17	46928291	47010560	2923	24	0.008211	2877	16	0.005561	3049	16	0.005248	527	6	0.011385	1294	1	0.000773	3187	22	0.006903	2496	17	0.006811	2840	19	0.00669	844	1	0.001185	1182	2	0.001692	644	1	0.001553
XM_03024 224893	Zfp959	chr17	55891084	55898935	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 224997	Dlgap1	chr17	69969598	70821408	4703	97	0.020625	4760	107	0.022479	5497	93	0.016918	1156	10	0.008651	1717	44	0.025626	5228	394	0.075363	4941	429	0.086825	4384	181	0.041286	1455	129	0.08866	1688	250	0.148104	485	69	0.142268
XM_03024 224997	Dlgap1	chr17	70521665	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 224997	Dlgap1	chr17	70521665	70821408	11	4	0.363636	11	2	0.181818	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 224997	Dlgap1	chr17	70561557	70821408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227644	Snapc4	chr2	26362765	26380646	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_03024 227644	Snapc4	chr2	26362765	26380656	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_03024 225028	Map4k3	chr17	80593179	80728806	2133	39	0.018284	2428	18	0.007414	2392	9	0.003763	226	1	0.004425	689	9	0.013062	2351	50	0.021268	2517	20	0.007946	2693	21	0.007798	419	3	0.00716	828	4	0.004831	236	1	0.004237
XM_03024 22654	Zfp13	chr17	23569846	23599755	61	26	0.42623	39	19	0.487179	43	14	0.325581	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	48	21	0.4375	79	27	0.341772	44	24	0.545455	24	10	0.416667	19	9	0.473684	15	10	0.666667
XM_03024 22654	Zfp13	chr17	23569846	23586267	206	2	0.009709	195	6	0.030769	242	2	0.008264	37	0	0	122	1	0.008197	284	5	0.017606	261	18	0.068966	233	8	0.034335	77	0	0	113	1	0.00885	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22654	Zfp13	chr17	23569846	23599543	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227644	Snapc4	chr2	26362765	26380656	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_03024 22700	Zfp40	chr17	23173869	23193284	439	1	0.002278	344	1	0.002907	458	1	0.002183	110	0	0	223	0	0	535	5	0.009346	410	1	0.002439	343	3	0.008746	150	0	0	124	0	0	107	0	0
XM_03024 22700	Zfp40	chr17	23173869	23191361	439	1	0.002278	344	1	0.002907	458	1	0.002183	110	0	0	223	0	0	535	5	0.009346	410	1	0.002439	343	3	0.008746	150	0	0	124	0	0	107	0	0
XM_03024 22709	Zfp51	chr17	21450430	21465580	428	4	0.009346	400	0	0	408	0	0	84	0	0	240	5	0.020833	487	0	0	453	2	0.004415	407	3	0.007371	174	0	0	155	0	0	103	0	0
XM_03024 227644	Snapc4	chr2	26367017	26380661	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_03024 22712	Zfp54	chr17	21430222	21435158	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 22712	Zfp54	chr17	21423230	21433491	239	1	0.004184	191	0	0	250	5	0.02	26	0	0	141	0	0	266	4	0.015038	302	1	0.003311	205	1	0.004878	64	0	0	30	1	0.033333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227644	Snapc4	chr2	26362765	26380655	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_03024 22715	Zfp57	chr17	37002470	37010727	888	19	0.021396	1012	26	0.025692	852	28	0.032864	142	5	0.035211	321	9	0.028037	1057	40	0.037843	652	33	0.050613	781	21	0.026889	290	2	0.006897	237	0	0	50	0	0
XM_03024 22759	Zfp97	chr17	17121108	17147138	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227644	Snapc4	chr2	26362765	26380655	1365	83	0.060806	1341	17	0.012677	1366	39	0.028551	294	1	0.003401	270	1	0.003704	1420	105	0.073944	1381	77	0.055757	1267	48	0.037885	195	2	0.010256	408	20	0.04902	194	0	0
XM_03024 23853	Def6	chr17	28207456	28228603	396	226	0.570707	332	180	0.542169	335	233	0.695522	56	49	0.875	159	63	0.396226	582	221	0.379725	532	169	0.317669	476	191	0.401261	151	73	0.483444	95	25	0.263158	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 24001	Tiam2	chr17	3389031	3519397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227648	Sec16a	chr2	26412562	26445681	3280	39	0.01189	2619	18	0.006873	3042	16	0.00526	717	0	0	776	13	0.016753	3762	42	0.011164	3100	22	0.007097	3153	37	0.011735	1096	16	0.014599	1383	26	0.0188	557	5	0.008977
XM_03024 240034	Zfp760	chr17	21707430	21725631	935	21	0.02246	758	10	0.013193	930	135	0.145161	162	0	0	394	4	0.010152	931	30	0.032223	1096	54	0.04927	883	33	0.037373	296	9	0.030405	328	4	0.012195	200	5	0.025
XM_03024 240034	Zfp760	chr17	21707430	21725631	935	21	0.02246	758	10	0.013193	930	135	0.145161	162	0	0	394	4	0.010152	931	30	0.032223	1096	54	0.04927	883	33	0.037373	296	9	0.030405	328	4	0.012195	200	5	0.025
XM_03024 240034	Zfp760	chr17	21707430	21725631	935	21	0.02246	758	10	0.013193	930	135	0.145161	162	0	0	394	4	0.010152	931	30	0.032223	1096	54	0.04927	883	33	0.037373	296	9	0.030405	328	4	0.012195	200	5	0.025
XM_03024 240034	Zfp760	chr17	21707430	21725631	935	21	0.02246	758	10	0.013193	930	135	0.145161	162	0	0	394	4	0.010152	931	30	0.032223	1096	54	0.04927	883	33	0.037373	296	9	0.030405	328	4	0.012195	200	5	0.025
XM_03024 240034	Zfp760	chr17	21707430	21725631	935	21	0.02246	758	10	0.013193	930	135	0.145161	162	0	0	394	4	0.010152	931	30	0.032223	1096	54	0.04927	883	33	0.037373	296	9	0.030405	328	4	0.012195	200	5	0.025
XM_03024 240038	Zfp994	chr17	22198488	22225659	1152	29	0.025174	981	35	0.035678	1192	38	0.031879	189	0	0	304	24	0.078947	1307	36	0.027544	941	22	0.023379	824	27	0.032767	447	16	0.035794	403	9	0.022333	212	14	0.066038
XM_03024 240038	Zfp994	chr17	22198488	22225659	1152	29	0.025174	981	35	0.035678	1192	38	0.031879	189	0	0	304	24	0.078947	1307	36	0.027544	941	22	0.023379	824	27	0.032767	447	16	0.035794	403	9	0.022333	212	14	0.066038
XM_03024 240038	Zfp994	chr17	22198488	22225659	1152	29	0.025174	981	35	0.035678	1192	38	0.031879	189	0	0	304	24	0.078947	1307	36	0.027544	941	22	0.023379	824	27	0.032767	447	16	0.035794	403	9	0.022333	212	14	0.066038
XM_03024 240038	Zfp994	chr17	22198488	22225659	1152	29	0.025174	981	35	0.035678	1192	38	0.031879	189	0	0	304	24	0.078947	1307	36	0.027544	941	22	0.023379	824	27	0.032767	447	16	0.035794	403	9	0.022333	212	14	0.066038
XM_03024 240041	Zfp945	chr17	22847226	22867280	568	0	0	494	3	0.006073	593	5	0.008432	134	0	0	281	2	0.007117	499	3	0.006012	511	5	0.009785	474	2	0.004219	216	1	0.00463	268	2	0.007463	82	0	0
XM_03024 240041	Zfp945	chr17	22847226	22867280	568	0	0	494	3	0.006073	593	5	0.008432	134	0	0	281	2	0.007117	499	3	0.006012	511	5	0.009785	474	2	0.004219	216	1	0.00463	268	2	0.007463	82	0	0
XM_03024 240041	Zfp945	chr17	22847226	22865335	568	0	0	494	3	0.006073	593	5	0.008432	134	0	0	281	2	0.007117	499	3	0.006012	511	5	0.009785	474	2	0.004219	216	1	0.00463	268	2	0.007463	82	0	0
XM_03024 240041	Zfp945	chr17	22847226	22867280	568	0	0	494	3	0.006073	593	5	0.008432	134	0	0	281	2	0.007117	499	3	0.006012	511	5	0.009785	474	2	0.004219	216	1	0.00463	268	2	0.007463	82	0	0
XM_03024 240041	Zfp945	chr17	22847226	22854162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26941256	26968799	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26941256	26972434	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26948923	26968799	3306	56	0.016939	4210	55	0.013064	3845	48	0.012484	630	7	0.011111	1156	28	0.024221	3998	54	0.013507	3175	47	0.014803	3561	45	0.012637	1111	11	0.009901	1045	18	0.017225	161	2	0.012422
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26946772	26968799	1863	40	0.021471	1457	20	0.013727	1679	26	0.015485	582	15	0.025773	694	22	0.0317	2055	63	0.030657	1396	18	0.012894	1605	10	0.006231	652	6	0.009202	678	4	0.0059	175	3	0.017143
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26941256	26972434	2824	26	0.009207	2577	20	0.007761	2897	37	0.012772	502	1	0.001992	1237	4	0.003234	2879	22	0.007642	2439	13	0.00533	2630	10	0.003802	918	2	0.002179	1299	3	0.002309	339	4	0.011799
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26957155	26968799	99	89	0.89899	99	95	0.959596	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	38	33	0.868421	161	144	0.89441	108	96	0.888889	60	59	0.983333	118	103	0.872881	65	60	0.923077	10	9	0.9
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26956981	26972434	99	89	0.89899	99	95	0.959596	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	38	33	0.868421	161	144	0.89441	108	96	0.888889	60	59	0.983333	129	110	0.852713	65	60	0.923077	10	9	0.9
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26954990	26972434	385	248	0.644156	379	220	0.580475	336	224	0.666667	115	64	0.556522	155	107	0.690323	351	226	0.643875	365	204	0.558904	390	289	0.741026	183	110	0.601093	144	97	0.673611	42	19	0.452381
XM_03024 240057	Syngap1	chr17	26941445	26972434	2229	23	0.010319	1956	16	0.00818	2095	33	0.015752	458	1	0.002183	991	3	0.003027	2078	20	0.009625	1879	9	0.00479	2019	8	0.003962	665	0	0	966	1	0.001035	339	4	0.011799
XM_03024 240063	Zfp811	chr17	32795676	32810057	128	7	0.054688	24	2	0.083333	65	5	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A	34	6	0.176471	105	14	0.133333	80	9	0.1125	78	3	0.038462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 240067	Zfp952	chr17	32993108	33005457	28	0	0	44	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	113	2	0.017699	82	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 240067	Zfp952	chr17	32993108	33005457	28	0	0	44	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	113	2	0.017699	82	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 240067	Zfp952	chr17	32993108	33005457	28	0	0	44	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	113	2	0.017699	82	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 240087	Mdc1	chr17	35841674	35859670	2209	109	0.049344	1951	110	0.056381	1831	108	0.058984	402	32	0.079602	901	64	0.071032	2488	102	0.040997	1953	72	0.036866	1836	102	0.055556	755	13	0.017219	773	73	0.094437	257	9	0.035019
XM_03024 240095	H2-M5	chr17	36986423	36989405	795	123	0.154717	718	104	0.144847	884	90	0.10181	168	32	0.190476	197	68	0.345178	836	208	0.248804	760	123	0.161842	680	95	0.139706	99	13	0.131313	408	69	0.169118	41	11	0.268293
XM_03024 240119	St6gal2	chr17	55445135	55514581	1952	84	0.043033	1669	69	0.041342	1828	63	0.034464	502	6	0.011952	449	38	0.084633	1741	127	0.072947	1656	204	0.123188	1529	111	0.072596	546	35	0.064103	902	114	0.126386	220	21	0.095455
XM_03024 240119	St6gal2	chr17	55445835	55514581	2085	89	0.042686	1767	78	0.044143	1919	64	0.033351	502	6	0.011952	449	38	0.084633	1867	138	0.073915	1796	214	0.119154	1599	116	0.072545	546	35	0.064103	902	114	0.126386	220	21	0.095455
XM_03024 240174	Thada	chr17	84267478	84466217	2073	11	0.005306	2114	12	0.005676	2475	13	0.005253	561	3	0.005348	888	1	0.001126	1825	11	0.006027	1626	5	0.003075	1754	13	0.007412	702	2	0.002849	838	4	0.004773	524	3	0.005725
XM_03024 240174	Thada	chr17	84379987	84466217	2073	11	0.005306	2114	12	0.005676	2475	13	0.005253	561	3	0.005348	888	1	0.001126	1825	11	0.006027	1626	5	0.003075	1754	13	0.007412	702	2	0.002849	838	4	0.004773	524	3	0.005725
XM_03024 240174	Thada	chr17	84398247	84466217	2073	11	0.005306	2114	12	0.005676	2475	13	0.005253	561	3	0.005348	888	1	0.001126	1825	11	0.006027	1626	5	0.003075	1754	13	0.007412	702	2	0.002849	838	4	0.004773	524	3	0.005725
XM_03024 24132	Zfp53	chr17	21488934	21514176	696	6	0.008621	590	4	0.00678	625	6	0.0096	88	0	0	222	0	0	646	3	0.004644	601	2	0.003328	613	2	0.003263	202	0	0	179	1	0.005587	91	0	0
XM_03024 24132	Zfp53	chr17	21488934	21514176	696	6	0.008621	590	4	0.00678	625	6	0.0096	88	0	0	222	0	0	646	3	0.004644	601	2	0.003328	613	2	0.003263	202	0	0	179	1	0.005587	91	0	0
XM_03024 24132	Zfp53	chr17	21505020	21513177	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 24132	Zfp53	chr17	21488935	21533201	696	6	0.008621	590	4	0.00678	625	6	0.0096	88	0	0	222	0	0	646	3	0.004644	601	2	0.003328	613	2	0.003263	202	0	0	179	1	0.005587	91	0	0
XM_03024 258285	Olfr122	chr17	37771655	37772620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 258324	Olfr129	chr17	38054599	38055564	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 258622	Olfr121	chr17	37751856	37752821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 258624	Olfr120	chr17	37726026	37726991	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227674	Ddx31	chr2	28840683	28905571	2848	14	0.004916	2410	16	0.006639	2726	12	0.004402	434	3	0.006912	947	7	0.007392	3424	27	0.007886	3058	30	0.00981	2803	17	0.006065	650	6	0.009231	1042	1	0.00096	223	1	0.004484
XM_03024 260297	Prrt1	chr17	34629711	34633134	808	69	0.085396	618	57	0.092233	897	75	0.083612	175	10	0.057143	211	16	0.075829	1022	81	0.079256	948	86	0.090717	872	75	0.086009	269	28	0.104089	243	34	0.139918	30	0	0
XM_03024 26378	Decr2	chr17	26081208	26090322	1064	134	0.12594	977	81	0.082907	890	72	0.080899	213	2	0.00939	452	46	0.10177	1054	75	0.071157	826	29	0.035109	920	99	0.107609	357	49	0.137255	505	44	0.087129	143	0	0
XM_03024 26382	Fgd2	chr17	29360918	29379535	394	182	0.461929	343	124	0.361516	267	98	0.367041	145	72	0.496552	149	61	0.409396	328	155	0.472561	225	80	0.355556	324	138	0.425926	108	47	0.435185	153	52	0.339869	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 26382	Fgd2	chr17	29360918	29379535	394	182	0.461929	343	124	0.361516	267	98	0.367041	145	72	0.496552	149	61	0.409396	328	155	0.472561	225	80	0.355556	324	138	0.425926	108	47	0.435185	153	52	0.339869	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 26407	Map3k4	chr17	12227621	12310982	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	41	41	1	10	10	1	13	11	0.846154	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 26407	Map3k4	chr17	12227621	12318565	2406	75	0.031172	2032	69	0.033957	2534	32	0.012628	318	1	0.003145	1041	64	0.061479	2548	74	0.029042	1922	51	0.026535	2635	46	0.017457	273	0	0	996	46	0.046185	143	0	0
XM_03024 268930	Pkmyt1	chr17	23726337	23736735	3209	21	0.006544	3432	14	0.004079	3471	14	0.004033	380	1	0.002632	790	5	0.006329	3562	18	0.005053	3227	17	0.005268	3575	17	0.004755	583	2	0.003431	1010	7	0.006931	133	0	0
XM_03024 268930	Pkmyt1	chr17	23726492	23736735	3209	21	0.006544	3432	14	0.004079	3471	14	0.004033	380	1	0.002632	790	5	0.006329	3562	18	0.005053	3227	17	0.005268	3575	17	0.004755	583	2	0.003431	1010	7	0.006931	133	0	0
XM_03024 268930	Pkmyt1	chr17	23726692	23736735	3209	21	0.006544	3432	14	0.004079	3471	14	0.004033	380	1	0.002632	790	5	0.006329	3562	18	0.005053	3227	17	0.005268	3575	17	0.004755	583	2	0.003431	1010	7	0.006931	133	0	0
XM_03024 268930	Pkmyt1	chr17	23726465	23736735	3209	21	0.006544	3432	14	0.004079	3471	14	0.004033	380	1	0.002632	790	5	0.006329	3562	18	0.005053	3227	17	0.005268	3575	17	0.004755	583	2	0.003431	1010	7	0.006931	133	0	0
XM_03024 268932	Caskin1	chr17	24487897	24508671	2116	99	0.046786	2004	87	0.043413	2115	113	0.053428	143	0	0	336	14	0.041667	2172	123	0.05663	2071	87	0.042009	2275	80	0.035165	65	53	0.815385	518	63	0.121622	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 268934	Grm4	chr17	27425904	27513544	6285	179	0.028481	6837	179	0.026181	6652	198	0.029765	1020	46	0.045098	1817	53	0.029169	5800	194	0.033448	5052	167	0.033056	5919	235	0.039703	1371	47	0.034282	2376	82	0.034512	613	42	0.068515
XM_03024 268935	Scube3	chr17	28142100	28174851	5923	175	0.029546	5967	182	0.030501	6886	212	0.030787	1391	45	0.032351	1971	79	0.040081	6634	198	0.029846	5530	194	0.035081	5795	185	0.031924	1436	39	0.027159	2330	83	0.035622	321	27	0.084112
XM_03024 268936	Brpf3	chr17	28802058	28838545	4788	28	0.005848	4985	39	0.007823	5227	41	0.007844	773	1	0.001294	844	9	0.010664	5455	51	0.009349	4844	32	0.006606	5757	26	0.004516	1177	2	0.001699	1683	5	0.002971	422	2	0.004739
XM_03024 268977	Ltbp1	chr17	75005480	75391775	5461	111	0.020326	5566	126	0.022637	5596	114	0.020372	1086	13	0.011971	1725	28	0.016232	5664	113	0.019951	4843	121	0.024985	4627	101	0.021828	1285	25	0.019455	1983	53	0.026727	395	7	0.017722
XM_03024 15483	Hsd11b1	chr1	1.93E+08	1.93E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319259	Bricd5	chr17	24473487	24475471	81	61	0.753086	65	43	0.661538	78	67	0.858974	26	21	0.807692	34	27	0.794118	77	64	0.831169	69	61	0.884058	66	56	0.848485	33	26	0.787879	33	25	0.757576	11	7	0.636364
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361334	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361334	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361405	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361394	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361428	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361425	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361334	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 319615	Zfp944	chr17	22337983	22361428	169	0	0	313	0	0	225	1	0.004444	68	0	0	140	0	0	198	3	0.015152	283	1	0.003534	236	0	0	109	1	0.009174	106	1	0.009434	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320148	B430306N	chr17	48315288	48325552	314	293	0.933121	408	390	0.955882	365	351	0.961644	107	106	0.990654	228	210	0.921053	419	375	0.894988	300	268	0.893333	251	223	0.888446	217	182	0.83871	191	167	0.874346	113	103	0.911504
XM_03024 320148	B430306N	chr17	48315282	48325552	314	293	0.933121	408	390	0.955882	365	351	0.961644	107	106	0.990654	228	210	0.921053	419	375	0.894988	300	268	0.893333	251	223	0.888446	217	182	0.83871	191	167	0.874346	113	103	0.911504
XM_03024 320484	Rasal3	chr17	32394194	32403582	369	287	0.777778	245	207	0.844898	345	274	0.794203	91	62	0.681319	214	167	0.780374	438	296	0.675799	357	261	0.731092	255	193	0.756863	190	142	0.747368	139	111	0.798561	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 320858	L3mbtl4	chr17	68272898	68515772	616	25	0.040584	713	13	0.018233	839	8	0.009535	281	4	0.014235	229	2	0.008734	753	56	0.074369	641	46	0.071763	663	47	0.07089	218	16	0.073394	292	14	0.047945	97	11	0.113402
XM_03024 320858	L3mbtl4	chr17	68272898	68774322	616	25	0.040584	713	13	0.018233	839	8	0.009535	281	4	0.014235	229	2	0.008734	753	56	0.074369	641	46	0.071763	663	47	0.07089	218	16	0.073394	292	14	0.047945	97	11	0.113402
XM_03024 321007	Serac1	chr17	6044058	6079741	230	2	0.008696	160	2	0.0125	180	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	144	0	0	349	1	0.002865	336	2	0.005952	219	2	0.009132	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 328779	Hs3st6	chr17	24753391	24758690	3702	47	0.012696	3620	36	0.009945	3589	33	0.009195	568	1	0.001761	1331	26	0.019534	3805	58	0.015243	3238	32	0.009883	3808	37	0.009716	763	5	0.006553	1322	6	0.004539	622	1	0.001608
XM_03024 227699	Nup188	chr2	30286407	30344263	1262	47	0.037242	1250	48	0.0384	1275	37	0.02902	203	2	0.009852	290	27	0.093103	1223	53	0.043336	1106	26	0.023508	1282	36	0.028081	382	12	0.031414	443	23	0.051919	140	5	0.035714
XM_03024 227699	Nup188	chr2	30286422	30344263	1262	47	0.037242	1250	48	0.0384	1275	37	0.02902	203	2	0.009852	290	27	0.093103	1223	53	0.043336	1106	26	0.023508	1282	36	0.028081	382	12	0.031414	443	23	0.051919	140	5	0.035714
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041643	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041643	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15045691	15064232	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041640	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041659	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041615	15074752	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041672	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381062	Ermard	chr17	15041659	15064232	189	0	0	117	0	0	233	1	0.004292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	216	0	0	90	1	0.011111	108	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	115	1	0.008696	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381066	Zfp948	chr17	21565816	21589324	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381067	Zfp229	chr17	21732289	21748969	33	32	0.969697	29	28	0.965517	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	65	60	0.923077	23	23	1	17	15	0.882353	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381067	Zfp229	chr17	21732289	21748969	33	32	0.969697	29	28	0.965517	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	65	60	0.923077	23	23	1	17	15	0.882353	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381067	Zfp229	chr17	21731010	21748969	33	32	0.969697	29	28	0.965517	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	65	60	0.923077	23	23	1	17	15	0.882353	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381067	Zfp229	chr17	21731029	21748969	33	32	0.969697	29	28	0.965517	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	65	60	0.923077	23	23	1	17	15	0.882353	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381067	Zfp229	chr17	21730955	21748969	33	32	0.969697	29	28	0.965517	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	65	60	0.923077	23	23	1	17	15	0.882353	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381072	Abca17	chr17	24264257	24352058	2639	18	0.006821	2496	17	0.006811	2456	22	0.008958	457	5	0.010941	934	4	0.004283	2928	22	0.007514	2229	11	0.004935	2408	17	0.00706	624	2	0.003205	808	7	0.008663	174	2	0.011494
XM_03024 381072	Abca17	chr17	24264257	24352058	2639	18	0.006821	2496	17	0.006811	2456	22	0.008958	457	5	0.010941	934	4	0.004283	2928	22	0.007514	2229	11	0.004935	2408	17	0.00706	624	2	0.003205	808	7	0.008663	174	2	0.011494
XM_03024 381072	Abca17	chr17	24264257	24352058	2639	18	0.006821	2496	17	0.006811	2456	22	0.008958	457	5	0.010941	934	4	0.004283	2928	22	0.007514	2229	11	0.004935	2408	17	0.00706	624	2	0.003205	808	7	0.008663	174	2	0.011494
XM_03024 381072	Abca17	chr17	24264257	24352058	2639	18	0.006821	2496	17	0.006811	2456	22	0.008958	457	5	0.010941	934	4	0.004283	2928	22	0.007514	2229	11	0.004935	2408	17	0.00706	624	2	0.003205	808	7	0.008663	174	2	0.011494
XM_03024 381104	Prickle4	chr17	47689343	47694910	3916	23	0.005873	3487	39	0.011184	3923	23	0.005863	692	2	0.00289	1045	7	0.006699	4892	39	0.007972	3540	20	0.00565	3806	29	0.00762	1082	12	0.011091	1429	12	0.008397	315	1	0.003175
XM_03024 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359358	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_03024 381107	Tmem232	chr17	65256004	65510079	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381110	Rmdn2	chr17	79615643	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381110	Rmdn2	chr17	79615209	79684976	1902	138	0.072555	1582	118	0.074589	2158	153	0.070899	158	0	0	556	89	0.160072	1996	142	0.071142	1825	102	0.05589	1675	114	0.06806	437	3	0.006865	620	1	0.001613	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381110	Rmdn2	chr17	79621687	79682813	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306923	80427079	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306923	80427079	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306927	80391341	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359305	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306927	80391341	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306927	80433497	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306928	80387841	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359305	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_03024 381112	Arhgef33	chr17	80306928	80388634	56	52	0.928571	40	38	0.95	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	64	62	0.96875	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227700	Sh3glb2	chr2	30344809	30359292	2233	112	0.050157	1750	96	0.054857	2327	96	0.041255	369	35	0.094851	732	56	0.076503	2526	106	0.041964	1992	91	0.045683	1601	73	0.045597	697	42	0.060258	669	56	0.083707	212	31	0.146226
XM_03024 383295	Ypel5	chr17	72837722	72850438	4871	65	0.013344	4340	95	0.021889	4384	72	0.016423	676	35	0.051775	1253	62	0.049481	4815	77	0.015992	5080	91	0.017913	5026	56	0.011142	1101	6	0.00545	1206	33	0.027363	356	0	0
XM_03024 386612	Thoc6	chr17	23668618	23673917	850	5	0.005882	754	4	0.005305	686	4	0.005831	183	1	0.005464	512	4	0.007813	1038	11	0.010597	644	2	0.003106	649	2	0.003082	360	2	0.005556	251	3	0.011952	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 404308	Olfr118	chr17	37672025	37672990	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 407788	BC051142	chr17	34399390	34460734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 407788	BC051142	chr17	34399389	34460734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227720	Nup214	chr2	31974418	32052371	1543	4	0.002592	1448	11	0.007597	1293	11	0.008507	297	0	0	472	0	0	1494	12	0.008032	1577	8	0.005073	1626	9	0.005535	323	2	0.006192	461	0	0	28	1	0.035714
XM_03024 474160	Smim40	chr17	33893206	33906680	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 50766	Crim1	chr17	78200744	78376592	6842	53	0.007746	6230	44	0.007063	6728	46	0.006837	1357	3	0.002211	1990	8	0.00402	7181	64	0.008912	6254	42	0.006716	7226	36	0.004982	1367	3	0.002195	2111	6	0.002842	762	8	0.010499
XM_03024 50782	Rgs11	chr17	26202527	26211321	3489	99	0.028375	3629	93	0.025627	3913	89	0.022745	624	15	0.024038	739	18	0.024357	3632	87	0.023954	2685	68	0.025326	3628	100	0.027563	947	29	0.030623	1262	31	0.024564	415	5	0.012048
XM_03024 50873	Prkn	chr17	10840421	11560864	461	2	0.004338	675	6	0.008889	476	0	0	160	0	0	357	2	0.005602	541	4	0.007394	635	2	0.00315	587	3	0.005111	326	2	0.006135	231	1	0.004329	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 50873	Prkn	chr17	10840384	11610945	461	2	0.004338	675	6	0.008889	476	0	0	160	0	0	357	2	0.005602	541	4	0.007394	635	2	0.00315	587	3	0.005111	326	2	0.006135	231	1	0.004329	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 51793	Ddah2	chr17	35059302	35062095	725	99	0.136552	633	37	0.058452	687	53	0.077147	87	9	0.103448	127	7	0.055118	845	128	0.151479	753	79	0.104914	653	46	0.070444	119	0	0	56	7	0.125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227723	Prrc2b	chr2	32151307	32232781	1726	48	0.02781	1840	78	0.042391	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 52040	Ppp1r10	chr17	35916787	35932283	2935	13	0.004429	2501	13	0.005198	2725	13	0.004771	583	0	0	1038	4	0.003854	3496	19	0.005435	3094	15	0.004848	3334	15	0.004499	952	1	0.00105	1314	5	0.003805	303	1	0.0033
XM_03024 53761	Prrc2a	chr17	35149076	35165321	3069	15	0.004888	2738	19	0.006939	2918	25	0.008568	568	1	0.001761	1205	13	0.010788	3660	19	0.005191	3070	35	0.011401	3397	23	0.006771	900	1	0.001111	1217	6	0.00493	443	0	0
XM_03024 53761	Prrc2a	chr17	35149076	35165162	3069	15	0.004888	2738	19	0.006939	2918	25	0.008568	568	1	0.001761	1205	13	0.010788	3660	19	0.005191	3070	35	0.011401	3397	23	0.006771	900	1	0.001111	1217	6	0.00493	443	0	0
XM_03024 53951	Gpatch11	chr17	78835522	78848306	2355	10	0.004246	2395	8	0.00334	2464	28	0.011364	431	0	0	883	0	0	2244	17	0.007576	2289	8	0.003495	2533	27	0.010659	839	1	0.001192	1021	6	0.005877	411	0	0
XM_03024 54194	Akap8l	chr17	32321424	32350614	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XM_03024 54194	Akap8l	chr17	32321938	32350616	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346

XM_03024 54194	Akap8l	chr17	32323123	32350616	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XM_03024 54194	Akap8l	chr17	32321955	32350616	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XM_03024 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32234537	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 54217	Rpl36	chr17	56610094	56614246	946	16	0.016913	1042	17	0.016315	1008	15	0.014881	146	4	0.027397	700	10	0.014286	1218	92	0.075534	905	15	0.016575	1087	15	0.013799	529	4	0.007561	739	6	0.008119	393	8	0.020356
XM_03024 54393	Gabbr1	chr17	37046658	37074305	2081	83	0.039885	1919	80	0.041688	2318	90	0.038827	238	8	0.033613	461	43	0.093275	2519	99	0.039301	1937	61	0.031492	2052	67	0.032651	317	17	0.053628	541	29	0.053604	285	18	0.063158
XM_03024 54393	Gabbr1	chr17	37046198	37074305	2048	94	0.045898	1886	101	0.053552	2308	122	0.05286	224	4	0.017857	463	60	0.12959	2483	98	0.039468	1893	49	0.025885	2037	65	0.03191	299	12	0.040134	513	21	0.040936	274	14	0.051095
XM_03024 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32232817	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32232763	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227723	Prrc2b	chr2	32151031	32234537	1726	48	0.02781	1852	87	0.046976	1702	62	0.036428	50	1	0.02	147	26	0.176871	1562	70	0.044814	2057	59	0.028683	2308	34	0.014731	181	33	0.18232	290	21	0.072414	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 547431	Btnl2	chr17	34356217	34369424	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 55951	Mpc1	chr17	8283787	8297662	4093	22	0.005375	3066	7	0.002283	3891	25	0.006425	511	2	0.003914	1196	3	0.002508	4316	25	0.005792	3457	10	0.002893	3491	24	0.006875	1095	3	0.00274	1290	5	0.003876	307	0	0
XM_03024 55979	Agpat1	chr17	34605338	34613434	2366	23	0.009721	1816	20	0.011013	2161	10	0.004627	468	0	0	1027	3	0.002921	3219	18	0.005592	2471	10	0.004047	2471	14	0.005666	919	3	0.003264	1194	4	0.00335	190	0	0
XM_03024 56055	Gtpbp2	chr17	46161052	46169368	1033	4	0.003872	810	5	0.006173	950	8	0.008421	216	5	0.023148	448	1	0.002232	1271	17	0.013375	926	5	0.0054	1155	6	0.005195	341	2	0.005865	466	1	0.002146	20	0	0
XM_03024 56055	Gtpbp2	chr17	46161040	46169368	1033	4	0.003872	810	5	0.006173	950	8	0.008421	216	5	0.023148	448	1	0.002232	1271	17	0.013375	926	5	0.0054	1155	6	0.005195	341	2	0.005865	466	1	0.002146	20	0	0
XM_03024 56462	Mtch1	chr17	29332082	29347327	1910	24	0.012565	1320	13	0.009848	1606	7	0.004359	251	1	0.003984	581	4	0.006885	1900	23	0.012105	1669	7	0.004194	1602	12	0.007491	279	2	0.007168	193	0	0	60	3	0.05
XM_03024 56468	Socs5	chr17	87107496	87137647	5502	209	0.037986	5423	183	0.033745	5548	235	0.042358	710	61	0.085915	1631	80	0.04905	6156	332	0.053931	5487	288	0.052488	5960	178	0.029866	1520	82	0.053947	2244	183	0.081551	323	37	0.114551
XM_03024 56716	Mlst8	chr17	24473551	24479057	1915	45	0.023499	1771	51	0.028797	1907	56	0.029365	447	22	0.049217	793	64	0.080706	1948	53	0.027207	1669	46	0.027561	1734	47	0.027105	673	10	0.014859	779	16	0.020539	294	1	0.003401
XM_03024 56716	Mlst8	chr17	24473551	24479114	1919	60	0.031266	1767	61	0.034522	1914	71	0.037095	447	22	0.049217	782	60	0.076726	1955	68	0.034783	1680	57	0.033929	1717	43	0.025044	684	20	0.02924	789	25	0.031686	294	1	0.003401
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284580	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284586	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284580	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284586	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284586	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196664	32284163	5111	22	0.004304	4801	27	0.005624	5066	32	0.006317	564	0	0	842	2	0.002375	4389	29	0.006607	4165	37	0.008884	4615	32	0.006934	754	2	0.002653	1418	4	0.002821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196274	32284586	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196664	32284124	5111	22	0.004304	4801	27	0.005624	5066	32	0.006317	564	0	0	842	2	0.002375	4389	29	0.006607	4165	37	0.008884	4615	32	0.006934	754	2	0.002653	1418	4	0.002821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284591	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284591	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57261	Brd4	chr17	32196726	32284586	5077	20	0.003939	4765	27	0.005666	5035	32	0.006356	554	0	0	832	1	0.001202	4363	27	0.006188	4154	37	0.008907	4588	31	0.006757	740	1	0.001351	1395	3	0.002151	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 57773	Wdr4	chr17	31494322	31519984	781	35	0.044814	829	30	0.036188	803	37	0.046077	129	0	0	246	18	0.073171	786	31	0.03944	864	27	0.03125	822	25	0.030414	151	7	0.046358	284	4	0.014085	24	0	0
XM_03024 57773	Wdr4	chr17	31494322	31519984	781	35	0.044814	829	30	0.036188	803	37	0.046077	129	0	0	246	18	0.073171	786	31	0.03944	864	27	0.03125	822	25	0.030414	151	7	0.046358	284	4	0.014085	24	0	0
XM_03024 57773	Wdr4	chr17	31494322	31519984	781	35	0.044814	829	30	0.036188	803	37	0.046077	129	0	0	246	18	0.073171	786	31	0.03944	864	27	0.03125	822	25	0.030414	151	7	0.046358	284	4	0.014085	24	0	0
XM_03024 620253	Dcpp3	chr17	23917419	23919441	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 620292	Cntnap5c	chr17	57769077	58417953	105	8	0.07619	183	10	0.054645	108	6	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A	116	1	0.008621	75	5	0.066667	123	9	0.073171	104	5	0.048077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 624681	Btnl6	chr17	34507870	34518776	16	14	0.875	27	23	0.851852	22	21	0.954545	11	10	0.909091	17	15	0.882353	13	9	0.692308	13	7	0.538462	19	14	0.736842	26	14	0.538462	16	11	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 626854	Gm38396	chr17	17178911	17206397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 627111	Vmn2r92	chr17	18151930	18185178	155	136	0.877419	113	104	0.920354	94	84	0.893617	39	39	1	70	64	0.914286	161	142	0.881988	103	74	0.718447	76	61	0.802632	53	45	0.849057	50	33	0.66	14	6	0.428571
XM_03024 627626	Ptchd4	chr17	42316340	42507742	2403	83	0.03454	2140	37	0.01729	2710	63	0.023247	277	8	0.028881	982	41	0.041752	2157	179	0.082986	2271	212	0.093351	1794	177	0.098662	510	33	0.064706	739	90	0.121786	140	34	0.242857
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22319979	16	16	1	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	19	19	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22292455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314942	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22314875	1079	20	0.018536	1066	26	0.02439	1264	22	0.017405	251	1	0.003984	455	13	0.028571	1099	35	0.031847	973	7	0.007194	786	22	0.02799	494	11	0.022267	474	17	0.035865	170	0	0
XM_03024 631624	Gm7072	chr17	22285871	22292401	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 632126	Btnl4	chr17	34469785	34477428	20	17	0.85	36	29	0.805556	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	22	16	0.727273	32	21	0.65625	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 632126	Btnl4	chr17	34469647	34477428	20	17	0.85	36	29	0.805556	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	22	16	0.727273	32	21	0.65625	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 63959	Slc29a1	chr17	45585200	45595083	1586	11	0.006936	1298	13	0.010015	1543	16	0.010369	208	1	0.004808	340	0	0	1665	7	0.004204	1296	6	0.00463	1978	14	0.007078	449	1	0.002227	570	1	0.001754	91	0	0
XM_03024 64385	Cyp4f14	chr17	32903357	32917376	149	63	0.422819	98	31	0.316327	139	57	0.410072	12	5	0.416667	26	17	0.653846	193	82	0.42487	95	32	0.336842	69	20	0.289855	32	13	0.40625	35	5	0.142857	10	6	0.6
XM_03024 64657	Mrps10	chr17	47368973	47381418	916	10	0.010917	944	14	0.014831	1058	5	0.004726	119	1	0.008403	416	6	0.014423	902	17	0.018847	733	6	0.008186	1028	27	0.026265	400	0	0	376	6	0.015957	87	1	0.011494
XM_03024 64657	Mrps10	chr17	47368900	47381418	916	10	0.010917	944	14	0.014831	1058	5	0.004726	119	1	0.008403	416	6	0.014423	902	17	0.018847	733	6	0.008186	1028	27	0.026265	400	0	0	376	6	0.015957	87	1	0.011494
XM_03024 64657	Mrps10	chr17	47368973	47381418	916	10	0.010917	944	14	0.014831	1058	5	0.004726	119	1	0.008403	416	6	0.014423	902	17	0.018847	733	6	0.008186	1028	27	0.026265	400	0	0	376	6	0.015957	87	1	0.011494
XM_03024 64898	Lpin2	chr17	71183584	71249818	3542	33	0.009317	3559	27	0.007586	3512	17	0.004841	109	0	0	583	0	0	4459	37	0.008298	3646	21	0.00576	3599	32	0.008891	630	2	0.003175	1295	6	0.004633	81	3	0.037037
XM_03024 64898	Lpin2	chr17	71183660	71249818	3574	35	0.009793	3586	29	0.008087	3549	21	0.005917	109	0	0	596	0	0	4499	39	0.008669	3666	21	0.005728	3627	33	0.009098	630	2	0.003175	1295	6	0.004633	81	3	0.037037
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406992	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 65962	Slc9a3r2	chr17	24639281	24645970	476	338	0.710084	414	305	0.736715	489	356	0.728016	58	39	0.672414	185	152	0.821622	438	337	0.769406	360	257	0.713889	497	395	0.794769	128	96	0.75	205	175	0.853659	21	16	0.761905
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 66211	Rpl3l	chr17	24727965	24736143	989	786	0.794742	890	667	0.749438	958	706	0.736952	90	83	0.922222	439	346	0.788155	1037	776	0.748312	871	659	0.756602	942	760	0.806794	406	289	0.711823	418	297	0.710526	98	84	0.857143
XM_03024 66310	Dpy30	chr17	74307716	74316468	284	8	0.028169	341	6	0.017595	252	4	0.015873	#N/A	#N/A	#N/A	251	3	0.011952	332	4	0.012048	307	0	0	75	0	0	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A			
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406799	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 66443	Tnfaip8l1	chr17	56162439	56184249	271	15	0.055351	194	27	0.139175	294	29	0.098639	#N/A	#N/A	#N/A	83	7	0.084337	241	18	0.074689	160	15	0.09375	199	12	0.060302	136	0	0	11	6	0.545455	10	3	0.3
XM_03024 665210	Vmn2r91	chr17	18085057	18136643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 665227	Vmn2r94	chr17	18243570	18285259	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406799	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 66616	Snx9	chr17	5899146	5931162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 667055	Unc93a2	chr17	7363646	7385507	69	30	0.434783	36	16	0.444444	42	21	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	22	0.52381	69	33	0.478261	66	21	0.318182	30	14	0.466667	42	13	0.309524	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 667055	Unc93a2	chr17	7363646	7385509	69	30	0.434783	36	16	0.444444	42	21	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	22	0.52381	69	33	0.478261	66	21	0.318182	30	14	0.466667	42	13	0.309524	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406851	34623919	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 667977	Gm8909	chr17	36164513	36168567	1282	27	0.021061	688	8	0.011628	1078	8	0.007421	186	1	0.005376	283	2	0.007067	1301	10	0.007686	1065	18	0.016901	906	16	0.01766	134	3	0.022388	312	4	0.012821	30	1	0.033333
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03024 227743	Mapkap1	chr2	34406862	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406851	34624949	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34623919	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406868	34623919	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 67458	Ergic1	chr17	26605472	26656934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67458	Ergic1	chr17	26603482	26656934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 67458	Ergic1	chr17	26568670	26656934	54	35	0.648148	76	43	0.565789	44	19	0.431818	#N/A	#N/A	#N/A	46	30	0.652174	60	33	0.55	46	24	0.521739	62	25	0.403226	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67458	Ergic1	chr17	26604169	26656934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67458	Ergic1	chr17	26601330	26656934	157	146	0.929936	132	128	0.969697	160	140	0.875	80	72	0.9	62	58	0.935484	176	158	0.897727	133	124	0.932331	144	134	0.930556	62	52	0.83871	54	50	0.925926	44	44	1
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406851	34623919	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 227743	Mapkap1	chr2	34406857	34624950	1298	4	0.003082	1292	7	0.005418	1427	5	0.003504	111	0	0	391	0	0	1074	7	0.006518	1468	13	0.008856	1322	12	0.009077	143	0	0	426	1	0.002347	169	0	0
XM_03025 67675	Cuta	chr17	26937972	26939884	3366	28	0.008318	3082	23	0.007463	3341	38	0.011374	629	1	0.00159	1399	4	0.002859	3416	26	0.007611	2893	15	0.005185	3141	11	0.003502	1038	2	0.001927	1521	6	0.003945	386	5	0.012953
XM_03025 227746	Rabepk	chr2	34777892	34799754	1277	8	0.006265	1152	7	0.006076	986	11	0.011156	68	1	0.014706	183	1	0.005464	1132	10	0.008834	1135	7	0.006167	1258	8	0.006359	145	0	0	215	2	0.009302	10	0	0
XM_03025 68327	Tsr3	chr17	25240282	25242797	1244	5	0.004019	916	4	0.004367	1247	11	0.008821	310	1	0.003226	651	0	0	1445	7	0.004844	1386	10	0.007215	1109	6	0.00541	365	3	0.008219	448	0	0	58	0	0
XM_03025 68509	Ptx4	chr17	25120928	25125293	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68554	Cebpzos	chr17	78916695	78920505	755	2	0.002649	803	5	0.006227	851	2	0.00235	48	0	0	271	0	0	632	5	0.007911	923	3	0.00325	973	4	0.004111	210	1	0.004762	428	1	0.002336	104	0	0
XM_03025 227746	Rabepk	chr2	34777892	34800196	1465	20	0.013652	1285	14	0.010895	1115	19	0.01704	92	2	0.021739	284	6	0.021127	1309	23	0.017571	1245	12	0.009639	1343	9	0.006701	207	2	0.009662	284	5	0.017606	32	0	0
XM_03025 227746	Rabepk	chr2	34777892	34799752	1277	8	0.006265	1152	7	0.006076	986	11	0.011156	68	1	0.014706	183	1	0.005464	1132	10	0.008834	1135	7	0.006167	1258	8	0.006359	145	0	0	215	2	0.009302	10	0	0
XM_03025 68767	Washc1	chr17	66111529	66119450	1407	101	0.071784	1345	109	0.081041	1473	76	0.051595	287	10	0.034843	681	51	0.07489	1687	84	0.049793	1651	91	0.055118	1571	117	0.074475	325	11	0.033846	364	42	0.115385	232	49	0.211207
XM_03025 68767	Washc1	chr17	66111645	66119450	1407	101	0.071784	1345	109	0.081041	1473	76	0.051595	287	10	0.034843	681	51	0.07489	1687	84	0.049793	1651	91	0.055118	1571	117	0.074475	325	11	0.033846	364	42	0.115385	232	49	0.211207
XM_03025 68767	Washc1	chr17	66111656	66119450	1407	101	0.071784	1345	109	0.081041	1473	76	0.051595	287	10	0.034843	681	51	0.07489	1687	84	0.049793	1651	91	0.055118	1571	117	0.074475	325	11	0.033846	364	42	0.115385	232	49	0.211207
XM_03025 68767	Washc1	chr17	66111756	66119450	1407	101	0.071784	1345	109	0.081041	1473	76	0.051595	287	10	0.034843	681	51	0.07489	1687	84	0.049793	1651	91	0.055118	1571	117	0.074475	325	11	0.033846	364	42	0.115385	232	49	0.211207
XM_03025 227746	Rabepk	chr2	34777892	34800196	1465	20	0.013652	1285	14	0.010895	1115	19	0.01704	92	2	0.021739	284	6	0.021127	1309	23	0.017571	1245	12	0.009639	1343	9	0.006701	207	2	0.009662	284	5	0.017606	32	0	0
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6121847	6240634	96	94	0.979167	52	52	1	60	60	1	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	96	92	0.958333	40	39	0.975	48	47	0.979167	68	68	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106819	6240634	4017	22	0.005477	3466	21	0.006059	3573	27	0.007557	364	0	0	1614	0	0	4123	21	0.005093	3634	27	0.00743	3708	21	0.005663	1293	4	0.003094	1557	8	0.005138	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106828	6240634	4017	22	0.005477	3466	21	0.006059	3573	27	0.007557	364	0	0	1614	0	0	4123	21	0.005093	3634	27	0.00743	3708	21	0.005663	1293	4	0.003094	1557	8	0.005138	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106828	6240634	4017	22	0.005477	3466	21	0.006059	3573	27	0.007557	364	0	0	1614	0	0	4123	21	0.005093	3634	27	0.00743	3708	21	0.005663	1293	4	0.003094	1557	8	0.005138	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106253	6240634	3854	20	0.005189	3244	20	0.006165	3466	26	0.007501	320	0	0	1568	0	0	3886	19	0.004889	3455	25	0.007236	3491	16	0.004583	1247	4	0.003208	1484	8	0.005391	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106730	6240634	4017	22	0.005477	3466	21	0.006059	3573	27	0.007557	364	0	0	1614	0	0	4123	21	0.005093	3634	27	0.00743	3708	21	0.005663	1293	4	0.003094	1557	8	0.005138	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106253	6240634	3854	20	0.005189	3244	20	0.006165	3466	26	0.007501	320	0	0	1568	0	0	3886	19	0.004889	3455	25	0.007236	3491	16	0.004583	1247	4	0.003208	1484	8	0.005391	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106450	6240634	3971	22	0.00554	3363	21	0.006244	3573	27	0.007557	364	0	0	1614	0	0	4041	21	0.005197	3566	27	0.007572	3627	20	0.005514	1293	4	0.003094	1557	8	0.005138	95	1	0.010526
XM_03025 68842	Tulp4	chr17	6106450	6240634	3971	22	0.00554	3363	21	0.006244	3573	27	0.007557	364	0	0	1614	0	0	4041	21	0.005197	3566	27	0.007572	3627	20	0.005514	1293	4	0.003094	1557	8	0.005138	95	1	0.010526
XM_03025 68915	Vars2	chr17	35660073	35667639	2825	146	0.051681	2705	124	0.045841	2508	147	0.058612	784	45	0.057398	1008	86	0.085317	2678	178	0.066468	2363	148	0.062632	2475	167	0.067475	1179	88	0.07464	1204	91	0.075581	118	51	0.432203
XM_03025 15559	Htr2b	chr1	86097546	86110672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70081	Zfp995	chr17	21878907	21910085	599	2	0.003339	637	8	0.012559	843	4	0.004745	30	0	0	258	3	0.011628	593	3	0.005059	472	6	0.012712	469	3	0.006397	284	2	0.007042	233	1	0.004292	100	0	0
XM_03025 70081	Zfp995	chr17	21878907	21910085	599	2	0.003339	637	8	0.012559	843	4	0.004745	30	0	0	258	3	0.011628	593	3	0.005059	472	6	0.012712	469	3	0.006397	284	2	0.007042	233	1	0.004292	100	0	0
XM_03025 70081	Zfp995	chr17	21878907	21910085	599	2	0.003339	637	8	0.012559	843	4	0.004745	30	0	0	258	3	0.011628	593	3	0.005059	472	6	0.012712	469	3	0.006397	284	2	0.007042	233	1	0.004292	100	0	0
XM_03025 70081	Zfp995	chr17	21878907	21910085	599	2	0.003339	637	8	0.012559	843	4	0.004745	30	0	0	258	3	0.011628	593	3	0.005059	472	6	0.012712	469	3	0.006397	284	2	0.007042	233	1	0.004292	100	0	0
XM_03025 70081	Zfp995	chr17	21878907	21910084	599	2	0.003339	637	8	0.012559	843	4	0.004745	30	0	0	258	3	0.011628	593	3	0.005059	472	6	0.012712	469	3	0.006397	284	2	0.007042	233	1	0.004292	100	0	0
XM_03025 70274	Ly6g6e	chr17	35076997	35078802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	6	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70274	Ly6g6e	chr17	35076892	35078802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70351	Ppp4r1	chr17	65782715	65841913	9429	38	0.00403	9556	70	0.007325	9640	66	0.006846	1002	3	0.002994	2139	1	0.000468	9600	73	0.007604	9085	44	0.004843	9390	38	0.004047	2506	8	0.003192	2256	4	0.001773	495	1	0.00202
XM_03025 70351	Ppp4r1	chr17	65783142	65841913	10497	45	0.004287	10384	84	0.008089	10513	72	0.006849	1158	3	0.002591	2445	1	0.000409	10982	78	0.007103	9995	49	0.004902	10274	46	0.004477	2807	8	0.00285	2592	4	0.001543	555	1	0.001802
XM_03025 70351	Ppp4r1	chr17	65783624	65841913	10497	45	0.004287	10384	84	0.008089	10513	72	0.006849	1158	3	0.002591	2445	1	0.000409	10982	78	0.007103	9995	49	0.004902	10274	46	0.004477	2807	8	0.00285	2592	4	0.001543	555	1	0.001802
XM_03025 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70785	Dennd1c	chr17	57066051	57077012	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 71138	Tmem217	chr17	29526002	29549761	1683	13	0.007724	1559	15	0.009622	1770	15	0.008475	212	2	0.009434	558	1	0.001792	1590	17	0.010692	1536	15	0.009766	1931	17	0.008804	631	2	0.00317	557	1	0.001795	260	1	0.003846
XM_03025 227800	Rabgap1	chr2	37452125	37548338	2038	99	0.048577	1775	75	0.042254	1854	82	0.044229	393	1	0.002545	858	57	0.066434	2099	93	0.044307	1946	65	0.033402	1889	89	0.047115	550	29	0.052727	857	35	0.04084	156	9	0.057692
XM_03025 71810	Ranbp3	chr17	56673233	56711764	2062	56	0.027158	1655	33	0.01994	2153	45	0.020901	375	24	0.064	818	29	0.035452	2003	49	0.024463	1457	39	0.026767	2061	58	0.028142	479	17	0.035491	933	36	0.038585	205	1	0.004878
XM_03025 71810	Ranbp3	chr17	56673233	56711764	2062	56	0.027158	1655	33	0.01994	2153	45	0.020901	375	24	0.064	818	29	0.035452	2003	49	0.024463	1457	39	0.026767	2061	58	0.028142	479	17	0.035491	933	36	0.038585	205	1	0.004878
XM_03025 71810	Ranbp3	chr17	56691750	56711764	223	184	0.825112	130	112	0.861538	152	134	0.881579	36	32	0.888889	98	86	0.877551	167	155	0.928144	132	111	0.840909	162	147	0.907407	82	76	0.926829	93	89	0.956989	31	21	0.677419
XM_03025 71840	Tekt4	chr17	25454549	25476602	89	63	0.707865	97	73	0.752577	100	78	0.78	25	19	0.76	39	21	0.538462	108	69	0.638889	98	52	0.530612	121	55	0.454545	31	15	0.483871	29	16	0.551724	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72016	Tedc2	chr17	24215247	24220758	467	13	0.027837	431	7	0.016241	505	4	0.007921	211	8	0.037915	240	11	0.045833	684	38	0.055556	499	3	0.006012	457	11	0.02407	241	0	0	287	12	0.041812	208	20	0.096154
XM_03025 72016	Tedc2	chr17	24215247	24220777	467	13	0.027837	431	7	0.016241	505	4	0.007921	211	8	0.037915	240	11	0.045833	684	38	0.055556	499	3	0.006012	457	11	0.02407	241	0	0	287	12	0.041812	208	20	0.096154
XM_03025 72029	Cnpy3	chr17	46735754	46752713	1367	221	0.161668	1269	212	0.167061	1431	208	0.145353	108	0	0	221	85	0.384615	1358	181	0.133284	1154	155	0.134315	1436	147	0.102368	363	21	0.057851	351	42	0.119658	145	28	0.193103
XM_03025 72167	Thumpd2	chr17	81024247	81065086	2863	230	0.080335	2748	224	0.081514	2941	228	0.077525	311	43	0.138264	978	149	0.152352	2846	164	0.057625	2858	163	0.057033	2704	141	0.052145	881	70	0.079455	1175	158	0.134468	374	53	0.141711
XM_03025 72238	Tbc1d5	chr17	50733124	51181199	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287404	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_03025 72836	Pot1b	chr17	55652952	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287404	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_03025 73229	Zfp983	chr17	21650574	21664966	181	0	0	127	1	0.007874	138	0	0	48	0	0	98	0	0	197	0	0	153	0	0	143	0	0	88	1	0.011364	93	1	0.010753	24	0	0
XM_03025 73229	Zfp983	chr17	21650573	21664966	181	0	0	127	1	0.007874	138	0	0	48	0	0	98	0	0	197	0	0	153	0	0	143	0	0	88	1	0.011364	93	1	0.010753	24	0	0
XM_03025 73229	Zfp983	chr17	21650572	21664966	181	0	0	127	1	0.007874	138	0	0	48	0	0	98	0	0	197	0	0	153	0	0	143	0	0	88	1	0.011364	93	1	0.010753	24	0	0
XM_03025 73229	Zfp983	chr17	21650575	21664966	181	0	0	127	1	0.007874	138	0	0	48	0	0	98	0	0	197	0	0	153	0	0	143	0	0	88	1	0.011364	93	1	0.010753	24	0	0
XM_03025 73229	Zfp983	chr17	21650572	21664966	181	0	0	127	1	0.007874	138	0	0	48	0	0	98	0	0	197	0	0	153	0	0	143	0	0	88	1	0.011364	93	1	0.010753	24	0	0
XM_03025 227801	Dennd1a	chr2	37798993	38287233	1916	23	0.012004	1901	12	0.006312	1973	14	0.007096	209	0	0	464	3	0.006466	1999	11	0.005503	2085	21	0.010072	2166	17	0.007849	435	1	0.002299	188	0	0	77	1	0.012987
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962486	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962501	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962494	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962486	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962503	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962486	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025
XM_03025 73233	Zfp942	chr17	21926960	21962494	638	4	0.00627	593	1	0.001686	742	2	0.002695	#N/A	#N/A	#N/A	425	2	0.004706	620	5	0.008065	539	1	0.001855	488	0	0	336	0	0	295	1	0.00339	40	1	0.025

XM_03025 106869	Tnfaip8	chr18	50054990	50091782	812	21	0.025862	1019	14	0.013739	925	15	0.016216	96	5	0.052083	455	3	0.006593	792	32	0.040404	783	15	0.019157	1008	12	0.011905	136	5	0.036765	378	1	0.002646	49	0	0
XM_03025 106869	Tnfaip8	chr18	49996581	50091782	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15950	Ifi203	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 106894	Hmgxb3	chr18	61131277	61171385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 106952	Arap3	chr18	37972623	37997877	561	62	0.110517	514	53	0.103113	650	62	0.095385	76	8	0.105263	187	21	0.112299	592	62	0.10473	594	45	0.075758	533	49	0.091932	168	17	0.10119	238	12	0.05042	69	9	0.130435
XM_03025 107035	Fbxo38	chr18	62504061	62548759	1077	7	0.0065	959	7	0.007299	1193	7	0.005868	133	0	0	610	1	0.001639	1026	3	0.002924	982	12	0.01222	1127	4	0.003549	516	1	0.001938	652	2	0.003067	145	0	0
XM_03025 107035	Fbxo38	chr18	62504061	62544926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 107035	Fbxo38	chr18	62504151	62548748	1077	7	0.0065	959	7	0.007299	1193	7	0.005868	133	0	0	610	1	0.001639	1026	3	0.002924	982	12	0.01222	1127	4	0.003549	516	1	0.001938	652	2	0.003067	145	0	0
XM_03025 107035	Fbxo38	chr18	62504061	62548748	1077	7	0.0065	959	7	0.007299	1193	7	0.005868	133	0	0	610	1	0.001639	1026	3	0.002924	982	12	0.01222	1127	4	0.003549	516	1	0.001938	652	2	0.003067	145	0	0
XM_03025 108013	Celf4	chr18	25477622	25754520	2744	57	0.020773	2790	52	0.018638	3212	58	0.018057	433	12	0.027714	840	14	0.016667	2829	128	0.045246	3136	137	0.043686	3129	109	0.034835	684	10	0.01462	870	34	0.03908	221	6	0.027149
XM_03025 108013	Celf4	chr18	25477622	25754520	2744	57	0.020773	2790	52	0.018638	3212	58	0.018057	433	12	0.027714	840	14	0.016667	2829	128	0.045246	3136	137	0.043686	3129	109	0.034835	684	10	0.01462	870	34	0.03908	221	6	0.027149
XM_03025 108013	Celf4	chr18	25477622	25754520	2744	57	0.020773	2790	52	0.018638	3212	58	0.018057	433	12	0.027714	840	14	0.016667	2829	128	0.045246	3136	137	0.043686	3129	109	0.034835	684	10	0.01462	870	34	0.03908	221	6	0.027149
XM_03025 108013	Celf4	chr18	25477622	25754520	2744	57	0.020773	2790	52	0.018638	3212	58	0.018057	433	12	0.027714	840	14	0.016667	2829	128	0.045246	3136	137	0.043686	3129	109	0.034835	684	10	0.01462	870	34	0.03908	221	6	0.027149
XM_03025 108168395	Gm45871	chr18	90579760	90593641	150	144	0.96	108	99	0.916667	78	71	0.910256	#N/A	#N/A	#N/A	83	81	0.975904	125	97	0.776	115	84	0.730435	87	80	0.91954	33	31	0.939394	33	33	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 108654	Fam210a	chr18	68260175	68300204	2292	18	0.007853	2073	6	0.002894	2341	16	0.006835	370	1	0.002703	758	2	0.002639	2785	22	0.007899	2333	17	0.007287	1982	10	0.005045	480	0	0	935	6	0.006417	527	4	0.00759
XM_03025 110796	Tshz1	chr18	84011631	84087632	4660	42	0.009013	4677	49	0.010477	4966	43	0.008659	915	2	0.002186	1097	6	0.005469	5245	34	0.006482	4982	34	0.006825	5476	39	0.007122	1437	1	0.000696	1212	6	0.00495	179	1	0.005587
XM_03025 110796	Tshz1	chr18	84011631	84087545	4660	42	0.009013	4677	49	0.010477	4966	43	0.008659	915	2	0.002186	1097	6	0.005469	5245	34	0.006482	4982	34	0.006825	5476	39	0.007122	1437	1	0.000696	1212	6	0.00495	179	1	0.005587
XM_03025 110796	Tshz1	chr18	84011631	84087707	4660	42	0.009013	4677	49	0.010477	4966	43	0.008659	915	2	0.002186	1097	6	0.005469	5245	34	0.006482	4982	34	0.006825	5476	39	0.007122	1437	1	0.000696	1212	6	0.00495	179	1	0.005587
XM_03025 114615	Elac1	chr18	73735038	73754519	3773	122	0.032335	3577	126	0.035225	3695	128	0.034641	877	2	0.002281	1584	125	0.078914	3662	121	0.033042	3121	107	0.034284	3816	110	0.028826	890	60	0.067416	1325	54	0.040755	490	21	0.042857
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247653	34318608	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247653	34322190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247528	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34220297	34318581	3874	60	0.015488	4220	49	0.011611	4641	57	0.012282	928	25	0.02694	1621	66	0.040716	4140	32	0.007729	3944	52	0.013185	4243	26	0.006128	1336	28	0.020958	1837	39	0.02123	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34220913	34318581	3976	42	0.010563	4394	31	0.007055	4731	29	0.00613	908	5	0.005507	1609	44	0.027346	4381	33	0.007533	4202	35	0.008329	4493	29	0.006454	1349	28	0.020756	1851	39	0.02107	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247528	34322190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34220913	34318581	3976	42	0.010563	4394	31	0.007055	4731	29	0.00613	908	5	0.005507	1609	44	0.027346	4381	33	0.007533	4202	35	0.008329	4493	29	0.006454	1349	28	0.020756	1851	39	0.02107	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247676	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247528	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34220913	34318581	3976	42	0.010563	4394	31	0.007055	4731	29	0.00613	908	5	0.005507	1609	44	0.027346	4381	33	0.007533	4202	35	0.008329	4493	29	0.006454	1349	28	0.020756	1851	39	0.02107	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247636	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34220913	34322190	3976	42	0.010563	4394	31	0.007055	4731	29	0.00613	908	5	0.005507	1609	44	0.027346	4381	33	0.007533	4202	35	0.008329	4493	29	0.006454	1349	28	0.020756	1851	39	0.02107	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247649	34322190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34220883	34322190	3976	42	0.010563	4394	31	0.007055	4731	29	0.00613	908	5	0.005507	1609	44	0.027346	4381	33	0.007533	4202	35	0.008329	4493	29	0.006454	1349	28	0.020756	1851	39	0.02107	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34221112	34318581	3976	42	0.010563	4394	31	0.007055	4731	29	0.00613	908	5	0.005507	1609	44	0.027346	4381	33	0.007533	4202	35	0.008329	4493	29	0.006454	1349	28	0.020756	1851	39	0.02107	500	6	0.012
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247649	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247653	34322190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247653	34322190	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247697	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11789	Apc	chr18	34247649	34318581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12326	Camk4	chr18	32938462	33195767	1692	22	0.013002	1205	15	0.012448	1549	33	0.021304	270	4	0.014815	544	17	0.03125	1649	29	0.017586	1456	36	0.024725	987	32	0.032421	578	10	0.017301	662	8	0.012085	52	3	0.057692
XM_03025 12326	Camk4	chr18	32938792	33195767	1802	22	0.012209	1293	17	0.013148	1635	33	0.020183	292	4	0.013699	590	17	0.028814	1731	33	0.019064	1542	36	0.023346	1081	34	0.031452	634	11	0.01735	698	8	0.011461	76	3	0.039474
XM_03025 12385	Ctnna1	chr18	35118902	35254775	3114	156	0.050096	2452	106	0.04323	3070	117	0.038111	452	35	0.077434	867	70	0.080738	3168	141	0.044508	2845	101	0.035501	3041	126	0.041434	835	28	0.033533	825	55	0.066667	178	34	0.191011
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3325450	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3325450	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337488	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3299663	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3325479	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337561	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337749	2975	12	0.004034	3050	24	0.007869	3611	11	0.003046	358	1	0.002793	1034	2	0.001934	3821	14	0.003664	3061	15	0.0049	3116	14	0.004493	880	13	0.014773	1339	9	0.006721	136	1	0.007353
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337419	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337606	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337490	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337473	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337582	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337773	2975	12	0.004034	3050	24	0.007869	3611	11	0.003046	358	1	0.002793	1034	2	0.001934	3821	14	0.003664	3061	15	0.0049	3116	14	0.004493	880	13	0.014773	1339	9	0.006721	136	1	0.007353
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3281623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3337469	3023	13	0.0043	3083	24	0.007785	3640	12	0.003297	369	1	0.00271	1053	2	0.001899	3860	14	0.003627	3092	15	0.004851	3162	14	0.004428	892	13	0.014574	1352	9	0.006657	146	1	0.006849
XM_03025 12916	Crem	chr18	3266354	3281620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0
XM_03025 13367	Diaph1	chr18	37864130	37935622	2851	6	0.002105	2287	11	0.00481	2858	18	0.006298	179	0	0	1119	12	0.010724	3128	24	0.007673	2710	30	0.01107	2541	15	0.005903	1019	11	0.010795	1075	4	0.003721	342	0	0
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23415341	23659713	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	11	0	0
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23415345	23659713	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	11	0	0
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23415345	23659713	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	11	0	0
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23310006	23659715	4380	170	0.038813	4243	131	0.030874	4466	133	0.029781	706	37	0.052408	1484	57	0.03841	4309	223	0.051752	4076	248	0.060844	3969	184	0.046359	1265	67	0.052964	1427	75	0.052558	274	9	0.032847
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23535162	23635777	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23535162	23635777	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23535162	23604232	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23415348	23604225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	11	0	0
XM_03025 13527	Dtna	chr18	23415122	23604225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	11	0	0
XM_03025 13824	Epb41l4a	chr18	33796327	34007482	2904	61	0.021006	2815	44	0.015631	2859	25	0.008744	317	19	0.059937	969	82	0.084623	2980	25	0.008389	2444	41	0.016776	2558	26	0.010164	639	19	0.029734	723	47	0.065007	70	0	0
XM_03025 13824	Epb41l4a	chr18	33796327	34007482	2904	61	0.021006	2815	44	0.015631	2859	25	0.008744	317	19	0.059937	969	82	0.084623	2980	25	0.008389	2444	41	0.016776	2558	26	0.010164	639	19	0.029734	723	47	0.065007	70	0	0
XM_03025 13824	Epb41l4a	chr18	33796327	34007482	2904	61	0.021006	2815	44	0.015631	2859	25	0.008744	317	19	0.059937	969	82	0.084623	2980	25	0.008389	2444	41	0.016776	2558	26	0.010164	639	19	0.029734	723	47	0.065007	70	0	0
XM_03025 13824	Epb41l4a	chr18	33796327	34006422	3603	70	0.019428	3819	55	0.014402	3703	32	0.008642	540	25	0.046296	1258	89	0.070747	3741	31	0.008287	3146	53	0.016847	3197	40	0.012512	1120	25	0.022321	912	53	0.058114	177	4	0.022599
XM_03025 13824	Epb41l4a	chr18	33796327	34006422	3603	70	0.019428	3819	55	0.014402	3703	32	0.008642	540	25	0.046296	1258	89	0.070747	3741	31	0.008287	3146	53	0.016847	3197	40	0.012512	1120	25	0.022321	912	53	0.058114	177	4	0.022599
XM_03025 140492	Kcnn2	chr18	45268750	45685887	150	3	0.02	213	6	0.028169	198	4	0.020202	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	117	1	0.008547	186	7	0.037634	237	11	0.046414	#N/A	#N/A	#N/A	36	1	0.027778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 140492	Kcnn2	chr18	45558790	45685887	2672	51	0.019087	2310	25	0.010823	2853	35	0.012268	268	1	0.003731	880	9	0.010227	2459	42	0.01708	2230	26	0.011659	2482	31	0.01249	609	4	0.006568	789	8	0.010139	221	6	0.027149
XM_03025 14119	Fbn2	chr18	58010134	58153835	30	29	0.966667	10	6	0.6	29	28	0.965517	#N/A	#N/A	#N/A	51	44	0.862745	18	16	0.888889	21	14	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	29	20	0.689655	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 228413	Prrg4	chr2	1.05E+08	1.05E+08	729	10	0.013717	431	5	0.011601	565	4	0.00708	#N/A	#N/A	#N/A	417	1	0.002398	777	9	0.011583	380	1	0.002632	718	4	0.005571	93	2	0.021505	283	1	0.003534	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14423	Galnt1	chr18	24205321	24286618	9186	64	0.006967	8763	65	0.007418	9483	55	0.0058	1591	8	0.005028	2426	12	0.004946	8104	67	0.008268	8359	75	0.008972	9297	72	0.007744	2340	8	0.003419	2425	7	0.002887	565	3	0.00531
XM_03025 14423	Galnt1	chr18	24205911	24286618	9507	65	0.006837	9072	65	0.007165	9877	57	0.005771	1631	8	0.004905	2462	12	0.004874	8449	71	0.008403	8654	79	0.009129	9668	73	0.007551	2396	8	0.003339	2479	7	0.002824	565	3	0.00531
XM_03025 14680	Gnal	chr18	67133074	67226792	1276	27	0.02116	1338	27	0.020179	1304	24	0.018405	131	6	0.045802	548	22	0.040146	1373	34	0.024763	1478	41	0.02774	1224	16	0.013072	322	7	0.021739	433	6	0.013857	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14815	Nr3c1	chr18	39411173	39490169	5581	25	0.004479	4994	28	0.005607	5630	45	0.007993	511	3	0.005871	1354	2	0.001477	7127	42	0.005893	6501	35	0.005384	6420	42	0.006542	1119	3	0.002681	1772	5	0.002822	315	2	0.006349
XM_03025 14815	Nr3c1	chr18	39411553	39491917	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15531	Ndst1	chr18	60684494	60733485	558	277	0.496416	454	264	0.581498	508	289	0.568898	194	95	0.489691	164	81	0.493902	573	251	0.438045	402	177	0.440299	435	236	0.542529	174	68	0.390805	184	86	0.467391	78	36	0.461538
XM_03025 15531	Ndst1	chr18	60684494	60749035	5150	218	0.04233	6069	270	0.044488	5766	195	0.033819	672	48	0.071429	960	64	0.066667	6079	256	0.042112	4989	191	0.038284	6834	248	0.036289	1314	51	0.038813	1384	46	0.033237	342	1	0.002924
XM_03025 15531	Ndst1	chr18	60684494	60732623	514	273	0.531128	423	263	0.621749	458	283	0.617904	176	95	0.539773	144	76	0.527778	511	232	0.454012	360	173	0.480556	394	229	0.581218	160	66	0.4125	166	85	0.512048	68	35	0.514706
XM_03025 15562	Htr4	chr18	62323592	62471364	509	52	0.102161	580	51	0.087931	519	39	0.075145	100	8	0.08	244	10	0.040984	686	79	0.11516	650	84	0.129231	424	38	0.089623	216	22	0.101852	205	34	0.165854	50	9	0.18
XM_03025 15562	Htr4	chr18	62323588	62464650	509	52	0.102161	580	51	0.087931	519	39	0.075145	100	8	0.08	244	10	0.040984	686	79	0.11516	650	84	0.129231	424	38	0.089623	216	22	0.101852	205	34	0.165854	50	9	0.18
XM_03025 15562	Htr4	chr18	62324175	62503027	509	52	0.102161	580	51	0.087931	519	39	0.075145	100	8	0.08	244	10	0.040984	686	79	0.11516	650	84	0.129231	424	38	0.089623	216	22	0.101852	205	34	0.165854	50	9	0.18
XM_03025 15562	Htr4	chr18	62323590	62437955	509	52	0.102161	580	51	0.087931	519	39	0.075145	100	8	0.08	244	10	0.040984	686	79	0.11516	650	84	0.129231	424	38	0.089623	216	22	0.101852	205	34	0.165854	50	9	0.18
XM_03025 15562	Htr4	chr18	62323546	62471364	509	52	0.102161	580	51	0.087931	519	39	0.075145	100	8	0.08	244	10	0.040984	686	79	0.11516	650	84	0.129231	424	38	0.089623	216	22	0.101852	205	34	0.165854	50	9	0.18
XM_03025 228432	Ano3	chr2	1.11E+08	1.11E+08	55	3	0.054545	71	3	0.042254	27	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	4	0.083333	63	2	0.031746	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 16774	Lama3	chr18	12481943	12583009	57	53	0.929825	60	56	0.933333	55	51	0.927273	13	12	0.923077	38	31	0.815789	47	44	0.93617	114	102	0.894737	99	95	0.959596	13	9	0.692308	71	63	0.887324	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 228432	Ano3	chr2	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17126	Smad2	chr18	76242083	76311748	8141	58	0.007124	8047	81	0.010066	8897	94	0.010565	1393	3	0.002154	2581	17	0.006587	8775	80	0.009117	8668	49	0.005653	9296	69	0.007423	2266	7	0.003089	2684	6	0.002235	808	1	0.001238
XM_03025 17190	Mbd1	chr18	74267605	74277356	1771	54	0.030491	1593	33	0.020716	1829	62	0.033898	380	12	0.031579	854	16	0.018735	2080	64	0.030769	1640	49	0.029878	1694	32	0.01889	528	11	0.020833	864	16	0.018519	383	2	0.005222
XM_03025 17190	Mbd1	chr18	74267900	74282734	1771	54	0.030491	1593	33	0.020716	1829	62	0.033898	380	12	0.031579	874	16	0.018307	2080	64	0.030769	1692	49	0.02896	1722	32	0.018583	528	11	0.020833	864	16	0.018519	383	2	0.005222
XM_03025 17190	Mbd1	chr18	74267739	74281238	1771	54	0.030491	1593	33	0.020716	1829	62	0.033898	380	12	0.031579	864	16	0.018519	2080	64	0.030769	1681	49	0.029149	1708	32	0.018735	528	11	0.020833	864	16	0.018519	383	2	0.005222
XM_03025 17190	Mbd1	chr18	74267907	74282734	1771	54	0.030491	1593	33	0.020716	1829	62	0.033898	380	12	0.031579	874	16	0.018307	2080	64	0.030769	1692	49	0.02896	1722	32	0.018583	528	11	0.020833	864	16	0.018519	383	2	0.005222
XM_03025 17196	Mbp	chr18	82475975	82585637	2005	123	0.061347	1646	64	0.038882	2128	80	0.037594	543	26	0.047882	974	52	0.053388	2422	108	0.044591	1665	84	0.05045	1667	139	0.083383	715	51	0.071329	819	29	0.035409	284	20	0.070423
XM_03025 16008	Igfbp2	chr1	72825381	72852474	2677	38	0.014195	1986	19	0.009567	2239	26	0.011612	440	4	0.009091	871	16	0.01837	2574	54	0.020979	2066	47	0.022749	1741	26	0.014934	829	27	0.032569	634	16	0.025237	449	18	0.040089
XM_03025 17196	Mbp	chr18	82475091	82585637	1744	75	0.043005	1428	34	0.02381	1925	57	0.02961	483	14	0.028986	879	30	0.03413	2155	100	0.046404	1449	70	0.048309	1448	102	0.070442	594	25	0.042088	689	27	0.039187	284	20	0.070423
XM_03025 17344	Pias2	chr18	77070499	77153051	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18596	Pdgfrb	chr18	61045127	61072622	303	69	0.227723	185	56	0.302703	235	56	0.238298	23	2	0.086957	34	9	0.264706	325	75	0.230769	228	100	0.438596	223	61	0.273543	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19123	Proc	chr18	32123126	32138691	38	13	0.342105	21	5	0.238095	32	7	0.21875	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	29	12	0.413793	12	7	0.583333	32	10	0.3125	12	1	0.083333	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 228536	Bahd1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	10037	109	0.01086	10167	121	0.011901	11104	131	0.011798	1987	13	0.006543	2353	27	0.011475	11613	134	0.011539	9714	86	0.008853	11574	101	0.008726	2786	14	0.005025	3131	23	0.007346	407	0	0
XM_03025 19255	Ptpn2	chr18	67665501	67724630	3938	44	0.011173	3481	27	0.007756	3759	48	0.012769	370	0	0	1291	8	0.006197	4252	39	0.009172	3349	11	0.003285	3772	44	0.011665	1063	5	0.004704	1560	9	0.005769	30	0	0
XM_03025 228536	Bahd1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 228536	Bahd1	chr2	1.19E+08	1.19E+08	8148	93	0.011414	8281	103	0.012438	8962	118	0.013167	1572	15	0.009542	1919	23	0.011985	9378	130	0.013862	7806	88	0.011273	9186	95	0.010342	2076	12	0.00578	2578	29	0.011249	260	0	0
XM_03025 20451	St8sia3	chr18	64264620	64276146	2146	165	0.076887	1754	129	0.073546	2239	146	0.065208	607	44	0.072488	796	71	0.089196	2107	171	0.081158	1794	196	0.109253	1727	161	0.093225	550	51	0.092727	803	63	0.078456	243	43	0.176955
XM_03025 20689	Sall3	chr18	80966989	80986388	11723	256	0.021837	11717	230	0.01963	12849	260	0.020235	2233	43	0.019257	2741	40	0.014593	11651	352	0.030212	10156	551	0.054254	9813	291	0.029655	3246	114	0.03512	3707	163	0.043971	411	17	0.041363
XM_03025 211961	Asxl3	chr18	22344148	22525549	4748	117	0.024642	4156	60	0.014437	4723	88	0.018632	820	13	0.015854	1280	37	0.028906	4401	134	0.030448	3864	58	0.01501	4255	69	0.016216	776	10	0.012887	1301	33	0.025365	123	13	0.105691
XM_03025 211961	Asxl3	chr18	22344197	22525549	4748	117	0.024642	4156	60	0.014437	4723	88	0.018632	820	13	0.015854	1280	37	0.028906	4401	134	0.030448	3864	58	0.01501	4255	69	0.016216	776	10	0.012887	1301	33	0.025365	123	13	0.105691
XM_03025 211961	Asxl3	chr18	22344427	22525549	4748	117	0.024642	4156	60	0.014437	4723	88	0.018632	820	13	0.015854	1280	37	0.028906	4401	134	0.030448	3864	58	0.01501	4255	69	0.016216	776	10	0.012887	1301	33	0.025365	123	13	0.105691
XM_03025 211961	Asxl3	chr18	22364283	22525549	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69345679	69687926	4945	33	0.006673	4838	20	0.004134	5161	57	0.011044	838	2	0.002387	1674	13	0.007766	5134	45	0.008765	4951	39	0.007877	4526	33	0.007291	1605	0	0	1799	26	0.014452	347	6	0.017291
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69345679	69687926	4945	33	0.006673	4838	20	0.004134	5161	57	0.011044	838	2	0.002387	1674	13	0.007766	5134	45	0.008765	4951	39	0.007877	4526	33	0.007291	1605	0	0	1799	26	0.014452	347	6	0.017291
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69348421	69687926	892	36	0.040359	855	0	0	998	23	0.023046	72	0	0	285	41	0.14386	1008	46	0.045635	958	42	0.043841	866	36	0.04157	273	24	0.087912	414	17	0.041063	12	0	0
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69347391	69687926	3567	49	0.013737	3150	12	0.00381	3488	40	0.011468	378	0	0	1135	42	0.037004	3549	57	0.016061	3400	51	0.015	3009	40	0.013293	1099	24	0.021838	1103	17	0.015413	124	0	0
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69348421	69687926	892	36	0.040359	855	0	0	998	23	0.023046	72	0	0	285	41	0.14386	1008	46	0.045635	958	42	0.043841	866	36	0.04157	273	24	0.087912	414	17	0.041063	12	0	0
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69346155	69687926	4857	31	0.006383	4777	19	0.003977	5044	36	0.007137	790	2	0.002532	1659	13	0.007836	4999	23	0.004601	4852	21	0.004328	4472	31	0.006932	1562	0	0	1733	7	0.004039	312	6	0.019231
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69345762	69687926	4945	33	0.006673	4838	20	0.004134	5161	57	0.011044	838	2	0.002387	1674	13	0.007766	5134	45	0.008765	4951	39	0.007877	4526	33	0.007291	1605	0	0	1799	26	0.014452	347	6	0.017291
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69343429	69687926	1319	17	0.012889	1570	8	0.005096	1598	33	0.020651	382	2	0.005236	523	9	0.017208	1515	31	0.020462	1445	27	0.018685	1488	20	0.013441	452	0	0	653	23	0.035222	223	6	0.026906
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69348423	69687926	892	36	0.040359	855	0	0	998	23	0.023046	72	0	0	285	41	0.14386	1008	46	0.045635	958	42	0.043841	866	36	0.04157	273	24	0.087912	414	17	0.041063	12	0	0
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69521521	69687926	231	158	0.683983	288	212	0.736111	413	307	0.743341	33	29	0.878788	219	159	0.726027	318	238	0.748428	226	167	0.738938	277	215	0.776173	109	70	0.642202	140	117	0.835714	69	48	0.695652
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69563044	69687926	85	72	0.847059	67	53	0.791045	59	59	1	#N/A	#N/A	#N/A	47	46	0.978723	91	77	0.846154	111	98	0.882883	62	52	0.83871	22	19	0.863636	36	28	0.777778	20	18	0.9
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69519785	69687926	231	158	0.683983	288	212	0.736111	321	237	0.738318	33	29	0.878788	70	46	0.657143	248	191	0.770161	226	167	0.738938	237	183	0.772152	65	39	0.6	60	51	0.85	69	48	0.695652
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69562966	69687926	85	72	0.847059	67	53	0.791045	59	59	1	#N/A	#N/A	#N/A	47	46	0.978723	91	77	0.846154	111	98	0.882883	62	52	0.83871	22	19	0.863636	36	28	0.777778	20	18	0.9
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69519821	69687926	231	158	0.683983	288	212	0.736111	321	237	0.738318	33	29	0.878788	70	46	0.657143	248	191	0.770161	226	167	0.738938	237	183	0.772152	65	39	0.6	60	51	0.85	69	48	0.695652
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69520057	69687926	231	158	0.683983	288	212	0.736111	321	237	0.738318	33	29	0.878788	70	46	0.657143	248	191	0.770161	226	167	0.738938	237	183	0.772152	65	39	0.6	60	51	0.85	69	48	0.695652
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69520057	69687926	231	158	0.683983	288	212	0.736111	321	237	0.738318	33	29	0.878788	70	46	0.657143	248	191	0.770161	226	167	0.738938	237	183	0.772152	65	39	0.6	60	51	0.85	69	48	0.695652
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69521744	69687926	231	158	0.683983	288	212	0.736111	413	307	0.743341	33	29	0.878788	219	159	0.726027	318	238	0.748428	226	167	0.738938	277	215	0.776173	109	70	0.642202	140	117	0.835714	69	48	0.695652
XM_03025 228564	Frmd5	chr2	1.22E+08	1.22E+08	3730	110	0.029491	3715	86	0.023149	3989	97	0.024317	248	8	0.032258	699	22	0.031474	3273	139	0.042469	3543	86	0.024273	3425	197	0.057518	846	15	0.01773	757	29	0.038309	206	9	0.043689
XM_03025 21413	Tcf4	chr18	69564691	69687926	220	199	0.904545	169	150	0.887574	195	192	0.984615	#N/A	#N/A	#N/A	122	118	0.967213	229	211	0.921397	282	265	0.939716	231	215	0.930736	22	19	0.863636	69	60	0.869565	70	65	0.928571
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592685	5774911	5731	56	0.009771	5976	48	0.008032	6456	32	0.004957	859	3	0.003492	1923	19	0.00988	6687	42	0.006281	5511	35	0.006351	5477	33	0.006025	1541	5	0.003245	1851	10	0.005402	523	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5594266	5774911	3141	26	0.008278	3170	13	0.004101	3558	13	0.003654	585	2	0.003419	1101	8	0.007266	3706	24	0.006476	2871	22	0.007663	2579	18	0.006979	886	2	0.002257	1146	8	0.006981	341	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592528	5774911	5634	54	0.009585	5888	48	0.008152	6363	32	0.005029	845	3	0.00355	1904	19	0.009979	6587	42	0.006376	5411	35	0.006468	5403	31	0.005738	1517	5	0.003296	1809	10	0.005528	523	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5591885	5774911	5492	53	0.00965	5765	48	0.008326	6122	31	0.005064	845	3	0.00355	1894	19	0.010032	6328	41	0.006479	5204	35	0.006726	5199	27	0.005193	1421	5	0.003519	1769	10	0.005653	523	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592858	5774911	5982	64	0.010699	6218	53	0.008524	6625	34	0.005132	873	3	0.003436	2044	20	0.009785	6920	45	0.006503	5669	37	0.006527	5688	36	0.006329	1637	5	0.003054	2005	11	0.005486	563	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592858	5774911	5982	64	0.010699	6218	53	0.008524	6625	34	0.005132	873	3	0.003436	2044	20	0.009785	6920	45	0.006503	5669	37	0.006527	5688	36	0.006329	1637	5	0.003054	2005	11	0.005486	563	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592858	5774911	5982	64	0.010699	6218	53	0.008524	6625	34	0.005132	873	3	0.003436	2044	20	0.009785	6920	45	0.006503	5669	37	0.006527	5688	36	0.006329	1637	5	0.003054	2005	11	0.005486	563	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592528	5774911	5634	54	0.009585	5888	48	0.008152	6363	32	0.005029	845	3	0.00355	1904	19	0.009979	6587	42	0.006376	5411	35	0.006468	5403	31	0.005738	1517	5	0.003296	1809	10	0.005528	523	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592528	5774911	5634	54	0.009585	5888	48	0.008152	6363	32	0.005029	845	3	0.00355	1904	19	0.009979	6587	42	0.006376	5411	35	0.006468	5403	31	0.005738	1517	5	0.003296	1809	10	0.005528	523	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5592858	5774911	5982	64	0.010699	6218	53	0.008524	6625	34	0.005132	873	3	0.003436	2044	20	0.009785	6920	45	0.006503	5669	37	0.006527	5688	36	0.006329	1637	5	0.003054	2005	11	0.005486	563	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5633370	5774911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5591883	5774911	5492	53	0.00965	5765	48	0.008326	6122	31	0.005064	845	3	0.00355	1894	19	0.010032	6328	41	0.006479	5204	35	0.006726	5199	27	0.005193	1421	5	0.003519	1769	10	0.005653	523	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5591327	5774911	2841	38	0.013376	3048	40	0.013123	3067	21	0.006847	288	1	0.003472	943	12	0.012725	3214	21	0.006534	2798	15	0.005361	3109	18	0.00579	751	3	0.003995	859	3	0.003492	222	0	0
XM_03025 21417	Zeb1	chr18	5591866	5774911	5492	53	0.00965	5765	48	0.008326	6122	31	0.005064	845	3	0.00355	1894	19	0.010032	6328	41	0.006479	5204	35	0.006726	5199	27	0.005193	1421	5	0.003519	1769	10	0.005653	523	0	0
XM_03025 22139	Ttr	chr18	20664209	20673885	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 225115	Svil	chr18	4920500	5119290	3301	38	0.011512	2869	35	0.012199	3091	18	0.005823	410	0	0	1116	14	0.012545	3152	30	0.009518	2747	21	0.007645	2768	20	0.007225	831	14	0.016847	860	6	0.006977	321	9	0.028037
XM_03025 225115	Svil	chr18	4920501	5119290	3301	38	0.011512	2869	35	0.012199	3091	18	0.005823	410	0	0	1116	14	0.012545	3152	30	0.009518	2747	21	0.007645	2768	20	0.007225	831	14	0.016847	860	6	0.006977	321	9	0.028037
XM_03025 225115	Svil	chr18	4920503	5119290	3301	38	0.011512	2869	35	0.012199	3091	18	0.005823	410	0	0	1116	14	0.012545	3152	30	0.009518	2747	21	0.007645	2768	20	0.007225	831	14	0.016847	860	6	0.006977	321	9	0.028037
XM_03025 225131	Wac	chr18	7869183	7929028	7769	43	0.005535	7841	47	0.005994	7835	57	0.007275	1123	5	0.004452	1834	16	0.008724	6971	38	0.005451	6744	41	0.006079	7277	33	0.004535	1983	4	0.002017	2472	9	0.003641	855	1	0.00117
XM_03025 225131	Wac	chr18	7868836	7929028	6151	32	0.005202	5929	36	0.006072	6212	45	0.007244	1021	5	0.004897	1422	14	0.009845	5688	29	0.005098	5218	34	0.006516	5568	27	0.004849	1603	3	0.001871	1924	6	0.003119	668	0	0
XM_03025 225131	Wac	chr18	7868825	7929028	6089	32	0.005255	5831	36	0.006174	6118	44	0.007192	1001	5	0.004995	1396	14	0.010029	5613	29	0.005167	5122	34	0.006638	5480	27	0.004927	1592	3	0.001884	1898	6	0.003161	657	0	0

XM_03025 72832	Crtac1	chr19	42283036	42431501	4763	165	0.034642	4643	131	0.028215	4650	147	0.031613	697	37	0.053085	1429	46	0.03219	4434	227	0.051195	4196	247	0.058866	4084	186	0.045544	857	54	0.063011	1833	72	0.03928	231	23	0.099567
XM_03025 72832	Crtac1	chr19	42283036	42432966	1890	49	0.025926	1653	40	0.024198	1854	46	0.024811	236	14	0.059322	456	10	0.02193	1872	68	0.036325	1499	83	0.05537	1448	55	0.037983	194	3	0.015464	579	26	0.044905	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72832	Crtac1	chr19	42283036	42307129	564	282	0.5	485	285	0.587629	667	398	0.596702	54	23	0.425926	214	121	0.565421	570	205	0.359649	542	215	0.396679	516	191	0.370155	166	62	0.373494	184	73	0.396739	69	50	0.724638
XM_03025 73660	Cabp4	chr19	4135423	4144080	625	601	0.9616	438	426	0.972603	543	517	0.952118	185	177	0.956757	224	214	0.955357	730	681	0.932877	422	395	0.936019	548	509	0.928832	80	72	0.9	225	203	0.902222	94	84	0.893617
XM_03025 73660	Cabp4	chr19	4135423	4144063	625	601	0.9616	438	426	0.972603	543	517	0.952118	185	177	0.956757	224	214	0.955357	730	681	0.932877	422	395	0.936019	548	509	0.928832	80	72	0.9	225	203	0.902222	94	84	0.893617
XM_03025 73660	Cabp4	chr19	4135423	4139751	63	33	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A	70	35	0.5	39	24	0.615385	65	44	0.676923	58	36	0.62069	60	31	0.516667	73	44	0.60274	#N/A	#N/A	#N/A	57	39	0.684211	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73660	Cabp4	chr19	4135423	4139791	63	33	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A	70	35	0.5	39	24	0.615385	65	44	0.676923	58	36	0.62069	60	31	0.516667	73	44	0.60274	#N/A	#N/A	#N/A	57	39	0.684211	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241494	Zfp385b	chr2	77410792	77710829	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73707	Gucy2g	chr19	55199562	55217717	88	62	0.704545	82	60	0.731707	92	70	0.76087	18	16	0.888889	48	41	0.854167	106	71	0.669811	85	44	0.517647	67	50	0.746269	32	13	0.40625	38	25	0.657895	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73707	Gucy2g	chr19	55199562	55217713	88	62	0.704545	82	60	0.731707	92	70	0.76087	18	16	0.888889	48	41	0.854167	106	71	0.669811	85	44	0.517647	67	50	0.746269	32	13	0.40625	38	25	0.657895	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73707	Gucy2g	chr19	55198288	55217694	49	29	0.591837	41	25	0.609756	48	31	0.645833	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	46	16	0.347826	35	11	0.314286	30	14	0.466667	16	1	0.0625	16	6	0.375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241494	Zfp385b	chr2	77410792	77520661	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46327155	4103	28	0.006824	3573	39	0.010915	3905	40	0.010243	359	3	0.008357	1366	28	0.020498	4069	44	0.010813	3222	43	0.013346	3671	42	0.011441	777	5	0.006435	1667	12	0.007199	357	4	0.011204
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46327155	4103	28	0.006824	3573	39	0.010915	3905	40	0.010243	359	3	0.008357	1366	28	0.020498	4069	44	0.010813	3222	43	0.013346	3671	42	0.011441	777	5	0.006435	1667	12	0.007199	357	4	0.011204
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46328127	5248	34	0.006479	4652	37	0.007954	4999	38	0.007602	359	3	0.008357	1702	25	0.014689	5245	35	0.006673	3841	32	0.008331	4494	33	0.007343	1140	6	0.005263	2055	11	0.005353	377	4	0.01061
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46327155	4103	28	0.006824	3573	39	0.010915	3905	40	0.010243	359	3	0.008357	1366	28	0.020498	4069	44	0.010813	3222	43	0.013346	3671	42	0.011441	777	5	0.006435	1667	12	0.007199	357	4	0.011204
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46327188	4546	31	0.006819	3957	32	0.008087	4314	36	0.008345	359	3	0.008357	1442	23	0.01595	4505	40	0.008879	3510	43	0.012251	4038	41	0.010154	896	5	0.00558	1854	12	0.006472	377	4	0.01061
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46326864	2370	21	0.008861	2371	34	0.01434	2299	33	0.014354	84	3	0.035714	769	26	0.03381	2438	43	0.017637	1941	46	0.023699	2367	30	0.012674	313	4	0.01278	1092	10	0.009158	30	2	0.066667
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46326864	2370	21	0.008861	2371	34	0.01434	2299	33	0.014354	84	3	0.035714	769	26	0.03381	2438	43	0.017637	1941	46	0.023699	2367	30	0.012674	313	4	0.01278	1092	10	0.009158	30	2	0.066667
XM_03025 73728	Psd	chr19	46312087	46327155	4103	28	0.006824	3573	39	0.010915	3905	40	0.010243	359	3	0.008357	1366	28	0.020498	4069	44	0.010813	3222	43	0.013346	3671	42	0.011441	777	5	0.006435	1667	12	0.007199	357	4	0.011204
XM_03025 241494	Zfp385b	chr2	77410792	77719783	120	116	0.966667	120	111	0.925	131	124	0.946565	28	26	0.928571	126	113	0.896825	151	140	0.927152	171	132	0.77193	149	113	0.758389	58	49	0.844828	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74107	Cep55	chr19	38055011	38074424	1240	3	0.002419	1437	7	0.004871	1538	8	0.005202	257	0	0	669	6	0.008969	1542	9	0.005837	1419	9	0.006342	1517	4	0.002637	689	4	0.005806	686	3	0.004373	175	0	0
XM_03025 74107	Cep55	chr19	38054981	38074424	1240	3	0.002419	1437	7	0.004871	1538	8	0.005202	257	0	0	669	6	0.008969	1542	9	0.005837	1419	9	0.006342	1517	4	0.002637	689	4	0.005806	686	3	0.004373	175	0	0
XM_03025 74107	Cep55	chr19	38054981	38074424	1240	3	0.002419	1437	7	0.004871	1538	8	0.005202	257	0	0	669	6	0.008969	1542	9	0.005837	1419	9	0.006342	1517	4	0.002637	689	4	0.005806	686	3	0.004373	175	0	0
XM_03025 74168	Zdhhc16	chr19	41933460	41942287	3287	18	0.005476	3214	25	0.007778	3391	16	0.004718	652	4	0.006135	1397	5	0.003579	3332	31	0.009304	3109	17	0.005468	3416	23	0.006733	1086	4	0.003683	1274	7	0.005495	610	3	0.004918
XM_03025 74168	Zdhhc16	chr19	41933460	41943575	3287	18	0.005476	3214	25	0.007778	3391	16	0.004718	652	4	0.006135	1397	5	0.003579	3332	31	0.009304	3109	17	0.005468	3416	23	0.006733	1086	4	0.003683	1274	7	0.005495	610	3	0.004918
XM_03025 74168	Zdhhc16	chr19	41933459	41944104	3287	18	0.005476	3214	25	0.007778	3391	16	0.004718	652	4	0.006135	1397	5	0.003579	3332	31	0.009304	3109	17	0.005468	3416	23	0.006733	1086	4	0.003683	1274	7	0.005495	610	3	0.004918
XM_03025 74760	Rab3il1	chr19	10001674	10035461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74760	Rab3il1	chr19	10014874	10035461	125	79	0.632	63	46	0.730159	62	36	0.580645	11	7	0.636364	65	43	0.661538	122	90	0.737705	41	33	0.804878	91	71	0.78022	44	32	0.727273	52	39	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74760	Rab3il1	chr19	10018246	10035461	1550	22	0.014194	1437	21	0.014614	1865	11	0.005898	173	0	0	609	2	0.003284	1975	12	0.006076	1548	13	0.008398	1916	11	0.005741	663	2	0.003017	625	4	0.0064	266	1	0.003759
XM_03025 74760	Rab3il1	chr19	10001674	10035461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75735	Pank1	chr19	34809392	34883423	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76539	Fam204a	chr19	60198677	60226703	1767	139	0.078664	1917	115	0.05999	2027	128	0.063148	332	23	0.069277	877	40	0.04561	1716	122	0.071096	1807	133	0.073603	1618	122	0.075402	676	38	0.056213	792	71	0.089646	330	0	0
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961942	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961942	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46937342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961942	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46950965	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46962308	2754	35	0.012709	2688	15	0.00558	2861	14	0.004893	30	0	0	464	1	0.002155	2613	22	0.008419	2579	23	0.008918	3173	27	0.008509	496	1	0.002016	561	1	0.001783	273	0	0
XM_03025 76952	Nt5c2	chr19	46885390	46961939	2814	51	0.018124	2757	28	0.010156	2902	21	0.007236	30	0	0	464	1	0.002155	2676	41	0.015321	2631	42	0.015964	3243	53	0.016343	518	10	0.019305	581	5	0.008606	273	0	0
XM_03025 241547	Harbi1	chr2	91710857	91723671	1452	9	0.006198	1528	5	0.003272	1566	5	0.003193	233	0	0	427	10	0.023419	1241	13	0.010475	1300	2	0.001538	1501	4	0.002665	217	0	0	348	4	0.011494	85	1	0.011765
XM_03025 78891	Scyl1	chr19	5758422	5771415	3296	50	0.01517	3080	59	0.019156	3353	38	0.011333	610	2	0.003279	993	8	0.008056	3110	40	0.012862	2852	24	0.008415	3150	20	0.006349	952	7	0.007353	951	9	0.009464	414	1	0.002415
XM_03025 94281	Sfxn4	chr19	60836309	60861533	103	68	0.660194	96	70	0.729167	79	63	0.797468	26	23	0.884615	90	71	0.788889	145	68	0.468966	246	50	0.203252	86	33	0.383721	66	27	0.409091	90	66	0.733333	20	16	0.8
XM_03025 667271	Olfr1458	chr19	13102379	13103305	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 115489041	9430078G1	chr19	4395884	4398641	2663	12	0.004506	2540	16	0.006299	2341	20	0.008543	384	2	0.005208	531	1	0.001883	2538	14	0.005516	2530	14	0.005534	3051	20	0.006555	515	0	0	834	2	0.002398	110	0	0
XM_03025 115489044	LOC11548	chr19	21271458	21272742	4546	46	0.010119	3673	26	0.007079	4521	23	0.005087	737	2	0.002714	1560	4	0.002564	5012	32	0.006385	4431	23	0.005191	4378	28	0.006396	1445	3	0.002076	1691	4	0.002365	794	2	0.002519
XM_03025 102633075	Gm30990	chr19	53871785	53904604	2271	8	0.003523	2371	24	0.010122	2322	14	0.006029	359	5	0.013928	850	3	0.003529	2406	19	0.007897	2670	19	0.007116	2615	9	0.003442	580	1	0.001724	883	3	0.003398	315	1	0.003175
XM_03025 241638	Lzts3	chr2	1.31E+08	1.31E+08	2889	29	0.010038	3099	45	0.014521	2927	21	0.007175	426	1	0.002347	1163	38	0.032674	2798	42	0.015011	3006	25	0.008317	3252	27	0.008303	638	2	0.003135	970	18	0.018557	52	0	0
XM_03025 241638	Lzts3	chr2	1.31E+08	1.31E+08	493	350	0.709939	433	248	0.572748	376	283	0.75266	#N/A	#N/A	#N/A	219	183	0.835616	534	405	0.758427	560	295	0.526786	435	302	0.694253	161	73	0.453416	112	86	0.767857	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100034729	Gm15114	chrX	1.48E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 16331	Inpp5d	chr1	87620319	87720508	320	190	0.59375	356	269	0.755618	340	256	0.752941	132	94	0.712121	104	51	0.490385	275	127	0.461818	295	183	0.620339	367	203	0.553134	92	66	0.717391	123	87	0.707317	84	63	0.75
XM_03025 100039890	Gm15093	chrX	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241656	Pak7	chr2	1.36E+08	1.36E+08	828	52	0.062802	847	42	0.049587	948	45	0.047468	210	15	0.071429	282	17	0.060284	861	83	0.0964	860	52	0.060465	646	38	0.058824	200	18	0.09	376	35	0.093085	123	14	0.113821
XM_03025 100042480	Nhsl2	chrX	1.02E+08	1.02E+08	117	38	0.324786	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	1	0.016667	109	25	0.229358	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100042480	Nhsl2	chrX	1.02E+08	1.02E+08	117	38	0.324786	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	1	0.016667	109	25	0.229358	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100042480	Nhsl2	chrX	1.02E+08	1.02E+08	117	38	0.324786	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	1	0.016667	109	25	0.229358	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100042480	Nhsl2	chrX	1.02E+08	1.02E+08	13	13	1	20	19	0.95	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100042480	Nhsl2	chrX	1.02E+08	1.02E+08	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241688	Dzank1	chr2	1.44E+08	1.45E+08	932	3	0.003219	838	10	0.011933	876	2	0.002283	85	0	0	541	4	0.007394	904	6	0.006637	859	8	0.009313	976	3	0.003074	282	0	0	252	1	0.003968	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241727	Snph	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1963	84	0.042792	1771	82	0.046302	2034	79	0.03884	325	19	0.058462	856	61	0.071262	1880	86	0.045745	1655	54	0.032628	1499	49	0.032688	411	39	0.094891	712	54	0.075843	224	4	0.017857
XM_03025 241727	Snph	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1963	84	0.042792	1771	82	0.046302	2034	79	0.03884	325	19	0.058462	856	61	0.071262	1880	86	0.045745	1655	54	0.032628	1499	49	0.032688	411	39	0.094891	712	54	0.075843	224	4	0.017857
XM_03025 241727	Snph	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1963	84	0.042792	1771	82	0.046302	2034	79	0.03884	325	19	0.058462	856	61	0.071262	1880	86	0.045745	1655	54	0.032628	1499	49	0.032688	411	39	0.094891	712	54	0.075843	224	4	0.017857
XM_03025 241727	Snph	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1963	84	0.042792	1771	82	0.046302	2034	79	0.03884	325	19	0.058462	856	61	0.071262	1880	86	0.045745	1655	54	0.032628	1499	49	0.032688	411	39	0.094891	712	54	0.075843	224	4	0.017857
XM_03025 241727	Snph	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1963	84	0.042792	1771	82	0.046302	2034	79	0.03884	325	19	0.058462	856	61	0.071262	1880	86	0.045745	1655	54	0.032628	1499	49	0.032688	411	39	0.094891	712	54	0.075843	224	4	0.017857
XM_03025 241727	Snph	chr2	1.52E+08	1.52E+08	1963	84	0.042792	1771	82	0.046302	2034	79	0.03884	325	19	0.058462	856	61	0.071262	1880	86	0.045745	1655	54	0.032628	1499	49	0.032688	411	39	0.094891	712	54	0.075843	224	4	0.017857
XM_03025 100503043	Armcx4	chrX	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	11	1	0.090909	159	2	0.012579	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 101055907	Gm15246	chrX	1.69E+08	1.69E+08	780	12	0.015385	1465	7	0.004778	1241	27	0.021757	156	0	0	474	0	0	1188	19	0.015993	855	3	0.003509	765	18	0.023529	156	1	0.00641	218	3	0.013761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 101055907	Gm15246	chrX	1.69E+08	1.69E+08	780	12	0.015385	1465	7	0.004778	1241	27	0.021757	156	0	0	474	0	0	1188	19	0.015993	855	3	0.003509	765	18	0.023529	156	1	0.00641	218	3	0.013761	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 101055907	Gm15246	chrX	1.69E+08	1.69E+08	48	38	0.791667	44	33	0.75	33	33	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	37	37	1	22	22	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 101055983	Gm14569	chrX	36422381	36492635	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 101055983	Gm14569	chrX	36422381	36492635	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 241764	L3mbtl1	chr2	1.63E+08	1.63E+08	148	19	0.128378	112	21	0.1875	133	21	0.157895	16	9	0.5625	116	69	0.594828	187	31	0.165775	168	44	0.261905	181	22	0.121547	31	3	0.096774	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 109904	Mcf2	chrX	60055956	60179184	545	19	0.034862	305	3	0.009836	315	2	0.006349	#N/A	#N/A	#N/A	72	1	0.013889	452	16	0.035398	249	4	0.016064	285	7	0.024561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 109904	Mcf2	chrX	60055956	60179184	545	19	0.034862	305	3	0.009836	315	2	0.006349	#N/A	#N/A	#N/A	72	1	0.013889	452	16	0.035398	249	4	0.016064	285	7	0.024561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 110094	Phka2	chrX	1.61E+08	1.61E+08	439	4	0.009112	276	0	0	272	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	347	2	0.005764	414	5	0.012077	336	5	0.014881	63	2	0.031746	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 110094	Phka2	chrX	1.61E+08	1.61E+08	439	4	0.009112	276	0	0	272	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	347	2	0.005764	414	5	0.012077	336	5	0.014881	63	2	0.031746	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 110651	Rps6ka3	chrX	1.59E+08	1.59E+08	1533	7	0.004566	1010	5	0.00495	1422	6	0.004219	60	0	0	201	0	0	1911	20	0.010466	1328	10	0.00753	1357	3	0.002211	168	1	0.005952	115	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 110651	Rps6ka3	chrX	1.59E+08	1.59E+08	1480	34	0.022973	1017	10	0.009833	1423	10	0.007027	60	0	0	201	0	0	1775	25	0.014085	1185	19	0.016034	1341	4	0.002983	168	1	0.005952	55	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 110651	Rps6ka3	chrX	1.59E+08	1.59E+08	1597	34	0.02129	1040	10	0.009615	1458	10	0.006859	60	0	0	201	0	0	1931	27	0.013982	1344	19	0.014137	1396	4	0.002865	168	1	0.005952	115	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 110651	Rps6ka3	chrX	1.59E+08	1.59E+08	1519	34	0.022383	1029	10	0.009718	1458	10	0.006859	60	0	0	201	0	0	1806	25	0.013843	1228	19	0.015472	1386	4	0.002886	168	1	0.005952	55	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11656	Alas2	chrX	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11798	Xiap	chrX	42067847	42109664	353	1	0.002833	229	2	0.008734	219	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	251	0	0	207	1	0.004831	250	2	0.008	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11798	Xiap	chrX	42068151	42109664	353	1	0.002833	229	2	0.008734	219	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	251	0	0	207	1	0.004831	250	2	0.008	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11798	Xiap	chrX	42059652	42109664	81	39	0.481481	67	35	0.522388	84	44	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	93	39	0.419355	48	24	0.5	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11798	Xiap	chrX	42059613	42109664	81	39	0.481481	67	35	0.522388	84	44	0.52381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	93	39	0.419355	48	24	0.5	32	14	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11836	Araf	chrX	20848391	20860520	389	5	0.012853	497	1	0.002012	419	6	0.01432	#N/A	#N/A	#N/A	80	0	0	415	3	0.007229	323	1	0.003096	384	4	0.010417	120	1	0.008333	75	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11977	Atp7a	chrX	1.06E+08	1.06E+08	58	24	0.413793	59	23	0.389831	63	26	0.412698	#N/A	#N/A	#N/A	13	1	0.076923	63	6	0.095238	39	2	0.051282	49	2	0.040816	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XM_03025 11977	Atp7a	chrX	1.06E+08	1.06E+08	58	24	0.413793	59	23	0.389831	63	26	0.412698	#N/A	#N/A	#N/A	13	1	0.076923	63	6	0.095238	39	2	0.051282	49	2	0.040816	23	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XM_03025 11989	Slc7a3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11989	Slc7a3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 245174	Zfp937	chr2	1.5E+08	1.5E+08	18	0	0	14	0	0	14	0	0	13	1	0.076923	48	2	0.041667	13	1	0.076923	15	2	0.133333	14	0	0	30	1	0.033333	42	2	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 245174	Zfp937	chr2	1.5E+08	1.5E+08	18	0	0	14	0	0	14	0	0	13	1	0.076923	48	2	0.041667	13	1	0.076923	15	2	0.133333	14	0	0	30	1	0.033333	42	2	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12662	Chm	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13193	Dcx	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13193	Dcx	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13193	Dcx	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13405	Dmd	chrX	84076421	85205050	31	23	0.741935	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13497	Drp2	chrX	1.34E+08	1.34E+08	88	28	0.318182	20	10	0.5	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	70	32	0.457143	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13497	Drp2	chrX	1.34E+08	1.34E+08	72	18	0.25	20	10	0.5	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	70	32	0.457143	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13497	Drp2	chrX	1.34E+08	1.34E+08	88	28	0.318182	20	10	0.5	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	70	32	0.457143	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13497	Drp2	chrX	1.34E+08	1.34E+08	88	28	0.318182	20	10	0.5	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	70	32	0.457143	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 13497	Drp2	chrX	1.34E+08	1.34E+08	181	113	0.624309	138	76	0.550725	160	90	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	171	104	0.608187	103	39	0.378641	141	96	0.680851	20	13	0.65	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14071	F9	chrX	59999329	60028543	22	4	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	20	2	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14199	Fhl1	chrX	56731724	56793346	991	22	0.0222	1078	23	0.021336	1283	30	0.023383	#N/A	#N/A	#N/A	219	2	0.009132	1123	34	0.030276	1013	60	0.05923	880	17	0.019318	#N/A	#N/A	#N/A	219	10	0.045662	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14199	Fhl1	chrX	56731209	56793346	968	19	0.019628	1066	22	0.020638	1265	29	0.022925	#N/A	#N/A	#N/A	219	2	0.009132	1099	33	0.030027	999	58	0.058058	859	17	0.01979	#N/A	#N/A	#N/A	207	10	0.048309	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14199	Fhl1	chrX	56731209	56793346	968	19	0.019628	1066	22	0.020638	1265	29	0.022925	#N/A	#N/A	#N/A	219	2	0.009132	1099	33	0.030027	999	58	0.058058	859	17	0.01979	#N/A	#N/A	#N/A	207	10	0.048309	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14266	Aff2	chrX	69360190	69872054	1254	26	0.020734	1245	15	0.012048	1292	18	0.013932	#N/A	#N/A	#N/A	462	4	0.008658	1470	39	0.026531	1006	22	0.021869	1015	16	0.015764	30	0	0	160	5	0.03125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14618	Gjb1	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15560	Htr2c	chrX	1.47E+08	1.47E+08	206	26	0.126214	393	30	0.076336	356	36	0.101124	45	2	0.044444	112	15	0.133929	214	22	0.102804	248	19	0.076613	205	23	0.112195	40	4	0.1	80	15	0.1875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15931	Ids	chrX	70343147	70385550	78	0	0	20	0	0	28	1	0.035714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	0	0	20	0	0	122	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15931	Ids	chrX	70343147	70385770	78	0	0	20	0	0	28	1	0.035714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	0	0	20	0	0	122	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15931	Ids	chrX	70343147	70385834	78	0	0	20	0	0	28	1	0.035714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	0	0	20	0	0	122	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15931	Ids	chrX	70343147	70385550	78	0	0	20	0	0	28	1	0.035714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	0	0	20	0	0	122	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 15931	Ids	chrX	70343147	70385550	78	0	0	20	0	0	28	1	0.035714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	0	0	20	0	0	122	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 16165	Il13ra2	chrX	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 171170	Mbnl3	chrX	51120441	51204816	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_03025 171170	Mbnl3	chrX	51120441	51205687	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_03025 171170	Mbnl3	chrX	51120443	51204801	1850	24	0.012973	1586	13	0.008197	1705	24	0.014076	160	2	0.0125	416	5	0.012019	1802	20	0.011099	1584	22	0.013889	1722	15	0.008711	335	2	0.00597	458	0	0	42	1	0.02381
XM_03025 171207	Arhgap4	chrX	73894531	73911335	75	0	0	66	5	0.075758	75	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	30	1	0.033333	93	0	0	135	13	0.096296	102	1	0.009804	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17257	Mecp2	chrX	74026592	74085640	143	0	0	339	0	0	417	2	0.004796	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	480	0	0	251	1	0.003984	469	3	0.006397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17318	Mid1	chrX	1.7E+08	1.7E+08	#N/A	#N/A	#N/A	52	46	0.884615	28	27	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17318	Mid1	chrX	1.7E+08	1.7E+08	210	1	0.004762	180	0	0	250	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	80	0	0	268	7	0.026119	347	1	0.002882	325	0	0	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17318	Mid1	chrX	1.7E+08	1.7E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17318	Mid1	chrX	1.7E+08	1.7E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17772	Mtm1	chrX	71214996	71315413	299	1	0.003344	337	1	0.002967	261	3	0.011494	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	323	2	0.006192	324	1	0.003086	449	8	0.017817	20	0	0	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17772	Mtm1	chrX	71215016	71315413	299	1	0.003344	337	1	0.002967	261	3	0.011494	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	323	2	0.006192	324	1	0.003086	449	8	0.017817	20	0	0	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18481	Pak3	chrX	1.44E+08	1.44E+08	195	3	0.015385	93	0	0	117	3	0.025641	#N/A	#N/A	#N/A	71	1	0.014085	207	3	0.014493	120	1	0.008333	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18481	Pak3	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18481	Pak3	chrX	1.44E+08	1.44E+08	195	3	0.015385	93	0	0	117	3	0.025641	#N/A	#N/A	#N/A	71	1	0.014085	207	3	0.014493	120	1	0.008333	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18481	Pak3	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18481	Pak3	chrX	1.44E+08	1.44E+08	47	4	0.085106	42	0	0	112	2	0.017857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	191	8	0.041885	95	0	0	21	8	0.380952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18639	Pfkfb1	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18744	Pja1	chrX	99466110	99471268	451	2	0.004435	406	3	0.007389	453	11	0.024283	#N/A	#N/A	#N/A	84	0	0	405	1	0.002469	449	3	0.006682	553	4	0.007233	112	0	0	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18744	Pja1	chrX	99466110	99470901	451	2	0.004435	406	3	0.007389	453	11	0.024283	#N/A	#N/A	#N/A	84	0	0	405	1	0.002469	449	3	0.006682	553	4	0.007233	112	0	0	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18823	Plp1	chrX	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18846	Plxna3	chrX	74328290	74344689	#N/A	#N/A	#N/A	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18846	Plxna3	chrX	74329057	74344689	#N/A	#N/A	#N/A	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 18846	Plxna3	chrX	74331964	74344689	174	164	0.942529	32	30	0.9375	130	123	0.946154	#N/A	#N/A	#N/A	28	26	0.928571	162	156	0.962963	118	109	0.923729	112	108	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96
XM_03025 18846	Plxna3	chrX	74331126	74344689	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19337	Rab33a	chrX	48513663	48530234	811	8	0.009864	741	2	0.002699	717	5	0.006974	54	2	0.037037	202	0	0	914	9	0.009847	697	2	0.002869	791	7	0.00885	177	0	0	173	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19337	Rab33a	chrX	48519788	48530234	101	5	0.049505	56	3	0.053571	27	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	162	8	0.049383	100	2	0.02	161	2	0.012422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 194590	Reps2	chrX	1.62E+08	1.63E+08	626	10	0.015974	473	6	0.012685	562	9	0.016014	#N/A	#N/A	#N/A	195	2	0.010256	801	12	0.014981	565	9	0.015929	523	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	150	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 194590	Reps2	chrX	1.62E+08	1.63E+08	626	10	0.015974	473	6	0.012685	562	9	0.016014	#N/A	#N/A	#N/A	195	2	0.010256	801	12	0.014981	565	9	0.015929	523	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	150	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 195727	Nhs	chrX	1.62E+08	1.62E+08	1156	23	0.019896	1087	20	0.018399	1092	19	0.017399	66	4	0.060606	118	6	0.050847	1302	49	0.037634	1087	25	0.022999	927	50	0.053937	60	4	0.066667	172	3	0.017442	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 195727	Nhs	chrX	1.62E+08	1.62E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 195727	Nhs	chrX	1.62E+08	1.62E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19820	Rlim	chrX	1.04E+08	1.04E+08	270	40	0.148148	204	1	0.004902	192	3	0.015625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	284	2	0.007042	142	0	0	186	2	0.010753	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20147	Rs1	chrX	1.61E+08	1.61E+08	210	2	0.009524	185	2	0.010811	213	1	0.004695	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	167	1	0.005988	237	1	0.004219	227	0	0	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20229	Sat1	chrX	1.55E+08	1.55E+08	855	6	0.007018	730	5	0.006849	788	6	0.007614	#N/A	#N/A	#N/A	173	0	0	669	3	0.004484	546	1	0.001832	738	3	0.004065	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

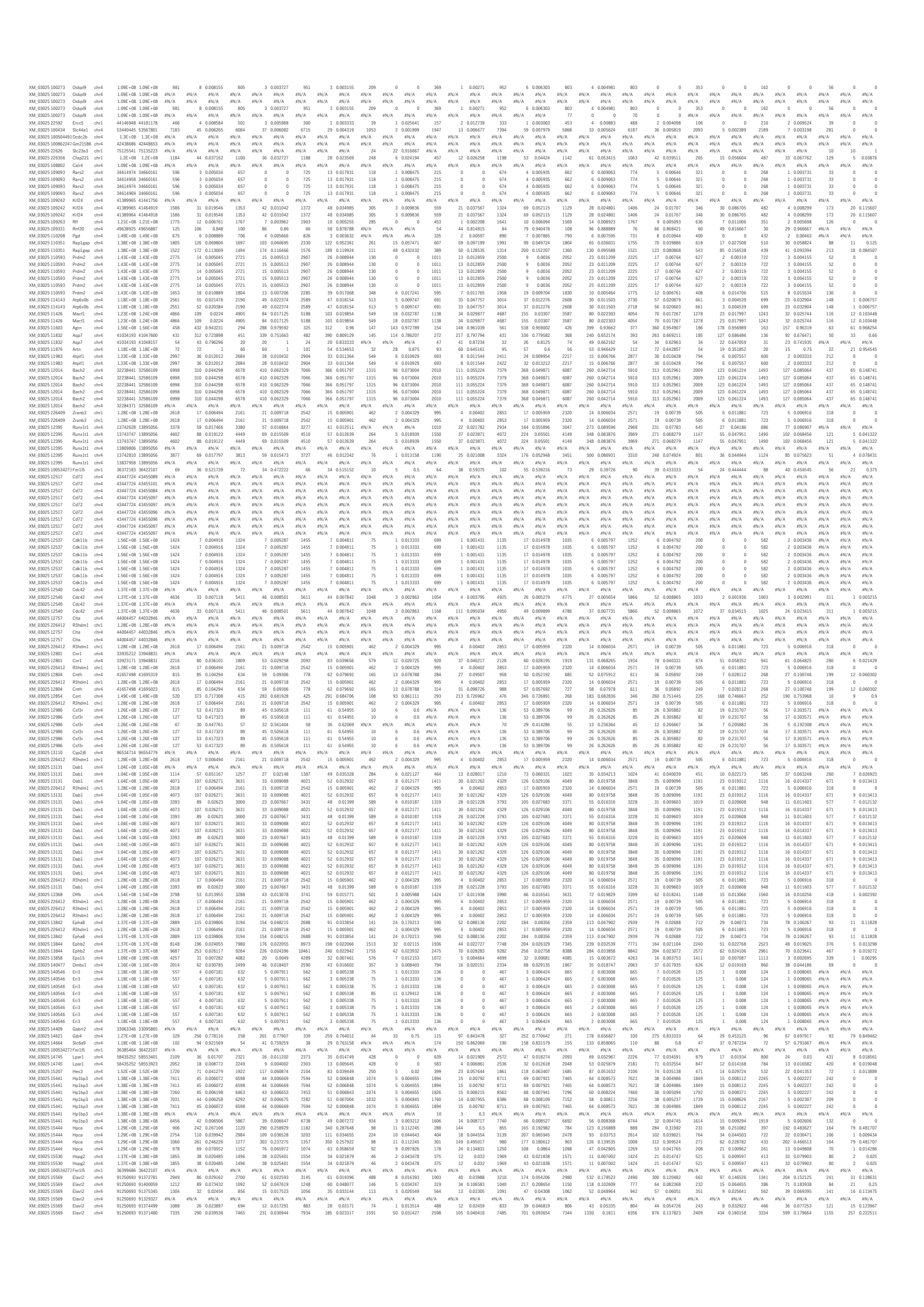
XM_03025 53872	Caprin1	chr2	1.04E+08	1.04E+08	2370	8	0.003376	2001	56	0.027986	2124	27	0.012712	244	0	0	462	24	0.051948	3028	50	0.016513	2317	16	0.006905	2513	43	0.017111	806	3	0.003722	604	26	0.043046	300	1	0.003333
XM_03025 53885	Nphp1	chr2	1.28E+08	1.28E+08	1468	32	0.021798	1784	57	0.031951	1863	25	0.013419	275	1	0.003636	587	6	0.010221	1556	35	0.022494	1510	42	0.027815	1503	39	0.025948	605	5	0.008264	649	4	0.006163	108	1	0.009259
XM_03025 54338	Slc23a2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	43	3	0.069767	33	2	0.060606	33	4	0.121212	#N/A	#N/A	#N/A	26	2	0.076923	66	6	0.090909	59	8	0.135593	52	2	0.038462	29	5	0.172414	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 54338	Slc23a2	chr2	1.32E+08	1.32E+08	4333	104	0.024002	4141	150	0.036223	4390	130	0.029613	733	28	0.038199	1129	41	0.036315	4329	144	0.033264	4235	123	0.029044	4426	116	0.026209	1152	43	0.037326	1493	47	0.03148	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 54422	Barhl1	chr2	28908969	28917983	2411	89	0.036914	2978	108	0.036266	2850	92	0.032281	565	22	0.038938	710	26	0.03662	2446	152	0.062142	2216	153	0.069043	2644	109	0.041225	797	37	0.046424	806	34	0.042184	434	38	0.087558
XM_03025 54422	Barhl1	chr2	28907686	28917420	3339	167	0.050015	3736	171	0.045771	3819	151	0.039539	876	45	0.05137	1185	71	0.059916	3494	237	0.067831	2927	197	0.067304	3352	176	0.052506	1150	53	0.046087	1278	70	0.054773	614	74	0.120521
XM_03025 54422	Barhl1	chr2	28908969	28917984	2411	89	0.036914	2978	108	0.036266	2850	92	0.032281	565	22	0.038938	710	26	0.03662	2446	152	0.062142	2216	153	0.069043	2644	109	0.041225	797	37	0.046424	806	34	0.042184	434	38	0.087558
XM_03025 54485	Dll4	chr2	1.19E+08	1.19E+08	3891	215	0.055256	3457	174	0.050333	3992	247	0.061874	989	70	0.070779	1070	63	0.058879	4388	335	0.076345	3094	172	0.055591	3071	215	0.07001	1002	59	0.058882	1598	78	0.048811	824	69	0.083738
XM_03025 54519	Apbb1ip	chr2	22755971	22875653	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56046	Uqcc1	chr2	1.56E+08	1.56E+08	688	1	0.001453	745	4	0.005369	557	3	0.005386	227	0	0	367	16	0.043597	640	6	0.009375	650	3	0.004615	616	1	0.001623	271	1	0.00369	306	2	0.006536	191	2	0.010471
XM_03025 56075	Pdss1	chr2	22894382	22940266	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56190	Rbm38	chr2	1.73E+08	1.73E+08	3505	217	0.061912	3716	208	0.055974	3702	200	0.054025	357	29	0.081232	683	67	0.098097	3811	262	0.068748	3631	198	0.05453	3582	228	0.063652	885	52	0.058757	975	72	0.073846	369	39	0.105691
XM_03025 56190	Rbm38	chr2	1.73E+08	1.73E+08	3505	217	0.061912	3716	208	0.055974	3702	200	0.054025	357	29	0.081232	683	67	0.098097	3811	262	0.068748	3631	198	0.05453	3582	228	0.063652	885	52	0.058757	975	72	0.073846	369	39	0.105691
XM_03025 56194	Prpf40a	chr2	53134706	53191187	3796	23	0.006059	2721	11	0.004043	4082	18	0.00441	541	1	0.001848	1474	8	0.005427	4527	31	0.006848	3576	21	0.005872	3463	13	0.003754	1226	0	0	1512	4	0.002646	552	1	0.001812
XM_03025 56470	Rgs19	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2737	143	0.052247	3078	132	0.042885	2724	154	0.056535	674	58	0.086053	1300	38	0.029231	3027	161	0.053188	2672	127	0.04753	2884	123	0.042649	1092	97	0.088828	1063	75	0.070555	389	42	0.107969
XM_03025 56470	Rgs19	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2179	34	0.015603	2567	24	0.009349	2159	49	0.022696	460	5	0.01087	1118	37	0.033095	2557	74	0.02894	2230	37	0.016592	2410	24	0.009959	812	12	0.014778	821	31	0.037759	193	2	0.010363
XM_03025 56470	Rgs19	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2737	143	0.052247	3078	132	0.042885	2724	154	0.056535	674	58	0.086053	1300	38	0.029231	3027	161	0.053188	2672	127	0.04753	2884	123	0.042649	1092	97	0.088828	1063	75	0.070555	389	42	0.107969
XM_03025 56470	Rgs19	chr2	1.82E+08	1.82E+08	2737	143	0.052247	3078	132	0.042885	2724	154	0.056535	674	58	0.086053	1300	38	0.029231	3027	161	0.053188	2672	127	0.04753	2884	123	0.042649	1092	97	0.088828	1063	75	0.070555	389	42	0.107969
XM_03025 56508	Rapgef4	chr2	72145200	72257472	116	83	0.715517	82	54	0.658537	108	86	0.796296	36	29	0.805556	30	13	0.433333	133	100	0.75188	99	70	0.707071	131	100	0.763359	29	14	0.482759	52	40	0.769231	14	11	0.785714
XM_03025 56508	Rapgef4	chr2	72090864	72257472	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56508	Rapgef4	chr2	72148971	72257472	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56846	Necab3	chr2	1.55E+08	1.55E+08	1137	181	0.159191	835	143	0.171257	835	97	0.116168	226	43	0.190265	409	60	0.146699	1278	134	0.104851	689	111	0.161103	651	94	0.144393	257	68	0.264591	432	91	0.210648	200	48	0.24
XM_03025 56876	Nsmf	chr2	25054371	25062881	1876	44	0.023454	1725	47	0.027246	2009	22	0.010951	588	27	0.045918	758	78	0.102902	2064	111	0.053779	1733	72	0.041546	1982	43	0.021695	432	3	0.006944	706	58	0.082153	298	5	0.016779
XM_03025 56876	Nsmf	chr2	25054371	25062881	1876	44	0.023454	1725	47	0.027246	2009	22	0.010951	588	27	0.045918	758	78	0.102902	2064	111	0.053779	1733	72	0.041546	1982	43	0.021695	432	3	0.006944	706	58	0.082153	298	5	0.016779
XM_03025 56876	Nsmf	chr2	25054372	25062881	1876	44	0.023454	1725	47	0.027246	2009	22	0.010951	588	27	0.045918	758	78	0.102902	2064	111	0.053779	1733	72	0.041546	1982	43	0.021695	432	3	0.006944	706	58	0.082153	298	5	0.016779
XM_03025 56876	Nsmf	chr2	25054371	25062881	1876	44	0.023454	1725	47	0.027246	2009	22	0.010951	588	27	0.045918	758	78	0.102902	2064	111	0.053779	1733	72	0.041546	1982	43	0.021695	432	3	0.006944	706	58	0.082153	298	5	0.016779
XM_03025 56878	Rbms1	chr2	60750193	60881503	4556	30	0.006585	4646	58	0.012484	4733	46	0.009719	555	5	0.009009	1337	7	0.005236	4987	40	0.008021	4580	18	0.00393	4943	24	0.004855	668	0	0	1178	6	0.005093	279	0	0
XM_03025 56878	Rbms1	chr2	60750193	60963450	2922	21	0.007187	2792	29	0.010387	2874	19	0.006611	294	3	0.010204	966	4	0.004141	3022	29	0.009596	3068	17	0.005541	2899	25	0.008624	551	1	0.001815	816	1	0.001225	154	1	0.006494
XM_03025 56878	Rbms1	chr2	60750193	60881503	4556	30	0.006585	4646	58	0.012484	4733	46	0.009719	555	5	0.009009	1337	7	0.005236	4987	40	0.008021	4580	18	0.00393	4943	24	0.004855	668	0	0	1178	6	0.005093	279	0	0
XM_03025 56878	Rbms1	chr2	60750193	60963450	2922	21	0.007187	2792	29	0.010387	2874	19	0.006611	294	3	0.010204	966	4	0.004141	3022	29	0.009596	3068	17	0.005541	2899	25	0.008624	551	1	0.001815	816	1	0.001225	154	1	0.006494
XM_03025 57170	Dolpp1	chr2	30392601	30400527	2775	23	0.008288	2906	18	0.006194	2969	21	0.007073	889	10	0.011249	1290	10	0.007752	2955	19	0.00643	2459	21	0.00854	2484	24	0.009662	1153	3	0.002602	1466	14	0.00955	437	1	0.002288
XM_03025 57743	Sec61a2	chr2	5870977	5895415	75	0	0	180	0	0	150	1	0.006667	16	5	0.3125	125	0	0	285	1	0.003509	252	0	0	232	1	0.00431	70	0	0	95	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 58231	Stk4	chr2	1.64E+08	1.64E+08	1925	14	0.007273	1819	15	0.008246	1789	10	0.00559	332	1	0.003012	509	6	0.011788	1788	15	0.008389	1998	16	0.008008	2264	12	0.0053	635	2	0.00315	600	0	0	223	1	0.004484
XM_03025 58237	Nkain4	chr2	1.81E+08	1.81E+08	435	55	0.126437	519	48	0.092486	572	44	0.076923	150	6	0.04	188	32	0.170213	387	60	0.155039	444	40	0.09009	493	53	0.107505	155	23	0.148387	132	11	0.083333	188	15	0.079787
XM_03025 58237	Nkain4	chr2	1.81E+08	1.81E+08	435	55	0.126437	519	48	0.092486	572	44	0.076923	150	6	0.04	188	32	0.170213	387	60	0.155039	444	40	0.09009	493	53	0.107505	155	23	0.148387	132	11	0.083333	188	15	0.079787
XM_03025 58237	Nkain4	chr2	1.81E+08	1.81E+08	435	55	0.126437	519	48	0.092486	572	44	0.076923	150	6	0.04	188	32	0.170213	387	60	0.155039	444	40	0.09009	493	53	0.107505	155	23	0.148387	132	11	0.083333	188	15	0.079787
XM_03025 59010	Sqor	chr2	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 171567	Nme7	chr1	1.64E+08	1.64E+08	206	109	0.529126	216	105	0.486111	197	76	0.385787	66	11	0.166667	115	72	0.626087	222	104	0.468468	198	79	0.39899	231	107	0.463203	76	21	0.276316	80	45	0.5625	38	8	0.210526
XM_03025 59015	Nup160	chr2	90702473	90739327	105	103	0.980952	141	134	0.950355	114	113	0.991228	#N/A	#N/A	#N/A	69	67	0.971014	42	40	0.952381	87	84	0.965517	87	87	1	78	76	0.974359	75	71	0.946667	33	31	0.939394
XM_03025 59022	Edf1	chr2	25557824	25562082	1994	98	0.049147	2054	146	0.071081	1960	84	0.042857	196	0	0	786	88	0.111959	2421	121	0.049979	1936	61	0.031508	1847	62	0.033568	515	23	0.04466	1062	41	0.038606	227	30	0.132159
XM_03025 171567	Nme7	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 59126	Nek6	chr2	38511660	38586651	2749	33	0.012004	2334	32	0.01371	2963	38	0.012825	609	3	0.004926	638	12	0.018809	3021	41	0.013572	2427	20	0.008241	2444	23	0.009411	659	5	0.007587	972	5	0.005144	448	2	0.004464
XM_03025 59126	Nek6	chr2	38511660	38586651	2749	33	0.012004	2334	32	0.01371	2963	38	0.012825	609	3	0.004926	638	12	0.018809	3021	41	0.013572	2427	20	0.008241	2444	23	0.009411	659	5	0.007587	972	5	0.005144	448	2	0.004464
XM_03025 59126	Nek6	chr2	38483863	38586651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17164	Mapkapk2	chr1	1.31E+08	1.31E+08	2836	35	0.012341	2155	28	0.012993	2580	41	0.015891	193	0	0	720	24	0.033333	3187	49	0.015375	2195	27	0.012301	2791	51	0.018273	425	16	0.037647	715	8	0.011189	207	1	0.004831
XM_03025 17215	Mcm3	chr1	20802966	20820183	1324	26	0.019637	1433	45	0.031403	1758	27	0.015358	240	22	0.091667	601	21	0.034942	1260	40	0.031746	1058	55	0.051985	1345	27	0.020074	463	1	0.00216	442	3	0.006787	82	0	0
XM_03025 626832	Gm6710	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 626832	Gm6710	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 626832	Gm6710	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 628147	Gm2004	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 640524	Sptbn5	chr2	1.2E+08	1.2E+08	115	108	0.93913	49	48	0.979592	65	63	0.969231	22	21	0.954545	127	122	0.96063	137	129	0.941606	41	38	0.926829	76	70	0.921053	41	39	0.95122	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 64292	Ptges	chr2	30890980	30931020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 64685	Nmi	chr2	51948498	51973284	1432	7	0.004888	1018	10	0.009823	1091	4	0.003666	128	0	0	378	0	0	1662	45	0.027076	956	40	0.041841	899	2	0.002225	225	1	0.004444	381	1	0.002625	88	0	0
XM_03025 64685	Nmi	chr2	51948498	51973489	1432	7	0.004888	1018	10	0.009823	1091	4	0.003666	128	0	0	378	0	0	1662	45	0.027076	956	40	0.041841	899	2	0.002225	225	1	0.004444	381	1	0.002625	88	0	0
XM_03025 64930	Tsc1	chr2	28641312	28690937	1675	14	0.008358	1701	21	0.012346	1753	11	0.006275	299	4	0.013378	452	3	0.006637	1552	4	0.002577	1557	7	0.004496	1579	9	0.0057	542	1	0.001845	534	1	0.001873	22	1	0.045455
XM_03025 64930	Tsc1	chr2	28641328	28690937	1675	14	0.008358	1701	21	0.012346	1753	11	0.006275	299	4	0.013378	452	3	0.006637	1552	4	0.002577	1557	7	0.004496	1579	9	0.0057	542	1	0.001845	534	1	0.001873	22	1	0.045455
XM_03025 65964	Map3k20	chr2	72297927	72407502	430	290	0.674419	271	195	0.719557	347	217	0.62536	74	36	0.486486	330	238	0.721212	299	177	0.591973	241	110	0.456432	262	102	0.389313	157	107	0.681529	210	46	0.219048	130	91	0.7
XM_03025 66220	Zdhhc12	chr2	30090943	30093638	2961	33	0.011145	2390	19	0.00795	2986	32	0.010717	642	4	0.006231	1236	23	0.018608	2923	30	0.010263	2782	26	0.009346	2755	26	0.009437	912	8	0.008772	1263	2	0.001584	486	1	0.002058
XM_03025 664987	Gm14393	chr2	1.75E+08	1.75E+08	62	53	0.854839	50	42	0.84	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	84	66	0.785714	80	58	0.725	67	46	0.686567	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	11	6	0.545455
XM_03025 664987	Gm14393	chr2	1.75E+08	1.75E+08	62	53	0.854839	50	42	0.84	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	84	66	0.785714	80	58	0.725	67	46	0.686567	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	11	6	0.545455
XM_03025 664987	Gm14393	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 664987	Gm14393	chr2	1.75E+08	1.75E+08	62	53	0.854839	50	42	0.84	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	84	66	0.785714	80	58	0.725	67	46	0.686567	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	11	6	0.545455
XM_03025 664987	Gm14393	chr2	1.75E+08	1.75E+08	62	53	0.854839	50	42	0.84	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	84	66	0.785714	80	58	0.725	67	46	0.686567	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	11	6	0.545455
XM_03025 664987	Gm14393	chr2	1.75E+08	1.75E+08	611	13	0.021277	433	5	0.011547	531	25	0.047081	50	0	0	144	4	0.027778	685	15	0.021898	564	16	0.028369	405	4	0.009877	180	8	0.044444	193	1	0.005181	64	0	0
XM_03025 665001	Gm14391	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 665211	Gm14326	chr2	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 66559	Metap1d	chr2	71453340	71525194	694	3	0.004323	607	0	0	680	3	0.004412	127	0	0	367	0	0	773	4	0.005175	700	6	0.008571	656	4	0.006098	397	5	0.012594	427	1	0.002342	173	1	0.00578
XM_03025 66559	Metap1d	chr2	71453338	71525194	694	3	0.004323	607	0	0	680	3	0.004412	127	0	0	367	0	0	773	4	0.005175	700	6	0.008571	656	4	0.006098	397	5	0.012594	427	1	0.002342	173	1	0.00578
XM_03025 66559	Metap1d	chr2	71453319	71525194	694	3	0.004323	607	0	0	680	3	0.004412	127	0	0	367	0	0	773	4	0.005175	700	6	0.008571	656	4	0.006098	397	5	0.012594	427	1	0.002342	173	1	0.00578
XM_03025 66559	Metap1d	chr2	71453319	71525194	694	3	0.004323	607	0	0	680	3	0.004412	127	0	0	367	0	0	773	4	0.005175	700	6	0.008571	656	4	0.006098	397	5	0.012594	427	1	0.002342	173	1	0.00578
XM_03025 66559	Metap1d	chr2	71453341	71525194	694	3	0.004323	607	0	0	680	3	0.004412	127	0	0	367	0	0	773	4	0.005175	700	6	0.008571	656	4	0.006098	397	5	0.012594	427	1	0.002342	173	1	0.00578
XM_03025 66559	Metap1d	chr2	71453343	71525194	694	3	0.004323	607	0	0	680	3	0.004412	127	0	0	367	0	0	773	4	0.005175	700	6	0.008571	656	4	0.006098	397	5	0.012594	427	1	0.002342	173	1	0.00578
XM_03025 66617	Ntmt1	chr2	30807945	30823025	360	125	0.347222	348	99	0.284483	325	138	0.424615	60	19	0.316667	185	35	0.189189	369	142	0.384824	359	107	0.29805	415	143	0.344578	150	45	0.3	114	38	0.333333	36	28	0.777778
XM_03025 66691	Gapvd1	chr2	34676180	34754559	2477	15	0.006056	3053	14	0.004586	2806	12	0.004277	70	0	0	578	2	0.00346	2600	21	0.008077	2308	18	0.007799	2682	4	0.001491	393	0	0	666	2	0.003003	86	0	0
XM_03025 66691	Gapvd1	chr2	34676180	34754559	2477	15	0.006056	3053	14	0.004586	2806	12	0.004277	70	0	0	578	2	0.00346	2600	21	0.008077	2308	18	0.007799	2682	4	0.001491	393	0	0	666	2	0.003003	86	0	0
XM_03025 66691	Gapvd1	chr2	34676178	34755241	309	2	0.006472	404	1	0.002475	245	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	132	0	0	272	4	0.014706	168	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 66691	Gapvd1	chr2	34712731	34754559	2477	15	0.006056	3053	14	0.004586	2806	12	0.004277	70	0	0	578	2	0.00346	2600	21	0.008077	2308	18	0.007799	2682	4	0.001491	393	0	0	666	2	0.003003	86	0	0
XM_03025 66691	Gapvd1	chr2	34714207	34754559	2477	15	0.006056	3053	14	0.004586	2806	12	0.004277	70	0	0	578	2	0.00346	2600	21	0.008077	2308	18	0.007799	2682	4	0.001491	393	0	0	666	2	0.003003	86	0	0
XM_03025 66748	Erich2	chr2	70508671	70540885	2361	55	0.023295	2314	67	0.028954	2781	57	0.020496	428	14	0.03271	1148	47	0.040941	2567	49	0.019088	2138	67	0.031338	2079	79	0.037999	945	22	0.02328	1090	40	0.036697	142	4	0.028169
XM_03025 66748	Erich2	chr2	70509493	70540885	2361	55	0.023295	2314	67	0.028954	2781	57	0.020496	428	14	0.03271	1124	31	0.02758	2578	60	0.023274	2138	67	0.031338	2079	79	0.037999	945	22	0.02328	1090	40	0.036697	142	4	0.028169
XM_03025 66748	Erich2	chr2	70509447	70540885	2361	55	0.023295	2314	67	0.028954	2781	57	0.020496	428	14	0.03271	1124	31	0.02758	2578	60	0.023274	2138	67	0.031338	2079	79	0.037999	945	22	0.02328	1090	40	0.036697	142	4	0.028169
XM_03025 668039	Gm14434	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 668039	Gm14434	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 668039	Gm14434	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 668039	Gm14434	chr2	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 66860	Tanc1	chr2	59612124	59845717	5250	52	0.009905	5417	41	0.007569	5888	47	0.007982	809	5	0.00618	1708	10	0.005855	5408	51	0.00943	6015	50	0.008313	6675	38	0.005693	1253	3	0.002394	1683	5	0.002971	268	2	0.007463
XM_03025 66860	Tanc1	chr2	59611999	59845717	4992	52	0.010417	5143	40	0.007778	5591	42	0.007512	730	5	0.006849	1613	8	0.00496	5090	49	0.009627	5787	50	0.00864	6440	36	0.00559	1117	2	0.001791	1542	5	0.003243	211	2	0.009479
XM_03025 66865	Pmpca	chr2	26389402	26396194	4047	19	0.004695	4058	28	0.0069	4394	35	0.007965	1190	6	0.005042	1411	6	0.004252	4928	29	0.005885	3948	15	0.003799	3400	12	0.003529	1075	3	0.002791	1491	3	0.002012	480	2	0.004167
XM_03025 668880	Stard9	chr2	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 668894	Vinac1	chr2	1.29E+08	1.29E+08	1703	10	0.005872	1510	13	0.008609	1711	7	0.004091	318	46	0.144654	672	23	0.034226	1996	26	0.013026	1863	15	0.008052	1724	13	0.007541	373	27	0.072386	545	30	0.055046	93	0	0
XM_03025 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 66926	Trmt6	chr2	1.33E+08	1.33E+08	1782	4	0.002245	1692	20	0.01182	2015	20	0.009926	380	0	0	617	0	0	1884	21	0.011146	1810	17	0.009392	1509	11	0.00729	474	2	0.004219	394	2	0.005076	129	0	0
XM_03025 66953	Cdca7	chr2	72476187	72486892	1340	5	0.003731	1484	8	0.005391	1327	7	0.005275	#N/A	#N/A	#N/A	487	7	0.014374	1542	15	0.009728	1314	6	0.004566	1262	9	0.007132	184	2	0.01087	194	5	0.025773	118	3	0.025424
XM_03025 66960	Mindy3	chr2	12347263	12419489	1989	14	0.007039	1986	8	0.004028	1929	16	0.008294	381	3	0.007874	604	2	0.003311	2065	12	0.005811	1634	8	0.004896	1865	11	0.005898	513	2	0.003899	551	2	0.00363	297	1	0.003367
XM_03025 66998	Psmd5	chr2	34852087	34870943	1011	4	0.003956	1113	3	0.002695	1143	3	0.002625	309	0	0	442	0	0	1355	18	0.013284	854	4	0.004684	801	5	0.006242	389	0	0	528	1	0.001894	244	2	0.008197
XM_03025 17756	Map2	chr1	66381064	66442583	99	82	0.828283	81	70	0.864198	85	64	0.752941	28	22	0.785714	93	71	0.763441	134	96	0.716418	79	36	0.455696	80	44	0.55	55	23	0.418182	37	19	0.513514	44	23	0.522727
XM_03025 67121	Mastl	chr2	23116539	23155869	2437	16	0.006565	2198	29	0.013194	2178	16	0.007346	398	1	0.002513	798	17	0.021303	2331	21	0.009009	2463	13	0.005278	2073	11	0.005306	763	2	0.002621	702	3	0.004274	220	0	0
XM_03025 17756	Map2	chr1	66381064	66442583	99	82	0.828283	81	70	0.864198	85	64	0.752941	28	22	0.785714	93	71	0.763441	134	96	0.716418	79	36	0.455696	80	44	0.55	55	23	0.418182	37	19	0.513514	44	23	0.522727
XM_03025 672125	Gm14496	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 672125	Gm14496	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 672125	Gm14496	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17756	Map2	chr1	66302123	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67228	Dph7	chr2	24962174	24972163	141	0	0	100	0	0	150	1	0.006667	13	0	0	18	0	0	261	0	0	223	6	0.026906	92	1	0.01087	70	0	0	21	0	0	13	0	0
XM_03025 67228	Dph7	chr2	24962174	24972163	141	0	0	100	0	0	150	1	0.006667	13	0	0	18	0	0	261	0	0	223	6	0.026906	92	1	0.01087	70	0	0	21	0	0	13	0	0
XM_03025 67228	Dph7	chr2	24962176	24972163	141	0	0	100	0	0	150	1	0.006667	13	0	0	18	0	0	261	0	0	223	6	0.026906	92	1	0.01087	70	0	0	21	0	0	13	0	0
XM_03025 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67326	1700037H(	chr2	1.31E+08	1.31E+08	170	16	0.094118	155	1	0.006452	165	1	0.006061	50	0	0	50	8	0.16	170	37	0.217647	144	6	0.041667	209	3	0.014354	135	73	0.540741	115	10	0.086957	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67337	Cstf1	chr2	1.72E+08	1.72E+08	1966	17	0.008647	1552	2	0.001289	1847	8	0.004331	543	0	0	921	2	0.002172	1718	5	0.00291	1666	6	0.003601	1454	3	0.002063	670	2	0.002985	721	4	0.005548	325	0	0
XM_03025 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17756	Map2	chr1	66175232	66442583	2066	57	0.02759	882	15	0.017007	1727	63	0.036479	230	0	0	472	41	0.086864	1885	58	0.030769	1662	48	0.028881	1492	50	0.033512	444	17	0.038288	527	19	0.036053	231	3	0.012987
XM_03025 67382	Brd3	chr2	27445576	27475174	6380	33	0.005172	6382	35	0.005484	6808	38	0.005582	854	2	0.002342	1912	8	0.004184	7048	55	0.007804	6446	41	0.006361	6568	46	0.007004	1619	4	0.002471	1826	6	0.003286	636	2	0.003145
XM_03025 67382	Brd3	chr2	27445576	27464193	112	66	0.589286	106	61	0.575472	96	64	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	44	36	0.818182	122	93	0.762295	134	88	0.656716	164	100	0.609756	24	21	0.875	12	7	0.583333	22	15	0.681818
XM_03025 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67445	C1qtnf4	chr2	90886064	90890525	1417	65	0.045872	1485	45	0.030303	1586	72	0.045397	140	9	0.064286	303	19	0.062706	1436	70	0.048747	1465	73	0.049829	1641	42	0.025594	466	16	0.034335	393	16	0.040712	55	0	0
XM_03025 67445	C1qtnf4	chr2	90882788	90890525	78	77	0.987179	88	83	0.943182	77	76	0.987013	15	15	1	37	36	0.972973	63	59	0.936508	79	74	0.936709	92	83	0.902174	16	15	0.9375	32	29	0.90625	18	15	0.833333
XM_03025 17756	Map2	chr1	66316276	66442583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67856	Echdc3	chr2	6188817	6210834	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	38	25	0.657895	33	18	0.545455	38	30	0.789474	15	15	1	10	2	0.2	22	16	0.727273	24	16	0.666667	58	33	0.568966	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 67871	Mrrf	chr2	36135660	36190277	308	2	0.006494	287	2	0.006969	283	0	0	137	1	0.007299	140	0	0	390	2	0.005128	333	2	0.006006	302	0	0	118	0	0	134	0	0	103	0	0
XM_03025 68032	Emc4	chr2	1.12E+08	1.12E+08	2629	119	0.045264	2918	117	0.040096	2988	94	0.031459	314	0	0	894	61	0.068233	2637	87	0.032992	2951	91	0.030837	3143	127	0.040407	605	52	0.08595	877	73	0.083238	36	0	0
XM_03025 68032	Emc4	chr2	1.12E+08	1.12E+08	2603	99	0.038033	2906	108	0.037164	2964	73	0.024629	314	0	0	882	51	0.057823	2622	74	0.028223	2933	78	0.026594	3124	112	0.035851	592	42	0.070946	865	61	0.07052	36	0	0
XM_03025 68112	Entr1	chr2	26382798	26389318	4047	19	0.004695	4058	28	0.0069	4394	35	0.007965	1190	6	0.005042	1411	6	0.004252	4928	29	0.005885	3948	15	0.003799	3400	12	0.003529	1075	3	0.002791	1491	3	0.002012	480	2	0.004167
XM_03025 68112	Entr1	chr2	26382802	26389306	4047	19	0.004695	4058	28	0.0069	4394	35	0.007965	1190	6	0.005042	1411	6	0.004252	4928	29	0.005885	3948	15	0.003799	3400	12	0.003529	1075	3	0.002791	1491	3	0.002012	480	2	0.004167
XM_03025 68112	Entr1	chr2	26382798	26389294	4047	19	0.004695	4058	28	0.0069	4394	35	0.007965	1190	6	0.005042	1411	6	0.004252	4928	29	0.005885	3948	15	0.003799	3400	12	0.003529	1075	3	0.002791	1491	3	0.002012	480	2	0.004167
XM_03025 68142	Ino80	chr2	1.19E+08	1.19E+08	1197	203	0.169591	1023	196	0.191593	1160	193	0.166379	172	0	0	440	81	0.184091	1274	175	0.137363	800	115	0.14375	1170	188	0.160684	412	14	0.033981	424	77	0.181604	154	1	0.006494
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68222	Fam166a	chr2	25214700	25222280	579	523	0.903282	422	370	0.876777	426	351	0.823944	75	69	0.92	132	122	0.924242	583	543	0.931389	546	455	0.833333	506	472	0.932806	175	171	0.977143	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363009	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363008	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363172	32378299	1003	32	0.031904	898	20	0.022272	1020	37	0.036275	255	10	0.039216	326	22	0.067485	1084	52	0.04797	1146	47	0.041012	1119	45	0.040214	176	1	0.005682	318	9	0.028302	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363007	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363172	32378299	1003	32	0.031904	898	20	0.022272	1020	37	0.036275	255	10	0.039216	326	22	0.067485	1084	52	0.04797	1146	47	0.041012	1119	45	0.040214	176	1	0.005682	318	9	0.028302	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68379	Ciz1	chr2	32363007	32378299	979	17	0.017365	886	10	0.011287	992	12	0.012097	245	1	0.004082	302	0	0	1024	4	0.003906	1105	22	0.01991	1088	18	0.016544	176	1	0.005682	300	2	0.006667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17912	Myo1b	chr1	51749874	51896854	26	10	0.384615	46	29	0.630435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25	48	16	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	24	4	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68427	Slc39a13	chr2	91061791	91070398	1757	23	0.01309	1546	18	0.011643	1691	24	0.014193	198	0	0	700	13	0.018571	2004	19	0.009481	1796	12	0.006682	1796	8	0.004454	484	6	0.012397	710	4	0.005634	305	2	0.006557
XM_03025 68427	Slc39a13	chr2	91061791	91070398	1757	23	0.01309	1546	18	0.011643	1691	24	0.014193	198	0	0	700	13	0.018571	2004	19	0.009481	1796	12	0.006682	1796	8	0.004454	484	6	0.012397	710	4	0.005634	305	2	0.006557
XM_03025 68427	Slc39a13	chr2	91062941	91070259	1757	23	0.01309	1546	18	0.011643	1691	24	0.014193	198	0	0	700	13	0.018571	2004	19	0.009481	1796	12	0.006682	1796	8	0.004454	484	6	0.012397	710	4	0.005634	305	2	0.006557
XM_03025 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	1986	9	0.004532	1791	9	0.005025	1909	14	0.007334	403	1	0.002481	761	3	0.003942	2127	20	0.009403	1610	2	0.001242	1968	16	0.00813	637	4	0.006279	861	8	0.009292	284	0	0
XM_03025 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	1986	9	0.004532	1791	9	0.005025	1909	14	0.007334	403	1	0.002481	761	3	0.003942	2127	20	0.009403	1610	2	0.001242	1968	16	0.00813	637	4	0.006279	861	8	0.009292	284	0	0
XM_03025 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	36	29	0.805556	37	27	0.72973	31	20	0.645161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	35	0.636364	38	31	0.815789	49	40	0.816327	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	10	10	1
XM_03025 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68556	Uckl1	chr2	1.82E+08	1.82E+08	1986	9	0.004532	1791	9	0.005025	1909	14	0.007334	403	1	0.002481	761	3	0.003942	2127	20	0.009403	1610	2	0.001242	1968	16	0.00813	637	4	0.006279	861	8	0.009292	284	0	0
XM_03025 68559	Pdrg1	chr2	1.53E+08	1.53E+08	1200	97	0.080833	982	99	0.100815	1237	97	0.078416	286	38	0.132867	426	50	0.117371	1248	76	0.060897	924	32	0.034632	979	75	0.076609	395	48	0.121519	544	56	0.102941	50	18	0.36
XM_03025 68728	Trp53inp2	chr2	1.55E+08	1.55E+08	2528	11	0.004351	2391	7	0.002928	2387	13	0.005446	618	1	0.001618	681	0	0	2458	8	0.003255	2164	11	0.005083	2783	21	0.007546	668	0	0	560	1	0.001786	246	0	0
XM_03025 68728	Trp53inp2	chr2	1.55E+08	1.55E+08	2538	16	0.006304	2391	7	0.002928	2387	13	0.005446	618	1	0.001618	681	0	0	2472	13	0.005259	2175	16	0.007356	2794	24	0.00859	668	0	0	560	1	0.001786	246	0	0
XM_03025 68870	Ak8	chr2	28698815	28813165	260	43	0.165385	230	24	0.104348	211	27	0.127962	33	0	0	220	21	0.095455	211	13	0.061611	164	1	0.006098	202	30	0.148515	173	6	0.034682	152	15	0.098684	11	0	0



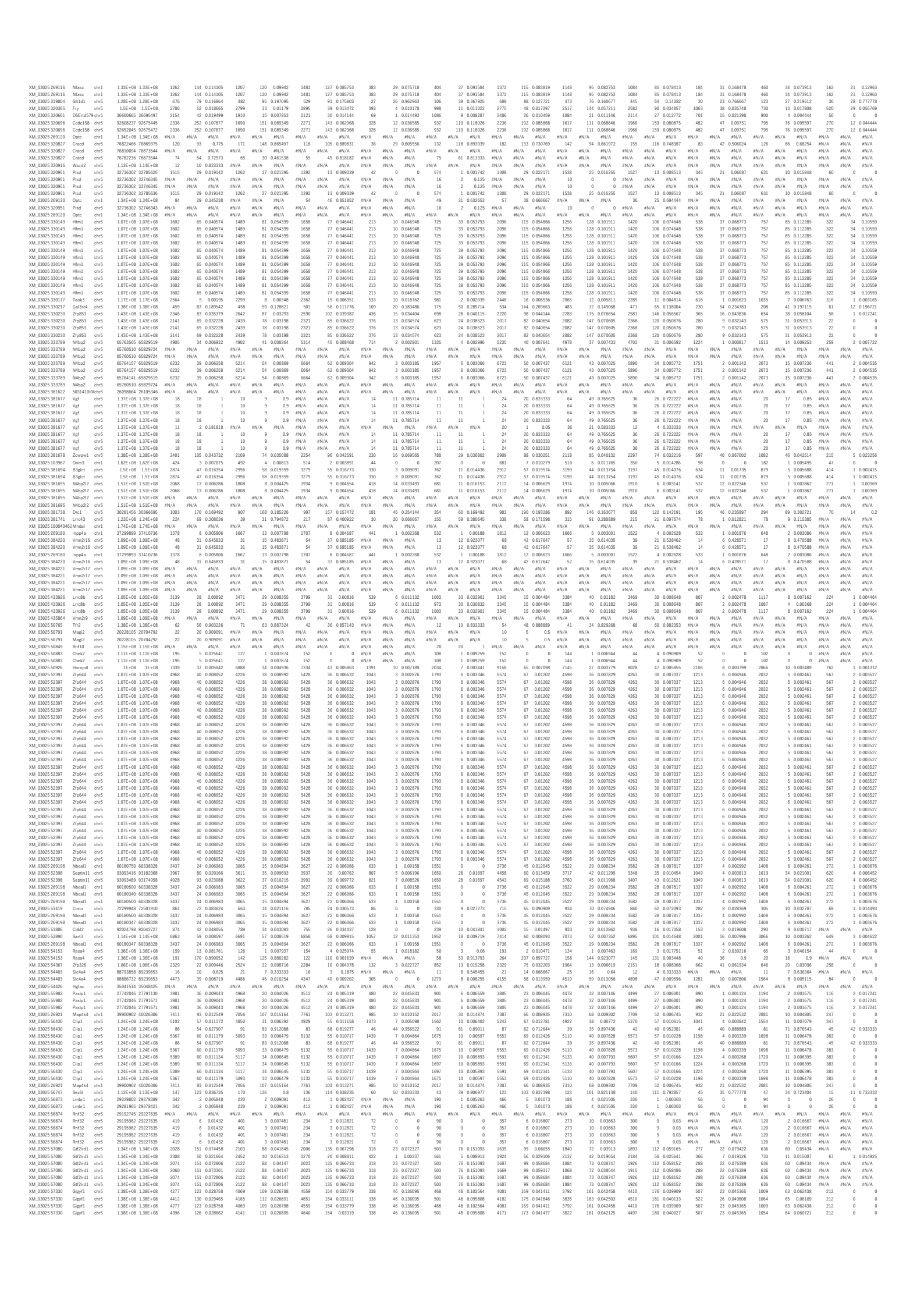
XM_03025 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	995	12	0.01206	860	9	0.010465	921	3	0.003257	158	6	0.037975	461	23	0.049892	1224	12	0.009804	930	23	0.024731	931	8	0.008593	268	3	0.011194	391	0	0	262	1	0.003817
XM_03025 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 109676	Ank2	chr3	1.27E+08	1.27E+08	995	12	0.01206	860	9	0.010465	921	3	0.003257	158	6	0.037975	461	23	0.049892	1224	12	0.009804	930	23	0.024731	931	8	0.008593	268	3	0.011194	391	0	0	262	1	0.003817
XM_03025 109905	Rap1a	chr3	1.06E+08	1.06E+08	4190	22	0.005251	3789	47	0.012404	4450	42	0.009438	799	20	0.025031	1560	16	0.010256	5494	30	0.005461	4334	30	0.006922	4091	35	0.008555	1131	1	0.000884	1447	25	0.017277	263	0	0
XM_03025 109905	Rap1a	chr3	1.06E+08	1.06E+08	4190	22	0.005251	3789	47	0.012404	4450	42	0.009438	799	20	0.025031	1560	16	0.010256	5494	30	0.005461	4334	30	0.006922	4091	35	0.008555	1131	1	0.000884	1447	25	0.017277	263	0	0
XM_03025 109905	Rap1a	chr3	1.06E+08	1.06E+08	62	58	0.935484	62	55	0.887097	136	123	0.904412	#N/A	#N/A	#N/A	54	51	0.944444	100	83	0.83	58	54	0.931034	48	44	0.916667	52	43	0.826923	64	52	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20536	Slc4a3	chr1	75546425	75559083	1696	379	0.223467	1574	238	0.151207	1667	293	0.175765	262	37	0.141221	542	107	0.197417	1442	306	0.212205	1398	203	0.145207	1462	225	0.153899	357	117	0.327731	606	126	0.207921	171	47	0.274854
XM_03025 20536	Slc4a3	chr1	75546425	75559083	1696	379	0.223467	1574	238	0.151207	1667	293	0.175765	262	37	0.141221	542	107	0.197417	1442	306	0.212205	1398	203	0.145207	1462	225	0.153899	357	117	0.327731	606	126	0.207921	171	47	0.274854
XM_03025 11444	Chrnb2	chr3	89753448	89764277	1647	23	0.013965	1414	28	0.019802	1464	33	0.022541	504	9	0.017857	722	10	0.01385	1661	48	0.028898	1522	54	0.03548	1251	35	0.027978	574	32	0.055749	586	27	0.046075	316	14	0.044304
XM_03025 118449	Synpo2	chr3	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11863	Arnt	chr3	95434404	95497240	256	3	0.011719	209	4	0.019139	150	1	0.006667	39	0	0	185	4	0.021622	240	6	0.025	183	2	0.010929	187	2	0.010695	109	2	0.018349	101	2	0.019802	23	0	0
XM_03025 11863	Arnt	chr3	95434424	95497240	256	3	0.011719	209	4	0.019139	150	1	0.006667	39	0	0	185	4	0.021622	240	6	0.025	183	2	0.010929	187	2	0.010695	109	2	0.018349	101	2	0.019802	23	0	0
XM_03025 11863	Arnt	chr3	95448384	95497240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 11924	Neurog2	chr3	1.28E+08	1.28E+08	1777	49	0.027575	1595	43	0.026959	1785	38	0.021289	379	7	0.01847	410	7	0.017073	2419	36	0.014882	1581	45	0.028463	1474	18	0.012212	428	7	0.016355	379	4	0.010554	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12032	Bcan	chr3	87987532	87998825	5095	145	0.028459	4615	153	0.033153	5247	160	0.030494	1023	27	0.026393	1261	36	0.028549	5107	181	0.035442	4261	74	0.017367	3985	97	0.024341	1341	94	0.070097	1747	54	0.03091	257	11	0.042802
XM_03025 20668	Sox13	chr1	1.33E+08	1.33E+08	3508	30	0.008552	3038	14	0.004608	3744	21	0.005609	488	1	0.002049	1095	23	0.021005	3292	19	0.005772	3384	13	0.003842	3628	34	0.009372	717	3	0.004184	1010	3	0.00297	500	3	0.006
XM_03025 12167	Bmpr1b	chr3	1.42E+08	1.42E+08	2094	44	0.021012	1798	61	0.033927	1733	49	0.028275	162	4	0.024691	366	13	0.035519	2122	66	0.031103	1771	57	0.032185	1758	71	0.040387	340	7	0.020588	400	38	0.095	106	1	0.009434
XM_03025 12427	Ccna1	chr3	55045469	55055145	2899	72	0.024836	2719	57	0.020964	2850	55	0.019298	320	7	0.021875	1181	27	0.022862	2870	104	0.036237	2337	60	0.025674	2405	68	0.028274	838	25	0.029833	1111	54	0.048605	235	16	0.068085
XM_03025 12427	Ccna1	chr3	55045469	55057634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12427	Ccna1	chr3	55045469	55054915	2899	72	0.024836	2719	57	0.020964	2850	55	0.019298	320	7	0.021875	1181	27	0.022862	2870	104	0.036237	2337	60	0.025674	2405	68	0.028274	838	25	0.029833	1111	54	0.048605	235	16	0.068085
XM_03025 12427	Ccna1	chr3	55045469	55057634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12479	Cd1d1	chr3	86995847	87012239	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 12479	Cd1d1	chr3	86995847	87012358	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20671	Sox17	chr1	4490931	4496373	883	30	0.033975	956	44	0.046025	902	30	0.033259	278	8	0.028777	319	11	0.034483	828	51	0.061594	737	41	0.055631	601	44	0.073211	257	12	0.046693	333	21	0.063063	166	24	0.144578
XM_03025 20671	Sox17	chr1	4490931	4497426	883	30	0.033975	956	44	0.046025	902	30	0.033259	278	8	0.028777	319	11	0.034483	828	51	0.061594	737	41	0.055631	601	44	0.073211	257	12	0.046693	333	21	0.063063	166	24	0.144578
XM_03025 12807	Hps3	chr3	19996164	20035320	2473	36	0.014557	2603	31	0.011909	2624	48	0.018293	268	3	0.011194	1057	1	0.000946	2427	41	0.016893	2504	13	0.005192	2602	29	0.011145	679	16	0.023564	793	7	0.008827	391	4	0.01023
XM_03025 12807	Hps3	chr3	19996164	20035309	2473	36	0.014557	2603	31	0.011909	2624	48	0.018293	268	3	0.011194	1057	1	0.000946	2427	41	0.016893	2504	13	0.005192	2602	29	0.011145	679	16	0.023564	793	7	0.008827	391	4	0.01023
XM_03025 12814	Col11a1	chr3	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20671	Sox17	chr1	4490931	4497426	883	30	0.033975	956	44	0.046025	902	30	0.033259	278	8	0.028777	319	11	0.034483	828	51	0.061594	737	41	0.055631	601	44	0.073211	257	12	0.046693	333	21	0.063063	166	24	0.144578
XM_03025 13175	Dclk1	chr3	55461720	55539061	45	38	0.844444	43	39	0.906977	17	17	1	24	22	0.916667	47	42	0.893617	50	42	0.84	44	33	0.75	56	44	0.785714	39	32	0.820513	40	19	0.475	33	25	0.757576
XM_03025 13175	Dclk1	chr3	55461716	55539061	45	38	0.844444	43	39	0.906977	17	17	1	24	22	0.916667	47	42	0.893617	50	42	0.84	44	33	0.75	56	44	0.785714	39	32	0.820513	40	19	0.475	33	25	0.757576
XM_03025 13601	Ecm1	chr3	95734147	95739684	85	53	0.623529	65	47	0.723077	75	48	0.64	#N/A	#N/A	#N/A	26	15	0.576923	65	53	0.815385	55	45	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14013	Mecom	chr3	29951296	30013504	525	6	0.011429	407	6	0.014742	598	5	0.008361	110	0	0	230	2	0.008696	497	7	0.014085	414	5	0.012077	331	7	0.021148	112	2	0.017857	224	1	0.004464	94	0	0
XM_03025 20684	Sp100	chr1	85649950	85709998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14263	Fmo5	chr3	97628862	97652606	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14263	Fmo5	chr3	97628776	97649899	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14263	Fmo5	chr3	97628792	97649899	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14468	Gbp2b	chr3	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20684	Sp100	chr1	85649954	85709998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14630	Gclm	chr3	1.22E+08	1.22E+08	4462	25	0.005603	4474	26	0.005811	4271	36	0.008429	633	1	0.00158	805	6	0.007453	5113	32	0.006259	4779	28	0.005859	5004	33	0.006595	1434	3	0.002092	1259	1	0.000794	232	1	0.00431
XM_03025 14658	Glrb	chr3	80843608	80893283	68	62	0.911765	70	65	0.928571	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	22	15	0.681818	66	52	0.787879	68	52	0.764706	28	15	0.535714	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14658	Glrb	chr3	80843608	80893283	68	62	0.911765	70	65	0.928571	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	22	15	0.681818	66	52	0.787879	68	52	0.764706	28	15	0.535714	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14658	Glrb	chr3	80843608	80893283	68	62	0.911765	70	65	0.928571	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	22	15	0.681818	66	52	0.787879	68	52	0.764706	28	15	0.535714	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14658	Glrb	chr3	80843608	80893283	68	62	0.911765	70	65	0.928571	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	22	15	0.681818	66	52	0.787879	68	52	0.764706	28	15	0.535714	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14658	Glrb	chr3	80843598	80913660	647	14	0.021638	745	16	0.021477	766	15	0.019582	96	5	0.052083	126	11	0.087302	551	33	0.059891	656	18	0.027439	578	46	0.079585	187	15	0.080214	254	16	0.062992	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14658	Glrb	chr3	80843598	80883426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20684	Sp100	chr1	85649955	85686787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 14686	Gnat2	chr3	1.08E+08	1.08E+08	218	155	0.711009	152	117	0.769737	257	184	0.715953	62	47	0.758065	80	61	0.7625	243	207	0.851852	268	214	0.798507	259	178	0.687259	76	54	0.710526	133	103	0.774436	54	46	0.851852
XM_03025 14867	Gstm6	chr3	1.08E+08	1.08E+08	193	171	0.88601	184	166	0.902174	198	182	0.919192	60	53	0.883333	74	67	0.905405	220	193	0.877273	201	173	0.860697	176	154	0.875	59	46	0.779661	76	64	0.842105	13	10	0.769231
XM_03025 15168	Hcn3	chr3	89146775	89160231	2582	93	0.036019	3089	72	0.023309	3512	82	0.023349	403	17	0.042184	555	35	0.063063	2703	87	0.032186	2584	69	0.026703	2955	46	0.015567	624	20	0.032051	798	35	0.04386	22	12	0.545455
XM_03025 15191	Hdgf	chr3	87906090	87916132	2924	18	0.006156	2927	20	0.006833	3304	15	0.00454	564	12	0.021277	546	2	0.003663	2912	22	0.007555	2725	10	0.00367	3499	12	0.00343	354	1	0.002825	1105	6	0.00543	99	0	0
XM_03025 15191	Hdgf	chr3	87906783	87916132	2924	18	0.006156	2927	20	0.006833	3304	15	0.00454	608	12	0.019737	546	2	0.003663	2912	22	0.007555	2725	10	0.00367	3499	12	0.00343	354	1	0.002825	1105	6	0.00543	99	0	0
XM_03025 16490	Kcna2	chr3	1.07E+08	1.07E+08	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	30	23	0.766667	14	8	0.571429	23	18	0.782609	24	9	0.375	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 16800	Arhgef2	chr3	88621047	88649532	3105	90	0.028986	2769	78	0.028169	3111	68	0.021858	316	3	0.009494	714	11	0.015406	3469	40	0.011531	2635	90	0.034156	3138	61	0.019439	698	10	0.014327	462	14	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 16800	Arhgef2	chr3	88622501	88649532	3175	103	0.032441	2805	89	0.031729	3183	90	0.028275	316	3	0.009494	714	11	0.015406	3535	52	0.01471	2655	103	0.038795	3197	73	0.022834	728	20	0.027473	462	14	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 16842	Lef1	chr3	1.31E+08	1.31E+08	6237	122	0.019561	6144	136	0.022135	6392	133	0.020807	1172	22	0.018771	1963	54	0.027509	5505	190	0.034514	5637	223	0.03956	5287	140	0.02648	1538	67	0.043563	1879	68	0.036189	676	20	0.029586
XM_03025 170822	Usp33	chr3	1.52E+08	1.52E+08	1443	32	0.022176	1066	52	0.04878	1275	56	0.043922	195	12	0.061538	342	20	0.05848	1439	28	0.019458	1299	43	0.033102	1075	39	0.036279	347	19	0.054755	594	11	0.018519	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 170822	Usp33	chr3	1.52E+08	1.52E+08	1431	31	0.021663	1049	52	0.049571	1275	56	0.043922	195	12	0.061538	364	41	0.112637	1439	28	0.019458	1321	64	0.048448	1064	37	0.034774	347	19	0.054755	594	11	0.018519	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17112	Tm4sf1	chr3	57287377	57387736	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 17112	Tm4sf1	chr3	57287377	57387724	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 207792	BC034090	chr1	1.55E+08	1.55E+08	51	40	0.784314	41	33	0.804878	33	28	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	23	15	0.652174	34	28	0.823529	28	18	0.642857	48	33	0.6875	13	12	0.923077	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 171388	Bnipl	chr3	95241276	95252136	103	92	0.893204	103	97	0.941748	110	101	0.918182	11	11	1	49	44	0.897959	95	85	0.894737	98	89	0.908163	109	93	0.853211	24	19	0.791667	27	27	1	26	25	0.961538
XM_03025 171388	Bnipl	chr3	95241276	95252144	103	92	0.893204	103	97	0.941748	110	101	0.918182	11	11	1	49	44	0.897959	95	85	0.894737	98	89	0.908163	109	93	0.853211	24	19	0.791667	27	27	1	26	25	0.961538
XM_03025 17261	Mef2d	chr3	88141987	88172084	4767	130	0.027271	4434	75	0.016915	5354	94	0.017557	914	34	0.037199	1347	26	0.019302	5393	55	0.010198	3817	21	0.005502	4738	29	0.006121	865	4	0.004624	1754	6	0.003421	460	15	0.032609
XM_03025 17261	Mef2d	chr3	88143350	88172084	4810	36	0.007484	4537	27	0.005951	5382	25	0.004645	940	2	0.002128	1300	3	0.002308	5428	30	0.005527	3900	21	0.005385	4953	24	0.004846	783	4	0.005109	1935	8	0.004134	460	15	0.032609
XM_03025 17261	Mef2d	chr3	88141966	88172084	4767	130	0.027271	4434	75	0.016915	5354	94	0.017557	914	34	0.037199	1347	26	0.019302	5393	55	0.010198	3817	21	0.005502	4738	29	0.006121	865	4	0.004624	1754	6	0.003421	460	15	0.032609
XM_03025 17261	Mef2d	chr3	88141941	88172084	4514	128	0.028356	4223	73	0.017286	5108	94	0.018403	871	34	0.039036	1262	26	0.020602	5141	54	0.010504	3616	20	0.005531	4484	29	0.006467	865	4	0.004624	1644	6	0.00365	414	14	0.033816
XM_03025 17454	Mov10	chr3	1.05E+08	1.05E+08	2403	19	0.007907	2400	11	0.004583	2277	19	0.008344	352	1	0.002841	520	5	0.009615	2195	14	0.006378	2137	14	0.006551	2253	6	0.002663	420	1	0.002381	357	0	0	126	1	0.007937
XM_03025 17454	Mov10	chr3	1.05E+08	1.05E+08	2403	19	0.007907	2400	11	0.004583	2277	19	0.008344	352	1	0.002841	520	5	0.009615	2195	14	0.006378	2137	14	0.006551	2253	6	0.002663	420	1	0.002381	357	0	0	126	1	0.007937
XM_03025 18583	Pde7a	chr3	19224664	19311111	8273	53	0.006406	8425	65	0.007715	9558	80	0.00837	1162	3	0.002582	3091	4	0.001294	9081	51	0.005616	7941	51	0.006422	8626	52	0.006028	2381	6	0.00252	2932	10	0.003411	706	2	0.002833
XM_03025 18685	Phtf1	chr3	1.04E+08	1.04E+08	1355	8	0.005904	1470	7	0.004762	1400	4	0.002857	110	0	0	438	2	0.004566	1405	8	0.005694	1767	8	0.004527	1689	9	0.005329	383	5	0.013055	516	1	0.001938	155	1	0.006452
XM_03025 18685	Phtf1	chr3	1.04E+08	1.04E+08	1355	8	0.005904	1470	7	0.004762	1400	4	0.002857	110	0	0	438	2	0.004566	1405	8	0.005694	1767	8	0.004527	1689	9	0.005329	383	5	0.013055	516	1	0.001938	155	1	0.006452
XM_03025 18685	Phtf1	chr3	1.04E+08	1.04E+08	1355	8	0.005904	1470	7	0.004762	1400	4	0.002857	110	0	0	438	2	0.004566	1405	8	0.005694	1767	8	0.004527	1689	9	0.005329	383	5	0.013055	516	1	0.001938	155	1	0.006452
XM_03025 18741	Pitx2	chr3	1.29E+08	1.29E+08	645	42	0.065116	460	23	0.05	373	14	0.037534	56	7	0.125	219	17	0.077626	491	22	0.044807	601	36	0.0599	608	38	0.0625	87	4	0.045977	95	5	0.052632	52	3	0.057692
XM_03025 18767	Pkia	chr3	7386489	7445366	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19055	Ppp3ca	chr3	1.37E+08	1.37E+08	6148	40	0.006506	5992	46	0.007677	6977	47	0.006736	1139	4	0.003512	1468	3	0.002044	6623	43	0.006493	5786	37	0.006395	6182	39	0.006309	1612	3	0.001861	1917	7	0.003652	451	5	0.011086
XM_03025 19055	Ppp3ca	chr3	1.37E+08	1.37E+08	6148	40	0.006506	5992	46	0.007677	6977	47	0.006736	1139	4	0.003512	1468	3	0.002044	6623	43	0.006493	5786	37	0.006395	6182	39	0.006309	1612	3	0.001861	1917	7	0.003652	451	5	0.011086
XM_03025 19055	Ppp3ca	chr3	1.37E+08	1.37E+08	6148	40	0.006506	5992	46	0.007677	6977	47	0.006736	1139	4	0.003512	1468	3	0.002044	6623	43	0.006493	5786	37	0.006395	6182	39	0.006309	1612	3	0.001861	1917	7	0.003652	451	5	0.011086
XM_03025 19185	Psmd4	chr3	95032688	95042564	724	5	0.006906	652	3	0.004601	647	2	0.003091	222	14	0.063063	152	2	0.013158	653	4	0.006126	740	3	0.004054	594	2	0.003367	196	1	0.005102	316	1	0.003165	44	0	0
XM_03025 192167	Nlgn1	chr3	25421808	26331076	793	22	0.027743	534	12	0.022472	687	21	0.030568	117	1	0.008547	276	4	0.014493	897	39	0.043478	665	13	0.019549	640	29	0.045313	255	4	0.015686	265	5	0.018868	47	1	0.021277
XM_03025 20846	Stat1	chr1	52119490	52160923	3068	40	0.013038	2942	44	0.014956	2897	36	0.012427	657	5	0.00761	1398	13	0.009299	3697	46	0.012443	2901	91	0.031368	2996	40	0.013351	938	9	0.009595	1223	2	0.001635	490	3	0.006122
XM_03025 192195	Ash1l	chr3	88950899	89079375	4785	36	0.007524	4688	26	0.005546	5312	35	0.006589	714	3	0.004202	1342	5	0.003726	4876	28	0.005742	4371	25	0.00572	5058	22	0.00435	1516	6	0.003958	1102	0	0	394	0	0
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 19302	Pex2	chr3	5560499	5578596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 194126	Mtmr11	chr3	96161961	96171718	87	16	0.183908	115	26	0.226087	80	19	0.2375	#N/A	#N/A	#N/A	26	12	0.461538	101	36	0.356436	104	8	0.076923	87	12	0.137931	13	4	0.307692	41	8	0.195122	10	1	0.1
XM_03025 19729	Slc50a1	chr3	89268246	89270567	963	13	0.013499	1081	17	0.015726	902	9	0.009978	#N/A	#N/A	#N/A	295	3	0.010169	859	10	0.011641	1051	17	0.016175	1173	15	0.012788	161	3	0.018634	232	0	0	83	0	0
XM_03025 19769	Rit1	chr3	88716875	88730066	696	3	0.00431	621	4	0.006441	783	8	0.010217	140	11	0.078571	136	0	0	805	4	0.004969	752	3	0.003989	695	5	0.007194	336	11	0.032738	257	0	0	42	0	0
XM_03025 20196	S100a13	chr3	90514233	90524581	462	6	0.012987	452	4	0.00885	501	6	0.011976	82	1	0.012195	140	0	0	537	7	0.013035	379	2	0.005277	451	3	0.006652	162	0	0	116	1	0.008621	36	0	0
XM_03025 20197	S100a3	chr3	90579741	90602706	61	55	0.901639	60	53	0.883333	54	44	0.814815	#N/A	#N/A	#N/A	48	40	0.833333	81	64	0.790123	62	55	0.887097	62	57	0.919355	22	17	0.772727	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 208718	Dis3l2	chr1	86703769	87050096	2868	14	0.004881	3353	18	0.005368	3044	15	0.004928	483	1	0.00207	998	4	0.004008	2469	14	0.00567	2932	14	0.004775	3088	18	0.005829	887	4	0.00451	948	2	0.00211	281	0	0
XM_03025 208718	Dis3l2	chr1	86703769	87050096	2868	14	0.004881	3353	18	0.005368	3044	15	0.004928	483	1	0.00207	998	4	0.004008	2469	14	0.00567	2932	14	0.004775	3088	18	0.005829	887	4	0.00451	948	2	0.00211	281	0	0
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160436	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	772	9	0.011658	674	16	0.023739	112	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160425	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	772	9	0.011658	674	16	0.023739	112	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 208718	Dis3l2	chr1	86703769	87050096	2868	14	0.004881	3353	18	0.005368	3044	15	0.004928	483	1	0.00207	998	4	0.004008	2469	14	0.00567	2932	14	0.004775	3088	18	0.005829	887	4	0.00451	948	2	0.00211	281	0	0
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160441	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 208718	Dis3l2	chr1	86703769	87050096	2868	14	0.004881	3353	18	0.005368	3044	15	0.004928	483	1	0.00207	998	4	0.004008	2469	14	0.00567	2932	14	0.004775	3088	18	0.005829	887	4	0.00451	948	2	0.00211	281	0	0
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95168323	95174025	645	574	0.889922	569	524	0.920914	582	536	0.920962	177	166	0.937853	232	215	0.926724	760	666	0.876316	555	453	0.816216	623	496	0.796148	191	163	0.853403	271	221	0.815498	40	29	0.725
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20360	Sema6c	chr3	95160442	95174025	716	15	0.02095	537	3	0.005587	630	18	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	295	29	0.098305	582	15	0.025773	782	9	0.011509	674	16	0.023739	122	0	0	164	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20429	Shox2	chr3	66971723	66981177	4299	95	0.022098	4025	80	0.019876	4608	88	0.019097	670	7	0.010448	1649	40	0.024257	4191	83	0.019804	3709	61	0.016446	3950	76	0.019241	1276	24	0.018809	1622	60	0.036991	509	6	0.011788
XM_03025 20429	Shox2	chr3	66971723	66978733	505	28	0.055446	308	24	0.077922	306	24	0.078431	71	2	0.028169	81	4	0.049383	625	52	0.0832	446	76	0.170404	403	29	0.07196	91	5	0.054945	193	11	0.056995	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20447	St6galnac3	chr3	1.53E+08	1.54E+08	677	29	0.042836	533	21	0.0394	568	13	0.022887	20	1	0.05	304	16	0.052632	773	37	0.047865	645	52	0.08062	525	33	0.062857	114	4	0.035088	114	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20447	St6galnac3	chr3	1.53E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20447	St6galnac3	chr3	1.53E+08	1.54E+08	677	29	0.042836	533	21	0.0394	568	13	0.022887	20	1	0.05	304	16	0.052632	773	37	0.047865	645	52	0.08062	525	33	0.062857	114	4	0.035088	114	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20447	St6galnac3	chr3	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20661	Sort1	chr3	1.08E+08	1.08E+08	21	13	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	26	17	0.653846	26	17	0.653846	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20872	Stk16	chr1	75210829	75214244	1169	42	0.035928	956	45	0.047071	1156	75	0.064879	310	26	0.083871	669	21	0.03139	1511	140	0.092654	1269	87	0.068558	1354	88	0.064993	440	21	0.047727	613	46	0.075041	266	9	0.033835
XM_03025 20661	Sort1	chr3	1.08E+08	1.08E+08	21	13	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	26	17	0.653846	26	17	0.653846	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20872	Stk16	chr1	75210829	75214244	1169	42	0.035928	956	45	0.047071	1156	75	0.064879	310	26	0.083871	669	21	0.03139	1511	140	0.092654	1269	87	0.068558	1354	88	0.064993	440	21	0.047727	613	46	0.075041	266	9	0.033835
XM_03025 208613	Tmem212	chr3	27866169	27896380	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20873	Plk4	chr3	40800314	40816865	3240	65	0.020062	2471	50	0.020235	2902	55	0.018952	60	1	0.016667	1045	30	0.028708	2990	44	0.014716	3422	41	0.011981	2925	46	0.015726	790	23	0.029114	1013	19	0.018756	576	6	0.010417
XM_03025 209601	Erich3	chr3	1.55E+08	1.55E+08	75	51	0.68	57	25	0.438596	75	49	0.653333	#N/A	#N/A	#N/A	39	27	0.692308	163	113	0.693252	68	35	0.514706	87	67	0.770115	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 209601	Erich3	chr3	1.55E+08	1.55E+08	75	51	0.68	57	25	0.438596	75	49	0.653333	#N/A	#N/A	#N/A	39	27	0.692308	163	113	0.693252	68	35	0.514706	87	67	0.770115	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 209601	Erich3	chr3	1.55E+08	1.55E+08	75	51	0.68	57	25	0.438596	75	49	0.653333	#N/A	#N/A	#N/A	39	27	0.692308	163	113	0.693252	68	35	0.514706	87	67	0.770115	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 209601	Erich3	chr3	1.55E+08	1.55E+08	75	51	0.68	57	25	0.438596	75	49	0.653333	#N/A	#N/A	#N/A	39	27	0.692308	163	113	0.693252	68	35	0.514706	87	67	0.770115	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 209601	Erich3	chr3	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 211556	Ap1ar	chr3	1.28E+08	1.28E+08	4086	36	0.008811	4466	42	0.009404	4509	32	0.007097	567	8	0.014109	1050	23	0.021905	4211	50	0.011874	4644	44	0.009475	5248	70	0.013338	1273	10	0.007855	1472	8	0.005435	226	2	0.00885
XM_03025 211556	Ap1ar	chr3	1.28E+08	1.28E+08	4086	36	0.008811	4466	42	0.009404	4509	32	0.007097	567	8	0.014109	1050	23	0.021905	4211	50	0.011874	4644	44	0.009475	5248	70	0.013338	1273	10	0.007855	1472	8	0.005435	226	2	0.00885
XM_03025 211556	Ap1ar	chr3	1.28E+08	1.28E+08	4086	36	0.008811	4466	42	0.009404	4509	32	0.007097	567	8	0.014109	1050	23	0.021905	4211	50	0.011874	4644	44	0.009475	5248	70	0.013338	1273	10	0.007855	1472	8	0.005435	226	2	0.00885
XM_03025 211666	Mgst2	chr3	51661150	51682675	232	217	0.935345	261	238	0.911877	193	181	0.937824	75	73	0.973333	58	54	0.931034	242	224	0.92562	166	151	0.909639	196	182	0.928571	78	64	0.820513	84	76	0.904762	58	53	0.913793
XM_03025 211666	Mgst2	chr3	51636912	51682675	484	303	0.626033	331	240	0.725076	365	298	0.816438	#N/A	#N/A	#N/A	262	185	0.706107	391	207	0.529412	238	161	0.676471	362	221	0.610497	145	91	0.627586	200	128	0.64	90	62	0.688889
XM_03025 208727	Hdac4	chr1	91928779	92180878	3891	30	0.00771	4078	28	0.006866	4338	28	0.006455	341	0	0	986	3	0.003043	4370	27	0.006178	3652	37	0.010131	4356	35	0.008035	776	2	0.002577	1389	6	0.00432	331	1	0.003021
XM_03025 213234	Zbbx	chr3	75037895	75143772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 208727	Hdac4	chr1	91928779	92180346	5676	42	0.0074	5985	39	0.006516	6476	43	0.00664	551	1	0.001815	1503	5	0.003327	6589	40	0.006071	5464	50	0.009151	6642	48	0.007227	1212	2	0.00165	2046	7	0.003421	534	1	0.001873
XM_03025 213248	Wdr49	chr3	75273928	75482165	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 213262	Fstl5	chr3	76100755	76710010	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 213498	Arhgef11	chr3	87617548	87738034	2980	17	0.005705	2565	16	0.006238	3012	31	0.010292	471	4	0.008493	690	0	0	3117	22	0.007058	3010	17	0.005648	2934	20	0.006817	631	2	0.00317	540	2	0.003704	88	0	0
XM_03025 213498	Arhgef11	chr3	87617548	87738034	2980	17	0.005705	2565	16	0.006238	3012	31	0.010292	471	4	0.008493	690	0	0	3117	22	0.007058	3010	17	0.005648	2934	20	0.006817	631	2	0.00317	540	2	0.003704	88	0	0
XM_03025 213498	Arhgef11	chr3	87617548	87738034	2980	17	0.005705	2565	16	0.006238	3012	31	0.010292	471	4	0.008493	690	0	0	3117	22	0.007058	3010	17	0.005648	2934	20	0.006817	631	2	0.00317	540	2	0.003704	88	0	0
XM_03025 213498	Arhgef11	chr3	87617548	87738034	2980	17	0.005705	2565	16	0.006238	3012	31	0.010292	471	4	0.008493	690	0	0	3117	22	0.007058	3010	17	0.005648	2934	20	0.006817	631	2	0.00317	540	2	0.003704	88	0	0
XM_03025 213498	Arhgef11	chr3	87698862	87738034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 213582	Map9	chr3	82358264	82395268	2445	42	0.017178	2091	32	0.015304	2387	30	0.012568	471	5	0.010616	1005	16	0.01592	2566	56	0.021824	2228	30	0.013465	2203	32	0.014526	712	6	0.008427	758	32	0.042216	243	11	0.045267
XM_03025 213582	Map9	chr3	82358264	82395268	2445	42	0.017178	2091	32	0.015304	2387	30	0.012568	471	5	0.010616	1005	16	0.01592	2566	56	0.021824	2228	30	0.013465	2203	32	0.014526	712	6	0.008427	758	32	0.042216	243	11	0.045267
XM_03025 208727	Hdac4	chr1	91928779	92180346	5676	42	0.0074	5985	39	0.006516	6476	43	0.00664	551	1	0.001815	1503	5	0.003327	6589	40	0.006071	5464	50	0.009151	6642	48	0.007227	1212	2	0.00165	2046	7	0.003421	534	1	0.001873
XM_03025 214048	Larp1b	chr3	40949770	41040207	7692	71	0.00923	7069	54	0.007639	8157	48	0.005885	1087	14	0.012879	1659	25	0.015069	8056	47	0.005834	5903	28	0.004743	6238	40	0.006412	2316	8	0.003454	2015	10	0.004963	650	4	0.006154
XM_03025 214048	Larp1b	chr3	40949771	41040207	7692	71	0.00923	7069	54	0.007639	8157	48	0.005885	1087	14	0.012879	1659	25	0.015069	8056	47	0.005834	5903	28	0.004743	6238	40	0.006412	2316	8	0.003454	2015	10	0.004963	650	4	0.006154
XM_03025 214048	Larp1b	chr3	40949775	41040207	7692	71	0.00923	7069	54	0.007639	8157	48	0.005885	1087	14	0.012879	1659	25	0.015069	8056	47	0.005834	5903	28	0.004743	6238	40	0.006412	2316	8	0.003454	2015	10	0.004963	650	4	0.006154
XM_03025 214048	Larp1b	chr3	40950776	41040207	8160	76	0.009314	7561	57	0.007539	8709	52	0.005971	1272	17	0.013365	1846	26	0.014085	8575	49	0.005714	6316	29	0.004592	6622	42	0.006342	2500	8	0.0032	2346	8	0.00341	638	1	0.001567
XM_03025 214048	Larp1b	chr3	40950776	41040207	8160	76	0.009314	7561	57	0.007539	8709	52	0.005971	1272	17	0.013365	1846	26	0.014085	8575	49	0.005714	6316	29	0.004592	6622	42	0.006342	2500	8	0.0032	2346	8	0.00341	638	1	0.001567
XM_03025 21427	Vps72	chr3	95111047	95122934	686	10	0.014577	800	15	0.01875	876	4	0.004566	96	14	0.145833	474	1	0.00211	626	0	0	651	5	0.00768	633	1	0.00158	226	0	0	266	3	0.011278	192	0	0
XM_03025 21427	Vps72	chr3	95111056	95122934	686	10	0.014577	800	15	0.01875	876	4	0.004566	96	14	0.145833	474	1	0.00211	626	0	0	651	5	0.00768	633	1	0.00158	226	0	0	266	3	0.011278	192	0	0
XM_03025 208727	Hdac4	chr1	91928779	92180878	3891	30	0.00771	4078	28	0.006866	4338	28	0.006455	341	0	0	986	3	0.003043	4370	27	0.006178	3652	37	0.010131	4356	35	0.008035	776	2	0.002577	1389	6	0.00432	331	1	0.003021

XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501339	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501339	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501339	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501021	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501339	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501268	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501266	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60472559	60629750	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60472559	60629750	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60501339	60629750	4816	29	0.006022	4811	28	0.00582	5401	43	0.007961	955	5	0.005236	1695	5	0.00295	5150	37	0.007184	5033	27	0.005365	5208	36	0.006912	1379	4	0.002901	1692	5	0.002955	250	2	0.008
XM_03025 56758	Mbnl1	chr3	60472559	60629750	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 56772	Mllt11	chr3	95219135	95229632	2181	20	0.00917	2281	40	0.017536	2393	21	0.008776	417	6	0.014388	409	11	0.026895	2512	13	0.005175	2335	40	0.017131	2654	30	0.011304	384	7	0.018229	667	17	0.025487	171	0	0
XM_03025 56790	Supt20	chr3	54692761	54728757	1000	4	0.004	1007	7	0.006951	1026	9	0.008772	192	1	0.005208	438	11	0.025114	1120	25	0.022321	1169	6	0.005133	874	4	0.004577	275	4	0.014545	335	2	0.00597	50	0	0
XM_03025 56790	Supt20	chr3	54692761	54728763	1000	4	0.004	1007	7	0.006951	1026	9	0.008772	192	1	0.005208	438	11	0.025114	1120	25	0.022321	1169	6	0.005133	874	4	0.004577	275	4	0.014545	335	2	0.00597	50	0	0
XM_03025 56790	Supt20	chr3	54692761	54728757	1000	4	0.004	1007	7	0.006951	1026	9	0.008772	192	1	0.005208	438	11	0.025114	1120	25	0.022321	1169	6	0.005133	874	4	0.004577	275	4	0.014545	335	2	0.00597	50	0	0
XM_03025 56790	Supt20	chr3	54692761	54728757	1000	4	0.004	1007	7	0.006951	1026	9	0.008772	192	1	0.005208	438	11	0.025114	1120	25	0.022321	1169	6	0.005133	874	4	0.004577	275	4	0.014545	335	2	0.00597	50	0	0
XM_03025 56790	Supt20	chr3	54692761	54728763	1000	4	0.004	1007	7	0.006951	1026	9	0.008772	192	1	0.005208	438	11	0.025114	1120	25	0.022321	1169	6	0.005133	874	4	0.004577	275	4	0.014545	335	2	0.00597	50	0	0
XM_03025 56790	Supt20	chr3	54692761	54728763	1000	4	0.004	1007	7	0.006951	1026	9	0.008772	192	1	0.005208	438	11	0.025114	1120	25	0.022321	1169	6	0.005133	874	4	0.004577	275	4	0.014545	335	2	0.00597	50	0	0
XM_03025 212712	Satb2	chr1	56793992	56981190	289	9	0.031142	234	7	0.029915	268	7	0.026119	27	0	0	92	1	0.01087	132	2	0.015152	196	5	0.02551	268	6	0.022388	103	3	0.029126	122	2	0.016393	31	1	0.032258
XM_03025 57815	Spata5	chr3	37419903	37578892	3701	17	0.004593	3680	27	0.007337	3771	35	0.009281	786	6	0.007634	1076	32	0.02974	4233	25	0.005906	4122	28	0.006793	3770	14	0.003714	729	4	0.005487	1146	12	0.010471	374	0	0
XM_03025 212712	Satb2	chr1	56793990	56971611	6060	81	0.013366	5683	55	0.009678	6603	58	0.008784	632	8	0.012658	1793	15	0.008366	6057	80	0.013208	5804	50	0.008615	5618	50	0.0089	1862	13	0.006982	1963	10	0.005094	531	1	0.001883
XM_03025 212712	Satb2	chr1	56793992	56981190	289	9	0.031142	234	7	0.029915	268	7	0.026119	27	0	0	92	1	0.01087	132	2	0.015152	196	5	0.02551	268	6	0.022388	103	3	0.029126	122	2	0.016393	31	1	0.032258
XM_03025 58193	Extl2	chr3	1.16E+08	1.16E+08	1143	26	0.022747	1199	28	0.023353	1380	14	0.010145	382	2	0.005236	355	11	0.030986	1728	50	0.028935	1750	16	0.009143	1270	32	0.025197	532	2	0.003759	652	2	0.003067	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 58869	Pex5l	chr3	32949631	33088399	47	37	0.787234	44	37	0.840909	43	28	0.651163	#N/A	#N/A	#N/A	23	21	0.913043	67	28	0.41791	40	18	0.45	48	21	0.4375	27	11	0.407407	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 58869	Pex5l	chr3	32949631	32985138	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 59069	Tpm3	chr3	90079526	90091095	2354	7	0.002974	2101	6	0.002856	2413	16	0.006631	602	3	0.004983	894	3	0.003356	2656	16	0.006024	1967	16	0.008134	2105	14	0.006651	851	3	0.003525	848	2	0.002358	394	2	0.005076
XM_03025 633285	Rbm46	chr3	82836521	82876512	3169	733	0.231303	2763	555	0.200869	3054	716	0.234447	304	77	0.253289	1046	240	0.229446	2786	794	0.284996	3040	1259	0.414145	3046	872	0.286277	681	229	0.33627	1564	443	0.283248	228	96	0.421053
XM_03025 213006	Mfsd4a	chr1	1.32E+08	1.32E+08	21	2	0.095238	45	11	0.244444	47	12	0.255319	#N/A	#N/A	#N/A	25	11	0.44	32	14	0.4375	26	10	0.384615	27	7	0.259259	27	2	0.074074	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 65111	Dap3	chr3	88923635	88950523	4785	36	0.007524	4688	26	0.005546	5312	35	0.006589	714	3	0.004202	1342	5	0.003726	4876	28	0.005742	4371	25	0.00572	5058	22	0.00435	1516	6	0.003958	1102	0	0	394	0	0
XM_03025 65111	Dap3	chr3	88923595	88951124	3330	27	0.008108	3600	19	0.005278	3918	29	0.007402	457	3	0.006565	901	3	0.00333	3378	21	0.006217	3340	16	0.00479	4008	17	0.004242	977	4	0.004094	752	0	0	282	0	0
XM_03025 65111	Dap3	chr3	88923635	88950230	4785	36	0.007524	4688	26	0.005546	5312	35	0.006589	714	3	0.004202	1342	5	0.003726	4876	28	0.005742	4371	25	0.00572	5058	22	0.00435	1516	6	0.003958	1102	0	0	394	0	0
XM_03025 66059	Krtcap2	chr3	89245904	89249723	2157	224	0.103848	1894	176	0.092925	2212	200	0.090416	382	23	0.060209	551	40	0.072595	2467	286	0.11593	2067	223	0.107886	2073	154	0.074288	647	68	0.1051	841	100	0.118906	243	19	0.078189
XM_03025 66059	Krtcap2	chr3	89246470	89249723	1931	51	0.026411	1709	26	0.015214	2002	35	0.017483	372	9	0.024194	527	18	0.034156	2171	50	0.023031	1864	40	0.021459	1952	28	0.014344	583	9	0.015437	745	24	0.032215	217	0	0
XM_03025 213006	Mfsd4a	chr1	1.32E+08	1.32E+08	21	2	0.095238	45	11	0.244444	47	12	0.255319	#N/A	#N/A	#N/A	25	11	0.44	32	14	0.4375	26	10	0.384615	27	7	0.259259	27	2	0.074074	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 66183	Sptssb	chr3	69819538	69861363	781	35	0.044814	865	37	0.042775	955	42	0.043979	146	23	0.157534	431	46	0.106729	805	40	0.049689	730	29	0.039726	893	25	0.027996	167	19	0.113772	490	37	0.07551	108	1	0.009259
XM_03025 66361	Zfand1	chr3	10339966	10351316	1236	4	0.003236	1094	6	0.005484	1136	5	0.004401	262	0	0	347	3	0.008646	1153	16	0.013877	1146	3	0.002618	911	14	0.015368	202	1	0.00495	427	0	0	147	0	0
XM_03025 66368	Rtca	chr3	1.16E+08	1.17E+08	2057	14	0.006806	2012	20	0.00994	2315	9	0.003888	473	2	0.004228	741	3	0.004049	2169	12	0.005533	1976	9	0.004555	2051	26	0.012677	499	0	0	824	3	0.003641	233	3	0.012876
XM_03025 213056	Fam126b	chr1	58522811	58586302	581	5	0.008606	556	3	0.005396	504	2	0.003968	211	0	0	286	1	0.003497	752	8	0.010638	517	4	0.007737	501	9	0.017964	276	1	0.003623	270	0	0	196	10	0.05102
XM_03025 667060	Vmn2r5	chr3	64490783	64509609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 668101	Sirpb1b	chr3	15495759	15548656	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 213109	Phf3	chr1	30802342	30873796	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_03025 213109	Phf3	chr1	30802342	30873500	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_03025 213109	Phf3	chr1	30802342	30873900	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_03025 66921	Prpf38b	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2968	19	0.006402	2903	10	0.003445	3377	19	0.005626	449	1	0.002227	948	1	0.001055	2775	18	0.006486	2389	11	0.004604	2927	9	0.003075	1263	6	0.004751	1298	1	0.00077	65	1	0.015385
XM_03025 213109	Phf3	chr1	30802342	30873796	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_03025 669780	Gm16527	chr3	59837922	59846817	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 213109	Phf3	chr1	30802342	30873666	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_03025 67035	Dnajb4	chr3	1.52E+08	1.52E+08	3844	14	0.003642	2796	16	0.005722	3380	24	0.007101	710	0	0	1837	7	0.003811	4116	36	0.008746	3444	16	0.004646	3384	27	0.007979	796	1	0.001256	1327	5	0.003768	466	0	0
XM_03025 67037	Pmf1	chr3	88394531	88410445	629	3	0.004769	396	1	0.002525	438	2	0.004566	#N/A	#N/A	#N/A	249	0	0	658	3	0.004559	587	1	0.001704	521	2	0.003839	172	1	0.005814	186	0	0	30	0	0
XM_03025 213109	Phf3	chr1	30802342	30873658	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XM_03025 67120	Ttc14	chr3	33800197	33810149	3780	26	0.006878	3945	17	0.004309	4270	35	0.008197	781	6	0.007682	1437	7	0.004871	3466	22	0.006347	3666	27	0.007365	3729	20	0.005363	1158	4	0.003454	1378	4	0.002903	447	6	0.013423
XM_03025 67144	Lrrc40	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 67171	Dram2	chr3	1.07E+08	1.07E+08	2458	16	0.006509	1970	11	0.005584	2610	11	0.004215	517	1	0.001934	833	2	0.002401	2800	17	0.006071	2582	13	0.005035	2176	24	0.011029	658	1	0.00152	865	2	0.002312	472	1	0.002119
XM_03025 67778	Zfp639	chr3	32510598	32520780	2055	22	0.010706	2114	44	0.020814	1863	33	0.017713	206	5	0.024272	737	0	0	1949	24	0.012314	2139	13	0.006078	2487	21	0.008444	223	2	0.008969	834	9	0.010791	74	0	0
XM_03025 67778	Zfp639	chr3	32510264	32520780	2055	22	0.010706	2114	44	0.020814	1863	33	0.017713	206	5	0.024272	737	0	0	1949	24	0.012314	2139	13	0.006078	2487	21	0.008444	223	2	0.008969	834	9	0.010791	74	0	0
XM_03025 67845	Rnf115	chr3	96727672	96791153	3181	37	0.011632	2781	16	0.005753	2934	18	0.006135	244	1	0.004098	895	4	0.004469	3295	33	0.010015	3033	16	0.005275	3001	22	0.007331	679	2	0.002946	777	3	0.003861	273	0	0
XM_03025 67860	S100a16	chr3	90538892	90543151	138	53	0.384058	97	26	0.268041	152	50	0.328947	#N/A	#N/A	#N/A	34	19	0.558824	258	114	0.44186	205	67	0.326829	127	42	0.330709	15	4	0.266667	25	6	0.24	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68279	Mcoln2	chr3	1.46E+08	1.46E+08	2861	187	0.065362	2618	120	0.045837	2975	184	0.061849	495	16	0.032323	1058	71	0.067108	3136	201	0.064094	2979	200	0.067137	2587	120	0.046386	649	46	0.070878	807	39	0.048327	338	23	0.068047
XM_03025 68521	Fam189b	chr3	89183175	89189291	1064	629	0.591165	1100	606	0.550909	952	532	0.558824	157	22	0.140127	485	346	0.713402	1180	678	0.574576	1108	599	0.540614	1215	672	0.553086	331	178	0.537764	486	329	0.676955	30	1	0.033333
XM_03025 68521	Fam189b	chr3	89183172	89189291	1064	629	0.591165	1100	606	0.550909	952	532	0.558824	157	22	0.140127	485	346	0.713402	1180	678	0.574576	1108	599	0.540614	1215	672	0.553086	331	178	0.537764	486	329	0.676955	30	1	0.033333
XM_03025 68521	Fam189b	chr3	89183618	89189291	1064	629	0.591165	1100	606	0.550909	952	532	0.558824	157	22	0.140127	485	346	0.713402	1193	681	0.57083	1108	599	0.540614	1215	672	0.553086	331	178	0.537764	486	329	0.676955	30	1	0.033333
XM_03025 68563	Dpm3	chr3	89257065	89267079	46	40	0.869565	20	19	0.95	37	34	0.918919	21	19	0.904762	20	19	0.95	60	49	0.816667	45	37	0.822222	34	26	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A	21	16	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68603	Pmvk	chr3	89461233	89469014	190	180	0.947368	146	140	0.958904	148	141	0.952703	47	45	0.957447	79	76	0.962025	175	166	0.948571	120	91	0.758333	154	143	0.928571	12	9	0.75	78	74	0.948718	50	48	0.96
XM_03025 68723	Hrnr	chr3	93319749	93333566	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68723	Hrnr	chr3	93319749	93333566	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68810	Nexn	chr3	1.52E+08	1.52E+08	2779	782	0.281396	2281	711	0.311705	3002	719	0.239507	343	153	0.446064	963	370	0.384216	3224	879	0.272643	2711	652	0.240502	2634	709	0.269172	644	224	0.347826	1041	294	0.282421	93	25	0.268817
XM_03025 68911	Pygo2	chr3	89430114	89435131	2049	15	0.007321	1295	9	0.00695	1757	9	0.005122	267	2	0.007491	772	2	0.002591	2301	13	0.00565	1839	9	0.004894	2100	14	0.006667	632	0	0	899	2	0.002225	130	0	0
XM_03025 68911	Pygo2	chr3	89430281	89435131	2049	15	0.007321	1295	9	0.00695	1757	9	0.005122	267	2	0.007491	772	2	0.002591	2301	13	0.00565	1839	9	0.004894	2100	14	0.006667	632	0	0	899	2	0.002225	130	0	0
XM_03025 68957	Paqr6	chr3	88364078	88368541	723	148	0.204703	689	118	0.171263	700	131	0.187143	90	9	0.1	192	64	0.333333	645	215	0.333333	636	155	0.243711	691	188	0.272069	264	34	0.128788	311	93	0.299035	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68957	Paqr6	chr3	88364560	88368541	752	172	0.228723	724	145	0.200276	714	138	0.193277	90	9	0.1	204	75	0.367647	671	238	0.354694	636	155	0.243711	717	210	0.292887	276	46	0.166667	311	93	0.299035	10	10	1
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69207	Srsf11	chr3	1.58E+08	1.58E+08	923	3	0.00325	1099	4	0.00364	968	12	0.012397	245	0	0	583	6	0.010292	1081	5	0.004625	1056	9	0.008523	938	5	0.00533	311	0	0	539	1	0.001855	78	2	0.025641
XM_03025 69219	Ddah1	chr3	1.46E+08	1.46E+08	22	21	0.954545	10	10	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	65	57	0.876923	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 69257	Elf2	chr3	51255285	51340654	12545	76	0.006058	12442	94	0.007555	14110	94	0.006662	1753	5	0.002852	2923	6	0.002053	13311	85	0.006386	12058	76	0.006303	13005	63	0.004844	3574	14	0.003917	3829	28	0.007313	785	0	0
XM_03025 69257	Elf2	chr3	51255285	51340261	12545	76	0.006058	12442	94	0.007555	14110	94	0.006662	1773	5	0.00282	2949	6	0.002035	13331	88	0.006601	12058	76	0.006303	13005	63	0.004844	3574	14	0.003917	3863	29	0.007507	805	1	0.001242
XM_03025 69257	Elf2	chr3	51255285	51277651	7219	53	0.007342	7268	47	0.006467	7705	47	0.0061	1183	2	0.001691	1829	13	0.007108	6953	28	0.004027	7093	37	0.005216	7772	54	0.006948	1418	5	0.003526	2269	2	0.000881	751	0	0
XM_03025 69257	Elf2	chr3	51255285	51340504	12545	76	0.006058	12442	94	0.007555	14110	94	0.006662	1753	5	0.002852	2923	6	0.002053	13311	85	0.006386	12058	76	0.006303	13005	63	0.004844	3574	14	0.003917	3829	28	0.007313	785	0	0
XM_03025 213464	Rbbp5	chr1	1.32E+08	1.33E+08	1417	14	0.00988	1385	7	0.005054	1372	10	0.007289	195	5	0.025641	547	1	0.001828	1338	6	0.004484	1062	22	0.020716	1302	34	0.026114	420	3	0.007143	478	8	0.016736	154	1	0.006494
XM_03025 69608	Sec24d	chr3	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 69608	Sec24d	chr3	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 69870	Polr3gl	chr3	96577872	96582570	541	459	0.848429	554	495	0.893502	630	533	0.846032	151	128	0.847682	219	196	0.894977	881	787	0.893303	554	495	0.893502	618	560	0.906149	120	106	0.883333	250	226	0.904	70	58	0.828571
XM_03025 70099	Smc4	chr3	69004876	69034623	1864	12	0.006438	1581	15	0.009488	1663	10	0.006013	110	1	0.009091	579	3	0.005181	1934	19	0.009824	1652	15	0.00908	1768	23	0.013009	346	1	0.00289	620	3	0.004839	212	1	0.004717
XM_03025 70099	Smc4	chr3	69004889	69034623	1884	12	0.006369	1581	15	0.009488	1663	10	0.006013	110	1	0.009091	579	3	0.005181	1934	19	0.009824	1674	15	0.008961	1794	23	0.012821	346	1	0.00289	620	3	0.004839	212	1	0.004717
XM_03025 70099	Smc4	chr3	69009907	69034623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70560	Wars2	chr3	99141144	99221230	648	3	0.00463	668	12	0.017964	809	9	0.011125	60	0	0	272	1	0.003676	708	3	0.004237	737	2	0.002714	562	7	0.012456	270	1	0.003704	347	0	0	97	0	0
XM_03025 70652	Tmem144	chr3	79812564	79852786	106	67	0.632075	93	67	0.72043	99	62	0.626263	75	48	0.64	34	23	0.676471	150	108	0.72	129	94	0.728682	93	63	0.677419	10	9	0.9	36	19	0.527778	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70737	Cgn	chr3	94760069	94787725	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70762	Dclk2	chr3	86786151	86920946	4731	212	0.044811	3994	164	0.041062	4572	180	0.03937	720	43	0.059722	1753	124	0.070736	4625	203	0.043892	4201	141	0.033563	3877	161	0.041527	1168	30	0.025685	1568	98	0.0625	299	36	0.120401
XM_03025 70762	Dclk2	chr3	86786152	86920776	5176	232	0.044822	4499	176	0.03912	5080	192	0.037795	820	47	0.057317	2039	141	0.069152	5091	234	0.045963	4479	153	0.034159	4288	175	0.040812	1236	36	0.029126	1775	107	0.060282	309	36	0.116505
XM_03025 70762	Dclk2	chr3	86786152	86920906	4850	217	0.044742	4109	167	0.040642	4711	185	0.03927	760	44	0.057895	1819	125	0.068719	4732	220	0.046492	4269	146	0.0342	3983	165	0.041426	1180	33	0.027966	1620	104	0.064198	299	36	0.120401
XM_03025 70762	Dclk2	chr3	86786152	86920930	4800	216	0.045	4055	165	0.040691	4662	184	0.039468	740	44	0.059459	1792	124	0.069196	4699	216	0.045967	4258	146	0.034288	3944	165	0.041836	1180	33	0.027966	1595	102	0.06395	299	36	0.120401
XM_03025 70762	Dclk2	chr3	86786152	86920933	4800	216	0.045	4055	165	0.040691	4662	184	0.039468	740	44	0.059459	1792	124	0.069196	4699	216	0.045967	4258	146	0.034288	3944	165	0.041836	1180	33	0.027966	1595	102	0.06395	299	36	0.120401
XM_03025 70762	Dclk2	chr3	86786152	86920930	4800	216	0.045	4055	165	0.040691	4662	184	0.039468	740	44	0.059459	1792	124	0.069196	4699	216	0.045967	4258	146	0.034288	3944	165	0.041836	1180	33	0.027966	1595	102	0.06395	299	36	0.120401
XM_03025 71643	Zgrf1	chr3	1.28E+08	1.28E+08	1158	11	0.009499	1113	1	0.000898	1406	5	0.003556	219	1	0.004566	377	4	0.01061	990	9	0.009091	1007	2	0.001986	877	6	0.006842	270	0	0	287	2	0.006969	105	0	0
XM_03025 71643	Zgrf1	chr3	1.28E+08	1.28E+08	36	35	0.972222	24	23	0.958333	50	48	0.96	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	48	45	0.9375	58	55	0.948276	70	69	0.985714	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 71710	Lrrcc1	chr3	14533762	14572658	874	10	0.011442	812	4	0.004926	807	5	0.006196	54	1	0.018519	377	2	0.005305	674	5	0.007418	771	1	0.001297	752	3	0.003989	154	0	0	219	2	0.009132	22	0	0
XM_03025 71807	Tars2	chr3	95739974	95756365	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 71807	Tars2	chr3	95739974	95754871	441	2	0.004535	270	2	0.007407	453	4	0.00883	119	1	0.008403	140	37	0.264286	633	4	0.006319	463	2	0.00432	395	0	0	120	0	0	121	1	0.008264	68	0	0
XM_03025 71862	Gpr160	chr3	30855827	30897190	1921	9	0.004685	1464	10	0.006831	1694	9	0.005313	125	0	0	838	7	0.008353	1734	7	0.004037	1531	5	0.003266	1107	12	0.01084	516	1	0.001938	718	1	0.001393	190	0	0
XM_03025 71862	Gpr160	chr3	30855934	30897190	1921	9	0.004685	1464	10	0.006831	1694	9	0.005313	125	0	0	838	7	0.008353	1734	7	0.004037	1531	5	0.003266	1107	12	0.01084	516	1	0.001938	718	1	0.001393	190	0	0
XM_03025 71862	Gpr160	chr3	30855759	30897190	1921	9	0.004685	1464	10	0.006831	1704	17	0.009977	125	0	0	838	7	0.008353	1748	18	0.010297	1545	16	0.010356	1121	21	0.018733	516	1	0.001938	718	1	0.001393	190	0	0
XM_03025 71887	Ppm1j	chr3	1.05E+08	1.05E+08	2789	50	0.017928	3140	60	0.019108	3121	47	0.015059	213	10	0.046948	1093	26	0.023788	3215	42	0.013064	2673	25	0.009353	3350	59	0.017612	588	3	0.005102	960	26	0.027083	197	1	0.005076
XM_03025 71887	Ppm1j	chr3	1.05E+08	1.05E+08	2789	50	0.017928	3140	60	0.019108	3121	47	0.015059	213	10	0.046948	1093	26	0.023788	3215	42	0.013064	2673	25	0.009353	3350	59	0.017612	588	3	0.005102	960	26	0.027083	197	1	0.005076
XM_03025 21419	Tfap2b	chr1	19208908	19238577	37	0	0	32	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	33	3	0.090909	34	4	0.117647	34	0	0	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72007	Fndc3b	chr3	27416161	27710453	5990	47	0.007846	6132	46	0.007502	6333	55	0.008685	699	1	0.001431	2089	10	0.004787	6652	59	0.00887	5863	43	0.007334	6171	42	0.006806	1579	7	0.004433	2166	5	0.002308	582	3	0.005155
XM_03025 21419	Tfap2b	chr1	19209277	19238576	1002	29	0.028942	974	35	0.035934	1242	28	0.022544	149	7	0.04698	556	16	0.028777	903	42	0.046512	1165	88	0.075536	1108	49	0.044224	196	6	0.030612	231	10	0.04329	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72121	Dennd2d	chr3	1.06E+08	1.07E+08	607	32	0.052718	381	11	0.028871	552	12	0.021739	52	1	0.019231	239	3	0.012552	685	16	0.023358	655	23	0.035115	418	10	0.023923	181	6	0.033149	152	4	0.026316	76	3	0.039474
XM_03025 72162	Dhx36	chr3	62468015	62506988	1613	12	0.00744	1923	5	0.0026	1818	9	0.00495	240	11	0.045833	297	12	0.040404	1438	8	0.005563	1779	12	0.006745	1808	12	0.006637	390	3	0.007692	518	1	0.001931	193	1	0.005181
XM_03025 72162	Dhx36	chr3	62480831	62507034	1613	12	0.00744	1923	5	0.0026	1818	9	0.00495	240	11	0.045833	297	12	0.040404	1438	8	0.005563	1779	12	0.006745	1808	12	0.006637	390	3	0.007692	518	1	0.001931	193	1	0.005181
XM_03025 72607	Usp13	chr3	32817557	32938075	3384	70	0.020686	2775	37	0.013333	3378	59	0.017466	406	3	0.007389	907	22	0.024256	2685	108	0.040223	2737	211	0.077092	2577	109	0.042297	1080	30	0.027778	807	39	0.048327	156	13	0.083333
XM_03025 72634	Tdrkh	chr3	94413243	94432975	368	52	0.141304	383	61	0.159269	364	50	0.137363	101	29	0.287129	167	26	0.155689	383	99	0.258486	346	95	0.274566	366	71	0.193989	42	12	0.285714	140	22	0.157143	36	0	0
XM_03025 72634	Tdrkh	chr3	94413244	94434854	368	52	0.141304	383	61	0.159269	364	50	0.137363	101	29	0.287129	167	26	0.155689	383	99	0.258486	346	95	0.274566	366	71	0.193989	42	12	0.285714	140	22	0.157143	36	0	0
XM_03025 73852	D3Ertd751	chr3	41742606	41803307	1665	5	0.003003	1637	19	0.011607	1920	6	0.003125	281	2	0.007117	887	2	0.002255	1621	14	0.008637	1407	3	0.002132	1746	8	0.004582	460	0	0	628	6	0.009554	402	0	0
XM_03025 74245	Ctbs	chr3	1.46E+08	1.46E+08	669	50	0.074738	671	10	0.014903	701	62	0.088445	#N/A	#N/A	#N/A	386	44	0.11399	696	73	0.104885	757	88	0.116248	728	75	0.103022	229	2	0.008734	257	43	0.167315	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74252	Armc1	chr3	19132144	19163093	747	7	0.009371	870	8	0.009195	703	10	0.014225	101	0	0	173	1	0.00578	672	6	0.008929	769	2	0.002601	967	6	0.006205	110	0	0	150	0	0	78	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000404	90052517	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000404	90052480	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000404	90052480	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000404	90052333	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000404	90052480	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000140	90052517	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90000140	90052512	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74383	Ubap2l	chr3	90006354	90052512	1925	16	0.008312	1788	18	0.010067	2133	9	0.004219	281	1	0.003559	591	3	0.005076	2226	20	0.008985	1986	13	0.006546	1956	6	0.003067	765	2	0.002614	743	4	0.005384	116	0	0
XM_03025 74414	Polr3c	chr3	96711520	96727498	3181	37	0.011632	2781	16	0.005753	2934	18	0.006135	244	1	0.004098	895	4	0.004469	3295	33	0.010015	3033	16	0.005275	3001	22	0.007331	679	2	0.002946	777	3	0.003861	273	0	0
XM_03025 74414	Polr3c	chr3	96716512	96727498	3181	37	0.011632	2781	16	0.005753	2934	18	0.006135	244	1	0.004098	895	4	0.004469	3295	33	0.010015	3033	16	0.005275	3001	22	0.007331	679	2	0.002946	777	3	0.003861	273	0	0
XM_03025 74776	Ppa2	chr3	1.33E+08	1.33E+08	1875	287	0.153067	1960	233	0.118878	2209	244	0.110457	274	21	0.076642	864	90	0.104167	2422	435	0.179604	2121	221	0.104196	1740	158	0.090805	719	123	0.171071	593	37	0.062395	363	18	0.049587
XM_03025 74776	Ppa2	chr3	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75007	Mindy1	chr3	95286487	95296166	24	9	0.375	26	5	0.192308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	27	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75007	Mindy1	chr3	95283535	95296166	2420	8	0.003306	1952	10	0.005123	2279	8	0.00351	189	0	0	822	3	0.00365	2519	13	0.005161	2012	14	0.006958	2012	11	0.005467	660	0	0	670	7	0.010448	139	0	0
XM_03025 75015	4930503B2	chr3	1.47E+08	1.47E+08	666	19	0.028529	783	24	0.030651	806	21	0.026055	44	0	0	193	10	0.051813	737	29	0.039349	822	38	0.046229	835	32	0.038323	336	9	0.026786	319	25	0.07837	176	20	0.113636
XM_03025 75015	4930503B2	chr3	1.47E+08	1.47E+08	666	19	0.028529	783	24	0.030651	806	21	0.026055	44	0	0	193	10	0.051813	737	29	0.039349	822	38	0.046229	835	32	0.038323	336	9	0.026786	319	25	0.07837	176	20	0.113636
XM_03025 75137	Rprd2	chr3	95759871	95819263	1135	6	0.005286	629	2	0.00318	874	10	0.011442	42	1	0.02381	377	0	0	978	6	0.006135	978	3	0.003067	635	3	0.004724	347	0	0	399	0	0	189	1	0.005291
XM_03025 214575	Tdrd5	chr1	1.56E+08	1.56E+08	2873	105	0.036547	2307	117	0.050715	2803	104	0.037103	511	46	0.09002	565	57	0.100885	2841	171	0.06019	2508	140	0.055821	2562	132	0.051522	769	87	0.113134	716	61	0.085196	262	30	0.114504
XM_03025 75740	Egfem1	chr3	29310965	29691058	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75740	Egfem1	chr3	29153577	29691058	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75740	Egfem1	chr3	29424333	29691058	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75778	Them4	chr3	94310247	94332540	485	4	0.008247	319	5	0.015674	286	1	0.003497	#N/A	#N/A	#N/A	166	13	0.078313	449	1	0.002227	548	2	0.00365	423	1	0.002364	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76089	Rapgef2	chr3	79062511	79144809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 214742	Rcor3	chr1	1.92E+08	1.92E+08	4973	18	0.00362	4690	22	0.004691	5145	28	0.005442	949	2	0.002107	1558	8	0.005135	6187	38	0.006142	5049	19	0.003763	5141	25	0.004863	1085	9	0.008295	1651	4	0.002423	561	0	0
XM_03025 76295	Atp11b	chr3	35754128	35856276	4312	31	0.007189	4671	37	0.007921	5106	36	0.007051	418	2	0.004785	1159	5	0.004314	4360	33	0.007569	4023	31	0.007706	4684	17	0.003629	1074	4	0.003724	698	2	0.002865	311	0	0
XM_03025 214742	Rcor3	chr1	1.92E+08	1.92E+08	4973	18	0.00362	4690	22	0.004691	5145	28	0.005442	949	2	0.002107	1558	8	0.005135	6187	38	0.006142	5049	19	0.003763	5141	25	0.004863	1085	9	0.008295	1651	4	0.002423	561	0	0
XM_03025 76295	Atp11b	chr3	35778071	35856276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76295	Atp11b	chr3	35788509	35856276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 214742	Rcor3	chr1	1.92E+08	1.92E+08	4973	18	0.00362	4690	22	0.004691	5145	28	0.005442	949	2	0.002107	1558	8	0.005135	6187	38	0.006142	5049	19	0.003763	5141	25	0.004863	1085	9	0.008295	1651	4	0.002423	561	0	0
XM_03025 76742	Snx27	chr3	94497544	94582736	3246	20	0.006161	3113	32	0.010279	3360	24	0.007143	522	0	0	1181	6	0.00508	3173	33	0.0104	2721	22	0.008085	2592	15	0.005787	1009	2	0.001982	798	1	0.001253	140	1	0.007143
XM_03025 76742	Snx27	chr3	94497544	94582736	3246	20	0.006161	3113	32	0.010279	3360	24	0.007143	522	0	0	1181	6	0.00508	3173	33	0.0104	2721	22	0.008085	2592	15	0.005787	1009	2	0.001982	798	1	0.001253	140	1	0.007143
XM_03025 76893	Cers2	chr3	95315399	95323588	2599	12	0.004617	2312	18	0.007785	2769	18	0.006501	466	1	0.002146	808	0	0	2767	13	0.004698	2631	17	0.006461	2831	13	0.004592	893	5	0.005599	822	4	0.004866	334	0	0
XM_03025 76897	Ralyl	chr3	13946261	14181980	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76897	Ralyl	chr3	13946237	14133780	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76897	Ralyl	chr3	13946231	14181980	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XM_03025 76927	Tsacc	chr3	88282752	88296911	138	20	0.144928	81	11	0.135802	116	21	0.181034	#N/A	#N/A	#N/A	77	9	0.116883	192	26	0.135417	164	14	0.085366	151	14	0.092715	51	3	0.058824	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76927	Tsacc	chr3	88282752	88295421	90	1	0.011111	36	1	0.027778	84	1	0.011905	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	123	0	0	122	0	0	114	0	0	36	0	0	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 77018	Col25a1	chr3	1.3E+08	1.31E+08	1308	271	0.207187	1071	186	0.173669	1551	282	0.181818	167	39	0.233533	392	126	0.321429	1115	221	0.198206	1178	233	0.197793	959	233	0.242961	153	67	0.437908	435	108	0.248276	136	33	0.242647
XM_03025 214742	Rcor3	chr1	1.92E+08	1.92E+08	4973	18	0.00362	4690	22	0.004691	5145	28	0.005442	949	2	0.002107	1558	8	0.005135	6187	38	0.006142	5049	19	0.003763	5141	25	0.004863	1085	9	0.008295	1651	4	0.002423	561	0	0
XM_03025 77018	Col25a1	chr3	1.3E+08	1.31E+08	1308	271	0.207187	1071	186	0.173669	1551	282	0.181818	167	39	0.233533	392	126	0.321429	1115	221	0.198206	1178	233	0.197793	959	233	0.242961	153	67	0.437908	435	108	0.248276	136	33	0.242647
XM_03025 77018	Col25a1	chr3	1.3E+08	1.31E+08	1308	271	0.207187	1071	186	0.173669	1551	282	0.181818	167	39	0.233533	392	126	0.321429	1115	221	0.198206	1178	233	0.197793	959	233	0.242961	153	67	0.437908	435	108	0.248276	136	33	0.242647
XM_03025 77018	Col25a1	chr3	1.3E+08	1.31E+08	1308	271	0.207187	1071	186	0.173669	1551	282	0.181818	167	39	0.233533	392	126	0.321429	1115	221	0.198206	1178	233	0.197793	959	233	0.242961	153	67	0.437908	435	108	0.248276	136	33	0.242647
XM_03025 77018	Col25a1	chr3	1.3E+08	1.31E+08	1308	271	0.207187	1071	186	0.173669	1551	282	0.181818	167	39	0.233533	392	126	0.321429	1115	221	0.198206	1178	233	0.197793	959	233	0.242961	153	67	0.437908	435	108	0.248276	136	33	0.242647
XM_03025 214742	Rcor3	chr1	1.92E+08	1.92E+08	4973	18	0.00362	4690	22	0.004691	5145	28	0.005442	949	2	0.002107	1558	8	0.005135	6187	38	0.006142	5049	19	0.003763	5141	25	0.004863	1085	9	0.008295	1651	4	0.002423	561	0	0
XM_03025 77578	Bcl9	chr3	97203668	97298402	15	0	0	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	47	14	0.297872	13	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 77578	Bcl9	chr3	97203663	97298275	75	5	0.066667	60	8	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	1	0.02	103	14	0.135922	65	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	50	2	0.04	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015454	4170	39	0.009353	3503	28	0.007993	3974	48	0.012079	659	14	0.021244	1518	8	0.00527	4873	62	0.012723	3614	27	0.007471	4061	36	0.008865	1123	2	0.001781	1897	17	0.008962	463	4	0.008639
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015948	3064	16	0.005222	2437	15	0.006155	2809	17	0.006052	487	13	0.026694	996	2	0.002008	3609	41	0.01136	2676	19	0.0071	2971	17	0.005722	899	0	0	1356	11	0.008112	318	4	0.012579
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95014256	4291	80	0.018644	3592	58	0.016147	4090	84	0.020538	678	6	0.00885	1557	27	0.017341	5074	133	0.026212	3761	58	0.015421	4167	64	0.015359	1190	17	0.014286	1938	36	0.018576	463	4	0.008639
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015454	4170	39	0.009353	3503	28	0.007993	3974	48	0.012079	659	14	0.021244	1518	8	0.00527	4873	62	0.012723	3614	27	0.007471	4061	36	0.008865	1123	2	0.001781	1897	17	0.008962	463	4	0.008639
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015454	4170	39	0.009353	3503	28	0.007993	3974	48	0.012079	659	14	0.021244	1518	8	0.00527	4873	62	0.012723	3614	27	0.007471	4061	36	0.008865	1123	2	0.001781	1897	17	0.008962	463	4	0.008639
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015454	4170	39	0.009353	3503	28	0.007993	3974	48	0.012079	659	14	0.021244	1518	8	0.00527	4873	62	0.012723	3614	27	0.007471	4061	36	0.008865	1123	2	0.001781	1897	17	0.008962	463	4	0.008639
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015454	4170	39	0.009353	3503	28	0.007993	3974	48	0.012079	659	14	0.021244	1518	8	0.00527	4873	62	0.012723	3614	27	0.007471	4061	36	0.008865	1123	2	0.001781	1897	17	0.008962	463	4	0.008639
XM_03025 78266	Zfp687	chr3	94994674	95015454	4170	39	0.009353	3503	28	0.007993	3974	48	0.012079	659	14	0.021244	1518	8	0.00527	4873	62	0.012723	3614	27	0.007471	4061	36	0.008865	1123	2	0.001781	1897	17	0.008962	463	4	0.008639
XM_03025 78373	Nudt17	chr3	96706068	96708527	1493	112	0.075017	1410	79	0.056028	1552	101	0.065077	192	48	0.25	620	57	0.091935	1666	136	0.081633	1489	124	0.083277	1267	95	0.07498	467	38	0.08137	486	46	0.09465	113	25	0.221239
XM_03025 78373	Nudt17	chr3	96706068	96708909	1395	30	0.021505	1336	15	0.011228	1474	35	0.023745	138	2	0.014493	562	7	0.012456	1541	30	0.019468	1379	21	0.015228	1177	13	0.011045	420	6	0.014286	440	2	0.004545	85	0	0
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478306	94496786	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478314	94492191	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478285	94492191	275	38	0.138182	364	48	0.131868	308	69	0.224026	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	376	69	0.183511	288	34	0.118056	356	23	0.064607	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478315	94492191	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478309	94496786	275	38	0.138182	364	48	0.131868	298	60	0.201342	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	363	60	0.165289	272	19	0.069853	339	12	0.035398	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478285	94496786	275	38	0.138182	364	48	0.131868	308	69	0.224026	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	376	69	0.183511	288	34	0.118056	356	23	0.064607	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478285	94496786	275	38	0.138182	364	48	0.131868	308	69	0.224026	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	376	69	0.183511	288	34	0.118056	356	23	0.064607	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78784	Celf3	chr3	94478285	94496786	275	38	0.138182	364	48	0.131868	308	69	0.224026	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	376	69	0.183511	288	34	0.118056	356	23	0.064607	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	20	2	0.1
XM_03025 78908	Igsf3	chr3	1.01E+08	1.01E+08	4152	68	0.016378	3929	39	0.009926	4258	44	0.010333	550	1	0.001818	1070	8	0.007477	3976	45	0.011318	4080	42	0.010294	3912	56	0.014315	871	6	0.006889	1464	13	0.00888	337	3	0.008902
XM_03025 80281	Cttnbp2nl	chr3	1.05E+08	1.05E+08	2735	89	0.032541	2405	74	0.030769	2613	87	0.033295	343	10	0.029155	851	49	0.057579	3006	91	0.030273	2760	58	0.021014	2740	84	0.030657	930	26	0.027957	1088	30	0.027574	270	2	0.007407
XM_03025 80890	Trim2	chr3	84160439	84304750	94	34	0.361702	82	24	0.292683	104	24	0.230769	20	1	0.05	96	3	0.03125	248	53	0.21371	142	10	0.070423	104	19	0.182692	#N/A	#N/A	#N/A	64	13	0.203125	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 80890	Trim2	chr3	84160439	84308352	442	388	0.877828	389	330	0.848329	427	364	0.852459	77	67	0.87013	173	149	0.861272	440	383	0.870455	367	279	0.760218	374	303	0.81016	147	119	0.809524	214	184	0.859813	103	92	0.893204
XM_03025 80890	Trim2	chr3	84160439	84222050	11	8	0.727273	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	24	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 81004	Tbl1xr1	chr3	22101744	22216594	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 81004	Tbl1xr1	chr3	22076767	22208109	6962	57	0.008187	6578	34	0.005169	8508	49	0.005759	937	6	0.006403	1686	15	0.008897	8567	55	0.00642	7012	43	0.006132	6718	35	0.00521	1747	8	0.004579	1681	2	0.00119	317	0	0
XM_03025 81004	Tbl1xr1	chr3	22077332	22216594	6962	57	0.008187	6578	34	0.005169	8508	49	0.005759	924	4	0.004329	1686	15	0.008897	8567	55	0.00642	7012	43	0.006132	6718	35	0.00521	1747	8	0.004579	1681	2	0.00119	317	0	0
XM_03025 83398	Ndst3	chr3	1.24E+08	1.24E+08	2384	70	0.029362	2395	36	0.015031	2802	42	0.014989	484	26	0.053719	647	36	0.055641	2257	94	0.041648	1889	86	0.045527	1745	59	0.033811	612	39	0.063725	749	47	0.06275	404	17	0.042079
XM_03025 83398	Ndst3	chr3	1.24E+08	1.24E+08	2384	70	0.029362	2395	36	0.015031	2802	42	0.014989	484	26	0.053719	647	36	0.055641	2257	94	0.041648	1889	86	0.045527	1745	59	0.033811	612	39	0.063725	749	47	0.06275	404	17	0.042079
XM_03025 214895	Lman2l	chr1	36418900	36445270	971	43	0.044284	576	6	0.010417	763	19	0.024902	30	0	0	536	9	0.016791	737	30	0.040706	469	4	0.008529	773	8	0.010349	311	30	0.096463	498	0	0	15	0	0
XM_03025 94212	Pag1	chr3	9687479	9769495	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 94212	Pag1	chr3	9791098	9833684	2548	19	0.007457	2337	16	0.006846	2557	20	0.007822	515	2	0.003883	724	11	0.015193	2580	23	0.008915	2335	23	0.00985	2263	22	0.009722	510	5	0.009804	790	6	0.007595	152	0	0
XM_03025 94212	Pag1	chr3	9791098	9833684	2548	19	0.007457	2337	16	0.006846	2557	20	0.007822	515	2	0.003883	724	11	0.015193	2580	23	0.008915	2335	23	0.00985	2263	22	0.009722	510	5	0.009804	790	6	0.007595	152	0	0
XM_03025 94232	Ubqln4	chr3	88553939	88569719	1629	23	0.014119	1300	17	0.013077	1429	5	0.003499	181	10	0.055249	642	21	0.03271	2100	48	0.022857	1858	30	0.016146	1865	29	0.01555	424	0	0	670	15	0.022388	50	0	0
XM_03025 97086	Slc9b2	chr3	1.35E+08	1.35E+08	28	3	0.107143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	8	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	30	2	0.066667	53	1	0.018868	#N/A	#N/A	#N/A	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 97086	Slc9b2	chr3	1.35E+08	1.35E+08	28	3	0.107143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	8	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	30	2	0.066667	53	1	0.018868	#N/A	#N/A	#N/A	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99512	Wdr47	chr3	1.09E+08	1.09E+08	2171	12	0.005527	2019	17	0.00842	2244	15	0.006684	345	2	0.005797	774	1	0.001292	2227	13	0.005837	2007	19	0.009467	1843	13	0.007054	708	6	0.008475	862	2	0.00232	85	1	0.011765
XM_03025 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_03025 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_03025 99526	Usp53	chr3	1.23E+08	1.23E+08	3691	36	0.009753	3219	58	0.018018	3337	46	0.013785	422	3	0.007109	1393	30	0.021536	3855	52	0.013489	4107	50	0.012174	3696	51	0.013799	782	45	0.057545	1166	29	0.024871	387	1	0.002584
XM_03025 215193	Utp25	chr1	1.93E+08	1.93E+08	1782	155	0.086981	1498	165	0.110147	1711	147	0.085915	492	48	0.097561	777	76	0.097812	2041	160	0.078393	1467	100	0.068166	1552	114	0.073454	813	37	0.04551	548	52	0.094891	350	8	0.022857
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	8786	80	0.009105	8493	55	0.006476	9114	85	0.009326	1831	11	0.006008	2755	11	0.003993	9259	79	0.008532	9120	72	0.007895	9210	58	0.006298	2507	5	0.001994	3013	16	0.00531	949	4	0.004215
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	8786	80	0.009105	8493	55	0.006476	9114	85	0.009326	1831	11	0.006008	2755	11	0.003993	9259	79	0.008532	9120	72	0.007895	9210	58	0.006298	2507	5	0.001994	3013	16	0.00531	949	4	0.004215
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 99633	Adgrl2	chr3	1.49E+08	1.49E+08	10019	95	0.009482	9379	61	0.006504	10189	90	0.008833	2058	12	0.005831	3198	12	0.003752	10549	91	0.008626	10127	77	0.007603	10184	62	0.006088	2886	7	0.002426	3297	19	0.005763	1055	4	0.003791
XM_03025 215303	Camk1g	chr1	1.93E+08	1.93E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 99887	Tlcd4	chr3	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 115489673	LOC11548	chr3	8666924	8669688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 215378	Brinp3	chr1	1.46E+08	1.47E+08	85	1	0.011765	173	5	0.028902	89	2	0.022472	36	4	0.111111	78	2	0.025641	42	0	0	26	2	0.076923	63	2	0.031746	#N/A	#N/A	#N/A	104	3	0.028846	55	2	0.036364
XM_03025 215690	Nav1	chr1	1.35E+08	1.36E+08	3746	154	0.041111	3244	151	0.046547	3628	126	0.03473	809	13	0.016069	1012	74	0.073123	3414	163	0.047745	3000	108	0.036	3130	97	0.03099	972	35	0.036008	1076	36	0.033457	464	12	0.025862
XM_03025 215690	Nav1	chr1	1.35E+08	1.36E+08	3746	154	0.041111	3244	151	0.046547	3628	126	0.03473	809	13	0.016069	1012	74	0.073123	3414	163	0.047745	3000	108	0.036	3130	97	0.03099	972	35	0.036008	1076	36	0.033457	464	12	0.025862
XM_03025 115489690	Gm52606	chr3	67419153	67422563	230	221	0.96087	216	213	0.986111	185	181	0.978378	#N/A	#N/A	#N/A	143	132	0.923077	150	148	0.986667	242	227	0.938017	334	296	0.886228	#N/A	#N/A	#N/A	84	76	0.904762	44	42	0.954545
XM_03025 21749	Terf1	chr1	15805546	15822260	951	4	0.004206	1199	3	0.002502	1095	7	0.006393	97	0	0	568	2	0.003521	1317	14	0.01063	1396	6	0.004298	1299	6	0.004619	525	0	0	744	2	0.002688	166	0	0
XM_03025 115489698	Gm52612	chr3	1.01E+08	1.01E+08	1049	43	0.040991	1186	12	0.010118	1114	38	0.034111	86	0	0	107	1	0.009346	935	91	0.097326	1014	99	0.097633	1146	84	0.073298	170	6	0.035294	282	1	0.003546	39	0	0
XM_03025 21808	Tgfb2	chr1	1.87E+08	1.87E+08	221	206	0.932127	223	213	0.955157	205	198	0.965854	#N/A	#N/A	#N/A	232	219	0.943966	349	342	0.979943	200	189	0.945	185	172	0.92973	92	85	0.923913	177	159	0.898305	11	11	1
XM_03025 115489720	Gm37116	chr3	88284402	88284798	163	158	0.969325	143	137	0.958042	142	140	0.985915	10	10	1	170	162	0.952941	134	126	0.940299	95	87	0.915789	42	39	0.928571	45	40	0.888889	153	142	0.928105	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100861784	Gm6098	chr3	74242261	74331910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	60	32	0.533333	42	25	0.595238	70	48	0.685714	10	7	0.7	36	21	0.583333	89	40	0.449438	69	36	0.521739	66	27	0.409091	26	8	0.307692	39	20	0.512821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	42	32	0.761905	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	33	0.785714	32	16	0.5	24	13	0.541667	11	1	0.090909	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	21	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	60	32	0.533333	42	25	0.595238	70	48	0.685714	10	7	0.7	36	21	0.583333	89	40	0.449438	69	36	0.521739	66	27	0.409091	26	8	0.307692	39	20	0.512821	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21960	Tnr	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 115489748	LOC11548	chr3	95314744	95315796	2599	12	0.004617	2312	18	0.007785	2769	18	0.006501	466	1	0.002146	808	0	0	2767	13	0.004698	2611	9	0.003447	2831	13	0.004592	893	5	0.005599	822	4	0.004866	334	0	0
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	74124530	3615	84	0.023237	3006	85	0.028277	3419	58	0.016964	321	1	0.003115	864	30	0.034722	3103	60	0.019336	3036	30	0.009881	3443	69	0.020041	792	15	0.018939	638	17	0.026646	132	2	0.015152
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	74091346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	74108416	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	74037183	572	66	0.115385	357	57	0.159664	420	63	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	172	11	0.063953	572	43	0.075175	595	68	0.114286	593	50	0.084317	96	1	0.010417	108	2	0.018519	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	73963049	88	62	0.704545	49	38	0.77551	54	41	0.759259	33	24	0.727273	41	33	0.804878	151	110	0.728477	89	66	0.741573	71	51	0.71831	34	24	0.705882	33	29	0.878788	20	19	0.95
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	73963049	88	62	0.704545	49	38	0.77551	54	41	0.759259	33	24	0.727273	41	33	0.804878	151	110	0.728477	89	66	0.741573	71	51	0.71831	34	24	0.705882	33	29	0.878788	20	19	0.95
XM_03025 21961	Tns1	chr1	73910232	73963049	88	62	0.704545	49	38	0.77551	54	41	0.759259	33	24	0.727273	41	33	0.804878	151	110	0.728477	89	66	0.741573	71	51	0.71831	34	24	0.705882	33	29	0.878788	20	19	0.95
XM_03025 100039089	Mup13	chr4	61224308	61228252	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100039863	Gm13306	chr4	42154435	42158841	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100040048	Ccl27b	chr4	42650998	42656000	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100040048	Ccl27b	chr4	42650609	42656000	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22099	Tsn	chr1	1.18E+08	1.18E+08	1765	6	0.003399	2057	15	0.007292	2093	9	0.0043	587	4	0.006814	1039	13	0.012512	1714	8	0.004667	1912	6	0.003138	1622	12	0.007398	720	2	0.002778	802	10	0.012469	230	0	0
XM_03025 100040843	Cyp4a32	chr4	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041658	Mup7	chr4	60066470	60070473	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041677	Zfp984	chr4	1.48E+08	1.48E+08	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100041687	Mup8	chr4	60218620	60222565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100043034	Rex2	chr4	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	34	30	0.882353	30	15	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	249	209	0.839357	228	201	0.881579	243	221	0.909465	36	31	0.861111	115	103	0.895652	290	226	0.77931	288	238	0.826389	278	221	0.794964	112	82	0.732143	151	119	0.788079	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	813	71	0.087331	691	54	0.078148	905	79	0.087293	172	12	0.069767	382	41	0.10733	779	67	0.086008	726	29	0.039945	701	11	0.015692	319	33	0.103448	309	18	0.058252	172	13	0.075581
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	1550	291	0.187742	1074	201	0.187151	1394	262	0.187948	198	33	0.166667	359	114	0.317549	1604	366	0.22818	1458	260	0.178326	1169	202	0.172797	365	71	0.194521	494	86	0.174089	120	22	0.183333
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	813	71	0.087331	691	54	0.078148	905	79	0.087293	172	12	0.069767	382	41	0.10733	779	67	0.086008	726	29	0.039945	701	11	0.015692	319	33	0.103448	309	18	0.058252	172	13	0.075581
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	1550	291	0.187742	1074	201	0.187151	1394	262	0.187948	198	33	0.166667	359	114	0.317549	1604	366	0.22818	1458	260	0.178326	1169	202	0.172797	365	71	0.194521	494	86	0.174089	120	22	0.183333
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	813	71	0.087331	691	54	0.078148	905	79	0.087293	172	12	0.069767	382	41	0.10733	779	67	0.086008	726	29	0.039945	701	11	0.015692	319	33	0.103448	309	18	0.058252	172	13	0.075581
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	1550	291	0.187742	1074	201	0.187151	1394	262	0.187948	198	33	0.166667	359	114	0.317549	1604	366	0.22818	1458	260	0.178326	1169	202	0.172797	365	71	0.194521	494	86	0.174089	120	22	0.183333
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	813	71	0.087331	691	54	0.078148	905	79	0.087293	172	12	0.069767	382	41	0.10733	779	67	0.086008	726	29	0.039945	701	11	0.015692	319	33	0.103448	309	18	0.058252	172	13	0.075581
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	1550	291	0.187742	1074	201	0.187151	1394	262	0.187948	198	33	0.166667	359	114	0.317549	1604	366	0.22818	1458	260	0.178326	1169	202	0.172797	365	71	0.194521	494	86	0.174089	120	22	0.183333
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	813	71	0.087331	691	54	0.078148	905	79	0.087293	172	12	0.069767	382	41	0.10733	779	67	0.086008	726	29	0.039945	701	11	0.015692	319	33	0.103448	309	18	0.058252	172	13	0.075581
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	1550	291	0.187742	1074	201	0.187151	1394	262	0.187948	198	33	0.166667	359	114	0.317549	1604	366	0.22818	1458	260	0.178326	1169	202	0.172797	365	71	0.194521	494	86	0.174089	120	22	0.183333
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	6035	79	0.01309	6941	79	0.011382	6515	71	0.010898	1122	12	0.010695	2305	23	0.009978	6311	170	0.026937	5724	169	0.029525	5438	121	0.022251	1960	54	0.027551	2319	63	0.027167	567	57	0.100529
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.51E+08	1550	291	0.187742	1074	201	0.187151	1394	262	0.187948	198	33	0.166667	359	114	0.317549	1604	366	0.22818	1458	260	0.178326	1169	202	0.172797	365	71	0.194521	494	86	0.174089	120	22	0.183333
XM_03025 100072	Camta1	chr4	1.51E+08	1.52E+08	10404	58	0.005575	10738	92	0.008568	10793	88	0.008153	1450	4	0.002759	3243	16	0.004934	10630	68	0.006397	10641	74	0.006954	12505	92	0.007357	3790	12	0.003166	2560	5	0.001953	929	3	0.003229
XM_03025 100121	Tdrd7	chr4	45972524	46034753	2698	16	0.00593	2552	13	0.005094	2674	16	0.005984	614	0	0	924	2	0.002165	3146	25	0.007947	2328	9	0.003866	2716	19	0.006996	982	0	0	1031	13	0.012609	324	0	0
XM_03025 100121	Tdrd7	chr4	45972198	46034755	2698	16	0.00593	2552	13	0.005094	2674	16	0.005984	614	0	0	924	2	0.002165	3146	25	0.007947	2328	9	0.003866	2716	19	0.006996	982	0	0	1031	13	0.012609	324	0	0
XM_03025 100121	Tdrd7	chr4	45972208	46034766	2698	16	0.00593	2552	13	0.005094	2674	16	0.005984	614	0	0	924	2	0.002165	3146	25	0.007947	2328	9	0.003866	2716	19	0.006996	982	0	0	1031	13	0.012609	324	0	0
XM_03025 22278	Usf1	chr1	1.71E+08	1.71E+08	2759	12	0.004349	2617	12	0.004585	2726	10	0.003668	168	0	0	792	8	0.010101	3051	14	0.004589	2515	7	0.002783	3119	13	0.004168	827	4	0.004837	958	4	0.004175	227	0	0
XM_03025 22278	Usf1	chr1	1.71E+08	1.71E+08	2759	12	0.004349	2617	12	0.004585	2726	10	0.003668	168	0	0	792	8	0.010101	3051	14	0.004589	2515	7	0.002783	3119	13	0.004168	827	4	0.004837	958	4	0.004175	227	0	0
XM_03025 100163	Pafah2	chr4	1.34E+08	1.34E+08	83	28	0.337349	51	39	0.764706	62	32	0.516129	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	85	39	0.458824	77	30	0.38961	67	36	0.537313	#N/A	#N/A	#N/A	17	13	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22278	Usf1	chr1	1.71E+08	1.71E+08	2759	12	0.004349	2617	12	0.004585	2726	10	0.003668	168	0	0	792	8	0.010101	3051	14	0.004589	2515	7	0.002783	3119	13	0.004168	827	4	0.004837	958	4	0.004175	227	0	0
XM_03025 100213	Rusc2	chr4	43377202	43427088	11	9	0.818182	25	23	0.92	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	45	41	0.911111	18	17	0.944444	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	39	38	0.974359	22	14	0.636364
XM_03025 100273	Osbpl9	chr4	1.09E+08	1.09E+08	670	2	0.002985	639	3	0.004695	640	2	0.003125	121	0	0	241	1	0.004149	630	2	0.003175	549	4	0.007286	714	0	0	265	0	0	162	0	0	56	0	0
XM_03025 100273	Osbpl9	chr4	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100273	Osbpl9	chr4	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 100273	Osbpl9	chr4	1.09E+08	1.09E+08	981	8	0.008155	805	3	0.003727	951	3	0.003155	209	0	0	369	1	0.00271	952	6	0.006303	803	4	0.004981	803	0	0	353	0	0	162	0	0	56	0	0

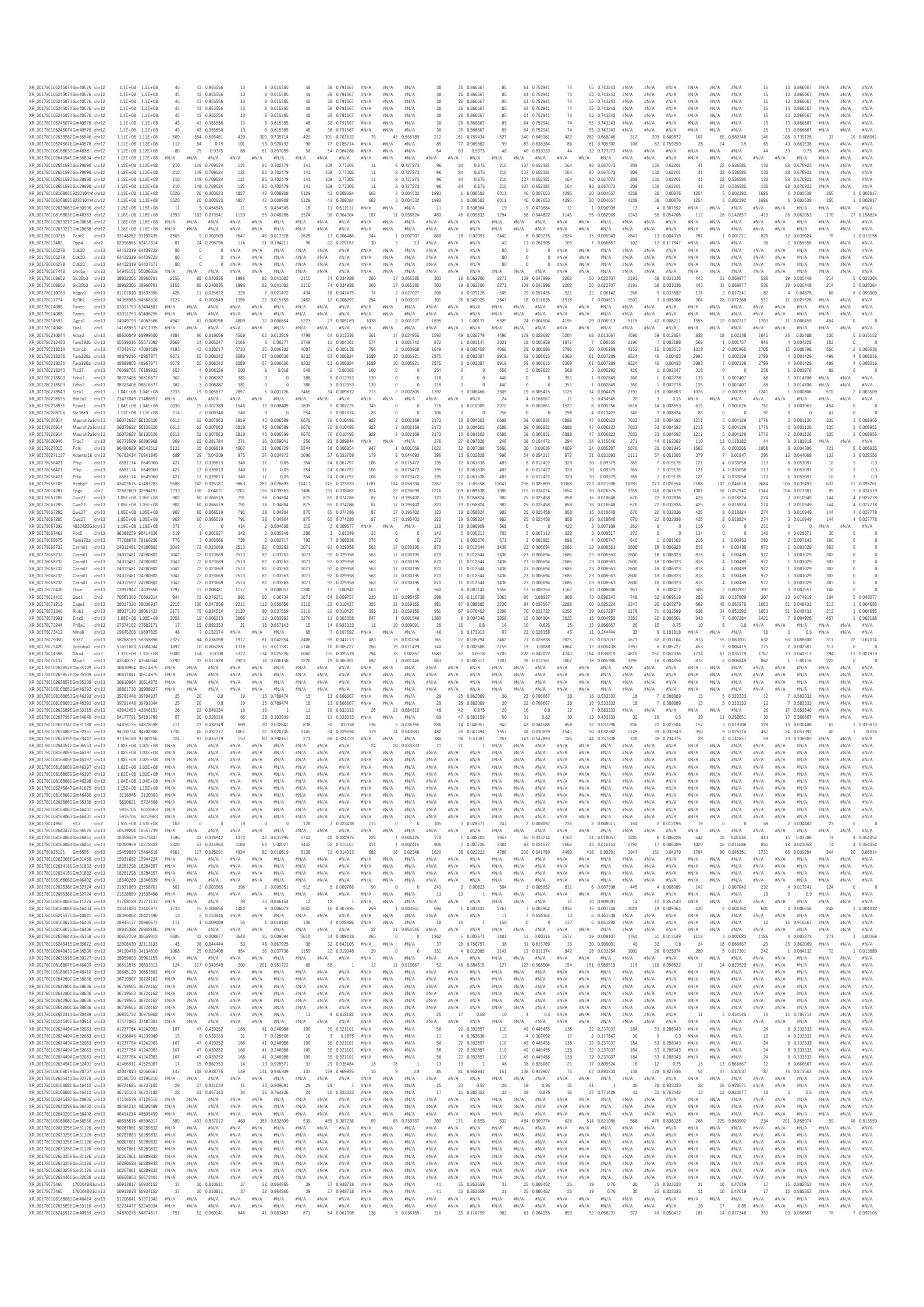


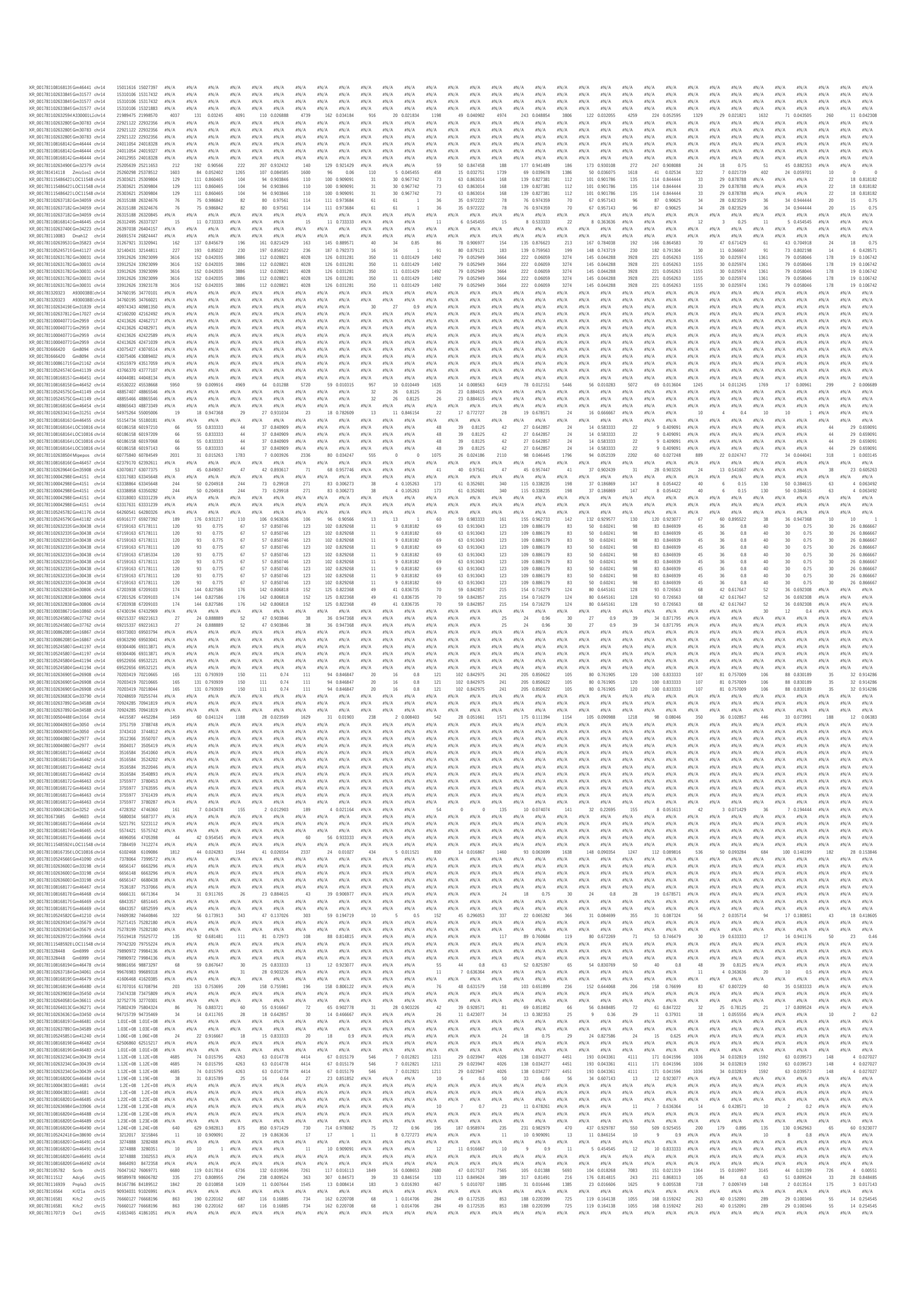
XM_03025 68310	Zmym1	chr4	1.27E+08	1.27E+08	401	30	0.074813	217	4	0.018433	242	38	0.157025	120	0	0	107	11	0.102804	381	3	0.007874	446	27	0.060538	256	21	0.082031	134	39	0.291045	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	48	41	0.854167	38	35	0.921053	65	63	0.969231	12	12	1	15	15	1	60	59	0.983333	38	35	0.921053	59	56	0.949153	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	1862	14	0.007519	1943	21	0.010808	1817	14	0.007705	280	1	0.003571	819	9	0.010989	2154	20	0.009285	1910	12	0.006283	1940	13	0.006701	476	1	0.002101	520	6	0.011538	101	1	0.009901
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	48	41	0.854167	38	35	0.921053	65	63	0.969231	12	12	1	15	15	1	60	59	0.983333	38	35	0.921053	59	56	0.949153	17	14	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	1862	14	0.007519	1943	21	0.010808	1817	14	0.007705	280	1	0.003571	819	9	0.010989	2154	20	0.009285	1910	12	0.006283	1940	13	0.006701	476	1	0.002101	520	6	0.011538	101	1	0.009901
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	2227	19	0.008532	2129	19	0.008924	2137	14	0.006551	319	10	0.031348	595	2	0.003361	2313	18	0.007782	2055	22	0.010706	2269	7	0.003085	688	3	0.00436	357	1	0.002801	220	1	0.004545
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	2227	19	0.008532	2129	19	0.008924	2137	14	0.006551	319	10	0.031348	595	2	0.003361	2313	18	0.007782	2055	22	0.010706	2269	7	0.003085	688	3	0.00436	357	1	0.002801	220	1	0.004545
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	115	103	0.895652	60	46	0.766667	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.5E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	115	103	0.895652	60	46	0.766667	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.51E+08	1.51E+08	3749	20	0.005335	3935	36	0.009149	3626	30	0.008274	477	0	0	1119	3	0.002681	4416	35	0.007926	3368	23	0.006829	3618	21	0.005804	1588	4	0.002519	1261	6	0.004758	238	12	0.05042
XM_03025 68703	Rere	chr4	1.51E+08	1.51E+08	3749	20	0.005335	3935	36	0.009149	3626	30	0.008274	477	0	0	1119	3	0.002681	4416	35	0.007926	3368	23	0.006829	3618	21	0.005804	1588	4	0.002519	1261	6	0.004758	238	12	0.05042
XM_03025 68777	Tmem53	chr4	1.17E+08	1.17E+08	607	8	0.01318	842	8	0.009501	718	7	0.009749	195	0	0	176	1	0.005682	912	7	0.007675	624	6	0.009615	667	4	0.005997	290	0	0	265	0	0	91	2	0.021978
XM_03025 68926	Ubap2	chr4	41194313	41274750	469	0	0	134	1	0.007463	418	2	0.004785	#N/A	#N/A	#N/A	210	1	0.004762	510	2	0.003922	475	3	0.006316	219	0	0	216	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68926	Ubap2	chr4	41194313	41274751	469	0	0	134	1	0.007463	418	2	0.004785	#N/A	#N/A	#N/A	210	1	0.004762	510	2	0.003922	475	3	0.006316	219	0	0	216	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 68926	Ubap2	chr4	41194313	41275152	469	0	0	134	1	0.007463	418	2	0.004785	#N/A	#N/A	#N/A	210	1	0.004762	510	2	0.003922	475	3	0.006316	219	0	0	216	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 69151	Lzic	chr4	1.49E+08	1.49E+08	2309	50	0.021654	2334	44	0.018852	2517	45	0.017878	464	1	0.002155	816	18	0.022059	2458	32	0.013019	1959	22	0.01123	2071	36	0.017383	940	7	0.007447	736	11	0.014946	279	0	0
XM_03025 69151	Lzic	chr4	1.49E+08	1.49E+08	2309	50	0.021654	2334	44	0.018852	2517	45	0.017878	464	1	0.002155	816	18	0.022059	2458	32	0.013019	1959	22	0.01123	2071	36	0.017383	940	7	0.007447	736	11	0.014946	279	0	0
XM_03025 69151	Lzic	chr4	1.49E+08	1.49E+08	2309	50	0.021654	2334	44	0.018852	2517	45	0.017878	464	1	0.002155	816	18	0.022059	2458	32	0.013019	1959	22	0.01123	2071	36	0.017383	940	7	0.007447	736	11	0.014946	279	0	0
XM_03025 69151	Lzic	chr4	1.49E+08	1.5E+08	2309	50	0.021654	2334	44	0.018852	2517	45	0.017878	464	1	0.002155	816	18	0.022059	2458	32	0.013019	1959	22	0.01123	2071	36	0.017383	940	7	0.007447	736	11	0.014946	279	0	0
XM_03025 69151	Lzic	chr4	1.5E+08	1.5E+08	2309	50	0.021654	2334	44	0.018852	2517	45	0.017878	464	1	0.002155	816	18	0.022059	2458	32	0.013019	1959	22	0.01123	2071	36	0.017383	940	7	0.007447	736	11	0.014946	279	0	0
XM_03025 227358	Erfe	chr1	91366310	91371375	1547	191	0.123465	1366	134	0.098097	1285	159	0.123735	136	51	0.375	493	96	0.194726	1353	198	0.146341	1411	196	0.138909	1652	154	0.09322	168	28	0.166667	487	83	0.170431	24	15	0.625
XM_03025 69807	Trim32	chr4	65605316	65616238	141	41	0.29078	137	28	0.20438	155	36	0.232258	39	11	0.282051	79	26	0.329114	190	31	0.163158	175	33	0.188571	121	27	0.22314	71	21	0.295775	57	13	0.22807	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 69863	Ttc39b	chr4	83220300	83284997	494	184	0.37247	456	186	0.407895	459	159	0.346405	98	43	0.438776	200	86	0.43	447	183	0.409396	447	233	0.521253	362	162	0.447514	250	134	0.536	180	103	0.572222	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70025	Acot7	chr4	1.52E+08	1.52E+08	72	43	0.597222	80	43	0.5375	33	23	0.69697	33	18	0.545455	80	47	0.5875	57	32	0.561404	96	70	0.729167	44	28	0.636364	37	20	0.540541	42	28	0.666667	31	27	0.870968
XM_03025 70025	Acot7	chr4	1.52E+08	1.52E+08	85	67	0.788235	64	56	0.875	62	54	0.870968	22	19	0.863636	40	32	0.8	92	53	0.576087	68	55	0.808824	65	41	0.630769	52	44	0.846154	63	50	0.793651	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70025	Acot7	chr4	1.52E+08	1.52E+08	85	67	0.788235	64	56	0.875	62	54	0.870968	22	19	0.863636	40	32	0.8	92	53	0.576087	68	55	0.808824	65	41	0.630769	52	44	0.846154	63	50	0.793651	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 70052	Prpf4	chr4	62408791	62424731	1651	23	0.013931	1807	17	0.009408	1716	29	0.0169	126	1	0.007937	945	11	0.01164	1516	18	0.011873	1686	22	0.013049	1689	12	0.007105	520	1	0.001923	665	4	0.006015	294	2	0.006803
XM_03025 70122	Mllt3	chr4	87769925	88033380	2487	11	0.004423	2338	17	0.007271	2711	17	0.006271	273	5	0.018315	680	4	0.005882	2925	11	0.003761	2506	13	0.005188	2455	16	0.006517	611	0	0	836	20	0.023923	174	3	0.017241
XM_03025 70122	Mllt3	chr4	87769925	88033376	2487	11	0.004423	2338	17	0.007271	2711	17	0.006271	273	5	0.018315	680	4	0.005882	2925	11	0.003761	2506	13	0.005188	2455	16	0.006517	611	0	0	836	20	0.023923	174	3	0.017241
XM_03025 70122	Mllt3	chr4	87769925	88032927	2934	17	0.005794	2815	24	0.008526	3187	19	0.005962	332	5	0.01506	735	4	0.005442	3444	14	0.004065	2904	16	0.00551	2904	17	0.005854	688	0	0	874	19	0.021739	174	3	0.017241
XM_03025 70603	Mutyh	chr4	1.17E+08	1.17E+08	623	85	0.136437	530	59	0.111321	652	93	0.142638	174	11	0.063218	290	76	0.262069	708	90	0.127119	438	47	0.107306	498	66	0.13253	223	49	0.219731	231	46	0.199134	63	1	0.015873
XM_03025 70603	Mutyh	chr4	1.17E+08	1.17E+08	54	44	0.814815	47	26	0.553191	30	22	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	30	17	0.566667	68	45	0.661765	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 71148	Mier1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	3980	116	0.029146	3720	87	0.023387	4129	136	0.032938	952	52	0.054622	1856	44	0.023707	4268	141	0.033037	4095	126	0.030769	3922	114	0.029067	1390	73	0.052518	1868	60	0.03212	254	36	0.141732
XM_03025 71148	Mier1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	3980	116	0.029146	3720	87	0.023387	4129	136	0.032938	952	52	0.054622	1856	44	0.023707	4268	141	0.033037	4095	126	0.030769	3922	114	0.029067	1390	73	0.052518	1868	60	0.03212	254	36	0.141732
XM_03025 71148	Mier1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	3980	116	0.029146	3720	87	0.023387	4129	136	0.032938	952	52	0.054622	1856	44	0.023707	4268	141	0.033037	4095	126	0.030769	3922	114	0.029067	1390	73	0.052518	1868	60	0.03212	254	36	0.141732
XM_03025 71148	Mier1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	3980	116	0.029146	3720	87	0.023387	4129	136	0.032938	952	52	0.054622	1856	44	0.023707	4268	141	0.033037	4095	126	0.030769	3922	114	0.029067	1390	73	0.052518	1868	60	0.03212	254	36	0.141732
XM_03025 71354	Wdr31	chr4	62453734	62470962	607	1	0.001647	409	2	0.00489	412	3	0.007282	278	2	0.007194	227	1	0.004405	590	7	0.011864	286	3	0.01049	320	17	0.053125	210	0	0	206	4	0.019417	148	1	0.006757
XM_03025 227399	Ppip5k2	chr1	97706155	97769943	1194	17	0.014238	1280	7	0.005469	1227	9	0.007335	165	0	0	454	4	0.008811	1203	20	0.016625	1209	6	0.004963	1164	9	0.007732	296	1	0.003378	205	1	0.004878	201	2	0.00995
XM_03025 71787	Trnau1ap	chr4	1.32E+08	1.32E+08	1509	88	0.058317	1620	93	0.057407	1743	142	0.081469	418	2	0.004785	649	16	0.024653	1554	56	0.036036	1506	137	0.090969	1563	123	0.078695	441	41	0.092971	583	43	0.073756	337	1	0.002967
XM_03025 71787	Trnau1ap	chr4	1.32E+08	1.32E+08	1509	88	0.058317	1620	93	0.057407	1743	142	0.081469	418	2	0.004785	649	16	0.024653	1554	56	0.036036	1506	137	0.090969	1563	123	0.078695	441	41	0.092971	583	43	0.073756	337	1	0.002967
XM_03025 71787	Trnau1ap	chr4	1.32E+08	1.32E+08	1509	88	0.058317	1620	93	0.057407	1743	142	0.081469	418	2	0.004785	649	16	0.024653	1554	56	0.036036	1506	137	0.090969	1563	123	0.078695	441	41	0.092971	583	43	0.073756	337	1	0.002967
XM_03025 227399	Ppip5k2	chr1	97706143	97770048	1144	14	0.012238	1248	7	0.005609	1187	5	0.004212	143	0	0	414	0	0	1175	19	0.01617	1171	6	0.005124	1118	8	0.007156	260	1	0.003846	179	0	0	171	0	0
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	1533	66	0.043053	1403	63	0.044904	1385	50	0.036101	152	7	0.046053	261	13	0.049808	1544	60	0.03886	1466	38	0.025921	1498	56	0.037383	447	24	0.053691	386	51	0.132124	10	0	0
XM_03025 227399	Ppip5k2	chr1	97706155	97770113	1144	14	0.012238	1248	7	0.005609	1187	5	0.004212	143	0	0	414	0	0	1175	19	0.01617	1171	6	0.005124	1118	8	0.007156	260	1	0.003846	179	0	0	171	0	0
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	1446	64	0.04426	1373	62	0.045157	1340	49	0.036567	152	7	0.046053	261	13	0.049808	1484	57	0.03841	1412	38	0.026912	1462	56	0.038304	393	22	0.05598	386	51	0.132124	10	0	0
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	1563	14	0.008957	1500	11	0.007333	1426	3	0.002104	367	0	0	639	1	0.001565	1603	13	0.00811	1567	7	0.004467	1692	10	0.00591	481	0	0	477	3	0.006289	127	0	0
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2295	92	0.040087	2208	95	0.043025	2193	76	0.034656	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2247	83	0.036938	2225	59	0.026517	2186	105	0.048033	621	29	0.046699	623	68	0.109149	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	1533	66	0.043053	1403	63	0.044904	1385	50	0.036101	152	7	0.046053	261	13	0.049808	1544	60	0.03886	1466	38	0.025921	1498	56	0.037383	447	24	0.053691	386	51	0.132124	10	0	0
XM_03025 71890	Mad2l2	chr4	1.48E+08	1.48E+08	2275	92	0.04044	2208	95	0.043025	2180	76	0.034862	196	7	0.035714	450	19	0.042222	2231	83	0.037203	2207	59	0.026733	2175	105	0.048276	606	28	0.046205	612	66	0.107843	75	5	0.066667
XM_03025 227399	Ppip5k2	chr1	97706155	97769943	1194	17	0.014238	1280	7	0.005469	1227	9	0.007335	165	0	0	454	4	0.008811	1203	20	0.016625	1209	6	0.004963	1164	9	0.007732	296	1	0.003378	205	1	0.004878	201	2	0.00995
XM_03025 71957	Ints11	chr4	1.56E+08	1.56E+08	2359	76	0.032217	2133	77	0.036099	2631	83	0.031547	629	6	0.009539	1073	33	0.030755	2923	90	0.03079	2532	80	0.031596	2357	75	0.03182	879	40	0.045506	1412	46	0.032578	411	8	0.019465
XM_03025 71957	Ints11	chr4	1.56E+08	1.56E+08	2359	76	0.032217	2133	77	0.036099	2631	83	0.031547	629	6	0.009539	1073	33	0.030755	2923	90	0.03079	2532	80	0.031596	2357	75	0.03182	879	40	0.045506	1412	46	0.032578	411	8	0.019465
XM_03025 71957	Ints11	chr4	1.56E+08	1.56E+08	94	88	0.93617	77	76	0.987013	111	103	0.927928	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	99	92	0.929293	60	50	0.833333	119	110	0.92437	24	22	0.916667	40	40	1	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 71957	Ints11	chr4	1.56E+08	1.56E+08	2359	76	0.032217	2133	77	0.036099	2631	83	0.031547	629	6	0.009539	1073	33	0.030755	2923	90	0.03079	2532	80	0.031596	2357	75	0.03182	879	40	0.045506	1412	46	0.032578	411	8	0.019465
XM_03025 72098	Tmem68	chr4	3549263	3574859	2167	81	0.037379	2388	69	0.028894	2282	45	0.01972	439	28	0.063781	1048	40	0.038168	2336	90	0.038527	2262	49	0.021662	1997	58	0.029044	930	34	0.036559	907	31	0.034179	486	24	0.049383
XM_03025 72098	Tmem68	chr4	3549263	3574859	2167	81	0.037379	2388	69	0.028894	2282	45	0.01972	439	28	0.063781	1048	40	0.038168	2336	90	0.038527	2262	49	0.021662	1997	58	0.029044	930	34	0.036559	907	31	0.034179	486	24	0.049383
XM_03025 227399	Ppip5k2	chr1	97706155	97769943	1194	17	0.014238	1280	7	0.005469	1227	9	0.007335	165	0	0	454	4	0.008811	1203	20	0.016625	1209	6	0.004963	1164	9	0.007732	296	1	0.003378	205	1	0.004878	201	2	0.00995
XM_03025 72354	Ttc4	chr4	1.07E+08	1.07E+08	667	50	0.074963	678	38	0.056047	686	47	0.068513	150	2	0.013333	389	18	0.046272	779	64	0.082157	619	27	0.043619	754	40	0.05305	320	6	0.01875	194	17	0.087629	21	19	0.904762
XM_03025 72354	Ttc4	chr4	1.07E+08	1.07E+08	667	50	0.074963	678	38	0.056047	686	47	0.068513	150	2	0.013333	389	18	0.046272	779	64	0.082157	619	27	0.043619	754	40	0.05305	320	6	0.01875	194	17	0.087629	21	19	0.904762
XM_03025 72397	Rbm12b1	chr4	12140121	12148922	172	8	0.046512	180	3	0.016667	179	11	0.061453	42	3	0.071429	72	2	0.027778	113	5	0.044248	190	0	0	192	9	0.046875	#N/A	#N/A	#N/A	52	2	0.038462	26	4	0.153846
XM_03025 227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	63035406	63139709	129	106	0.821705	111	94	0.846847	101	88	0.871287	20	16	0.8	68	56	0.823529	169	139	0.822485	122	102	0.836066	93	67	0.72043	73	62	0.849315	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	63035406	63139709	129	106	0.821705	111	94	0.846847	101	88	0.871287	20	16	0.8	68	56	0.823529	169	139	0.822485	122	102	0.836066	93	67	0.72043	73	62	0.849315	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	62965555	63139709	4912	47	0.009568	5054	43	0.008508	6247	80	0.012806	490	2	0.004082	1155	7	0.006061	4392	42	0.009563	4791	23	0.004801	5179	37	0.007144	1230	6	0.004878	860	4	0.004651	426	2	0.004695
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	62965555	63139709	4912	47	0.009568	5054	43	0.008508	6247	80	0.012806	490	2	0.004082	1155	7	0.006061	4392	42	0.009563	4791	23	0.004801	5179	37	0.007144	1230	6	0.004878	860	4	0.004651	426	2	0.004695
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	62965555	63139709	4912	47	0.009568	5054	43	0.008508	6247	80	0.012806	490	2	0.004082	1155	7	0.006061	4392	42	0.009563	4791	23	0.004801	5179	37	0.007144	1230	6	0.004878	860	4	0.004651	426	2	0.004695
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	62965555	63139709	4912	47	0.009568	5054	43	0.008508	6247	80	0.012806	490	2	0.004082	1155	7	0.006061	4392	42	0.009563	4791	23	0.004801	5179	37	0.007144	1230	6	0.004878	860	4	0.004651	426	2	0.004695
XM_03025 72701	Zfp618	chr4	62965555	63139709	4912	47	0.009568	5054	43	0.008508	6247	80	0.012806	490	2	0.004082	1155	7	0.006061	4392	42	0.009563	4791	23	0.004801	5179	37	0.007144	1230	6	0.004878	860	4	0.004651	426	2	0.004695
XM_03025 227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XM_03025 72754	Arhgef10l	chr4	1.41E+08	1.41E+08	175	139	0.794286	231	203	0.878788	196	173	0.882653	#N/A	#N/A	#N/A	70	53	0.757143	97	63	0.649485	196	159	0.811224	271	208	0.767528	97	63	0.649485	112	72	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72754	Arhgef10l	chr4	1.41E+08	1.41E+08	541	406	0.750462	343	270	0.787172	523	430	0.82218	207	161	0.777778	182	141	0.774725	553	369	0.667269	482	311	0.645228	386	216	0.559585	139	72	0.517986	102	38	0.372549	22	14	0.636364
XM_03025 72754	Arhgef10l	chr4	1.41E+08	1.41E+08	951	55	0.057834	1120	49	0.04375	1276	50	0.039185	110	2	0.018182	219	4	0.018265	942	103	0.109342	784	61	0.077806	982	83	0.084521	472	36	0.076271	304	35	0.115132	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 72754	Arhgef10l	chr4	1.41E+08	1.41E+08	1570	492	0.313376	1643	405	0.2465	1788	448	0.250559	224	91	0.40625	392	110	0.280612	1485	441	0.29697	1238	382	0.308562	1471	437	0.297077	651	174	0.267281	398	123	0.309045	50	49	0.98
XM_03025 227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XM_03025 72938	Hspb11	chr4	1.07E+08	1.07E+08	2872	8	0.002786	2445	23	0.009407	2658	23	0.008653	437	5	0.011442	747	3	0.004016	2841	19	0.006688	3077	19	0.006175	3168	22	0.006944	675	2	0.002963	711	5	0.007032	110	1	0.009091
XM_03025 73094	Sgip1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	698	86	0.123209	554	91	0.16426	694	94	0.135447	188	15	0.079787	284	53	0.18662	587	100	0.170358	514	57	0.110895	532	68	0.12782	263	17	0.064639	263	64	0.243346	171	13	0.076023
XM_03025 73094	Sgip1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	698	86	0.123209	554	91	0.16426	694	94	0.135447	188	15	0.079787	284	53	0.18662	587	100	0.170358	514	57	0.110895	532	68	0.12782	263	17	0.064639	263	64	0.243346	171	13	0.076023
XM_03025 73162	Otud3	chr4	1.39E+08	1.39E+08	3053	17	0.005568	3590	8	0.002228	3955	20	0.005057	508	0	0	863	5	0.005794	3128	22	0.007033	2864	17	0.005936	3585	23	0.006416	987	1	0.001013	1270	9	0.007087	60	0	0
XM_03025 73162	Otud3	chr4	1.39E+08	1.39E+08	3053	17	0.005568	3590	8	0.002228	3955	20	0.005057	508	0	0	863	5	0.005794	3128	22	0.007033	2864	17	0.005936	3585	23	0.006416	987	1	0.001013	1270	9	0.007087	60	0	0
XM_03025 73314	Lrrc69	chr4	14623622	14808379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73314	Lrrc69	chr4	14647819	14808379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73332	Ccdc30	chr4	1.19E+08	1.19E+08	45	25	0.555556	29	16	0.551724	33	25	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A	28	20	0.714286	32	22	0.6875	17	8	0.470588	27	17	0.62963	23	12	0.521739	27	13	0.481481	10	3	0.3
XM_03025 73469	Rnf38	chr4	44126210	44168016	4463	30	0.006722	3936	30	0.007622	4064	19	0.004675	536	1	0.001866	1128	0	0	4439	25	0.005632	3946	32	0.008109	4165	36	0.008643	1092	0	0	1694	4	0.002361	371	1	0.002695
XM_03025 227449	Zcchc2	chr1	1.06E+08	1.06E+08	3392	24	0.007075	3059	13	0.00425	3856	17	0.004409	170	0	0	1393	1	0.000718	4384	21	0.00479	3429	23	0.006707	3323	19	0.005718	672	0	0	1032	3	0.002907	495	0	0
XM_03025 73721	1110017D	chr4	41505005	41512932	38	16	0.421053	#N/A	#N/A	#N/A	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	2	0.058824	28	1	0.035714	12	3	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73721	1110017D	chr4	41505005	41508964	326	284	0.871166	295	277	0.938983	363	348	0.958678	#N/A	#N/A	#N/A	54	44	0.814815	354	309	0.872881	342	299	0.874269	373	363	0.97319	77	72	0.935065	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 73804	Kif2c	chr4	1.17E+08	1.17E+08	66	63	0.954545	42	40	0.952381	39	38	0.974359	#N/A	#N/A	#N/A	133	131	0.984962	96	92	0.958333	44	42	0.954545	51	48	0.941176	30	30	1	29	28	0.965517	10	9	0.9
XM_03025 74098	Czib	chr4	1.08E+08	1.08E+08	1564	33	0.0211	1488	9	0.006048	1578	7	0.004436	435	0	0	484	11	0.022727	1491	18	0.012072	1350	35	0.025926	1545	31	0.020065	398	3	0.007538	590	2	0.00339	227	0	0
XM_03025 227449	Zcchc2	chr1	1.06E+08	1.06E+08	3392	24	0.007075	3059	13	0.00425	3856	17	0.004409	170	0	0	1393	1	0.000718	4384	21	0.00479	3429	23	0.006707	3323	19	0.005718	672	0	0	1032	3	0.002907	495	0	0
XM_03025 74202	Fblim1	chr4	1.42E+08	1.42E+08	1309	419	0.320092	1265	379	0.299605	1293	387	0.299304	196	41	0.209184	305	122	0.4	1333	423	0.317329	1192	323	0.270973	1172	350	0.298635	408	120	0.294118	427	129	0.302108	120	29	0.241667
XM_03025 74246	Gale	chr4	1.36E+08	1.36E+08	407	39	0.095823	234	0	0	291	4	0.013746	54	5	0.092593	340	0	0	515	24	0.046602	364	1	0.002747	450	26	0.057778	98	1	0.010204	123	0	0	50	0	0
XM_03025 74246	Gale	chr4	1.36E+08	1.36E+08	407	39	0.095823	234	0	0	291	4	0.013746	54	5	0.092593	340	0	0	515	24	0.046602	364	1	0.002747	450	26	0.057778	98	1	0.010204	123	0	0	50	0	0
XM_03025 74246	Gale	chr4	1.36E+08	1.36E+08	407	39	0.095823	234	0	0	291	4	0.013746	54	5	0.092593	340	0	0	515	24	0.046602	364	1	0.002747	450	26	0.057778	98	1	0.010204	123	0	0	50	0	0
XM_03025 74326	Hnrnpr	chr4	1.36E+08	1.36E+08	4060	34	0.008374	3929	26	0.006617	4315	25	0.005794	625	2	0.0032	1087	4	0.00368	4175	24	0.005749	3844	22	0.005723	4469	25	0.005594	1240	5	0.004032	1072	2	0.001866	152	0	0
XM_03025 74326	Hnrnpr	chr4	1.36E+08	1.36E+08	4305	147	0.034146	4061	91	0.022408	4476	86	0.019214	665	29	0.043609	1239	71	0.057304	4389	128	0.029164	4025	105	0.026087	4627	102	0.022045	1285	16	0.012451	1180	50	0.042373	185	20	0.108108
XM_03025 74326	Hnrnpr	chr4	1.36E+08	1.36E+08	4060	34	0.008374	3929	26	0.006617	4315	25	0.005794	625	2	0.0032	1087	4	0.00368	4175	24	0.005749	3844	22	0.005723	4469	25	0.005594	1240	5	0.004032	1072	2	0.001866	152	0	0
XM_03025 74326	Hnrnpr	chr4	1.36E+08	1.36E+08	4305	147	0.034146	4061	91	0.022408	4476	86	0.019214	665	29	0.043609	1239	71	0.057304	4389	128	0.029164	4025	105	0.026087	4627	102	0.022045	1285	16	0.012451	1180	50	0.042373	185	20	0.108108
XM_03025 74326	Hnrnpr	chr4	1.36E+08	1.36E+08	4305	147	0.034146	4061	91	0.022408	4476	86	0.019214	665	29	0.043609	1239	71	0.057304	4389	128	0.029164	4025	105	0.026087	4627	102	0.022045	1285	16	0.012451	1180	50	0.042373	185	20	0.108108
XM_03025 74326	Hnrnpr	chr4	1.36E+08	1.36E+08	4305	147	0.034146	4061	91	0.022408	4476	86	0.019214	665	29	0.043609	1239	71	0.057304	4389	128	0.029164	4025	105	0.026087	4627	102	0.022045	1285	16	0.012451	1180	50	0.042373	185	20	0.108108
XM_03025 74438	Clvs1	chr4	9269286	9451691	44	1	0.022727	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	96	2	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	47	3	0.06383	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74438	Clvs1	chr4	9269274	9350821	44	1	0.022727	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	96	2	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	47	3	0.06383	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74519	Cyp2j9	chr4	96568424	96592523	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 74552	Nipal3	chr4	1.35E+08	1.35E+08	2405	409	0.170062	1937	267	0.137842	2381	292	0.122638	386	76	0.196891	981	179	0.182467	2337	481	0.205819	1987	313	0.157524	1954	435	0.22262	834	158	0.189448	928	117	0.126078	224	13	0.058036
XM_03025 74552	Nipal3	chr4	1.35E+08	1.35E+08	2465	410	0.166329	1987	270	0.135883	2381	292	0.122638	386	76	0.196891	981	179	0.182467	2417	483	0.199835	2052	314	0.153021	1954	435	0.22262	834	158	0.189448	928	117	0.126078	224	13	0.058036
XM_03025 74648	S100pbp	chr4	1.29E+08	1.29E+08	2029	4	0.001971	1661	12	0.007225	2250	17	0.007556	195	0	0	629	2	0.00318	2253	13	0.00577	1808	5	0.002765	1703	2	0.001174	544	1	0.001838	645	5	0.007752	172	1	0.005814
XM_03025 74735	Trim14	chr4	46516460	46536150	1416	114	0.080508	1360	114	0.083824	1082	132	0.121996	144	0	0	316	51	0.161392	1468	163	0.111035	1034	93	0.089942	1638	112	0.068376	351	51	0.145299	511	51	0.099804	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22779	Ikzf2	chr1	69531325	69687350	2490	27	0.010843	3040	38	0.0125	3007	48	0.015963	405	3	0.007407	724	3	0.004144	3125	19	0.00608	2914	14	0.004804	2310	13	0.005628	267	0	0	1140	4	0.003509	66	0	0
XM_03025 22779	Ikzf2	chr1	69531325	69686095	2490	27	0.010843	3040	38	0.0125	3007	48	0.015963	405	3	0.007407	724	3	0.004144	3125	19	0.00608	2914	14	0.004804	2310	13	0.005628	267	0	0	1140	4	0.003509	66	0	0
XM_03025 22779	Ikzf2	chr1	69531325	69686151	2490	27	0.010843	3040	38	0.0125	3007	48	0.015963	405	3	0.007407	724	3	0.004144	3125	19	0.00608	2914	14	0.004804	2310	13	0.005628	267	0	0	1140	4	0.003509	66	0	0
XM_03025 74914	Cylc2	chr4	51216653	51250625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22779	Ikzf2	chr1	69531325	69685865	2357	27	0.011455	2864	36	0.01257	2849	46	0.016146	392	3	0.007653	704	3	0.004261	2983	19	0.006369	2773	12	0.004327	2119	12	0.005663	257	0	0	1066	4	0.003752	66	0	0
XM_03025 75180	Tmem269	chr4	1.19E+08	1.19E+08	54	24	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	20	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22779	Ikzf2	chr1	69531325	69685865	2357	27	0.011455	2864	36	0.01257	2849	46	0.016146	392	3	0.007653	704	3	0.004261	2983	19	0.006369	2773	12	0.004327	2119	12	0.005663	257	0	0	1066	4	0.003752	66	0	0
XM_03025 75578	Fggy	chr4	95579424	95926939	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75578	Fggy	chr4	95557505	95926939	243	120	0.493827	154	75	0.487013	230	97	0.421739	58	7	0.12069	71	22	0.309859	301	151	0.501661	241	97	0.40249	193	81	0.419689	157	38	0.242038	79	39	0.493671	57	23	0.403509
XM_03025 75578	Fggy	chr4	95557505	95821555	243	120	0.493827	154	75	0.487013	230	97	0.421739	58	7	0.12069	71	22	0.309859	301	151	0.501661	241	97	0.40249	193	81	0.419689	157	38	0.242038	79	39	0.493671	57	23	0.403509
XM_03025 75578	Fggy	chr4	95579427	95926939	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 75578	Fggy	chr4	95557493	95926939	243	120	0.493827	154	75	0.487013	230	97	0.421739	58	7	0.12069	71	22	0.309859	301	151	0.501661	241	97	0.40249	193	81	0.419689	157	38	0.242038	79	39	0.493671	57	23	0.403509
XM_03025 76376	Slc24a2	chr4	86983124	87230109	1858	38	0.020452	1397	18	0.012885	1648	36	0.021845	114	1	0.008772	157	5	0.031847	1555	99	0.063666	1672	147	0.087919	1446	61	0.042185	376	26	0.069149	388	38	0.097938	130	16	0.123077
XM_03025 22779	Ikzf2	chr1	69531325	69687349	2490	27	0.010843	3040	38	0.0125	3007	48	0.015963	405	3	0.007407	724	3	0.004144	3125	19	0.00608	2914	14	0.004804	2310	13	0.005628	267	0	0	1140	4	0.003509	66	0	0
XM_03025 76580	Mib2	chr4	1.56E+08	1.56E+08	280	108	0.385714	84	79	0.940476	154	84	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	90	9	0.1	436	97	0.222477	250	101	0.404	188	106	0.56383	36	35	0.972222	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76580	Mib2	chr4	1.56E+08	1.56E+08	280	108	0.385714	84	79	0.940476	154	84	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	90	9	0.1	436	97	0.222477	250	101	0.404	188	106	0.56383	36	35	0.972222	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76580	Mib2	chr4	1.56E+08	1.56E+08	280	108	0.385714	84	79	0.940476	154	84	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	90	9	0.1	436	97	0.222477	250	101	0.404	188	106	0.56383	36	35	0.972222	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76580	Mib2	chr4	1.56E+08	1.56E+08	280	108	0.385714	84	79	0.940476	154	84	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	90	9	0.1	436	97	0.222477	250	101	0.404	188	106	0.56383	36	35	0.972222	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76580	Mib2	chr4	1.56E+08	1.56E+08	280	108	0.385714	84	79	0.940476	154	84	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	90	9	0.1	436	97	0.222477	250	101	0.404	188	106	0.56383	36	35	0.972222	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76799	Tmem234	chr4	1.3E+08	1.3E+08	1983	6	0.003026	1696	4	0.002358	1741	11	0.006318	271	1	0.00369	642	3	0.004673	2138	21	0.009822	1629	7	0.004297	1797	14	0.007791	666	2	0.003003	534	4	0.007491	106	0	0
XM_03025 76804	Kdm4c	chr4	74251886	74405864	2366	14	0.005917	1763	13	0.007374	2223	5	0.002249	219	0	0	909	4	0.0044	2590	21	0.008108	1791	9	0.005025	1767	12	0.006791	773	3	0.003881	756	4	0.005291	120	0	0
XM_03025 76804	Kdm4c	chr4	74251942	74405864	2432	14	0.005757	1817	13	0.007155	2286	5	0.002187	264	0	0	909	4	0.0044	2692	24	0.008915	1863	10	0.005368	1767	12	0.006791	773	3	0.003881	756	4	0.005291	150	1	0.006667
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	132	24	0.181818	133	47	0.353383	122	31	0.254098	66	8	0.121212	58	17	0.293103	169	65	0.384615	171	41	0.239766	118	15	0.127119	52	7	0.134615	52	17	0.326923	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	132	24	0.181818	133	47	0.353383	122	31	0.254098	66	8	0.121212	58	17	0.293103	169	65	0.384615	171	41	0.239766	118	15	0.127119	52	7	0.134615	52	17	0.326923	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	132	24	0.181818	133	47	0.353383	122	31	0.254098	66	8	0.121212	58	17	0.293103	169	65	0.384615	171	41	0.239766	118	15	0.127119	52	7	0.134615	52	17	0.326923	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	105	21	0.2	105	37	0.352381	98	26	0.265306	52	5	0.096154	47	15	0.319149	124	55	0.443548	135	32	0.237037	95	12	0.126316	39	6	0.153846	39	13	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	132	24	0.181818	133	47	0.353383	122	31	0.254098	66	8	0.121212	58	17	0.293103	169	65	0.384615	171	41	0.239766	118	15	0.127119	52	7	0.134615	52	17	0.326923	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	105	21	0.2	105	37	0.352381	98	26	0.265306	52	5	0.096154	47	15	0.319149	124	55	0.443548	135	32	0.237037	95	12	0.126316	39	6	0.153846	39	13	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	3318	65	0.01959	2983	61	0.020449	3338	44	0.013182	874	9	0.010297	1569	12	0.007648	3799	75	0.019742	2862	62	0.021663	3133	61	0.01947	1092	11	0.010073	1269	23	0.018125	145	0	0
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	3318	65	0.01959	2983	61	0.020449	3338	44	0.013182	874	9	0.010297	1569	12	0.007648	3799	75	0.019742	2862	62	0.021663	3133	61	0.01947	1092	11	0.010073	1269	23	0.018125	145	0	0
XM_03025 76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	3342	73	0.021843	3004	64	0.021305	3364	51	0.015161	884	10	0.011312	1585	20	0.012618	3842	95	0.024727	2889	70	0.02423	3159	63	0.019943	1092	11	0.010073	1269	23	0.018125	145	0	0

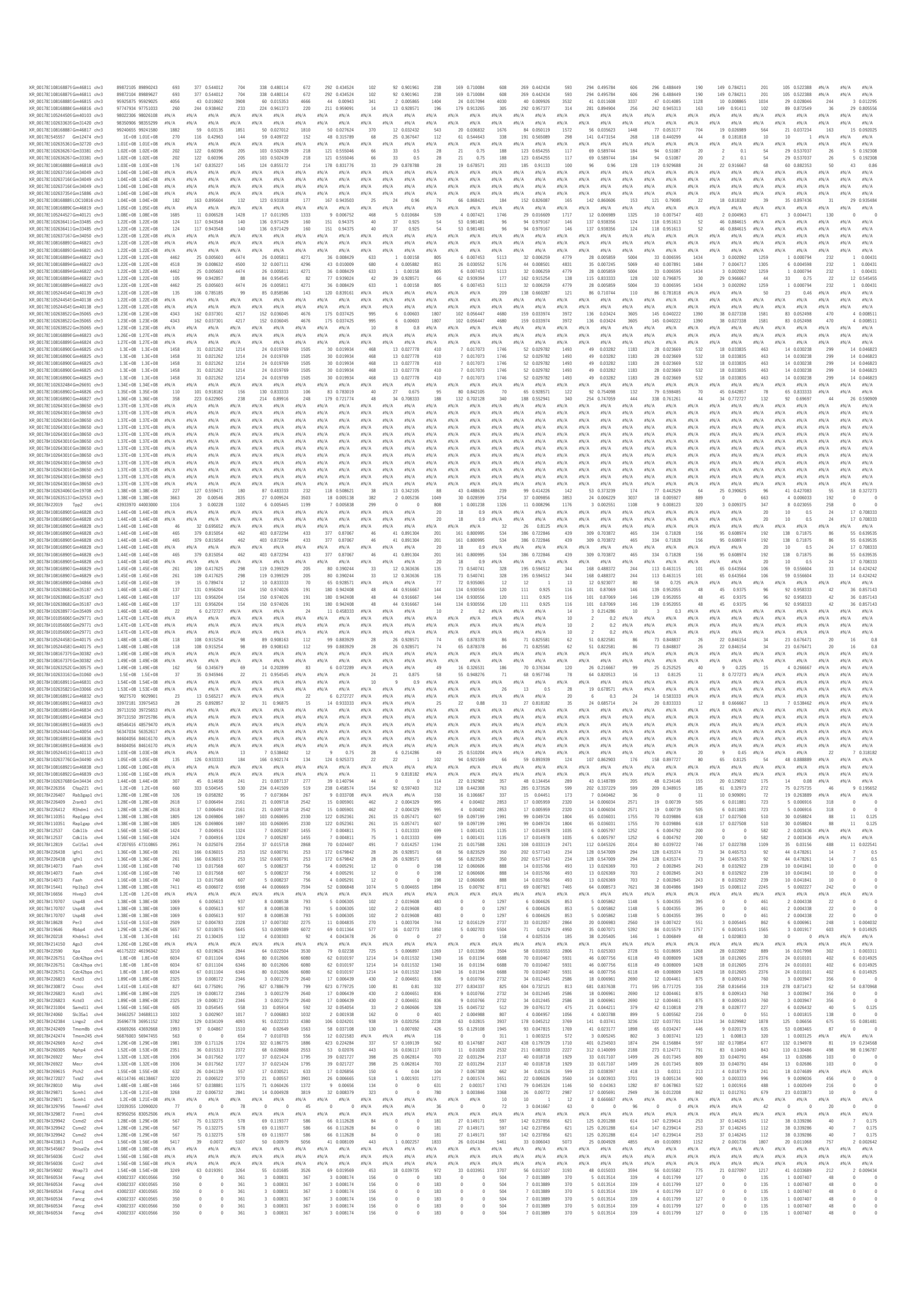


XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	4052	33	0.008144	4160	25	0.00601	4870	41	0.008419	661	3	0.004539	1304	6	0.004601	4118	31	0.007528	3811	31	0.008134	4552	24	0.005272	1124	4	0.003559	1411	6	0.004252	656	2	0.003049
XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	4052	33	0.008144	4160	25	0.00601	4870	41	0.008419	661	3	0.004539	1304	6	0.004601	4118	31	0.007528	3811	31	0.008134	4552	24	0.005272	1124	4	0.003559	1411	6	0.004252	656	2	0.003049
XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	4052	33	0.008144	4160	25	0.00601	4870	41	0.008419	661	3	0.004539	1304	6	0.004601	4118	31	0.007528	3811	31	0.008134	4552	24	0.005272	1124	4	0.003559	1411	6	0.004252	656	2	0.003049
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	170	14	0.082353	202	7	0.034653	226	17	0.075221	52	4	0.076923	68	3	0.044118	186	16	0.086022	154	7	0.045455	170	13	0.076471	56	2	0.035714	66	1	0.015152	40	3	0.075
XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	291	12	0.041237	128	4	0.03125	142	3	0.021127	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	378	8	0.021164	212	6	0.028302	203	3	0.014778	64	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	4052	33	0.008144	4160	25	0.00601	4870	41	0.008419	661	3	0.004539	1304	6	0.004601	4118	31	0.007528	3811	31	0.008134	4552	24	0.005272	1124	4	0.003559	1411	6	0.004252	656	2	0.003049
XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	4052	33	0.008144	4160	25	0.00601	4870	41	0.008419	661	3	0.004539	1304	6	0.004601	4118	31	0.007528	3811	31	0.008134	4552	24	0.005272	1124	4	0.003559	1411	6	0.004252	656	2	0.003049
XM_03025 194401	Mical3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	4052	33	0.008144	4160	25	0.00601	4870	41	0.008419	661	3	0.004539	1304	6	0.004601	4118	31	0.007528	3811	31	0.008134	4552	24	0.005272	1124	4	0.003559	1411	6	0.004252	656	2	0.003049
XM_03025 19691	Recql	chr6	1.42E+08	1.42E+08	3770	14	0.003714	3641	13	0.00357	3780	28	0.007407	646	2	0.003096	1233	3	0.002433	4295	29	0.006752	3480	24	0.006897	3510	18	0.005128	1284	6	0.004673	1622	5	0.003083	430	2	0.004651
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	170	14	0.082353	202	7	0.034653	226	17	0.075221	52	4	0.076923	68	3	0.044118	186	16	0.086022	154	7	0.045455	170	13	0.076471	56	2	0.035714	66	1	0.015152	40	3	0.075
XM_03025 20166	Rtkn	chr6	83137013	83152579	926	87	0.093952	807	78	0.096654	884	74	0.08371	79	6	0.075949	309	34	0.110032	897	152	0.169454	815	74	0.090798	932	89	0.095494	365	19	0.052055	279	28	0.100358	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20166	Rtkn	chr6	83136190	83152579	758	83	0.109499	724	78	0.107735	729	74	0.101509	79	6	0.075949	290	34	0.117241	726	149	0.205234	637	71	0.11146	756	85	0.112434	344	19	0.055233	265	28	0.10566	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20166	Rtkn	chr6	83142411	83152579	809	584	0.721879	514	396	0.770428	554	458	0.826715	82	75	0.914634	185	134	0.724324	612	368	0.601307	534	383	0.717228	612	489	0.79902	94	81	0.861702	227	196	0.863436	35	34	0.971429
XM_03025 20276	Scnn1a	chr6	1.25E+08	1.25E+08	1212	24	0.019802	1166	11	0.009434	1346	16	0.011887	239	8	0.033473	357	0	0	1191	39	0.032746	1101	15	0.013624	1359	8	0.005887	234	23	0.098291	464	16	0.034483	147	0	0
XM_03025 20392	Sgce	chr6	4674350	4747182	384	194	0.505208	332	169	0.509036	346	147	0.424855	#N/A	#N/A	#N/A	228	135	0.592105	333	154	0.462462	308	158	0.512987	365	192	0.526027	151	55	0.364238	75	28	0.373333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20392	Sgce	chr6	4674350	4747184	384	194	0.505208	332	169	0.509036	346	147	0.424855	#N/A	#N/A	#N/A	228	135	0.592105	333	154	0.462462	308	158	0.512987	365	192	0.526027	151	55	0.364238	75	28	0.373333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 108664	Atp6v1h	chr1	5082978	5163213	1149	20	0.017406	965	4	0.004145	961	16	0.016649	126	1	0.007937	173	11	0.063584	1030	21	0.020388	735	21	0.028571	901	11	0.012209	230	1	0.004348	26	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20392	Sgce	chr6	4674350	4747199	384	194	0.505208	332	169	0.509036	346	147	0.424855	#N/A	#N/A	#N/A	228	135	0.592105	333	154	0.462462	308	158	0.512987	365	192	0.526027	151	55	0.364238	75	28	0.373333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20392	Sgce	chr6	4674350	4747164	384	194	0.505208	332	169	0.509036	346	147	0.424855	#N/A	#N/A	#N/A	228	135	0.592105	333	154	0.462462	308	158	0.512987	365	192	0.526027	151	55	0.364238	75	28	0.373333	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20449	St8sia1	chr6	1.43E+08	1.43E+08	3369	236	0.07005	2898	245	0.084541	3747	258	0.068855	736	29	0.039402	945	58	0.061376	3279	230	0.070143	2750	109	0.039636	2759	232	0.084088	966	114	0.118012	1005	65	0.064677	334	20	0.05988
XM_03025 20527	Slc2a3	chr6	1.23E+08	1.23E+08	1830	52	0.028415	1760	34	0.019318	1712	16	0.009346	238	9	0.037815	802	26	0.032419	1619	19	0.011736	1447	46	0.03179	1500	37	0.024667	540	2	0.003704	357	9	0.02521	110	0	0
XM_03025 20527	Slc2a3	chr6	1.23E+08	1.23E+08	173	43	0.248555	109	57	0.522936	150	58	0.386667	#N/A	#N/A	#N/A	119	70	0.588235	147	85	0.578231	112	27	0.241071	123	25	0.203252	97	33	0.340206	87	32	0.367816	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20678	Sox5	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20678	Sox5	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20678	Sox5	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 383619	Aim2	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 20917	Suclg2	chr6	95474146	95718821	3743	29	0.007748	3388	21	0.006198	3883	28	0.007211	807	1	0.001239	1234	3	0.002431	3984	22	0.005522	2942	19	0.006458	3388	24	0.007084	1023	5	0.004888	1319	11	0.00834	500	1	0.002
XM_03025 209773	Dennd2a	chr6	39462909	39527407	65	63	0.969231	60	59	0.983333	100	98	0.98	#N/A	#N/A	#N/A	50	49	0.98	60	56	0.933333	55	46	0.836364	80	74	0.925	75	64	0.853333	50	42	0.84	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 209773	Dennd2a	chr6	39462909	39557547	4487	146	0.032538	4976	133	0.026728	4755	134	0.028181	792	19	0.02399	1179	27	0.022901	4498	132	0.029346	3959	152	0.038394	4208	90	0.021388	1070	42	0.039252	1345	41	0.030483	429	7	0.016317
XM_03025 209773	Dennd2a	chr6	39462909	39515924	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	24	15	0.625	24	21	0.875	28	18	0.642857	24	12	0.5	22	15	0.681818	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 210673	Prrt3	chr6	1.13E+08	1.14E+08	509	77	0.151277	525	48	0.091429	568	66	0.116197	33	3	0.090909	203	43	0.211823	619	116	0.187399	567	81	0.142857	535	53	0.099065	218	42	0.192661	168	15	0.089286	125	21	0.168
XM_03025 211232	Cpne9	chr6	1.13E+08	1.13E+08	3105	679	0.21868	2717	575	0.21163	3096	661	0.213501	470	111	0.23617	1189	419	0.352397	2976	719	0.241599	2662	537	0.201728	2475	577	0.233131	1036	321	0.309846	1387	494	0.356164	362	131	0.361878
XM_03025 211232	Cpne9	chr6	1.13E+08	1.13E+08	3159	546	0.17284	2707	451	0.166605	3068	519	0.169166	514	114	0.22179	1176	280	0.238095	2998	615	0.205137	2590	413	0.159459	2427	437	0.180058	1104	279	0.252717	1334	359	0.269115	398	98	0.246231
XM_03025 213233	Tapbpl	chr6	1.25E+08	1.25E+08	204	115	0.563725	145	88	0.606897	125	78	0.624	11	9	0.818182	64	26	0.40625	255	121	0.47451	219	131	0.598174	152	84	0.552632	43	24	0.55814	40	28	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 21366	Slc6a6	chr6	91684049	91759063	1907	29	0.015207	2211	25	0.011307	2257	21	0.009304	218	13	0.059633	519	5	0.009634	2433	21	0.008631	2195	7	0.003189	2300	29	0.012609	428	2	0.004673	501	11	0.021956	169	17	0.100592
XM_03025 21366	Slc6a6	chr6	91705879	91759063	156	18	0.115385	115	20	0.173913	198	35	0.176768	#N/A	#N/A	#N/A	30	2	0.066667	211	23	0.109005	213	24	0.112676	151	8	0.05298	11	0	0	64	12	0.1875	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_03025 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_03025 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_03025 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_03025 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_03025 214932	Hdhd5	chr6	1.21E+08	1.21E+08	2241	13	0.005801	2228	7	0.003142	2196	11	0.005009	453	1	0.002208	1141	7	0.006135	2369	22	0.009287	2133	19	0.008908	2016	12	0.005952	739	2	0.002706	736	5	0.006793	115	0	0
XM_03025 21766	Tex261	chr6	83768881	83775590	2161	13	0.006016	2058	10	0.004859	2207	15	0.006797	570	2	0.003509	847	1	0.001181	2190	13	0.005936	1955	8	0.004092	1610	31	0.019255	532	2	0.003759	780	2	0.002564	352	0	0
XM_03025 21802	Tgfa	chr6	86195038	86271500	4219	40	0.009481	4429	30	0.006774	4531	29	0.0064	768	4	0.005208	1589	30	0.01888	4111	71	0.017271	3959	38	0.009598	4296	18	0.00419	1197	7	0.005848	1446	7	0.004841	264	3	0.011364
XM_03025 21841	Tia1	chr6	86404307	86432797	1014	25	0.024655	1349	17	0.012602	1348	24	0.017804	252	0	0	529	15	0.028355	1178	12	0.010187	1076	8	0.007435	1475	15	0.010169	491	5	0.010183	461	15	0.032538	278	5	0.017986
XM_03025 22158	Tulp3	chr6	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22200	Uba3	chr6	97183997	97205588	1228	7	0.0057	1242	10	0.008052	1390	9	0.006475	320	1	0.003125	567	2	0.003527	1514	17	0.011229	1278	7	0.005477	1322	9	0.006808	468	0	0	614	4	0.006515	260	0	0
XM_03025 22200	Uba3	chr6	97183997	97205638	1228	7	0.0057	1242	10	0.008052	1390	9	0.006475	320	1	0.003125	567	2	0.003527	1514	17	0.011229	1278	7	0.005477	1322	9	0.006808	468	0	0	614	4	0.006515	260	0	0
XM_03025 22225	Usp5	chr6	1.25E+08	1.25E+08	1935	6	0.003101	1653	7	0.004235	2080	8	0.003846	475	1	0.002105	937	6	0.006403	2479	18	0.007261	1773	7	0.003948	1990	11	0.005528	949	5	0.005269	629	2	0.00318	480	1	0.002083
XM_03025 22225	Usp5	chr6	1.25E+08	1.25E+08	1935	6	0.003101	1653	7	0.004235	2080	8	0.003846	475	1	0.002105	937	6	0.006403	2479	18	0.007261	1773	7	0.003948	1990	11	0.005528	949	5	0.005269	629	2	0.00318	480	1	0.002083
XM_03025 22644	Rnf103	chr6	71496831	71510880	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22685	Zfp239	chr6	1.18E+08	1.18E+08	215	98	0.455814	268	101	0.376866	244	127	0.520492	#N/A	#N/A	#N/A	104	42	0.403846	224	113	0.504464	235	80	0.340426	268	74	0.276119	144	70	0.486111	136	79	0.580882	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22685	Zfp239	chr6	1.18E+08	1.18E+08	215	98	0.455814	268	101	0.376866	244	127	0.520492	#N/A	#N/A	#N/A	104	42	0.403846	224	113	0.504464	235	80	0.340426	268	74	0.276119	144	70	0.486111	136	79	0.580882	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22685	Zfp239	chr6	1.18E+08	1.18E+08	215	98	0.455814	268	101	0.376866	244	127	0.520492	#N/A	#N/A	#N/A	104	42	0.403846	224	113	0.504464	235	80	0.340426	268	74	0.276119	144	70	0.486111	136	79	0.580882	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22685	Zfp239	chr6	1.18E+08	1.18E+08	215	98	0.455814	268	101	0.376866	244	127	0.520492	#N/A	#N/A	#N/A	104	42	0.403846	224	113	0.504464	235	80	0.340426	268	74	0.276119	144	70	0.486111	136	79	0.580882	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22685	Zfp239	chr6	1.18E+08	1.18E+08	215	98	0.455814	268	101	0.376866	244	127	0.520492	#N/A	#N/A	#N/A	104	42	0.403846	224	113	0.504464	235	80	0.340426	268	74	0.276119	144	70	0.486111	136	79	0.580882	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 22793	Zyx	chr6	42350029	42358398	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
XM_03025 22793	Zyx	chr6	42349572	42358445	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
XM_03025 22793	Zyx	chr6	42349825	42358398	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
XM_03025 22793	Zyx	chr6	42349511	42358398	4968	25	0.005032	3925	26	0.006624	5076	34	0.006698	722	4	0.00554	1623	3	0.001848	6045	48	0.00794	4672	32	0.006849	4849	35	0.007218	1358	5	0.003682	1604	4	0.002494	383	2	0.005222
XM_03025 231946	Fam221a	chr6	49366921	49389282	298	31	0.104027	266	20	0.075188	252	26	0.103175	74	12	0.162162	172	22	0.127907	432	2	0.00463	225	16	0.071111	155	1	0.006452	26	0	0	159	9	0.056604	108	5	0.046296
XM_03025 231997	Fkbp14	chr6	54577602	54593699	2543	9	0.003539	2283	14	0.006132	2565	17	0.006628	503	1	0.001988	953	7	0.007345	2819	8	0.002838	2256	4	0.001773	2424	11	0.004538	581	2	0.003442	1090	5	0.004587	420	0	0
XM_03025 232023	Vopp1	chr6	57752264	57827983	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232089	Elmod3	chr6	72565922	72598431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232089	Elmod3	chr6	72565922	72598431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232089	Elmod3	chr6	72565922	72598431	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232146	Eva1a	chr6	82070741	82093098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232146	Eva1a	chr6	82041614	82093098	1167	114	0.097686	1004	100	0.099602	919	120	0.130577	211	39	0.184834	403	61	0.151365	1313	117	0.089109	991	63	0.063572	904	93	0.102876	276	44	0.15942	244	54	0.221311	91	32	0.351648
XM_03025 232174	Cyp26b1	chr6	84571423	84592827	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	10	8	0.8	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232196	C87436	chr6	86434637	86470388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90988480	7667	104	0.013565	8094	117	0.014455	7786	105	0.013486	1226	35	0.028548	1798	24	0.013348	7293	147	0.020156	6995	139	0.019871	7739	136	0.017573	1326	20	0.015083	2381	49	0.02058	954	22	0.023061
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90810214	208	15	0.072115	286	26	0.090909	294	33	0.112245	#N/A	#N/A	#N/A	112	22	0.196429	416	81	0.194712	288	20	0.069444	320	29	0.090625	87	5	0.057471	154	30	0.194805	26	1	0.038462
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90782572	53	38	0.716981	46	38	0.826087	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	48	35	0.729167	44	33	0.75	53	37	0.698113	#N/A	#N/A	#N/A	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90731354	87	35	0.402299	63	26	0.412698	67	21	0.313433	23	6	0.26087	45	21	0.466667	104	37	0.355769	72	17	0.236111	70	16	0.228571	14	1	0.071429	33	9	0.272727	11	1	0.090909
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90737297	5072	91	0.017942	4842	96	0.019827	4973	123	0.024734	1065	27	0.025352	2221	26	0.011706	5590	88	0.015742	4195	87	0.020739	4966	70	0.014096	863	6	0.006952	2768	31	0.011199	475	1	0.002105
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90737297	5072	91	0.017942	4842	96	0.019827	4973	123	0.024734	1065	27	0.025352	2221	26	0.011706	5590	88	0.015742	4195	87	0.020739	4966	70	0.014096	863	6	0.006952	2768	31	0.011199	475	1	0.002105
XM_03025 232227	Iqsec1	chr6	90659596	90757551	98	77	0.785714	76	64	0.842105	106	83	0.783019	#N/A	#N/A	#N/A	54	38	0.703704	78	54	0.692308	114	76	0.666667	118	85	0.720339	22	15	0.681818	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232236	Ccdc174	chr6	91843154	91899849	4713	164	0.034797	4916	145	0.029496	5246	161	0.03069	621	24	0.038647	1372	52	0.037901	4550	242	0.053187	4663	168	0.036028	4592	160	0.034843	1143	41	0.035871	1499	78	0.052035	318	3	0.009434
XM_03025 232236	Ccdc174	chr6	91877902	91899849	405	8	0.019753	378	2	0.005291	343	4	0.011662	#N/A	#N/A	#N/A	319	8	0.025078	401	9	0.022444	425	1	0.002353	366	2	0.005464	131	3	0.022901	242	6	0.024793	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232286	Tmf1	chr6	97152991	97179151	3886	21	0.005404	3379	25	0.007399	3791	23	0.006067	413	0	0	1337	1	0.000748	3308	19	0.005744	3350	13	0.003881	3735	16	0.004284	1201	8	0.006661	1405	4	0.002847	406	0	0
XM_03025 232288	Frmd4b	chr6	97286867	97578168	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232337	Zfp637	chr6	1.18E+08	1.18E+08	2099	10	0.004764	2041	11	0.00539	2068	17	0.008221	217	2	0.009217	365	1	0.00274	1973	16	0.008109	1988	10	0.00503	1986	14	0.007049	536	2	0.003731	350	2	0.005714	187	1	0.005348
XM_03025 232337	Zfp637	chr6	1.18E+08	1.18E+08	2156	66	0.030612	2074	40	0.019286	2068	17	0.008221	217	2	0.009217	365	1	0.00274	1973	16	0.008109	2021	42	0.020782	2028	55	0.02712	536	2	0.003731	350	2	0.005714	187	1	0.005348
XM_03025 232337	Zfp637	chr6	1.18E+08	1.18E+08	2156	66	0.030612	2074	40	0.019286	2068	17	0.008221	217	2	0.009217	365	1	0.00274	1973	16	0.008109	2021	42	0.020782	2028	55	0.02712	536	2	0.003731	350	2	0.005714	187	1	0.005348
XM_03025 232339	Ankrd26	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232341	Wnk1	chr6	1.2E+08	1.2E+08	5146	34	0.006607	4728	29	0.006134	4859	33	0.006792	822	2	0.002433	1822	5	0.002744	5567	41	0.007365	4937	28	0.005671	5266	43	0.008166	1455	7	0.004811	2005	4	0.001995	525	0	0
XM_03025 232430	Crebl2	chr6	1.35E+08	1.35E+08	1134	9	0.007937	806	8	0.009926	1072	20	0.018657	280	0	0	322	3	0.009317	1218	8	0.006568	1209	4	0.003309	1054	3	0.002846	331	1	0.003021	313	1	0.003195	68	0	0
XM_03025 232533	Stk38l	chr6	1.47E+08	1.47E+08	1321	9	0.006813	1282	10	0.0078	1568	16	0.010204	50	0	0	178	0	0	1454	4	0.002751	1446	8	0.005533	1384	8	0.00578	154	0	0	308	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232533	Stk38l	chr6	1.47E+08	1.47E+08	1321	9	0.006813	1282	10	0.0078	1568	16	0.010204	50	0	0	178	0	0	1454	4	0.002751	1446	8	0.005533	1384	8	0.00578	154	0	0	308	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232533	Stk38l	chr6	1.47E+08	1.47E+08	1321	9	0.006813	1282	10	0.0078	1568	16	0.010204	50	0	0	178	0	0	1454	4	0.002751	1446	8	0.005533	1384	8	0.00578	154	0	0	308	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232533	Stk38l	chr6	1.47E+08	1.47E+08	1321	9	0.006813	1282	10	0.0078	1568	16	0.010204	50	0	0	178	0	0	1454	4	0.002751	1446	8	0.005533	1384	8	0.00578	154	0	0	308	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232560	Caprin2	chr6	1.49E+08	1.49E+08	713	3	0.004208	579	4	0.006908	731	9	0.012312	122	0	0	204	1	0.004902	694	5	0.007205	668	3	0.004491	650	3	0.004615	192	1	0.005208	166	1	0.006024	44	0	0
XM_03025 232560	Caprin2	chr6	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 232664	Ccdc136	chr6	29396589	29426955	3054	214	0.070072	2580	208	0.08062	3463	227	0.06555	461	24	0.052061	928	57	0.061422	3199	296	0.092529	2554	213	0.083399	2530	311	0.122925	901	81	0.0899	1041	70	0.067243	274	4	0.014599
XM_03025 232664	Ccdc136	chr6	29396589	29426950	3054	214	0.070072	2580	208	0.08062	3463	227	0.06555	461	24	0.052061	928	57	0.061422	3199	296	0.092529	2554	213	0.083399	2530	311	0.122925	901	81	0.0899	1041	70	0.067243	274	4	0.014599
XM_03025 232664	Ccdc136	chr6	29396589	29426953	3054	214	0.070072	2580	208	0.08062	3463	227	0.06555	461	24	0.052061	928	57	0.061422	3199	296	0.092529	2554	213	0.083399	2530	311	0.122925	901	81	0.0899	1041	70	0.067243	274	4	0.014599
XM_03025 100040462	Mndal	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 23917	Impdh1	chr6	29200436	29212410	1627	56	0.034419	1290	40	0.031008	1516	62	0.040897	198	0	0	483	30	0.062112	1590	63	0.039623	1250	46	0.0368	1498	51	0.034045	488	24	0.04918	525	19	0.03619	118	19	0.161017
XM_03025 243369	Sspo	chr6	48447881	48501262	180	154	0.855556	140	128	0.914286	149	136	0.912752	50	43	0.86	89	68	0.764045	226	198	0.876106	121	110	0.909091	135	117	0.866667	36	32	0.888889	76	66	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 243369	Sspo	chr6	48447880	48501262	180	154	0.855556	140	128	0.914286	149	136	0.912752	50	43	0.86	89	68	0.764045	226	198	0.876106	121	110	0.909091	135	117	0.866667	36	32	0.888889	76	66	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 433323	Sgpp2	chr1	78309563	78420289	1012	31	0.030632	1008	38	0.037698	1071	40	0.037348	150	1	0.006667	465	20	0.043011	1044	49	0.046935	781	17	0.021767	717	11	0.015342	299	6	0.020067	434	24	0.0553	301	7	0.023256
XM_03025 433323	Sgpp2	chr1	78309565	78420289	1012	31	0.030632	1008	38	0.037698	1071	40	0.037348	150	1	0.006667	465	20	0.043011	1044	49	0.046935	781	17	0.021767	717	11	0.015342	299	6	0.020067	434	24	0.0553	301	7	0.023256
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XM_03025 243548	Prickle2	chr6	92370908	92642328	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 243612	Ssu2	chr6	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 243621	Iqsec3	chr6	1.21E+08	1.21E+08	1518	35	0.023057	1184	33	0.027872	1323	33	0.024943	110	0	0	590	23	0.038983	1616	50	0.030941	1439	31	0.021543	1343	36	0.026806	449	21	0.046771	503	25	0.049702	111	3	0.027027
XM_03025 243655	Klre1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 243659	Styk1	chr6	1.31E+08	1.31E+08	187	1	0.005348	271	2	0.00738	173	1	0.00578	#N/A	#N/A	#N/A	158	1	0.006329	160	1	0.00625	142	1	0.007042	107	0	0	100	1	0.01	80	1	0.0125	86	3	0.034884
XM_03025 243659	Styk1	chr6	1.31E+08	1.31E+08	187	1	0.005348	271	2	0.00738	173	1	0.00578	#N/A	#N/A	#N/A	158	1	0.006329	160	1	0.00625	142	1	0.007042	107	0	0	100	1	0.01	80	1	0.0125	86	3	0.034884
XM_03025 243764	Chrm2	chr6	36387992	36528638	912	36	0.039474	755	24	0.031788	717	14	0.019526	22	0	0	362	15	0.041436	773	31	0.040103	782	23	0.029412	678	26	0.038348	255	4	0.015686	150	2	0.013333	46	1	0.021739
XM_03025 243764	Chrm2	chr6	36387991	36528638	912	36	0.039474	755	24	0.031788	717	14	0.019526	22	0	0	362	15	0.041436	773	31	0.040103	782	23	0.029412	678	26	0.038348	255	4	0.015686	150	2	0.013333	46	1	0.021739
XM_03025 258914	Olfr211	chr6	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85587491	85645040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	10	0.333333	19	12	0.631579	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	8	0.32
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85600152	85645040	168	48	0.285714	78	25	0.320513	96	28	0.291667	100	33	0.33	158	52	0.329114	177	49	0.276836	204	55	0.269608	135	37	0.274074	99	27	0.272727	173	46	0.265896	128	38	0.296875
XM_03025 259302	Srgap3	chr6	1.13E+08	1.13E+08	611	8	0.013093	566	7	0.012367	565	2	0.00354	122	1	0.008197	337	6	0.017804	559	9	0.0161	551	7	0.012704	613	6	0.009788	267	1	0.003745	263	1	0.003802	58	0	0
XM_03025 26357	Abcg2	chr6	58596593	58692451	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 26357	Abcg2	chr6	58635518	58692451	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85599675	85645040	168	48	0.285714	78	25	0.320513	96	28	0.291667	100	33	0.33	158	52	0.329114	177	49	0.276836	204	55	0.269608	135	37	0.274074	99	27	0.272727	173	46	0.265896	128	38	0.296875
XM_03025 26888	Clec4a2	chr6	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85609008	85645040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143
XM_03025 26894	Cops7a	chr6	1.25E+08	1.25E+08	586	132	0.225256	494	118	0.238866	632	134	0.212025	135	32	0.237037	291	60	0.206186	647	198	0.306028	561	101	0.180036	570	140	0.245614	214	45	0.21028	154	49	0.318182	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 26903	Dysf	chr6	84019264	84211060	97	13	0.134021	84	9	0.107143	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	5	0.178571	159	3	0.018868	102	22	0.215686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85609008	85645040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85599675	85645040	168	48	0.285714	78	25	0.320513	96	28	0.291667	100	33	0.33	158	52	0.329114	177	49	0.276836	204	55	0.269608	135	37	0.274074	99	27	0.272727	173	46	0.265896	128	38	0.296875
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85599675	85645040	168	48	0.285714	78	25	0.320513	96	28	0.291667	100	33	0.33	158	52	0.329114	177	49	0.276836	204	55	0.269608	135	37	0.274074	99	27	0.272727	173	46	0.265896	128	38	0.296875
XM_03025 26965	Cul1	chr6	47461884	47526076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 269774	Aak1	chr6	86849472	86991864	3320	329	0.099096	3184	266	0.083543	3501	316	0.09026	797	74	0.092848	1357	102	0.075166	3526	248	0.070335	3102	248	0.079948	3242	295	0.090993	928	83	0.08944	1383	91	0.065799	282	38	0.134752
XM_03025 269774	Aak1	chr6	86849472	86991864	3320	329	0.099096	3184	266	0.083543	3501	316	0.09026	797	74	0.092848	1357	102	0.075166	3526	248	0.070335	3102	248	0.079948	3242	295	0.090993	928	83	0.08944	1383	91	0.065799	282	38	0.134752
XM_03025 434484	Sp140	chr1	85599675	85645040	168	48	0.285714	78	25	0.320513	96	28	0.291667	100	33	0.33	158	52	0.329114	177	49	0.276836	204	55	0.269608	135	37	0.274074	99	27	0.272727	173	46	0.265896	128	38	0.296875
XM_03025 269774	Aak1	chr6	86849651	86991864	3320	329	0.099096	3184	266	0.083543	3501	316	0.09026	797	74	0.092848	1357	102	0.075166	3526	248	0.070335	3102	248	0.079948	3242	295	0.090993	928	83	0.08944	1383	91	0.065799	282	38	0.134752
XM_03025 269774	Aak1	chr6	86849472	86991864	3320	329	0.099096	3184	266	0.083543	3501	316	0.09026	797	74	0.092848	1357	102	0.075166	3526	248	0.070335	3102	248	0.079948	3242	295	0.090993	928	83	0.08944	1383	91	0.065799	282	38	0.134752
XM_03025 269774	Aak1	chr6	86849513	86991864	3320	329	0.099096	3184	266	0.083543	3501	316	0.09026	797	74	0.092848	1357	102	0.075166	3526	248	0.070335	3102	248	0.079948	3242	295	0.090993	928	83	0.08944	1383	91	0.065799	282	38	0.134752
XM_03025 269774	Aak1	chr6	86849274	86991864	3320	329	0.099096	3184	266	0.083543	3501	316	0.09026	797	74	0.092848	1357	102	0.075166	3526	248	0.070335	3102	248	0.079948	3242	295	0.090993	928	83	0.08944	1383	91	0.065799	282	38	0.134752
XM_03025 269800	Zfp384	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3750	72	0.0192	3254	28	0.008605	3837	37	0.009643	863	3	0.003476	1239	17	0.013721	4341	43	0.009906	3489	33	0.009458	4116	28	0.006803	970	4	0.004124	1395	16	0.01147	308	3	0.00974
XM_03025 269800	Zfp384	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3750	72	0.0192	3254	28	0.008605	3837	37	0.009643	863	3	0.003476	1239	17	0.013721	4341	43	0.009906	3489	33	0.009458	4116	28	0.006803	970	4	0.004124	1395	16	0.01147	308	3	0.00974
XM_03025 269800	Zfp384	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3750	72	0.0192	3254	28	0.008605	3837	37	0.009643	863	3	0.003476	1239	17	0.013721	4341	43	0.009906	3489	33	0.009458	4116	28	0.006803	970	4	0.004124	1395	16	0.01147	308	3	0.00974
XM_03025 269800	Zfp384	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3750	72	0.0192	3254	28	0.008605	3837	37	0.009643	863	3	0.003476	1239	17	0.013721	4341	43	0.009906	3489	33	0.009458	4116	28	0.006803	970	4	0.004124	1395	16	0.01147	308	3	0.00974
XM_03025 269800	Zfp384	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3750	72	0.0192	3254	28	0.008605	3837	37	0.009643	863	3	0.003476	1239	17	0.013721	4341	43	0.009906	3489	33	0.009458	4116	28	0.006803	970	4	0.004124	1395	16	0.01147	308	3	0.00974
XM_03025 269800	Zfp384	chr6	1.25E+08	1.25E+08	3750	72	0.0192	3254	28	0.008605	3837	37	0.009643	863	3	0.003476	1239	17	0.013721	4341	43	0.009906	3489	33	0.009458	4116	28	0.006803	970	4	0.004124	1395	16	0.01147	308	3	0.00974
XM_03025 269823	Pon3	chr6	5221425	5256235	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 269831	Tspan12	chr6	21771391	21879564	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_03025 269831	Tspan12	chr6	21771397	21852168	3965	63	0.015889	3894	45	0.011556	4188	42	0.010029	422	0	0	1328	15	0.011295	4265	98	0.022978	3436	32	0.009313	3763	30	0.007972	1383	14	0.010123	1545	9	0.005825	503	4	0.007952

XM_88814	435732	Gm5709	chr3	59602453	59635733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_89266	624584	Scgb2b10	chr7	32091996	32093939	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_97296	664831	Gm7358	chr17	14057990	14061201	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_97505	665174	Gm11543	chr11	94827679	94831986	97	88	0.907216	111	104	0.936937	114	105	0.921053	30	30	1	52	48	0.923077	116	102	0.87931	97	89	0.917526	84	70	0.833333	54	36	0.666667	60	51	0.85	30	25	0.833333
XM_97791	665578	Gm7697	chr8	69475551	69522924	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_98159	666096	Gm14594	chrX	54440097	54457011	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_98171	634331	Gm7133	chr1	97162694	97310549	#N/A	#N/A	#N/A	36	27	0.75	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_98174	634346	Gm7135	chr1	97346262	97479049	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XM_98218	666187	Pramel49	chr5	95590835	95594862	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00153	217536	Gm1818	chr12	48555059	48559974	503	311	0.61829	655	467	0.712977	654	466	0.712538	112	86	0.767857	280	188	0.671429	511	345	0.675147	672	338	0.502976	479	337	0.703549	232	188	0.810345	207	122	0.589372	87	69	0.793103
XR_00155	434775	Gm5636	chrX	47433043	47436541	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	66078	Tsen34	chr7	3694096	3701014	2838	27	0.009514	2430	24	0.009877	3224	24	0.007444	721	7	0.009709	964	5	0.005187	3612	29	0.008029	2444	34	0.013912	2682	16	0.005966	888	1	0.001126	1256	5	0.003981	524	6	0.01145
XR_00177	67150	Rnf141	chr7	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	80	1	0.0125	143	2	0.013986	95	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	54	1	0.018519	126	0	0	92	0	0
XR_00177	68667	Trpm4	chr7	45303347	45334066	1217	173	0.142153	1129	139	0.123118	1198	125	0.104341	66	8	0.121212	414	12	0.028986	1060	172	0.162264	825	135	0.163636	869	138	0.158803	402	44	0.109453	255	24	0.094118	131	0	0
XR_00177	71830	Pdilt	chr7	1.19E+08	1.2E+08	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	71981	Tdrd12	chr7	35466941	35537783	124	115	0.927419	160	149	0.93125	181	170	0.939227	70	66	0.942857	115	101	0.878261	204	178	0.872549	173	152	0.878613	116	99	0.853448	66	55	0.833333	190	175	0.921053	50	48	0.96
XR_00177	72205	Eml2	chr7	19176422	19206482	1102	102	0.092559	1109	97	0.087466	1182	118	0.099831	55	3	0.054545	75	7	0.093333	944	78	0.082627	879	76	0.086462	999	88	0.088088	179	13	0.072626	288	28	0.097222	58	5	0.086207
XR_00177	71096	Sntg1	chr1	8445027	9301657	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	73683	Atg16l2	chr7	1.01E+08	1.01E+08	1094	6	0.005484	842	2	0.002375	874	8	0.009153	139	0	0	508	2	0.003937	1390	3	0.002158	1232	4	0.003247	993	9	0.009063	368	1	0.002717	515	3	0.005825	134	0	0
XR_00177	74349	Fam160a2	chr7	1.05E+08	1.05E+08	1493	12	0.008038	1403	5	0.003564	1304	5	0.003834	258	0	0	648	3	0.00463	1911	17	0.008896	1598	4	0.002503	1437	8	0.005567	276	1	0.003623	398	2	0.005025	232	1	0.00431
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44958510	44974880	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78070	Cpt1c	chr7	44959372	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	78935	Saal1	chr7	46699636	46710690	536	40	0.074627	502	51	0.101594	510	46	0.090196	179	0	0	385	48	0.124675	648	26	0.040123	433	29	0.066975	450	27	0.06	207	21	0.101449	227	1	0.004405	77	0	0
XR_00177	79196	Osbpl5	chr7	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	98845	Eps8l2	chr7	1.41E+08	1.41E+08	1460	281	0.192466	1324	205	0.154834	1454	185	0.127235	263	46	0.174905	532	142	0.266917	1601	341	0.212992	1372	170	0.123907	1515	171	0.112871	394	55	0.139594	660	62	0.093939	116	33	0.284483
XR_00177	105242840	Gm45920	chr7	3472604	3474999	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	105242840	Gm45920	chr7	3467806	3474999	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	105242840	Gm45920	chr7	3471938	3474999	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	675749	Gm10693	chr7	3860623	3869264	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102638607	Gm15927	chr7	3641505	3645460	4147	170	0.040993	3813	161	0.042224	3521	164	0.046578	627	51	0.08134	1544	91	0.058938	4356	194	0.044536	3455	157	0.045441	4021	172	0.042775	1267	45	0.035517	1426	74	0.051893	755	30	0.039735
XR_00177	102638607	Gm15927	chr7	3631071	3644345	3890	20	0.005141	3580	15	0.00419	3288	32	0.009732	552	4	0.007246	1436	18	0.012535	4021	12	0.002984	3262	13	0.003985	3849	48	0.012471	1209	2	0.001654	1340	14	0.010448	699	4	0.005722
XR_00177	102638607	Gm15927	chr7	3632111	3644345	3890	20	0.005141	3580	15	0.00419	3288	32	0.009732	552	4	0.007246	1436	18	0.012535	4021	12	0.002984	3262	13	0.003985	3849	48	0.012471	1209	2	0.001654	1340	14	0.010448	699	4	0.005722
XR_00177	102638607	Gm15927	chr7	3641505	3645435	4147	170	0.040993	3813	161	0.042224	3521	164	0.046578	627	51	0.08134	1544	91	0.058938	4356	194	0.044536	3455	157	0.045441	4021	172	0.042775	1267	45	0.035517	1426	74	0.051893	755	30	0.039735
XR_00177	665577	Gm7696	chr7	8351076	8353704	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167405	LOC10816	chr7	8775901	8777381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167405	LOC10816	chr7	8775901	8777384	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167406	LOC10816	chr7	9521996	9523976	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	628737	Gm6909	chr7	11181223	11188812	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102633291	Gm31152	chr7	12864284	12870826	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102633291	Gm31152	chr7	12864284	12870826	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102633291	Gm31152	chr7	12864284	12870826	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102633291	Gm31152	chr7	12864284	12867926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167408	Gm45971	chr7	12870869	12873480	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635538	Gm32846	chr7	17396816	17452062	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635538	Gm32846	chr7	17396816	17452060	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635433	Gm32772	chr7	17287647	17366538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635433	Gm32772	chr7	17287647	17366538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635433	Gm32772	chr7	17287647	17366538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640044	Gm26550	chr7	24620047	24638394	1179	172	0.145886	1288	178	0.138199	1245	144	0.115663	203	2	0.009852	572	154	0.269231	1420	236	0.166197	966	172	0.178054	1156	118	0.102076	529	81	0.153119	500	91	0.182	251	22	0.087649
XR_00177	102640044	Gm26550	chr7	24620047	24638395	1179	172	0.145886	1288	178	0.138199	1245	144	0.115663	203	2	0.009852	572	154	0.269231	1420	236	0.166197	966	172	0.178054	1156	118	0.102076	529	81	0.153119	500	91	0.182	251	22	0.087649
XR_00177	102640044	Gm26550	chr7	24620047	24638394	1179	172	0.145886	1288	178	0.138199	1245	144	0.115663	203	2	0.009852	572	154	0.269231	1420	236	0.166197	966	172	0.178054	1156	118	0.102076	529	81	0.153119	500	91	0.182	251	22	0.087649
XR_00177	102640044	Gm26550	chr7	24620047	24638395	1179	172	0.145886	1288	178	0.138199	1245	144	0.115663	203	2	0.009852	572	154	0.269231	1420	236	0.166197	966	172	0.178054	1156	118	0.102076	529	81	0.153119	500	91	0.182	251	22	0.087649
XR_00177	108167411	Gm45974	chr7	25268333	25270837	750	692	0.922667	607	550	0.906096	761	716	0.940867	30	29	0.966667	280	258	0.921429	733	678	0.924966	715	655	0.916084	725	680	0.937931	229	201	0.877729	238	226	0.94958	141	134	0.950355
XR_00177	105242891	Gm31024	chr7	28167273	28168862	2002	9	0.004496	1663	10	0.006013	1904	10	0.005252	220	0	0	679	1	0.001473	1956	9	0.004601	2009	9	0.00448	2085	12	0.005755	303	0	0	626	16	0.025559	224	0	0
XR_00177	102634056	Gm31735	chr7	29970602	29983521	1737	14	0.00806	2005	10	0.004988	2079	14	0.006734	172	1	0.005814	267	0	0	1822	16	0.008782	1639	6	0.003661	1829	4	0.002187	697	0	0	469	3	0.006397	91	0	0
XR_00177	108167417	Gm45979	chr7	30454701	30455885	493	46	0.093306	355	48	0.135211	493	73	0.148073	245	21	0.085714	108	32	0.296296	490	39	0.079592	472	57	0.120763	441	61	0.138322	130	12	0.092308	153	24	0.156863	98	8	0.081633
XR_00177	102640395	Gm36464	chr7	36944152	36961412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640984	Gm28076	chr7	37131736	37140361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640984	Gm28076	chr7	37129856	37140361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640984	Gm28076	chr7	37129856	37140361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102632789	Gm30771	chr7	38061280	38092481	1021	84	0.082272	982	104	0.105906	954	67	0.070231	52	2	0.038462	384	31	0.080729	1094	93	0.085009	847	45	0.053129	881	50	0.056754	269	46	0.171004	151	32	0.211921	123	10	0.081301
XR_00177	102632789	Gm30771	chr7	38069872	38092481	100	89	0.89	116	91	0.784483	167	129	0.772455	#N/A	#N/A	#N/A	75	57	0.76	127	101	0.795276	55	32	0.581818	64	46	0.71875	44	15	0.340909	76	63	0.828947	10	6	0.6
XR_00177	102632789	Gm30771	chr7	38061280	38092481	1021	84	0.082272	982	104	0.105906	954	67	0.070231	52	2	0.038462	384	31	0.080729	1094	93	0.085009	847	45	0.053129	881	50	0.056754	269	46	0.171004	151	32	0.211921	123	10	0.081301
XR_00177	105242926	Gm38998	chr7	42692850	42697790	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	0	0	28	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	0	0
XR_00177	102638902	Gm35353	chr7	42505827	42510148	367	35	0.095368	241	23	0.095436	281	19	0.067616	48	0	0	58	2	0.034483	408	21	0.051471	177	2	0.011299	232	21	0.090517	105	3	0.028571	59	2	0.033898	40	0	0
XR_00177	108167424	Gm45983	chr7	45963494	45971220	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102634561	Gm14377	chr7	47095620	47113068	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167426	Gm45086	chr7	48724655	48748191	243	18	0.074074	285	15	0.052632	344	6	0.017442	57	2	0.035088	54	4	0.074074	222	3	0.013514	194	2	0.010309	267	9	0.033708	63	5	0.079365	102	1	0.009804	30	0	0
XR_00177	108167426	Gm45086	chr7	48720147	48741863	19	18	0.947368	15	13	0.866667	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	21	1	13	12	0.923077	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167426	Gm45086	chr7	48724655	48740467	19	18	0.947368	15	13	0.866667	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	21	1	13	12	0.923077	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167426	Gm45086	chr7	48724655	48736379	108	104	0.962963	84	78	0.928571	63	62	0.984127	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	72	65	0.902778	102	98	0.960784	63	62	0.984127	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167427	Gm45985	chr7	49639857	49648987	408	16	0.039216	429	16	0.037296	492	17	0.034553	76	3	0.039474	148	9	0.060811	431	54	0.12529	570	42	0.073684	502	35	0.069721	131	4	0.030534	80	8	0.1	24	3	0.125
XR_00177	108167428	Gm45986	chr7	49763631	49770162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167429	Gm33136	chr7	51621394	51624391	140	11	0.078571	110	7	0.063636	122	8	0.065574	58	3	0.051724	56	6	0.107143	105	14	0.133333	108	7	0.064815	78	12	0.153846	24	2	0.083333	36	2	0.055556	20	0	0
XR_00177	102635994	Gm33190	chr7	51496799	51510986	480	135	0.28125	406	75	0.184729	505	98	0.194059	155	10	0.064516	230	35	0.152174	518	128	0.247104	406	92	0.226601	282	72	0.255319	170	13	0.076471	131	21	0.160305	24	16	0.666667
XR_00177	102635994	Gm33190	chr7	51496799	51510889	480	135	0.28125	406	75	0.184729	505	98	0.194059	155	10	0.064516	230	35	0.152174	518	128	0.247104	406	92	0.226601	282	72	0.255319	170	13	0.076471	131	21	0.160305	24	16	0.666667
XR_00177	102635542	Gm20670	chr7	64057210	64068796	99	33	0.333333	57	17	0.298246	94	26	0.276596	22	6	0.272727	32	14	0.4375	93	12	0.129032	76	4	0.052632	58	7	0.12069	30	4	0.133333	63	8	0.126984	31	2	0.064516
XR_00177	108167435	Gm45989	chr7	66281726	66289099	840	776	0.92381	869	813	0.935558	885	808	0.912994	254	230	0.905512	543	508	0.935543	783	736	0.939974	768	686	0.893229	726	657	0.904959	255	245	0.960784	427	399	0.934426	261	239	0.915709
XR_00177	102636611	Gm33627	chr7	66837490	66839791	3928	57	0.014511	3721	61	0.016393	3998	53	0.013257	766	9	0.011749	1232	17	0.013799	3867	47	0.012154	3521	64	0.018177	3725	112	0.030067	1184	14	0.011824	1551	17	0.010961	302	9	0.029801
XR_00177	102637011	Gm33926	chr7	67428888	67440397	85	77	0.905882	62	57	0.919355	85	77	0.905882	#N/A	#N/A	#N/A	16	16	1	84	78	0.928571	68	46	0.676471	85	81	0.952941	29	28	0.965517	10	10	1	16	14	0.875
XR_00177	105242964	Gm39027	chr7	67832910	67849455	565	32	0.056637	391	11	0.028133	494	22	0.044534	92	2	0.021739	254	15	0.059055	535	41	0.076636	299	25	0.083612	374	17	0.045455	322	8	0.024845	242	39	0.161157	30	6	0.2
XR_00177	108167437	Gm44812	chr7	70571609	70584961	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167437	Gm44812	chr7	70562873	70584961	31	30	0.967742	34	31	0.911765	45	42	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	42	38	0.904762	18	15	0.833333	32	30	0.9375	31	28	0.903226	30	28	0.933333	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167437	Gm44812	chr7	70571609	70584961	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167437	Gm44812	chr7	70574463	70584961	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167438	Gm45990	chr7	71032052	71035198	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167439	Gm29328	chr7	71370232	71379885	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167439	Gm29328	chr7	71375098	71379885	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	105242973	Gm39035	chr7	72306862	72323340	203	7	0.034483	306	1	0.003268	210	3	0.014286	28	0	0	97	0	0	178	0	0	156	0	0	150	0	0	109	0	0	140	3	0.021429	24	0	0
XR_00177	102633372	Gm31213	chr7	78938946	78954479	60	10	0.166667	140	25	0.178571	65	15	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	89	33	0.370787	54	10	0.185185	54	28	0.518519	131	33	0.251908	49	30	0.612245	42	7	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102633372	Gm31213	chr7	78940608	78954479	60	10	0.166667	140	25	0.178571	65	15	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	89	33	0.370787	54	10	0.185185	54	28	0.518519	131	33	0.251908	49	30	0.612245	42	7	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102633372	Gm31213	chr7	78938946	78954479	60	10	0.166667	140	25	0.178571	65	15	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	89	33	0.370787	54	10	0.185185	54	28	0.518519	131	33	0.251908	49	30	0.612245	42	7	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102634642	Gm32178	chr7	80956392	80981426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167441	Gm44968	chr7	81208543	81210787	181	72	0.39779	87	47	0.54023	129	72	0.55814	29	17	0.586207	70	27	0.385714	203	85	0.418719	125	57	0.456	156	52	0.333333	38	18	0.473684	39	16	0.410256	10	1	0.1
XR_00177	108167442	Gm45991	chr7	81501303	81505185	195	118	0.605128	75	27	0.36	148	108	0.72973	#N/A	#N/A	#N/A	96	64	0.666667	177	118	0.666667	135	93	0.688889	149	92	0.61745	33	29	0.878788	50	35	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167442	Gm45991	chr7	81501783	81505185	195	118	0.605128	75	27	0.36	148	108	0.72973	#N/A	#N/A	#N/A	96	64	0.666667	177	118	0.666667	135	93	0.688889	149	92	0.61745	33	29	0.878788	50	35	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167443	Gm44570	chr7	81610126	81613479	#N/A	#N/A	#N/A	33	18	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	45	17	0.377778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635324	Gm32695	chr7	81835536	81848641	247	240	0.97166	170	167	0.982353	203	193	0.950739	78	73	0.935897	73	73	1	191	183	0.958115	178	172	0.966292	216	207	0.958333	87	76	0.873563	79	77	0.974684	46	39	0.847826
XR_00177	102640547	Gm36584	chr7	82836838	82867296	7143	129	0.01806	6661	71	0.010659	7477	108	0.014444	1113	4	0.003594	2076	53	0.02553	8201	148	0.018047	6603	108	0.016356	7383	133	0.018014	1955	18	0.009207	2412	93	0.038557	745	2	0.002685
XR_00177	102640547	Gm36584	chr7	82836838	82855415	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640547	Gm36584	chr7	82836838	82867296	7143	129	0.01806	6661	71	0.010659	7477	108	0.014444	1113	4	0.003594	2076	53	0.02553	8201	148	0.018047	6603	108	0.016356	7383	133	0.018014	1955	18	0.009207	2412	93	0.038557	745	2	0.002685
XR_00177	108167444	Gm45992	chr7	82945390	82951317	84	75	0.892857	84	74	0.880952	77	74	0.961039	44	38	0.863636	45	40	0.888889	73	70	0.958904	47	39	0.829787	59	51	0.864407	36	30	0.833333	27	16	0.592593	11	10	0.909091
XR_00177	102633466	Gm31284	chr7	84430281	84457068	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102634625	Gm32164	chr7	90055375	90062927	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167447	Gm44507	chr7	98386215	98415615	42	27	0.642857	16	11	0.6875	50	42	0.84	11	8	0.727273	32	15	0.46875	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	38	29	0.763158	13	8	0.615385	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167447	Gm44507	chr7	98386215	98419794	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167447	Gm44507	chr7	98366993	98415615	42	27	0.642857	16	11	0.6875	50	42	0.84	11	8	0.727273	32	15	0.46875	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	38	29	0.763158	13	8	0.615385	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167447	Gm44507	chr7	98386215	98415624	42	27	0.642857	16	11	0.6875	50	42	0.84	11	8	0.727273	32	15	0.46875	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	38	29	0.763158	13	8	0.615385	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167447	Gm44507	chr7	98366993	98415615	42	27	0.642857	16	11	0.6875	50	42	0.84	11	8	0.727273	32	15	0.46875	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	38	29	0.763158	13	8	0.615385	15	8	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	666529	Gm8149	chr7	98895906	98908691	145	130	0.896552	142	125	0.880282	140	121	0.864286	30	27	0.9	75	69	0.92	193	182	0.943005	187	174	0.930481	126	116	0.920635	54	50	0.925926	91	86	0.945055	48	42	0.875
XR_00177	108167448	Gm45994	chr7	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	100038497	Gm10603	chr7	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102638545	Gm35082	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167450	Gm50587	chr7	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102638725	Gm35219	chr7	1.01E+08	1.01E+08	233	112	0.480687	196	71	0.362245	185	59	0.318919	69	13	0.188406	163	61	0.374233	257	156	0.607004	199	96	0.482412	222	103	0.463964	74	30	0.405405	83	44	0.53012	78	30	0.384615
XR_00177	102638725	Gm35219	chr7	1.01E+08	1.01E+08	233	112	0.480687	196	71	0.362245	185	59	0.318919	69	13	0.188406	163	61	0.374233	257	156	0.607004	199	96	0.482412	222	103	0.463964	74	30	0.405405	83	44	0.53012	78	30	0.384615
XR_00177	108167451	Gm45995	chr7	1.02E+08	1.02E+08	222	210	0.945946	192	164	0.854167	200	188	0.94	42	37	0.880952	92	82	0.891304	212	195	0.919811	170	146	0.858824	144	135	0.9375	52	39	0.75	78	68	0.871795	40	38	0.95
XR_00177	102640341	Gm36430	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167455	Gm44781	chr7	1.09E+08	1.09E+08	256	226	0.882813	154	136	0.883117	195	167	0.85641	73	65	0.890411	131	120	0.916031	226	194	0.858407	158	113	0.71519	214	169	0.78972	57	35	0.614035	117	80	0.683761	48	37	0.770833
XR_00177	100042678	Gm3960	chr7	1.12E+08	1.12E+08	3352	23	0.006862	3683	33	0.00896	3423	13	0.003798	584	1	0.001712	1354	2	0.001477	3086	33	0.010693	3771	27	0.00716	3542	17	0.0048	975	0	0	1203	7	0.005819	432	3	0.006944
XR_00177	108167456	Gm45998	chr7	1.12E+08	1.12E+08	17	14	0.823529	12	10	0.833333	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	23	21	0.913043	18	14	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167456	Gm45998	chr7	1.12E+08	1.12E+08	20	10	0.5	20	6	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102636550	Gm33586	chr7	1.13E+08	1.13E+08	434	284	0.654378	357	220	0.616246	441	280	0.634921	136	85	0.625	172	116	0.674419	437	288	0.659039	336	188	0.559524	332	186	0.560241	217	123	0.56682	136	70	0.514706	96	42	0.4375
XR_00177	102636550	Gm33586	chr7	1.13E+08	1.13E+08	434	284	0.654378	357	220	0.616246	441	280	0.634921	136	85	0.625	172	116	0.674419	437	288	0.659039	336	188	0.559524	332	186	0.560241	217	123	0.56682	136	70	0.514706	96	42	0.4375
XR_00177	108167457	Gm45999	chr7	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	177	138	0.779661	150	115	0.766667	142	113	0.795775	50	42	0.84	72	56	0.777778	156	113	0.724359	82	58	0.707317	159	103	0.647799	66	40	0.606061	33	14	0.424242	20	8	0.4
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	177	138	0.779661	150	115	0.766667	142	113	0.795775	50	42	0.84	72	56	0.777778	156	113	0.724359	82	58	0.707317	159	103	0.647799	66	40	0.606061	33	14	0.424242	20	8	0.4
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	59	54	0.915254	68	62	0.911765	64	59	0.921875	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	56	46	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	177	138	0.779661	150	115	0.766667	142	113	0.795775	50	42	0.84	72	56	0.777778	156	113	0.724359	82	58	0.707317	159	103	0.647799	66	40	0.606061	33	14	0.424242	20	8	0.4
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	59	54	0.915254	68	62	0.911765	64	59	0.921875	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	56	46	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	177	138	0.779661	150	115	0.766667	142	113	0.795775	50	42	0.84	72	56	0.777778	156	113	0.724359	82	58	0.707317	159	103	0.647799	66	40	0.606061	33	14	0.424242	20	8	0.4
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	177	138	0.779661	150	115	0.766667	142	113	0.795775	50	42	0.84	72	56	0.777778	156	113	0.724359	82	58	0.707317	159	103	0.647799	66	40	0.606061	33	14	0.424242	20	8	0.4
XR_00177	108167458	Gm44867	chr7	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640740	Gm36736	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	105243046	Gm39081	chr7	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640890	Gm36848	chr7	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640890	Gm36848	chr7	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	105243050	Gm39084	chr7	1.23E+08	1.23E+08	109	35	0.321101	101	44	0.435644	106	43	0.40566	#N/A	#N/A	#N/A	44	8	0.181818	107	21	0.196262	45	4	0.088889	77	21	0.272727	48	31	0.645833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102632426	Gm30501	chr7	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167459	Gm46000	chr7	1.25E+08	1.25E+08	20	6	0.3	28	8	0.285714	32	10	0.3125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	11	0.366667	30	13	0.433333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167460	Gm46001	chr7	1.26E+08	1.26E+08	1163	8	0.006879	996	6	0.006024	1185	9	0.007595	290	1	0.003448	387	3	0.007752	1219	11	0.009024	954	6	0.006289	1216	6	0.004934	558	2	0.003584	542	0	0	351	0	0
XR_00177	102635419	Gm32765	chr7	1.28E+08	1.28E+08	65	56	0.861538	90	84	0.933333	111	105	0.945946	24	20	0.833333	35	32	0.914286	124	106	0.854839	11	9	0.818182	60	47	0.783333	79	62	0.78481	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102635904	Gm33122	chr7	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	43	0.843137	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102636799	Gm33771	chr7	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102636799	Gm33771	chr7	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102636799	Gm33771	chr7	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	105243068	Gm39099	chr7	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102638626	Gm35147	chr7	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102639040	4932437C1	chr7	1.33E+08	1.33E+08	91	79	0.868132	81	72	0.888889	87	81	0.931034	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	102	77	0.754902	91	61	0.67033	70	55	0.785714	14	8	0.571429	16	11	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	108167463	Gm46003	chr7	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102639844	Gm36062	chr7	1.35E+08	1.35E+08	112	52	0.464286	176	103	0.585227	176	111	0.630682	#N/A	#N/A	#N/A	87	62	0.712644	147	92	0.62585	136	43	0.316176	168	42	0.25	80	23	0.2875	116	61	0.525862	92	27	0.293478
XR_00177	102639844	Gm36062	chr7	1.35E+08	1.35E+08	112	52	0.464286	176	103	0.585227	176	111	0.630682	#N/A	#N/A	#N/A	87	62	0.712644	147	92	0.62585	136	43	0.316176	168	42	0.25	80	23	0.2875	116	61	0.525862	92	27	0.293478
XR_00177	102640741	Gm36737	chr7	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00177	102640741	Gm36737	chr7	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

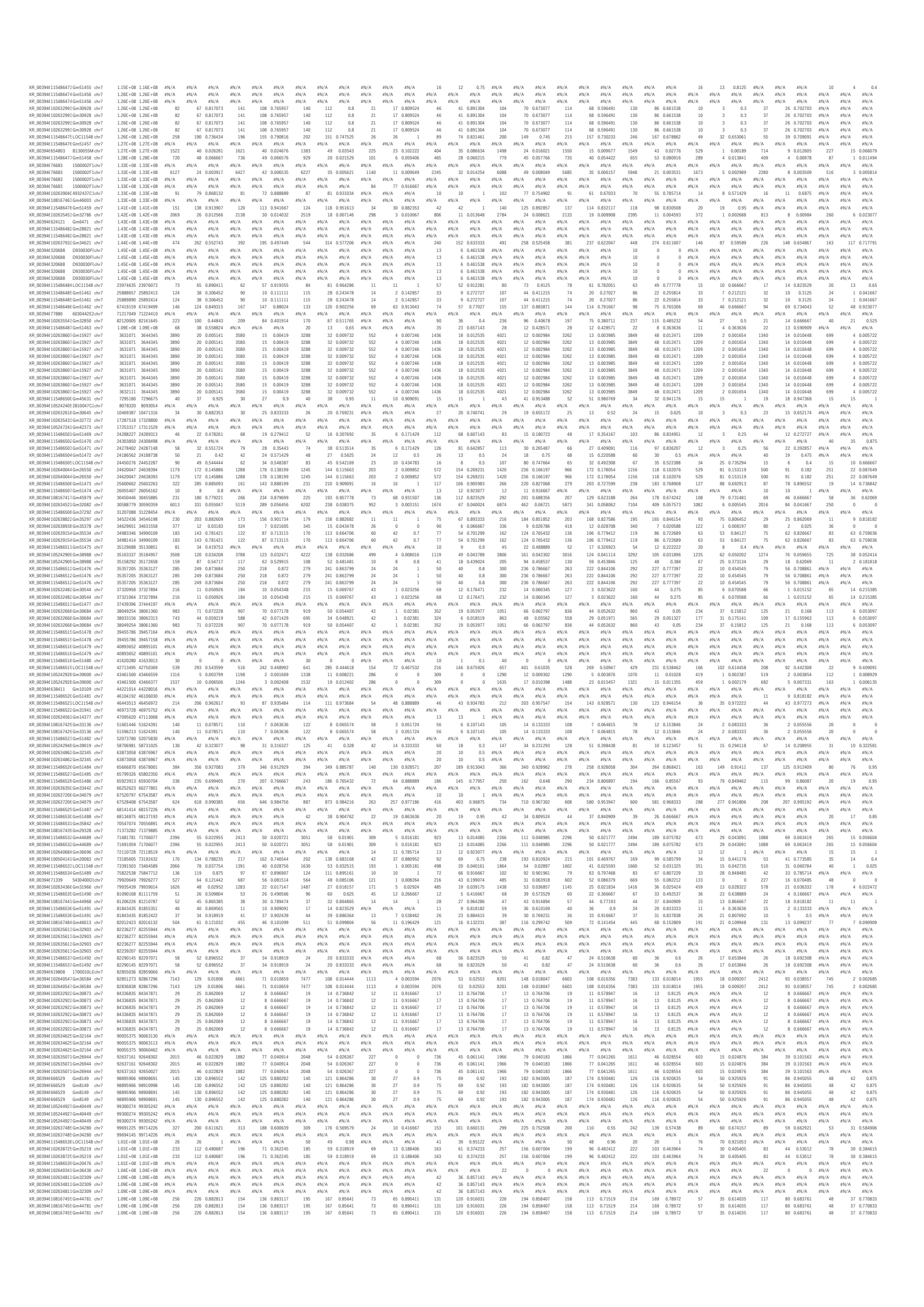






XR_00178	634731	Susd1	chr4	59314202	59439869	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	8	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	3	0.107143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	66146	Maco1	chr4	1.35E+08	1.35E+08	6105	70	0.011466	6099	72	0.011805	6221	58	0.009323	702	2	0.002849	1585	12	0.007571	5721	49	0.008565	5388	52	0.009651	6279	72	0.011467	1370	13	0.009489	2086	13	0.006232	354	2	0.00565
XR_00178	66147	Necap2	chr4	1.41E+08	1.41E+08	3251	234	0.071978	3264	255	0.078125	3468	188	0.05421	517	0	0	1463	140	0.095694	3400	223	0.065588	2777	153	0.055095	3028	171	0.056473	1318	95	0.072079	1242	64	0.05153	603	1	0.001658
XR_00178	66147	Necap2	chr4	1.41E+08	1.41E+08	3251	234	0.071978	3264	255	0.078125	3468	188	0.05421	517	0	0	1463	140	0.095694	3400	223	0.065588	2777	153	0.055095	3028	171	0.056473	1318	95	0.072079	1242	64	0.05153	603	1	0.001658
XR_00178	66302	Rmdn1	chr4	19575035	19606867	471	15	0.031847	587	11	0.018739	531	9	0.016949	61	2	0.032787	176	18	0.102273	673	14	0.020802	521	6	0.011516	668	9	0.013473	201	0	0	216	3	0.013889	24	0	0
XR_00178	66625	Pnisr	chr4	21846657	21875256	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	227334	Usp40	chr1	87950009	88008582	575	16	0.027826	353	1	0.002833	472	3	0.006356	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	586	3	0.005119	356	0	0	598	7	0.011706	68	1	0.014706	266	0	0	150	0	0
XR_00178	227334	Usp40	chr1	87945119	88008582	575	16	0.027826	353	1	0.002833	472	3	0.006356	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	586	3	0.005119	356	0	0	598	7	0.011706	68	1	0.014706	266	0	0	150	0	0
XR_00178	227334	Usp40	chr1	87945119	88008582	575	16	0.027826	353	1	0.002833	472	3	0.006356	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	586	3	0.005119	356	0	0	598	7	0.011706	68	1	0.014706	266	0	0	150	0	0
XR_00178	67299	Dock7	chr4	98936849	99130953	96	46	0.479167	64	25	0.390625	94	44	0.468085	26	15	0.576923	#N/A	#N/A	#N/A	114	37	0.324561	50	22	0.44	66	24	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	26	8	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	227394	Slco4c1	chr1	96816270	96872193	607	8	0.01318	706	10	0.014164	620	3	0.004839	129	0	0	282	5	0.01773	750	16	0.021333	757	15	0.019815	735	15	0.020408	248	7	0.028226	214	8	0.037383	103	4	0.038835
XR_00178	67694	Ift74	chr4	94614455	94693203	73	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	68099	Cibar1	chr4	12153722	12172019	3840	36	0.009375	4298	22	0.005119	4183	34	0.008128	319	1	0.003135	1310	16	0.012214	3648	29	0.00795	4450	21	0.004719	4328	26	0.006007	903	3	0.003322	1358	9	0.006627	398	4	0.01005
XR_00178	68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	68394	Ccdc163	chr4	1.17E+08	1.17E+08	209	1	0.004785	255	8	0.031373	236	8	0.033898	24	1	0.041667	107	6	0.056075	206	3	0.014563	228	3	0.013158	201	2	0.00995	182	5	0.027473	62	1	0.016129	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XR_00178	227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XR_00178	227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XR_00178	227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XR_00178	69934	Trmt10b	chr4	45297068	45315489	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	10	0.30303	12	8	0.666667	25	9	0.36
XR_00178	71514	Sfpq	chr4	1.27E+08	1.27E+08	1491	40	0.026828	1583	29	0.01832	1419	39	0.027484	233	7	0.030043	501	53	0.105788	1477	55	0.037238	1507	26	0.017253	1640	32	0.019512	408	5	0.012255	437	5	0.011442	177	9	0.050847
XR_00178	71514	Sfpq	chr4	1.27E+08	1.27E+08	1491	40	0.026828	1583	29	0.01832	1419	39	0.027484	233	7	0.030043	501	53	0.105788	1477	55	0.037238	1507	26	0.017253	1640	32	0.019512	408	5	0.012255	437	5	0.011442	177	9	0.050847
XR_00178	72098	Tmem68	chr4	3549263	3574867	2167	81	0.037379	2388	69	0.028894	2282	45	0.01972	439	28	0.063781	1048	40	0.038168	2336	90	0.038527	2262	49	0.021662	1997	58	0.029044	930	34	0.036559	907	31	0.034179	486	24	0.049383
XR_00178	72754	Arhgef10l	chr4	1.41E+08	1.41E+08	344	143	0.415698	370	121	0.327027	300	85	0.283333	93	25	0.268817	154	73	0.474026	486	198	0.407407	372	125	0.336022	460	145	0.315217	121	32	0.264463	148	45	0.304054	62	15	0.241935
XR_00178	73094	Sgip1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	698	86	0.123209	554	91	0.16426	694	94	0.135447	188	15	0.079787	284	53	0.18662	587	100	0.170358	514	57	0.110895	532	68	0.12782	263	17	0.064639	263	64	0.243346	171	13	0.076023
XR_00178	73094	Sgip1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	81	71	0.876543	76	67	0.881579	84	75	0.892857	17	14	0.823529	45	40	0.888889	62	56	0.903226	58	51	0.87931	65	46	0.707692	26	14	0.538462	38	26	0.684211	12	5	0.416667
XR_00178	73094	Sgip1	chr4	1.03E+08	1.03E+08	81	71	0.876543	76	67	0.881579	84	75	0.892857	17	14	0.823529	45	40	0.888889	62	56	0.903226	58	51	0.87931	65	46	0.707692	26	14	0.538462	38	26	0.684211	12	5	0.416667
XR_00178	73332	Ccdc30	chr4	1.19E+08	1.19E+08	72	63	0.875	78	60	0.769231	86	72	0.837209	#N/A	#N/A	#N/A	95	86	0.905263	110	76	0.690909	95	52	0.547368	57	45	0.789474	32	21	0.65625	60	48	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	73750	Whrn	chr4	63414908	63496083	5132	58	0.011302	5626	54	0.009598	5997	59	0.009838	1094	7	0.006399	1613	9	0.00558	5597	60	0.01072	4966	94	0.018929	4670	95	0.020343	1675	20	0.01194	1949	28	0.014366	577	9	0.015598
XR_00178	73750	Whrn	chr4	63414908	63496083	5132	58	0.011302	5626	54	0.009598	5997	59	0.009838	1094	7	0.006399	1613	9	0.00558	5597	60	0.01072	4966	94	0.018929	4670	95	0.020343	1675	20	0.01194	1949	28	0.014366	577	9	0.015598
XR_00178	75578	Fggy	chr4	95557486	95837659	243	120	0.493827	154	75	0.487013	230	97	0.421739	58	7	0.12069	71	22	0.309859	301	151	0.501661	241	97	0.40249	193	81	0.419689	157	38	0.242038	79	39	0.493671	57	23	0.403509
XR_00178	76608	Hectd3	chr4	1.17E+08	1.17E+08	2835	12	0.004233	2555	25	0.009785	3435	22	0.006405	314	3	0.009554	713	1	0.001403	2620	13	0.004962	2148	9	0.00419	2815	9	0.003197	898	2	0.002227	932	7	0.007511	338	0	0
XR_00178	76866	Morn1	chr4	1.55E+08	1.55E+08	3342	73	0.021843	3004	64	0.021305	3364	51	0.015161	884	10	0.011312	1585	20	0.012618	3842	95	0.024727	2889	70	0.02423	3159	63	0.019943	1092	11	0.010073	1269	23	0.018125	145	0	0
XR_00178	76947	Ndufaf6	chr4	11063266	11076237	1559	174	0.11161	1493	167	0.111855	1803	205	0.113699	265	0	0	822	98	0.119221	1828	193	0.10558	1444	78	0.054017	1748	154	0.088101	452	61	0.134956	435	56	0.128736	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	77056	Tmco4	chr4	1.39E+08	1.39E+08	450	10	0.022222	424	2	0.004717	460	1	0.002174	60	0	0	213	1	0.004695	477	4	0.008386	427	0	0	532	1	0.00188	80	0	0	194	1	0.005155	110	0	0
XR_00178	77963	Hook1	chr4	95967181	96025412	2296	28	0.012195	1627	11	0.006761	1947	15	0.007704	660	9	0.013636	564	14	0.024823	1876	19	0.010128	1960	17	0.008673	1654	9	0.005441	795	4	0.005031	892	2	0.002242	130	1	0.007692
XR_00178	77963	Hook1	chr4	95967181	96025412	2296	28	0.012195	1627	11	0.006761	1947	15	0.007704	660	9	0.013636	564	14	0.024823	1876	19	0.010128	1960	17	0.008673	1654	9	0.005441	795	4	0.005031	892	2	0.002242	130	1	0.007692
XR_00178	108168924	LOC10816	chr4	3512748	3516592	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10524709	Gm42250	chr4	3658562	3678108	2820	120	0.042553	2664	138	0.051802	2597	156	0.060069	302	28	0.092715	893	43	0.048152	3237	65	0.02008	2444	59	0.024141	2888	64	0.022161	844	29	0.03436	1073	35	0.032619	457	11	0.02407
XR_00178	102635811	Gm33057	chr4	4523526	4543169	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635811	Gm33057	chr4	4523526	4543169	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635811	Gm33057	chr4	4523526	4543169	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10816892	Gm46842	chr4	8903418	8910558	2807	71	0.025294	2771	57	0.02057	2954	42	0.014218	308	14	0.045455	661	18	0.027231	2928	103	0.035178	2855	78	0.02732	2783	52	0.018685	605	12	0.019835	624	25	0.040064	95	1	0.010526
XR_00178	10816892	Gm46842	chr4	8903418	8910862	2807	71	0.025294	2771	57	0.02057	2954	42	0.014218	308	14	0.045455	661	18	0.027231	2928	103	0.035178	2855	78	0.02732	2783	52	0.018685	605	12	0.019835	624	25	0.040064	95	1	0.010526
XR_00178	10816892	Gm46842	chr4	8903418	8910558	2807	71	0.025294	2771	57	0.02057	2954	42	0.014218	308	14	0.045455	661	18	0.027231	2928	103	0.035178	2855	78	0.02732	2783	52	0.018685	605	12	0.019835	624	25	0.040064	95	1	0.010526
XR_00178	10263749	Gm34288	chr4	9128835	9142629	279	264	0.946237	348	329	0.945402	304	290	0.953947	52	49	0.942308	140	132	0.942857	276	259	0.938406	332	306	0.921687	256	222	0.867188	120	106	0.883333	148	133	0.898649	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263749	Gm34288	chr4	9128835	9142629	279	264	0.946237	348	329	0.945402	304	290	0.953947	52	49	0.942308	140	132	0.942857	276	259	0.938406	332	306	0.921687	256	222	0.867188	120	106	0.883333	148	133	0.898649	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263749	Gm34288	chr4	9128835	9142629	279	264	0.946237	348	329	0.945402	304	290	0.953947	52	49	0.942308	140	132	0.942857	276	259	0.938406	332	306	0.921687	256	222	0.867188	120	106	0.883333	148	133	0.898649	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168927	Gm50597	chr4	9121552	9136173	62	57	0.919355	69	66	0.956522	80	72	0.9	13	13	1	30	26	0.866667	71	46	0.647887	53	40	0.754717	60	43	0.716667	37	27	0.72973	37	30	0.810811	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168927	Gm50597	chr4	9130066	9136173	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102638175	Gm11816	chr4	9282226	9287355	89	74	0.831461	62	55	0.887097	59	46	0.779661	10	9	0.9	35	28	0.8	85	58	0.682353	62	44	0.709677	45	35	0.777778	43	34	0.790698	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545
XR_00178	10816892	Gm46843	chr4	11010449	11015049	111	75	0.675676	170	87	0.511765	74	34	0.459459	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	143	106	0.741259	114	74	0.649123	136	57	0.419118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718
XR_00178	10816892	Gm46843	chr4	11010449	11026700	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	329790	A630034I1	chr4	11175959	11189108	5604	29	0.005175	6210	49	0.00789	6409	54	0.008426	828	5	0.006039	1550	7	0.004516	5517	38	0.006888	5582	36	0.006449	6061	26	0.00429	1764	12	0.006803	1877	10	0.005328	248	2	0.008065
XR_00178	329790	A630034I1	chr4	11175962	11191230	8124	40	0.004924	8941	69	0.007717	9146	67	0.007326	1249	6	0.004804	2123	8	0.003768	8012	51	0.006365	8677	50	0.005762	9342	38	0.004068	2465	13	0.005274	2980	16	0.005369	318	2	0.006289
XR_00178	329790	A630034I1	chr4	11175959	11189108	5604	29	0.005175	6210	49	0.00789	6409	54	0.008426	828	5	0.006039	1550	7	0.004516	5517	38	0.006888	5582	36	0.006449	6061	26	0.00429	1764	12	0.006803	1877	10	0.005328	248	2	0.008065
XR_00178	329790	A630034I1	chr4	11175959	11189108	5604	29	0.005175	6210	49	0.00789	6409	54	0.008426	828	5	0.006039	1550	7	0.004516	5517	38	0.006888	5582	36	0.006449	6061	26	0.00429	1764	12	0.006803	1877	10	0.005328	248	2	0.008065
XR_00178	10816892	Gm46844	chr4	12013960	12016161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10816893	Gm46845	chr4	12155733	12159422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168931	Gm46846	chr4	12174033	12186270	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640073	Gm11820	chr4	13091351	13108752	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168932	Gm46847	chr4	13108782	13117434	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640424	Gm36488	chr4	13568387	13586977	140	103	0.735714	151	123	0.81457	105	87	0.828571	36	29	0.805556	94	85	0.904255	118	94	0.79661	120	60	0.5	97	64	0.659794	#N/A	#N/A	#N/A	98	71	0.72449	30	14	0.466667
XR_00178	102640424	Gm36488	chr4	13568387	13586977	140	103	0.735714	151	123	0.81457	105	87	0.828571	36	29	0.805556	94	85	0.904255	118	94	0.79661	120	60	0.5	97	64	0.659794	#N/A	#N/A	#N/A	98	71	0.72449	30	14	0.466667
XR_00178	102640424	Gm36488	chr4	13561170	13586977	140	103	0.735714	151	123	0.81457	105	87	0.828571	36	29	0.805556	94	85	0.904255	118	94	0.79661	120	60	0.5	97	64	0.659794	#N/A	#N/A	#N/A	98	71	0.72449	30	14	0.466667
XR_00178	102640424	Gm36488	chr4	13568387	13586977	140	103	0.735714	151	123	0.81457	105	87	0.828571	36	29	0.805556	94	85	0.904255	118	94	0.79661	120	60	0.5	97	64	0.659794	#N/A	#N/A	#N/A	98	71	0.72449	30	14	0.466667
XR_00178	108168933	LOC10816	chr4	19645419	19656085	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	105247101	4930598A1	chr4	20033001	20041904	1953	52	0.026626	2202	49	0.022252	1985	13	0.006549	249	11	0.044177	840	26	0.030952	2068	37	0.017892	1923	50	0.026001	1832	16	0.008734	565	12	0.021239	880	9	0.010227	305	2	0.006557
XR_00178	102633477	Gm27243	chr4	23975110	24430909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	13	5	0.384615	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102633477	Gm27243	chr4	23975110	24430909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	13	5	0.384615	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102633477	Gm27243	chr4	23975110	24105315	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	19	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9
XR_00178	102633665	Gm31436	chr4	24670021	24674091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168934	Gm46848	chr4	24881176	24898122	1754	9	0.005131	1599	15	0.009381	1533	12	0.007828	40	1	0.025	640	3	0.004688	1517	11	0.007251	1717	8	0.004659	2176	9	0.004136	316	3	0.009494	676	2	0.002959	77	0	0
XR_00178	105247167	Gm42315	chr4	31507505	31512061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635881	Gm33105	chr4	33895010	33902221	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637035	Gm17094	chr4	39400007	39420690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637788	Gm12405	chr4	41644967	41649726	81	69	0.851852	81	70	0.864198	120	115	0.958333	66	59	0.893939	74	65	0.878378	50	44	0.88	87	74	0.850575	111	99	0.891892	63	52	0.825397	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637788	Gm12405	chr4	41642975	41649726	81	69	0.851852	81	70	0.864198	120	115	0.958333	66	59	0.893939	74	65	0.878378	50	44	0.88	87	74	0.850575	111	99	0.891892	63	52	0.825397	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637788	Gm12405	chr4	41644967	41649726	81	69	0.851852	81	70	0.864198	120	115	0.958333	66	59	0.893939	74	65	0.878378	50	44	0.88	87	74	0.850575	111	99	0.891892	63	52	0.825397	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637788	Gm12405	chr4	41642975	41649726	81	69	0.851852	81	70	0.864198	120	115	0.958333	66	59	0.893939	74	65	0.878378	50	44	0.88	87	74	0.850575	111	99	0.891892	63	52	0.825397	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637977	Gm12404	chr4	41520372	41521051	613	502	0.818923	461	378	0.819957	646	528	0.817337	104	97	0.932692	127	117	0.92126	691	612	0.885673	581	528	0.908778	525	462	0.88	204	183	0.897059	160	143	0.89375	78	71	0.910256
XR_00178	108168937	Gm46850	chr4	43360355	43381983	3087	31	0.010042	2477	17	0.006863	2763	21	0.0076	217	4	0.018433	933	8	0.008574	3089	45	0.014568	2553	19	0.007442	2882	30	0.010409	841	6	0.007134	931	9	0.009667	246	1	0.004065
XR_00178	108168937	Gm46850	chr4	43367466	43381983	3087	31	0.010042	2477	17	0.006863	2763	21	0.0076	217	4	0.018433	933	8	0.008574	3089	45	0.014568	2553	19	0.007442	2882	30	0.010409	841	6	0.007134	931	9	0.009667	246	1	0.004065
XR_00178	10816893	Gm46852	chr4	45409390	45423271	1869	215	0.115035	1893	174	0.091918	2140	171	0.079907	178	14	0.078652	779	96	0.123235	2116	114	0.053875	2037	137	0.067256	2008	187	0.093127	403	50	0.124069	909	92	0.10121	186	10	0.053763
XR_00178	105247123	Gm42280	chr4	46328871	46330655	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263421	Gm31850	chr4	46606812	46610128	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	54	52	0.962963	42	37	0.880952	#N/A	#N/A	#N/A	90	70	0.777778	79	74	0.936709	99	84	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263492	Gm12426	chr4	47198845	47209073	3045	128	0.042036	2442	94	0.038493	2955	110	0.037225	501	10	0.01996	1238	38	0.030695	3372	166	0.049229	2554	157	0.061472	2108	143	0.067837	758	17	0.022427	1137	39	0.034301	500	13	0.026
XR_00178	10263492	Gm12426	chr4	47198845	47209247	2216	116	0.052347	1846	87	0.047129	2293	89	0.038814	411	10	0.024331	878	37	0.042141	2496	145	0.058093	1764	126	0.071429	1534	117	0.076271	469	12	0.025586	807	32	0.039653	329	8	0.024316
XR_00178	10263492	Gm12426	chr4	47198845	47209244	2216	116	0.052347	1846	87	0.047129	2293	89	0.038814	411	10	0.024331	878	37	0.042141	2496	145	0.058093	1764	126	0.071429	1534	117	0.076271	469	12	0.025586	807	32	0.039653	329	8	0.024316
XR_00178	10263492	Gm12426	chr4	47198845	47209626	231	57	0.246753	217	58	0.267281	248	42	0.169355	10	3	0.3	85	19	0.223529	247	61	0.246964	188	49	0.260638	190	65	0.342105	37	0	0	73	10	0.136986	12	2	0.166667
XR_00178	10263492	Gm12426	chr4	47198845	47209252	2144	115	0.053638	1810	87	0.048066	2235	86	0.038479	411	10	0.024331	841	36	0.042806	2416	144	0.059603	1701	123	0.07231	1489	116	0.077905	441	12	0.027211	779	31	0.039795	307	8	0.026059
XR_00178	108168941	Gm46853	chr4	47946179	47953957	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635952	Gm33159	chr4	49610509	49617796	111	89	0.801802	131	125	0.954198	90	85	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	105	78	0.742857	36	29	0.805556	81	66	0.814815	72	61	0.847222	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635952	Gm33159	chr4	49608027	49617796	111	89	0.801802	131	125	0.954198	90	85	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	105	78	0.742857	36	29	0.805556	81	66	0.814815	72	61	0.847222	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635952	Gm33159	chr4	49610509	49617796	111	89	0.801802	131	125	0.954198	90	85	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	105	78	0.742857	36	29	0.805556	81	66	0.814815	72	61	0.847222	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168942	Gm46854	chr4	51876647	51877430	174	166	0.954023	234	226	0.965812	207	194	0.937198	80	73	0.9125	100	94	0.94	158	140	0.886076	162	145	0.895062	149	129	0.865772	90	77	0.855556	72	59	0.819444	24	18	0.75
XR_00178	73941	Lexis1	chr4	53208676	53218361	1017	9	0.00885	911	1	0.001098	1149	6	0.005222	134	0	0	386	2	0.005181	1282	41	0.031981	1050	12	0.011429	846	21	0.024823	295	16	0.054237	368	2	0.005435	176	0	0
XR_00178	240697	Mcmdc2	chr1	9906160	9940480	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	100042519	Gm3883	chr4	42453369	42472816	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	666920	Gm8364	chr4	54944474	54945707	1569	43	0.027406	1459	35	0.023989	1680	33	0.019643	131	4	0.030534	704	15	0.021307	1486	16	0.010767	1260	16	0.012698	1433	37	0.02582	702	25	0.035613	712	11	0.015449	104	0	0
XR_00178	102637828	Gm12519	chr4	55969367	56000844	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637828	Gm12519	chr4	55969367	56000844	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637828	Gm12519	chr4	55969367	56000844	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102638565	Gm35099	chr4	57735197	57755566	58	51	0.87931	60	53	0.883333	60	58	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	76	65	0.855263	63	52	0.825397	52	44	0.846154	67	54	0.80597	52	49	0.942308	47	40	0.851064	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	667278	Mup-ps16	chr4	61783080	61801230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	667278	Mup-ps16	chr4	61783081	61801230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	667278	Mup-ps16	chr4	61783086	61801230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	667278	Mup-ps16	chr4	61783164	61801230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168693	LOC10816	chr4	62225744	62230909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168693	LOC10816	chr4	62225744	62231263	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102633240	Gm31115	chr4	64154280	64286118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102636305	Gm33410	chr4	84095655	84101430	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168967	Gm12648	chr4	94088138	94425588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	230451	Junos	chr4	95140307	95169036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	230451	Junos	chr4	95144065	95169036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	230451	Junos	chr4	95065373	95169036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	230451	Junos	chr4	95052416	95169036	7380	45	0.006098	6754	39	0.005774	7464	44	0.005895	1242	7	0.005636	2452	12	0.004894	8463	36	0.004254	6996	50	0.007147	7187	30	0.004174	2261	10	0.004423	2876	14	0.004868	571	1	0.001751
XR_00178	230451	Junos	chr4	95052416	95169036	7380	45	0.006098	6754	39	0.005774	7464	44	0.005895	1242	7	0.005636	2452	12	0.004894	8463	36	0.004254	6996	50	0.007147	7187	30	0.004174	2261	10	0.004423	2876	14	0.004868	571	1	0.001751
XR_00178	230451	Junos	chr4	95052416	95169036	7380	45	0.006098	6754	39	0.005774	7464	44	0.005895	1242	7	0.005636	2452	12	0.004894	8463	36	0.004254	6996	50	0.007147	7187	30	0.004174	2261	10	0.004423	2876	14	0.004868	571	1	0.001751
XR_00178	230451	Junos	chr4	95092290	95169036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	230451	Junos	chr4	95052441	95169036	7380	45	0.006098	6754	39	0.005774	7464	44	0.005895	1242	7	0.005636	2452	12	0.004894	8463	36	0.004254	6996	50	0.007147	7187	30	0.004174	2261	10	0.004423	2876	14	0.004868	571	1	0.001751
XR_00178	230451	Junos	chr4	95092290	95169036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	230451	Junos	chr4	95147486	95169036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168969	Gm46864	chr4	1.03E+08	1.03E+08	4878	32	0.00656	4888	30	0.006137	5147	31	0.006023	715	0	0	1260	7	0.005556	4607	45	0.009768	5286	42	0.007946	5329	38	0.007131	1412	3	0.002125	1539	3	0.001949	125	0	0
XR_00178	10263210	Gm30266	chr4	1.06E+08	1.06E+08	213	185	0.868545	202	163	0.806931	174	149	0.856322	27	25	0.925926	57	52	0.912281	216	168	0.777778	152	83	0.546053	161	109	0.677019	34	25	0.735294	29	18	0.62069	12	12	1
XR_00178	10263210	Gm30266	chr4	1.06E+08	1.06E+08	28	26	0.928571	73	62	0.849315	32	29	0.90625	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	39	34	0.871795	10	4	0.4	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263210	Gm30266	chr4	1.06E+08	1.06E+08	28	26	0.928571	73	62	0.849315	32	29	0.90625	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	39	34	0.871795	10	4	0.4	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263210	Gm30266	chr4	1.06E+08	1.06E+08	213	185	0.868545	202	163	0.806931	174	149	0.856322	27	25	0.925926	57	52	0.912281	216	168	0.777778	152	83	0.546053	161	109	0.677019	34	25	0.735294	29	18	0.62069	12	12	1
XR_00178	10263364	4930552P	chr4	1.08E+08	1.08E+08	149	92	0.61745	125	85	0.68	148	99	0.668919	34	21	0.617647	66	35	0.530303	182	108	0.593407	97	54	0.556701	113	77	0.681416	53	29	0.54717	45	33	0.733333	11	9	0.818182
XR_00178	105244648	Gm32297	chr4	1.08E+08	1.08E+08	1203	41	0.034081	1355	63	0.046494	1503	41	0.027279	354	19	0.053672	375	10	0.026667	1325	46	0.034717	983	19	0.019329	1057	91	0.086093	423	15	0.035461	600	14	0.023333	70	4	0.057143
XR_00178	105244648	Gm32297	chr4	1.08E+08	1.08E+08	1203	41	0.034081	1355	63	0.046494	1503	41	0.027279	354	19	0.053672	375	10	0.026667	1325	46	0.034717	983	19	0.019329	1057	91	0.086093	423	15	0.035461	600	14	0.023333	70	4	0.057143
XR_00178	108168972	Gm46867	chr4	1.09E+08	1.09E+08	981	8	0.008155	805	3	0.003727	951	3	0.003155	209	0	0	369	1	0.00271	952	6	0.006303	803	4	0.004981	803	0	0	353	0	0	162	0	0	56	0	0
XR_00178	108168973	Gm12828	chr4	1.17E+08	1.17E+08	86	68	0.790698	94	76	0.808511	72	60	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	74	47	0.635135	70	42	0.6	32	14	0.4375	42	19	0.452381	56	14	0.25	54	29	0.537037	22	8	0.363636
XR_00178	102637993	Gm34669	chr4	1.18E+08	1.18E+08	794	725	0.913098	796	703	0.883166	935	863	0.922995	270	235	0.87037	520	468	0.9	1004	883	0.879482	835	638	0.764072	706	590	0.835694	471	348	0.738854	330	264	0.8	71	58	0.816901
XR_00178	105244671	Gm40237	chr4	1.19E+08	1.19E+08	132	105	0.795455	159	149	0.937107	110	103	0.936364	10	8	0.8	85	73	0.858824	87	80	0.91954	121	111	0.917355	133	127	0.954887	12	12	1	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	105244671	Gm40237	chr4	1.19E+08	1.19E+08	132	105	0.795455	159	149	0.937107	110	103	0.936364	10	8	0.8	85	73	0.858824	87	80	0.91954	121	111	0.917355	133	127	0.954887	12	12	1	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640537	Gm36574	chr4	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640537	Gm36574	chr4	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640537	Gm36574	chr4	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640537	Gm36574	chr4	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640537	Gm36574	chr4	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102640537	Gm36574	chr4	1.2E+08	1.2E+08	41	40	0.97561	37	36	0.972973	38	33	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	33	33	1	36	32	0.888889	25	23	0.92	17	14	0.823529	14	12	0.857143	11	10	0.909091
XR_00178	10816897	LOC10816	chr4	1.23E+08	1.23E+08	142	113	0.795775	144	120	0.833333	138	123	0.891304	25	20	0.8	75	65	0.866667	127	86	0.677165	69	44	0.637681	147	94	0.639456	62	51	0.822581	48	28	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263489	Gm32371	chr4	1.25E+08	1.25E+08	67	48	0.716418	52	42	0.807692	51	39	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A	54	43	0.796296	61	54	0.885246	42	39	0.928571	43	23	0.534884	48	42	0.875	33	16	0.484848	30	22	0.733333
XR_00178	10263521	Gm32611	chr4	1.25E+08	1.25E+08	118	67	0.567797	19	12	0.631579	64	42	0.65625	#N/A	#N/A	#N/A	34	16	0.470588	117	49	0.418803	104	66	0.634615	93	58	0.623656	14	1	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168977	Gm46869	chr4	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168977	Gm46869	chr4	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263540	Gm32756	chr4	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10263540	Gm32756	chr4	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168978	Gm46870	chr4	1.27E+08	1.27E+08	1240	93	0.075	1169	98	0.083832	1220	87	0.071311	60	1	0.016667	338	49	0.14497	1088	100	0.091912	990	80	0.080808	1057	137	0.129612	339	46	0.135693	330	44	0.133333	73	18	0.246575
XR_00178	108168979	LOC10816	chr4	1.29E+08	1.29E+08	65	58	0.892308	59	48	0.813559	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	108	90	0.833333	70	58	0.828571	50	42	0.84	75	55	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	10816898	Gm46871	chr4	1.3E+08	1.3E+08	223	125	0.560538	188	94	0.5	250	128	0.512	38	16	0.421053	82	52	0.634146	213	155	0.7277	170	102	0.6	194	100	0.515464	60	24	0.4	104	74	0.711538	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168712	Gm46724	chr4	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168712	Gm46724	chr4	1.3E+08	1.3E+08	83	60	0.722892	75	55	0.733333	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	34	0.723404	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	75	40	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102642196	Gm38599	chr4	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168713	LOC10816	chr4	1.31E+08	1.31E+08	128	113	0.882813	84	74	0.880952	147	127	0.863946	60	45	0.75	57	45	0.789474	103	87	0.84466	123	109	0.886179	83	69	0.831325	44	38	0.863636	20	13	0.65	14	11	0.785714
XR_00178	108168713	LOC10816	chr4	1.31E+08	1.31E+08	128	113	0.882813	84	74	0.880952	147	127	0.863946	60	45	0.75	57	45	0.789474	103	87	0.84466	123	109	0.886179	83	69	0.831325	44	38	0.863636	20	13	0.65	14	11	0.785714
XR_00178	108168711	Gm46723	chr4	1.31E+08	1.31E+08	39	31	0.794872	44	40	0.909091	14	13	0.928571	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	45	35	0.777778	43	32	0.744186	14	12	0.857143	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	329950	Gm831	chr4	1.31E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108168981	Gm46872	chr4	1.37E+08	1.37E+08	30	16	0.533333	48	38	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	50	40	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

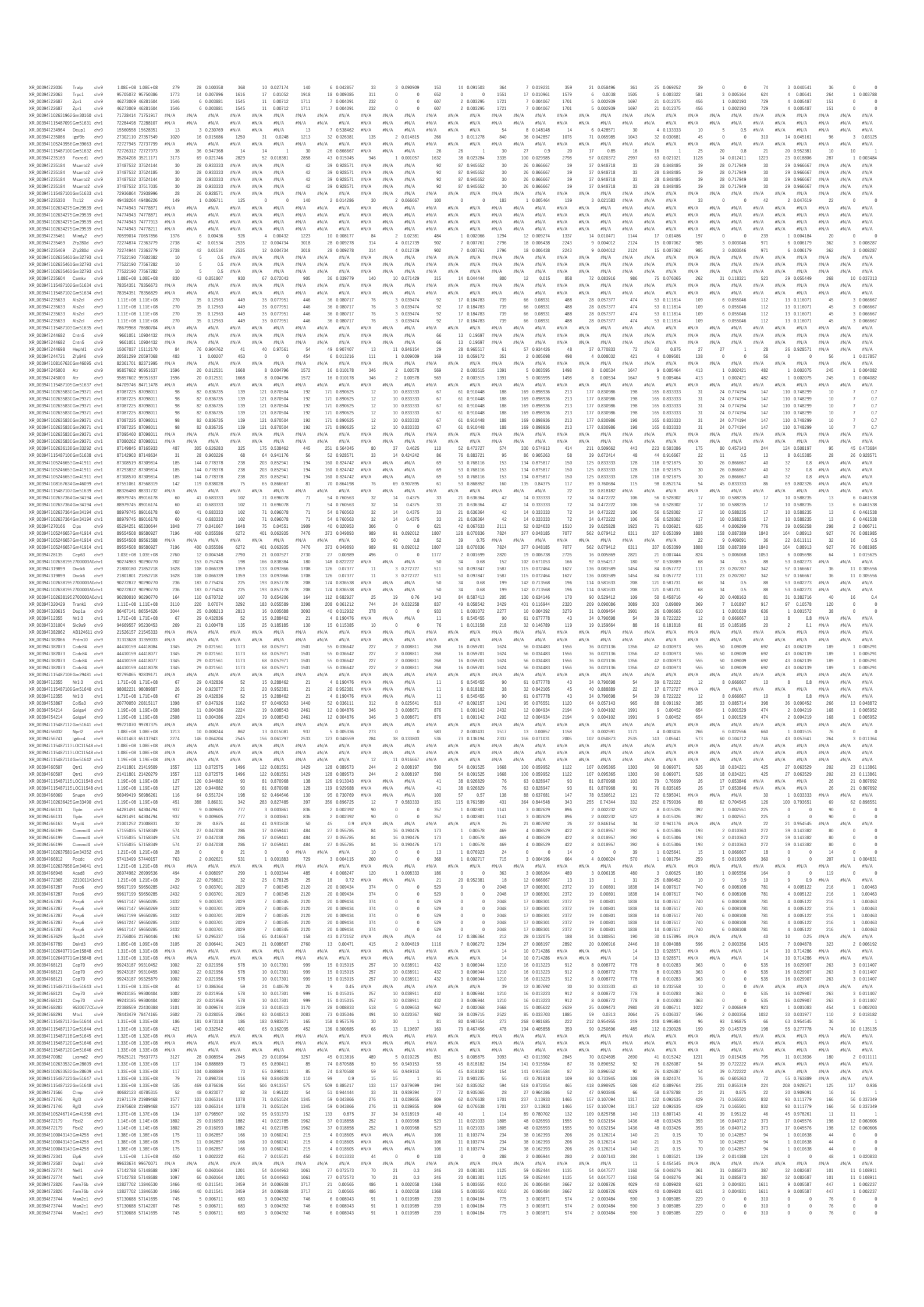
XR_00178	108169107	Gm46937	chr5	39082016	39099460	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102632071	Gm30241	chr5	52885800	52886776	132	122	0.924242	96	90	0.9375	104	97	0.932692	#N/A	#N/A	#N/A	112	102	0.910714	81	67	0.82716	48	43	0.895833	116	102	0.87931	42	33	0.785714	78	65	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102638380	Gm34960	chr5	73797525	73804665	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102639875	Gm36084	chr5	90714987	90729296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	105246913	Gm42110	chr5	91424312	91449889	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169115	Gm46941	chr5	1.12E+08	1.12E+08	492	294	0.597561	529	307	0.58034	692	366	0.528902	174	100	0.574713	362	203	0.560773	706	258	0.365439	489	248	0.507157	655	336	0.512977	209	107	0.511962	363	105	0.289256	63	22	0.349206
XR_00178	108169116	Gm46942	chr5	1.18E+08	1.18E+08	109	65	0.59633	89	54	0.606742	89	52	0.58427	#N/A	#N/A	#N/A	74	42	0.567568	113	36	0.318584	82	34	0.414634	83	37	0.445783	20	8	0.4	34	26	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	105246781	Gm42019	chr5	1.2E+08	1.2E+08	344	292	0.848837	301	265	0.880399	246	207	0.841463	106	87	0.820755	129	105	0.813953	263	230	0.874525	292	215	0.736301	286	234	0.818182	74	56	0.756757	64	52	0.8125	50	36	0.72
XR_00178	102639413	Gm35735	chr5	1.49E+08	1.49E+08	73	70	0.958904	96	92	0.958333	67	66	0.985075	19	14	0.736842	57	53	0.929825	63	60	0.952381	67	62	0.925373	67	62	0.925373	12	8	0.666667	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169121	Gm46945	chr5	65745452	65754973	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	20	18	0.9	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	20	18	0.9
XR_00178	108169121	Gm46945	chr5	65745452	65754973	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	20	18	0.9	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	20	18	0.9
XR_00178	108169121	Gm46945	chr5	65748803	65754973	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	20	18	0.9	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	20	18	0.9
XR_00178	108169121	Gm46945	chr5	65748803	65754973	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	20	18	0.9	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	20	18	0.9
XR_00178	108169121	Gm46945	chr5	65748803	65754973	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	20	18	0.9	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	20	18	0.9
XR_00178	108169121	Gm46945	chr5	65748803	65754973	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	20	18	0.9	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	20	18	0.9
XR_00178	105244757	Gm40310	chr5	66008325	66010377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66151005	66174945	2099	28	0.01334	1890	22	0.01164	2458	16	0.006509	515	3	0.005825	605	6	0.009917	2189	22	0.01005	1708	16	0.009368	1864	13	0.006974	554	3	0.005415	599	8	0.013356	346	2	0.00578
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66151004	66174945	2099	28	0.01334	1890	22	0.01164	2458	16	0.006509	515	3	0.005825	605	6	0.009917	2189	22	0.01005	1708	16	0.009368	1864	13	0.006974	554	3	0.005415	599	8	0.013356	346	2	0.00578
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66151004	66174945	2099	28	0.01334	1890	22	0.01164	2458	16	0.006509	515	3	0.005825	605	6	0.009917	2189	22	0.01005	1708	16	0.009368	1864	13	0.006974	554	3	0.005415	599	8	0.013356	346	2	0.00578
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66151004	66174945	2099	28	0.01334	1890	22	0.01164	2458	16	0.006509	515	3	0.005825	605	6	0.009917	2189	22	0.01005	1708	16	0.009368	1864	13	0.006974	554	3	0.005415	599	8	0.013356	346	2	0.00578
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66173081	66174945	46	41	0.891304	41	38	0.926829	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	18	17	0.944444	37	36	0.972973	26	24	0.923077	36	32	0.888889	10	9	0.9	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66173212	66174945	46	41	0.891304	41	38	0.926829	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	18	17	0.944444	37	36	0.972973	26	24	0.923077	36	32	0.888889	10	9	0.9	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66151004	66174945	2099	28	0.01334	1890	22	0.01164	2458	16	0.006509	515	3	0.005825	605	6	0.009917	2189	22	0.01005	1708	16	0.009368	1864	13	0.006974	554	3	0.005415	599	8	0.013356	346	2	0.00578
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66173289	66174945	46	41	0.891304	41	38	0.926829	19	18	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	18	17	0.944444	37	36	0.972973	26	24	0.923077	36	32	0.888889	10	9	0.9	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66171684	66174945	65	45	0.692308	59	42	0.711864	134	44	0.328358	#N/A	#N/A	#N/A	68	36	0.529412	154	80	0.519481	144	61	0.423611	96	46	0.479167	10	9	0.9	69	24	0.347826	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635521	Gm26725	chr5	66151004	66174945	2099	28	0.01334	1890	22	0.01164	2458	16	0.006509	515	3	0.005825	605	6	0.009917	2189	22	0.01005	1708	16	0.009368	1864	13	0.006974	554	3	0.005415	599	8	0.013356	346	2	0.00578
XR_00178	77361	9430085M	chr5	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	77361	9430085M	chr5	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169124	Gm20548	chr5	1.02E+08	1.02E+08	284	36	0.126761	329	26	0.079027	274	25	0.091241	86	11	0.127907	127	28	0.220472	347	62	0.178674	304	17	0.055921	277	36	0.129964	80	12	0.15	103	36	0.349515	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108073	Grm7	chr6	1.11E+08	1.12E+08	765	35	0.045752	928	22	0.023707	916	21	0.022926	33	5	0.151515	358	18	0.050279	663	58	0.087481	679	78	0.114875	670	48	0.071642	347	27	0.07781	223	27	0.121076	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108073	Grm7	chr6	1.11E+08	1.12E+08	765	35	0.045752	928	22	0.023707	916	21	0.022926	33	5	0.151515	358	18	0.050279	663	58	0.087481	679	78	0.114875	670	48	0.071642	347	27	0.07781	223	27	0.121076	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108078	Olr1	chr6	1.29E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	109135	Plekha5	chr6	1.4E+08	1.41E+08	5460	37	0.006777	5026	50	0.009948	6037	44	0.007288	914	4	0.004376	1594	29	0.018193	5706	31	0.005433	5173	32	0.006186	5241	35	0.006678	1469	16	0.010892	2112	3	0.00142	718	1	0.001393
XR_00178	109019	Nabp1	chr1	51464968	51478427	1498	16	0.010681	1134	9	0.007937	1221	13	0.010647	278	3	0.010791	862	2	0.00232	1605	11	0.006854	1669	6	0.003595	1481	15	0.010128	255	1	0.003922	542	1	0.001845	333	1	0.003003
XR_00178	109880	Braf	chr6	39644238	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XR_00178	109880	Braf	chr6	39646798	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XR_00178	109880	Braf	chr6	39648450	39725658	2203	46	0.020881	2110	18	0.008531	2457	50	0.02035	144	7	0.048611	897	7	0.007804	2449	34	0.013883	2314	24	0.010372	2010	13	0.006468	689	2	0.002903	859	7	0.008149	169	4	0.023669
XR_00178	109019	Nabp1	chr1	51464975	51478427	1498	16	0.010681	1134	9	0.007937	1221	13	0.010647	278	3	0.010791	862	2	0.00232	1605	11	0.006854	1669	6	0.003595	1481	15	0.010128	255	1	0.003922	542	1	0.001845	333	1	0.003003
XR_00178	109019	Nabp1	chr1	51464968	51478427	1498	16	0.010681	1134	9	0.007937	1221	13	0.010647	278	3	0.010791	862	2	0.00232	1605	11	0.006854	1669	6	0.003595	1481	15	0.010128	255	1	0.003922	542	1	0.001845	333	1	0.003003
XR_00178	11941	Atp2b2	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2377	104	0.043753	2648	104	0.039275	2989	121	0.040482	166	4	0.024096	597	31	0.051926	2416	110	0.04553	1929	91	0.047175	2153	120	0.055736	658	45	0.068389	703	65	0.092461	263	10	0.038023
XR_00178	15258	Hipk2	chr6	38687512	38876331	7180	53	0.007382	7168	45	0.006278	7499	69	0.009201	1306	13	0.009954	2371	4	0.001687	7833	48	0.006128	7415	44	0.005934	7830	36	0.004598	1614	3	0.001859	2245	8	0.003563	42	0	0
XR_00178	15893	Ica1	chr6	8630527	8778534	1409	13	0.009226	1502	10	0.006658	1564	11	0.007033	289	0	0	396	0	0	1265	11	0.008696	1450	44	0.030345	1427	37	0.025929	262	10	0.038168	538	9	0.016729	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	15893	Ica1	chr6	8630527	8778534	1409	13	0.009226	1502	10	0.006658	1564	11	0.007033	289	0	0	396	0	0	1265	11	0.008696	1450	44	0.030345	1427	37	0.025929	262	10	0.038168	538	9	0.016729	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	16633	Klra2	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	171095	Il17rc	chr6	1.13E+08	1.13E+08	123	52	0.422764	110	51	0.463636	124	59	0.475806	#N/A	#N/A	#N/A	29	18	0.62069	138	78	0.565217	132	68	0.515152	169	100	0.591716	#N/A	#N/A	#N/A	52	28	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	17193	Mbd4	chr6	1.16E+08	1.16E+08	955	41	0.042932	1118	58	0.051878	1060	73	0.068868	255	4	0.015686	554	24	0.043321	1239	56	0.045198	1130	23	0.020354	1184	10	0.008446	427	25	0.058548	390	21	0.053846	163	1	0.006135
XR_00178	17193	Mbd4	chr6	1.16E+08	1.16E+08	955	41	0.042932	1118	58	0.051878	1060	73	0.068868	255	4	0.015686	554	24	0.043321	1239	56	0.045198	1130	23	0.020354	1184	10	0.008446	427	25	0.058548	390	21	0.053846	163	1	0.006135
XR_00178	18139	Zfp638	chr6	83867106	83986871	341	25	0.073314	350	25	0.071429	268	13	0.048507	118	3	0.025424	136	1	0.007353	320	31	0.096875	335	27	0.080597	533	14	0.026266	110	1	0.009091	86	13	0.151163	40	0	0
XR_00178	18488	Cntn3	chr6	1.02E+08	1.03E+08	1181	29	0.024555	1052	16	0.015209	1115	35	0.03139	196	0	0	411	4	0.009732	1224	97	0.079248	1051	127	0.120837	810	70	0.08642	457	34	0.074398	499	69	0.138277	10	1	0.1
XR_00178	19016	Pparg	chr6	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	192193	Edem1	chr6	1.09E+08	1.09E+08	215	203	0.944186	183	180	0.983607	169	164	0.970414	#N/A	#N/A	#N/A	36	34	0.944444	189	177	0.936508	207	189	0.913043	223	211	0.946188	30	25	0.833333	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	19365	Rad52	chr6	1.2E+08	1.2E+08	1853	9	0.004857	1797	16	0.008904	2199	11	0.005002	186	4	0.021505	679	6	0.008837	1709	17	0.009947	1743	12	0.006885	1714	7	0.004084	387	0	0	661	4	0.006051	51	0	0
XR_00178	19365	Rad52	chr6	1.2E+08	1.2E+08	1853	9	0.004857	1797	16	0.008904	2199	11	0.005002	186	4	0.021505	679	6	0.008837	1709	17	0.009947	1743	12	0.006885	1714	7	0.004084	387	0	0	661	4	0.006051	51	0	0
XR_00178	232196	C87436	chr6	86434637	86470388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	232210	Hmces	chr6	87913907	87936619	1590	48	0.030189	1106	40	0.036166	1207	15	0.012428	438	4	0.009132	479	0	0	1769	96	0.054268	1533	90	0.058708	1463	41	0.028025	448	2	0.004464	458	91	0.19869	229	1	0.004367
XR_00178	232339	Ankrd26	chr6	1.19E+08	1.19E+08	591	13	0.021997	439	19	0.04328	562	14	0.024911	22	0	0	308	3	0.00974	600	15	0.025	576	2	0.003472	423	3	0.007092	130	0	0	190	1	0.005263	72	0	0
XR_00178	232664	Ccdc136	chr6	29396574	29426717	3054	214	0.070072	2580	208	0.08062	3463	227	0.06555	461	24	0.052061	928	57	0.061422	3199	296	0.092529	2554	213	0.083399	2530	311	0.122925	901	81	0.0899	1041	70	0.067243	274	4	0.014599
XR_00178	236266	Alms1	chr6	85587498	85677907	180	0	0	114	1	0.008772	134	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	125	0	0	226	2	0.00885	233	16	0.06867	28	0	0	90	0	0	11	0	0
XR_00178	23925	Kel	chr6	41686329	41704334	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	243369	Sspo	chr6	48447878	48501262	180	154	0.855556	140	128	0.914286	149	136	0.912752	50	43	0.86	89	68	0.764045	226	198	0.876106	121	110	0.909091	135	117	0.866667	36	32	0.888889	76	66	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XR_00178	243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XR_00178	243538	Cfap100	chr6	90403731	90429258	953	155	0.162644	821	106	0.129111	992	187	0.188508	214	58	0.271028	338	76	0.224852	1031	221	0.214355	914	143	0.156455	949	155	0.16333	332	55	0.165663	319	81	0.253918	168	29	0.172619
XR_00178	243612	Ssu2	chr6	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	243655	Klre1	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	434484	Sp140	chr1	85609008	85645040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143
XR_00178	319655	Podxl2	chr6	88842557	88874803	2420	226	0.093388	2891	216	0.074715	2819	207	0.07343	558	22	0.039427	804	96	0.119403	2525	319	0.126337	2522	270	0.107058	2419	260	0.107482	746	76	0.101877	876	140	0.159817	72	7	0.097222
XR_00178	319655	Podxl2	chr6	88842557	88874803	2420	226	0.093388	2891	216	0.074715	2819	207	0.07343	558	22	0.039427	804	96	0.119403	2525	319	0.126337	2522	270	0.107058	2419	260	0.107482	746	76	0.101877	876	140	0.159817	72	7	0.097222
XR_00178	434484	Sp140	chr1	85609008	85645040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143
XR_00178	320662	Casc1	chr6	1.45E+08	1.45E+08	1075	11	0.010233	947	8	0.008448	1177	20	0.016992	162	1	0.006173	496	4	0.008065	1326	12	0.00905	1338	18	0.013453	1126	4	0.003552	354	1	0.002825	405	8	0.019753	180	0	0
XR_00178	320662	Casc1	chr6	1.45E+08	1.45E+08	1075	11	0.010233	947	8	0.008448	1177	20	0.016992	162	1	0.006173	496	4	0.008065	1326	12	0.00905	1338	18	0.013453	1126	4	0.003552	354	1	0.002825	405	8	0.019753	180	0	0
XR_00178	320727	Ipo8	chr6	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	381812	Cracr2a	chr6	1.28E+08	1.28E+08	50	32	0.64	28	19	0.678571	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	22	8	0.363636	26	9	0.346154	30	16	0.533333	52	13	0.25	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	381812	Cracr2a	chr6	1.28E+08	1.28E+08	50	32	0.64	28	19	0.678571	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	22	8	0.363636	26	9	0.346154	30	16	0.533333	52	13	0.25	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	387314	Tmtc1	chr6	1.48E+08	1.48E+08	3138	41	0.013066	2765	34	0.012297	3329	45	0.013518	294	2	0.006803	925	11	0.011892	3103	46	0.014824	3047	88	0.028881	2936	35	0.011921	762	4	0.005249	644	6	0.009317	147	3	0.020408
XR_00178	53621	Cnot4	chr6	35022065	35133754	2321	25	0.010771	2099	16	0.007623	2158	15	0.006951	243	1	0.004115	439	2	0.004556	2329	30	0.012881	2382	15	0.006297	2301	18	0.007823	453	3	0.006623	522	4	0.007663	188	2	0.010638
XR_00178	53621	Cnot4	chr6	35022065	35085799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	53621	Cnot4	chr6	35022065	35133754	2321	25	0.010771	2099	16	0.007623	2158	15	0.006951	243	1	0.004115	439	2	0.004556	2329	30	0.012881	2382	15	0.006297	2301	18	0.007823	453	3	0.006623	522	4	0.007663	188	2	0.010638
XR_00178	53621	Cnot4	chr6	35022065	35085799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	54160	Copg2	chr6	30748411	30896815	1762	12	0.00681	1695	15	0.00885	1884	14	0.007431	342	2	0.005848	587	3	0.005111	1949	11	0.005644	1933	21	0.010864	2215	13	0.005869	295	2	0.00678	892	5	0.005605	40	1	0.025
XR_00178	54161	Copg1	chr6	87887819	87913595	174	0	0	67	2	0.029851	93	1	0.010753	22	0	0	62	0	0	226	0	0	173	0	0	30	0	0	60	0	0	43	1	0.023256	44	1	0.022727
XR_00178	54722	Gsdme	chr6	50207401	50262930	296	193	0.652027	289	199	0.688581	251	146	0.581673	75	49	0.653333	114	67	0.587719	323	203	0.628483	281	188	0.669039	223	140	0.627803	114	75	0.657895	127	84	0.661417	22	22	1
XR_00178	56316	Ggcx	chr6	72414279	72433357	390	18	0.046154	320	0	0	394	1	0.002538	108	1	0.009259	193	1	0.005181	357	36	0.10084	472	21	0.044492	377	20	0.05305	199	18	0.090452	173	17	0.098266	72	1	0.013889
XR_00178	56316	Ggcx	chr6	72414279	72427965	390	18	0.046154	320	0	0	394	1	0.002538	108	1	0.009259	193	1	0.005181	357	36	0.10084	472	21	0.044492	377	20	0.05305	199	18	0.090452	173	17	0.098266	72	1	0.013889
XR_00178	58799	Crbn	chr6	1.07E+08	1.07E+08	2347	9	0.003835	2301	12	0.005215	2764	16	0.005789	290	11	0.037931	1039	3	0.002887	2513	18	0.007163	2737	23	0.008403	2759	17	0.006162	475	1	0.002105	982	14	0.014257	374	7	0.018717
XR_00178	67200	Ccdc77	chr6	1.2E+08	1.2E+08	315	53	0.168254	128	60	0.46875	242	75	0.309917	#N/A	#N/A	#N/A	84	55	0.654762	200	60	0.3	200	59	0.295	199	37	0.18593	108	27	0.25	98	39	0.397959	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	67456	Ergic2	chr6	1.48E+08	1.48E+08	2998	19	0.006338	2572	26	0.010109	2716	27	0.009941	705	2	0.002837	1271	26	0.020456	3114	20	0.006423	2722	17	0.006245	2475	23	0.009293	794	3	0.003778	1199	25	0.020851	113	2	0.017699
XR_00178	67582	Slc25a26	chr6	94500303	94551519	1435	8	0.005575	1474	11	0.007463	1356	11	0.008112	418	0	0	623	1	0.001605	1679	20	0.011912	1549	5	0.003228	1365	5	0.003663	399	0	0	669	6	0.008969	248	1	0.004032
XR_00178	69956	Ptcd3	chr6	71880638	71908773	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	36	8	0.222222	#N/A	#N/A	#N/A	165	21	0.127273	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	69956	Ptcd3	chr6	71880638	71908773	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	36	8	0.222222	#N/A	#N/A	#N/A	165	21	0.127273	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	69956	Ptcd3	chr6	71880638	71908773	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	36	8	0.222222	#N/A	#N/A	#N/A	165	21	0.127273	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	69956	Ptcd3	chr6	71880638	71908773	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	36	8	0.222222	#N/A	#N/A	#N/A	165	21	0.127273	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	70699	Nup205	chr6	35177746	35247599	3154	102	0.03234	3153	131	0.041548	3563	123	0.034521	750	45	0.06	1329	71	0.053424	3104	104	0.033505	2827	62	0.021931	3003	90	0.02997	842	50	0.059382	1084	56	0.051661	603	11	0.018242
XR_00178	72102	Dusp11	chr6	85944476	85961732	597	11	0.018425	526	4	0.007605	625	17	0.0272	128	10	0.078125	312	17	0.054487	577	22	0.038128	561	9	0.016043	359	2	0.005571	160	0	0	233	0	0	82	14	0.170732
XR_00178	545391	Catspere2	chr1	1.78E+08	1.78E+08	151	141	0.933775	97	84	0.865979	146	138	0.945205	60	57	0.95	106	103	0.971698	122	116	0.95082	139	130	0.935252	120	112	0.933333	107	102	0.953271	88	83	0.943182	48	44	0.916667
XR_00178	54610	Tbc1d8	chr1	39371861	39478776	3229	18	0.005574	2830	18	0.00636	3483	27	0.007752	698	2	0.002865	1384	9	0.006503	3527	32	0.009073	3036	22	0.007246	2968	25	0.008423	985	12	0.012183	844	5	0.005924	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	73998	Herc3	chr6	58831455	58874383	2081	11	0.005286	1424	3	0.002107	1839	4	0.002175	454	2	0.004405	546	2	0.003663	2268	13	0.005732	1732	8	0.004619	1713	6	0.003503	401	1	0.002494	594	2	0.003367	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	73998	Herc3	chr6	58831455	58874383	2081	11	0.005286	1424	3	0.002107	1839	4	0.002175	454	2	0.004405	546	2	0.003663	2268	13	0.005732	1732	8	0.004619	1713	6	0.003503	401	1	0.002494	594	2	0.003367	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	73998	Herc3	chr6	58831456	58874297	2081	11	0.005286	1424	3	0.002107	1839	4	0.002175	454	2	0.004405	546	2	0.003663	2268	13	0.005732	1732	8	0.004619	1713	6	0.003503	401	1	0.002494	594	2	0.003367	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	74741	C2cd5	chr6	1.43E+08	1.43E+08	2354	19	0.008071	1816	12	0.006608	2431	15	0.00617	358	1	0.002793	1042	5	0.004798	2915	14	0.004803	2175	17	0.007816	1682	4	0.002378	817	1	0.001224	1026	3	0.002924	208	0	0
XR_00178	74741	C2cd5	chr6	1.43E+08	1.43E+08	2354	19	0.008071	1816	12	0.006608	2431	15	0.00617	358	1	0.002793	1042	5	0.004798	2915	14	0.004803	2175	17	0.007816	1682	4	0.002378	817	1	0.001224	1026	3	0.002924	208	0	0
XR_00178	75725	Phf14	chr6	11925879	12081198	1973	6	0.003041	2208	6	0.002717	2150	23	0.010698	667	2	0.002999	1019	2	0.001963	2410	20	0.008299	2031	9	0.004431	2138	14	0.006548	586	2	0.003413	690	3	0.004348	461	2	0.004338
XR_00178	56207	Uchl5	chr1	1.44E+08	1.44E+08	4392	26	0.00592	4570	21	0.004595	4913	38	0.007735	574	2	0.003484	1952	8	0.004098	4909	24	0.004889	4846	23	0.004746	5118	31	0.006057	1260	3	0.002381	1659	4	0.002411	646	1	0.001548
XR_00178	97287	Mtmr14	chr6	1.13E+08	1.13E+08	1805	10	0.00554	1471	9	0.006118	1765	11	0.006232	369	0	0	748	0	0	1642	11	0.006699	1594	10	0.006274	1801	9	0.004997	550	0	0	792	0	0	257	0	0
XR_00178	108169128	Gm46949	chr6	5151237	5154012	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95
XR_00178	108169129	Gm46950	chr6	7724273	7725056	196	188	0.959184	191	177	0.926702	184	176	0.956522	40	36	0.9	51	49	0.960784	195	181	0.928205	217	199	0.917051	186	165	0.887097	101	91	0.90099	36	30	0.833333	36	31	0.861111
XR_00178	102638759	Gm35246	chr6	7901086	7945346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102638759	Gm35246	chr6	7901086	7909166	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102638759	Gm35246	chr6	7901106	7945346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169131	Gm46952	chr6	8333842	8345576	105	104	0.990476	111	109	0.981982	114	110	0.964912	#N/A	#N/A	#N/A	142	136	0.957746	154	147	0.954545	81	80	0.987654	111	104	0.936937	#N/A	#N/A	#N/A	76	72	0.947368	30	29	0.966667
XR_00178	108169132	Gm46953	chr6	17381909	17383948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169134	Gm46954	chr6	22988197	22991626	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102632951	Gm30896	chr6	29675961	29677529	43	40	0.930233	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	10	9	0.9	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857
XR_00178	102633690	Gm31453	chr6	30594135	30610993	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102634036	Gm13847	chr6	31666160	31680692	239	135	0.564854	196	100	0.510204	220	103	0.468182	40	35	0.875	87	53	0.609195	341	166	0.486804	228	141	0.618421	213	96	0.450704	47	18	0.382979	96	37	0.385417	22	17	0.772727
XR_00178	102634036	Gm13847	chr6	31666160	31680693	239	135	0.564854	196	100	0.510204	220	103	0.468182	40	35	0.875	87	53	0.609195	341	166	0.486804	228	141	0.618421	213	96	0.450704	47	18	0.382979	96	37	0.385417	22	17	0.772727
XR_00178	105242622	Gm13846	chr6	31651010	31719732	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	105242622	Gm13846	chr6	31718151	31719732	88	77	0.875	36	36	1	62	50	0.806452	32	25	0.78125	49	47	0.959184	134	118	0.880597	99	76	0.767677	42	36	0.857143	64	47	0.734375	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	105242622	Gm13846	chr6	31651010	31743088	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102633732	Gm31486	chr6	31612429	31635773	366	131	0.357923	460	193	0.419565	518	198	0.382239	44	11	0.25	50	24	0.48	419	203	0.484487	479	188	0.392484	614	220	0.358306	211	103	0.488152	87	30	0.344828	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102633732	Gm31486	chr6	31605142	31635773	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102633732	Gm31486	chr6	31612429	31635773	366	131	0.357923	460	193	0.419565	518	198	0.382239	44	11	0.25	50	24	0.48	419	203	0.484487	479	188	0.392484	614	220	0.358306	211	103	0.488152	87	30	0.344828	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169137	Gm46956	chr6	32598254	32635123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169137	Gm46956	chr6	32598254	32635123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169137	Gm46956	chr6	32598254	32635123	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169137	Gm46956	chr6	32598254	32604109	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	8	0.533333	21	6	0.285714	10	3	0.3	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	20	6	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169138	Gm46957	chr6	34841335	34849156	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637404	Gm26008	chr6	39265650	39299475	350	332	0.948571	258	244	0.945736	299	285	0.953177	98	89	0.908163	99	97	0.979798	315	293	0.930159	241	215	0.892116	240	234	0.975	86	85	0.988372	148	128	0.864865	26	24	0.923077
XR_00178	56812	Dnajb2	chr1	75236395	75245692	1766	10	0.005663	1477	11	0.007448	1482	12	0.008097	426	3	0.007042	643	3	0.004666	1952	8	0.004098	1550	14	0.009032	1564	8	0.005115	619	2	0.003231	684	3	0.004386	271	0	0
XR_00178	105244826	Gm40363	chr6	47683732	47738326	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169139	Gm46958	chr6	48675832	48676809	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169140	Gm44764	chr6	48861457	48903063	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	57339	Jph1	chr1	16942104	17097922	4201	46	0.01095	3936	39	0.009909	3872	31	0.008006	719	3	0.004172	1594	13	0.008156	4235	63	0.014876	4531	55	0.012139	4464	38	0.008513	1277	9	0.007048	1395	8	0.005735	151	6	0.039735
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	51001491	51015789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	51001491	51015789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	50987400	51015789	52	38	0.730769	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	51001491	51015789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	51001503	51015789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	51001491	51015789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169141	Gm46959	chr6	51001491	51068011	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102634838	Gm32328	chr6	51124747	51166446	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	17	0.515152	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635043	Gm32479	chr6	51285807	51308643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102635043	Gm32479	chr6	51285807	51291283	28	27	0.964286	12	12	1	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	28	20	0.714286	19	18	0.947368	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XR_00178	102636280	Gm33392	chr6	53581351	53592876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	100049166	Gm16499	chr6	53844899	53858947	695	652	0.938129	691	654	0.946454	777	741	0.953668	188	178	0.946809	357	336	0.941176	873	816	0.934708	641	566	0.882995	622	543	0.87299	223	186	0.834081	199	170	0.854271	171	136	0.795322
XR_00178	100049166	Gm16499	chr6	53844899	53858947	695	652	0.938129	691	654	0.946454	777	741	0.953668	188	178	0.946809	357	336	0.941176	873	816	0.934708	641	566	0.882995	622	543	0.87299	223	186	0.834081	199	170	0.854271	171	136	0.795322
XR_00178	100049166	Gm16499	chr6	53844899	53858947	695	652	0.938129	691	654	0.946454	777	741	0.953668	188	178	0.946809	357	336	0.941176	873	816	0.934708	641	566	0.882995	622	543	0.87299	223	186	0.834081	199	170	0.854271	171	136	0.795322
XR_00178	100049166	Gm16499	chr6	53844899	53858947	695	652	0.938129	691	654	0.946454	777	741	0.953668	188	178	0.946809	357	336	0.941176	873	816	0.934708	641	566	0.882995	622	543	0.87299	223	186	0.834081	199	170	0.854271	171	136	0.795322
XR_00178	108169145	Gm44026	chr6	54458841	54466705	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	102637698	Gm34441	chr6	55537043	55651785	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	434018	4930533I2	chr6	57464073	57495691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	434018	4930533I2	chr6	57484278	57495691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169146	LOC10816	chr6	57477768	57484179	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	71484	84304150	chr6	58965199	58991913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169147	LOC10816	chr6	65525335	65577161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	319665	A430010J1	chr6	67157801	67165052	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	319665	A430010J1	chr6	67157801	67165108	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169148	Gm46961	chr6	70717943	70718876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169148	Gm46961	chr6	70713079	70718876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00178	108169149	Gm46962	chr6	70218846	70220704	86	72	0.837209	36	32	0.888889	79	71	0.898734	20	19	0.95	21	16	0.761905	61	49	0.803279	87	64	0.735632	35	30	0.857143	11	10	0.909091	10	10	1	20	15	0.75



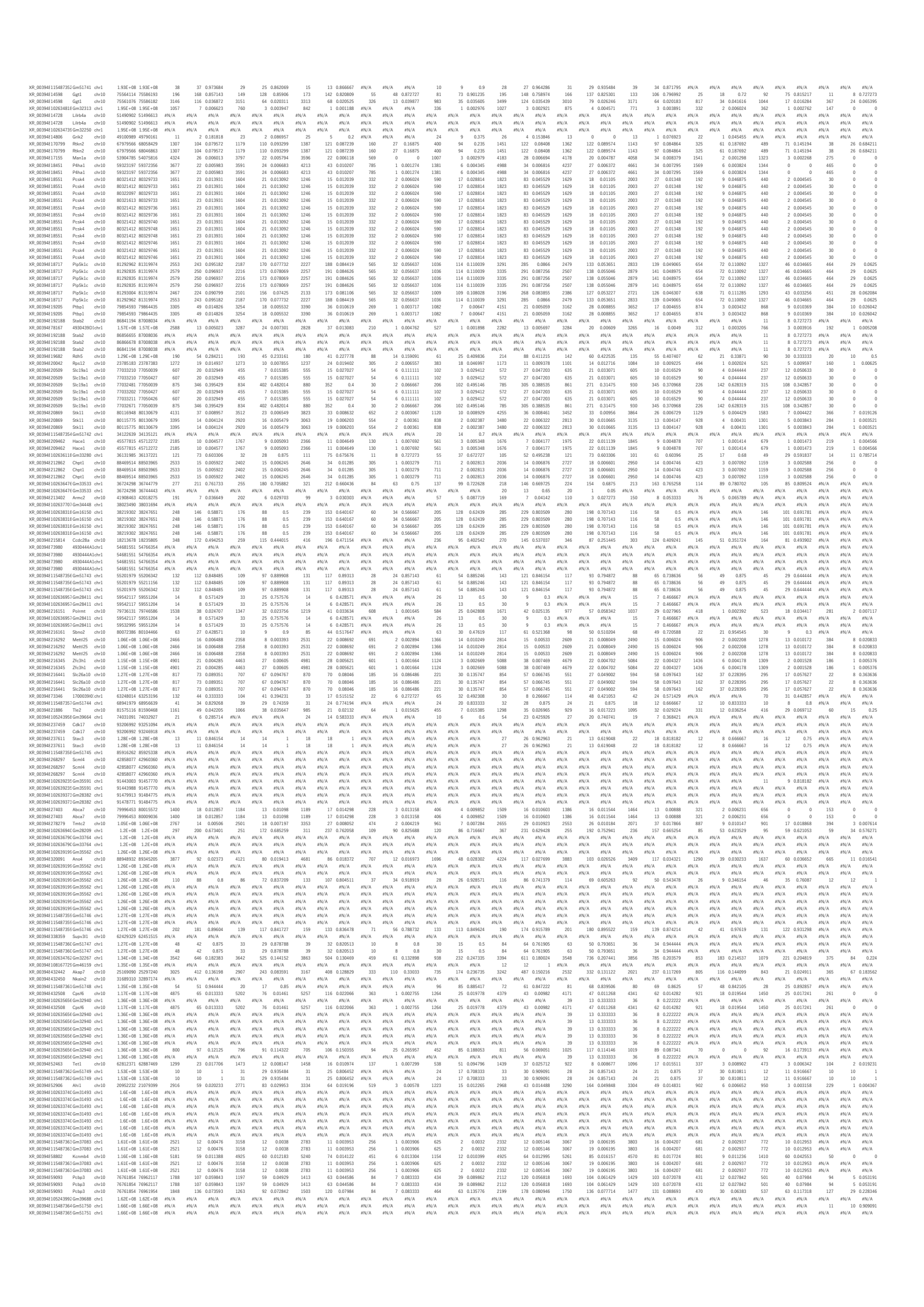
XR_00394(	108167455	Gm44781	chr7	1.09E+08	1.09E+08	256	226	0.882813	154	136	0.883117	195	167	0.85641	73	65	0.890411	131	120	0.916031	226	194	0.858407	158	113	0.71519	214	169	0.78972	57	35	0.614035	117	80	0.683761	48	37	0.770833
XR_00394(	108167455	Gm44781	chr7	1.09E+08	1.09E+08	256	226	0.882813	154	136	0.883117	195	167	0.85641	73	65	0.890411	131	120	0.916031	226	194	0.858407	158	113	0.71519	214	169	0.78972	57	35	0.614035	117	80	0.683761	48	37	0.770833
XR_00394(	108167455	Gm44781	chr7	1.09E+08	1.09E+08	256	226	0.882813	154	136	0.883117	195	167	0.85641	73	65	0.890411	131	120	0.916031	226	194	0.858407	158	113	0.71519	214	169	0.78972	57	35	0.614035	117	80	0.683761	48	37	0.770833
XR_00394(	108167455	Gm44781	chr7	1.09E+08	1.09E+08	256	226	0.882813	154	136	0.883117	195	167	0.85641	73	65	0.890411	131	120	0.916031	226	194	0.858407	158	113	0.71519	214	169	0.78972	57	35	0.614035	117	80	0.683761	48	37	0.770833
XR_00394(	102635152	Gm32563	chr7	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102635152	Gm32563	chr7	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486541	Gm51493	chr7	1.1E+08	1.1E+08	78	71	0.910256	86	71	0.825581	85	71	0.835294	17	15	0.882353	36	33	0.916667	73	57	0.780822	72	64	0.888889	70	61	0.871429	26	24	0.923077	29	27	0.931034	18	16	0.888889
XR_00394(	115486542	Gm51494	chr7	1.12E+08	1.12E+08	22	15	0.681818	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	26	13	0.5	44	36	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102636729	Gm33721	chr7	1.13E+08	1.13E+08	22	15	0.681818	22	10	0.454545	20	16	0.8	20	12	0.6	32	23	0.71875	36	19	0.527778	34	25	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A	28	13	0.464286	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102636729	Gm33721	chr7	1.13E+08	1.13E+08	22	15	0.681818	22	10	0.454545	20	16	0.8	20	12	0.6	32	23	0.71875	36	19	0.527778	34	25	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A	28	13	0.464286	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	105243037	Gm39074	chr7	1.17E+08	1.17E+08	51	45	0.882353	62	53	0.854839	64	57	0.890625	12	9	0.75	28	25	0.892857	50	41	0.82	48	34	0.708333	64	40	0.625	36	18	0.5	40	30	0.75	10	8	0.8
XR_00394(	105243044	Gm39080	chr7	1.2E+08	1.2E+08	254	238	0.937008	239	225	0.941423	239	227	0.949791	59	57	0.966102	102	92	0.901961	366	345	0.942623	216	199	0.921296	173	162	0.936416	101	88	0.871287	113	99	0.876106	54	52	0.962963
XR_00394(	115486544	Gm51495	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	105243045	Gm15774	chr7	1.21E+08	1.21E+08	10	8	0.8	20	18	0.9	12	10	0.833333	13	11	0.846154	15	12	0.8	69	58	0.84058	58	48	0.827586	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	105243045	Gm15774	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	105243045	Gm15774	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102640740	Gm36736	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486545	Gm51496	chr7	1.22E+08	1.22E+08	73	69	0.945205	40	38	0.95	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	71	65	0.915493	53	45	0.849057	#N/A	#N/A	#N/A	32	31	0.96875	31	26	0.83871	47	43	0.914894	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486546	Gm51497	chr7	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	105243050	Gm39084	chr7	1.23E+08	1.23E+08	68	65	0.955882	21	18	0.857143	38	38	1	#N/A	#N/A	#N/A	34	34	1	41	38	0.926829	19	19	1	21	21	1	33	27	0.818182	12	12	1	12	11	0.916667
XR_00394(	102632268	Gm26974	chr7	1.24E+08	1.24E+08	7295	248	0.033996	7188	187	0.026016	8150	181	0.022209	1098	20	0.018215	1614	55	0.034077	7049	860	0.122003	6108	1244	0.203667	6271	970	0.15468	1786	405	0.226764	1757	490	0.278884	749	177	0.236315
XR_00394(	102632268	Gm26974	chr7	1.24E+08	1.24E+08	7295	248	0.033996	7188	187	0.026016	8150	181	0.022209	1098	20	0.018215	1614	55	0.034077	7049	860	0.122003	6108	1244	0.203667	6271	970	0.15468	1786	405	0.226764	1757	490	0.278884	749	177	0.236315
XR_00394(	115486548	LOC11548	chr7	1.28E+08	1.28E+08	51	48	0.941176	43	42	0.976744	33	31	0.939394	11	11	1	29	28	0.965517	58	54	0.931034	48	42	0.875	46	43	0.934783	35	32	0.914286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486549	Gm51499	chr7	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	43	0.843137	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102636510	Gm33555	chr7	1.3E+08	1.3E+08	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102636510	Gm33555	chr7	1.3E+08	1.3E+08	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102636510	Gm33555	chr7	1.3E+08	1.3E+08	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102636799	Gm33771	chr7	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102638315	Gm34908	chr7	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	105243074	Gm39103	chr7	1.34E+08	1.34E+08	66	65	0.984848	52	51	0.980769	45	44	0.977778	10	10	1	19	19	1	77	77	1	50	49	0.98	58	58	1	14	14	1	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486550	Gm51500	chr7	1.34E+08	1.34E+08	28	22	0.785714	34	27	0.794118	33	21	0.636364	11	11	1	30	24	0.8	30	21	0.7	31	18	0.580645	37	22	0.594595	23	19	0.826087	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486550	Gm51500	chr7	1.34E+08	1.34E+08	28	22	0.785714	34	27	0.794118	33	21	0.636364	11	11	1	30	24	0.8	30	21	0.7	31	18	0.580645	37	22	0.594595	23	19	0.826087	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486551	Gm51501	chr7	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102639727	Gm35970	chr7	1.34E+08	1.34E+08	92	68	0.73913	55	29	0.527273	58	39	0.672414	30	15	0.5	39	23	0.589744	67	41	0.61194	65	49	0.753846	80	55	0.6875	24	15	0.625	40	25	0.625	10	4	0.4
XR_00394(	115485608	Gm51411	chr7	1.38E+08	1.38E+08	213	128	0.600939	219	137	0.625571	237	164	0.691983	42	26	0.619048	99	74	0.747475	171	121	0.707602	264	159	0.602273	198	132	0.666667	81	43	0.530864	78	53	0.679487	30	10	0.333333
XR_00394(	115486553	Gm51503	chr7	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486554	Gm51504	chr7	1.39E+08	1.39E+08	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	37	32	0.864865	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102635780	Gm33031	chr7	1.4E+08	1.4E+08	7633	297	0.03891	8184	318	0.038856	8110	252	0.031073	1074	38	0.035382	2396	92	0.038397	7810	422	0.054033	7239	357	0.049316	7499	410	0.054674	1775	129	0.072676	2667	167	0.062617	897	47	0.052397
XR_00394(	102635780	Gm33031	chr7	1.4E+08	1.4E+08	7633	297	0.03891	8184	318	0.038856	8110	252	0.031073	1074	38	0.035382	2396	92	0.038397	7810	422	0.054033	7239	357	0.049316	7499	410	0.054674	1775	129	0.072676	2667	167	0.062617	897	47	0.052397
XR_00394(	108167506	Gm46022	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	436015	B130016D	chr7	1.42E+08	1.42E+08	891	12	0.013468	686	11	0.016035	828	16	0.019324	212	3	0.014151	269	2	0.007435	891	11	0.012346	673	1	0.001486	638	9	0.014107	225	2	0.008889	237	1	0.004219	113	0	0
XR_00394(	102635939	Gm33148	chr7	1.43E+08	1.43E+08	146	23	0.157534	139	26	0.18705	171	26	0.152047	26	10	0.384615	78	17	0.217949	127	22	0.173228	108	7	0.064815	100	12	0.12	60	2	0.033333	68	21	0.308824	12	5	0.416667
XR_00394(	102635939	Gm33148	chr7	1.43E+08	1.43E+08	146	23	0.157534	139	26	0.18705	171	26	0.152047	26	10	0.384615	78	17	0.217949	127	22	0.173228	108	7	0.064815	100	12	0.12	60	2	0.033333	68	21	0.308824	12	5	0.416667
XR_00394(	102635939	Gm33148	chr7	1.43E+08	1.43E+08	18	14	0.777778	14	14	1	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	20	13	0.65	11	3	0.272727	12	10	0.833333	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102635939	Gm33148	chr7	1.43E+08	1.43E+08	18	14	0.777778	14	14	1	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	20	13	0.65	11	3	0.272727	12	10	0.833333	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102635939	Gm33148	chr7	1.43E+08	1.43E+08	146	23	0.157534	139	26	0.18705	171	26	0.152047	26	10	0.384615	78	17	0.217949	127	22	0.173228	108	7	0.064815	100	12	0.12	60	2	0.033333	68	21	0.308824	12	5	0.416667
XR_00394(	102635939	Gm33148	chr7	1.43E+08	1.43E+08	18	14	0.777778	14	14	1	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	20	13	0.65	11	3	0.272727	12	10	0.833333	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	115486556	Gm34964	chr7	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	102638461	Gm26793	chr7	1.45E+08	1.45E+08	174	157	0.902299	178	152	0.853933	132	113	0.856061	78	63	0.807692	110	98	0.890909	150	134	0.893333	131	123	0.938931	171	157	0.918129	129	111	0.860465	113	94	0.831858	62	56	0.903226
XR_00394(	115486557	Gm45181	chr7	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	n-R5s151	chr7	16471813	16471931	933	496	0.531618	894	510	0.57047	1002	544	0.542914	163	96	0.588957	324	148	0.45679	713	345	0.483871	599	259	0.432387	591	358	0.605753	274	136	0.49635	265	165	0.622642	157	94	0.598726
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25354	chr7	15593231	15593335	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24701	chr7	14912358	14912462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24797	chr7	38792638	38792744	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22638	chr7	38380349	38380455	48	45	0.9375	64	59	0.921875	60	58	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	28	23	0.821429	51	46	0.901961	46	40	0.869565	56	52	0.928571	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1
XR_00394(	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	12930774	12930880	166	114	0.686747	96	55	0.572917	90	57	0.633333	58	45	0.775862	22	19	0.863636	194	155	0.798969	138	107	0.775362	122	99	0.811475	22	22	1	76	65	0.855263	11	10	0.909091
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22302	chr7	37824242	37824347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26062	chr7	18549085	18549191	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24708	chr7	16624575	16624677	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26176	chr7	73645985	73646089	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	55243933	55244037	#N/A	#N/A	#N/A	14	6	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25579	chr7	1.27E+08	1.27E+08	2060	16	0.007767	1929	38	0.019699	2136	23	0.010768	390	0	0	636	4	0.006289	2025	11	0.005432	1789	13	0.007267	1834	6	0.003272	650	0	0	948	7	0.007384	216	1	0.00463
XR_00394(	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	28123254	28123359	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23847	chr7	1.3E+08	1.3E+08	62	57	0.919355	68	65	0.955882	32	25	0.78125	24	20	0.833333	46	39	0.847826	70	63	0.9	46	37	0.804348	20	13	0.65	50	39	0.78	28	19	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26327	chr7	39630394	39630502	42	39	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	28	27	0.964286	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	36	30	0.833333	40	36	0.9	37	35	0.945946	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26143	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23431	chr7	62036631	62036737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25416	chr7	1.42E+08	1.42E+08	45	40	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	52	0.945455	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	41	35	0.853659	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22226	chr7	96919994	96920102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25924	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23585	chr7	45254453	45254554	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24552	chr7	91242995	91243097	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23040	chr7	98506954	98507117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	3	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	14	5	0.357143	11	4	0.363636	11	1	0.090909	12	3	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24537	chr7	4738832	4738933	348	2	0.005747	248	1	0.004032	291	1	0.003436	126	2	0.015873	98	0	0	264	0	0	252	4	0.015873	192	1	0.005208	60	0	0	111	0	0	126	0	0
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23229	chr7	1.18E+08	1.18E+08	73	65	0.890411	64	58	0.90625	68	63	0.926471	25	22	0.88	13	13	1	75	60	0.8	60	43	0.716667	56	44	0.785714	31	23	0.741935	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25683	chr7	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24249	chr7	88087188	88087251	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26482	chr7	55702154	55702215	86	72	0.837209	84	78	0.928571	129	115	0.891473	#N/A	#N/A	#N/A	82	77	0.939024	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	95520841	95520899	23	21	0.913043	28	21	0.75	28	23	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	33	22	0.666667	23	14	0.608696	19	10	0.526316	27	13	0.481481	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	39436380	39436444	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	38	0.863636	36	28	0.777778	33	26	0.787879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26096	chr7	59373844	59373922	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26499	chr7	59377582	59377660	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24866	chr7	59393561	59393639	481	420	0.873181	419	376	0.897375	624	550	0.88141	45	36	0.8	202	182	0.90099	478	426	0.891213	341	274	0.803519	391	306	0.782609	192	133	0.692708	136	113	0.830882	85	65	0.764706
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25463	chr7	59412802	59412880	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24528	chr7	59415590	59415668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23356	chr7	59417457	59417535	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25134	chr7	19242130	19242289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24872	chr7	59421187	59421265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22524	chr7	59462548	59462626	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22630	chr7	59464420	59464498	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25741	chr7	59466292	59466370	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26059	chr7	59468163	59468241	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22511	chr7	59471904	59471982	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25098	chr7	59492432	59492510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24702	chr7	59494300	59494378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25462	chr7	59498041	59498119	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25523	chr7	59509068	59509146	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22909	chr7	59520284	59520362	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26392	chr7	59527771	59527849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24219	chr7	59529643	59529721	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25230	chr7	59531515	59531593	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22627	chr7	59533386	59533464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24585	chr7	59535256	59535334	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24206	chr7	59538998	59539076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25209	chr7	59542742	59542820	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26334	chr7	59548359	59548437	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25742	chr7	59550238	59550316	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25146	chr7	59595165	59595243	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24759	chr7	59597035	59597113	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23575	chr7	59604519	59604597	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22449	chr7	59608262	59608340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22912	chr7	59612005	59612083	56	51	0.910714	68	57	0.838235	56	51	0.910714	48	43	0.895833	52	46	0.884615	52	48	0.923077	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	33	0.6875	44	34	0.772727
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25710	chr7	59613876	59613954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26434	chr7	59615744	59615822	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23560	chr7	59617612	59617690	48	23	0.479167	13	1	0.076923	33	17	0.515152	10	0	0	22	8	0.363636	35	15	0.428571	42	13	0.309524	28	5	0.178571	28	3	0.107143	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22253	chr7	59600776	59600854	64	53	0.828125	72	64	0.888889	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A	52	46	0.884615	10	5	0.5	10	2	0.2	56	46	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23741	chr7	4101890	4102061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24657	chr7	59366366	59366444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23922	chr7	59370106	59370184	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22996	chr7	59375713	59375791	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26498	chr7	59386081	59386159	46	39	0.847826	46	38	0.826087	28	20	0.714286	10	8	0.8	24	17	0.708333	42	24	0.571429	13	9	0.692308	34	23	0.676471	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24862	chr7	59391690	59391768	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23310	chr7	59514667	59514745	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25461	chr7	59516539	59516617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22252	chr7	59525899	59525977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25988	chr7	59428665	59428743	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25221	chr7	59430536	59430614	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23471	chr7	59434277	59434355	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23449	chr7	59512795	59512873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22130	chr7	59426795	59426873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26389	chr7	59432407	59432485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23687	chr7	59439891	59439969	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22393	chr7	59441762	59441840	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24566	chr7	59445503	59445581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22111	chr7	59447374	59447452	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25314	chr7	59371975	59372053	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25229	chr7	59414091	59414169	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26283	chr7	59490561	59490639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23682	chr7	59544615	59544693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24654	chr7	59546487	59546565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25585	chr7	59552109	59552187	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25840	chr7	59553981	59554059	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24040	chr7	59557727	59557805	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22050	chr7	59559599	59559677	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23286	chr7	59561472	59561550	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24021	chr7	59563345	59563423	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22177	chr7	84170565	84170722	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22274	chr7	59565218	59565296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24652	chr7	59567091	59567169	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23618	chr7	59568964	59569042	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23688	chr7	59570835	59570913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24570	chr7	59572707	59572785	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22640	chr7	59578319	59578397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm24952	chr7	59580191	59580269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm23944	chr7	59583934	59584012	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm22629	chr7	59585806	59585884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26374	chr7	59587676	59587754	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm26284	chr7	59589548	59589626	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	9	0.642857	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394(	RFAM:RF0	Gm25452	chr7	59591422	59591500	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XR_00394	RFAM:RF0	Gm25984	chr7	59593294	59593372	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25017	chr7	59602647	59602725	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23305	chr7	59537128	59537206	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25085	chr7	59540870	59540948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25449	chr7	59419323	59419401	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22510	chr7	59454855	59454933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26390	chr7	59484948	59485026	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26336	chr7	59488689	59488767	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25259	chr7	30356732	30356924	90	80	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	117	109	0.931624	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	117	109	0.931624	90	85	0.944444	189	168	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26432	chr7	59496169	59496247	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25646	chr7	59379451	59379529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25121	chr7	59364496	59364574	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26366	chr7	59486818	59486896	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25175	chr7	59470034	59470112	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25194	chr7	59576449	59576527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	20	11	0.55	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24926	chr7	59477493	59477571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22632	chr7	59481219	59481297	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25120	chr7	59436149	59436227	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24495	chr7	59507198	59507276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26488	chr7	59355152	59355230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24220	chr7	59357021	59357099	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25934	chr7	59351409	59351487	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26200	chr7	59479347	59479425	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25870	chr7	59619017	59619095	38	16	0.421053	13	1	0.076923	33	17	0.515152	10	0	0	22	8	0.363636	35	15	0.428571	42	13	0.309524	28	5	0.178571	18	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23933	chr7	59389820	59389898	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24100	chr7	59598904	59598982	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24310	chr7	59518411	59518489	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24969	chr7	59360760	59360838	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24306	chr7	59349536	59349614	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25156	chr7	59353283	59353361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22255	chr7	59510934	59511012	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24418	chr7	59438019	59438097	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24639	chr7	59443631	59443709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23076	chr7	59449243	59449321	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25077	chr7	59473776	59473854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23145	chr7	59424924	59425002	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25823	chr7	59522156	59522233	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25647	chr7	59524028	59524105	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26337	chr7	59423055	59423133	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25874	chr7	59451115	59451193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25089	chr7	59555854	59555932	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22348	chr7	59405330	59405408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24799	chr7	59409063	59409141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23660	chr7	59387953	59388031	35	31	0.885714	33	28	0.848485	28	20	0.714286	10	8	0.8	24	17	0.708333	32	22	0.6875	13	9	0.692308	34	23	0.676471	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24653	chr7	59358890	59358968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24417	chr7	59362628	59362706	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25088	chr7	59452983	59453061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23254	chr7	59483074	59483152	90	70	0.777778	110	76	0.690909	85	53	0.623529	11	7	0.636364	93	63	0.677419	98	64	0.653061	22	6	0.272727	75	38	0.506667	82	40	0.487805	42	9	0.214286	64	36	0.5625
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24088	chr7	59410933	59411011	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22391	chr7	59606390	59606468	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24137	chr7	59610133	59610211	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22834	chr7	59475622	59475700	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25648	chr7	59347681	59347759	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	20	8	0.4	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26467	chr7	59574579	59574656	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25087	chr7	59582063	59582140	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26466	chr7	59407197	59407275	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	59347173	59347248	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	20	8	0.4	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25157	chr7	59779250	59779343	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22941	chr7	59786818	59786911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22258	chr7	59799444	59799537	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23862	chr7	59673461	59673554	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	31	0.885714	30	26	0.866667	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	59678509	59678602	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	26	16	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A	28	21	0.75	20	11	0.55	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24153	chr7	59683586	59683679	46	35	0.76087	26	20	0.769231	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	24	11	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A	27	10	0.37037	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24609	chr7	59695744	59695837	26	15	0.576923	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	20	0.666667	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	26	12	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25155	chr7	59700878	59700971	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25816	chr7	59703427	59703520	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22417	chr7	59711009	59711102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26270	chr7	59716059	59716152	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23265	chr7	59726161	59726254	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24760	chr7	59751489	59751582	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25350	chr7	59754002	59754095	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	59771656	59771749	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26246	chr7	59789331	59789424	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25597	chr7	59794360	59794453	92	64	0.695652	70	54	0.771429	96	74	0.770833	75	51	0.68	90	67	0.744444	104	44	0.423077	60	22	0.366667	74	29	0.391892	76	26	0.342105	69	22	0.318841	69	20	0.289855
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26201	chr7	59801956	59802049	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22812	chr7	59806995	59807088	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26433	chr7	59859214	59859307	36	31	0.861111	40	36	0.9	27	21	0.777778	50	44	0.88	49	43	0.877551	36	25	0.694444	30	15	0.5	34	21	0.617647	46	29	0.630435	46	31	0.673913	48	32	0.666667
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59861731	59861824	162	139	0.858025	124	107	0.862903	122	102	0.836066	26	22	0.846154	114	90	0.789474	135	95	0.703704	61	39	0.639344	131	89	0.679389	100	52	0.52	111	65	0.585586	78	38	0.487179
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59866788	59866881	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59869330	59869423	#N/A	#N/A	#N/A	48	42	0.875	48	35	0.729167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	38	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A	40	19	0.475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59874380	59874473	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59879459	59879552	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59881989	59882082	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59884499	59884592	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22747	chr7	1.27E+08	1.27E+08	61	60	0.983607	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1	10	8	0.8	71	66	0.929577	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59887057	59887150	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59889593	59889686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59892111	59892204	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59899687	59899780	81	62	0.765432	30	22	0.733333	33	27	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	30	15	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	11	0.366667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59902213	59902306	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	36	17	0.472222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	8	0.266667
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59871864	59871957	#N/A	#N/A	#N/A	48	42	0.875	48	35	0.729167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	38	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A	40	19	0.475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25074	chr7	59776724	59776817	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23953	chr7	59736313	59736406	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26332	chr7	59738848	59738941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	12	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	4	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25790	chr7	84323309	84323415	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22863	chr7	59743912	59744005	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24618	chr7	59746425	59746518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25474	chr7	59784293	59784386	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22047	chr7	59791844	59791937	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23619	chr7	59804471	59804564	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26502	chr7	59756514	59756607	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23313	chr7	59759026	59759119	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23446	chr7	59766611	59766704	56	38	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	93	62	0.666667	117	63	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	34	17	0.5	47	11	0.234043	96	30	0.3125	95	28	0.294737
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25944	chr7	59731223	59731316	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23767	chr7	59708469	59708562	44	31	0.704545	#N/A	#N/A	#N/A	52	37	0.711538	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	44	26	0.590909	40	12	0.3	60	30	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25405	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22631	chr7	59781780	59781873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23141	chr7	59705968	59706061	44	31	0.704545	#N/A	#N/A	#N/A	52	37	0.711538	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	44	26	0.590909	50	19	0.38	60	30	0.5	11	4	0.363636	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22131	chr7	59681055	59681148	46	35	0.76087	26	20	0.769231	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	24	11	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A	27	10	0.37037	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23089	chr7	59718588	59718681	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24711	chr7	59721125	59721218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26188	chr7	59723644	59723737	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24518	chr7	59728681	59728774	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22776	chr7	59764088	59764181	56	38	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	32	17	0.53125	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	34	17	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	11	8	0.727273
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26365	chr7	59693220	59693313	26	15	0.576923	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	20	0.666667	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	26	12	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25615	chr7	59864240	59864333	78	68	0.871795	36	33	0.916667	51	41	0.803922	#N/A	#N/A	#N/A	54	39	0.722222	63	41	0.650794	#N/A	#N/A	#N/A	54	31	0.574074	33	16	0.484848	68	37	0.544118	36	15	0.416667
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22822	chr7	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59904755	59904848	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	36	17	0.472222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	8	0.266667
XR_00394	RFAM:RF0	Snord116	chr7	59897161	59897254	39	31	0.794872	30	22	0.733333	33	27	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	46	38	0.826087	30	15	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	11	0.366667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26097	chr7	59796905	59796997	92	64	0.695652	70	54	0.771429	96	74	0.770833	75	51	0.68	90	67	0.744444	104	44	0.423077	60	22	0.366667	74	29	0.391892	76	26	0.342105	69	22	0.318841	69	20	0.289855
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26032	chr7	59741373	59741466	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	22	12	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	22	4	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22046	chr7	59748956	59749049	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25471	chr7	59761554	59761647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25210	chr7	59769138	59769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23047	chr7	59733770	59733863	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24264	chr7	59698307	59698400	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26054	chr7	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22584	chr7	59713534	59713625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22851	chr7	59774190	59774283	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23233	chr7	67570567	67570703	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23103	chr7	29737318	29737424	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	1.1E+08	1.1E+08	359	0	0	405	3	0.007407	348	3	0.008621	72	0	0	120	1	0.008333	363	3	0.008264	380	0	0	397	0	0	75	0	0	133	1	0.007519	52	0	0
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25636	chr7	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26147	chr7	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25409	chr7	99653688	99653818	66	41	0.621212	103	72	0.699029	101	60	0.594059	39	24	0.615385	84	63	0.75	108	66	0.611111	107	58	0.542056	45	28	0.622222	#N/A	#N/A	#N/A	63	44	0.698413	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm27991	chr7	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23795	chr7	68952100	68952236	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22504	chr7	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23815	chr7	69498579	69498685	42	38	0.904762	44	39	0.886364	32	31	0.96875	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	25	21	0.84	27	18	0.666667	12	12	1	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23297	chr7	1.44E+08	1.44E+08	64	62	0.96875	94	93	0.989362	75	72	0.96	#N/A	#N/A	#N/A	105	98	0.933333	104	100	0.961538	10	10	1	78	72	0.923077	26	24	0.923077	64	61	0.953125	42	41	0.97619
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25370	chr7	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23168	chr7	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	90787409	90787550	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	13474790	13474930	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	87529553	87529699	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	46450413	46450519	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr7	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24982	chr7	1.15E+08	1.15E+08	12	10	0.833333	15	9	0.6	19	17	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	55	49	0.890909	15	11	0.733333	21	16	0.761905	13	10	0.769231	13	8	0.615385	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22934	chr7	82994835	82994966	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26288	chr7	58148096	58148227	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24581	chr7	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24154	chr7	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25345	chr7	88343969	88344101	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25922	chr7	34943856	34943985	99	93	0.939394	87	84	0.965517	102	100	0.980392	36	35	0.972222	39	39	1	105	101	0.961905	88	85	0.965909	93	92	0.989247	#N/A	#N/A	#N/A	103	100	0.970874	30	26	0.866667
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25450	chr7	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24120	chr7	69957776	69957904	106	99	0.933962	43	40	0.930233	85	81	0.952941	#N/A	#N/A	#N/A	28	25	0.892857	114	100	0.877193	112	95	0.848214	118	102	0.864407	40	34	0.85	26	25	0.961538	25	15	0.6
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22372	chr7	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23321	chr7	1.19E+08	1.19E+08	56	49	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	52	42	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	22	21	0.954545	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23911	chr7	58005205	58005338	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

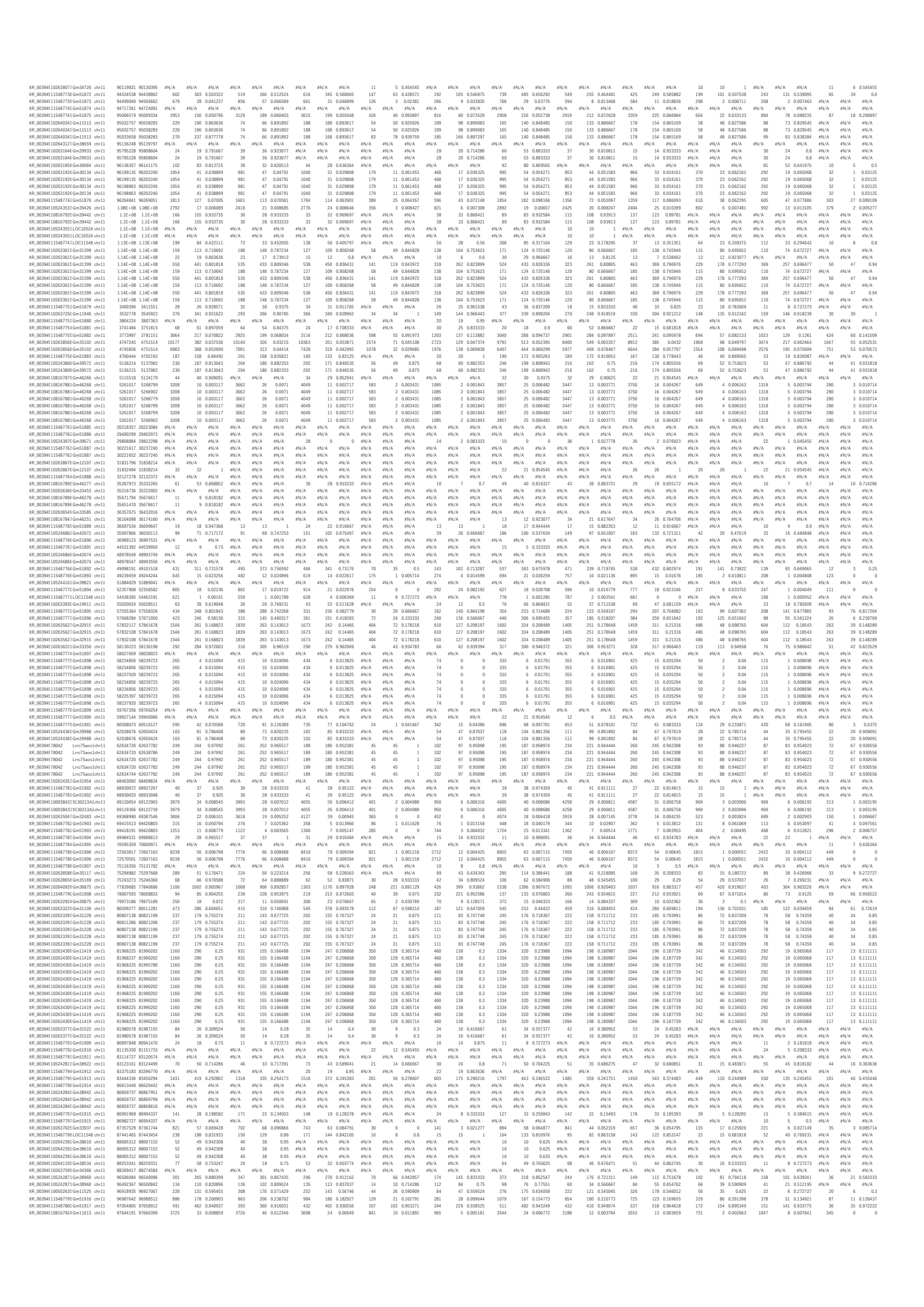
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24727	chr8	33691801	33691944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24288	chr8	6223819	6223962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	58801884	58802027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	79492778	79492918	102	68	0.666667	60	38	0.633333	81	44	0.54321	#N/A	#N/A	#N/A	61	28	0.459016	108	60	0.555556	#N/A	#N/A	#N/A	27	19	0.703704	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	39	14	0.358974
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	24157704	24157843	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	45581616	45581747	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	68010340	68010470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22780	chr8	96318487	96318618	48	25	0.520833	37	19	0.513514	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	46	21	0.456522	40	17	0.425	20	10	0.5	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	30	16	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22374	chr8	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25766	chr8	1.14E+08	1.14E+08	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24469	chr8	18512515	18512645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24335	chr8	23290033	23290164	36	27	0.75	52	30	0.576923	52	33	0.634615	27	16	0.592593	31	17	0.548387	41	19	0.463415	26	13	0.5	34	19	0.558824	26	5	0.192308	12	7	0.583333	12	4	0.333333
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25275	chr8	66918650	66918778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24375	chr8	56521372	56521503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25763	chr8	18613981	18614109	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24793	chr8	1.11E+08	1.11E+08	127	50	0.393701	147	46	0.312925	161	64	0.397516	#N/A	#N/A	#N/A	51	25	0.490196	89	17	0.191011	100	22	0.22	176	46	0.261364	20	2	0.1	30	9	0.3	20	4	0.2
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24580	chr8	63878196	63878326	116	114	0.982759	128	121	0.945313	112	105	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	44	41	0.931818	98	86	0.877551	98	80	0.816327	148	128	0.864865	24	16	0.666667	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243854	Gm39586	chr1	4595057	4598251	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23128	chr8	38982904	38983035	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22545	chr8	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25169	chr8	7638764	7638892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22544	chr8	76021929	76022055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24231	chr8	15227407	15227537	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	10	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24212	chr8	89667173	89667304	36	23	0.638889	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	12	3	0.25	34	24	0.705882	10	5	0.5	21	15	0.714286	13	1	0.076923	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24838	chr8	77146351	77146480	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26100	chr8	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25906	chr8	70123028	70123153	90	73	0.811111	97	79	0.814433	108	89	0.824074	25	24	0.96	37	28	0.756757	95	73	0.768421	64	48	0.75	87	73	0.83908	33	28	0.848485	15	14	0.933333	35	30	0.857143
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25830	chr8	48958350	48958481	164	142	0.865854	156	139	0.891026	200	179	0.895	82	76	0.926829	107	88	0.82243	206	184	0.893204	138	83	0.601449	168	135	0.803571	68	57	0.838235	81	71	0.876543	46	37	0.804348
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24677	chr8	67279098	67279231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22428	chr8	91061260	91061396	114	79	0.692982	68	42	0.617647	106	65	0.613208	41	26	0.634146	44	30	0.681818	150	89	0.593333	123	96	0.780488	104	65	0.625	46	22	0.478261	56	30	0.535714	22	12	0.545455
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26184	chr8	14273181	14273311	18	17	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	85050207	85050276	56	54	0.964286	136	133	0.977941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	64	63	0.984375	116	114	0.982759	144	138	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	1.11E+08	1.11E+08	146	132	0.90411	182	169	0.928571	168	149	0.886905	52	43	0.826923	86	75	0.872093	180	157	0.872222	145	126	0.868966	170	152	0.894118	64	57	0.890625	64	61	0.953125	68	59	0.867647
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23494	chr8	98675077	98675202	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24274	chr8	67213296	67213419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr8	22106980	22107088	49	45	0.918367	34	31	0.911765	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	57	51	0.894737	45	42	0.933333	46	44	0.956522	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s106	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s118	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24312	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s130	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s101	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s129	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s112	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s120	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s125	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s102	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s114	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s119	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s107	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s131	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s115	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	n-R5s109	chr8	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243866	Gm9947	chr1	14774865	14780974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243866	Gm9947	chr1	14755987	14793322	1668	35	0.020983	1526	31	0.020315	1803	34	0.018857	330	6	0.018182	538	11	0.020446	1613	69	0.042777	1526	92	0.060288	1336	77	0.057635	299	18	0.060201	495	32	0.064646	60	5	0.083333
XR_00394	115487079	Gm51616	chr1	15555517	15567154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487079	Gm51616	chr1	15555433	15567154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487080	Gm51617	chr1	15571225	15617864	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634042	Gm7568	chr1	16253587	16267960	38	36	0.947368	34	32	0.941176	37	35	0.945946	13	11	0.846154	23	21	0.913043	33	28	0.848485	33	25	0.757576	25	23	0.92	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634042	Gm7568	chr1	16253587	16267960	38	36	0.947368	34	32	0.941176	37	35	0.945946	13	11	0.846154	23	21	0.913043	33	28	0.848485	33	25	0.757576	25	23	0.92	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634042	Gm7568	chr1	16253533	16268346	38	36	0.947368	34	32	0.941176	37	35	0.945946	13	11	0.846154	23	21	0.913043	33	28	0.848485	33	25	0.757576	25	23	0.92	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487081	C130013N	chr1	16296758	16314734	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634738	Gm28154	chr1	17621620	17641098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634738	Gm28154	chr1	17621620	17641098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634738	Gm28154	chr1	17615083	17641098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634738	Gm28154	chr1	17621620	17641098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634738	Gm28154	chr1	17635758	17641098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634738	Gm28154	chr1	17621620	17641098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487083	Gm51618	chr1	20925557	20959216	382	240	0.628272	400	210	0.525	468	309	0.660256	112	66	0.589286	164	96	0.585366	296	212	0.716216	343	143	0.41691	280	163	0.582143	190	87	0.457895	128	66	0.515625	112	74	0.660714
XR_00394	100503399	Gm19673	chr1	23391747	23399959	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108153	Adamts7	chr9	90162904	90192594	2416	43	0.017798	1881	16	0.008506	2455	10	0.004073	301	1	0.003322	393	3	0.007634	2422	24	0.009909	2350	33	0.014043	2093	10	0.004778	402	4	0.00995	541	1	0.001848	24	0	0
XR_00394	109785	Pgm3	chr9	86555001	86571878	2272	55	0.024208	1845	41	0.022222	2116	28	0.013233	327	5	0.015291	779	20	0.025674	2332	28	0.012007	2356	43	0.018251	1959	26	0.013272	306	2	0.006536	701	21	0.029957	191	9	0.04712
XR_00394	110350	Dync2h1	chr9	7083191	7178306	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	638995	Gm7256	chr1	30873169	30873854	7347	44	0.005989	7443	42	0.005643	8378	52	0.006207	1163	2	0.00172	2562	7	0.002732	7763	44	0.005668	7424	40	0.005388	7337	43	0.005861	2178	8	0.003673	2548	8	0.00314	801	1	0.001248
XR_00394	11797	Birc2	chr9	7818228	7837130	1444	39	0.027008	1146	33	0.028796	1515	38	0.025083	385	8	0.020779	675	11	0.016296	1712	24	0.014019	1300	18	0.013846	1416	7	0.004944	426	6	0.014085	738	5	0.006775	403	9	0.022333
XR_00394	75883	4930568A1	chr1	34477167	34499058	155	128	0.825806	115	94	0.817391	123	102	0.829268	30	24	0.8	58	47	0.810345	168	137	0.815476	125	73	0.584	167	119	0.712575	85	62	0.729412	82	52	0.634146	47	32	0.680851
XR_00394	75883	4930568A1	chr1	34477167	34499058	155	128	0.825806	115	94	0.817391	123	102	0.829268	30	24	0.8	58	47	0.810345	168	137	0.815476	125	73	0.584	167	119	0.712575	85	62	0.729412	82	52	0.634146	47	32	0.680851
XR_00394	11920	Atm	chr9	53459838	53536828	1801	10	0.005552	1398	10	0.007153	1786	16	0.008959	445	0	0	929	3	0.003229	2294	13	0.005667	2029	12	0.005914	1552	7	0.00451	646	2	0.003096	762	2	0.002625	377	0	0
XR_00394	102635157	Gm32566	chr1	34484347	34487339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	20	0.952381	28	23	0.821429	#N/A	#N/A	#N/A	31	23	0.741935	23	13	0.565217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635078	Gm32504	chr1	34455230	34461035	178	1	0.005618	112	3	0.026786	144	3	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	42	0	0	86	3	0.034884	133	1	0.007519	105	10	0.095238	#N/A	#N/A	#N/A	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635458	Gm32790	chr1	34782355	34792553	23	17	0.73913	49	41	0.836735	46	36	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	84	59	0.702381	21	12	0.571429	10	6	0.6	37	21	0.567568	30	16	0.533333	48	33	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635458	Gm32790	chr1	34748272	34792553	23	17	0.73913	49	41	0.836735	46	36	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	84	59	0.702381	21	12	0.571429	10	6	0.6	37	21	0.567568	30	16	0.533333	48	33	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635632	Gm32920	chr1	34685669	34689020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635632	Gm32920	chr1	34681741	34689020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243901	Gm39622	chr1	35959999	35965088	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	78119	4930439A(	chr1	37330330	37334232	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	13430	Dnm2	chr9	21424908	21485690	1780	17	0.009551	1636	10	0.006112	1872	23	0.012286	350	1	0.002857	465	12	0.025806	1739	7	0.004025	1721	14	0.008135	2091	13	0.006217	185	1	0.005405	387	1	0.002584	20	0	0
XR_00394	78119	4930439A(	chr1	37314437	37334232	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	78119	4930439A(	chr1	37327923	37334232	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637336	4930470B(	chr1	37660702	37669536	28	26	0.928571	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	24	19	0.791667	22	12	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243908	Gm39628	chr1	37684542	37695572	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	23	19	0.826087	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487085	Gm51620	chr1	39592289	39598519	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	4	0.25	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639765	Gm29260	chr1	41743031	41939598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639765	Gm29260	chr1	41743028	41939598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639765	Gm29260	chr1	41743026	41939598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639765	Gm29260	chr1	41835280	41939598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	16201	Ilf3	chr9	21367965	21405363	2095	68	0.032458	1774	73	0.04115	2518	73	0.028991	395	6	0.01519	568	20	0.035211	1962	58	0.029562	1711	53	0.030976	2031	95	0.046775	498	13	0.026104	738	15	0.020325	90	0	0
XR_00394	16201	Ilf3	chr9	21367875	21405363	2095	68	0.032458	1774	73	0.04115	2518	73	0.028991	395	6	0.01519	568	20	0.035211	1962	58	0.029562	1711	53	0.030976	2031	95	0.046775	498	13	0.026104	738	15	0.020325	90	0	0
XR_00394	16201	Ilf3	chr9	21367731	21405363	2095	68	0.032458	1774	73	0.04115	2518	73	0.028991	395	6	0.01519	568	20	0.035211	1962	58	0.029562	1711	53	0.030976	2031	95	0.046775	498	13	0.026104	738	15	0.020325	90	0	0
XR_00394	102639765	Gm29260	chr1	41887071	41939598	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	16201	Ilf3	chr9	21367899	21405363	2095	68	0.032458	1774	73	0.04115	2518	73	0.028991	395	6	0.01519	568	20	0.035211	1962	58	0.029562	1711	53	0.030976	2031	95	0.046775	498	13	0.026104	738	15	0.020325	90	0	0
XR_00394	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_00394	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_00394	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_00394	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_00394	17350	Mlh1	chr9	1.11E+08	1.11E+08	1484	39	0.02628	1298	11	0.008475	1427	30	0.021023	225	12	0.053333	889	23	0.025872	1614	31	0.019207	1475	45	0.030508	1507	25	0.016589	466	3	0.006438	481	4	0.008316	152	0	0
XR_00394	102632081	Gm30248	chr1	42617440	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632081	Gm30248	chr1	42602625	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632081	Gm30248	chr1	42612300	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632081	Gm30248	chr1	42617440	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632081	Gm30248	chr1	42602625	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632081	Gm30248	chr1	42617440	42641594	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	17920	Myo6	chr9	80164976	80276360	2901	18	0.006205	2833	30	0.010589	2799	27	0.009646	551	3	0.005445	893	8	0.008959	2922	36	0.01232	2711	24	0.008853	3059	27	0.008826	647	4	0.006182	843	4	0.004745	73	0	0
XR_00394	17920	Myo6	chr9	80164976	80288100	2901	18	0.006205	2833	30	0.010589	2799	27	0.009646	551	3	0.005445	893	8	0.008959	2922	36	0.01232	2711	24	0.008853	3059	27	0.008826	647	4	0.006182	843	4	0.004745	73	0	0
XR_00394	102632346	Gm29040	chr1	43248158	43261118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487086	LOC11548	chr1	43296585	43309641	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	18087	Nktr	chr9	1.22E+08	1.22E+08	78	76	0.974359	108	104	0.962963	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	66	64	0.969697	124	116	0.935484	72	67	0.930556	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	18087	Nktr	chr9	1.22E+08	1.22E+08	78	76	0.974359	108	104	0.962963	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	66	64	0.969697	124	116	0.935484	72	67	0.930556	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	18577	Pde4a	chr9	21165700	21213248	4729	106	0.022415	4603	110	0.023897	4459	113	0.025342	526	11	0.020913	809	13	0.016069	4835	106	0.021923	3722	134	0.036002	4545	83	0.018262	1099	18	0.016379	603	11	0.018242	186	5	0.026882
XR_00394	18854	Pml	chr9	58218076	58249796	255	3	0.011765	314	3	0.009554	269	3	0.011152	#N/A	#N/A	#N/A	129	2	0.015504	266	0	0	260	0	0	307	2	0.006515	26	1	0.038462	97	5	0.051546	20	0	0
XR_00394	115487087	Gm51621	chr1	45746506	45765106	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	26	5	0.192308	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	32	5	0.15625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	18854	Pml	chr9	58218076	58249796	255	3	0.011765	314	3	0.009554	269	3	0.011152	#N/A	#N/A	#N/A	129	2	0.015504	266	0	0	260	0	0	307	2	0.006515	26	1	0.038462	97	5	0.051546	20	0	0
XR_00394	192287	Slc25a36	chr9	97080460	97110851	2563	90	0.035115	2738	119	0.043462	2960	69	0.023311	404	5	0.012376	862	33	0.038283	2729	82	0.030048	2594	74	0.028527	2295	92	0.040087	922	9	0.009761	1124	28	0.024911	250	2	0.008
XR_00394	115487088	Gm51622	chr1	54242556	54250613	833	5	0.006002	854	9	0.010539	856	4	0.004673	125	0	0	374	12	0.032086	825	7	0.008485	827	10	0.012092	763	8	0.010485	285	2	0.007018	198	0	0	68	1	0.014706
XR_00394	20320	Nptn	chr9	58582245	58652878	2012	16	0.007952	2372	18	0.007589	2449	15	0.006125	276	0	0	680	13	0.019118	2232	12	0.005376	2150	15	0.006977	2692	21	0.007801	360	0	0	571	1	0.001751	228	2	0.008772
XR_00394	20320	Nptn	chr9	58582262	58652879	2012	16	0.007952	2372	18	0.007589	2449	15	0.006125	276	0	0	680	13	0.019118	2232	12	0.005376	2150	15	0.006977	2692	21	0.007801	360	0	0	571	1	0.001751	228	2	0.008772
XR_00394	115487089	Gm51623	chr1	54519093	54539962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243926	Gm39642	chr1	55502042	55512761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243926	Gm39642	chr1	55502042	55512761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243926	Gm39642	chr1	55502042	55512761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487090	Gm51624	chr1	56885397	56894214	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243928	Gm39643	chr1	58116806	58140329	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243929	Gm39644	chr1	58366418	58392543	6014	43	0.00715	5616	38	0.006766	6172	46	0.007453	942	13	0.0138	1591	4	0.002514	5905	34	0.005758	5657	36	0.006364	6155	28	0.004549	1677	6	0.003578	1808	5	0.002765	439	2	0.004556
XR_00394	100504455	Gm15834	chr1	58505116	58517354	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_00394	100504455	Gm15834	chr1	58505116	58543920	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_00394	208583	Nek11	chr9	1.05E+08	1.05E+08	1620	36	0.022222	1354	60	0.044313	1302	72	0.0553	307	2	0.006515	985	61	0.061929	1519	41	0.026991	1363	57	0.04182	1475	45	0.030508	875	54	0.061714	794	18	0.02267	328	29	0.088415
XR_00394	115487092	Gm51625	chr1	59350847	59368398	75	2	0.026667	73	0	0	66	2	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A	28	2	0.071429	50	1	0.02	73	0	0	94	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	29	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487092	Gm51625	chr1	59350847	59368398	75	2	0.026667	73	0	0	66	2	0.030303	#N/A	#N/A	#N/A	28	2	0.071429	50	1	0.02	73	0	0	94	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	29	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487093	Gm51626	chr1	60596267	60607059	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	214058	Megf11	chr9	64501340	64714179	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639767	Gm13748	chr1	64079331	64101203	241	198	0.821577	202	169	0.836634	231	199	0.861472	66	46	0.69697	132	114	0.863636	274	229	0.835766	237	199	0.839662	213	187	0.877934	124	108	0.870968	75	59	0.786667	84	72	0.857143
XR_00394	214424	Parp16	chr9	65215107	65239220	2807	33	0.011756	2593	14	0.005399	2850	41	0.014386	383	0	0	817	20	0.02448	3009	46	0.015287	2631	15	0.005701	2539	18	0.007089	1000	25	0.025	967	14	0.014478	134	0	0
XR_00394	214597	Sidt2	chr9	45937857	45958000	114	32	0.280702	30	8	0.266667	80	14	0.175	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	133	24	0.180451	100	5	0.05	92	5	0.054348	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	42	6	0.142857
XR_00394	214897	Csnk1g1	chr9	65908970	66045015	1335	27	0.020225	1205	28	0.023237	1255	12	0.009562	358	10	0.027933	482	2	0.004149	1342	35	0.02608	1164	4	0.003436	1144	27	0.023601	538	30	0.055762	389	2	0.005141	48	0	0
XR_00394	115487095	Gm51628	chr1	64886854	64896728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143
XR_00394	115487096	Gm51629	chr1	66217512	66230663	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167626	Gm46093	chr1	66738213	66798061	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	21778	Tex9	chr9	72477737	72510940	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	21778	Tex9	chr9	72458578	72510941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	21887	Tle3	chr9	61372326	61414035	5894	46	0.007805	5119	47	0.009181	5916	36	0.006085	1025	15	0.014634	1816	13	0.007159	6349	51	0.008033	5709	39	0.006831	6270	64	0.010207	1467	7	0.004772	2131	9	0.004223	427	1	0.002342
XR_00394	115487097	LOC11548	chr1	67011093	67020851	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67027892	67049672	2205	46	0.020862	2068	38	0.018375	2537	52	0.020497	172	2	0.011628	725	19	0.026207	2097	39	0.018598	2156	49	0.022727	2290	82	0.035808	648	10	0.015432	782	14	0.017903	148	2	0.013514
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67027892	67049439	2205	46	0.020862	2068	38	0.018375	2537	52	0.020497	172	2	0.011628	725	19	0.026207	2097	39	0.018598	2156	49	0.022727	2290	82	0.035808	648	10	0.015432	782	14	0.017903	148	2	0.013514
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67022590	67049672	2205	46	0.020862	2068	38	0.018375	2537	52	0.020497	172	2	0.011628	725	19	0.026207	2097	39	0.018598	2156	49	0.022727	2290	82	0.035808	648	10	0.015432	782	14	0.017903	148	2	0.013514
XR_00394	102640814	Gm28497	chr1	69433662	69444090	28	13	0.464286	35	10	0.285714	39	8	0.205128	20	7	0.35	48	15	0.3125	33	9	0.272727	52	13	0.25	63	14	0.222222	32	9	0.28125	52	13	0.25	20	9	0.45
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67027892	67049672	2205	46	0.020862	2068	38	0.018375	2537	52	0.020497	172	2	0.011628	725	19	0.026207	2097	39	0.018598	2156	49	0.022727	2290	82	0.035808	648	10	0.015432	782	14	0.017903	148	2	0.013514
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67027892	67044943	439	149	0.339408	294	105	0.357143	275	97	0.352727	104	37	0.355769	162	56	0.345679	393	109	0.277354	296	41	0.138514	321	60	0.186916	155	24	0.154839	147	33	0.22449	63	11	0.174603
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67022590	67044943	439	149	0.339408	294	105	0.357143	275	97	0.352727	104	37	0.355769	162	56	0.345679	393	109	0.277354	296	41	0.138514	321	60	0.186916	155	24	0.154839	147	33	0.22449	63	11	0.174603
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67022590	67044943	439	149	0.339408	294	105	0.357143	275	97	0.352727	104	37	0.355769	162	56	0.345679	393	109	0.277354	296	41	0.138514	321	60	0.186916	155	24	0.154839	147	33	0.22449	63	11	0.174603
XR_00394	22003	Tpm1	chr9	67027892	67044943	439	149	0.339408	294	105	0.357143	275	97	0.352727	104	37	0.355769	162	56	0.345679	393	109	0.277354	296	41	0.138514	321	60	0.186916	155	24	0.154839	147	33	0.22449	63	11	0.174603
XR_00394	102640814	Gm28497	chr1	69431226	69444090	59	50	0.847458	44	40	0.909091	44	43	0.977273	#N/A	#N/A	#N/A	49	42	0.857143	49	36	0.734694	50	32	0.64	46	38	0.826087	30	20	0.666667	37	26	0.702703	#N/A	#N/A	#N/A



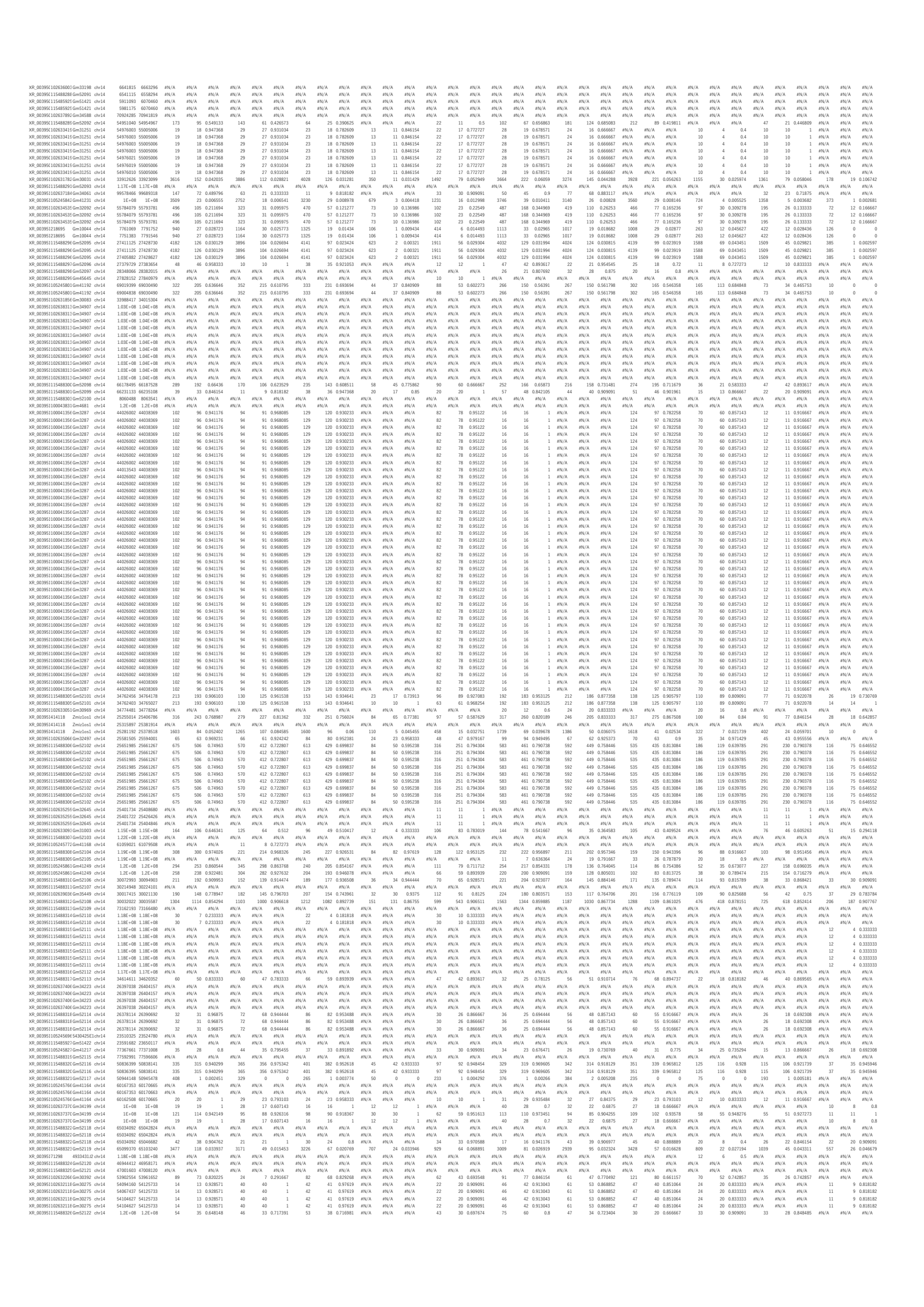
XR_00394	102633433	Gm29478	chr9	91404351	91600756	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_00394	102633433	Gm29478	chr9	91403975	91600756	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	10	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	30	4	0.133333	30	0	0
XR_00394	102633433	Gm29478	chr9	91403975	91563426	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	10	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	30	4	0.133333	30	0	0
XR_00394	102633433	Gm29478	chr9	91404353	91410946	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_00394	105243496	Gm39400	chr9	91765102	91774959	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633625	Gm31409	chr9	91918875	91961196	28	24	0.857143	50	34	0.68	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	39	0.696429	32	23	0.71875	28	17	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243516	Gm28166	chr9	1E+08	1E+08	529	434	0.820416	352	281	0.798295	485	406	0.837113	155	124	0.8	199	177	0.889447	729	576	0.790123	486	335	0.6893	477	310	0.649895	144	91	0.631944	208	161	0.774038	93	69	0.741935
XR_00394	102633518	Gm31326	chr9	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167681	Gm46130	chr9	1.04E+08	1.04E+08	70	68	0.971429	96	91	0.947917	81	78	0.962963	12	12	1	40	36	0.9	63	63	1	68	66	0.970588	84	79	0.940476	17	17	1	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167681	Gm46130	chr9	1.04E+08	1.04E+08	70	68	0.971429	96	91	0.947917	81	78	0.962963	12	12	1	40	36	0.9	63	63	1	68	66	0.970588	84	79	0.940476	17	17	1	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487190	Gm51688	chr9	1.06E+08	1.06E+08	268	250	0.932836	249	234	0.939759	195	181	0.928205	10	10	1	115	104	0.904348	207	185	0.89372	255	203	0.796078	185	165	0.891892	108	81	0.75	138	119	0.862319	36	31	0.861111
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1201	34	0.02831	938	40	0.042644	1112	43	0.038669	134	1	0.007463	459	16	0.034858	1203	44	0.036575	908	33	0.036344	1009	35	0.034688	185	1	0.005405	394	15	0.038071	113	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	169	7	0.04142	105	3	0.028571	132	1	0.007576	80	2	0.025	42	1	0.02381	222	23	0.103604	163	3	0.018405	132	5	0.037879	48	1	0.020833	81	1	0.012346	36	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	169	7	0.04142	105	3	0.028571	132	1	0.007576	80	2	0.025	42	1	0.02381	222	23	0.103604	163	3	0.018405	132	5	0.037879	48	1	0.020833	81	1	0.012346	36	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	169	7	0.04142	105	3	0.028571	132	1	0.007576	80	2	0.025	42	1	0.02381	222	23	0.103604	163	3	0.018405	132	5	0.037879	48	1	0.020833	81	1	0.012346	36	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_00394	115487191	Gm51689	chr1	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102636702	Gm28111	chr9	1.07E+08	1.07E+08	22	8	0.363636	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	19	0.339286	#N/A	#N/A	#N/A	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	20	4	0.2	41	20	0.487805	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102636702	Gm28111	chr9	1.07E+08	1.07E+08	22	8	0.363636	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	25	0.367647	#N/A	#N/A	#N/A	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	20	4	0.2	63	34	0.539683	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	73855	4930429P2	chr9	1.07E+08	1.07E+08	192	137	0.713542	194	151	0.778351	172	123	0.715116	44	33	0.75	88	67	0.761364	160	136	0.85	154	103	0.668831	154	111	0.720779	54	30	0.555556	70	40	0.571429	26	19	0.730769
XR_00394	73855	4930429P2	chr9	1.07E+08	1.07E+08	192	137	0.713542	194	151	0.778351	172	123	0.715116	44	33	0.75	88	67	0.761364	160	136	0.85	154	103	0.668831	154	111	0.720779	54	30	0.555556	70	40	0.571429	26	19	0.730769
XR_00394	73855	4930429P2	chr9	1.07E+08	1.07E+08	192	137	0.713542	194	151	0.778351	172	123	0.715116	44	33	0.75	88	67	0.761364	160	136	0.85	154	103	0.668831	154	111	0.720779	54	30	0.555556	70	40	0.571429	26	19	0.730769
XR_00394	115487192	Gm51690	chr9	1.08E+08	1.08E+08	37	29	0.783784	37	34	0.918919	34	26	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	43	31	0.72093	31	23	0.741935	30	25	0.833333	14	11	0.785714	28	18	0.642857	11	10	0.909091
XR_00394	105245077	Gm40579	chr9	1.1E+08	1.1E+08	194	159	0.819588	197	162	0.822335	155	123	0.793548	25	22	0.88	52	49	0.942308	116	100	0.862069	204	138	0.676471	173	130	0.751445	78	54	0.692308	52	38	0.730769	11	11	1
XR_00394	105245077	Gm40579	chr9	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639389	Gm35715	chr9	1.11E+08	1.11E+08	86	78	0.906977	67	61	0.910448	65	54	0.830769	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	100	63	0.63	62	49	0.790323	77	60	0.779221	34	23	0.676471	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487194	LOC11548	chr9	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487195	Gm51692	chr9	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487196	Gm51693	chr9	1.11E+08	1.11E+08	40	33	0.825	31	25	0.806452	37	33	0.891892	12	10	0.833333	33	26	0.787879	45	33	0.733333	39	30	0.769231	46	39	0.847826	21	17	0.809524	17	8	0.470588	24	21	0.875
XR_00394	115487197	Gm51694	chr9	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167747	Gm46173	chr1	1.76E+08	1.76E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167687	Gm39439	chr9	1.14E+08	1.14E+08	5808	45	0.007748	6436	41	0.00637	6305	52	0.008247	593	2	0.003373	1003	10	0.00997	6198	49	0.007906	6291	44	0.006994	6776	31	0.004575	875	3	0.003429	983	3	0.003052	414	2	0.004831
XR_00394	108167687	Gm39439	chr9	1.14E+08	1.14E+08	5808	45	0.007748	6436	41	0.00637	6305	52	0.008247	593	2	0.003373	1003	10	0.00997	6198	49	0.007906	6291	44	0.006994	6776	31	0.004575	875	3	0.003429	983	3	0.003052	414	2	0.004831
XR_00394	115486419	LOC11548	chr9	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102636375	Gm33460	chr9	1.18E+08	1.18E+08	820	29	0.035366	600	17	0.028333	776	28	0.036082	170	2	0.011765	321	22	0.068536	798	9	0.011278	619	9	0.01454	686	31	0.04519	240	6	0.025	216	3	0.013889	96	1	0.010417
XR_00394	102636303	Gm33408	chr9	1.18E+08	1.18E+08	5924	130	0.021945	6235	122	0.019567	6976	107	0.015338	619	6	0.009693	2000	36	0.018	6536	194	0.029682	5526	190	0.034383	5820	138	0.023711	1873	71	0.037907	2028	51	0.025148	205	4	0.019512
XR_00394	115487199	LOC11548	chr9	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243566	Gm39454	chr9	1.19E+08	1.19E+08	10	9	0.9	13	12	0.923077	52	46	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	17	16	0.941176	17	15	0.882353	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487200	Gm51696	chr9	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487201	Gm51697	chr9	1.19E+08	1.19E+08	609	580	0.952381	563	542	0.9627	691	664	0.960926	130	118	0.907692	170	161	0.947059	673	638	0.947994	584	546	0.934932	691	663	0.959479	230	218	0.947826	212	201	0.948113	15	13	0.866667
XR_00394	100039837	Gm2449	chr9	1.2E+08	1.2E+08	3998	30	0.007504	3664	37	0.010098	4020	26	0.006468	955	8	0.008377	1467	4	0.002727	4190	35	0.008353	3901	25	0.006409	3954	16	0.004047	890	1	0.001124	1848	3	0.001623	525	3	0.005714
XR_00394	102636917	Gm33858	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637315	Gm34159	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	56	51	0.910714	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	82	62	0.756098	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637315	Gm34159	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	56	51	0.910714	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	82	62	0.756098	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637540	Gm34323	chr9	1.21E+08	1.21E+08	244	35	0.143443	163	21	0.128834	195	30	0.153846	20	1	0.05	76	8	0.105263	270	53	0.196296	216	21	0.097222	186	18	0.096774	93	24	0.258065	116	14	0.12069	47	5	0.106383
XR_00394	105243569	Gm39456	chr9	1.21E+08	1.21E+08	364	88	0.241758	444	98	0.220721	426	101	0.237089	88	26	0.295455	149	40	0.268456	332	121	0.364458	314	60	0.191083	329	122	0.370821	112	32	0.285714	197	40	0.203046	68	24	0.352941
XR_00394	105244022	Gm38331	chr1	1.8E+08	1.8E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637674	Gm34425	chr9	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487202	Gm51698	chr9	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487204	Gm51699	chr9	1.23E+08	1.23E+08	40	34	0.85	32	31	0.96875	32	26	0.8125	11	7	0.636364	10	10	1	55	42	0.763636	54	40	0.740741	41	32	0.780488	20	14	0.7	24	17	0.708333	12	9	0.75
XR_00394	115487205	Gm51700	chr9	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487206	Gm51701	chr9	1.24E+08	1.24E+08	2234	15	0.006714	2241	14	0.006247	2216	13	0.005866	530	1	0.001887	564	10	0.01773	2151	15	0.006974	1972	11	0.005578	2039	14	0.006866	546	2	0.003663	660	2	0.00303	69	2	0.028986
XR_00394	115487207	Gm51702	chr9	15241083	15252378	165	113	0.684848	132	91	0.689394	158	87	0.550633	36	20	0.555556	81	62	0.765432	195	168	0.861538	98	43	0.438776	172	112	0.651163	96	64	0.666667	64	27	0.421875	39	19	0.487179
XR_00394	115487208	Gm51703	chr9	15529315	15538429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487208	Gm51703	chr9	15529315	15538429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487208	Gm51703	chr9	15527155	15538429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487209	LOC11548	chr9	20616611	20619305	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487210	Gm51704	chr9	20580350	20589457	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243352	Gm39299	chr9	20727649	20745766	5272	184	0.034901	4980	159	0.031928	5733	172	0.030002	963	27	0.028037	1637	56	0.034209	5243	148	0.028228	4719	152	0.03221	4680	114	0.024359	1309	29	0.022154	1577	43	0.027267	307	9	0.029316
XR_00394	105243352	Gm39299	chr9	20727649	20745766	5272	184	0.034901	4980	159	0.031928	5733	172	0.030002	963	27	0.028037	1637	56	0.034209	5243	148	0.028228	4719	152	0.03221	4680	114	0.024359	1309	29	0.022154	1577	43	0.027267	307	9	0.029316
XR_00394	105243352	Gm39299	chr9	20727649	20741593	5272	184	0.034901	4980	159	0.031928	5733	172	0.030002	963	27	0.028037	1637	56	0.034209	5243	148	0.028228	4719	152	0.03221	4680	114	0.024359	1309	29	0.022154	1577	43	0.027267	307	9	0.029316
XR_00394	105243356	Gm39303	chr9	21553189	21567632	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105244024	Gm39712	chr1	1.8E+08	1.8E+08	264	58	0.219697	180	24	0.133333	194	34	0.175258	24	3	0.125	26	1	0.038462	263	61	0.231939	199	45	0.226131	228	40	0.175439	70	4	0.057143	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243362	Gm39309	chr9	22791041	22805005	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273
XR_00394	105244024	Gm39712	chr1	1.8E+08	1.8E+08	264	58	0.219697	180	24	0.133333	194	34	0.175258	24	3	0.125	26	1	0.038462	263	61	0.231939	199	45	0.226131	228	40	0.175439	70	4	0.057143	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	625222	Gm15520	chr9	29035495	29091892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	625222	Gm15520	chr9	29035495	29091892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105244024	Gm39712	chr1	1.8E+08	1.8E+08	264	58	0.219697	180	24	0.133333	194	34	0.175258	24	3	0.125	26	1	0.038462	263	61	0.231939	199	45	0.226131	228	40	0.175439	70	4	0.057143	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105244024	Gm39712	chr1	1.8E+08	1.8E+08	264	58	0.219697	180	24	0.133333	194	34	0.175258	24	3	0.125	26	1	0.038462	263	61	0.231939	199	45	0.226131	228	40	0.175439	70	4	0.057143	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105244024	Gm39712	chr1	1.8E+08	1.8E+08	264	58	0.219697	180	24	0.133333	194	34	0.175258	24	3	0.125	26	1	0.038462	263	61	0.231939	199	45	0.226131	228	40	0.175439	70	4	0.057143	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100038739	Gm10615	chr9	1.1E+08	1.1E+08	2965	22	0.00742	2873	19	0.006613	2687	24	0.008932	341	1	0.002933	875	9	0.010286	2271	19	0.008366	2400	20	0.008333	3143	13	0.004136	602	1	0.001661	970	2	0.002062	108	2	0.018519
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34918230	35007695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34918230	35000210	147	138	0.938776	115	111	0.965217	97	92	0.948454	#N/A	#N/A	#N/A	84	82	0.97619	79	71	0.898734	70	61	0.871429	79	71	0.898734	36	34	0.944444	60	58	0.966667	43	40	0.930233
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34918230	35000210	147	138	0.938776	115	111	0.965217	97	92	0.948454	#N/A	#N/A	#N/A	84	82	0.97619	79	71	0.898734	70	61	0.871429	79	71	0.898734	36	34	0.944444	60	58	0.966667	43	40	0.930233
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34920234	35007695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34920234	35007695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34978035	35007695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	442804	Kirrel3os	chr9	34981818	35007695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487216	LOC11548	chr9	35117200	35119544	116	98	0.844828	76	71	0.934211	118	103	0.872881	21	15	0.714286	60	52	0.866667	113	96	0.849558	63	51	0.809524	94	81	0.861702	29	28	0.965517	21	18	0.857143	12	12	1
XR_00394	108167350	Gm45955	chr9	34860101	34870472	40	20	0.5	38	14	0.368421	40	15	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	11	0.354839	27	5	0.185185	28	4	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XR_00394	108167350	Gm45955	chr9	34860101	34870472	40	20	0.5	38	14	0.368421	40	15	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	11	0.354839	27	5	0.185185	28	4	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XR_00394	108167350	Gm45955	chr9	34860101	34870472	40	20	0.5	38	14	0.368421	40	15	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	11	0.354839	27	5	0.185185	28	4	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XR_00394	105243374	Gm33561	chr9	34823247	34849004	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	25	0.641026	51	34	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	15	0.5
XR_00394	115487217	Gm51705	chr9	35054776	35059965	66	58	0.878788	96	91	0.947917	42	39	0.928571	72	68	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	51	44	0.862745	36	28	0.777778	102	83	0.813725	#N/A	#N/A	#N/A	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102636665	Gm33669	chr1	1.82E+08	1.82E+08	191	147	0.769634	214	158	0.738318	181	120	0.662983	26	17	0.653846	26	23	0.884615	140	96	0.685714	116	92	0.793103	104	70	0.673077	29	20	0.689655	77	43	0.558442	56	42	0.75
XR_00394	102636665	Gm33669	chr1	1.82E+08	1.82E+08	191	147	0.769634	214	158	0.738318	181	120	0.662983	26	17	0.653846	26	23	0.884615	140	96	0.685714	116	92	0.793103	104	70	0.673077	29	20	0.689655	77	43	0.558442	56	42	0.75
XR_00394	105243391	Gm39326	chr9	44854919	44884578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243391	Gm39326	chr9	44877034	44884578	102	87	0.852941	51	41	0.803922	102	89	0.872549	31	25	0.806452	83	73	0.879518	93	72	0.774194	102	89	0.872549	114	89	0.780702	34	26	0.764706	22	15	0.681818	10	9	0.9
XR_00394	108167650	Gm46110	chr9	46047940	46079668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633516	Peak1os	chr9	56241344	56270847	71	69	0.971831	38	35	0.921053	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	64	62	0.96875	71	67	0.943662	65	65	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633516	Peak1os	chr9	56241344	56270847	71	69	0.971831	38	35	0.921053	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	64	62	0.96875	71	67	0.943662	65	65	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633516	Peak1os	chr9	56241344	56325142	71	69	0.971831	38	35	0.921053	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	64	62	0.96875	71	67	0.943662	65	65	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633516	Peak1os	chr9	56241344	56270847	71	69	0.971831	38	35	0.921053	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	64	62	0.96875	71	67	0.943662	65	65	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633516	Peak1os	chr9	56241344	56270847	71	69	0.971831	38	35	0.921053	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	64	62	0.96875	71	67	0.943662	65	65	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633516	Peak1os	chr9	56241344	56270847	71	69	0.971831	38	35	0.921053	38	37	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	64	62	0.96875	71	67	0.943662	65	65	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487220	Gm51707	chr9	57485635	57488745	63	58	0.920635	20	17	0.85	64	59	0.921875	40	37	0.925	88	48	0.545455	98	89	0.908163	114	88	0.77193	80	64	0.8	48	20	0.416667	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487220	Gm51707	chr9	57485635	57488745	63	58	0.920635	20	17	0.85	64	59	0.921875	40	37	0.925	88	48	0.545455	98	89	0.908163	114	88	0.77193	80	64	0.8	48	20	0.416667	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634923	Gm32392	chr9	57606630	57616084	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	30	7	0.233333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634923	Gm32392	chr9	57606431	57617161	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487222	Gm51708	chr9	59633996	59637636	130	124	0.953846	148	142	0.959459	184	176	0.956522	20	20	1	24	24	1	162	155	0.95679	146	130	0.890411	148	131	0.885135	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487222	Gm51708	chr9	59633996	59655906	1781	36	0.020213	1164	28	0.024055	1646	16	0.009721	271	12	0.04428	468	8	0.017094	1963	23	0.011717	1700	27	0.015882	1678	35	0.020858	583	14	0.024014	562	8	0.014235	231	11	0.047619
XR_00394	115487223	Gm51709	chr9	59610106	59617124	2432	9	0.003701	2029	7	0.00345	2120	20	0.009434	374	0	0	529	0	0	2048	17	0.008301	2372	19	0.00801	1838	14	0.007617	740	6	0.008108	781	4	0.005122	216	1	0.00463
XR_00394	102636735	Gm33725	chr1	1.82E+08	1.82E+08	218	177	0.811927	155	138	0.890323	141	124	0.879433	108	88	0.814815	73	58	0.794521	237	148	0.624473	138	107	0.775362	185	113	0.610811	109	74	0.678899	69	45	0.652174	61	46	0.754098
XR_00394	102639582	Gm16759	chr9	63399317	63534004	1506	12	0.007968	1299	6	0.004619	1385	7	0.005054	158	0	0	543	3	0.005525	1522	9	0.005913	1602	7	0.00437	1390	9	0.006475	293	2	0.006826	795	2	0.002516	62	0	0
XR_00394	102639582	Gm16759	chr9	63399317	63491474	1506	12	0.007968	1299	6	0.004619	1385	7	0.005054	158	0	0	543	3	0.005525	1522	9	0.005913	1602	7	0.00437	1390	9	0.006475	293	2	0.006826	795	2	0.002516	62	0	0
XR_00394	115487224	Gm51710	chr9	63731608	63738382	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487224	Gm51710	chr9	63731620	63734670	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102640253	Gm36365	chr9	64771611	64779362	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	7	0.225806	#N/A	#N/A	#N/A	14	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102640389	Gm36459	chr9	64810810	64811365	2620	20	0.007634	2432	10	0.004112	2976	32	0.010753	393	1	0.002545	716	0	0	2844	22	0.007736	2356	12	0.005093	2807	19	0.006769	698	2	0.002865	849	0	0	194	1	0.005155
XR_00394	115487226	Gm51712	chr9	65563432	65570400	139	118	0.848921	121	100	0.826446	150	124	0.826667	66	65	0.984848	82	61	0.743902	241	187	0.775934	153	124	0.810458	183	155	0.846995	64	41	0.640625	115	96	0.834783	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634240	Gm31872	chr9	70657671	70670105	2268	16	0.007055	1775	9	0.00507	2071	16	0.007726	285	2	0.007018	772	4	0.005181	2300	20	0.008696	2481	17	0.006852	1970	20	0.010152	514	0	0	497	7	0.014085	60	0	0
XR_00394	102634240	Gm31872	chr9	70662995	70670105	110	105	0.954545	84	80	0.952381	65	62	0.953846	24	23	0.958333	92	88	0.956522	113	104	0.920354	81	74	0.91358	83	78	0.939759	22	19	0.863636	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634434	Gm32017	chr9	70914201	70957993	18	7	0.388889	#N/A	#N/A	#N/A	19	6	0.315789	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	29	17	0.586207	10	8	0.8	16	8	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634434	Gm32017	chr9	70914146	70957993	18	7	0.388889	#N/A	#N/A	#N/A	19	6	0.315789	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	29	17	0.586207	10	8	0.8	16	8	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634434	Gm32017	chr9	70914201	70957993	18	7	0.388889	#N/A	#N/A	#N/A	19	6	0.315789	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	29	17	0.586207	10	8	0.8	16	8	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487228	Gm51713	chr9	71765853	71766979	150	130	0.866667	113	106	0.938053	103	97	0.941748	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	72	46	0.638889	85	52	0.611765	101	68	0.673267	62	29	0.467742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243451	Gm27188	chr9	72224975	72233621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243451	Gm27188	chr9	72224975	72233621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635569	Gm27230	chr9	72402034	72410895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635569	Gm27230	chr9	72390415	72410895	98	83	0.846939	90	78	0.866667	75	62	0.826667	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	54	37	0.685185	56	48	0.857143	71	60	0.84507	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635569	Gm27230	chr9	72402034	72410895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487229	Gm51714	chr9	75037244	75051070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487231	Gm51715	chr9	88582990	88586091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747873	88821405	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747873	88828506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747874	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747874	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747871	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747872	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747877	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747876	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747876	88821405	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747878	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747878	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747870	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747871	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747880	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747880	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747880	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88747938	88830918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100039674	Gm10634	chr9	88720371	88830918	118	9	0.076271	109	3	0.027523	120	8	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	59	2	0.033898	136	8	0.058824	101	5	0.049505	163	2	0.01227	54	0	0	80	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88878994	88937417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88877419	88937417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88878994	88937412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88877419	88937412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88874733	88937411	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88877419	88937417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245043	Gm2396	chr9	88878994	88937410	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487232	Gm51716	chr9	88963928	88979475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487232	Gm51716	chr9	88973952	88979475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487232	Gm51716	chr9	88976241	88979475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



XR_00394	115487366	Gm51752	chr1	1.66E+08	1.66E+08	66	23	0.348485	62	34	0.548387	56	27	0.482143	#N/A	#N/A	#N/A	60	29	0.483333	82	36	0.439024	22	10	0.454545	30	11	0.366667	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487366	Gm51752	chr1	1.66E+08	1.66E+08	66	23	0.348485	62	34	0.548387	56	27	0.482143	#N/A	#N/A	#N/A	60	29	0.483333	82	36	0.439024	22	10	0.454545	30	11	0.366667	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635737	Gm32999	chr1	1.66E+08	1.66E+08	42	31	0.738095	38	30	0.789474	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	33	22	0.666667	47	29	0.617021	31	18	0.580645	39	32	0.820513	27	15	0.555556	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102636042	Gm33224	chr1	1.66E+08	1.66E+08	226	2	0.00885	213	1	0.004695	226	6	0.026549	28	1	0.035714	80	1	0.0125	264	0	0	249	14	0.056225	163	2	0.01227	108	3	0.027778	102	2	0.019608	24	2	0.083333
XR_00394	66253	Aig1	chr10	13652707	13869034	2435	33	0.013552	2529	49	0.019375	2351	35	0.014887	566	2	0.003534	960	26	0.027083	2368	30	0.012669	2348	27	0.011499	2517	32	0.012714	524	3	0.005725	810	14	0.017284	210	2	0.009524
XR_00394	102636042	Gm33224	chr1	1.66E+08	1.66E+08	226	2	0.00885	213	1	0.004695	226	6	0.026549	28	1	0.035714	80	1	0.0125	264	0	0	249	14	0.056225	163	2	0.01227	108	3	0.027778	102	2	0.019608	24	2	0.083333
XR_00394	102638704	Gm35200	chr1	1.72E+08	1.72E+08	163	78	0.478528	161	105	0.652174	169	111	0.656805	28	18	0.642857	49	34	0.693878	173	56	0.323699	184	99	0.538043	167	94	0.562874	11	6	0.545455	66	37	0.560606	31	22	0.709677
XR_00394	102638851	Gm17224	chr1	1.72E+08	1.72E+08	1838	126	0.068553	1156	85	0.073529	1387	114	0.082192	242	28	0.115702	520	27	0.051923	1652	166	0.100484	1426	141	0.098878	1398	159	0.113734	526	2	0.003802	553	37	0.066908	212	17	0.080189
XR_00394	102638851	Gm17224	chr1	1.72E+08	1.72E+08	1838	126	0.068553	1156	85	0.073529	1387	114	0.082192	242	28	0.115702	520	27	0.051923	1652	166	0.100484	1426	141	0.098878	1398	159	0.113734	526	2	0.003802	553	37	0.066908	212	17	0.080189
XR_00394	66932	Rexo1	chr10	80542661	80564790	99	84	0.848485	113	96	0.849558	110	94	0.854545	11	10	0.909091	56	52	0.928571	107	86	0.803738	126	107	0.849206	120	99	0.825	64	56	0.875	91	79	0.868132	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487369	LOC11548	chr1	1.72E+08	1.72E+08	32	28	0.875	28	24	0.857143	58	50	0.862069	#N/A	#N/A	#N/A	58	53	0.913793	60	49	0.816667	84	67	0.797619	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	36	28	0.777778	22	17	0.772727
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88274178	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88274178	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88274178	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88324139	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88324139	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88274178	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67282	Washc3	chr10	88201100	88274178	634	1	0.001577	509	2	0.003929	508	3	0.005906	204	1	0.004902	220	4	0.018182	715	7	0.00979	459	4	0.008715	461	2	0.004338	245	0	0	233	2	0.008584	109	0	0
XR_00394	67345	Herc4	chr10	63243751	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XR_00394	67345	Herc4	chr10	63243782	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XR_00394	67345	Herc4	chr10	63243782	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XR_00394	102640747	Gm15423	chr1	1.77E+08	1.77E+08	162	136	0.839506	158	123	0.778481	170	137	0.805882	42	40	0.952381	86	76	0.883721	152	135	0.888158	160	142	0.8875	138	127	0.92029	54	50	0.925926	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102640747	Gm15423	chr1	1.77E+08	1.77E+08	162	136	0.839506	158	123	0.778481	170	137	0.805882	42	40	0.952381	86	76	0.883721	152	135	0.888158	160	142	0.8875	138	127	0.92029	54	50	0.925926	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487370	LOC11548	chr1	1.78E+08	1.78E+08	17	17	1	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	35	32	0.914286	#N/A	#N/A	#N/A	56	43	0.767857	30	24	0.8	44	25	0.568182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	68876	Atp23	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1437	14	0.009743	1421	2	0.001407	1571	6	0.003819	282	0	0	500	1	0.002	1320	7	0.005303	1175	6	0.005106	1069	5	0.004677	437	1	0.002288	430	1	0.002326	99	0	0
XR_00394	68876	Atp23	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1437	14	0.009743	1421	2	0.001407	1571	6	0.003819	282	0	0	500	1	0.002	1320	7	0.005303	1175	6	0.005106	1069	5	0.004677	437	1	0.002288	430	1	0.002326	99	0	0
XR_00394	69692	Hddc2	chr10	31313330	31328188	1697	26	0.015321	1454	11	0.007565	1917	15	0.007825	248	1	0.004032	489	32	0.06544	1632	9	0.005515	1844	26	0.0141	1695	52	0.030678	370	0	0	656	15	0.022866	159	2	0.012579
XR_00394	69692	Hddc2	chr10	31313330	31326015	1697	26	0.015321	1454	11	0.007565	1917	15	0.007825	248	1	0.004032	489	32	0.06544	1632	9	0.005515	1844	26	0.0141	1695	52	0.030678	370	0	0	656	15	0.022866	159	2	0.012579
XR_00394	102634584	2900024J0	chr1	1.81E+08	1.81E+08	1442	51	0.035368	1055	23	0.021801	1273	51	0.040063	186	0	0	382	20	0.052356	1639	36	0.021965	1053	32	0.030389	1055	22	0.020853	445	4	0.008989	381	0	0	44	0	0
XR_00394	666457	G370120E(	chr1	1.81E+08	1.81E+08	282	240	0.851064	198	161	0.813131	289	231	0.799308	81	70	0.864198	134	111	0.828358	270	237	0.877778	229	191	0.834061	258	205	0.794574	98	73	0.744898	102	84	0.823529	64	47	0.734375
XR_00394	70294	Rnf126	chr10	79758539	79766929	6329	182	0.028757	5894	177	0.030031	6232	220	0.035302	1016	57	0.056102	1916	81	0.042276	6484	205	0.031616	5138	129	0.025107	5520	124	0.022464	1919	69	0.035956	2447	74	0.030241	360	24	0.066667
XR_00394	70297	Gcc2	chr10	58255408	58281484	504	4	0.007937	538	1	0.001859	593	4	0.006745	#N/A	#N/A	#N/A	162	4	0.024691	606	11	0.018152	531	0	0	406	0	0	80	0	0	122	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105244030	Gm39716	chr1	1.81E+08	1.81E+08	36	36	1	55	40	0.727273	38	26	0.684211	#N/A	#N/A	#N/A	46	27	0.586957	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	32	20	0.625	82	43	0.52439	11	6	0.545455
XR_00394	70432	Rufy2	chr10	62980174	63011843	1666	141	0.084634	1620	155	0.095679	1909	136	0.071241	199	0	0	780	81	0.103846	2034	193	0.094887	1507	192	0.127405	1585	169	0.106625	776	61	0.078608	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XR_00394	70432	Rufy2	chr10	62980222	63011843	1640	116	0.070732	1586	129	0.081337	1875	107	0.057067	199	0	0	750	55	0.073333	1994	161	0.080742	1465	152	0.103754	1555	145	0.093248	752	46	0.06117	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XR_00394	70432	Rufy2	chr10	62980222	63006754	1640	116	0.070732	1586	129	0.081337	1875	107	0.057067	199	0	0	750	55	0.073333	1994	161	0.080742	1465	152	0.103754	1555	145	0.093248	752	46	0.06117	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XR_00394	70432	Rufy2	chr10	62980222	63011843	1640	116	0.070732	1586	129	0.081337	1875	107	0.057067	199	0	0	750	55	0.073333	1994	161	0.080742	1465	152	0.103754	1555	145	0.093248	752	46	0.06117	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XR_00394	71361	Aifm2	chr10	61715264	61738656	728	10	0.013736	647	6	0.009274	540	6	0.011111	44	0	0	117	0	0	563	2	0.003552	554	4	0.00722	794	5	0.006297	125	0	0	94	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	71564	Izumo4	chr10	80702129	80705373	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XR_00394	71564	Izumo4	chr10	80702134	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XR_00394	71564	Izumo4	chr10	80702134	80705375	2732	18	0.006589	2090	15	0.007177	2289	25	0.010922	494	10	0.020243	1014	3	0.002959	2883	21	0.007284	2384	10	0.004195	2396	24	0.010017	701	1	0.001427	1116	3	0.002688	142	1	0.007042
XR_00394	71767	Tysnd1	chr10	61695500	61702771	4696	123	0.026193	5068	111	0.021902	4931	102	0.020685	827	14	0.016929	1717	66	0.038439	4724	116	0.024555	3560	88	0.024719	4696	118	0.025128	1284	61	0.047508	1604	60	0.037406	377	2	0.005305
XR_00394	115487371	Gm51754	chr1	32152029	32154258	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	73218	Sppl2b	chr10	80855255	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XR_00394	73218	Sppl2b	chr10	80855253	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XR_00394	73681	Trmt11	chr10	30534712	30602149	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XR_00394	74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XR_00394	74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744968	89819891	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	75317	Parpbp	chr10	88092044	88146969	1639	36	0.021965	1332	5	0.003754	1853	37	0.019968	262	1	0.003817	907	49	0.054024	1871	49	0.026189	1545	51	0.03301	1173	14	0.011935	648	22	0.033951	581	2	0.003442	293	2	0.006826
XR_00394	75906	Fam184a	chr10	53633035	53751274	2400	60	0.025	2522	37	0.014671	2938	29	0.009871	139	1	0.007194	728	4	0.005495	2599	91	0.035013	2595	50	0.019268	2841	67	0.023583	394	4	0.010152	636	15	0.023585	359	14	0.038997
XR_00394	75973	Ccdc162	chr10	41538844	41716509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	78428	Pym1	chr10	1.29E+08	1.29E+08	2261	81	0.035825	2086	70	0.033557	2449	73	0.029808	276	4	0.014493	622	11	0.017685	2477	66	0.026645	2229	62	0.027815	2339	60	0.025652	698	46	0.065903	421	18	0.042755	157	1	0.006369
XR_00394	78808	Stxbp5	chr10	9757749	9901287	3733	22	0.005893	4254	22	0.005172	4894	37	0.00756	758	4	0.005277	1214	9	0.007414	4036	30	0.007433	4251	25	0.005881	4597	24	0.005221	1091	3	0.00275	1702	4	0.00235	364	2	0.005495
XR_00394	78808	Stxbp5	chr10	9769586	9901287	3733	22	0.005893	4254	22	0.005172	4894	37	0.00756	758	4	0.005277	1214	9	0.007414	4036	30	0.007433	4251	25	0.005881	4597	24	0.005221	1091	3	0.00275	1702	4	0.00235	364	2	0.005495
XR_00394	115487376	Gm51756	chr10	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487377	Gm51757	chr10	5326877	5328873	35	34	0.971429	36	32	0.888889	39	34	0.871795	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	36	31	0.861111	17	11	0.647059	36	20	0.555556	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	23	15	0.652174
XR_00394	115487378	Gm51758	chr10	5515618	5523193	158	116	0.734177	134	104	0.776119	110	82	0.745455	#N/A	#N/A	#N/A	125	93	0.744	59	36	0.610169	106	72	0.679245	89	59	0.662921	106	62	0.584906	62	39	0.629032	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633239	4930573G(	chr10	8209432	8258632	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	58	57	0.982759	#N/A	#N/A	#N/A	38	38	1	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633239	4930573G(	chr10	8252332	8258632	48	48	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	51	0.980769	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633974	Gm28905	chr10	9975947	10168619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487381	Gm51759	chr10	14112530	14127294	469	449	0.957356	443	419	0.945824	458	439	0.958515	158	150	0.949367	257	244	0.949416	465	443	0.952688	450	432	0.96	416	398	0.956731	271	254	0.937269	192	171	0.890625	148	137	0.925676
XR_00394	105245110	Gm40604	chr10	15698011	15760073	83	8	0.096386	95	10	0.105263	53	10	0.188679	22	1	0.045455	26	4	0.153846	78	19	0.24359	50	7	0.14	50	10	0.2	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635429	Gm20655	chr10	17790521	17835601	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	100504283	Gm20149	chr10	21034304	21044121	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22262776	22302838	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22257159	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22306382	108	88	0.814815	98	85	0.867347	103	82	0.796117	34	31	0.911765	50	39	0.78	72	47	0.652778	68	44	0.647059	76	49	0.644737	44	27	0.613636	43	27	0.627907	24	10	0.416667
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22257159	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487383	Gm51760	chr10	22191920	22196988	28	15	0.535714	22	10	0.454545	26	13	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	13	0.270833	60	24	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167799	Gm46216	chr10	22605269	22609432	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167799	Gm46216	chr10	22605269	22607882	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487384	Gm51761	chr10	22847007	22848672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487384	Gm51761	chr10	22830982	22848672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245122	Gm40616	chr10	24924066	24930504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487385	Gm51762	chr10	25087656	25129400	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487387	Gm48893	chr10	26695292	26748287	248	8	0.032258	146	5	0.034247	197	10	0.050761	20	0	0	11	11	1	232	6	0.025862	244	15	0.061475	157	6	0.038217	55	4	0.072727	20	1	0.05	30	1	0.033333
XR_00394	115487388	Gm51763	chr10	30834423	30837488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487389	Gm51764	chr10	31448812	31462897	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245129	Gm40623	chr10	35838517	35854217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102636048	Gm38485	chr10	42247436	42273891	2488	77	0.030949	2045	46	0.022494	2221	49	0.022062	148	0	0	461	2	0.004338	3193	49	0.015346	2258	22	0.009743	2845	32	0.011248	671	9	0.013413	1091	18	0.016499	93	9	0.096774
XR_00394	115485727	LOC11548	chr10	42975760	42979367	90	55	0.611111	96	52	0.541667	74	45	0.608108	#N/A	#N/A	#N/A	42	34	0.809524	54	32	0.592593	58	44	0.758621	60	15	0.25	40	12	0.3	56	21	0.375	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115485727	LOC11548	chr10	42975760	42986086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245143	Gm40636	chr10	43968288	43985230	22	21	0.954545	11	9	0.818182	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	34	33	0.970588	14	14	1	12	10	0.833333	12	11	0.916667	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102639181	Gm35552	chr10	47011726	47034782	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487390	LOC11548	chr10	50497165	50522102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487390	LOC11548	chr10	50497165	50520755	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487392	Gm36123	chr10	52768755	52804786	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245180	Gm40668	chr10	58311978	58312852	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102640832	Gm26947	chr10	60933817	60940951	337	181	0.537092	245	157	0.640816	279	191	0.684588	110	60	0.545455	119	60	0.504202	326	168	0.515337	319	171	0.53605	294	152	0.517007	95	47	0.494737	149	53	0.355705	69	43	0.623188
XR_00394	102640758	Gm36750	chr10	60888607	60890486	26	6	0.230769	25	8	0.32	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	26	0.684211	#N/A	#N/A	#N/A	38	19	0.5	54	14	0.259259	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102640758	Gm36750	chr10	60889096	60890486	160	147	0.91875	197	171	0.86802	138	132	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A	48	45	0.9375	128	120	0.9375	158	132	0.835443	175	127	0.725714	22	19	0.863636	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102631552	Gm29861	chr10	61217149	61219572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487393	LOC11548	chr10	61494722	61498759	31	27	0.870968	32	31	0.96875	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	27	0.84375	13	9	0.692308	36	36	1	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487394	Gm51765	chr10	61809151	61833204	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487395	Gm51766	chr10	61941061	61944136	213	158	0.741784	216	166	0.768519	179	137	0.765363	20	16	0.8	76	64	0.842105	275	212	0.770909	202	132	0.653465	234	142	0.606838	93	54	0.580645	116	57	0.491379	10	8	0.8
XR_00394	115487396	Gm51767	chr10	63272809	63277297	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487396	Gm51767	chr10	63272809	63277296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633633	Gm31416	chr10	66830514	66834339	24	22	0.916667	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245192	Gm40679	chr10	67501115	67503142	260	155	0.596154	221	134	0.606335	250	156	0.624	24	10	0.416667	105	41	0.390476	284	121	0.426056	228	97	0.425439	226	118	0.522124	48	32	0.666667	25	17	0.68	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487397	Gm51768	chr1	1.66E+08	1.66E+08	46	45	0.978261	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569688	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569688	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67571987	67596601	61	45	0.737705	37	22	0.594595	37	34	0.918919	32	22	0.6875	52	43	0.826923	40	29	0.725	36	23	0.638889	24	15	0.625	38	18	0.473684	40	28	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569688	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569688	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569688	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569688	67592392	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569689	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569690	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569689	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634888	Gm32364	chr10	67569689	67596601	113	109	0.964602	197	181	0.918782	118	111	0.940678	10	8	0.8	88	83	0.943182	126	121	0.960317	93	87	0.935484	112	102	0.910714	32	30	0.9375	48	43	0.895833	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102634989	Gm32438	chr10	67693895	67705155	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667
XR_00394	115487398	Gm51769	chr10	67788007	67790389	253	235	0.928854	194	170	0.876289	157	145	0.923567	#N/A	#N/A	#N/A	179	150	0.837989	229	204	0.89083	169	140	0.828402	226	204	0.902655	62	57	0.919355	51	35	0.686275	10	7	0.7
XR_00394	115487399	Gm51770	chr10	68151106	68200600	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487399	Gm51770	chr10	68151106	68230091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487400	Gm51771	chr10	70108369	70110225	69	33	0.478261	36	11	0.305556	69	18	0.26087	15	4	0.266667	11	3	0.272727	59	28	0.474576	80	47	0.5875	60	27	0.45	17	4	0.235294	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487400	Gm51771	chr10	70092832	70110225	69	33	0.478261	36	11	0.305556	69	18	0.26087	15	4	0.266667	11	3	0.272727	59	28	0.474576	80	47	0.5875	60	27	0.45	17	4	0.235294	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487400	Gm51771	chr10	70108369	70110225	69	33	0.478261	36	11	0.305556	69	18	0.26087	15	4	0.266667	11	3	0.272727	59	28	0.474576	80	47	0.5875	60	27	0.45	17	4	0.235294	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245201	Gm40687	chr10	70289768	70308449	171	72	0.421053	148	74	0.5	133	54	0.406015	#N/A	#N/A	#N/A	26	10	0.384615	128	29	0.226563	127	52	0.409449	128	41	0.320313	12	1	0.083333	36	30	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487402	Gm51772	chr10	70637031	70644144	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245202	Gm40688	chr10	70626656	70635263	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102638141	Gm34776	chr10	72939935	72973144	101	91	0.90099	95	86	0.905263	65	61	0.938462	11	11	1	104	85	0.817308	74	63	0.851351	68	55	0.808824	70	58	0.828571	68	41	0.602941	68	49	0.720588	43	33	0.767442
XR_00394	105245207	Gm40692	chr10	75023201	75034478	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487404	Gm51773	chr10	75050242	75053017	463	183	0.395248	301	82	0.272425	403	131	0.325062	55	23	0.418182	156	80	0.512821	518	201	0.388031	436	130	0.298165	462	115	0.248918	81	26	0.320988	155	43	0.277419	34	9	0.264706
XR_00394	115487406	Gm51774	chr10	76643058	76652328	#N/A	#N/A	#N/A	16	13	0.8125	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	94	84	0.893617	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	22	14	0.636364	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487408	Gm51775	chr10	78065960	78070475	1792	25	0.013951	1867	27	0.014462	1991	17	0.008538	280	3	0.010714	511	13	0.02544	2093	69	0.032967	1864	16	0.008584	1926	57	0.029595	583	4	0.006861	706	6	0.008499	141	8	0.056738
XR_00394	115487409	Gm47922	chr10	78121321	78138347	14	9	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	11	0.733333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632059	Gm30232	chr10	78486695	78498134	165	53	0.321212	154	39	0.253247	116	27	0.232759	28	5	0.178571	28	10	0.357143	145	66	0.455172	115	35	0.304348	98	37	0.377551	35	9	0.257143	23	5	0.217391	15	3	0.2
XR_00394	115487410	Gm47944	chr10	78501925	78519908	398	252	0.633166	254	159	0.625984	358	211	0.589385	137	89	0.649635	172	98	0.569767	355	233	0.656338	366	201	0.54918	319	191	0.598746	188	120	0.638298	115	62	0.53913	58	36	0.62069
XR_00394	115487411	Gm47459	chr10	78630338	78633003	95	73	0.768421	80	72	0.9	68	53	0.779412	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	109	89	0.816514	42	34	0.809524	34	29	0.852941	100	69	0.69	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487412	LOC11548	chr10	78768050	78772355	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635133	Gm10777	chr10	81996923	82018821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635133	Gm10777	chr10	81996926	82014571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635133	Gm10777	chr10	81996926	82014571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635133	Gm10777	chr10	81996601	82011055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82201488	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82201488	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82201488	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82196050	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82196050	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487416	Gm51778	chr10	83497565	83523954	40	31	0.775	24	18	0.75	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	42	35	0.833333	32	19	0.59375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	442848	E230014E	chr10	84517703	84523271	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



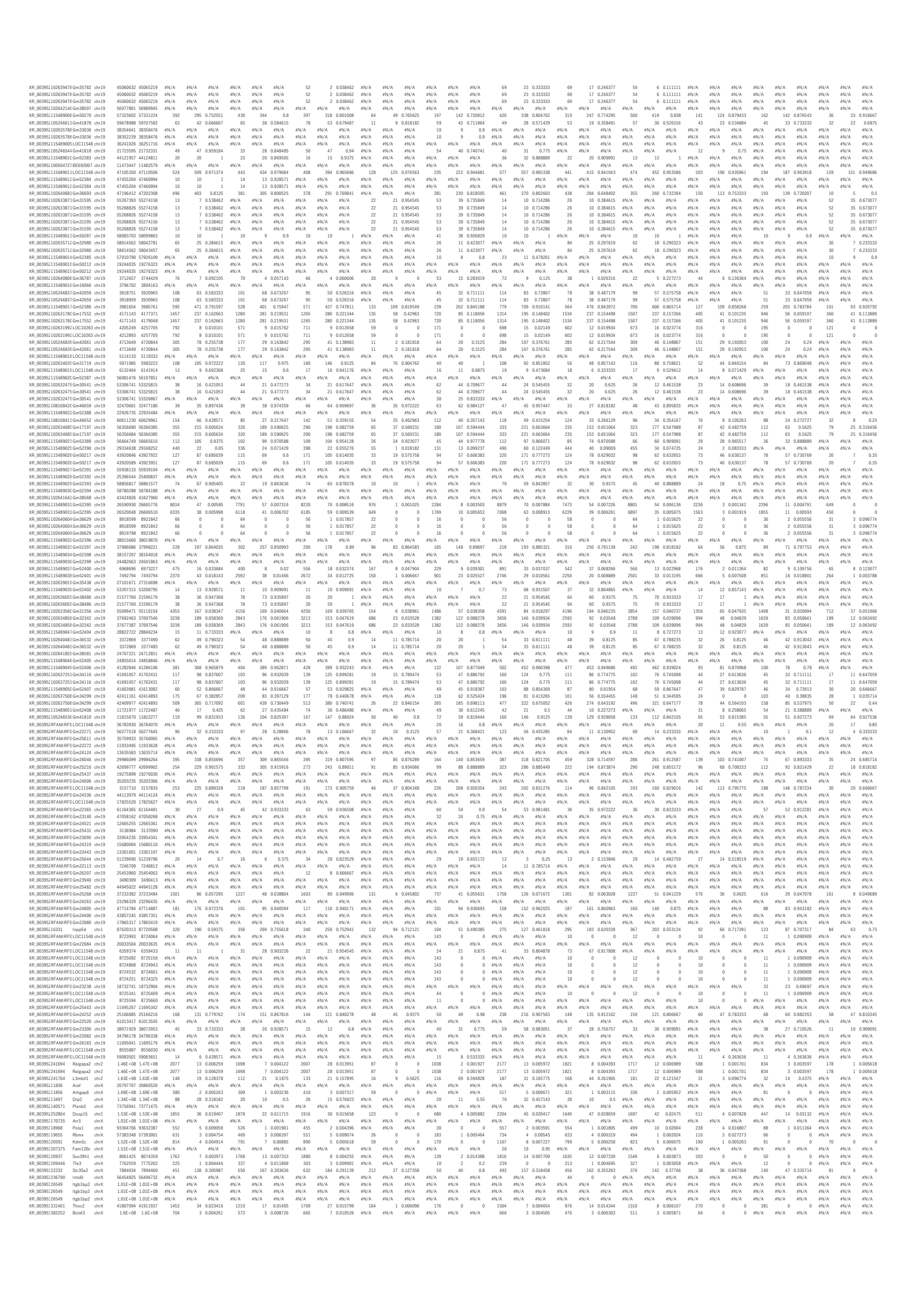
XR_00394	108167924	Gm11613	chr11	97644191	97660399	3725	33	0.008859	3726	46	0.012346	3698	24	0.00649	841	10	0.011891	965	5	0.005181	3544	24	0.006772	3188	12	0.003764	3553	13	0.003659	751	2	0.002663	1047	8	0.007641	345	0	0
XR_00394	105242904	Gm38985	chr11	98697211	98701510	202	111	0.549505	147	77	0.52381	176	96	0.545455	40	20	0.5	75	50	0.666667	250	150	0.6	165	86	0.521212	174	73	0.41954	102	29	0.284314	41	32	0.780488	25	16	0.64
XR_00394	108167925	Gm46294	chr11	98937873	98942246	157	11	0.070064	138	1	0.007246	154	2	0.012987	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	121	2	0.016529	186	18	0.096774	196	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167925	Gm46294	chr11	98937263	98942246	157	11	0.070064	138	1	0.007246	154	2	0.012987	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	121	2	0.016529	186	18	0.096774	196	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167925	Gm46294	chr11	98937873	98942246	157	11	0.070064	138	1	0.007246	154	2	0.012987	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	121	2	0.016529	186	18	0.096774	196	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487802	LOC11548	chr11	1.01E+08	1.01E+08	171	137	0.80117	118	96	0.813559	117	94	0.803419	26	20	0.769231	50	41	0.82	213	161	0.755869	123	90	0.731707	93	58	0.623656	42	29	0.690476	35	28	0.8	28	23	0.821429
XR_00394	105246887	Gm42090	chr11	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487804	Gm51919	chr11	1.03E+08	1.03E+08	5478	148	0.027017	6132	192	0.031311	5709	182	0.031879	886	26	0.029345	1377	20	0.014524	5147	170	0.033029	4727	201	0.042522	5177	259	0.050029	1166	29	0.024871	1391	36	0.025881	205	9	0.043902
XR_00394	115487805	Gm51920	chr11	1.03E+08	1.03E+08	199	174	0.874372	160	145	0.90625	179	161	0.899441	38	33	0.868421	116	100	0.862069	194	166	0.85567	219	175	0.799087	189	157	0.830688	87	66	0.758621	52	47	0.903846	20	17	0.85
XR_00394	115487807	Gm51921	chr11	1.04E+08	1.04E+08	134	125	0.932836	178	172	0.966292	124	116	0.935484	#N/A	#N/A	#N/A	47	44	0.93617	139	131	0.942446	103	91	0.883495	110	101	0.918182	63	57	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487808	LOC11548	chr11	1.05E+08	1.05E+08	828	30	0.036232	753	6	0.007968	811	24	0.029593	282	2	0.007092	286	4	0.013986	1122	46	0.040998	763	26	0.034076	762	20	0.026247	386	2	0.005181	385	5	0.012987	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487808	LOC11548	chr11	1.05E+08	1.05E+08	828	30	0.036232	753	6	0.007968	811	24	0.029593	282	2	0.007092	286	4	0.013986	1122	46	0.040998	763	26	0.034076	762	20	0.026247	386	2	0.005181	385	5	0.012987	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487809	Tacolos	chr11	1.06E+08	1.06E+08	15804	3515	0.222412	15210	2587	0.170085	15303	2385	0.155852	3577	596	0.16662	4725	952	0.201481	14615	2892	0.197879	12393	1848	0.149116	15944	2404	0.150778	5449	1216	0.22316	5573	1297	0.232729	3548	839	0.236471
XR_00394	102639728	Gm35971	chr11	1.06E+08	1.06E+08	327	47	0.143731	305	48	0.157377	345	24	0.069565	75	6	0.08	188	70	0.37234	352	17	0.048295	382	54	0.141361	246	12	0.04878	114	3	0.026316	216	42	0.194444	68	12	0.176471
XR_00394	11548781	Gm11655	chr11	1.08E+08	1.08E+08	104	95	0.913462	102	98	0.960784	98	97	0.989796	#N/A	#N/A	#N/A	55	53	0.963636	115	91	0.791304	93	87	0.935484	109	103	0.944954	58	53	0.913793	17	17	1	14	13	0.928571
XR_00394	11548781	Gm11655	chr11	1.08E+08	1.08E+08	104	95	0.913462	102	98	0.960784	98	97	0.989796	#N/A	#N/A	#N/A	55	53	0.963636	115	91	0.791304	93	87	0.935484	109	103	0.944954	58	53	0.913793	17	17	1	14	13	0.928571
XR_00394	115487811	Gm51922	chr11	1.08E+08	1.08E+08	54	33	0.611111	48	35	0.729167	32	26	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	35	29	0.828571	50	34	0.68	32	19	0.59375	57	40	0.701754	42	32	0.761905	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102640849	Gm36818	chr11	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487812	Gm51923	chr11	1.09E+08	1.09E+08	152	149	0.980263	174	173	0.994253	176	175	0.994318	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	164	158	0.963415	188	181	0.962766	144	140	0.972222	52	47	0.903846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487813	Gm51924	chr11	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167934	Gm46298	chr11	1.09E+08	1.09E+08	495	19	0.038384	470	16	0.034043	560	19	0.033929	130	2	0.015385	254	17	0.066929	527	17	0.032258	268	8	0.029851	379	12	0.031662	104	1	0.009615	199	12	0.060302	80	6	0.075
XR_00394	108167934	Gm46298	chr11	1.09E+08	1.09E+08	495	19	0.038384	470	16	0.034043	560	19	0.033929	130	2	0.015385	254	17	0.066929	527	17	0.032258	268	8	0.029851	379	12	0.031662	104	1	0.009615	199	12	0.060302	80	6	0.075
XR_00394	115487814	LOC11548	chr11	1.09E+08	1.09E+08	20	18	0.9	62	58	0.935484	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105246891	Gm42094	chr11	1.13E+08	1.13E+08	435	411	0.944828	326	301	0.923313	427	389	0.911007	82	71	0.865854	148	138	0.932432	471	447	0.949045	406	375	0.923645	370	349	0.943243	175	166	0.948571	201	190	0.945274	26	24	0.923077
XR_00394	11548781	Gm51926	chr11	1.13E+08	1.13E+08	52	49	0.942308	38	37	0.973684	37	35	0.945946	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	86	75	0.872093	30	28	0.933333	31	28	0.903226	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	11548782	Gm51927	chr11	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487821	Gm51928	chr11	1.13E+08	1.13E+08	34	34	1	15	15	1	28	28	1	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	30	30	1	25	23	0.92	16	16	1	12	11	0.916667	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487822	Gm51929	chr11	1.14E+08	1.14E+08	288	183	0.635417	303	222	0.732673	338	227	0.671598	74	45	0.608108	120	68	0.566667	366	209	0.571038	292	164	0.561644	258	174	0.674419	111	51	0.459459	113	66	0.584071	73	38	0.520548
XR_00394	115487823	Gm51930	chr11	1.14E+08	1.14E+08	618	349	0.564725	414	229	0.55314	570	306	0.536842	80	49	0.6125	256	121	0.472656	582	223	0.383162	476	206	0.432773	479	199	0.415449	144	57	0.395833	119	56	0.470588	36	17	0.472222
XR_00394	102634428	Gm32013	chr11	1.15E+08	1.15E+08	130	101	0.776923	92	73	0.793478	100	81	0.81	41	35	0.853659	91	70	0.769231	179	117	0.653631	103	62	0.601942	125	77	0.616	100	58	0.58	77	49	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167939	Gm46302	chr11	1.16E+08	1.16E+08	37	16	0.432432	36	14	0.388889	36	12	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	26	11	0.423077	88	36	0.409091	58	14	0.241379	80	19	0.2375	52	11	0.211538	50	15	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637188	Gm34065	chr11	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102637188	Gm34065	chr11	1.17E+08	1.17E+08	39	25	0.641026	#N/A	#N/A	#N/A	57	43	0.754386	20	10	0.5	67	54	0.80597	84	45	0.535714	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487826	Gm51932	chr11	1.17E+08	1.17E+08	61	28	0.459016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	15	3	0.2	69	23	0.333333	32	17	0.53125	48	12	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	108167873	Gm46264	chr11	1.17E+08	1.17E+08	47	20	0.425532	38	22	0.578947	38	20	0.526316	#N/A	#N/A	#N/A	28	17	0.607143	22	5	0.227273	30	14	0.466667	41	15	0.365854	#N/A	#N/A	#N/A	19	10	0.526316	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487827	Gm51933	chr11	1.18E+08	1.18E+08	65	23	0.353846	76	35	0.460526	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	22	11	0.5	50	23	0.46	84	24	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102638659	Gm35170	chr11	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487828	Gm11723	chr11	1.18E+08	1.18E+08	209	179	0.856459	118	107	0.90678	199	180	0.904523	28	27	0.964286	61	53	0.868852	223	202	0.90583	174	161	0.925287	189	174	0.920635	32	23	0.71875	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487828	Gm11723	chr11	1.18E+08	1.18E+08	179	154	0.860335	118	107	0.90678	199	180	0.904523	28	27	0.964286	61	53	0.868852	223	202	0.90583	174	161	0.925287	163	150	0.920245	32	23	0.71875	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	104010	Cdh22	chr2	1.65E+08	1.65E+08	5354	118	0.02204	5707	145	0.025407	5624	122	0.021693	733	22	0.030014	1493	31	0.020764	5218	140	0.02683	5149	171	0.03321	5768	196	0.033981	1024	28	0.027344	1939	69	0.035585	193	7	0.036269
XR_00394	108167941	Gm46303	chr11	1.19E+08	1.19E+08	388	368	0.948454	436	405	0.928899	329	312	0.948328	123	117	0.95122	182	167	0.917582	486	428	0.880658	317	273	0.861199	502	455	0.906375	175	162	0.925714	156	141	0.903846	72	58	0.805556
XR_00394	104010	Cdh22	chr2	1.65E+08	1.65E+08	5514	131	0.023758	5877	160	0.027225	5767	125	0.021675	792	30	0.037879	1537	38	0.024723	5368	147	0.027385	5319	179	0.033653	5926	208	0.0351	1092	45	0.041209	1987	76	0.038249	217	7	0.032258
XR_00394	105243644	Gm39484	chr11	1.2E+08	1.2E+08	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	13	0.764706	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243644	Gm39484	chr11	1.2E+08	1.2E+08	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	13	0.764706	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243645	Gm39485	chr11	1.2E+08	1.2E+08	1437	89	0.061935	1179	84	0.071247	1440	82	0.056944	177	30	0.169492	399	36	0.090226	1633	102	0.062462	1315	60	0.045627	1507	67	0.044459	325	20	0.061538	434	5	0.011521	23	13	0.565217
XR_00394	102640451	Gm11767	chr11	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243646	Gm39486	chr11	1.2E+08	1.2E+08	82	62	0.756098	79	69	0.873418	69	53	0.768116	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	93	68	0.731183	77	55	0.714286	125	93	0.744	46	41	0.891304	60	52	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243646	Gm39486	chr11	1.2E+08	1.2E+08	82	62	0.756098	79	69	0.873418	69	53	0.768116	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	93	68	0.731183	77	55	0.714286	125	93	0.744	46	41	0.891304	60	52	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243646	Gm39486	chr11	1.2E+08	1.2E+08	82	62	0.756098	79	69	0.873418	69	53	0.768116	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	93	68	0.731183	77	55	0.714286	125	93	0.744	46	41	0.891304	60	52	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243646	Gm39486	chr11	1.2E+08	1.2E+08	82	62	0.756098	79	69	0.873418	69	53	0.768116	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	93	68	0.731183	77	55	0.714286	125	93	0.744	46	41	0.891304	60	52	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243646	Gm39486	chr11	1.2E+08	1.2E+08	82	62	0.756098	79	69	0.873418	69	53	0.768116	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	93	68	0.731183	77	55	0.714286	125	93	0.744	46	41	0.891304	60	52	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243646	Gm39486	chr11	1.2E+08	1.2E+08	82	62	0.756098	79	69	0.873418	69	53	0.768116	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	93	68	0.731183	77	55	0.714286	125	93	0.744	46	41	0.891304	60	52	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115486436	LOC11548	chr11	1.21E+08	1.21E+08	5265	37	0.007028	6024	49	0.008134	5834	37	0.006342	993	2	0.002014	1443	4	0.002772	6129	50	0.008158	5444	47	0.008633	6466	38	0.005877	1414	11	0.007779	1673	6	0.003586	433	1	0.002309
XR_00394	102631822	Gm30062	chr11	1.21E+08	1.21E+08	59	45	0.762712	54	53	0.981481	68	65	0.955882	29	28	0.965517	36	34	0.944444	58	40	0.689655	51	36	0.705882	39	26	0.666667	11	10	0.909091	20	8	0.4	22	15	0.681818
XR_00394	11548783	Gm51934	chr11	4118349	4126573	482	13	0.026971	396	13	0.032828	493	10	0.020284	25	0	0	336	19	0.056548	536	13	0.024254	483	9	0.018634	498	8	0.016064	152	0	0	99	10	0.10101	20	0	0
XR_00394	115487831	Gm51935	chr11	4087516	4094742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487831	Gm51935	chr11	4085433	4094742	39	27	0.692308	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	105	86	0.819048	10	1	0.1	28	11	0.392857	20	11	0.55	#N/A	#N/A	#N/A	21	16	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487833	Gm51937	chr11	11836354	11845815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487833	Gm51937	chr11	11836354	11845815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487833	Gm51937	chr11	11836354	11845815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102632318	Gm30423	chr11	12040686	12049078	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	319954	Egfros	chr11	16809648	16830678	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	319954	Egfros	chr11	16809648	16830750	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102633981	Gm31674	chr11	18748080	18822973	27	4	0.148148	30	1	0.033333	42	3	0.071429	13	0	0	21	4	0.190476	48	12	0.25	33	5	0.151515	27	6	0.222222	19	4	0.210526	19	2	0.105263	17	1	0.058824
XR_00394	102633981	Gm31674	chr11	18748080	18765491	27	4	0.148148	30	1	0.033333	42	3	0.071429	13	0	0	21	4	0.190476	48	12	0.25	33	5	0.151515	27	6	0.222222	19	4	0.210526	19	2	0.105263	17	1	0.058824
XR_00394	74518	8430419K(	chr11	18845851	18877610	1701	138	0.081129	1574	124	0.07878	1977	121	0.061204	440	32	0.072727	683	51	0.074671	1994	132	0.066199	1666	116	0.069628	1560	127	0.08141	558	57	0.102151	753	48	0.063745	95	1	0.010526
XR_00394	74518	8430419K(	chr11	18851138	18872180	1523	85	0.055811	1383	80	0.057845	1535	75	0.04886	246	19	0.077236	541	30	0.055453	1488	84	0.056452	1529	118	0.077175	1398	57	0.040773	411	13	0.03163	729	41	0.056241	272	18	0.066176
XR_00394	74518	8430419K(	chr11	18845851	18877602	1701	138	0.081129	1574	124	0.07878	1977	121	0.061204	440	32	0.072727	683	51	0.074671	1994	132	0.066199	1666	116	0.069628	1560	127	0.08141	558	57	0.102151	753	48	0.063745	95	1	0.010526
XR_00394	74518	8430419K(	chr11	18859004	18877603	1701	138	0.081129	1574	124	0.07878	1977	121	0.061204	440	32	0.072727	683	51	0.074671	1994	132	0.066199	1666	116	0.069628	1560	127	0.08141	558	57	0.102151	753	48	0.063745	95	1	0.010526
XR_00394	101055656	Gm16141	chr11	19013305	19018330	308	212	0.688312	255	198	0.776471	293	198	0.675768	64	46	0.71875	161	90	0.559006	281	173	0.615658	302	198	0.655629	198	141	0.712121	103	69	0.669903	123	62	0.504065	60	36	0.6
XR_00394	104418	Dgkz	chr2	91932823	91950214	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	104418	Dgkz	chr2	91932823	91950214	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	102635094	Gm32517	chr11	21998499	22000584	756	56	0.074074	830	40	0.048193	740	36	0.048649	100	5	0.05	335	18	0.053731	822	52	0.06326	725	52	0.071724	626	74	0.118211	196	8	0.040816	473	27	0.057082	33	0	0
XR_00394	115487834	Gm51938	chr11	22014953	22028377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	104418	Dgkz	chr2	91932823	91950214	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	115487835	Gm51939	chr11	22520288	22584447	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	6	0.352941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	104418	Dgkz	chr2	91932823	91950214	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	105243888	Gm12061	chr11	23894252	23919014	826	4	0.004843	512	5	0.009766	883	16	0.01812	84	2	0.02381	227	3	0.013216	909	6	0.006601	775	5	0.006452	703	5	0.007112	197	3	0.015228	191	4	0.020942	192	1	0.005208
XR_00394	268391	A830031A	chr11	24033275	24076494	2942	21	0.007138	2743	38	0.013853	3021	24	0.007944	406	4	0.009852	811	3	0.003699	3035	29	0.009555	3102	29	0.009349	2786	30	0.010768	776	10	0.012887	803	8	0.009963	161	0	0
XR_00394	104418	Dgkz	chr2	91932823	91950214	361	195	0.540166	382	247	0.646597	330	177	0.536364	45	30	0.666667	122	66	0.540984	446	180	0.403587	373	188	0.504021	376	239	0.635638	73	39	0.534247	162	92	0.567901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25142	chr11	5251850	5251956	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23247	chr11	83521156	83521262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24707	chr11	15412300	15412406	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24612	chr11	82596073	82596179	#N/A	#N/A	#N/A	22	14	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	22	0.733333	12	1	0.083333	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23645	chr11	1.06E+08	1.06E+08	118	111	0.940678	105	102	0.971429	112	108	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	98	91	0.928571	164	155	0.945122	111	106	0.954955	129	116	0.899225	55	51	0.927273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22068	chr11	87426716	87426879	95	49	0.515789	10	3	0.3	114	61	0.535088	#N/A	#N/A	#N/A	68	36	0.529412	111	36	0.324324	#N/A	#N/A	#N/A	110	47	0.427273	52	26	0.5	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25930	chr11	53390402	53390508	78	78	1	81	79	0.975309	92	89	0.967391	#N/A	#N/A	#N/A	48	44	0.916667	78	77	0.987179	72	71	0.986111	54	53	0.981481	68	67	0.985294	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22127	chr11	36722882	36722987	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	41	34	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23507	chr11	88905121	88905227	26	12	0.461538	20	9	0.45	22	14	0.636364	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	17	14	0.823529	21	15	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22297	chr11	70996539	70996644	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	66	0.970588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	35	0.875	44	40	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22753	chr11	23479561	23479667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25337	chr11	1.03E+08	1.03E+08	90	87	0.966667	84	82	0.97619	72	69	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	66	63	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	78	73	0.935897	66	60	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24917	chr11	22868901	22869004	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23293	chr11	79595164	79595268	96	64	0.666667	62	43	0.693548	80	49	0.6125	32	21	0.65625	45	26	0.577778	69	39	0.565217	81	37	0.45679	72	36	0.5	35	22	0.628571	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23093	chr11	18738694	18738796	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26439	chr11	86437310	86437415	205	137	0.668293	243	164	0.674897	215	160	0.744186	39	25	0.641026	72	59	0.819444	215	150	0.697674	260	183	0.703846	200	132	0.66	85	49	0.576471	83	58	0.698795	33	21	0.636364
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26121	chr11	72881792	72881953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	79639021	79639128	38	35	0.921053	44	41	0.931818	32	28	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	34	30	0.882353	12	10	0.833333	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22883	chr11	87318694	87318799	127	70	0.551181	123	65	0.528455	132	71	0.537879	34	19	0.558824	65	38	0.584615	105	74	0.704762	118	39	0.330508	123	56	0.455285	47	18	0.382979	50	22	0.44	14	3	0.214286
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24582	chr11	57741300	57741402	154	147	0.954545	87	80	0.91954	110	106	0.963636	#N/A	#N/A	#N/A	115	112	0.973913	115	97	0.843478	109	99	0.908257	81	67	0.82716	39	26	0.666667	54	47	0.87037	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25819	chr11	68996002	68996109	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	54458164	54458269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22381	chr11	73756037	73756143	87	69	0.793103	91	80	0.879121	92	75	0.815217	#N/A	#N/A	#N/A	44	36	0.818182	164	138	0.841463	150	114	0.76	104	91	0.875	10	6	0.6	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22608	chr11	68908016	68908122	274	247	0.90146	252	227	0.900794	190	171	0.9	13	13	1	45	37	0.822222	274	237	0.864964	196	179	0.913265	234	205	0.876068	84	68	0.809524	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25867	chr11	79635311	79635413	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24211	chr11	74728403	74728509	75	75	1	69	66	0.956522	45	44	0.977778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	46	0.958333	42	39	0.928571	51	50	0.980392	#N/A	#N/A	#N/A	33	32	0.969697	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26061	chr11	51964382	51964489	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22378	chr11	1.09E+08	1.09E+08	86	44	0.511628	101	45	0.445545	99	48	0.484848	22	9	0.409091	38	17	0.447368	101	56	0.554455	75	43	0.573333	62	31	0.5	55	26	0.472727	42	22	0.52381	14	12	0.857143
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23194	chr11	69240599	69240703	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25362	chr11	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22868	chr11	26337540	26337703	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm27393	chr11	7886444	7886505	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23699	chr11	1.16E+08	1.16E+08	264	226	0.856061	348	304	0.873563	271	240	0.885609	73	67	0.917808	133	118	0.887218	281	246	0.875445	239	187	0.782427	238	176	0.739496	147	94	0.639456	126	101	0.801587	36	29	0.805556
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	48800865	48800932	1420	4	0.002817	1055	3	0.002844	1229	6	0.004882	80	0	0	439	0	0	1426	8	0.00561	1059	8	0.007554	931	0	0	277	1	0.00361	444	0	0	149	0	0
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	56263165	56263240	28	25	0.892857	12	10	0.833333	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	28	19	0.678571	29	18	0.62069	33	21	0.636364	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	69667834	69667976	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24151	chr11	62776985	62777125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22807	chr11	20847753	20847881	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24313	chr11	6619808	6619940	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	33	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26458	chr11	11427385	11427512	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22683	chr11	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	6528033	6528165	484	73	0.150826	429	48	0.111888	487	72	0.147844	68	5	0.073529	257	9	0.035019	527	28	0.053131	531	42	0.079096	465	39	0.083871	232	9	0.038793	259	21	0.081081	43	3	0.069767
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23514	chr11	25685140	25685269	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	6	0.428571	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23039	chr11	47912385	47912545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	99017031	99017152	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25058	chr11	11913621	11913748	20	20	1	30	30	1	42	41	0.97619	35	35	1	22	21	0.954545	33	33	1	57	52	0.912281	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26413	chr11	1.16E+08	1.16E+08	84	65	0.77381	101	92	0.910891	90	81	0.9	10	5	0.5	45	39	0.866667	81	70	0.864198	51	43	0.843137	94	62	0.659574	14	13	0.928571	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24143	chr11	72616006	72616150	33	33	1	19	19	1	15	13	0.866667	10	9	0.9	15	15	1	24	23	0.958333	17	17	1	28	27	0.964286	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24454	chr11	79893584	79893715	96	85	0.885417	116	106	0.913793	106	99	0.933962	#N/A	#N/A	#N/A	46	42	0.913043	82	76	0.926829	33	33	1	93	86	0.924731	95	78	0.821053	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22772	chr11	77052947	77053067	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	51737779	51737922	13	13	1	29	22	0.758621	25	23	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	29	24	0.827586	29	24	0.827586	19	16	0.842105	16	11	0.6875	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	69669635	69669778	1373	9	0.006555	1406	6	0.004267	1479	7	0.004733	60	0	0	361	1	0.00277	1685	10	0.005935	1543	4	0.002592	1877	6	0.003197	295	5	0.016949	423	0	0	145	0	0
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25113	chr11	92910297	92910439	44	38	0.863636	72	53	0.736111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	20	11	0.55	48	32	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	6814780	6814923	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	12	9	0.75	48	43	0.895833	79	69	0.873418	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	66892440	66892578	37	30	0.810811	34	24	0.705882	27	18	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	27	14	0.518519	28	17	0.607143	13	1	0.076923	23	7	0.304348	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	74779173	74779313	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	LOC11548	chr11	18647996	18648138	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23266	chr11	71233807	71233940	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23132	chr11	77658576	77658707	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23311	chr11	71288425	71288558	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22927	chr11	71848076	71848206	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23021	chr11	18802254	18802422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm23951	chr11	83366870	83367001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22284	chr11	45639383	45639514	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22471	chr11	5560606	5560735	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24255	chr11	25238588	25238715	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25490	chr11	15452422	15452551	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22022	chr11	34842228	34842354	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm25387	chr11	27318847	27318978	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm26070	chr11	35214401	35214537	109	102	0.93578	84	77	0.916667	119	111	0.932773	10	9	0.9	39	33	0.846154	98	81	0.826531	59	47	0.79661	88	75	0.852273	20	18	0.9	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22599	chr11	58661178	58661309	141	118	0.836879	138	106	0.768116	122	101	0.827869	35	28	0.8	84	65	0.77381	173	120	0.693642	165	115	0.69697	134	92	0.686567	37	19	0.513514	44	25	0.568182	13	4	0.307692
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22789	chr11	12692813	12692942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	104418	Dgkz	chr2	91932823	91963731	5177	162	0.031292	4356	152	0.034894	5194	153	0.029457	697	21	0.030129	1488	29	0.019489	5207	170	0.032648	4270	142	0.033255	4883	131	0.026828	1471	26	0.017675	2042	47	0.023017	288	23	0.079861
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22762	chr11	90782413	90782549	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22387	chr11	86997133	86997263	97	70	0.721649	119	102	0.857143	113	90	0.79646	13	12	0.923077	54	34	0.62963	100	61	0.61	95	68	0.715789	133	92	0.691729	65	31	0.476923	45	34	0.755556	10	5	0.5
XR_00394	RFAM:RF0	Gm24989	chr11	77244928	77245015	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22711	chr11	1.07E+08	1.07E+08	1176	5	0.004252	1203	4	0.003325	1101	2	0.001817	30	0	0	178	3	0.016854	1240	3	0.002419	1057	8	0.007569	1296	7	0.005401	160	3	0.01875	352	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00394	RFAM:RF0	Gm22442	chr11	69350518	69350661	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

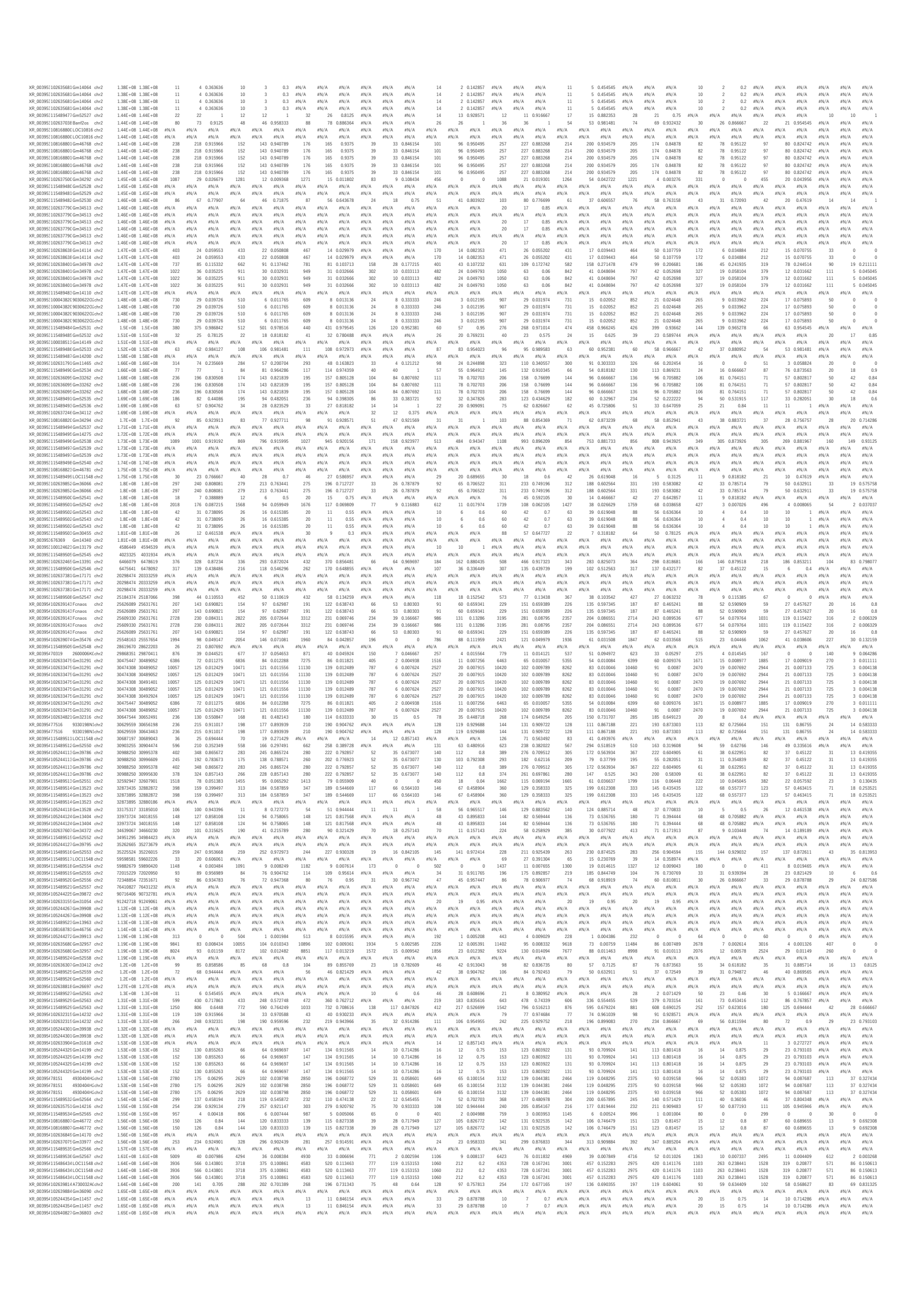


XR_00395	115488479	Gm48923	chr15	51897097	51899795	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639243	Gm35599	chr15	87803896	87945043	#N/A	#N/A	#N/A	27	16	0.592593	23	19	0.826087	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639384	Gm35711	chr15	87822070	87837725	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633891	Gm31608	chr15	81217149	81229628	275	248	0.901818	317	276	0.870662	254	222	0.874016	28	24	0.857143	94	81	0.861702	244	215	0.881148	252	209	0.829365	261	232	0.888889	92	71	0.771739	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633891	Gm31608	chr15	81217139	81226055	275	248	0.901818	317	276	0.870662	254	222	0.874016	28	24	0.857143	94	81	0.861702	244	215	0.881148	252	209	0.829365	261	232	0.888889	92	71	0.771739	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633891	Gm31608	chr15	81217149	81229699	275	248	0.901818	317	276	0.870662	254	222	0.874016	28	24	0.857143	94	81	0.861702	244	215	0.881148	252	209	0.829365	261	232	0.888889	92	71	0.771739	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633891	Gm31608	chr15	81217149	81226055	275	248	0.901818	317	276	0.870662	254	222	0.874016	28	24	0.857143	94	81	0.861702	244	215	0.881148	252	209	0.829365	261	232	0.888889	92	71	0.771739	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488480	Gm52179	chr15	81260566	81262795	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488481	Gm52180	chr15	82265539	82275444	4280	40	0.009346	4760	66	0.013866	4592	63	0.01372	863	8	0.00927	1331	15	0.01127	3739	54	0.014442	3471	38	0.010948	3962	55	0.013882	646	11	0.017028	1178	18	0.01528	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246001	Gm41368	chr15	83385684	83391089	146	139	0.952055	156	149	0.955128	136	135	0.992647	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	196	188	0.959184	176	170	0.965909	174	170	0.977011	22	22	1	28	25	0.892857	30	28	0.933333
XR_00395	115488482	Gm52181	chr15	83475470	83478049	66	62	0.939394	56	50	0.892857	43	43	1	20	20	1	71	66	0.929577	106	97	0.915094	51	49	0.960784	37	34	0.918919	48	44	0.916667	10	7	0.7	20	20	1
XR_00395	115488483	Gm52182	chr15	83592569	83595446	14	9	0.642857	11	9	0.818182	22	18	0.818182	11	10	0.909091	82	74	0.902439	69	56	0.811594	31	23	0.741935	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488483	Gm52182	chr15	83592569	83595446	14	9	0.642857	11	9	0.818182	22	18	0.818182	11	10	0.909091	82	74	0.902439	69	56	0.811594	31	23	0.741935	48	39	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488484	Gm52183	chr15	83694615	83696818	207	186	0.898551	159	152	0.955975	227	201	0.885463	48	43	0.895833	92	84	0.913043	210	186	0.885714	209	177	0.84689	232	197	0.849138	85	74	0.870588	66	55	0.833333	20	18	0.9
XR_00395	102641552	Gm38563	chr15	61157157	61166963	60	1	0.016667	58	0	0	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	70	20	0.285714	22	1	0.045455	100	1	0.01	54	0	0	11	3	0.272727	50	0	0	37	11	0.297297
XR_00395	102636081	Gm33253	chr15	97183012	97190538	65	41	0.630769	58	36	0.62069	52	27	0.519231	#N/A	#N/A	#N/A	35	18	0.514286	58	40	0.689655	54	25	0.462963	66	42	0.636364	45	23	0.511111	16	3	0.1875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	75160	4930543I0	chr15	86704157	86766134	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_00395	75160	4930543I0	chr15	86704157	86718503	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_00395	75160	4930543I0	chr15	86704157	86766134	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_00395	75160	4930543I0	chr15	86704157	86766134	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_00395	75160	4930543I0	chr15	86704157	86718503	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_00395	75160	4930543I0	chr15	86704164	86766134	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_00395	102638589	Gm35118	chr15	86703160	86706471	86	65	0.755814	65	53	0.815385	87	72	0.827586	26	21	0.807692	36	29	0.805556	100	84	0.84	112	69	0.616071	63	40	0.634921	47	24	0.510638	33	21	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488485	Gm52184	chr15	86722207	86738904	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	223483	A830021M	chr15	36726241	36730786	26	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	30	0	0	26	1	0.038462	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105245918	Gm41298	chr15	36797201	36802227	187	133	0.71123	190	150	0.789474	196	146	0.744898	74	53	0.716216	104	80	0.769231	189	130	0.687831	164	123	0.75	140	97	0.692857	64	39	0.609375	87	66	0.758621	32	14	0.4375
XR_00395	105245870	Gm41254	chr15	3298690	3301426	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333
XR_00395	105245870	Gm41254	chr15	3298690	3312065	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333
XR_00395	105245870	Gm41254	chr15	3298690	3385622	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333
XR_00395	102636334	Gm33432	chr15	84127723	84133211	165	151	0.915152	83	79	0.951807	130	118	0.907692	34	32	0.941176	85	72	0.847059	120	109	0.908333	141	126	0.893617	73	66	0.90411	47	38	0.808511	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636334	Gm33432	chr15	84127278	84133211	86	75	0.872093	24	21	0.875	54	46	0.851852	20	19	0.95	70	59	0.842857	78	70	0.897436	52	41	0.788462	52	45	0.865385	36	27	0.75	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488486	Gm52185	chr15	78410664	78417104	96	30	0.3125	30	7	0.233333	66	16	0.242424	#N/A	#N/A	#N/A	72	30	0.416667	78	31	0.397436	36	11	0.305556	52	9	0.173077	#N/A	#N/A	#N/A	66	22	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488487	Gm52186	chr15	78598566	78609803	804	750	0.932836	717	664	0.926081	678	629	0.927729	262	240	0.916031	292	276	0.945205	797	744	0.933501	588	517	0.879252	689	605	0.878084	237	185	0.780591	349	306	0.876791	82	72	0.878049
XR_00395	115488488	Gm52187	chr15	78627028	78629224	32	27	0.84375	33	29	0.878788	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A	16	15	0.9375	29	26	0.896552	26	17	0.653846	41	26	0.634146	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	78623	1700041B0	chr15	78670638	78682066	300	174	0.58	303	200	0.660066	294	187	0.636054	66	47	0.712121	150	93	0.62	293	155	0.52901	276	132	0.478261	308	128	0.415584	91	39	0.428571	126	60	0.47619	90	35	0.388889
XR_00395	78623	1700041B0	chr15	78671271	78682062	1137	751	0.66051	957	666	0.695925	1052	682	0.648289	288	219	0.760417	406	273	0.672414	1149	715	0.62228	1028	655	0.63716	1054	697	0.66129	314	200	0.636943	475	305	0.642105	239	137	0.573222
XR_00395	115488489	Gm52188	chr15	78687091	78693191	100	76	0.76	82	57	0.695122	104	76	0.730769	38	27	0.710526	44	34	0.772727	128	94	0.734375	89	55	0.617978	68	26	0.382353	54	25	0.462963	69	40	0.57971	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632234	Gm30368	chr15	78921338	78927971	510	83	0.162745	473	29	0.061311	536	57	0.106343	26	26	1	195	1	0.005128	497	89	0.179074	483	114	0.236025	440	46	0.104545	178	44	0.247191	138	14	0.101449	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632234	Gm30368	chr15	78914675	78927971	510	83	0.162745	473	29	0.061311	536	57	0.106343	26	26	1	195	1	0.005128	497	89	0.179074	483	114	0.236025	440	46	0.104545	178	44	0.247191	138	14	0.101449	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632234	Gm30368	chr15	78912204	78927971	510	83	0.162745	473	29	0.061311	536	57	0.106343	26	26	1	195	1	0.005128	497	89	0.179074	483	114	0.236025	440	46	0.104545	178	44	0.247191	138	14	0.101449	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632234	Gm30368	chr15	78919738	78927971	510	83	0.162745	473	29	0.061311	536	57	0.106343	26	26	1	195	1	0.005128	497	89	0.179074	483	114	0.236025	440	46	0.104545	178	44	0.247191	138	14	0.101449	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488491	Gm52189	chr15	79219387	79224489	396	311	0.785354	405	343	0.846914	465	391	0.84086	151	127	0.84106	248	202	0.814516	477	378	0.792453	315	223	0.707937	369	319	0.864499	162	132	0.814815	175	134	0.765714	56	40	0.714286
XR_00395	115488492	Gm20420	chr15	79314023	79319584	321	302	0.94081	276	261	0.945652	321	304	0.94704	42	41	0.97619	90	88	0.977778	286	263	0.91958	349	317	0.908309	370	332	0.897297	74	68	0.918919	78	75	0.961538	33	29	0.878788
XR_00395	115488493	Gm52190	chr15	79378696	79384296	74	64	0.864865	71	62	0.873239	73	69	0.945205	33	30	0.909091	33	33	1	117	108	0.923077	44	39	0.886364	60	57	0.95	15	11	0.733333	44	42	0.954545	20	16	0.8
XR_00395	115488494	Gm16059	chr15	79426482	79429280	488	455	0.932377	529	493	0.931947	550	520	0.945455	177	169	0.954802	247	236	0.955466	538	518	0.962825	503	457	0.908549	520	494	0.95	208	182	0.875	205	194	0.946341	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105245992	Gm41359	chr15	79464058	79465787	161	11	0.068323	147	4	0.027211	119	10	0.084034	#N/A	#N/A	#N/A	89	0	0	165	4	0.024242	93	2	0.021505	127	6	0.047244	28	1	0.035714	113	5	0.044248	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633060	Gm30977	chr15	79784675	79794309	87	77	0.885057	88	76	0.863636	61	52	0.852459	20	17	0.85	59	51	0.864407	83	58	0.698795	52	34	0.653846	88	62	0.704545	50	40	0.8	36	20	0.555556	25	16	0.64
XR_00395	115488495	Gm52191	chr15	79982156	79991229	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	142	121	0.852113	174	143	0.821839	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105245996	Gm41363	chr15	80398287	80400619	123	110	0.894309	75	69	0.92	86	77	0.895349	14	11	0.785714	92	83	0.902174	177	150	0.847458	129	88	0.682171	110	75	0.681818	44	23	0.522727	42	29	0.690476	14	3	0.214286
XR_00395	20192	Ryr3	chr2	1.13E+08	1.13E+08	666	118	0.177177	662	75	0.113293	674	108	0.160237	100	3	0.03	213	42	0.197183	669	134	0.200299	738	123	0.166667	628	93	0.148089	142	32	0.225352	238	51	0.214286	58	8	0.137931
XR_00395	115488496	Gm52192	chr15	3215445	3218164	#N/A	#N/A	#N/A	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488498	Gm52194	chr15	85017144	85018936	232	204	0.87931	173	155	0.895954	198	177	0.893939	43	34	0.790698	52	47	0.903846	228	190	0.833333	130	96	0.738462	180	142	0.788889	73	44	0.60274	32	23	0.71875	20	15	0.75
XR_00395	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246047	Gm41406	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246047	Gm41406	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246047	Gm41406	chr15	1.03E+08	1.03E+08	21	20	0.952381	18	18	1	23	22	0.956522	10	9	0.9	13	13	1	24	24	1	19	17	0.894737	13	12	0.923077	17	14	0.823529	14	8	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488499	Gm52195	chr15	1.03E+08	1.03E+08	187	123	0.657754	132	87	0.659091	152	110	0.723684	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	192	170	0.885417	87	64	0.735632	111	74	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488499	Gm52195	chr15	1.03E+08	1.03E+08	187	123	0.657754	132	87	0.659091	152	110	0.723684	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	192	170	0.885417	87	64	0.735632	111	74	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488499	Gm52195	chr15	1.03E+08	1.03E+08	187	123	0.657754	132	87	0.659091	152	110	0.723684	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	192	170	0.885417	87	64	0.735632	111	74	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488499	Gm52195	chr15	1.03E+08	1.03E+08	187	123	0.657754	132	87	0.659091	152	110	0.723684	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	192	170	0.885417	87	64	0.735632	111	74	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488500	LOC11548	chr15	57972255	57977346	682	35	0.05132	607	0	0	571	7	0.012259	135	0	0	232	17	0.073276	538	3	0.005576	478	4	0.008368	778	18	0.023136	189	0	0	210	4	0.019048	140	1	0.007143
XR_00395	105245981	Gm41349	chr15	76090926	76097670	2107	394	0.186996	1596	380	0.238095	1980	450	0.227273	370	55	0.148649	790	205	0.259494	2428	426	0.175453	1845	348	0.188618	1864	358	0.19206	339	89	0.262537	673	182	0.270431	185	41	0.221622
XR_00395	105245981	Gm41349	chr15	76090926	76097670	2107	394	0.186996	1596	380	0.238095	1980	450	0.227273	370	55	0.148649	790	205	0.259494	2428	426	0.175453	1845	348	0.188618	1864	358	0.19206	339	89	0.262537	673	182	0.270431	185	41	0.221622
XR_00395	105245981	Gm41349	chr15	76090705	76097670	2198	477	0.217015	1648	429	0.260316	2067	533	0.257862	385	69	0.179221	837	250	0.298686	2511	501	0.199522	1923	423	0.219969	1949	439	0.225244	367	111	0.302452	713	220	0.308555	185	41	0.221622
XR_00395	115488501	Gm48952	chr15	76082526	76085590	947	10	0.01056	861	3	0.003484	794	2	0.002519	140	0	0	401	1	0.002494	1265	9	0.007115	871	4	0.004592	991	4	0.004036	334	0	0	410	3	0.007317	55	0	0
XR_00395	115488502	Gm52196	chr15	76118064	76119148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488502	Gm52196	chr15	76118059	76119148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638551	Gm35087	chr15	76129111	76132878	41	36	0.878049	33	25	0.757576	28	22	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	28	22	0.785714	38	34	0.894737	37	29	0.783784	26	20	0.769231	10	5	0.5	21	8	0.380952	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488505	Gm52198	chr15	76893481	76895237	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488506	Gm52199	chr15	77003559	77015209	324	228	0.703704	378	278	0.73545	346	238	0.687861	100	67	0.67	164	113	0.689024	444	310	0.698198	318	222	0.698113	272	167	0.613971	90	51	0.566667	100	50	0.5	28	5	0.178571
XR_00395	115488506	Gm52199	chr15	77003559	77014486	334	234	0.700599	378	278	0.73545	346	238	0.687861	100	67	0.67	164	113	0.689024	444	310	0.698198	360	254	0.705556	272	167	0.613971	90	51	0.566667	100	50	0.5	28	5	0.178571
XR_00395	102640663	Gm36677	chr15	59618192	59623975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488507	Gm52200	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488508	Gm52201	chr15	26251428	26288810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	100504454	4930573C0	chr15	69234004	69235005	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488510	Gm52202	chr15	84787718	84791057	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105243769	Gm39558	chr15	84988035	85004607	532	2	0.003759	547	3	0.005484	568	5	0.008803	84	0	0	189	1	0.005291	603	4	0.006633	587	5	0.008518	627	6	0.009569	#N/A	#N/A	#N/A	189	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105243769	Gm39558	chr15	84988035	84990395	532	2	0.003759	547	3	0.005484	568	5	0.008803	84	0	0	189	1	0.005291	603	4	0.006633	587	5	0.008518	627	6	0.009569	#N/A	#N/A	#N/A	189	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632272	Gm20717	chr15	64098208	64101670	35	29	0.828571	38	35	0.921053	37	33	0.891892	13	9	0.692308	23	19	0.826087	36	26	0.722222	32	21	0.65625	45	37	0.822222	10	8	0.8	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632272	Gm20717	chr15	64098208	64101670	35	29	0.828571	38	35	0.921053	37	33	0.891892	13	9	0.692308	23	19	0.826087	36	26	0.722222	32	21	0.65625	45	37	0.822222	10	8	0.8	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632272	Gm20717	chr15	64098208	64101670	35	29	0.828571	38	35	0.921053	37	33	0.891892	13	9	0.692308	23	19	0.826087	36	26	0.722222	32	21	0.65625	45	37	0.822222	10	8	0.8	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632507	Gm30563	chr15	64392233	64436884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488511	1700010G0	chr15	64314118	64321870	4511	160	0.035469	4952	161	0.032512	4642	186	0.040069	294	23	0.078231	1048	83	0.079198	5071	217	0.042792	4622	181	0.039161	4973	118	0.023728	662	42	0.063444	1186	42	0.035413	333	33	0.099099
XR_00395	102632845	Gm30810	chr15	95065985	95074475	51	49	0.960784	22	17	0.772727	44	38	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	56	52	0.928571	36	25	0.694444	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632845	Gm30810	chr15	95065985	95074475	51	49	0.960784	22	17	0.772727	44	38	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	56	52	0.928571	36	25	0.694444	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632845	Gm30810	chr15	95065985	95074475	51	49	0.960784	22	17	0.772727	44	38	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	56	52	0.928571	36	25	0.694444	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632845	Gm30810	chr15	95065985	95074475	51	49	0.960784	22	17	0.772727	44	38	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	56	52	0.928571	36	25	0.694444	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488512	Gm52203	chr15	94988601	94995994	40	39	0.975	43	42	0.976744	36	35	0.972222	33	32	0.969697	125	120	0.96	134	118	0.880597	116	90	0.775862	96	84	0.875	94	80	0.851064	82	70	0.853659	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488513	Gm49085	chr15	37961158	38012800	2445	13	0.005317	1772	12	0.006772	2480	15	0.006048	367	3	0.008174	940	2	0.002128	2591	11	0.004245	2428	14	0.005766	2121	14	0.006601	966	2	0.00207	1296	2	0.001543	355	2	0.005634
XR_00395	102638544	Gm35081	chr15	38143984	38148817	60	58	0.966667	90	86	0.955556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	54	0.981818	#N/A	#N/A	#N/A	80	75	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638762	Gm35248	chr15	38305936	38343139	140	131	0.935714	152	144	0.947368	150	146	0.973333	27	26	0.962963	42	39	0.928571	196	185	0.943878	141	131	0.929078	152	138	0.907895	47	39	0.829787	53	46	0.867925	16	15	0.9375
XR_00395	102635699	Gm32970	chr15	34823179	34838675	2202	217	0.098547	1847	166	0.089875	2080	160	0.076923	279	9	0.032258	881	159	0.180477	2207	263	0.119166	1768	195	0.110294	1790	284	0.158659	783	120	0.153257	957	112	0.117032	191	45	0.235602
XR_00395	102635699	Gm32970	chr15	34744970	34837153	4000	299	0.07475	3628	238	0.065601	4138	226	0.054616	741	44	0.059379	1543	183	0.1186	4128	361	0.087452	3268	294	0.089963	3439	453	0.131724	1200	221	0.184167	1618	153	0.094561	296	55	0.185811
XR_00395	102635699	Gm32970	chr15	34744970	34837153	4000	299	0.07475	3628	238	0.065601	4138	226	0.054616	741	44	0.059379	1543	183	0.1186	4128	361	0.087452	3268	294	0.089963	3439	453	0.131724	1200	221	0.184167	1618	153	0.094561	296	55	0.185811
XR_00395	102635699	Gm32970	chr15	34744970	34837153	4000	299	0.07475	3628	238	0.065601	4138	226	0.054616	741	44	0.059379	1543	183	0.1186	4128	361	0.087452	3268	294	0.089963	3439	453	0.131724	1200	221	0.184167	1618	153	0.094561	296	55	0.185811
XR_00395	115488514	Gm52204	chr15	34910276	34920908	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632843	Gm27242	chr15	66286636	66311092	3439	74	0.021518	3444	60	0.017422	3741	59	0.015771	631	4	0.006339	1103	17	0.015413	4086	61	0.014929	3300	54	0.016364	2763	55	0.019906	904	17	0.018805	783	23	0.029374	578	30	0.051903
XR_00395	102632843	Gm27242	chr15	66286012	66311092	3439	74	0.021518	3444	60	0.017422	3741	59	0.015771	631	4	0.006339	1103	17	0.015413	4116	61	0.01482	3342	60	0.017953	2763	55	0.019906	936	18	0.019231	816	24	0.029412	578	30	0.051903
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34152562	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34152562	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34152562	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166889	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	102642065	Gm38594	chr15	34158665	34166132	60	60	1	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	60	59	0.983333	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1
XR_00395	115488515	Gm52205	chr15	26665208	26672349	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488516	Gm52206	chr15	26547140	26560221	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640961	Gm36901	chr15	92167318	92200966	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640961	Gm36901	chr15	92167318	92200966	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640961	Gm36901	chr15	92167318	92200964	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640961	Gm36901	chr15	92167318	92200966	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488517	Gm52207	chr15	92509028	92510694	163	148	0.907975	75	68	0.906667	102	92	0.901961	51	43	0.843137	84	66	0.785714	148	115	0.777027	156	84	0.538462	140	91	0.65	70	38	0.542857	25	17	0.68	26	16	0.615385
XR_00395	115488519	Gm52208	chr15	8271134	8279844	97	33	0.340206	84	30	0.357143	89	29	0.325843	22	7	0.318182	51	26	0.509804	95	40	0.421053	96	51	0.53125	72	39	0.541667	16	3	0.1875	62	21	0.33871	15	0	0
XR_00395	545086	Gm49249	chr15	8511229	8532789	76	21	0.276316	34	20	0.588235	34	23	0.676471	#N/A	#N/A	#N/A	32	12	0.375	51	19	0.372549	77	33	0.428571	43	15	0.348837	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488520	Gm52209	chr15	55392589	55407738	154	141	0.915584	151	142	0.940397	127	120	0.944882	#N/A	#N/A	#N/A	76	68	0.894737	148	131	0.885135	196	167	0.852041	175	156	0.891429	#N/A	#N/A	#N/A	85	74	0.870588	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636333	Gm33431	chr15	40529209	40536692	27	24	0.888889	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	41	33	0.804878	48	37	0.770833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488521	Gm52210	chr15	12318343	12320578	3367	17	0.005049	3075	24	0.007805	3544	26	0.007336	597	0	0	950	3	0.003158	3468	23	0.006632	2665	10	0.003752	2928	7	0.002391	992	1	0.001008	1052	1	0.000951	199	0	0
XR_00395	105245892	Gm41273	chr15	12651586	12665528	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488522	Gm52211	chr15	12491910	12494382	232	188	0.810345	154	102	0.662338	202	166	0.821782	37	29	0.783784	80	56	0.7	260	174	0.669231	201	124	0.616915	158	102	0.64557	10	0	0	105	83	0.790476	52	37	0.711538
XR_00395	115488523	Gm52212	chr15	84216487	84217270	470	233	0.495745	303	136	0.448845	331	123	0.371601	23	6	0.26087	349	200	0.573066	497	311	0.625755	374	150	0.40107	403	152	0.377171	107	29	0.271028	196	68	0.346939	18	5	0.277778
XR_00395	105245926	Gm41304	chr15	37641271	37650931	23	15	0.652174	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	10	7	0.7	25	18	0.72	22	16	0.727273	26	21	0.807692	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	14	12	0.857143
XR_00395	105245926	Gm41304	chr15	37641271	37650931	23	15	0.652174	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	10	7	0.7	25	18	0.72	22	16	0.727273	26	21	0.807692	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	14	12	0.857143
XR_00395	102639911	Gm36112	chr15	58166128	58184740	230	154	0.669565	188	136	0.723404	251	178	0.709163	68	52	0.764706	104	74	0.711538	230	171	0.743478	154	101	0.655844	167	106	0.634731	80	44	0.55	20	15	0.75	20	12	0.6
XR_00395	115488525	LOC11548	chr15	35370228	35376311	82	66	0.804878	114	97	0.850877	82	73	0.890244	34	24	0.705882	66	42	0.636364	88	49	0.556818	101	73	0.722772	92	51	0.554348	76	42	0.552632	68	55	0.808824	42	25	0.595238
XR_00395	115488525	LOC11548	chr15	35370228	35376311	82	66	0.804878	114	97	0.850877	82	73	0.890244	34	24	0.705882	66	42	0.636364	88	49	0.556818	101	73	0.722772	92	51	0.554348	76	42	0.552632	68	55	0.808824	42	25	0.595238
XR_00395	108168237	Gm46513	chr15	13155155	13171104	56	53	0.946429	12	8	0.666667	56	55	0.982143	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	51	37	0.72549	14	6	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638458	Gm35018	chr15	13092115	13094568	90	75	0.833333	113	93	0.823009	104	89	0.855769	#N/A	#N/A	#N/A	110	91	0.827273	22	19	0.863636	20	9	0.45	77	56	0.727273	40	31	0.775	52	48	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488526	Gm52213	chr15	10419415	10422200	43	42	0.976744	46	44	0.956522	44	43	0.977273	21	19	0.904762	13	12	0.923077	63	55	0.873016	40	38	0.95	43	42	0.976744	31	30	0.967742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488527	D130051D	chr15	85634596	85640524	1577	13	0.008244	1592	16	0.01005	1692	5	0.002955	282	0	0	478	1	0.002092	1807	11	0.006087	1789	13	0.007267	1970	12	0.006091	461	0	0	707	5	0.007072	195	0	0
XR_00395	72665	2810039B1	chr15	75645021	75647437	323	248	0.767802	225	158	0.702222	233	161	0.690987	15	11	0.733333	114	89	0.780702	293	190	0.648464	178	96	0.539326	250	194	0.776	134	79	0.589552	152	112	0.736842	24	15	0.625
XR_00395	115488532	Gm52214	chr15	10709063	10710308	14	9	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488533	Gm49415	chr15	68755286	68760845	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488535	Gm52216	chr15	91028618	91029396	64	39	0.609375	74	48	0.648649	36	18	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	60	36	0.6	75	63	0.84	33	26	0.787879	#N/A	#N/A	#N/A	20	11	0.55	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246012	Gm41377	chr15	88734121	88742156	7119	52	0.007304	8063	67	0.00831	8086	71	0.008781	923	6	0.006501	1997	14	0.007011	7037	37	0.005258	6951	43	0.006186	6635	46	0.006933	1701	11	0.006467	2194	7	0.003191	555	2	0.003604
XR_00395	105246018	Gm15609	chr15	89516485	89523750	4151	971	0.23392	4847	1018	0.210027	5305	868	0.163619	643	130	0.202177	1324	462	0.348943	4364	1507	0.345325	4031	990	0.245597	4547	1129	0.248296	1045	240	0.229665	1286	308	0.239502	36	3	0.083333
XR_00395	105246018	Gm15609	chr15	89516485	89523750	4151	971	0.23392	4847	1018	0.210027	5305	868	0.163619	643	130	0.202177	1324	462	0.348943	4364	1507	0.345325	4031	990	0.245597	4547	1129	0.248296	1045	240	0.229665	1286	308	0.239502	36	3	0.083333
XR_00395	105246018	Gm15609	chr15	89507397	89523750	4151	971	0.23392	4847	1018	0.210027	5305	868	0.163619	643	130	0.202177	1324	462	0.348943	4364	1507	0.345325	4031	990	0.245597	4547	1129	0.248296	1045	240	0.229665	1286	308	0.239502	36	3	0.083333
XR_00395	105245953	Gm41325	chr15	55084151	55098020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635731	Gm32994	chr15	74673013	74704511	1984	100	0.050403	1975	62	0.031392	2322	142	0.061154	562	26	0.046263	847	31	0.0366	2369	167	0.070494	2148	112	0.052142	2076	93	0.044798	513	14	0.02729	717	50	0.069735	286	15	0.052448
XR_00395	102635731	Gm32994	chr15	74673013	74688153	1984	100	0.050403	1975	62	0.031392	2322	142	0.061154	562	26	0.046263	847	31	0.0366	2369	167	0.070494	2148	112	0.052142	2076	93	0.044798	513	14	0.02729	717	50	0.069735	286	15	0.052448
XR_00395	105243761	Gm39556	chr15	74930917	74935442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105243761	Gm39556	chr15	74926484	74935442	93	81	0.870968	92	85	0.923913	92	80	0.869565	21	17	0.809524	15	12	0.8	174	131	0.752874	112	94	0.839286	126	102	0.809524	103	81	0.786408	49	39	0.795918	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105243761	Gm39556	chr15	74931169	74935442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105243761	Gm39556	chr15	74931166	74935442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105243761	Gm39556	chr15	74931173	74935442	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636152	Gm28068	chr15	75006984	75043885	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	33	0.916667	48	43	0.895833	43	37	0.860465	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488538	Gm52219	chr15	75103442	75106938	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635733	Gm28114	chr15	75348617	75351471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638167	Gm38506	chr15	75633838	75644021	80	62	0.775	78	68	0.871795	62	57	0.919355	11	10	0.909091	41	38	0.926829	80	62	0.775	69	51	0.73913	67	49	0.731343	16	12	0.75	34	28	0.823529	13	11	0.846154
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26296	chr15	55262542	55262603	61	53	0.868852	59	54	0.915254	66	58	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	32	27	0.84375	82	68	0.829268	60	47	0.783333	51	45	0.882353	17	17	1	27	26	0.962963	17	13	0.764706
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24487	chr15	30601514	30601576	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23665	chr15	46944387	46944448	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22979	chr15	36169896	36169954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23475	chr15	58143208	58143269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25702	chr15	63481214	63481276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

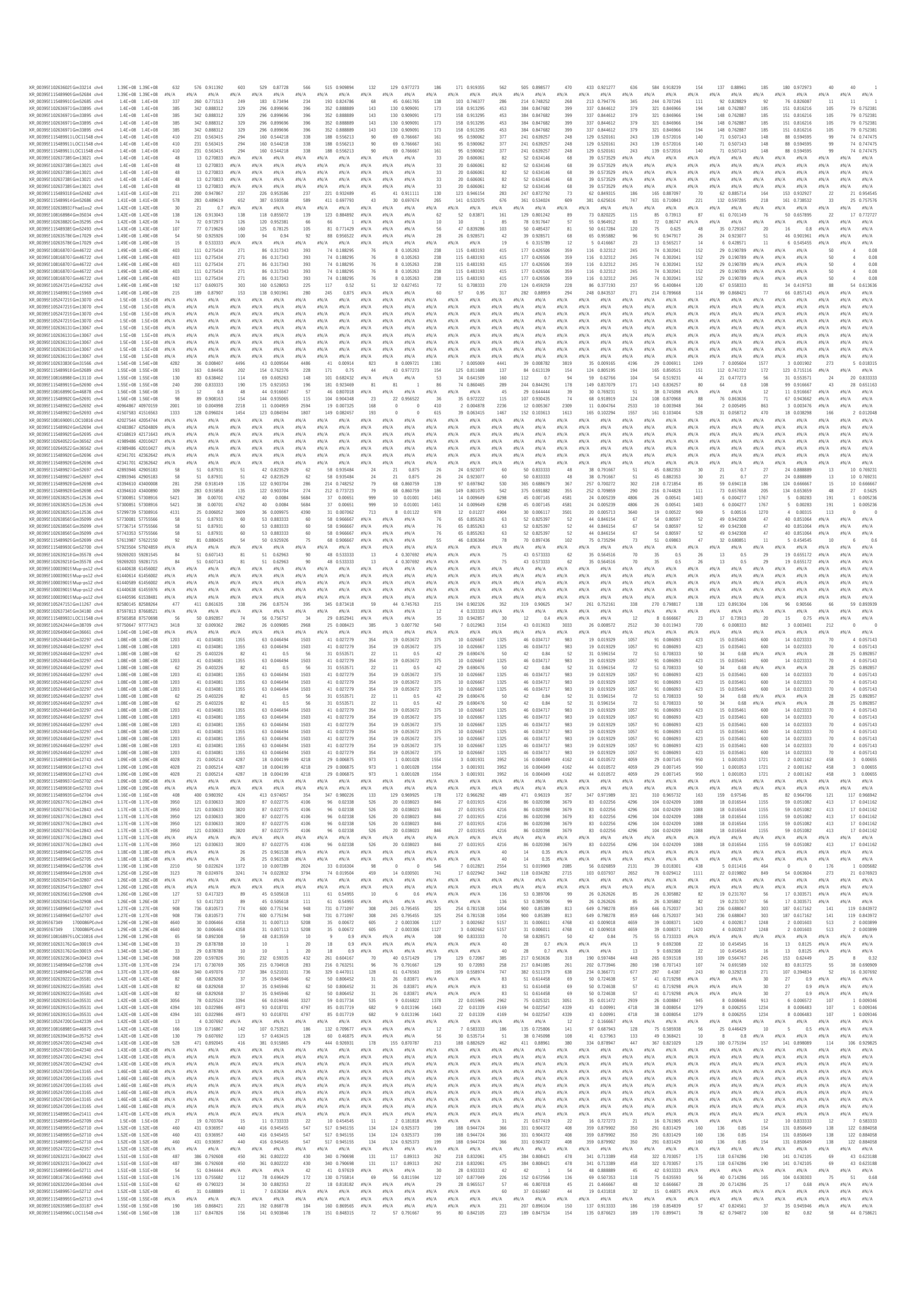
XR_00395	70573	Tbccd1	chr16	22813271	22857695	2412	16	0.006633	2510	14	0.005578	2600	14	0.005385	589	2	0.003396	1011	4	0.003956	2806	14	0.004989	2671	12	0.004493	2820	27	0.009574	882	2	0.002268	884	1	0.001131	331	1	0.003021
XR_00395	70573	Tbccd1	chr16	22813271	22857675	2412	16	0.006633	2510	14	0.005578	2600	14	0.005385	589	2	0.003396	1011	4	0.003956	2806	14	0.004989	2671	12	0.004493	2820	27	0.009574	882	2	0.002268	884	1	0.001131	331	1	0.003021
XR_00395	70573	Tbccd1	chr16	22813215	22857695	2412	16	0.006633	2510	14	0.005578	2600	14	0.005385	589	2	0.003396	1011	4	0.003956	2806	14	0.004989	2671	12	0.004493	2820	27	0.009574	882	2	0.002268	884	1	0.001131	331	1	0.003021
XR_00395	72020	Zfp654	chr16	64780347	64851877	4279	32	0.007478	4629	25	0.005401	5253	32	0.006092	365	2	0.005479	983	6	0.006104	4699	18	0.003831	5069	26	0.005129	5684	34	0.005982	1047	4	0.00382	1249	4	0.003203	168	1	0.005952
XR_00395	72168	Aifm3	chr16	17489625	17507482	1772	216	0.121896	1372	168	0.122449	1755	190	0.108262	195	20	0.102564	506	69	0.136364	1822	216	0.118551	1578	192	0.121673	1635	149	0.091131	495	102	0.206061	328	75	0.228659	190	21	0.110526
XR_00395	72168	Aifm3	chr16	17489625	17507482	1772	216	0.121896	1372	168	0.122449	1755	190	0.108262	195	20	0.102564	506	69	0.136364	1822	216	0.118551	1578	192	0.121673	1635	149	0.091131	495	102	0.206061	328	75	0.228659	190	21	0.110526
XR_00395	72168	Aifm3	chr16	17489625	17507482	1772	216	0.121896	1372	168	0.122449	1755	190	0.108262	195	20	0.102564	506	69	0.136364	1822	216	0.118551	1578	192	0.121673	1635	149	0.091131	495	102	0.206061	328	75	0.228659	190	21	0.110526
XR_00395	72168	Aifm3	chr16	17489625	17507482	1772	216	0.121896	1372	168	0.122449	1755	190	0.108262	195	20	0.102564	506	69	0.136364	1822	216	0.118551	1578	192	0.121673	1635	149	0.091131	495	102	0.206061	328	75	0.228659	190	21	0.110526
XR_00395	72615	Anks3	chr16	4941432	4964237	1169	105	0.08982	1222	116	0.094926	1159	120	0.103538	78	19	0.24359	508	72	0.141732	1205	139	0.115353	1209	96	0.079404	1322	82	0.062027	199	32	0.160804	413	48	0.116223	107	0	0
XR_00395	72615	Anks3	chr16	4941432	4964211	1169	105	0.08982	1222	116	0.094926	1159	120	0.103538	78	19	0.24359	508	72	0.141732	1205	139	0.115353	1209	96	0.079404	1322	82	0.062027	199	32	0.160804	413	48	0.116223	107	0	0
XR_00395	72615	Anks3	chr16	4941452	4964237	1169	105	0.08982	1222	116	0.094926	1159	120	0.103538	78	19	0.24359	508	72	0.141732	1205	139	0.115353	1209	96	0.079404	1322	82	0.062027	199	32	0.160804	413	48	0.116223	107	0	0
XR_00395	72615	Anks3	chr16	4941452	4964237	1169	105	0.08982	1222	116	0.094926	1159	120	0.103538	78	19	0.24359	508	72	0.141732	1205	139	0.115353	1209	96	0.079404	1322	82	0.062027	199	32	0.160804	413	48	0.116223	107	0	0
XR_00395	74022	Glyr1	chr16	5013907	5049938	5198	31	0.005964	4775	29	0.006073	5498	31	0.005638	781	2	0.002561	2187	8	0.003658	5232	26	0.004969	5044	24	0.004758	5194	37	0.007124	1677	7	0.004174	1790	3	0.001676	812	2	0.002463
XR_00395	214585	Spg11	chr2	1.22E+08	1.22E+08	219	1	0.004566	178	0	0	205	0	0	80	0	0	149	0	0	239	1	0.004184	201	0	0	182	1	0.005495	107	1	0.009346	111	0	0	16	0	0
XR_00395	75826	Senp2	chr16	22009432	22047878	3063	131	0.042769	2619	104	0.03971	2962	123	0.041526	430	8	0.018605	1209	61	0.050455	3007	164	0.054539	2658	126	0.047404	2612	141	0.053982	788	36	0.045685	645	17	0.026357	227	0	0
XR_00395	115488612	Gm52230	chr16	40692731	40715619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	108168294	Gm46555	chr16	92451091	92465834	90	66	0.733333	100	80	0.8	112	94	0.839286	44	37	0.840909	52	43	0.826923	78	66	0.846154	102	85	0.833333	130	101	0.776923	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	108168294	Gm46555	chr16	92451091	92465834	90	66	0.733333	100	80	0.8	112	94	0.839286	44	37	0.840909	52	43	0.826923	78	66	0.846154	102	85	0.833333	130	101	0.776923	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488613	Gm49566	chr16	20241458	20257266	1773	25	0.0141	1750	21	0.012	2222	25	0.011251	361	1	0.00277	663	9	0.013575	1756	22	0.012528	1788	24	0.013423	1884	21	0.011146	593	20	0.033727	657	11	0.016743	77	1	0.012987
XR_00395	105246114	Gm30445	chr16	44719099	44720663	174	167	0.95977	106	103	0.971698	154	154	1	42	42	1	38	37	0.973684	154	149	0.967532	124	116	0.935484	125	117	0.936	50	48	0.96	68	62	0.911765	28	27	0.964286
XR_00395	115488614	LOC11548	chr16	78555357	78565791	224	221	0.986607	197	192	0.974619	202	195	0.965347	24	24	1	129	127	0.984496	252	250	0.992063	236	231	0.978814	273	267	0.978022	91	87	0.956044	101	96	0.950495	57	55	0.964912
XR_00395	108168297	Gm46558	chr16	85899909	85904016	1264	65	0.051424	1063	52	0.048918	1230	46	0.037398	288	15	0.052083	449	31	0.069042	1169	47	0.040205	1197	34	0.028404	1051	25	0.023787	436	9	0.020642	419	19	0.045346	232	6	0.025862
XR_00395	115488615	Gm52231	chr16	62755411	62766244	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488616	Gm52232	chr16	8843237	8846433	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639045	Gm15564	chr16	35966751	35981849	5454	135	0.024752	5039	91	0.018059	5697	129	0.022643	467	24	0.051392	1672	71	0.042464	5353	147	0.027461	5080	140	0.027559	4791	118	0.02463	1076	41	0.038104	1450	33	0.022759	269	17	0.063197
XR_00395	115488620	Gm52234	chr16	5929329	5936312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488620	Gm52234	chr16	5929329	5946133	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488621	Gm52235	chr16	6075541	6079980	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488621	Gm52235	chr16	6076880	6079980	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632849	Gm30814	chr16	23325821	23326682	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635464	Gm32796	chr16	29972860	29982324	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635464	Gm32796	chr16	29972860	29982324	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635464	Gm32796	chr16	29972860	29982324	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	75531	1700025H(	chr16	30192604	30200301	135	125	0.925926	191	185	0.968586	172	160	0.930233	56	55	0.982143	61	59	0.967213	193	185	0.958549	169	151	0.893491	214	205	0.957944	65	63	0.969231	39	38	0.974359	13	13	1
XR_00395	75531	1700025H(	chr16	30192604	30195901	135	125	0.925926	191	185	0.968586	172	160	0.930233	56	55	0.982143	61	59	0.967213	193	185	0.958549	169	151	0.893491	214	205	0.957944	65	63	0.969231	39	38	0.974359	13	13	1
XR_00395	75531	1700025H(	chr16	30192604	30195901	135	125	0.925926	191	185	0.968586	172	160	0.930233	56	55	0.982143	61	59	0.967213	193	185	0.958549	169	151	0.893491	214	205	0.957944	65	63	0.969231	39	38	0.974359	13	13	1
XR_00395	105246095	Gm26562	chr16	30200525	30206574	470	349	0.742553	371	264	0.71159	450	329	0.731111	64	42	0.65625	130	92	0.707692	415	295	0.710843	432	317	0.733796	320	225	0.703125	96	74	0.770833	71	60	0.84507	31	27	0.870968
XR_00395	105246095	Gm26562	chr16	30155651	30206574	470	349	0.742553	371	264	0.71159	450	329	0.731111	64	42	0.65625	130	92	0.707692	415	295	0.710843	432	317	0.733796	320	225	0.703125	96	74	0.770833	71	60	0.84507	31	27	0.870968
XR_00395	100039901	2810407A1	chr16	87828727	87839312	80	71	0.8875	80	73	0.9125	46	44	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A	38	36	0.947368	64	47	0.734375	57	49	0.859649	28	18	0.642857	34	31	0.911765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636015	Gm33207	chr16	88009525	88018893	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636015	Gm33207	chr16	88009525	88018893	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115486002	LOC11548	chr16	87914990	88006370	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633190	2410003I1	chr16	94010655	94016166	613	505	0.823817	422	353	0.836493	584	505	0.864726	194	163	0.840206	271	235	0.867159	451	362	0.802661	447	302	0.675615	490	327	0.667347	161	100	0.621118	170	99	0.582353	78	57	0.730769
XR_00395	115488625	LOC11548	chr16	94148125	94153323	38	29	0.763158	76	58	0.763158	109	90	0.825688	#N/A	#N/A	#N/A	34	23	0.676471	95	77	0.810526	67	35	0.522388	94	60	0.638298	36	34	0.944444	51	36	0.705882	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633513	Gm31323	chr16	94476835	94523332	142	139	0.978873	149	143	0.959732	126	121	0.960317	#N/A	#N/A	#N/A	40	39	0.975	99	87	0.878788	134	118	0.880597	127	116	0.913386	36	29	0.805556	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488628	Gm52237	chr16	31232398	31241865	280	263	0.939286	265	250	0.943396	274	257	0.937956	20	20	1	40	40	1	232	220	0.948276	257	230	0.894942	246	222	0.902439	31	27	0.870968	75	69	0.92	23	16	0.695652
XR_00395	115488629	Gm52238	chr16	31494421	31498679	340	247	0.726471	205	172	0.839024	265	211	0.796226	68	59	0.867647	139	95	0.683453	341	266	0.780059	272	213	0.783088	212	182	0.858491	134	75	0.559701	99	93	0.939394	44	43	0.977273
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96438192	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96438192	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96447014	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96438192	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96438192	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96447014	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634881	Gm32358	chr16	96426170	96438192	463	436	0.941685	500	465	0.93	505	485	0.960396	135	128	0.948148	213	202	0.948357	488	470	0.963115	386	369	0.955959	426	402	0.943662	180	171	0.95	215	202	0.939535	115	111	0.965217
XR_00395	102634983	Gm32432	chr16	96918714	96934761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634983	Gm32432	chr16	96918917	96934761	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635085	Gm32509	chr16	96718903	96772311	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633898	Gm31613	chr16	78222624	78238942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	100503632	Gm16892	chr16	57167369	57176188	551	97	0.176044	554	68	0.122744	404	91	0.225248	152	40	0.263158	458	50	0.10917	595	105	0.176471	553	108	0.195298	630	97	0.153968	192	33	0.171875	367	73	0.19891	97	36	0.371134
XR_00395	70876	4921517D:	chr16	57331645	57341432	98	87	0.887755	60	54	0.9	93	82	0.88172	#N/A	#N/A	#N/A	81	74	0.91358	90	85	0.944444	96	93	0.96875	114	104	0.912281	#N/A	#N/A	#N/A	69	64	0.927536	30	23	0.766667
XR_00395	105246122	Gm26800	chr16	57279208	57311248	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488630	Gm52239	chr16	89794380	89796444	334	316	0.946108	296	278	0.939189	332	320	0.963855	87	78	0.896552	188	182	0.968085	195	180	0.923077	222	184	0.828829	146	131	0.89726	127	111	0.874016	175	154	0.88	54	48	0.888889
XR_00395	102639388	Gm35714	chr16	90197313	90203802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639388	Gm35714	chr16	90197313	90203802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488631	Gm52240	chr16	18795942	18797628	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638849	Gm15764	chr16	18413588	18424381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638849	Gm15764	chr16	18413588	18424381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638925	Gm35369	chr16	18588799	18596251	3659	269	0.073517	3743	211	0.056372	3802	206	0.054182	467	23	0.049251	1157	53	0.045808	4055	289	0.07127	4172	343	0.082215	4299	290	0.067458	739	54	0.073072	1268	176	0.138801	208	25	0.120192
XR_00395	115488634	Gm52242	chr16	74620027	74642730	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635197	Gm32597	chr16	52331430	52338142	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635197	Gm32597	chr16	52331430	52338142	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488635	Gm52243	chr16	31894401	31897583	393	246	0.625954	275	154	0.56	345	208	0.602899	26	26	1	195	121	0.620513	558	303	0.543011	322	193	0.599379	388	175	0.451031	124	62	0.5	132	86	0.651515	53	20	0.377358
XR_00395	115488635	Gm52243	chr16	31894401	31897241	428	277	0.647196	305	181	0.593443	386	248	0.642487	37	37	1	217	143	0.658986	591	332	0.56176	367	231	0.629428	428	210	0.490654	143	77	0.538462	147	95	0.646259	53	20	0.377358
XR_00395	115488635	Gm52243	chr16	31894401	31897244	428	277	0.647196	305	181	0.593443	386	248	0.642487	37	37	1	217	143	0.658986	591	332	0.56176	367	231	0.629428	428	210	0.490654	143	77	0.538462	147	95	0.646259	53	20	0.377358
XR_00395	102641188	Gm38540	chr16	33114402	33123536	34	18	0.529412	14	4	0.285714	29	8	0.275862	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	35	25	0.714286	33	21	0.636364	28	12	0.428571	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	100415902	Gm15658	chr16	33785697	33796139	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488636	Gm52244	chr16	85558867	85559657	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634162	Gm31814	chr16	24186057	24216510	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634162	Gm31814	chr16	24186057	24216510	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634162	Gm31814	chr16	24186057	24255625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634162	Gm31814	chr16	24186057	24263186	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488638	Gm52245	chr16	24932615	24941404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488641	Gm52247	chr16	72940339	72959528	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102631611	Gm29908	chr16	72654472	72662705	1862	26	0.013963	2050	20	0.009756	2152	22	0.010223	355	5	0.014085	748	8	0.010695	1871	48	0.025655	2144	52	0.024254	1801	63	0.034981	616	13	0.021104	610	20	0.032787	203	13	0.064039
XR_00395	102631611	Gm29908	chr16	72654472	72663066	1862	26	0.013963	2050	20	0.009756	2152	22	0.010223	355	5	0.014085	748	8	0.010695	1871	48	0.025655	2144	52	0.024254	1801	63	0.034981	616	13	0.021104	610	20	0.032787	203	13	0.064039
XR_00395	102631611	Gm29908	chr16	72654472	72662705	1862	26	0.013963	2050	20	0.009756	2152	22	0.010223	355	5	0.014085	748	8	0.010695	1871	48	0.025655	2144	52	0.024254	1801	63	0.034981	616	13	0.021104	610	20	0.032787	203	13	0.064039
XR_00395	102631611	Gm29908	chr16	72654472	72663037	1862	26	0.013963	2050	20	0.009756	2152	22	0.010223	355	5	0.014085	748	8	0.010695	1871	48	0.025655	2144	52	0.024254	1801	63	0.034981	616	13	0.021104	610	20	0.032787	203	13	0.064039
XR_00395	115488642	Gm52248	chr16	72879884	72896525	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488643	Gm52249	chr16	45795531	45804693	70	48	0.685714	92	81	0.880435	75	64	0.853333	10	9	0.9	23	19	0.826087	78	62	0.794872	89	73	0.820225	128	117	0.914063	18	8	0.444444	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488644	Gm52250	chr16	28238158	28246668	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633939	Gm15518	chr16	49759703	49775907	75	49	0.653333	82	54	0.658537	80	63	0.7875	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	90	50	0.555556	100	66	0.66	44	13	0.295455	#N/A	#N/A	#N/A	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633939	Gm15518	chr16	49759703	49775907	75	49	0.653333	82	54	0.658537	80	63	0.7875	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	90	50	0.555556	100	66	0.66	44	13	0.295455	#N/A	#N/A	#N/A	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633939	Gm15518	chr16	49759703	49775907	75	49	0.653333	82	54	0.658537	80	63	0.7875	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	90	50	0.555556	100	66	0.66	44	13	0.295455	#N/A	#N/A	#N/A	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488645	Gm52251	chr16	49736801	49740783	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	433024	Gm5486	chr16	49925921	49970189	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	433024	Gm5486	chr16	49925921	49936363	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	433024	Gm5486	chr16	49925921	49948642	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102631543	Gm15651	chr16	22540027	22562939	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_00395	102631543	Gm15651	chr16	22540027	22562939	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_00395	115488646	Gm52252	chr16	30520129	30529418	20	19	0.95	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	14	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488647	Gm52253	chr16	76432811	76439045	287	172	0.599303	149	84	0.563758	266	156	0.586466	23	7	0.304348	168	127	0.755952	251	164	0.653386	285	202	0.708772	218	104	0.477064	45	27	0.6	141	66	0.468085	40	16	0.4
XR_00395	115488648	Gm15537	chr16	3927382	3929412	179	166	0.927374	162	155	0.95679	223	208	0.932735	90	86	0.955556	62	58	0.935484	179	159	0.888268	189	167	0.883598	132	108	0.818182	68	62	0.911765	84	79	0.940476	22	22	1
XR_00395	115488649	Gm36513	chr16	4857183	4860987	183	26	0.142077	194	23	0.118557	87	6	0.068966	#N/A	#N/A	#N/A	121	31	0.256198	261	88	0.337165	161	36	0.223602	184	20	0.108696	60	14	0.233333	105	12	0.114286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636994	Gm33912	chr16	63211290	63217284	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488652	LOC11548	chr16	13354635	13366118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635268	Gm15738	chr16	13392385	13405345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635268	Gm15738	chr16	13392385	13422493	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	24	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635268	Gm15738	chr16	13392385	13405345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488656	LOC11548	chr16	17144871	17146024	113	68	0.60177	74	31	0.418919	138	88	0.637681	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	139	105	0.755396	77	45	0.584416	68	22	0.323529	#N/A	#N/A	#N/A	26	11	0.423077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488657	LOC11548	chr16	17575879	17576757	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	42	0	0	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_00395	215632	Psd4	chr2	24367558	24408760	1433	12	0.008374	1630	29	0.017791	1488	10	0.00672	327	1	0.003058	572	12	0.020979	1293	27	0.020882	1537	31	0.020169	1577	20	0.012682	250	5	0.02	448	12	0.026786	209	8	0.038278
XR_00395	215632	Psd4	chr2	24367558	24409870	1433	12	0.008374	1630	29	0.017791	1488	10	0.00672	327	1	0.003058	572	12	0.020979	1293	27	0.020882	1537	31	0.020169	1577	20	0.012682	250	5	0.02	448	12	0.026786	209	8	0.038278
XR_00395	215632	Psd4	chr2	24386633	24407481	183	152	0.830601	115	93	0.808696	164	128	0.780488	30	20	0.666667	99	80	0.808081	173	82	0.473988	173	94	0.543353	171	113	0.660819	57	43	0.754386	21	14	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246162	Gm41496	chr16	92125734	92187497	103	74	0.718447	48	27	0.5625	81	55	0.679012	#N/A	#N/A	#N/A	62	48	0.774194	87	66	0.758621	64	57	0.890625	77	56	0.727273	30	16	0.533333	52	34	0.653846	20	9	0.45
XR_00395	105246162	Gm41496	chr16	92125734	92187497	103	74	0.718447	48	27	0.5625	81	55	0.679012	#N/A	#N/A	#N/A	62	48	0.774194	87	66	0.758621	64	57	0.890625	77	56	0.727273	30	16	0.533333	52	34	0.653846	20	9	0.45
XR_00395	102640417	Gm36482	chr16	38614975	38652493	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640417	Gm36482	chr16	38614976	38652296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640417	Gm36482	chr16	38614975	38652296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633149	94300530(	chr16	77402013	77420382	39	20	0.512821	39	20	0.512821	31	7	0.225806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	19	0.44186	46	20	0.434783	38	14	0.368421	#N/A	#N/A	#N/A	29	15	0.517241	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633149	94300530(	chr16	77393539	77420382	39	20	0.512821	39	20	0.512821	31	7	0.225806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	19	0.44186	46	20	0.434783	38	14	0.368421	#N/A	#N/A	#N/A	29	15	0.517241	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633149	94300530(	chr16	77402013	77420382	39	20	0.512821	39	20	0.512821	31	7	0.225806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	19	0.44186	46	20	0.434783	38	14	0.368421	#N/A	#N/A	#N/A	29	15	0.517241	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633149	94300530(	chr16	77393539	77420382	39	20	0.512821	39	20	0.512821	31	7	0.225806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	19	0.44186	46	20	0.434783	38	14	0.368421	#N/A	#N/A	#N/A	29	15	0.517241	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636400	Gm33475	chr16	58475943	58483143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488666	Gm52261	chr16	91228579	91233774	357	40	0.112045	284	23	0.080986	337	31	0.091988	31	1	0.032258	193	16	0.082902	327	20	0.061162	282	20	0.070922	265	3	0.011321	161	6	0.037267	209	16	0.076555	68	0	0
XR_00395	115488667	Gm52262	chr16	91897446	91904258	96	85	0.885417	20	15	0.75	61	54	0.885246	22	16	0.727273	26	19	0.730769	64	52	0.8125	60	53	0.883333	54	35	0.648148	#N/A	#N/A	#N/A	72	61	0.847222	28	22	0.785714
XR_00395	319403	D430001F:	chr16	91957853	91966230	82	75	0.914634	82	76	0.926829	136	123	0.904412	#N/A	#N/A	#N/A	66	54	0.818182	42	33	0.785714	84	67	0.797619	111	101	0.90991	76	63	0.828947	87	74	0.850575	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488668	Gm52263	chr16	29888666	29889970	67	55	0.820896	63	49	0.777778	69	54	0.782609	13	12	0.923077	27	23	0.851852	58	46	0.793103	66	48	0.727273	79	58	0.734177	26	19	0.730769	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488669	LOC11548	chr16	10502573	10518504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488670	Gm52264	chr16	10647231	10658368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	545182	Gm9861	chr16	11053539	11066268	2506	57	0.022745	1987	41	0.020634	2059	36	0.017484	358	3	0.00838	794	8	0.010076	2610	46	0.017625	2103	34	0.016167	1799	16	0.008894	706	9	0.012748	618	30	0.048544	149	5	0.033557
XR_00395	100038543	Gm10832	chr16	11031956	11038072	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	100038543	Gm10832	chr16	11031832	11038072	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102631824	Gm30064	chr16	44530373	44537129	92	23	0.25	66	3	0.045455	46	1	0.021739	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	131	58	0.442748	40	6	0.15	31	3	0.096774	40	5	0.125	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102631824	Gm30064	chr16	44530373	44537129	92	23	0.25	66	3	0.045455	46	1	0.021739	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	131	58	0.442748	40	6	0.15	31	3	0.096774	40	5	0.125	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102631824	Gm30064	chr16	44530373	44537129	92	23	0.25	66	3	0.045455	46	1	0.021739	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	131	58	0.442748	40	6	0.15	31	3	0.096774	40	5	0.125	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488672	Gm15983	chr16	5255963	5286341	1111	11	0.009901	1076	8	0.007435	1125	12	0.010667	132	1	0.007576	598	7	0.011706	1380	15	0.01087	1278	12	0.00939	1125	11	0.009778	226	2	0.00885	372	1	0.002688	72	1	0.013889
XR_00395	115488673	Gm52265	chr16	5288109	5306664	764	78	0.102094	851	97	0.113984	786	56	0.071247	51	7	0.137255	493	20	0.040568	699	93	0.133047	666	88	0.132132	481	42	0.087318	245	25	0.102041	272	40	0.147059	40	11	0.275
XR_00395	102639612	Gm35882	chr16	90504159	90509030	156	145	0.929487	175	165	0.942857	185	174	0.940541	34	32	0.941176	44	41	0.931818	133	109	0.819549	128	102	0.796875	200	158	0.79	54	42	0.777778	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	n-R5s33	chr16	33001903	33002021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24569	chr16	36257510	36257613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24667	chr16	10237918	10238020	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24437	chr16	36321481	36321584	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22769	chr16	63747429	63747534	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25079	chr16	35382045	35382247	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	58	46	0.793103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22797	chr16	71663788	71663918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25853	chr16	54354462	54354593	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24440	chr16	24406355	24406417	39	37	0.948718	21	21	1	29	28	0.965517	18	16	0.888889	15	13	0.866667	30	28	0.933333	34	33	0.970588	30	30	1	17	15	0.882353	17	17	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr16	51744027	51744089	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr16	66921551	66921611	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25038	chr16	78423730	78423859	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	38	36	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	37	34	0.918919
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr16	23111301	23111429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr16	23110383	23110507	147	0	0	131	0	0	145	2	0.013793	74	0	0	96	1	0.010417	274	0	0	151	2	0.013245	65	2	0.030769	62	0	0	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22422	chr16	56035753	56035887	1339	4	0.002987	1494	9	0.006024	1477	7	0.004739	524	3	0.005725	737	3	0.004071	1479	10	0.006761	1301	4	0.003075	1393	19	0.01364	487	0	0	522	3	0.005747	336	2	0.005952
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22163	chr16	74058899	74059033	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr16	23111617	23111755	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25896	chr16	87418909	87419044	87	87	1	81	77	0.950617	102	96	0.941176	14	13	0.928571	67	65	0.970149	132	128	0.969697	74	71	0.959459	76	74	0.973684	34	32	0.941176	49	48	0.979592	14	14	1
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr16	90602496	90602617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25967	chr16	35722087	35722233	47	42	0.893617	22	22	1	31	31	1	10	10	1	21	19	0.904762	35	29	0.828571	18	16	0.888889	54	50	0.925926	10	9	0.9	25	24	0.96	10	10	1
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24879	chr16	31747200	31747343	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	46	44	0.956522	58	56	0.965517	42	41	0.97619	42	40	0.952381	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24145	chr16	11167105	11167267	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

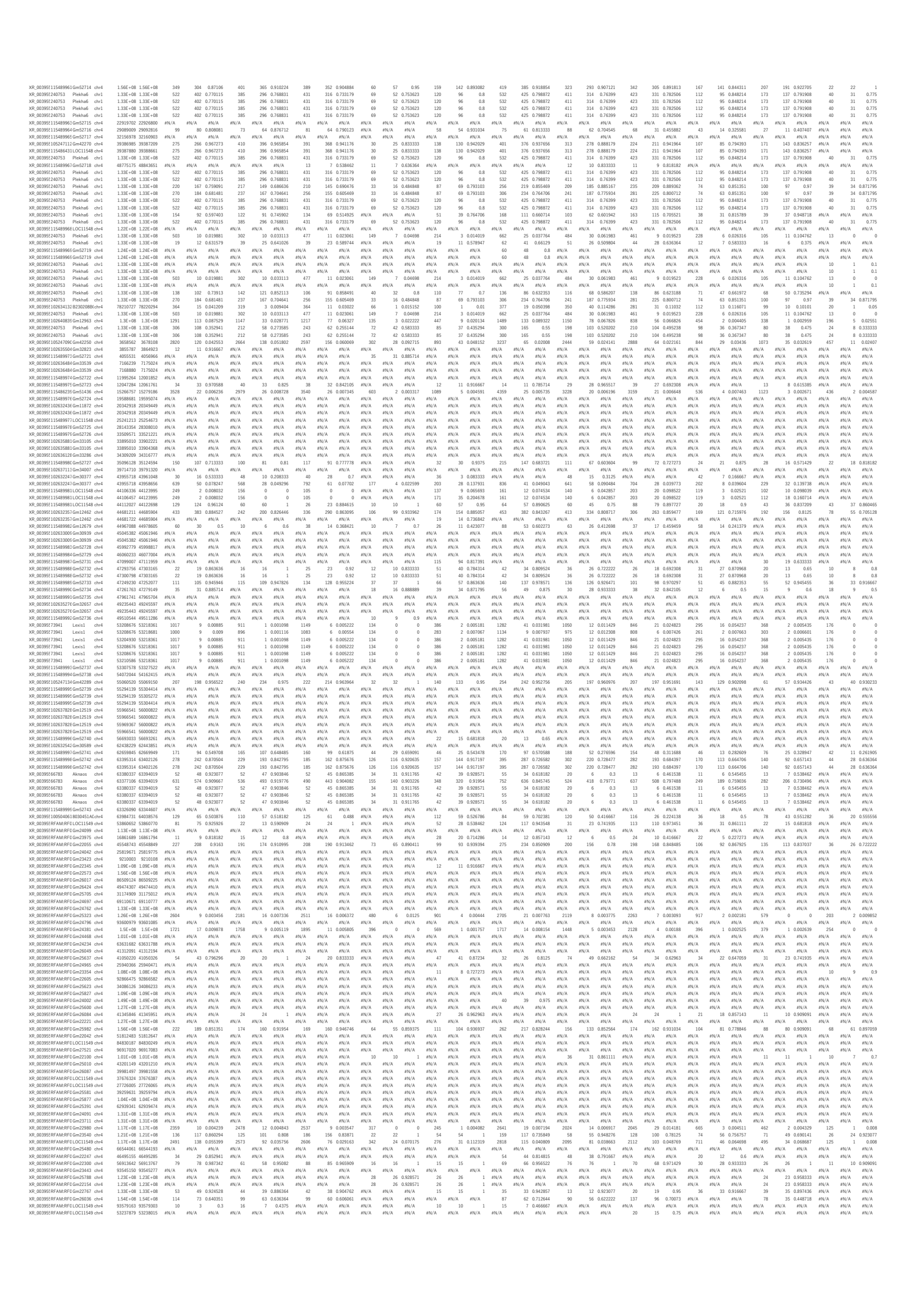
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321744	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321744	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321747	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321744	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321747	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321747	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321747	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321744	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	54194	Akap8l	chr17	32321744	32350615	310	0	0	219	0	0	247	7	0.02834	80	0	0	130	0	0	376	1	0.00266	269	1	0.003717	278	1	0.003597	154	0	0	104	0	0	107	1	0.009346
XR_00395	57256	Prss21	chr17	23867883	23873121	94	82	0.87234	106	93	0.877358	90	84	0.933333	26	24	0.923077	42	33	0.785714	145	99	0.682759	153	84	0.54902	176	90	0.511364	48	33	0.6875	36	18	0.5	22	13	0.590909
XR_00395	57435	Plin4	chr17	56100587	56109948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	57757	Pglyrp2	chr17	32412459	32424219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	63856	Taf8	chr17	47488279	47502321	1482	142	0.095816	1284	95	0.073988	1301	96	0.073789	134	20	0.149254	454	41	0.090308	1375	160	0.116364	1121	61	0.054416	1172	97	0.082765	477	21	0.044025	487	39	0.080082	69	10	0.144928
XR_00395	66931	1700010I1	chr17	8988320	9008318	162	5	0.030864	96	7	0.072917	138	8	0.057971	#N/A	#N/A	#N/A	66	7	0.106061	200	3	0.015	169	4	0.023669	146	2	0.013699	52	1	0.019231	54	2	0.037037	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	68597	Ccdc167	chr17	29699849	29717041	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	85	1	0.011765	#N/A	#N/A	#N/A	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	0	0	20	20	1	54	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	68915	Vars2	chr17	35655656	35667639	2825	146	0.051681	2705	124	0.045841	2508	147	0.058612	784	45	0.057398	1008	86	0.085317	2678	178	0.066468	2363	148	0.062632	2475	167	0.067475	1179	88	0.07464	1204	91	0.075581	118	51	0.432203
XR_00395	68915	Vars2	chr17	35655656	35667639	2825	146	0.051681	2705	124	0.045841	2508	147	0.058612	784	45	0.057398	1008	86	0.085317	2678	178	0.066468	2363	148	0.062632	2475	167	0.067475	1179	88	0.07464	1204	91	0.075581	118	51	0.432203
XR_00395	69192	Dhx16	chr17	35879764	35892670	2122	43	0.020264	2326	39	0.016767	2106	32	0.015195	247	1	0.004049	542	25	0.046125	1947	48	0.024653	2334	38	0.016281	1961	35	0.017848	407	2	0.004914	565	37	0.065487	11	10	0.909091
XR_00395	70351	Ppp4r1	chr17	65782716	65841923	9429	38	0.00403	9556	70	0.007325	9640	66	0.006846	1002	3	0.002994	2139	1	0.000468	9600	73	0.007604	9085	44	0.004843	9390	38	0.004047	2506	8	0.003192	2256	4	0.001773	495	1	0.00202
XR_00395	70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	70785	Dennd1c	chr17	57066051	57078527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	71682	Wdr27	chr17	14829237	14943259	2884	29	0.010055	2415	20	0.008282	2744	28	0.010204	457	1	0.002188	792	12	0.015152	2884	19	0.006588	2600	17	0.006538	2758	24	0.008702	849	6	0.007067	937	7	0.007471	421	2	0.004751
XR_00395	71685	Galnt14	chr17	73493207	73712138	30	22	0.733333	27	19	0.703704	24	13	0.541667	11	9	0.818182	30	19	0.633333	29	18	0.62069	25	13	0.52	11	10	0.909091	13	12	0.923077	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	71810	Ranbp3	chr17	56676799	56711764	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	71810	Ranbp3	chr17	56676766	56711764	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	71810	Ranbp3	chr17	56676782	56711764	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	72167	Thumpd2	chr17	81024247	81065112	2863	230	0.080335	2748	224	0.081514	2941	228	0.077525	311	43	0.138264	978	149	0.152352	2846	164	0.057625	2858	163	0.057033	2704	141	0.052145	881	70	0.079455	1175	158	0.134468	374	53	0.141711
XR_00395	72167	Thumpd2	chr17	81024247	81065086	2863	230	0.080335	2748	224	0.081514	2941	228	0.077525	311	43	0.138264	978	149	0.152352	2846	164	0.057625	2858	163	0.057033	2704	141	0.052145	881	70	0.079455	1175	158	0.134468	374	53	0.141711
XR_00395	72462	Rrp1b	chr17	32036409	32060605	848	268	0.316038	828	147	0.177536	754	195	0.258621	195	11	0.05641	187	92	0.491979	771	225	0.291829	753	167	0.22178	836	180	0.215311	115	10	0.086957	242	121	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	72462	Rrp1b	chr17	32036409	32056615	848	268	0.316038	828	147	0.177536	754	195	0.258621	195	11	0.05641	187	92	0.491979	771	225	0.291829	753	167	0.22178	836	180	0.215311	115	10	0.086957	242	121	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	72836	Pot1b	chr17	55662462	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	72836	Pot1b	chr17	55652952	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	72836	Pot1b	chr17	55664317	55712647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	74011	Slc25a27	chr17	43637739	43667213	1096	6	0.005474	897	8	0.008919	804	5	0.006219	#N/A	#N/A	#N/A	261	4	0.015326	875	3	0.003429	765	3	0.003922	860	9	0.010465	219	2	0.009132	288	1	0.003472	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	227835	Gtdc1	chr2	44564412	44927299	1316	27	0.020517	1284	26	0.020249	1201	30	0.024979	301	1	0.003322	430	15	0.034884	1813	40	0.022063	2160	35	0.016204	1906	27	0.014166	239	0	0	325	0	0	15	14	0.933333
XR_00395	74154	Unkl	chr17	25188362	25234443	2566	14	0.005456	2929	15	0.005121	2986	22	0.007368	374	1	0.002674	1122	7	0.006239	3051	21	0.006883	2880	29	0.010069	2786	24	0.008615	592	2	0.003378	952	5	0.005252	107	0	0
XR_00395	74154	Unkl	chr17	25188361	25234443	2566	14	0.005456	2929	15	0.005121	2986	22	0.007368	374	1	0.002674	1122	7	0.006239	3051	21	0.006883	2880	29	0.010069	2786	24	0.008615	592	2	0.003378	952	5	0.005252	107	0	0
XR_00395	227835	Gtdc1	chr2	44564412	44927674	1316	27	0.020517	1284	26	0.020249	1201	30	0.024979	301	1	0.003322	430	15	0.034884	1825	52	0.028493	2160	35	0.016204	1919	40	0.020844	249	9	0.036145	325	0	0	15	14	0.933333
XR_00395	74196	Ttc27	chr17	74717735	74863570	817	3	0.003672	677	6	0.008863	845	11	0.013018	132	3	0.022727	308	1	0.003247	756	16	0.021164	585	25	0.042735	622	7	0.011254	241	0	0	125	0	0	60	1	0.016667
XR_00395	74196	Ttc27	chr17	74717735	74863570	817	3	0.003672	677	6	0.008863	845	11	0.013018	132	3	0.022727	308	1	0.003247	756	16	0.021164	585	25	0.042735	622	7	0.011254	241	0	0	125	0	0	60	1	0.016667
XR_00395	74762	Mdga1	chr17	29832055	29888583	5833	140	0.024001	5206	105	0.020169	6128	126	0.020561	980	32	0.032653	1556	20	0.012853	5602	101	0.018029	4857	131	0.026971	5369	116	0.021606	1508	27	0.017905	1666	38	0.022809	514	10	0.019455
XR_00395	74762	Mdga1	chr17	29832055	29888583	5833	140	0.024001	5206	105	0.020169	6128	126	0.020561	980	32	0.032653	1556	20	0.012853	5602	101	0.018029	4857	131	0.026971	5369	116	0.021606	1508	27	0.017905	1666	38	0.022809	514	10	0.019455
XR_00395	74762	Mdga1	chr17	29832055	29888583	5833	140	0.024001	5206	105	0.020169	6128	126	0.020561	980	32	0.032653	1556	20	0.012853	5602	101	0.018029	4857	131	0.026971	5369	116	0.021606	1508	27	0.017905	1666	38	0.022809	514	10	0.019455
XR_00395	75202	Spaca6	chr17	17826966	17839071	1345	21	0.015613	1022	13	0.01272	1437	22	0.01531	236	0	0	381	2	0.005249	1408	17	0.012074	1399	9	0.006433	1470	17	0.011565	341	3	0.008798	406	2	0.004926	140	0	0
XR_00395	75202	Spaca6	chr17	17826966	17839071	1345	21	0.015613	1022	13	0.01272	1437	22	0.01531	236	0	0	381	2	0.005249	1408	17	0.012074	1399	9	0.006433	1470	17	0.011565	341	3	0.008798	406	2	0.004926	140	0	0
XR_00395	75202	Spaca6	chr17	17826966	17839064	1345	21	0.015613	1022	13	0.01272	1437	22	0.01531	236	0	0	381	2	0.005249	1408	17	0.012074	1399	9	0.006433	1470	17	0.011565	341	3	0.008798	406	2	0.004926	140	0	0
XR_00395	75202	Spaca6	chr17	17826094	17839071	396	4	0.010101	330	3	0.009091	387	2	0.005168	32	0	0	114	0	0	438	6	0.013699	452	2	0.004425	469	0	0	143	0	0	137	0	0	70	0	0
XR_00395	76441	Daam2	chr17	49473332	49564459	589	85	0.144312	476	53	0.111345	558	72	0.129032	65	0	0	189	41	0.216931	456	118	0.258772	486	92	0.1893	448	51	0.113839	183	40	0.218579	60	0	0	70	20	0.285714
XR_00395	76589	Unc5cl	chr17	48454134	48467554	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	76890	Memo1	chr17	74186764	74295532	4869	33	0.006778	4289	25	0.005829	5092	34	0.006677	909	7	0.007701	1146	7	0.006108	5064	24	0.004739	4262	24	0.005631	5232	37	0.007072	1482	8	0.005398	1511	2	0.001324	143	0	0
XR_00395	77106	Tmem181a	chr17	6256726	6305789	429	17	0.039627	280	19	0.067857	391	13	0.033248	#N/A	#N/A	#N/A	177	2	0.011299	599	36	0.0601	356	29	0.081461	294	11	0.037415	70	8	0.114286	168	16	0.095238	84	8	0.095238
XR_00395	78308	Gpr108	chr17	57234914	57247699	841	3	0.003567	736	5	0.006793	865	1	0.001156	307	1	0.003257	394	2	0.005076	1118	6	0.005367	1044	7	0.006705	984	3	0.003049	322	0	0	270	0	0	165	0	0
XR_00395	78785	Clip4	chr17	71782599	71864091	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XR_00395	78785	Clip4	chr17	71782600	71864090	2664	76	0.028529	2835	67	0.023633	3165	61	0.019273	278	29	0.104317	873	44	0.050401	2839	107	0.037689	2520	258	0.102381	2835	114	0.040212	746	34	0.045576	1002	147	0.146707	33	2	0.060606
XR_00395	115488756	Gm52280	chr17	14277848	14280511	2916	89	0.030521	2500	42	0.0168	2899	45	0.015523	592	10	0.016892	870	7	0.008046	2593	130	0.050135	2318	35	0.015099	2206	78	0.035358	588	20	0.034014	774	16	0.020672	521	14	0.026871
XR_00395	654806	A930029G	chr17	69423126	69440240	2942	68	0.023114	2451	39	0.015912	2689	56	0.020826	568	7	0.012324	1146	16	0.013962	3044	106	0.034823	2850	52	0.018246	2520	80	0.031746	1079	49	0.045412	1041	42	0.040346	471	33	0.070064
XR_00395	115488757	Gm52281	chr17	7802354	7812557	572	540	0.944056	547	514	0.939671	595	564	0.947899	143	141	0.986014	324	306	0.944444	683	618	0.904832	564	491	0.870567	561	494	0.88057	230	182	0.791304	112	97	0.866071	96	93	0.96875
XR_00395	102639077	Gm35477	chr17	65642314	65644492	45	45	1	51	49	0.960784	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	69	66	0.956522	44	37	0.840909	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639077	Gm35477	chr17	65642310	65644492	45	45	1	51	49	0.960784	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	69	66	0.956522	44	37	0.840909	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639077	Gm35477	chr17	65642320	65644492	45	45	1	51	49	0.960784	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	69	66	0.956522	44	37	0.840909	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639077	Gm35477	chr17	65642312	65644492	45	45	1	51	49	0.960784	50	46	0.92	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	69	66	0.956522	44	37	0.840909	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632170	Gm30316	chr17	31736226	31755634	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	47	12	0.255319	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632170	Gm30316	chr17	31735708	31755634	103	97	0.941748	102	86	0.843137	89	82	0.921348	31	29	0.935484	34	30	0.882353	93	76	0.817204	77	72	0.935065	90	83	0.922222	46	38	0.826087	51	47	0.921569	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102635354	Gm32715	chr17	56376183	56388656	128	128	1	128	127	0.992188	60	57	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	150	145	0.966667	70	64	0.914286	114	113	0.991228	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	20	20	1
XR_00395	102635354	Gm32715	chr17	56376183	56388623	128	128	1	128	127	0.992188	60	57	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	150	145	0.966667	70	64	0.914286	114	113	0.991228	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	20	20	1
XR_00395	102637785	Gm34510	chr17	14202493	14212602	1416	76	0.053672	1236	44	0.035599	1405	52	0.037011	472	13	0.027542	641	49	0.076443	1734	153	0.088235	1358	77	0.056701	1340	70	0.052239	630	27	0.042857	734	31	0.042234	154	14	0.090909
XR_00395	102637785	Gm34510	chr17	14202947	14212602	3186	101	0.031701	3232	68	0.02104	3622	91	0.025124	970	16	0.016495	1209	52	0.043011	3901	212	0.054345	3290	121	0.036778	3505	132	0.03766	1291	41	0.031758	1480	47	0.031757	525	22	0.041905
XR_00395	115488766	Gm52283	chr17	45625763	45626951	182	126	0.692308	165	110	0.666667	170	101	0.594118	26	24	0.923077	48	26	0.541667	163	116	0.711656	96	52	0.541667	165	117	0.709091	47	26	0.553191	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632541	LOC10263	chr17	87364130	87376459	434	357	0.822581	462	391	0.84632	426	365	0.856808	86	77	0.895349	123	115	0.934959	431	322	0.7471	430	320	0.744186	480	355	0.739583	117	83	0.709402	163	134	0.822086	78	72	0.923077
XR_00395	115488767	Gm52284	chr17	87301381	87307014	101	63	0.623762	86	48	0.55814	129	76	0.589147	50	37	0.74	88	61	0.693182	184	115	0.625	158	116	0.734177	170	108	0.635294	60	40	0.666667	78	58	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488768	Gm52285	chr17	23789620	23803772	2930	70	0.023891	2406	22	0.009144	2773	34	0.012261	463	9	0.019438	1347	14	0.010393	3324	32	0.009627	2855	49	0.017163	2915	33	0.011321	876	7	0.007991	1068	20	0.018727	319	5	0.015674
XR_00395	115488768	Gm52285	chr17	23789620	23791289	450	9	0.02	300	10	0.033333	299	15	0.050167	20	0	0	68	6	0.088235	428	9	0.021028	251	11	0.043825	219	14	0.063927	40	0	0	62	6	0.096774	33	1	0.030303
XR_00395	105246234	Gm41546	chr17	23967265	23977716	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	34	0.68	28	16	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636304	Gm33409	chr17	24141563	24142598	1506	5	0.00332	1553	8	0.005151	1497	14	0.009352	257	0	0	506	1	0.001976	1530	14	0.00915	1642	8	0.004872	2280	5	0.002193	334	0	0	347	1	0.002882	119	0	0
XR_00395	115488769	LOC11548	chr17	24550484	24563539	3892	45	0.011562	3678	40	0.010875	4024	81	0.020129	676	4	0.005917	1139	20	0.017559	4574	52	0.011369	3501	96	0.027421	3575	59	0.016503	933	7	0.007503	1458	17	0.01166	120	0	0
XR_00395	115488770	Gm52286	chr17	25188054	25189470	2163	177	0.081831	2075	157	0.075663	2361	156	0.066074	251	33	0.131474	742	80	0.107817	2484	177	0.071256	1935	162	0.083721	2112	205	0.097064	585	64	0.109402	825	39	0.047273	69	6	0.086957
XR_00395	105246293	Gm41597	chr17	50234382	50235904	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637462	Gm34265	chr17	82939877	82956487	90	83	0.922222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	96	77	0.802083	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102631899	Gm30117	chr17	85892675	85928601	72	23	0.319444	54	10	0.185185	62	18	0.290323	36	13	0.361111	54	27	0.5	78	41	0.525641	80	32	0.4	57	15	0.263158	56	22	0.392857	52	18	0.346154	22	15	0.681818
XR_00395	105246286	Gm41590	chr17	47539141	47546357	749	671	0.895861	739	674	0.912043	665	594	0.893233	144	136	0.944444	353	330	0.934844	739	667	0.902571	557	503	0.903052	703	587	0.834993	234	196	0.837607	320	260	0.8125	60	49	0.816667
XR_00395	108168346	Gm46601	chr17	47925474	47926839	463	278	0.600432	446	254	0.569507	488	226	0.463115	67	22	0.328358	139	84	0.604317	451	247	0.547672	333	194	0.582583	448	249	0.555804	166	81	0.487952	112	62	0.553571	20	8	0.4
XR_00395	102638172	Gm34799	chr17	9844708	9906814	107	29	0.271028	71	22	0.309859	82	24	0.292683	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	170	67	0.394118	128	55	0.429688	105	50	0.47619	#N/A	#N/A	#N/A	13	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638814	Gm35290	chr17	28001065	28007280	1481	564	0.380824	1225	356	0.290612	1420	610	0.429577	293	103	0.351536	400	190	0.475	1653	715	0.432547	1333	628	0.471118	1443	822	0.569647	287	202	0.703833	510	300	0.588235	79	49	0.620253
XR_00395	115488771	Gm52287	chr17	9160270	9169875	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	22	18	0.818182	11	11	1	42	33	0.785714	54	44	0.814815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115486030	Gm51424	chr17	9420247	9576347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488772	Gm4718	chr17	85799724	85821401	2051	70	0.03413	1466	49	0.033424	1944	56	0.028807	287	6	0.020906	541	24	0.044362	2210	98	0.044344	1735	64	0.036888	1391	58	0.041697	573	16	0.027923	690	24	0.034783	159	5	0.031447
XR_00395	115488772	Gm4718	chr17	85799742	85821401	2073	77	0.037144	1494	49	0.032798	1968	56	0.028455	287	6	0.020906	541	24	0.044362	2245	107	0.047661	1757	68	0.038702	1415	60	0.042403	573	16	0.027923	710	28	0.039437	159	5	0.031447
XR_00395	115488772	Gm4718	chr17	85799724	85821394	2051	70	0.03413	1466	49	0.033424	1944	56	0.028807	287	6	0.020906	541	24	0.044362	2210	98	0.044344	1735	64	0.036888	1391	58	0.041697	573	16	0.027923	690	24	0.034783	159	5	0.031447
XR_00395	115488772	Gm4718	chr17	85800038	85821401	2650	149	0.056226	2136	99	0.046348	2697	113	0.041898	392	14	0.035714	766	50	0.065274	2868	254	0.088563	2233	120	0.053739	1995	157	0.078697	756	45	0.059524	854	52	0.06089	159	5	0.031447
XR_00395	115488772	Gm4718	chr17	85800023	85821401	2650	149	0.056226	2136	99	0.046348	2697	113	0.041898	392	14	0.035714	766	50	0.065274	2868	254	0.088563	2233	120	0.053739	1995	157	0.078697	756	45	0.059524	854	52	0.06089	159	5	0.031447
XR_00395	115488772	Gm4718	chr17	85800036	85821401	2650	149	0.056226	2136	99	0.046348	2697	113	0.041898	392	14	0.035714	766	50	0.065274	2868	254	0.088563	2233	120	0.053739	1995	157	0.078697	756	45	0.059524	854	52	0.06089	159	5	0.031447
XR_00395	115488773	LOC11548	chr17	26851236	26858349	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XR_00395	102636964	Gm33889	chr17	13991607	13998962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488774	Gm50050	chr17	32860025	32864877	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488775	Gm52288	chr17	33140031	33144038	587	504	0.858603	467	402	0.860814	577	507	0.878683	116	93	0.801724	302	249	0.824503	607	468	0.771005	477	387	0.811321	453	345	0.761589	264	230	0.871212	212	119	0.561321	76	69	0.907895
XR_00395	228012	Tlk1	chr2	70712407	70825816	5353	45	0.008407	4561	14	0.00307	5719	33	0.00577	671	4	0.005961	1084	2	0.001845	6194	36	0.005812	5474	40	0.007307	5202	39	0.007497	962	1	0.00104	1233	6	0.004866	136	1	0.007353
XR_00395	115488776	Gm52289	chr17	80232668	80242303	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488776	Gm52289	chr17	80232668	80242303	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637715	Gm34455	chr17	26467654	26504347	497	101	0.203219	428	119	0.278037	517	120	0.232108	170	36	0.211765	194	49	0.252577	725	131	0.18069	515	127	0.246602	582	95	0.16323	179	27	0.150838	195	24	0.123077	100	29	0.29
XR_00395	102637715	Gm34455	chr17	26467654	26504347	497	101	0.203219	428	119	0.278037	517	120	0.232108	170	36	0.211765	194	49	0.252577	725	131	0.18069	515	127	0.246602	582	95	0.16323	179	27	0.150838	195	24	0.123077	100	29	0.29
XR_00395	115488777	Gm52290	chr17	21473814	21480620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246223	Gm26873	chr17	17393849	17396693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488778	Gm52291	chr17	62059832	62060950	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488779	Gm52292	chr17	83525269	83541731	88	55	0.625	48	41	0.854167	86	75	0.872093	#N/A	#N/A	#N/A	45	16	0.355556	78	65	0.833333	62	46	0.741935	32	31	0.96875	50	25	0.5	81	27	0.333333	20	19	0.95
XR_00395	102639507	Gm16168	chr17	10493198	10569457	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102639507	Gm16168	chr17	10493199	10569457	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	108168354	Gm46604	chr17	11960121	11986895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	26	19	0.730769	20	14	0.7	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	108168354	Gm46604	chr17	11960121	11986895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	26	19	0.730769	20	14	0.7	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	108168354	Gm46604	chr17	11960121	11986895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	26	19	0.730769	20	14	0.7	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	108168354	Gm46604	chr17	11960121	11986895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	26	19	0.730769	20	14	0.7	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488780	Gm52293	chr17	12026522	12031165	304	201	0.661184	296	183	0.618243	309	197	0.63754	90	65	0.722222	182	113	0.620879	360	239	0.663889	239	156	0.65272	254	169	0.665354	117	57	0.487179	157	99	0.630573	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246193	Gm41526	chr17	11123225	11133895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246193	Gm41526	chr17	11123225	11133895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246193	Gm41526	chr17	11123225	11133895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488781	Gm52294	chr17	10509638	10551918	271	251	0.926199	120	114	0.95	175	165	0.942857	44	40	0.909091	131	117	0.89313	290	255	0.87931	236	204	0.864407	262	221	0.843511	67	63	0.940299	99	88	0.888889	49	37	0.755102
XR_00395	624086	A230045G	chr17	3104550	3115284	5994	33	0.005506	5682	25	0.0044	6422	31	0.004827	1125	0	0	2024	6	0.002964	6020	41	0.006811	5309	32	0.006028	5340	41	0.007678	1740	7	0.004023	2135	8	0.003747	686	1	0.001458
XR_00395	624086	A230045G	chr17	3104550	3115284	5994	33	0.005506	5682	25	0.0044	6422	31	0.004827	1125	0	0	2024	6	0.002964	6020	41	0.006811	5309	32	0.006028	5340	41	0.007678	1740	7	0.004023	2135	8	0.003747	686	1	0.001458
XR_00395	624086	A230045G	chr17	3098922	3115284	5994	33	0.005506	5682	25	0.0044	6422	31	0.004827	1125	0	0	2024	6	0.002964	6020	41	0.006811	5309	32	0.006028	5340	41	0.007678	1740	7	0.004023	2135	8	0.003747	686	1	0.001458
XR_00395	624086	A230045G	chr17	3099411	3115284	5994	33	0.005506	5682	25	0.0044	6422	31	0.004827	1125	0	0	2024	6	0.002964	6020	41	0.006811	5309	32	0.006028	5340	41	0.007678	1740	7	0.004023	2135	8	0.003747	686	1	0.001458
XR_00395	624086	A230045G	chr17	3112338	3115284	5994	33	0.005506	5682	25	0.0044	6422	31	0.004827	1125	0	0	2024	6	0.002964	6020	41	0.006811	5309	32	0.006028	5340	41	0.007678	1740	7	0.004023	2135	8	0.003747	686	1	0.001458
XR_00395	624086	A230045G	chr17	3098922	3115284	5994	33	0.005506	5682	25	0.0044	6422	31	0.004827	1125	0	0	2024	6	0.002964	6020	41	0.006811	5309	32	0.006028	5340	41	0.007678	1740	7	0.004023	2135	8	0.003747	686	1	0.001458
XR_00395	102637151	Gm34035	chr17	3270620	3283309	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637151	Gm34035	chr17	3270620	3278424	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637151	Gm34035	chr17	3270620	3276739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488783	Gm52295	chr17	3403364	3408334	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	228026	Pdk1	chr2	71873215	71903847	1355	7	0.005166	1236	6	0.004854	1116	8	0.007168	40	0	0	412	0	0	1616	3	0.001856	1357	14	0.010317	1431	6	0.004193	280	0	0	149	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488785	Gm52296	chr17	86228152	86243306	159	126	0.792453	137	122	0.890511	107	94	0.878505	33	28	0.848485	255	198	0.776471	159	93	0.584906	136	101	0.742647	199	162	0.81407	65	49	0.753846	135	95	0.703704	79	61	0.772152
XR_00395	115488786	Gm52297	chr17	86669604	86678558	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488786	Gm52297	chr17	86669604	86679027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640138	Gm36277	chr17	13132616	13144744	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102638174	Gm34801	chr17	83555639	83567901	41	18	0.439024	13	4	0.307692	15	3	0.2	10	2	0.2	48	19	0.395833	30	12	0.4	35	12	0.342857	11	3	0.272727	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909
XR_00395	102638174	Gm34801	chr17	83555639	83567901	41	18	0.439024	13	4	0.307692	15	3	0.2	10	2	0.2	48	19	0.395833	30	12	0.4	35	12	0.342857	11	3	0.272727	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909
XR_00395	102638174	Gm34801	chr17	83555639	83567901	41	18	0.439024	13	4	0.307692	15	3	0.2	10	2	0.2	48	19	0.395833	30	12	0.4	35	12	0.342857	11	3	0.272727	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909
XR_00395	102638174	Gm34801	chr17	83555639	83567901	41	18	0.439024	13	4	0.307692	15	3	0.2	10	2	0.2	48	19	0.395833	30	12	0.4	35	12	0.342857	11	3	0.272727	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909
XR_00395	102638174	Gm34801	chr17	83555639	83567901	41	18	0.439024	13	4	0.307692	15	3	0.2	10	2	0.2	48	19	0.395833	30	12	0.4	35	12	0.342857	11	3	0.272727	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909
XR_00395	213781	Gm4786	chr17	16542525	16558088	132	113	0.856061	107	93	0.869159	177	162	0.915254	#N/A	#N/A	#N/A	115	104	0.904348	96	63	0.65625	63	44	0.698413	119	97	0.815126	46	29	0.630435	11	7	0.636364	46	29	0.630435
XR_00395	105246219	Gm41532	chr17	15080746	15086266	147	142	0.965986	111	109	0.981982	128	123	0.960938	51	51	1	39	39	1	156	148	0.948718	130	115	0.884615	98	87	0.887755	46	37	0.804348	45	41	0.911111	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633401	Gm31235	chr17	74055754	74079075	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633401	Gm31235	chr17	74055754	74080909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633401	Gm31235	chr17	74055754	74079075	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633401	Gm31235	chr17	74055754	74080909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633401	Gm31235	chr17	74055754	74079495	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115488788	Gm52299	chr17	74268291	74276013	60	59	0.983333	88	86	0.977273	60	59	0.983333	#N/A	#N/A	#N/A	70	67	0.957143	26	26	1	62	59	0.951613	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633946	Gm31645	chr17	74519663	74528200	5389	38	0.007051	5820	41	0.007045	5927	40	0.006749	529	2	0.003781	1653	4	0.00242	5583	34	0.00609	4826	32	0.006631	5644	37	0.006556	1382	5	0.003618	1581	6	0.003795	133	0	0
XR_00395	105246320	Gm26637	chr17	78881892	78892502	956	5	0.00523	925	8	0.008649	1056	6	0.005682	186	1	0.005376	548	3	0.005474	803	7	0.008717	1017	8	0.007866	904	0	0	315	1	0.003175	307	2	0.006515	101	0	0
XR_00395	105246320	Gm26637	chr17	78881890	78892502	956	5	0.00523	925	8	0.008649	1056	6	0.005682	186	1	0.005376	548	3	0.005474	803	7	0.008717	1017	8	0.007866	904	0	0	315	1	0.003175	307	2	0.006515	101	0	0
XR_00395	105246320	Gm26637	chr17	78881889	78892502	956	5	0.00523	925	8	0.008649	1056	6	0.005682	186	1	0.005376	548	3	0.005474	803	7	0.008717	1017	8	0.007866	904	0	0	315	1	0.003175	307	2	0.006515	101	0	0
XR_00395	105246321	Gm41622	chr17	78983908	79001618	32	7	0.21875	39	10	0.25641	15	2	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	23	6	0.26087	40	10	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246321	Gm41622	chr17	78983933	78993715	32	7	0.21875	39	10	0.25641	15	2	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	23	6	0.26087	40	10	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246321	Gm41622	chr17	78983933	79001618	32	7	0.21875	39	10	0.25641	15	2	0.133333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	23	6	0.26087	40	10	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	74972	4930500A	chr17	84545943	84552558	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	74972	4930500A	chr17	84542552	84552541	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	101055693	Gm29711	chr17	9115519	9118419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637380	Gm34208	chr17	3663658	3671660	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246172	Gm41506	chr17	28528745	28530757	766	560	0.73107	821	613	0.74665	861	641	0.744483	#N/A	#N/A	#N/A	371	271	0.730458	647	489	0.755796	749	509	0.679573	798	492	0.616541	170	148	0.870588	312	202	0.647436	11	11	1
XR_00395	105246172	Gm41506	chr17	28528745	28533727	66	62	0.939394	90	81	0.9	124	114	0.919355	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	155	134	0.864516	134	129	0.962687	90	84	0.933333	40	35	0.875	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105246172	Gm41506	chr17	28528745	28530761	766	560	0.73107	821	613	0.74665	861	641	0.744483	#N/A	#N/A	#N/A	371	271	0.730458	647	489	0.755796	749	509	0.679573	798	492	0.616541	170	148	0.870588	312	202	0.647436	11	11	1
XR_00395	105246172	Gm41506	chr17	28528745	28533382	203	174	0.857143	280	236	0.842857	307	264	0.859935	20	18	0.9	34	29	0.852941	329	258	0.784195	289	251	0.868512	246	187	0.760163	84	69	0.821429	69	59	0.855072	#N/A	#N/A	#N/A



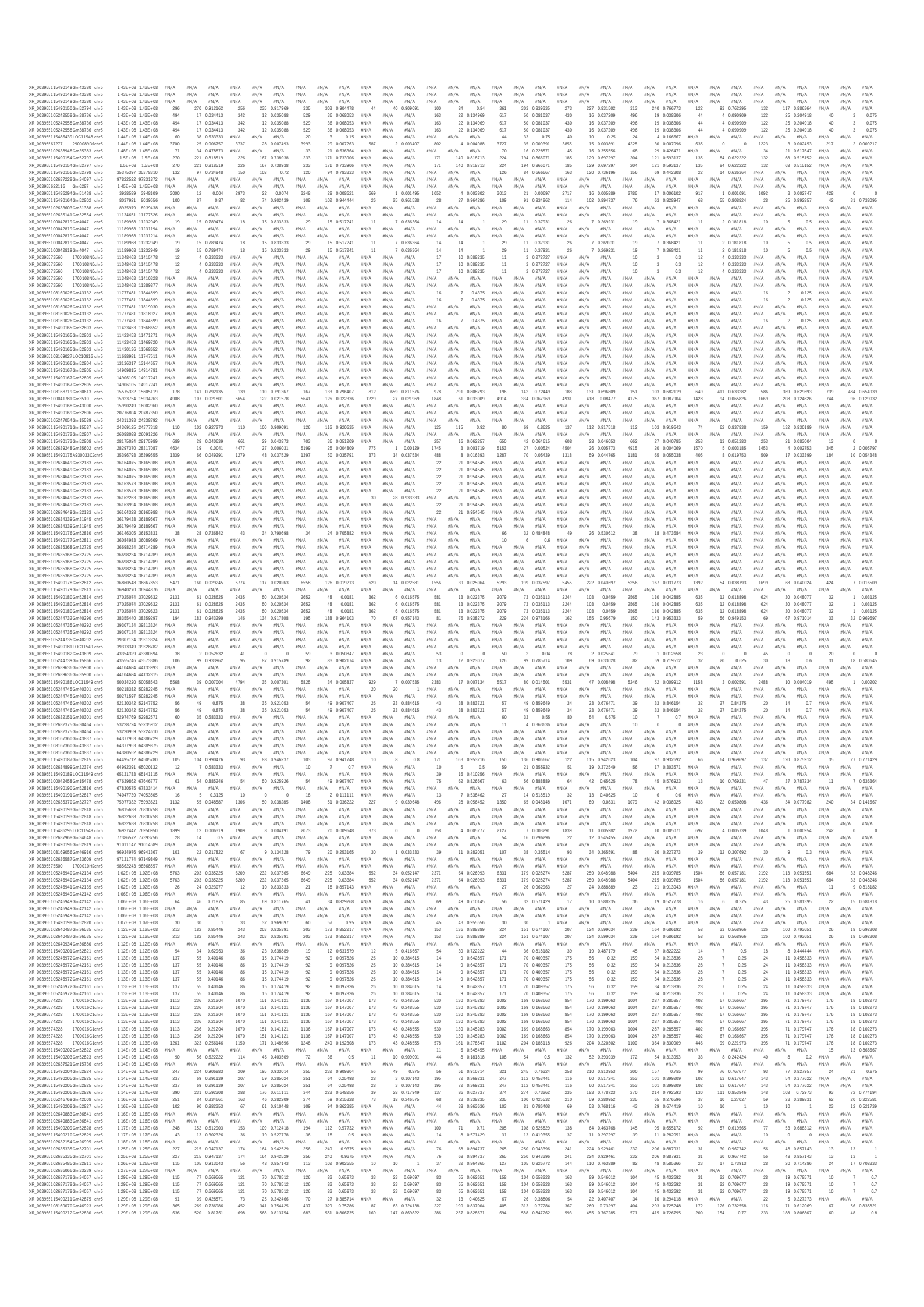


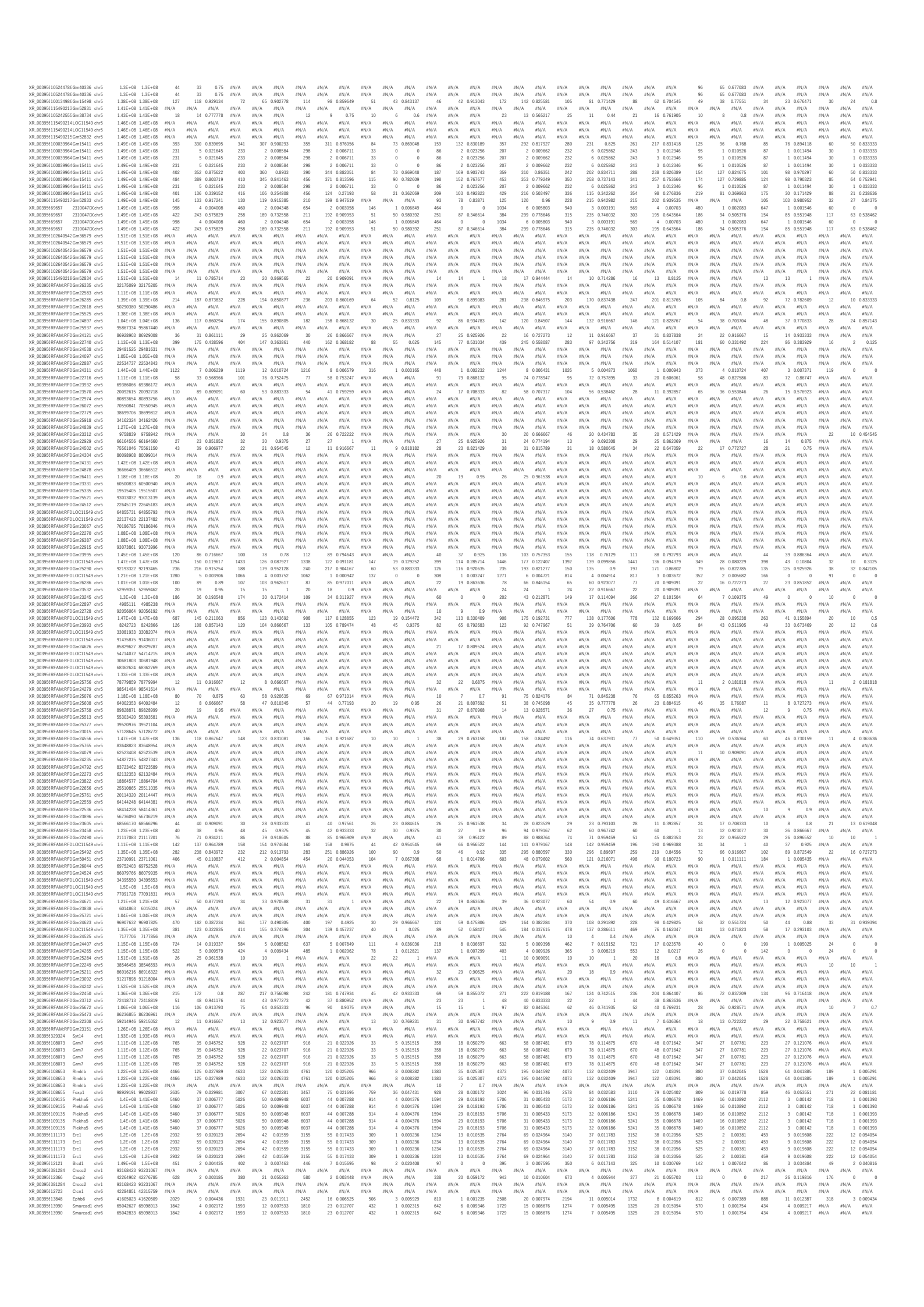
XR_00395	102640827	Gm36803	chr2	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640827	Gm36803	chr2	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640827	Gm36803	chr2	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640827	Gm36803	chr2	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640827	Gm36803	chr2	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	68941	1110018N	chr2	1.67E+08	1.67E+08	5364	105	0.019575	4948	88	0.017785	5181	75	0.014476	617	5	0.008104	1317	24	0.018223	4603	91	0.01977	4096	89	0.021729	4833	104	0.021519	872	25	0.02867	839	23	0.027414	121	1	0.008264
XR_00395	68941	1110018N	chr2	1.67E+08	1.67E+08	6348	666	0.104915	6014	604	0.100432	6196	520	0.083925	934	197	0.210921	1909	312	0.163436	5378	744	0.138341	4689	431	0.091917	5153	515	0.099942	1320	194	0.14697	1296	379	0.292438	145	13	0.089655
XR_00395	115489538	Gm52568	chr2	1.67E+08	1.67E+08	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	1	0.016667	60	5	0.083333	32	2	0.0625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489539	Gm52569	chr2	1.67E+08	1.67E+08	275	177	0.643636	138	92	0.666667	199	138	0.693467	47	36	0.765957	158	122	0.772152	227	137	0.603524	124	56	0.451613	213	120	0.56338	90	44	0.488889	142	72	0.507042	23	14	0.608696
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633905	Gm31619	chr2	1.68E+08	1.68E+08	57	36	0.631579	50	35	0.7	82	60	0.731707	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	56	26	0.464286	85	53	0.623529	92	52	0.565217	13	7	0.538462	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489540	Gm52570	chr2	1.68E+08	1.68E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1113	11	0.009883	1314	17	0.012938	1348	7	0.005193	79	0	0	108	1	0.009259	1258	9	0.007154	1137	5	0.004398	1318	13	0.009863	217	3	0.013825	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1113	11	0.009883	1314	17	0.012938	1348	7	0.005193	79	0	0	108	1	0.009259	1258	9	0.007154	1137	5	0.004398	1318	13	0.009863	217	3	0.013825	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	102634786	Gm32287	chr2	1.68E+08	1.68E+08	1205	79	0.06556	1354	50	0.036928	1413	61	0.043171	79	0	0	108	1	0.009259	1347	66	0.048998	1209	62	0.051282	1375	51	0.037091	247	32	0.129555	249	2	0.008032	52	0	0
XR_00395	115489541	Gm33033	chr2	1.68E+08	1.68E+08	296	147	0.496622	236	110	0.466102	255	114	0.447059	64	29	0.453125	125	58	0.464	289	124	0.429066	273	140	0.512821	261	151	0.578544	99	51	0.515152	120	51	0.425	48	18	0.375
XR_00395	115489543	Gm52571	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489544	Gm52572	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102633156	Gm4631	chr2	1.75E+08	1.75E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	628110	Gm14408	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	628110	Gm14408	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489545	LOC11548	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489546	Gm14413	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489546	Gm14413	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489546	Gm14413	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489547	LOC11548	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489547	LOC11548	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489549	Gm52573	chr2	1.78E+08	1.78E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489550	Gm52574	chr2	1.77E+08	1.77E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489553	Gm52576	chr2	47829193	47834163	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105244304	Gm14100	chr2	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489556	Gm52577	chr2	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489557	Gm1330	chr2	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105244422	Gm40031	chr2	1.79E+08	1.79E+08	12	6	0.5	35	5	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	6	0.214286	30	7	0.233333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22975	chr2	74624642	74624748	54	48	0.888889	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	25	0.806452	32	29	0.90625	28	22	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23970	chr2	20280519	20280625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	36	22	0.611111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25081	chr2	38480341	38480445	116	106	0.913793	100	96	0.96	177	169	0.954802	53	51	0.962264	75	69	0.92	168	154	0.916667	136	125	0.919118	108	93	0.861111	13	8	0.615385	59	54	0.915254	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24461	chr2	80558685	80558787	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22245	chr2	1.33E+08	1.33E+08	56	23	0.410714	10	6	0.6	15	12	0.8	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	72	42	0.583333	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22572	chr2	25208623	25208727	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	28	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25147	chr2	18158687	18158791	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25879	chr2	1.82E+08	1.82E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24892	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23463	chr2	1.58E+08	1.58E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23390	chr2	91200164	91200267	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25881	chr2	1.64E+08	1.64E+08	332	278	0.837349	211	178	0.843602	240	204	0.85	33	29	0.878788	106	93	0.877358	418	362	0.866029	255	215	0.843137	252	201	0.797619	73	67	0.917808	94	78	0.829787	36	33	0.916667
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22675	chr2	28595127	28595230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22606	chr2	79348365	79348467	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24905	chr2	34916250	34916355	949	32	0.03372	833	12	0.014406	903	15	0.016611	144	7	0.048611	460	2	0.004348	1028	8	0.007782	968	8	0.008264	995	20	0.020101	260	1	0.003846	385	3	0.007792	70	0	0
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22708	chr2	1.81E+08	1.81E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23858	chr2	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25898	chr2	53274736	53274841	32	27	0.84375	23	13	0.565217	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	26912530	26912600	1401	58	0.041399	1127	49	0.043478	1290	45	0.034884	327	27	0.082569	625	40	0.064	1598	50	0.031289	1274	45	0.035322	1090	42	0.038532	478	18	0.037657	585	33	0.05641	110	0	0
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	26912218	26912291	1925	58	0.03013	1893	54	0.028526	1881	52	0.027645	388	27	0.069588	753	41	0.054449	2111	51	0.024159	1967	49	0.024911	1947	46	0.023626	544	18	0.033088	758	33	0.043536	185	1	0.005405
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	26912848	26912915	743	53	0.071332	552	48	0.086957	649	43	0.066256	74	26	0.351351	248	37	0.149194	876	44	0.050228	643	33	0.051322	608	41	0.067434	214	18	0.084112	129	31	0.24031	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.58E+08	1.58E+08	792	45	0.056818	510	30	0.058824	456	17	0.037281	158	11	0.06962	302	17	0.056291	916	49	0.053493	556	35	0.06295	538	22	0.040892	194	9	0.046392	317	14	0.044164	91	0	0
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.58E+08	1.58E+08	185	168	0.908108	113	98	0.867257	160	137	0.85625	#N/A	#N/A	#N/A	78	71	0.910256	158	134	0.848101	153	123	0.803922	125	100	0.8	116	98	0.844828	82	72	0.878049	10	4	0.4
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25129	chr2	1.58E+08	1.58E+08	39	30	0.769231	31	24	0.774194	54	43	0.796296	#N/A	#N/A	#N/A	38	34	0.894737	26	19	0.730769	41	31	0.756098	51	37	0.72549	26	23	0.884615	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.58E+08	1.58E+08	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	33	28	0.848485	#N/A	#N/A	#N/A	64	51	0.796875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	39	33	0.846154	39	35	0.897436	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	65143914	65143972	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	76684172	76684230	99	91	0.919192	87	85	0.977011	82	75	0.914634	12	12	1	78	75	0.961538	57	50	0.877193	53	45	0.849057	48	36	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	66	55	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm27343	chr2	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23969	chr2	26911261	26911334	1861	9	0.004836	1811	6	0.003313	1817	11	0.006054	344	1	0.002907	697	5	0.007174	2021	9	0.004453	1905	22	0.011549	1867	10	0.005356	510	2	0.003922	700	3	0.004286	185	1	0.005405
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22192	chr2	32221970	32222054	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	10	9	0.9	94	91	0.968085	15	12	0.8	20	16	0.8	52	52	1	10	10	1	88	85	0.965909	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25632	chr2	32225653	32225737	160	136	0.85	188	125	0.664894	241	181	0.751037	27	26	0.962963	59	56	0.949153	155	144	0.929032	128	118	0.921875	115	111	0.965217	46	45	0.978261	57	54	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26165	chr2	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22334	chr2	1.56E+08	1.56E+08	88	86	0.977273	84	79	0.940476	98	94	0.959184	#N/A	#N/A	#N/A	45	43	0.955556	89	87	0.977528	60	57	0.95	74	71	0.959459	38	36	0.947368	40	40	1	27	26	0.962963
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26489	chr2	1.71E+08	1.71E+08	36	27	0.75	91	61	0.67033	51	39	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A	96	61	0.635417	61	45	0.737705	51	29	0.568627	61	21	0.344262	51	18	0.352941	61	23	0.377049	34	11	0.323529
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23877	chr2	11014762	11014890	161	122	0.757764	156	119	0.762821	98	79	0.806122	20	16	0.8	115	89	0.773913	158	106	0.670886	179	102	0.569832	152	100	0.657895	114	72	0.631579	48	27	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24165	chr2	32831989	32832116	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	32675109	32675245	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22652	chr2	80850288	80850418	25	25	1	31	30	0.967742	25	24	0.96	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	25	22	0.88	27	20	0.740741	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	23	19	0.826087	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25857	chr2	1.2E+08	1.2E+08	3941	50	0.012687	4230	42	0.009929	4423	65	0.014696	323	1	0.003096	1326	15	0.011312	4067	31	0.007622	4049	32	0.007903	4480	46	0.010268	1134	13	0.011464	1784	11	0.006166	176	7	0.039773
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22704	chr2	1.68E+08	1.68E+08	220	141	0.640909	101	67	0.663366	118	52	0.440678	10	1	0.1	86	45	0.523256	130	66	0.507692	132	67	0.507576	108	39	0.361111	81	55	0.679012	79	52	0.658228	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22813	chr2	1.07E+08	1.07E+08	32	29	0.90625	10	8	0.8	43	39	0.906977	14	14	1	10	8	0.8	49	41	0.836735	20	19	0.95	44	37	0.840909	11	11	1	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25388	chr2	57653665	57653822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25215	chr2	49398395	49398515	56	52	0.928571	71	56	0.788732	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	86	75	0.872093	81	56	0.691358	63	52	0.825397	54	43	0.796296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22889	chr2	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.3E+08	1.3E+08	1593	8	0.005022	1309	2	0.001528	1431	11	0.007687	237	0	0	764	0	0	1439	10	0.006949	1268	2	0.001577	1316	8	0.006079	445	0	0	715	1	0.001399	131	0	0
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22298	chr2	54100430	54100562	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23598	chr2	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23546	chr2	33211805	33211941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	45	0.865385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23716	chr2	85420137	85420280	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.16E+08	1.16E+08	22	22	1	20	19	0.95	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	40044069	40044213	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	74505876	74506016	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	39299240	39299384	42	33	0.785714	44	32	0.727273	47	35	0.744681	#N/A	#N/A	#N/A	32	27	0.84375	28	21	0.75	27	18	0.666667	13	9	0.692308	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.47E+08	1.47E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25189	chr2	1.17E+08	1.17E+08	90	81	0.9	105	94	0.895238	105	98	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	105	94	0.895238	96	96	1	99	85	0.858586	107	99	0.925234	36	34	0.944444	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.08E+08	1.08E+08	18	6	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	3	0.214286	16	7	0.4375	28	7	0.25	14	3	0.214286	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	85228110	85228250	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23439	chr2	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24350	chr2	42809035	42809166	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23749	chr2	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26396	chr2	94792205	94792336	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22439	chr2	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25407	chr2	1.58E+08	1.58E+08	122	86	0.704918	110	91	0.827273	128	95	0.742188	26	21	0.807692	54	46	0.851852	126	80	0.634921	147	102	0.693878	116	73	0.62931	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25090	chr2	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23608	chr2	10075653	10075780	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26422	chr2	61280278	61280409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26421	chr2	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24473	chr2	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25420	chr2	80707589	80707715	15	10	0.666667	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24318	chr2	94621958	94622088	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24670	chr2	19691288	19691419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22936	chr2	1.63E+08	1.63E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22020	chr2	62802489	62802624	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25214	chr2	1.69E+08	1.69E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24665	chr2	1.3E+08	1.3E+08	23	23	1	28	23	0.821429	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	12	11	0.916667	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23328	chr2	67420031	67420162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24467	chr2	40298517	40298642	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22187	chr2	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25308	chr2	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23261	chr2	1.51E+08	1.51E+08	425	410	0.964706	425	407	0.957647	505	485	0.960396	82	79	0.963415	280	264	0.942857	452	440	0.973451	295	254	0.861017	334	304	0.91018	147	140	0.952381	250	210	0.84	76	68	0.894737
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24077	chr2	1.51E+08	1.51E+08	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	12	6	0.5	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24868	chr2	1.51E+08	1.51E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24199	chr2	1.51E+08	1.51E+08	278	250	0.899281	283	261	0.922261	344	314	0.912791	#N/A	#N/A	#N/A	47	40	0.851064	295	249	0.844068	204	182	0.892157	194	147	0.757732	74	59	0.797297	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22501	chr2	1.04E+08	1.04E+08	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	18	16	0.888889	17	10	0.588235	16	2	0.125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23005	chr2	1.51E+08	1.51E+08	97	93	0.958763	68	60	0.882353	97	88	0.907216	#N/A	#N/A	#N/A	71	62	0.873239	105	96	0.914286	84	75	0.892857	89	77	0.865169	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	44	39	0.886364
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22313	chr2	97237818	97237946	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22517	chr2	1.51E+08	1.51E+08	181	156	0.861878	90	77	0.855556	57	46	0.807018	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	117	99	0.846154	65	57	0.876923	#N/A	#N/A	#N/A	50	39	0.78	26	16	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	47257851	47257978	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23201	chr2	1.67E+08	1.67E+08	2550	43	0.016863	2623	92	0.035074	2990	92	0.030769	425	16	0.037647	970	34	0.035052	3355	115	0.034277	2528	56	0.022152	2496	75	0.030048	1077	18	0.016713	1027	23	0.022395	250	2	0.008
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.67E+08	1.67E+08	6161	39	0.00633	6295	73	0.011597	6733	52	0.007723	1004	5	0.00498	1886	21	0.011135	7401	57	0.007702	5932	40	0.006743	6159	36	0.005845	1739	10	0.00575	2361	19	0.008047	498	2	0.004016
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23505	chr2	51493653	51493793	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr2	32865046	32865167	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22516	chr2	31189691	31189813	66	61	0.924242	92	86	0.934783	72	71	0.986111	#N/A	#N/A	#N/A	84	82	0.97619	80	78	0.975	66	62	0.939394	64	59	0.921875	42	40	0.952381	52	49	0.942308	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24644	chr2	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22676	chr2	1.13E+08	1.13E+08	75	6	0.08	48	10	0.208333	98	7	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	97	5	0.051546	102	7	0.068627	77	9	0.116883	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25541	chr2	27539805	27539930	1114	87	0.078097	897	43	0.047938	1038	79	0.076108	178	8	0.044944	645	24	0.037209	1051	86	0.081827	926	69	0.074514	1083	56	0.051708	388	21	0.054124	616	13	0.021104	208	3	0.014423
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25338	chr2	48384219	48384338	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24221	chr2	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23118	chr2	5259929	5260115	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25703	chr2	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22005	chr2	3291378	3291518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26496	chr2	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25583	chr2	1.42E+08	1.42E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22352	chr2	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25516	chr2	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22306	chr2	37282051	37282157	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25258	chr2	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25518	chr2	25006152	25006258	26	25	0.961538	30	29	0.966667	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1	22	20	0.909091	26	22	0.846154	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26127	chr2	39027777	39027883	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23731	chr2	1.03E+08	1.03E+08	35	32	0.914286	12	11	0.916667	32	26	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A	35	30	0.857143	41	36	0.878049	22	15	0.681818	36	25	0.694444	21	19	0.904762	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A





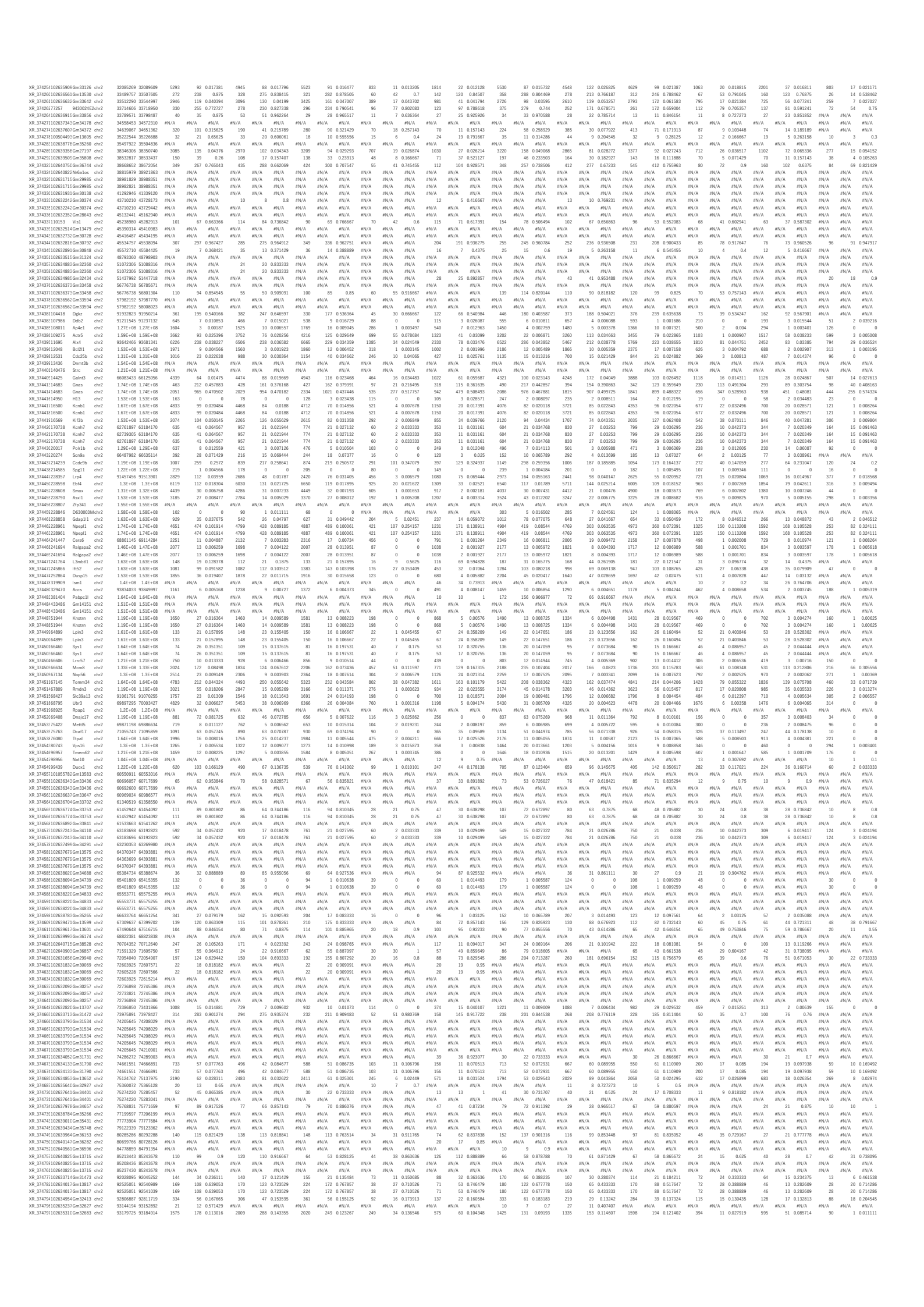
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	21628305	21628451	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	9427732	9427872	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	12686259	12686402	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23738	chr4	68182532	68182702	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr4	1.29E+08	1.29E+08	88	71	0.806818	66	58	0.878788	72	60	0.833333	46	34	0.73913	86	60	0.697674	77	55	0.714286	77	65	0.844156	63	43	0.68254	41	27	0.658537	17	15	0.882353	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	80769116	80769253	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	32	0.969697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25053	chr4	56897626	56897757	48	45	0.9375	14	14	1	49	43	0.877551	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	69	66	0.956522	54	49	0.907407	47	43	0.914894	12	12	1	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26379	chr4	74635219	74635350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26436	chr4	4729573	4729704	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22150	chr4	55469025	55469159	111	87	0.783784	94	66	0.702128	129	94	0.728682	#N/A	#N/A	#N/A	68	53	0.779412	121	87	0.719008	91	66	0.725275	108	72	0.666667	27	20	0.740741	43	35	0.813953	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26144	chr4	56678904	56679035	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25244	chr4	90997862	90997993	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22660	chr4	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24068	chr4	14079809	14079940	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22473	chr4	6634164	6634295	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24376	chr4	44412469	44412595	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25803	chr4	81338274	81338404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24337	chr4	5687677	5687802	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24161	chr4	1.27E+08	1.27E+08	44	34	0.772727	40	32	0.8	36	32	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	42	29	0.690476	#N/A	#N/A	#N/A	21	17	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25485	chr4	50286746	50286877	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23834	chr4	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24125	chr4	3857477	3857613	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	25	0.806452	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24607	chr4	22396570	22396702	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24152	chr4	9695645	9695807	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22497	chr4	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23607	chr4	39295463	39295588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23709	chr4	43136499	43136628	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22781	chr4	3796447	3796583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	65	28	0.430769	60	34	0.566667	110	27	0.245455	75	50	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24117	chr4	62812425	62812560	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25378	chr4	28365316	28365444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25880	chr4	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24170	chr4	73589082	73589214	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25004	chr4	95524044	95524206	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25261	chr4	1.31E+08	1.31E+08	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24869	chr4	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22039	chr4	1.43E+08	1.43E+08	90	77	0.855556	35	17	0.485714	55	33	0.6	13	12	0.923077	40	26	0.65	57	45	0.789474	21	20	0.952381	42	32	0.761905	42	30	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr4	34784987	34785124	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23950	chr4	64444730	64444858	93	90	0.967742	114	107	0.938596	132	116	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	116	101	0.87069	42	38	0.904762	48	36	0.75	54	34	0.62963	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	14	0.466667
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23860	chr4	7820916	7821047	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24977	chr4	25566660	25566822	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24908	chr4	14239618	14239744	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26162	chr4	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25653	chr4	72906201	72906338	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	47	39	0.829787	24	15	0.625	22	9	0.409091	24	13	0.541667	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24177	chr4	54004057	54004187	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26490	chr4	89182993	89183120	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25769	chr4	73114657	73114783	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25938	chr4	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25604	chr4	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	1.08E+08	1.08E+08	120	106	0.883333	132	120	0.909091	157	141	0.898089	10	2	0.2	90	85	0.944444	66	46	0.69697	54	48	0.888889	37	33	0.891892	45	31	0.688889	31	29	0.935484	10	6	0.6
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26047	chr4	1.06E+08	1.06E+08	32	32	1	#N/A	#N/A	#N/A	64	62	0.96875	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	52	46	0.884615	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	41213776	41213853	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24837	chr4	41211502	41211582	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22888	chr4	41203057	41203133	154	134	0.87013	128	115	0.898438	130	123	0.946154	24	22	0.916667	54	45	0.833333	178	164	0.921348	134	132	0.985075	154	134	0.87013	76	65	0.855263	89	83	0.932584	28	26	0.928571
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr4	3835079	3835146	1249	12	0.009608	1083	3	0.00277	1251	13	0.010392	235	0	0	642	41	0.063863	1230	7	0.005691	1287	8	0.006216	1343	16	0.011914	669	28	0.041854	587	61	0.103918	118	36	0.305085
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23405	chr4	1.51E+08	1.51E+08	98	5	0.05102	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	109	5	0.045872	97	1	0.010309	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25124	chr4	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	8	0.571429	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25899	chr4	83527628	83527768	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	12	6	0.5	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	17	0.472222	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25270	chr4	1.34E+08	1.34E+08	56	47	0.839286	54	41	0.759259	67	55	0.820896	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	41	31	0.756098	45	37	0.822222	69	59	0.855072	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23287	chr4	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23143	chr4	1.17E+08	1.17E+08	157	76	0.484076	128	51	0.398438	140	58	0.414286	32	13	0.40625	69	40	0.57971	155	96	0.619355	114	46	0.403509	131	74	0.564885	60	37	0.616667	58	30	0.517241	10	6	0.6
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25099	chr4	1.17E+08	1.17E+08	28	0	0	108	1	0.009259	17	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	64	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24978	chr4	16675923	16676029	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24967	chr4	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22092	chr4	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25173	chr4	27700671	27700777	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26138	chr4	57877389	57877495	132	115	0.871212	104	91	0.875	137	116	0.846715	#N/A	#N/A	#N/A	63	51	0.809524	164	135	0.823171	116	98	0.844828	110	100	0.909091	36	27	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	41	39	0.95122
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23412	chr4	83285804	83285910	82	29	0.353659	106	35	0.330189	113	46	0.40708	22	12	0.545455	33	15	0.454545	103	41	0.398058	139	79	0.568345	110	60	0.545455	56	31	0.553571	50	25	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23148	chr4	62264314	62264420	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	9	0.428571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24317	chr4	15383148	15383254	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25137	chr4	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23138	chr4	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22685	chr4	49289298	49289403	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24448	chr4	63567662	63567766	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	100561	Slc15a4	chr5	1.28E+08	1.28E+08	2120	124	0.058491	1510	33	0.021854	2021	112	0.055418	40	0	0	488	71	0.145492	2082	132	0.063401	1471	66	0.044867	1813	127	0.07005	469	28	0.059701	864	44	0.050926	154	0	0
XR_00395	100561	Slc15a4	chr5	1.28E+08	1.28E+08	2120	124	0.058491	1510	33	0.021854	2021	112	0.055418	40	0	0	488	71	0.145492	2082	132	0.063401	1471	66	0.044867	1813	127	0.07005	469	28	0.059701	864	44	0.050926	154	0	0
XR_00395	100561	Slc15a4	chr5	1.28E+08	1.28E+08	2120	124	0.058491	1510	33	0.021854	2021	112	0.055418	40	0	0	488	71	0.145492	2082	132	0.063401	1471	66	0.044867	1813	127	0.07005	469	28	0.059701	864	44	0.050926	154	0	0
XR_00395	100637	N4bp2l1	chr5	1.51E+08	1.51E+08	364	102	0.28022	290	93	0.32069	352	82	0.232955	60	15	0.25	99	22	0.222222	307	103	0.335505	303	149	0.491749	354	174	0.491525	105	34	0.32381	102	34	0.333333	81	29	0.358025
XR_00395	100637	N4bp2l1	chr5	1.51E+08	1.51E+08	364	102	0.28022	290	93	0.32069	352	82	0.232955	60	15	0.25	99	22	0.222222	307	103	0.335505	303	149	0.491749	354	174	0.491525	105	34	0.32381	102	34	0.333333	81	29	0.358025
XR_00395	100732	Mapre3	chr5	30853804	30866061	32	28	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	11	11	1	45	36	0.8	37	33	0.891892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	100737	Dcun1d4	chr5	73491031	73560794	3406	22	0.006459	2864	24	0.00838	3439	13	0.00378	779	3	0.003851	1346	2	0.001486	4074	32	0.007855	3255	41	0.012596	3447	28	0.008123	843	0	0	1154	2	0.001733	581	2	0.003442
XR_00395	110524	Dgkq	chr5	1.09E+08	1.09E+08	713	1	0.001403	565	3	0.00531	640	3	0.004688	259	2	0.007722	483	1	0.00207	1068	7	0.006554	835	3	0.003593	673	1	0.001486	256	0	0	407	2	0.004914	70	0	0
XR_00395	110524	Dgkq	chr5	1.09E+08	1.09E+08	713	1	0.001403	565	3	0.00531	640	3	0.004688	259	2	0.007722	483	1	0.00207	1068	7	0.006554	835	3	0.003593	673	1	0.001486	256	0	0	407	2	0.004914	70	0	0
XR_00395	114642	Brdt	chr5	1.07E+08	1.07E+08	148	141	0.952703	142	136	0.957746	146	143	0.979452	#N/A	#N/A	#N/A	142	124	0.873239	124	111	0.895161	118	101	0.855932	116	98	0.844828	76	57	0.75	68	59	0.867647	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	114642	Brdt	chr5	1.07E+08	1.07E+08	148	141	0.952703	142	136	0.957746	146	143	0.979452	#N/A	#N/A	#N/A	142	124	0.873239	124	111	0.895161	118	101	0.855932	116	98	0.844828	76	57	0.75	68	59	0.867647	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	114642	Brdt	chr5	1.07E+08	1.07E+08	148	141	0.952703	142	136	0.957746	146	143	0.979452	#N/A	#N/A	#N/A	142	124	0.873239	124	111	0.895161	118	101	0.855932	116	98	0.844828	76	57	0.75	68	59	0.867647	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	114642	Brdt	chr5	1.07E+08	1.07E+08	148	141	0.952703	142	136	0.957746	146	143	0.979452	#N/A	#N/A	#N/A	142	124	0.873239	124	111	0.895161	118	101	0.855932	116	98	0.844828	76	57	0.75	68	59	0.867647	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	12589	Ift81	chr5	1.23E+08	1.23E+08	1600	38	0.02375	1937	33	0.017037	1616	37	0.022896	30	1	0.033333	427	32	0.074941	1431	26	0.018169	1349	29	0.021497	1589	31	0.019509	224	4	0.017857	399	16	0.0401	138	1	0.007246
XR_00395	241066	Carf	chr1	60102406	60153953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	241066	Carf	chr1	60102406	60153953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	13113	Cyp3a13	chr5	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	13852	Stx2	chr5	1.29E+08	1.29E+08	1370	26	0.018978	1433	13	0.009072	1381	6	0.004345	198	0	0	434	8	0.018433	1306	16	0.012251	1214	15	0.012356	1697	12	0.007071	211	5	0.023697	364	5	0.013736	66	1	0.015152
XR_00395	13852	Stx2	chr5	1.29E+08	1.29E+08	1370	26	0.018978	1433	13	0.009072	1381	6	0.004345	198	0	0	434	8	0.018433	1306	16	0.012251	1214	15	0.012356	1697	12	0.007071	211	5	0.023697	364	5	0.013736	66	1	0.015152
XR_00395	14772	Grk4	chr5	34660250	34755305	2284	25	0.010946	1892	24	0.012685	1979	18	0.009096	266	1	0.003759	981	4	0.004077	2565	27	0.010526	1901	19	0.009995	1921	13	0.006767	494	2	0.004049	724	22	0.030387	143	1	0.006993
XR_00395	14772	Grk4	chr5	34660250	34748267	2284	25	0.010946	1892	24	0.012685	1979	18	0.009096	266	1	0.003759	981	4	0.004077	2565	27	0.010526	1901	19	0.009995	1921	13	0.006767	494	2	0.004049	724	22	0.030387	143	1	0.006993
XR_00395	14772	Grk4	chr5	34660250	34752268	2284	25	0.010946	1892	24	0.012685	1979	18	0.009096	266	1	0.003759	981	4	0.004077	2565	27	0.010526	1901	19	0.009995	1921	13	0.006767	494	2	0.004049	724	22	0.030387	143	1	0.006993
XR_00395	14772	Grk4	chr5	34660250	34755305	2284	25	0.010946	1892	24	0.012685	1979	18	0.009096	266	1	0.003759	981	4	0.004077	2565	27	0.010526	1901	19	0.009995	1921	13	0.006767	494	2	0.004049	724	22	0.030387	143	1	0.006993
XR_00395	241116	Cfap65	chr1	74907456	74935626	42	14	0.333333	32	8	0.25	48	15	0.3125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	58	8	0.137931	28	11	0.392857	46	18	0.391304	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	16924	Lnx1	chr5	74597920	74702945	41	24	0.585366	13	0	0	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	58	0	0	53	38	0.716981	93	28	0.301075	58	2	0.034483	45	0	0	58	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	16924	Lnx1	chr5	74597104	74678162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	16924	Lnx1	chr5	74597920	74678162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	170756	Slc8b1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	348	39	0.112069	148	1	0.006757	172	10	0.05814	72	0	0	57	1	0.017544	466	30	0.064378	502	26	0.051793	402	18	0.044776	149	0	0	114	28	0.245614	30	0	0
XR_00395	18764	Pkd2	chr5	1.04E+08	1.05E+08	150	81	0.54	119	68	0.571429	137	88	0.642336	#N/A	#N/A	#N/A	116	86	0.741379	152	63	0.414474	95	20	0.210526	77	24	0.311688	89	29	0.325843	85	35	0.411765	42	9	0.214286
XR_00395	18861	Pms2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1646	34	0.020656	1597	34	0.02129	1619	28	0.017295	355	3	0.008451	657	2	0.003044	1647	29	0.017608	1544	35	0.022668	1531	24	0.015676	323	18	0.055728	789	26	0.032953	30	0	0
XR_00395	18861	Pms2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1660	36	0.021687	1597	34	0.02129	1633	29	0.017759	355	3	0.008451	668	4	0.005988	1663	29	0.017438	1544	35	0.022668	1547	25	0.01616	334	18	0.053892	789	26	0.032953	30	0	0
XR_00395	18861	Pms2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1660	36	0.021687	1597	34	0.02129	1633	29	0.017759	355	3	0.008451	668	4	0.005988	1663	29	0.017438	1544	35	0.022668	1547	25	0.01616	334	18	0.053892	789	26	0.032953	30	0	0
XR_00395	18861	Pms2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1660	36	0.021687	1597	34	0.02129	1633	29	0.017759	355	3	0.008451	668	4	0.005988	1663	29	0.017438	1544	35	0.022668	1547	25	0.01616	334	18	0.053892	789	26	0.032953	30	0	0
XR_00395	18861	Pms2	chr5	1.44E+08	1.44E+08	1660	36	0.021687	1597	34	0.02129	1633	29	0.017759	355	3	0.008451	668	4	0.005988	1663	29	0.017438	1544	35	0.022668	1547	25	0.01616	334	18	0.053892	789	26	0.032953	30	0	0
XR_00395	19079	Prkab1	chr5	1.16E+08	1.16E+08	3180	171	0.053774	3198	193	0.06035	3010	152	0.050498	285	29	0.101754	1143	67	0.058618	3374	157	0.046532	2198	146	0.066424	2851	170	0.059628	810	25	0.030864	906	52	0.057395	318	69	0.216981
XR_00395	192292	Nrbp1	chr5	31228089	31251563	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	19415	Rasal1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	128	93	0.726563	84	54	0.642857	131	100	0.763359	26	24	0.923077	62	48	0.774194	108	90	0.833333	97	57	0.587629	98	71	0.72449	11	10	0.909091	41	21	0.512195	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	19415	Rasal1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	128	93	0.726563	84	54	0.642857	131	100	0.763359	26	24	0.923077	62	48	0.774194	108	90	0.833333	97	57	0.587629	98	71	0.72449	11	10	0.909091	41	21	0.512195	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	19415	Rasal1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	973	32	0.032888	1006	52	0.05169	1032	27	0.026163	132	4	0.030303	405	11	0.02716	1217	63	0.051767	960	38	0.039583	1199	70	0.058382	304	4	0.013158	406	7	0.017241	26	0	0
XR_00395	20239	Atxn2	chr5	1.22E+08	1.22E+08	8816	65	0.007373	8937	71	0.007945	9300	51	0.005484	1531	4	0.002613	1689	6	0.003552	8870	51	0.00575	7177	38	0.005295	9437	72	0.00763	1780	5	0.002809	2463	8	0.003248	209	0	0
XR_00395	245860	Atg9a	chr1	75180863	75192010	1510	6	0.003974	1416	9	0.006356	1828	19	0.010394	180	0	0	672	0	0	1776	14	0.007883	1559	13	0.008339	1541	7	0.004543	281	1	0.003559	738	6	0.00813	142	0	0
XR_00395	20602	Ncor2	chr5	1.25E+08	1.25E+08	4355	83	0.019059	4351	80	0.018387	4884	89	0.018223	553	20	0.036166	1148	32	0.027875	4886	81	0.016578	4056	67	0.016519	4463	67	0.015012	957	4	0.00418	1341	26	0.019389	167	2	0.011976
XR_00395	20602	Ncor2	chr5	1.25E+08	1.25E+08	4355	83	0.019059	4351	80	0.018387	4884	89	0.018223	553	20	0.036166	1148	32	0.027875	4886	81	0.016578	4056	67	0.016519	4463	67	0.015012	957	4	0.00418	1341	26	0.019389	167	2	0.011976
XR_00395	20602	Ncor2	chr5	1.25E+08	1.25E+08	4355	83	0.019059	4351	80	0.018387	4884	89	0.018223	553	20	0.036166	1148	32	0.027875	4886	81	0.016578	4056	67	0.016519	4463	67	0.015012	957	4	0.00418	1341	26	0.019389	167	2	0.011976
XR_00395	20602	Ncor2	chr5	1.25E+08	1.25E+08	4355	83	0.019059	4351	80	0.018387	4884	89	0.018223	553	20	0.036166	1148	32	0.027875	4886	81	0.016578	4056	67	0.016519	4463	67	0.015012	957	4	0.00418	1341	26	0.019389	167	2	0.011976
XR_00395	208144	Dhx37	chr5	1.25E+08	1.25E+08	2389	16	0.006697	2335	12	0.005139	2508	32	0.012759	585	4	0.006838	878	4	0.004556	2453	26	0.010599	2112	18	0.008523	2205	11	0.004989	899	9	0.010011	996	9	0.009036	404	5	0.012376
XR_00395	208908	Ccdc62	chr5	1.24E+08	1.24E+08	2130	144	0.067606	1807	159	0.087991	2148	159	0.074022	418	20	0.047847	969	103	0.106295	1980	137	0.069192	2009	109	0.054256	2053	155	0.075499	662	105	0.15861	815	104	0.127607	433	10	0.023095
XR_00395	208908	Ccdc62	chr5	1.24E+08	1.24E+08	2130	144	0.067606	1807	159	0.087991	2148	159	0.074022	418	20	0.047847	969	103	0.106295	1980	137	0.069192	2009	109	0.054256	2053	155	0.075499	662	105	0.15861	815	104	0.127607	433	10	0.023095
XR_00395	208908	Ccdc62	chr5	1.24E+08	1.24E+08	2130	144	0.067606	1807	159	0.087991	2148	159	0.074022	418	20	0.047847	969	103	0.106295	1980	137	0.069192	2009	109	0.054256	2053	155	0.075499	662	105	0.15861	815	104	0.127607	433	10	0.023095
XR_00395	212285	Arap2	chr5	62630133	62766192	2810	18	0.006406	2870	63	0.021951	2902	44	0.015162	442	0	0	428	0	0	3128	66	0.0211	2990	77	0.025753	2989	56	0.018735	1087	23	0.021159	1096	27	0.024635	246	2	0.00813
XR_00395	21335	Tacc3	chr5	33660155	33672200	409	5	0.012225	321	1	0.003115	196	1	0.005102	#N/A	#N/A	#N/A	80	0	0	523	4	0.007648	420	1	0.002381	322	2	0.006211	225	1	0.004444	98	0	0	40	0	0
XR_00395	21335	Tacc3	chr5	33658483	33672198	1010	9	0.008911	622	4	0.006431	639	2	0.00313	#N/A	#N/A	#N/A	184	0	0	1266	5	0.003949	1238	2	0.001616	991	2	0.002018	305	2	0.006557	98	0	0	40	0	0
XR_00395	21335	Tacc3	chr5	33658483	33672198	1010	9	0.008911	622	4	0.006431	639	2	0.00313	#N/A	#N/A	#N/A	184	0	0	1266	5	0.003949	1238	2	0.001616	991	2	0.002018	305	2	0.006557	98	0	0	40	0	0
XR_00395	22022	Tpst2	chr5	1.12E+08	1.12E+08	634	381	0.600946	477	162	0.339623	512	244	0.476563	166	81	0.487952	252	161	0.638889	731	472	0.645691	519	348	0.67052	683	436	0.63836	187	113	0.604278	316	236	0.746835	98	75	0.765306
XR_00395	22022	Tpst2	chr5	1.12E+08	1.12E+08	1754	24	0.013683	1516	19	0.012533	1842	17	0.009229	226	4	0.017699	656	2	0.003049	2492	24	0.009631	1760	23	0.013068	1901	28	0.014729	455	5	0.010989	782	9	0.011509	104	0	0
XR_00395	22051	Trip6	chr5	1.37E+08	1.37E+08	1368	601	0.439327	1220	526	0.431148	1327	515	0.388093	254	139	0.547244	487	281	0.577002	1524	687	0.450787	1198	437	0.364775	1316	548	0.416413	487	186	0.38193	607	268	0.441516	174	105	0.603448
XR_00395	22171	Tyms	chr5	30038546	30073645	254	8	0.031496	322	6	0.018634	301	3	0.009967	16	5	0.3125	11	0	0	219	0	0	352	4	0.011364	365	1	0.00274	106	0	0	14	1	0.071429	40	0	0
XR_00395	22171	Tyms	chr5	30038546	30073645	254	8	0.031496	322	6	0.018634	301	3	0.009967	16	5	0.3125	11	0	0	219	0	0	352	4	0.011364	365	1	0.00274	106	0	0	14	1	0.071429	40	0	0
XR_00395	22635	Zan	chr5	1.37E+08	1.37E+08	94	82	0.87234	58	51	0.87931	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	50	42	0.84	110	90	0.818182	102	80	0.784314	71	57	0.802817	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	22635	Zan	chr5	1.37E+08	1.37E+08	94	82	0.87234	58	51	0.87931	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	50	42	0.84	110	90	0.818182	102	80	0.784314	71	57	0.802817	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231050	Galnt11	chr5	25246332	25265918	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231051	Kmt2c	chr5	25284561	25498855	9712	55	0.005663	9942	45	0.004526	10248	78	0.007611	1276	4	0.003135	2277	3	0.001318	10206	96	0.009406	8986	61	0.006788	10371	88	0.008485	2235	6	0.002685	2876	12	0.004172	460	1	0.002174
XR_00395	231125	Zfyve28	chr5	34199593	34243313	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	7	0.233333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231293	Cwh43	chr5	73406053	73441460	1224	44	0.035948	1226	61	0.049755	1151	56	0.048653	228	10	0.04386	413	22	0.053269	1203	71	0.059019	928	33	0.03556	1109	60	0.054103	281	22	0.078292	381	24	0.062992	205	3	0.014634
XR_00395	231326	Aasdh	chr5	76873659	76905529	52	40	0.769231	88	77	0.875	64	51	0.796875	#N/A	#N/A	#N/A	55	40	0.727273	72	40	0.555556	58	33	0.568966	60	39	0.65	40	27	0.675	59	44	0.745763	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231326	Aasdh	chr5	76873659	76905529	52	40	0.769231	88	77	0.875	64	51	0.796875	#N/A	#N/A	#N/A	55	40	0.727273	72	40	0.555556	58	33	0.568966	60	39	0.65	40	27	0.675	59	44	0.745763	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231326	Aasdh	chr5	76873659	76905529	52	40	0.769231	88	77	0.875	64	51	0.796875	#N/A	#N/A	#N/A	55	40	0.727273	72	40	0.555556	58	33	0.568966	60	39	0.65	40	27	0.675	59	44	0.745763	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231386	Ythdc1	chr5	86803980	86836659	3665	37	0.010095	3707	50	0.013488	3766	43	0.011418	891	1	0.001122	1516	17	0.011214	3649	38	0.010414	3336	36	0.010791	3310	33	0.00997	923	12	0.013001	1062	8	0.007533	818	5	0.006112
XR_00395	231386	Ythdc1	chr5	86803980	86836659	3665	37	0.010095	3707	50	0.013488	3766	43	0.011418	891	1	0.001122	1516	17	0.011214	3649	38	0.010414	3336	36	0.010791	3310	33	0.00997	923	12	0.013001	1062	8	0.007533	818	5	0.006112
XR_00395	231580	Gak	chr5	1.09E+08	1.09E+08	147	7	0.047619	117	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	122	0	0	167	2	0.011976	84	0	0	84	0	0	96	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231580	Gak	chr5	1.09E+08	1.09E+08	147	7	0.047619	117	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	70	0	0	122	0	0	167	2	0.011976	84	0	0	84	0	0	96	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231724	Rad9b	chr5	1.22E+08	1.22E+08	2789	294	0.105414	2757	305	0.110627	2944	218	0.074049	362	20	0.055249	1519	76	0.050033	2833	290	0.102365	2858	293	0.102519	2792	305	0.109241	1125	26	0.023111	1383	107	0.077368	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231807	Map11	chr5	1.38E+08	1.38E+08	1078	46	0.042672	1040	36	0.034615	1212	40	0.033003	20	0	0	172	18	0.104651	1297	61	0.047032	1392	34	0.024425	1532	44	0.028721	263	17	0.064639	352	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	231858	Radil	chr5	1.42E+08	1.43E+08	114	65	0.570175	215	133	0.618605	134	98	0.731343	20	9	0.45	25	16	0.64	178	115	0.646067	150	95	0.633333	122	72	0.590164	10	1	0.1	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	236573	Gbp9	chr5	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	23857	Dmtf1	chr5	9118868	9161771	3997	30	0.007506	4104	24	0.005848	4628	28	0.00605	632	7	0.011076	1122	3	0.002674	3907	18	0.004607	4427	30	0.006777	4447	26	0.005847	921	1	0.001086	842	6	0.007126	194	1	0.005155
XR_00395	245880	Wasf3	chr5	1.46E+08	1.46E+08	1746	124	0.071019	2095	63	0.030072	2349	102	0.043423	273	4	0.014652	599	64	0.106845	1979	147	0.07428	1936	142	0.073347	1667	194	0.116377	552	25	0.04529	648	52	0.080247	95	4	0.042105
XR_00395	246728	Oas2	chr5	1.21E+08	1.21E+08	142	76	0.535211	133	72	0.541353	156	87	0.557692	44	25	0.568182	105	50	0.47619	129	63	0.488372	132	41	0.310606	139	34	0.244604	70	15	0.214286	76	30	0.394737	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	246728	Oas2	chr5	1.21E+08	1.21E+08	142	76	0.535211	133	72	0.541353	156	87	0.557692	44	25	0.568182	105	50	0.47619	129	63	0.488372	132	41	0.310606	139	34	0.244604	70	15	0.214286	76	30	0.394737	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	246728	Oas2	chr5	1.21E+08	1.21E+08	142	76	0.535211	133	72	0.541353	156	87	0.557692	44	25	0.568182	105	50	0.47619	129	63	0.488372	132	41	0.310606	139	34	0.244604	70	15	0.214286	76	30	0.394737	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	246728	Oas2	chr5	1.21E+08	1.21E+08	142	76	0.535211	133	72	0.541353	156	87	0.557692	44	25	0.568182	105	50	0.47619	129	63	0.488372	132	41	0.310606	139	34	0.244604	70	15	0.214286	76	30	0.394737	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	246730	Oas1a	chr5	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	252972	Tpcn1	chr5	1.21E+08	1.21E+08	1173	7	0.005968	931	6	0.006445	1406	50	0.035562	221	0	0	393	0	0	1449	42	0.028986	1107	24	0.02168	998	4	0.004008	219	1	0.004566	464	17	0.036638	110	1	0.009091
XR_00395	26875	Pclo	chr5	14514916	14858829	3400	42	0.012353	3105	42	0.013527	3210	29	0.009034	768	1	0.001302	1201	17	0.014155	3345	73	0.021824	3047	35	0.011487	2986	50	0.016745	956	16	0.016736	1157	40	0.034572	320	4	0.0125
XR_00395	26875	Pclo	chr5	14514917	14858829	3400	42	0.012353	3105	42	0.013527	3210	29	0.009034	768	1	0.001302	1201	17	0.014155	3345	73	0.021824	3047	35	0.011487	2986	50	0.016745	956	16	0.016736	1157	40	0.034572	320	4	0.0125
XR_00395	26875	Pclo	chr5	14514906	14858829	3400	42	0.012353	3105	42	0.013527	3210	29	0.009034	768	1	0.001302	1201	17	0.014155	3345	73	0.021824	3047	35	0.011487	2986	50	0.016745	956	16	0.016736	1157	40	0.034572	320	4	0.0125

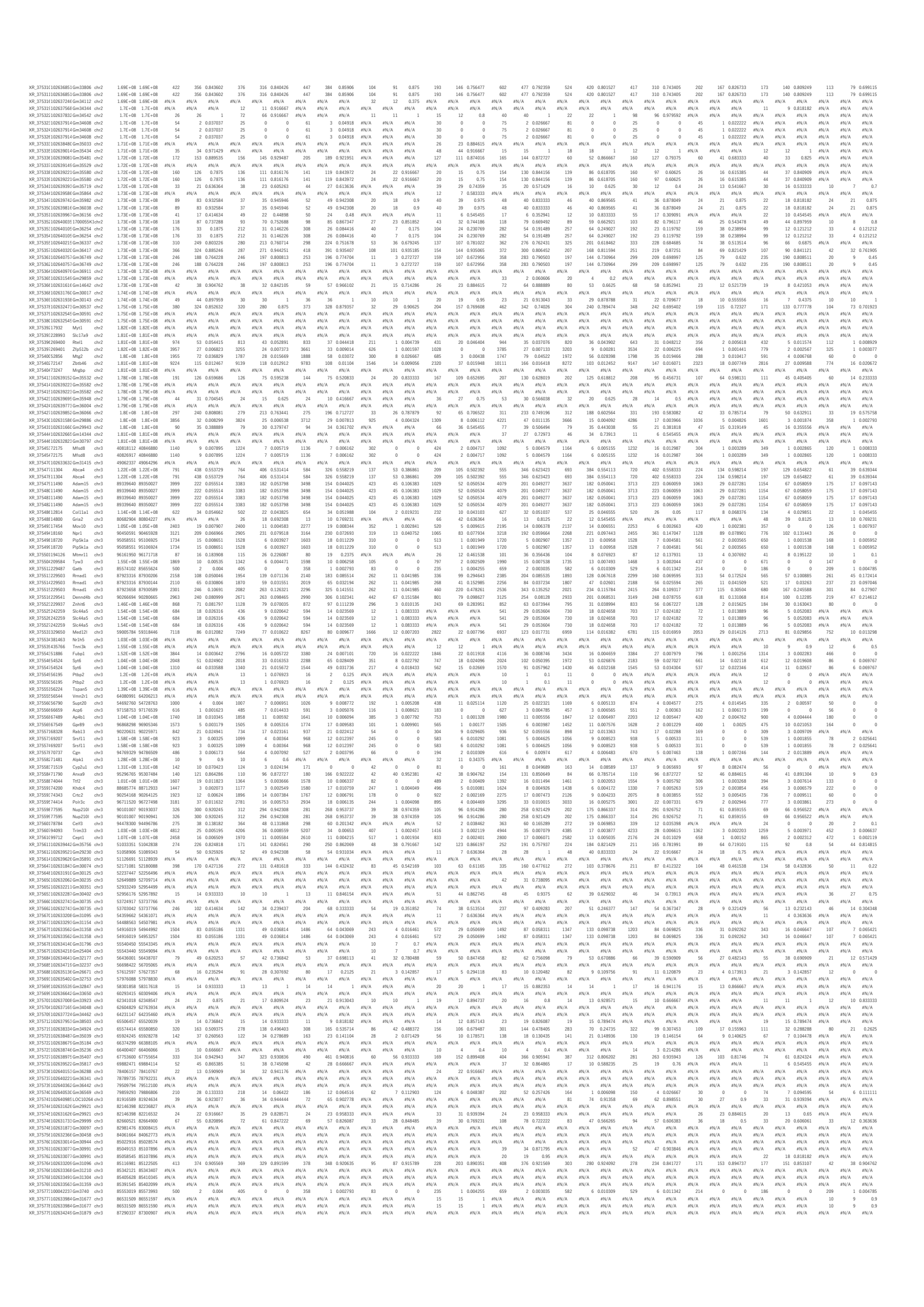


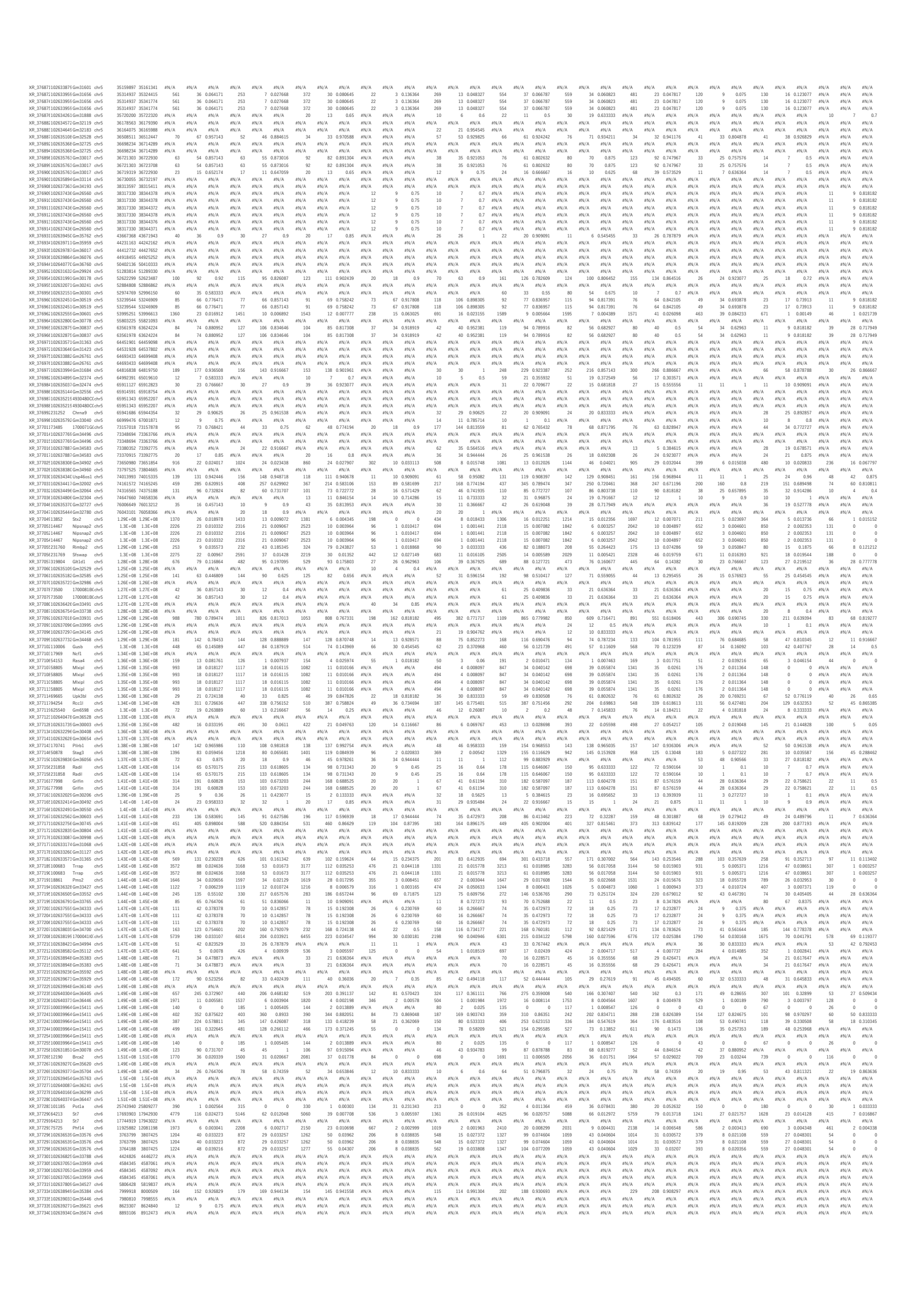


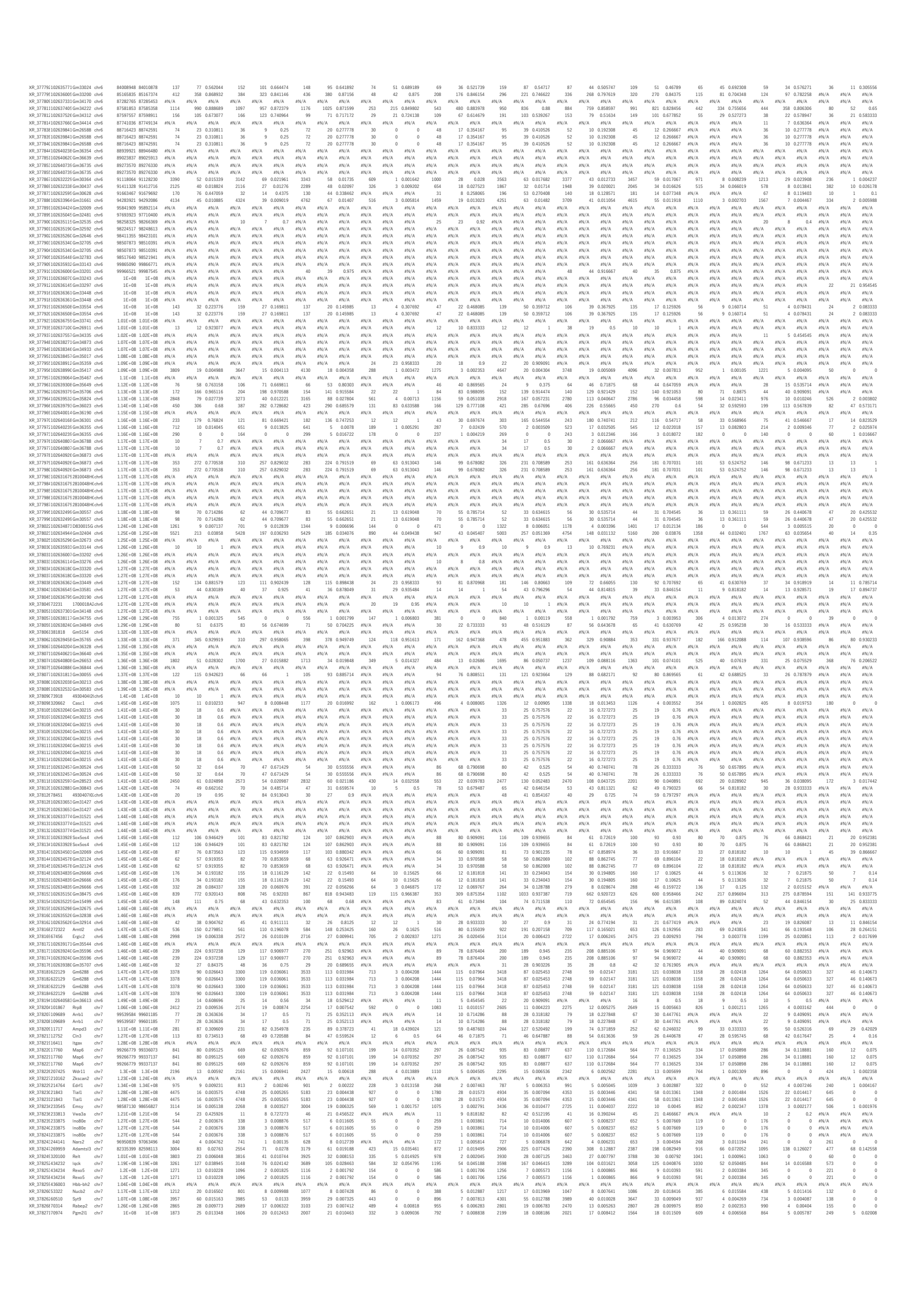
XR_00395(	115490359	Gm52867	chr6	94187965	94227854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490360	Gm52868	chr6	97218989	97221783	102	81	0.794118	85	76	0.894118	98	93	0.94898	26	21	0.807692	39	35	0.897436	112	78	0.696429	74	61	0.824324	71	63	0.887324	32	27	0.84375	30	25	0.833333	34	27	0.794118
XR_00395(	108169159	Gm46970	chr6	97496015	97540000	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169159	Gm46970	chr6	97496015	97541077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169159	Gm46970	chr6	97496015	97540000	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102634735	Gm32247	chr6	97617674	97656402	2624	41	0.015625	2340	44	0.018803	2697	41	0.015202	372	7	0.018817	1010	21	0.020792	2457	60	0.02442	2329	30	0.012881	2414	60	0.024855	431	3	0.006961	952	18	0.018908	178	17	0.095506
XR_00395(	102634735	Gm32247	chr6	97616486	97656402	1329	15	0.011287	1064	12	0.011278	1375	15	0.010909	185	2	0.010811	539	9	0.016698	1379	36	0.026106	1152	20	0.017361	1164	13	0.011168	255	3	0.011765	478	8	0.016736	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169158	Gm46969	chr6	97569214	97572542	11	3	0.272727	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	14	0.583333	13	11	0.846154	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169158	Gm46969	chr6	97569214	97576667	11	3	0.272727	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	14	0.583333	13	11	0.846154	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169158	Gm46969	chr6	97560032	97572542	66	45	0.681818	55	41	0.745455	66	44	0.666667	14	9	0.642857	59	39	0.661017	55	30	0.545455	38	21	0.552632	40	23	0.575	12	7	0.583333	23	15	0.652174	10	4	0.4
XR_00395(	115490361	Gm52869	chr6	99670388	99677553	74	63	0.851351	105	92	0.87619	88	82	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	74	68	0.918919	78	70	0.897436	68	55	0.808824	111	87	0.783784	23	11	0.478261	20	15	0.75	10	2	0.2
XR_00395(	115490362	Gm52870	chr6	99204572	99234794	158	100	0.632911	162	110	0.679012	177	99	0.559322	67	45	0.671642	40	25	0.625	185	140	0.756757	165	132	0.8	219	162	0.739726	45	36	0.8	44	37	0.840909	21	20	0.952381
XR_00395(	115490362	Gm52870	chr6	99204572	99234794	158	100	0.632911	162	110	0.679012	177	99	0.559322	67	45	0.671642	40	25	0.625	185	140	0.756757	165	132	0.8	219	162	0.739726	45	36	0.8	44	37	0.840909	21	20	0.952381
XR_00395(	102635590	Gm32882	chr6	99320919	99323865	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490364	Gm52871	chr6	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	34	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490365	Gm52872	chr6	1.13E+08	1.13E+08	277	93	0.33574	197	72	0.365482	207	82	0.396135	#N/A	#N/A	#N/A	97	26	0.268041	245	111	0.453061	184	75	0.407609	271	124	0.457565	55	3	0.054545	132	36	0.272727	40	6	0.15
XR_00395(	102640239	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_00395(	115490366	Gm52873	chr6	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	27	0.818182
XR_00395(	105242756	Gm38887	chr6	1.19E+08	1.19E+08	112	73	0.651786	72	36	0.5	64	48	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	132	82	0.621212	88	61	0.693182	100	50	0.5	64	35	0.546875	44	36	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242756	Gm38887	chr6	1.19E+08	1.19E+08	273	180	0.659341	217	125	0.576037	226	141	0.623894	43	25	0.581395	64	38	0.59375	324	178	0.549383	234	135	0.576923	233	111	0.476395	101	47	0.465347	110	62	0.563636	36	15	0.416667
XR_00395(	105242756	Gm38887	chr6	1.19E+08	1.19E+08	273	180	0.659341	217	125	0.576037	226	141	0.623894	43	25	0.581395	64	38	0.59375	324	178	0.549383	234	135	0.576923	233	111	0.476395	101	47	0.465347	110	62	0.563636	36	15	0.416667
XR_00395(	115490367	1700080F1	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490368	Gm52874	chr6	1.19E+08	1.19E+08	32	11	0.34375	38	18	0.473684	27	10	0.37037	#N/A	#N/A	#N/A	23	16	0.695652	41	13	0.317073	52	17	0.326923	45	11	0.244444	13	6	0.461538	27	8	0.296296	12	1	0.083333
XR_00395(	115490368	Gm52874	chr6	1.19E+08	1.19E+08	32	11	0.34375	38	18	0.473684	27	10	0.37037	#N/A	#N/A	#N/A	23	16	0.695652	41	13	0.317073	52	17	0.326923	45	11	0.244444	13	6	0.461538	27	8	0.296296	12	1	0.083333
XR_00395(	115490370	Gm52876	chr6	1.21E+08	1.21E+08	49	15	0.306122	60	20	0.333333	38	18	0.473684	#N/A	#N/A	#N/A	44	18	0.409091	24	18	0.75	25	8	0.32	32	20	0.625	20	9	0.45	12	7	0.583333	14	9	0.642857
XR_00395(	115490371	Gm44148	chr6	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102634873	D830015G	chr6	1.24E+08	1.24E+08	1261	9	0.007137	701	9	0.012839	1344	9	0.006696	144	0	0	471	0	0	1322	8	0.006051	1178	4	0.003396	1401	17	0.012134	186	0	0	544	3	0.005515	20	0	0
XR_00395(	115490373	Gm44096	chr6	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242766	Gm38895	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490374	Gm52878	chr6	1.25E+08	1.25E+08	38	35	0.921053	45	43	0.955556	96	93	0.96875	#N/A	#N/A	#N/A	40	36	0.9	78	76	0.974359	71	65	0.915493	66	57	0.863636	42	34	0.809524	59	52	0.881356	20	17	0.85
XR_00395(	102637662	Gm34416	chr6	1.28E+08	1.28E+08	30	21	0.7	33	25	0.757576	39	31	0.794872	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	44	32	0.727273	28	19	0.678571	22	13	0.590909	15	10	0.666667	31	18	0.580645	11	4	0.363636
XR_00395(	115490375	Gm52879	chr6	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115489345	Gm52484	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115489345	Gm52484	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115489346	Gm52485	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115489347	Gm52486	chr6	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102639461	Gm35768	chr6	1.46E+08	1.46E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102639461	Gm35768	chr6	1.46E+08	1.46E+08	214	137	0.640187	170	115	0.676471	186	130	0.698925	#N/A	#N/A	#N/A	57	26	0.45614	193	92	0.476684	171	126	0.736842	163	118	0.723926	57	39	0.684211	53	30	0.566038	20	18	0.9
XR_00395(	102639461	Gm35768	chr6	1.46E+08	1.46E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242632	Gm38791	chr6	37714655	37725425	59	43	0.728814	28	21	0.75	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	42	33	0.785714	59	35	0.59322	68	42	0.617647	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	20	12	0.6
XR_00395(	115490377	Gm52881	chr6	49018518	49020520	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	78017	4930504D	chr6	84535274	84536323	52	46	0.884615	68	63	0.926471	54	48	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	60	49	0.816667	56	44	0.785714	74	46	0.621622	68	53	0.779412	42	23	0.547619	47	33	0.702128	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490380	Gm44478	chr6	1.29E+08	1.29E+08	88	36	0.409091	20	3	0.15	116	82	0.706897	66	66	1	72	72	1	61	29	0.47541	134	84	0.626866	#N/A	#N/A	#N/A	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	20	5	0.25
XR_00395(	75373	4930597O	chr6	66894644	66924176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490388	LOC11549	chr6	3183116	3198511	2926	984	0.336295	2531	802	0.316871	3020	919	0.304305	822	324	0.394161	1151	407	0.353606	2958	1114	0.376606	2544	852	0.334906	2448	798	0.32598	1054	375	0.355787	1174	374	0.318569	671	278	0.414307
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346139	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346138	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330256	Gm20559	chr6	3330738	3346141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169127	Gm46948	chr6	4380180	4465277	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115486327	LOC11548	chr6	4795223	4805994	24	15	0.625	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	50	37	0.74	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8
XR_00395(	115490390	Gm52886	chr6	5046062	5054688	60	58	0.966667	60	59	0.983333	55	52	0.945455	26	26	1	46	45	0.978261	38	36	0.947368	55	50	0.909091	12	11	0.916667	46	32	0.695652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490391	Gm52887	chr6	5300287	5309358	1376	116	0.084302	1247	99	0.079391	1094	95	0.086837	12	11	0.916667	421	58	0.137767	1233	102	0.082725	1178	111	0.094228	1382	88	0.063676	257	13	0.050584	503	71	0.141153	110	3	0.027273
XR_00395(	115490391	Gm52887	chr6	5300287	5325014	1376	116	0.084302	1247	99	0.079391	1094	95	0.086837	12	11	0.916667	421	58	0.137767	1233	102	0.082725	1178	111	0.094228	1382	88	0.063676	257	13	0.050584	503	71	0.141153	110	3	0.027273
XR_00395(	115490391	Gm52887	chr6	5300287	5309358	1376	116	0.084302	1247	99	0.079391	1094	95	0.086837	12	11	0.916667	421	58	0.137767	1233	102	0.082725	1178	111	0.094228	1382	88	0.063676	257	13	0.050584	503	71	0.141153	110	3	0.027273
XR_00395(	115490391	Gm52887	chr6	5300287	5309358	1376	116	0.084302	1247	99	0.079391	1094	95	0.086837	12	11	0.916667	421	58	0.137767	1233	102	0.082725	1178	111	0.094228	1382	88	0.063676	257	13	0.050584	503	71	0.141153	110	3	0.027273
XR_00395(	115490391	Gm52887	chr6	5300287	5309358	1376	116	0.084302	1247	99	0.079391	1094	95	0.086837	12	11	0.916667	421	58	0.137767	1233	102	0.082725	1178	111	0.094228	1382	88	0.063676	257	13	0.050584	503	71	0.141153	110	3	0.027273
XR_00395(	115490391	Gm52887	chr6	5300287	5309358	1376	116	0.084302	1247	99	0.079391	1094	95	0.086837	12	11	0.916667	421	58	0.137767	1233	102	0.082725	1178	111	0.094228	1382	88	0.063676	257	13	0.050584	503	71	0.141153	110	3	0.027273
XR_00395(	115490392	Gm52888	chr6	6390235	6399586	194	130	0.670103	166	119	0.716867	158	107	0.677215	38	27	0.710526	94	62	0.659574	183	103	0.562842	151	88	0.582781	159	80	0.503145	89	41	0.460674	86	50	0.581395	67	28	0.41791
XR_00395(	115490393	Gm52889	chr6	6561335	6565484	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490394	Gm52890	chr6	6737678	6747807	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102638501	Gm35051	chr6	7627525	7666605	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490395	Gm52891	chr6	14881545	14891606	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364
XR_00395(	102640443	Gm36503	chr6	16524755	16579873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490396	Gm52892	chr6	17198916	17199571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490397	Gm52893	chr6	17536404	17541797	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490398	Gm52894	chr6	17820078	17841038	1606	1442	0.897883	1470	1340	0.911565	1484	1343	0.904987	320	282	0.88125	682	609	0.892962	1602	1479	0.923221	1578	1423	0.901774	1555	1444	0.928617	372	352	0.946237	644	570	0.885093	272	215	0.790441
XR_00395(	115490398	Gm52894	chr6	17820078	17841038	1606	1442	0.897883	1470	1340	0.911565	1484	1343	0.904987	320	282	0.88125	682	609	0.892962	1602	1479	0.923221	1578	1423	0.901774	1555	1444	0.928617	372	352	0.946237	644	570	0.885093	272	215	0.790441
XR_00395(	115490399	Gm52895	chr6	17756559	17762147	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105244811	Gm40356	chr6	18443469	18448518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105244811	Gm40356	chr6	18443146	18448518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105244811	Gm40356	chr6	18435442	18448518	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	15	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490400	Gm52896	chr6	28098911	28116856	238	228	0.957983	206	197	0.956311	217	199	0.917051	23	20	0.869565	97	93	0.958763	263	250	0.95057	232	219	0.943966	188	162	0.861702	75	62	0.826667	45	43	0.955556	26	23	0.884615
XR_00395(	115490401	Gm52897	chr6	29950524	29968808	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242616	Gm38781	chr6	30886434	30893789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490403	Gm52898	chr6	34510334	34511785	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242628	Gm38787	chr6	34712295	34722826	24	8	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	33	0.66	70	50	0.714286	30	18	0.6	32	20	0.625	30	17	0.566667	28	19	0.678571	20	13	0.65
XR_00395(	102635798	Gm33046	chr6	35133613	35152142	2321	25	0.010771	2099	16	0.007623	2158	15	0.006951	243	1	0.004115	439	2	0.004556	2329	30	0.012881	2382	15	0.006297	2301	18	0.007823	453	3	0.006623	522	4	0.007663	188	2	0.010638
XR_00395(	102635798	Gm33046	chr6	35133627	35152142	2321	25	0.010771	2099	16	0.007623	2158	15	0.006951	243	1	0.004115	439	2	0.004556	2329	30	0.012881	2382	15	0.006297	2301	18	0.007823	453	3	0.006623	522	4	0.007663	188	2	0.010638
XR_00395(	105242638	Gm38797	chr6	42307792	42310932	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	12	10	0.833333	22	6	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490404	LOC11549	chr6	43175062	43176102	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	40	26	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	10	3	0.3	10	8	0.8
XR_00395(	105242642	Gm38800	chr6	43412094	43420425	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490405	Gm52899	chr6	47922442	47926536	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	92	87	0.945652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	20	17	0.85	24	22	0.916667	20	17	0.85
XR_00395(	115490406	Gm52900	chr6	50381692	50389695	53	38	0.716981	68	49	0.720588	52	44	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	51	5	0.098039	81	11	0.135802	66	13	0.19697	22	3	0.136364	50	6	0.12	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102633693	Gm31455	chr6	50806752	50822252	275	78	0.283636	180	37	0.205556	285	66	0.231579	139	35	0.251799	135	43	0.318519	368	83	0.225543	273	47	0.172161	245	51	0.208163	161	40	0.248447	85	6	0.070588	52	9	0.173077
XR_00395(	102633693	Gm31455	chr6	50806752	50822504	275	78	0.283636	180	37	0.205556	285	66	0.231579	139	35	0.251799	135	43	0.318519	368	83	0.225543	273	47	0.172161	245	51	0.208163	161	40	0.248447	85	6	0.070588	52	9	0.173077
XR_00395(	115490407	Gm52901	chr6	51164133	51165269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242656	Gm38811	chr6	51694970	51711205	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	33	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242656	Gm38811	chr6	51694970	51702609	46	39	0.847826	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	52	46	0.884615	50	41	0.82	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490408	Gm52902	chr6	52227504	52232651	2203	185	0.083976	2693	258	0.095804	2576	228	0.088509	362	43	0.118785	863	65	0.075319	2524	187	0.074089	2290	179	0.078166	2698	238	0.088213	587	32	0.054514	1105	99	0.089593	272	21	0.077206
XR_00395(	115490410	LOC11549	chr6	52243235	52244513	23	5	0.217391	32	1	0.03125	33	7	0.212121	26	1	0.038462	33	5	0.151515	36	11	0.305556	10	2	0.2	13	0	0	31	1	0.032258	23	2	0.086957	13	1	0.076923
XR_00395(	115490411	Gm52903	chr6	52866430	52874237	34	19	0.558824	35	24	0.685714	35	22	0.628571	10	8	0.8	28	16	0.571429	17	4	0.235294	11	0	0	21	7	0.333333	15	1	0.066667	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490412	Gm52904	chr6	52785040	52798829	41	40	0.97561	72	72	1	66	64	0.969697	12	12	1	62	60	0.967742	56	49	0.875	30	29	0.966667	62	56	0.903226	46	41	0.891304	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102638114	Gm34753	chr6	56369907	56375167	21	20	0.952381	58	42	0.724138	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	22	18	0.818182	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102638114	Gm34753	chr6	56369815	56375167	#N/A	#N/A	#N/A	46	30	0.652174	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102638114	Gm34753	chr6	56369907	56375167	21	20	0.952381	58	42	0.724138	21	20	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	22	18	0.818182	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102638114	Gm34753	chr6	56369695	56375167	#N/A	#N/A	#N/A	46	30	0.652174	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	434018	4930533I2	chr6	57484514	57506503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	434018	4930533I2	chr6	57484514	57489231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108167332	Gm45943	chr6	58535470	58584255	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490413	Gm52905	chr6	59020167	59024910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242674	Gm38825	chr6	67178681	67186692	16	9	0.5625	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	11	3	0.272727	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102632638	Gm26628	chr6	71961135	71963678	190	185	0.973684	118	113	0.957627	223	221	0.991031	60	58	0.966667	146	130	0.890411	243	239	0.983539	193	184	0.953368	126	123	0.97619	42	41	0.97619	88	80	0.909091	56	49	0.875
XR_00395(	102632638	Gm26628	chr6	71961135	71963775	190	185	0.973684	118	113	0.957627	223	221	0.991031	60	58	0.966667	146	130	0.890411	243	239	0.983539	193	184	0.953368	126	123	0.97619	42	41	0.97619	88	80	0.909091	56	49	0.875
XR_00395(	115490414	Gm52906	chr6	72231622	72232728	179	129	0.72067	198	126	0.636364	167	106	0.634731	22	16	0.727273	40	20	0.5	198	128	0.646465	66	53	0.80303	221	93	0.420814	52	21	0.403846	79	38	0.481013	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490414	Gm52906	chr6	72231622	72232728	179	129	0.72067	198	126	0.636364	167	106	0.634731	22	16	0.727273	40	20	0.5	198	128	0.646465	66	53	0.80303	221	93	0.420814	52	21	0.403846	79	38	0.481013	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	330354	Gm20560	chr6	73011913	73019281	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	16	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	34	27	0.794118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8
XR_00395(	115490415	Gm44240	chr6	80041698	80051619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102635044	Gm32480	chr6	82715206	82715969	34	30	0.882353	12	11	0.916667	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	27	19	0.703704	29	17	0.586207	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	28	22	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102635663	Gm32943	chr6	83712798	83714774	535	29	0.054206	505	31	0.061386	615	37	0.060163	63	0	0	313	28	0.089457	605	43	0.071074	541	33	0.060998	692	59	0.08526	146	7	0.047945	224	32	0.142857	39	2	0.051282
XR_00395(	115490418	Gm52908	chr6	83804924	83811805	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102636179	Gm33319	chr6	85989006	86007909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242708	Gm38851	chr6	87223131	87267447	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242708	Gm38851	chr6	87223131	87267447	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102640445	Gm36505	chr6	88978734	89000462	82	42	0.512195	68	38	0.558824	30	26	0.866667	10	2	0.2	74	43	0.581081	81	34	0.419753	75	48	0.64	67	42	0.626866	#N/A	#N/A	#N/A	64	40	0.625	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102640310	Gm36409	chr6	88964748	88973887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490420	Gm52910	chr6	89398757	89411666	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169153	Gm46966	chr6	89453198	89466591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	108169153	Gm46966	chr6	89453198	89463885	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102632229	Gm30364	chr6	91117221	91128230	3377	39	0.011549	3120	49	0.015705	3332	47	0.014106	609	1	0.001642	987	15	0.015198	3547	48	0.013533	3364	30	0.008918	3436	40	0.011641	971	8	0.008239	1202	18	0.014975	236	1	0.004237
XR_00395(	115490422	Gm52912	chr6	91490230	91499127	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490423	Gm44981	chr6	91711589	91721875	319	263	0.824451	320	264	0.825	264	219	0.829545	54	43	0.796296	86	72	0.837209	347	288	0.829971	333	280	0.840841	305	252	0.82623	51	33	0.647059	102	73	0.715686	22	18	0.818182
XR_00395(	108169155	Gm46967	chr6	92151011	92154337	180	171	0.95	178	174	0.977528	187	177	0.946524	57	54	0.947368	113	105	0.929204	227	219	0.964758	222	210	0.945946	148	135	0.912162	93	89	0.956989	32	32	1	68	66	0.970588
XR_00395(	115490425	Gm52913	chr6	92786676	92787930	15	1	0.066667	27	2	0.074074	35	3	0.085714	14	2	0.142857	17	2	0.117647	16	2	0.125	21	6	0.285714	30	1	0.033333	29	4	0.137931	30	2	0.066667	32	1	0.03125
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102637100	Gm26911	chr6	1.01E+08	1.01E+08	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	12	12	1	38	19	0.5	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242731	Gm38870	chr6	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490426	Gm52914	chr6	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490427	Gm52915	chr6	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490428	Gm44040	chr6	1.09E+08	1.09E+08	208	120	0.576923	146	92	0.630137	175	108	0.617143	22	12	0.545455	83	48	0.578313	185	24	0.12973	138	25	0.181159	144	36	0.25	38	7	0.184211	106	2	0.018868	60	7	0.116667
XR_00395(	115490428	Gm44040	chr6	1.09E+08	1.09E+08	33	17	0.515152	36	23	0.638889	27	16	0.592593	11	8	0.727273	33	19	0.575758	32	26	0.8125	18	14	0.777778	33	26	0.787879	11	8	0.727273	13	11	0.846154	11	9	0.818182
XR_00395(	115486328	LOC11548	chr6	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490429	LOC11549	chr6	1.12E+08	1.12E+08	76	58	0.763158	106	71	0.669811	66	53	0.80303	11	7	0.636364	46	40	0.869565	24	9	0.375	64	46	0.71875	68	44	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A	28	15	0.535714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490430	Gm52916	chr6	1.14E+08	1.14E+08	49	27	0.55102	34	24	0.705882	60	45	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	88	59	0.670455	96	52	0.541667	59	27	0.457627	24	6	0.25	30	16	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490431	Gm52917	chr6	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	105242752	Gm38884	chr6	1.18E+08	1.18E+08	143	117	0.818182	69	62	0.898551	66	57	0.863636	23	20	0.869565	81	61	0.753086	132	102	0.772727	118	87	0.737288	64	35	0.546875	52	38	0.730769	52	28	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490432	Gm52918	chr6	1.25E+08	1.25E+08	191	183	0.958115	89	84	0.94382	144	136	0.944444	11	10	0.909091	44	42	0.954545	163	160	0.981595	153	148	0.96732	172	160	0.930233	34	32	0.941176	34	28	0.823529	27	25	0.925926
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	165	60	0.363636	133	78	0.586466	229	116	0.50655	97	49	0.505155	162	70	0.432099	210	61	0.290476	213	108	0.507042	238	113	0.47479	113	57	0.504425	165	77	0.466667	70	36	0.514286
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	53	38	0.716981	57	42	0.736842	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	79	30	0.379747	98	49	0.5	97	52	0.536082	20	13	0.65	79	50	0.632911	70	42	0.6	75	46	0.613333	89	65	0.730337	76	43	0.565789	34	20	0.588235	30	20	0.666667
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	154	55	0.357143	95	50	0.526316	193	86	0.445596	77	36	0.467532	140	51	0.364286	197	52	0.263959	181	87	0.480663	173	63	0.364162	91	41	0.450549	145	62	0.427586	40	16	0.4
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	154	55	0.357143	95	50	0.526316	193	86	0.445596	77	36	0.467532	140	51	0.364286	197	52	0.263959	181	87	0.480663	173	63	0.364162	91	41	0.450549	145	62	0.427586	40	16	0.4
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	154	55	0.357143	95	50	0.526316	193	86	0.445596	77	36	0.467532	140	51	0.364286	197	52	0.263959	181	87	0.480663	173	63	0.364162	91	41	0.450549	145	62	0.427586	40	16	0.4
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	79	30	0.379747	98	49	0.5	97	52	0.536082	20	13	0.65	79	50	0.632911	70	42	0.6	75	46	0.613333	89	65	0.730337	76	43	0.565789	34	20	0.588235	30	20	0.666667
XR_00395(	115490433	Gm28809	chr6	1.25E+08	1.25E+08	165	60	0.363636	133	78	0.586466	229	116	0.50655	97	49	0.505155	162	70	0.432099	210	61	0.290476	213	108	0.507042	248	122	0.491935	113	57	0.504425	165	77	0.466667	70	36	0.514286
XR_00395(	102635868	Gm26728	chr6	1.25E+08	1.25E+08	702	36	0.051282	525	2	0.00381	712	4	0.005618	157	0	0	243	1	0.004115	775	31	0.04	650	40	0.061538	737	21	0.028494	208	5	0.024038	247	19	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395(	102635868	Gm26728	chr6	1.25E+08	1.26E+08	702	36	0.051282	525	2	0.00381	712	4	0.005618	157	0	0	243	1	0.004115	775	31	0.04	650	40	0.061538	737	21	0.028494	208	5	0.024038	247	19	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A

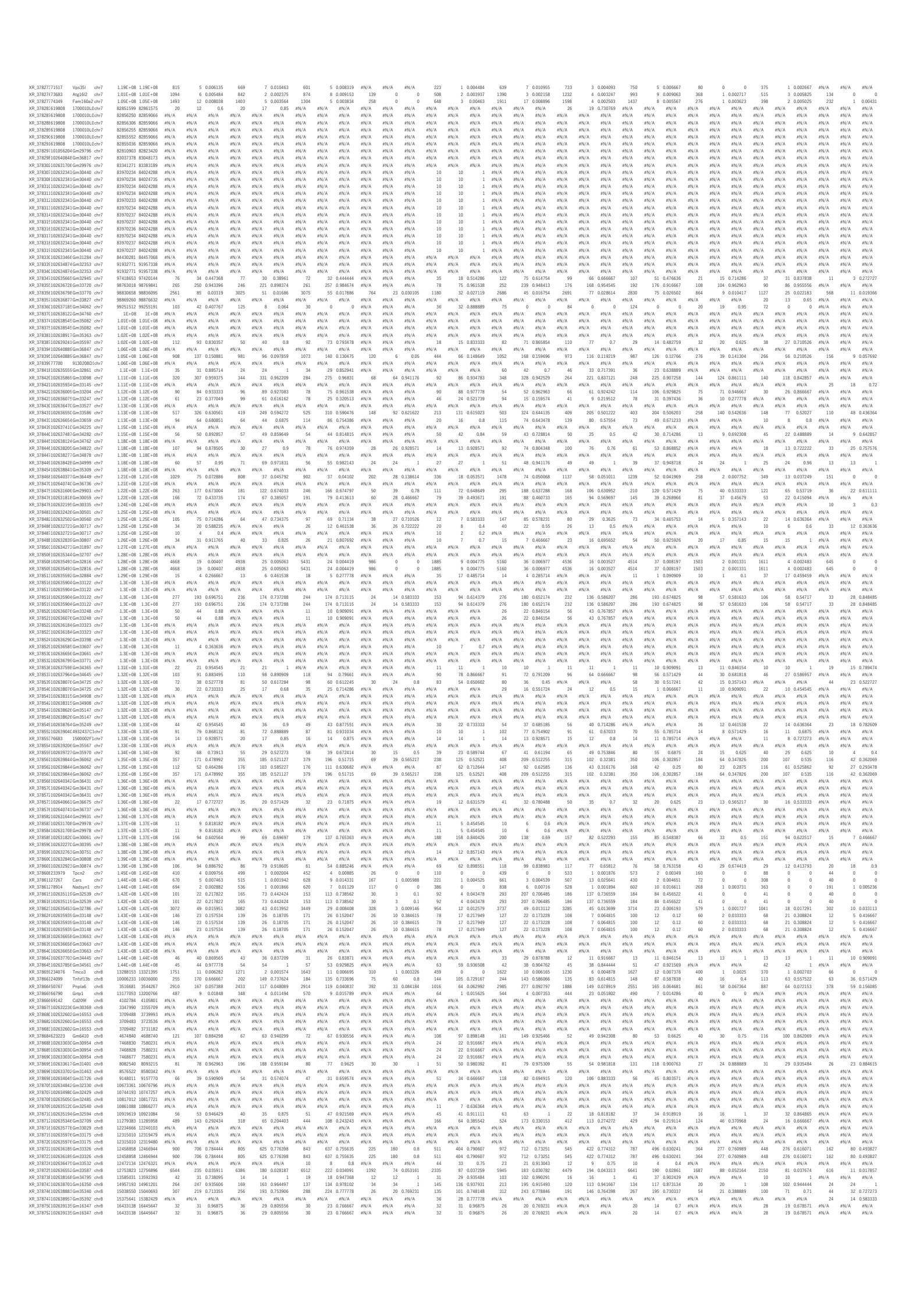
XR_00395	102636431	Gm33496	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636431	Gm33496	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636431	Gm33496	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636545	Gm33581	chr6	1.27E+08	1.27E+08	53	44	0.830189	40	37	0.925	41	36	0.878049	31	29	0.935484	14	14	1	54	43	0.796296	54	44	0.814815	39	33	0.846154	11	9	0.818182	14	13	0.928571	19	17	0.894737
XR_00395	102636545	Gm33581	chr6	1.27E+08	1.27E+08	1663	86	0.051714	1243	74	0.059533	1646	75	0.045565	304	12	0.039474	791	51	0.064475	1620	105	0.064815	1330	134	0.100752	1156	172	0.148789	468	28	0.059829	737	57	0.077341	179	27	0.150838
XR_00395	102636545	Gm33581	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636545	Gm33581	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636795	Gm20190	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102636795	Gm20190	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490434	Gm52919	chr6	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105242776	Gm38901	chr6	1.28E+08	1.28E+08	52	46	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	26	26	1	20	18	0.9	26	18	0.692308	22	17	0.772727	24	19	0.791667	26	22	0.846154	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637589	Gm15870	chr6	1.28E+08	1.28E+08	103	85	0.825243	37	27	0.72973	77	69	0.896104	22	16	0.727273	62	53	0.854839	102	81	0.794118	88	63	0.715909	106	78	0.735849	26	15	0.576923	62	42	0.677419	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102637928	Gm34617	chr6	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490435	LOC11549	chr6	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489350	Gm52487	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489350	Gm52487	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489350	Gm52487	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490436	Gm52920	chr6	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490437	Gm52921	chr6	1.34E+08	1.34E+08	318	266	0.836478	285	221	0.775439	306	262	0.856209	63	55	0.873016	176	151	0.857955	342	274	0.80117	351	310	0.883191	279	244	0.874552	158	127	0.803797	204	176	0.862745	77	64	0.831169
XR_00395	102640337	Gm36428	chr6	1.35E+08	1.35E+08	1966	6	0.003052	1549	6	0.003873	1905	19	0.009974	229	1	0.004367	748	2	0.002674	2050	16	0.007805	1887	7	0.00371	1579	10	0.006333	573	1	0.001745	573	0	0	130	1	0.007692
XR_00395	115490438	Gm52922	chr6	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	76	74	0.973684	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	42	0.954545	36	35	0.972222	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490438	Gm52922	chr6	1.35E+08	1.35E+08	25	24	0.96	24	17	0.708333	31	24	0.774194	20	14	0.7	33	23	0.69697	33	23	0.69697	35	24	0.685714	24	21	0.875	30	16	0.533333	26	18	0.692308	14	10	0.714286
XR_00395	115490439	LOC11549	chr6	1.35E+08	1.35E+08	84	73	0.869048	134	116	0.865672	136	125	0.919118	#N/A	#N/A	#N/A	60	50	0.833333	116	96	0.827586	70	56	0.8	54	46	0.851852	68	61	0.897059	52	40	0.769231	20	19	0.95
XR_00395	105244879	Gm14330	chr6	1.36E+08	1.36E+08	25	17	0.68	11	9	0.818182	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	16	14	0.875	40	29	0.725	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	105242804	Gm38914	chr6	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	63	44	0.698413	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	24	0.6	52	33	0.634615	65	45	0.692308
XR_00395	115490440	Gm52923	chr6	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490441	Gm52924	chr6	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	623121	Ifi213	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632040	Gm30215	chr6	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	623121	Ifi213	chr1	1.74E+08	1.74E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102632881	Gm30843	chr6	1.42E+08	1.42E+08	74	49	0.662162	70	34	0.485714	47	31	0.659574	10	5	0.5	78	53	0.679487	65	42	0.646154	53	43	0.811321	62	49	0.790323	66	54	0.818182	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490443	LOC11549	chr6	1.43E+08	1.43E+08	2045	8	0.003912	1833	17	0.009274	2065	25	0.012107	542	0	0	1116	1	0.000896	2383	23	0.009652	2139	18	0.008415	1982	19	0.009586	888	0	0	943	5	0.005302	128	0	0
XR_00395	108169178	Gm46981	chr6	1.43E+08	1.43E+08	194	174	0.896907	191	172	0.900524	203	173	0.852217	#N/A	#N/A	#N/A	106	94	0.886792	134	118	0.880597	108	80	0.740741	158	114	0.721519	82	71	0.865854	57	50	0.877193	36	33	0.916667
XR_00395	115490444	LOC11549	chr6	1.43E+08	1.43E+08	230	206	0.895652	138	126	0.913043	152	123	0.809211	#N/A	#N/A	#N/A	58	48	0.827586	157	124	0.789809	115	62	0.53913	64	42	0.65625	60	53	0.883333	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115490445	Gm52926	chr6	1.43E+08	1.43E+08	69	68	0.985507	42	39	0.928571	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	42	40	0.952381	32	30	0.9375	45	43	0.955556	75	66	0.88	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102634578	Gm32124	chr6	1.45E+08	1.45E+08	62	57	0.919355	82	70	0.853659	68	63	0.926471	#N/A	#N/A	#N/A	34	33	0.970588	58	50	0.862069	102	88	0.862745	77	69	0.896104	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640090	Gm36244	chr6	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	102640090	Gm36244	chr6	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489343	Gm52483	chr6	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	115489344	Far2os1	chr6	1.48E+08	1.48E+08	10	8	0.8	35	35	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	19	0.791667	15	14	0.933333	32	28	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	n-R5s162	chr6	60250792	60250910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23013	chr6	14457045	14457148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24947	chr6	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25205	chr6	64413648	64413750	134	115	0.858209	118	101	0.855932	184	161	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	44	39	0.886364	132	101	0.765152	184	133	0.722826	144	88	0.611111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22212	chr6	63200043	63200146	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	27	0.84375	33	27	0.818182	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24072	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24712	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23552	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26373	chr6	21128156	21128258	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26022	chr6	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23977	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22621	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23035	chr6	93793772	93793879	75	69	0.92	68	60	0.882353	76	64	0.842105	#N/A	#N/A	#N/A	72	67	0.930556	44	38	0.863636	70	57	0.814286	58	51	0.87931	44	40	0.909091	60	53	0.883333	24	21	0.875
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22321	chr6	33088646	33088749	134	105	0.783582	111	94	0.846847	92	74	0.804348	22	18	0.818182	22	15	0.681818	123	102	0.829268	147	94	0.639456	158	94	0.594937	28	21	0.75	38	29	0.763158	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23231	chr6	38118383	38118486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24533	chr6	73141485	73141680	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25402	chr6	39422289	39422419	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26160	chr6	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.39E+08	1.39E+08	36	33	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	35	31	0.885714	#N/A	#N/A	#N/A	26	25	0.961538	12	9	0.75	22	12	0.545455	20	15	0.75	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm27549	chr6	41602244	41602305	46	37	0.804348	11	7	0.636364	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	56	47	0.839286	41	24	0.585366	46	30	0.652174	26	19	0.730769	36	22	0.611111	63	38	0.603175	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24784	chr6	1.04E+08	1.04E+08	12	10	0.833333	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25852	chr6	97547438	97547567	36	30	0.833333	34	33	0.970588	39	36	0.923077	11	10	0.909091	33	31	0.939394	38	33	0.868421	29	23	0.793103	36	31	0.861111	24	14	0.583333	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23960	chr6	21013112	21013242	432	378	0.875	448	400	0.892857	444	383	0.862613	40	33	0.825	180	160	0.888889	486	392	0.806584	386	306	0.792746	322	279	0.86646	138	81	0.586957	94	72	0.765957	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22362	chr6	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26075	chr6	8501236	8501356	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25539	chr6	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26175	chr6	97162817	97162947	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.36E+08	1.36E+08	44	39	0.886364	29	28	0.965517	49	40	0.816327	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	43	35	0.813953	35	26	0.742857	42	42	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23346	chr6	70855444	70855579	27	14	0.518519	24	16	0.666667	28	22	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	32	17	0.53125	32	21	0.65625	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	16	13	0.8125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22622	chr6	59705746	59705874	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22723	chr6	60071058	60071186	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22840	chr6	93890615	93890750	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	52639234	52639355	1955	15	0.007673	1273	7	0.005499	1798	14	0.007786	238	0	0	754	2	0.002653	1892	17	0.008985	1616	5	0.003094	1407	14	0.00995	660	1	0.001515	734	2	0.002725	477	2	0.004193
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25434	chr6	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	70716323	70716471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	66469985	66470126	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23339	chr6	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	71003123	71003262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	53433974	53434137	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.23E+08	1.23E+08	422	406	0.962085	378	364	0.962963	387	371	0.958656	#N/A	#N/A	#N/A	172	164	0.953488	458	427	0.932314	417	390	0.935252	314	300	0.955414	151	139	0.92053	168	150	0.892857	92	84	0.913043
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	53195811	53195953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	36238573	36238715	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr6	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	83613873	83614013	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24709	chr6	56583715	56583846	32	30	0.9375	38	38	1	42	41	0.97619	10	10	1	12	11	0.916667	43	42	0.976744	39	32	0.820513	16	16	1	13	9	0.692308	10	10	1	10	9	0.9
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22267	chr6	24894670	24894800	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	11	11	1	17	16	0.941176	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24230	chr6	54974651	54974779	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	1	0.019608	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23908	chr6	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22155	chr6	6924116	6924279	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22939	chr6	43887194	43887324	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	19	0.703704	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	12	9	0.75	10	6	0.6
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26179	chr6	74340950	74341081	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25094	chr6	93335458	93335588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23014	chr6	83836937	83837066	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25833	chr6	68532744	68532876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22493	chr6	56600818	56600949	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22910	chr6	53872017	53872148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25311	chr6	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23527	chr6	1.16E+08	1.16E+08	50	47	0.94	20	20	1	42	40	0.952381	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	46	39	0.847826	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23272	chr6	1.43E+08	1.43E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26264	chr6	81638311	81638469	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26289	chr6	50539904	50540034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24985	chr6	13111299	13111427	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	45	41	0.911111	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25726	chr6	57859820	57859948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23010	chr6	39013666	39013791	139	138	0.992806	97	93	0.958763	146	142	0.972603	10	10	1	47	42	0.893617	139	134	0.964029	122	114	0.934426	131	128	0.977099	40	40	1	59	58	0.983051	11	11	1
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22367	chr6	59099253	59099384	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23273	chr6	35975330	35975464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22312	chr6	93509570	93509702	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25891	chr6	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25065	chr6	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25161	chr6	46481709	46481840	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23510	chr6	97572075	97572238	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24443	chr6	25078772	25078903	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26021	chr6	29234434	29234564	135	104	0.77037	114	85	0.745614	120	98	0.816667	10	5	0.5	76	52	0.684211	136	82	0.602941	83	43	0.518072	138	82	0.594203	33	17	0.515152	10	5	0.5	22	15	0.681818
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22425	chr6	67792439	67792576	126	98	0.777778	126	99	0.785714	127	98	0.771654	#N/A	#N/A	#N/A	65	54	0.830769	121	83	0.68595	104	69	0.663462	115	77	0.669565	33	15	0.454545	18	15	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22881	chr6	1.35E+08	1.35E+08	184	133	0.722826	192	134	0.697917	234	164	0.700855	82	59	0.719512	78	55	0.705128	157	87	0.55414	134	70	0.522388	130	84	0.646154	74	27	0.364865	74	42	0.567568	30	11	0.366667
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23234	chr6	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	19	0.863636	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22792	chr6	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25589	chr6	29113441	29113606	86	85	0.988372	82	71	0.865854	85	83	0.976471	28	28	1	32	28	0.875	95	88	0.926316	82	71	0.865854	73	68	0.931507	36	29	0.805556	28	23	0.821429	10	9	0.9
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24348	chr6	48934796	48934923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24911	chr6	67804375	67804510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22833	chr6	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22722	chr6	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23727	chr6	78911167	78911330	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22724	chr6	1.24E+08	1.24E+08	54	38	0.703704	37	27	0.72973	45	35	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	61	41	0.672131	40	25	0.625	60	34	0.566667	46	42	0.913043	41	22	0.536585	18	3	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24008	chr6	1.16E+08	1.16E+08	539	479	0.888683	443	394	0.889391	560	463	0.826786	135	118	0.874074	252	218	0.865079	643	538	0.836703	492	353	0.71748	479	393	0.820459	157	115	0.732484	300	256	0.853333	39	36	0.923077
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23485	chr6	71039577	71039733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	67302998	67303125	192	137	0.713542	222	161	0.725225	208	161	0.774038	22	21	0.954545	118	97	0.822034	215	173	0.804651	208	147	0.706731	201	170	0.845771	99	74	0.747475	80	59	0.7375	11	8	0.727273
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	53764358	53764476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23751	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Snord94	chr6	71882557	71882693	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	48	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	38057973	38058076	118	116	0.983051	80	76	0.95	89	88	0.988764	#N/A	#N/A	#N/A	98	95	0.969388	72	69	0.958333	170	150	0.882353	217	197	0.907834	50	49	0.98	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	85022293	85022397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.25E+08	1.25E+08	237	219	0.924051	195	182	0.933333	120	108	0.9	36	32	0.888889	47	38	0.808511	267	247	0.925094	195	165	0.846154	252	233	0.924603	22	16	0.727273	55	45	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22283	chr6	76200118	76200278	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26105	chr6	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	26	13	0.5	28	10	0.357143	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22418	chr6	1.07E+08	1.07E+08	62	54	0.870968	90	80	0.888889	60	53	0.883333	20	18	0.9	42	37	0.880952	56	39	0.696429	50	41	0.82	64	46	0.71875	48	34	0.708333	28	12	0.428571	28	20	0.714286
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25737	chr6	13549506	13549612	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26058	chr6	10840587	10840693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23924	chr6	74451797	74451904	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24565	chr6	97730439	97730545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25021	chr6	17436306	17436412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm25327	chr6	1.2E+08	1.2E+08	87	81	0.931034	126	115	0.912698	93	83	0.892473	#N/A	#N/A	#N/A	75	71	0.946667	66	64	0.969697	33	31	0.939394	129	126	0.976744	39	38	0.974359	78	69	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23648	chr6	18727292	18727398	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26501	chr6	95100201	95100307	65	56	0.861538	48	40	0.833333	45	44	0.977778	#N/A	#N/A	#N/A	30	30	1	63	50	0.793651	50	41	0.82	46	34	0.73913	39	28	0.717949	49	40	0.816327	37	23	0.621622
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22363	chr6	42775573	42775680	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23002	chr6	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm22828	chr6	19624609	19624715	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	29963555	29963661	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11548	chr6	1.49E+08	1.49E+08	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23462	chr6	1.49E+08	1.49E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24611	chr6	42337677	42337782	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23625	chr6	65989637	65989739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm23851	chr6	1.25E+08	1.25E+08	863	142	0.164542	536	65	0.121269	654	113	0.172783	#N/A	#N/A	#N/A	271	78	0.287823	941	148	0.157279	556	82	0.147482	625	117	0.1872	311	83	0.266881	139	21	0.151079	98	25	0.255102
XR_00395	RFAM:RF0	Gm24592	chr6	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	Gm26011	chr6	96560761	96560862	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00395	RFAM:RF0	LOC11549	chr6	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_00469	102631555	Gm3654	chr7	8282616	8289121	71	50	0.704225	70	58	0.828571	20	15	0.75	11	9	0.818182	74	64	0.864865	61	46	0.754098	48	34	0.708333	11	8	0.727273	30	25	0.833333	40	33	0.825	#N/A	#N/A	#N/A



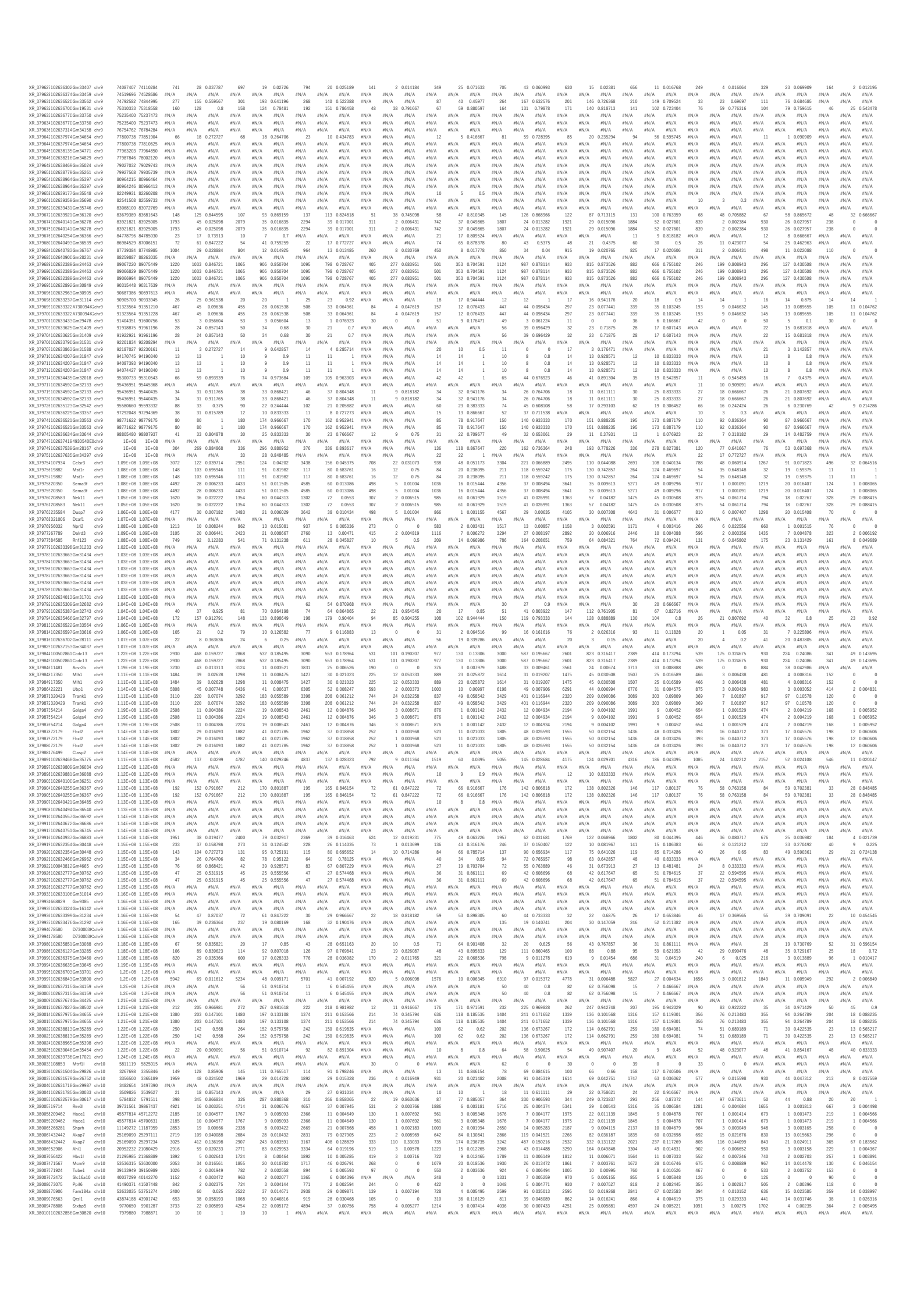




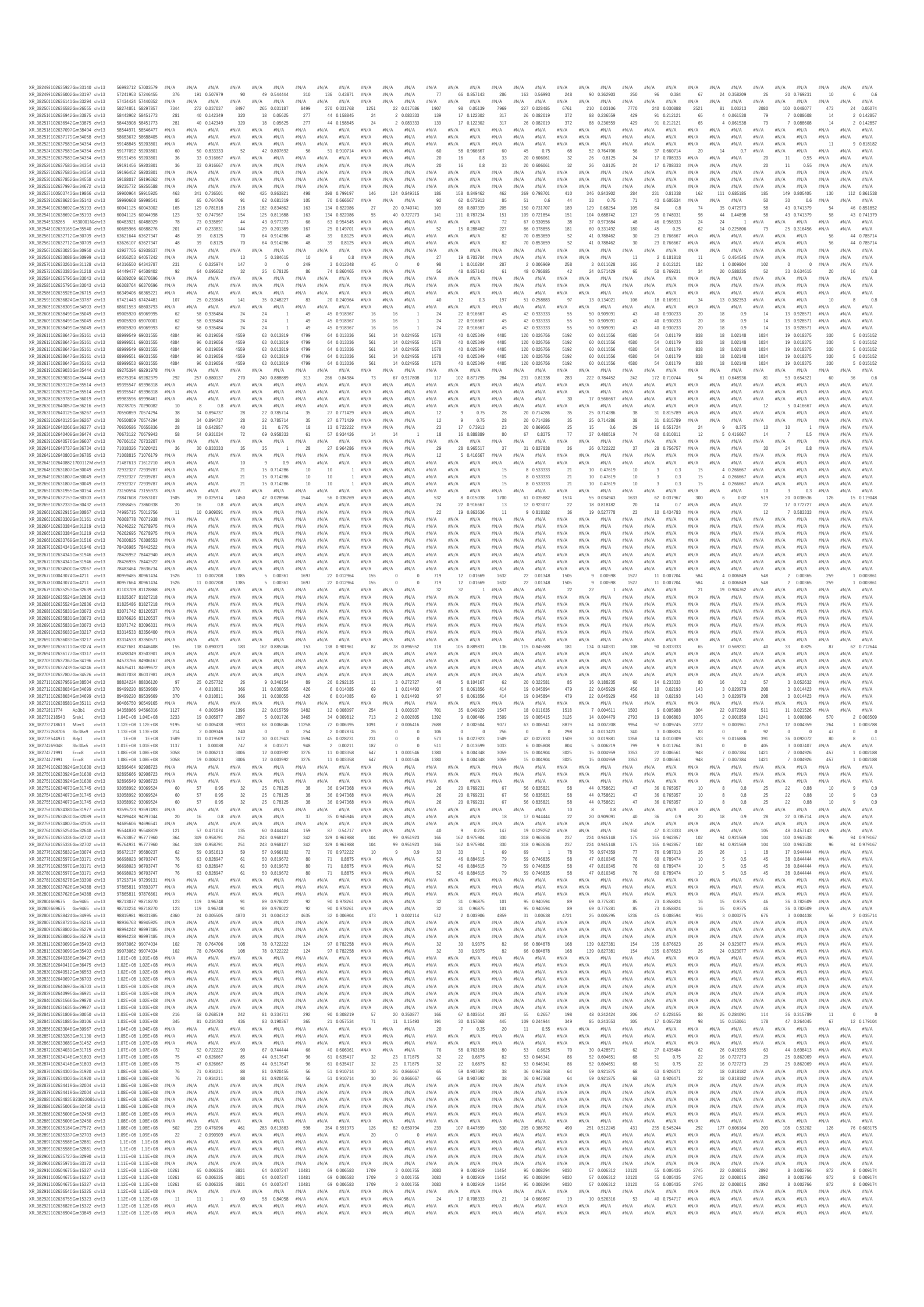




XR_37875	102639135	Gm16347	chr8	16434084	16445647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37876	102639679	Gm35934	chr8	18883131	18902291	134	117	0.873134	115	102	0.886957	103	88	0.854369	30	26	0.866667	115	104	0.904348	111	92	0.828829	99	63	0.636364	116	89	0.767241	81	54	0.666667	40	28	0.7	20	15	0.75
XR_37877	104271	Tex15	chr8	33517166	33592503	1972	36	0.018256	1758	23	0.013083	1938	45	0.02322	241	7	0.029046	456	30	0.065789	1846	47	0.02546	1733	57	0.032891	1851	89	0.048082	128	4	0.03125	485	21	0.043299	104	6	0.057692
XR_37877	11733	Ank1	chr8	23034500	23135572	739	368	0.49797	739	395	0.534506	808	357	0.441832	158	71	0.449367	459	267	0.581699	733	314	0.428377	578	201	0.347751	722	249	0.344875	246	131	0.53252	240	169	0.704167	211	152	0.720379
XR_37877	11979	Atp7b	chr8	21993317	22039913	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37877	18970	Polb	chr8	22628128	22653464	1769	6	0.003392	1697	8	0.004714	1612	10	0.006203	381	0	0	518	1	0.001931	1417	13	0.009174	1347	6	0.004454	1524	9	0.005906	504	2	0.003968	717	1	0.001395	219	1	0.004566
XR_37878	19663	Rbpms	chr8	33784071	33878224	51	48	0.941176	73	69	0.945205	82	79	0.963415	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	63	56	0.888889	60	49	0.816667	82	70	0.853659	33	20	0.606061	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37878	19663	Rbpms	chr8	33784064	33878224	51	48	0.941176	73	69	0.945205	82	79	0.963415	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	63	56	0.888889	60	49	0.816667	82	70	0.853659	33	20	0.606061	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37878	19663	Rbpms	chr8	33784064	33878224	51	48	0.941176	73	69	0.945205	82	79	0.963415	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	63	56	0.888889	60	49	0.816667	82	70	0.853659	33	20	0.606061	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37878	19663	Rbpms	chr8	33782643	33878224	51	48	0.941176	73	69	0.945205	82	79	0.963415	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	63	56	0.888889	60	49	0.816667	82	70	0.853659	33	20	0.606061	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37878	23954	Nek3	chr8	22128283	22166997	49	10	0.204082	45	8	0.177778	52	8	0.153846	11	7	0.636364	12	0	0	46	1	0.021739	64	5	0.078125	39	7	0.179487	24	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37878	353188	Adam32	chr8	24836143	24948917	51	40	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	61	54	0.885246	36	24	0.666667	54	38	0.703704	42	32	0.761905	36	16	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37878	353188	Adam32	chr8	24836143	24948917	51	40	0.784314	#N/A	#N/A	#N/A	42	31	0.738095	#N/A	#N/A	#N/A	61	54	0.885246	36	24	0.666667	54	38	0.703704	42	32	0.761905	36	16	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37879	102631498	Gm29821	chr8	21947674	21969609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37879	102631575	Gm29878	chr8	22186028	22187152	2996	16	0.00534	2805	14	0.004991	3181	32	0.01006	752	0	0	935	7	0.007487	2572	8	0.00311	2227	8	0.003592	2561	15	0.005857	843	1	0.001186	1104	5	0.004529	504	1	0.001984
XR_37879	102631860	Gm30086	chr8	22604706	22611124	22	22	1	53	49	0.924528	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	44	39	0.886364	11	3	0.272727	10	7	0.7	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37880	102631927	Gm30135	chr8	22615059	22619717	41	34	0.829268	61	52	0.852459	35	31	0.885714	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	30	17	0.566667	37	19	0.513514	44	14	0.318182	#N/A	#N/A	#N/A	38	19	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37880	102632080	Gm30247	chr8	23168381	23171221	46	7	0.152174	24	0	0	28	4	0.142857	10	1	0.1	12	3	0.25	47	6	0.12766	42	2	0.047619	59	1	0.016949	12	0	0	11	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37880	102632159	Gm30306	chr8	23164741	23169554	108	79	0.731481	108	78	0.722222	125	87	0.696	28	14	0.5	63	41	0.650794	123	85	0.691057	85	61	0.717647	102	59	0.578431	36	20	0.555556	28	11	0.392857	13	3	0.230769
XR_37880	102632237	Gm30370	chr8	23387121	23404313	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37880	102632305	4930413E2	chr8	23534472	23535739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37880	102632384	Gm30471	chr8	23635498	23648505	289	253	0.875433	196	175	0.892857	198	172	0.868687	81	67	0.82716	193	160	0.829016	242	183	0.756198	100	62	0.62	181	127	0.701657	106	75	0.707547	146	100	0.684932	86	47	0.546512
XR_37880	102632384	Gm30471	chr8	23635498	23648505	289	253	0.875433	196	175	0.892857	198	172	0.868687	81	67	0.82716	193	160	0.829016	242	183	0.756198	100	62	0.62	181	127	0.701657	106	75	0.707547	146	100	0.684932	86	47	0.546512
XR_37881	102632603	Gm30633	chr8	24382131	24391067	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37881	102632957	9130214F1	chr8	24503075	24512495	309	295	0.954693	206	191	0.927184	344	310	0.901163	84	74	0.880952	81	79	0.975309	294	272	0.92517	130	114	0.876923	222	200	0.900901	78	60	0.769231	52	45	0.865385	32	26	0.8125
XR_37881	102633143	Gm31045	chr8	25463669	25483800	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37882	102633143	Gm31045	chr8	25463669	25483800	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37882	102633618	Gm31402	chr8	25993294	25998229	1230	83	0.06748	1297	93	0.071704	1238	87	0.070275	84	0	0	281	63	0.224199	1123	81	0.072128	942	56	0.059448	1487	83	0.055817	313	17	0.054313	304	6	0.019737	130	1	0.007692
XR_37883	102634047	Gm31727	chr8	26266878	26275500	58	53	0.913793	76	55	0.723684	107	76	0.71028	#N/A	#N/A	#N/A	50	37	0.74	50	30	0.6	42	21	0.5	24	17	0.708333	66	37	0.560606	20	9	0.45	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37883	102634123	Gm31784	chr8	26298386	26312463	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37883	102634202	Gm31843	chr8	26381746	26389318	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37883	102634274	Gm31898	chr8	26427319	26435690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37883	102634274	Gm31898	chr8	26427319	26439414	419	258	0.615752	364	203	0.557692	315	202	0.64127	#N/A	#N/A	#N/A	127	93	0.732283	534	349	0.653558	287	139	0.484321	295	152	0.515254	94	38	0.404255	120	83	0.691667	30	13	0.433333
XR_37883	102634391	Gm31983	chr8	26452793	26468559	37	34	0.918919	13	12	0.923077	28	22	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	11	8	0.727273	24	20	0.833333	28	19	0.678571	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37884	102634544	Gm32098	chr8	26663301	26697783	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37884	102634919	Gm32389	chr8	27007567	27012766	79	48	0.607595	87	62	0.712644	121	78	0.644628	#N/A	#N/A	#N/A	80	58	0.725	94	65	0.691489	52	32	0.615385	68	49	0.720588	70	47	0.671429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37884	382003	Gm1698	chr8	27582692	27620453	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37884	102635079	Gm32505	chr8	28698345	28708641	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37884	102635158	Gm32567	chr8	29228640	29235975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37884	102635230	Gm32621	chr8	29530349	29532136	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37885	102635378	Gm32735	chr8	30915497	30916548	59	54	0.915254	34	31	0.911765	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	43	0.86	36	26	0.722222	41	32	0.780488	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37885	102635459	Gm32791	chr8	30942701	30959699	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37885	102635531	Gm32841	chr8	31001395	31009494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37885	102635531	Gm32841	chr8	31001395	31009494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37885	102636040	Gm33223	chr8	31919554	31926205	107	29	0.271028	92	31	0.336957	148	36	0.243243	35	8	0.228571	100	36	0.36	136	66	0.485294	99	52	0.525253	102	49	0.480392	100	63	0.63	54	23	0.425926	24	15	0.625
XR_37885	102636119	Gm33281	chr8	33116803	33149468	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37886	102636553	Gm33588	chr8	33964213	33974504	91	74	0.813187	46	34	0.73913	53	44	0.830189	#N/A	#N/A	#N/A	35	33	0.942857	98	69	0.704082	36	24	0.666667	97	84	0.865979	39	29	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37886	102636627	Gm33638	chr8	34171547	34172208	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37886	102636881	Gm33831	chr8	34380666	34386762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37887	102636992	Gm33910	chr8	34419204	34436864	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37887	102637063	Gm33968	chr8	34520471	34525349	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37887	102637227	Gm34096	chr8	34608155	34619519	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37887	102637227	Gm34096	chr8	34608155	34619519	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37887	102637665	Gm34419	chr8	35095360	35113142	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37888	102637740	Gm34474	chr8	35218640	35222068	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37888	102637819	Gm34533	chr8	35222941	35226035	352	333	0.946023	294	271	0.921769	326	313	0.960123	72	70	0.972222	152	147	0.967105	338	319	0.943787	234	225	0.961538	332	319	0.960843	130	119	0.915385	176	167	0.948864	46	39	0.847826
XR_37888	102638044	Gm34705	chr8	35348589	35367831	132	121	0.916667	107	98	0.915888	133	114	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	55	35	0.636364	90	78	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37888	102638044	Gm34705	chr8	35348589	35367831	132	121	0.916667	107	98	0.915888	133	114	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	55	35	0.636364	90	78	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37888	102638044	Gm34705	chr8	35351582	35367831	132	121	0.916667	107	98	0.915888	133	114	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	55	35	0.636364	90	78	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37888	102638044	Gm34705	chr8	35351582	35367831	132	121	0.916667	107	98	0.915888	133	114	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	55	35	0.636364	90	78	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37888	102638319	Gm34911	chr8	35410285	35415514	118	43	0.364407	56	13	0.232143	20	2	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	24	10	0.416667	138	67	0.485507	61	19	0.311475	54	10	0.185185	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37889	102638388	1700015I1	chr8	35707991	35719504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37889	102638463	Gm35021	chr8	35723614	35731215	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	20	16	0.8	24	24	1	30	25	0.833333	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37889	102638463	Gm35021	chr8	35723613	35734765	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	20	16	0.8	24	24	1	30	25	0.833333	34	28	0.823529	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37890	102639386	Gm35712	chr8	36247906	36315793	5033	37	0.007351	4641	42	0.00905	5122	30	0.005857	857	2	0.002334	1346	6	0.004458	5666	38	0.006707	4410	31	0.007029	5262	32	0.006081	1197	6	0.005013	1623	6	0.003697	258	0	0
XR_37890	102639386	Gm35712	chr8	36247906	36315793	5033	37	0.007351	4641	42	0.00905	5122	30	0.005857	857	2	0.002334	1346	6	0.004458	5666	38	0.006707	4410	31	0.007029	5262	32	0.006081	1197	6	0.005013	1623	6	0.003697	258	0	0
XR_37890	11593	Aga	chr8	53511683	53523386	244	3	0.012295	166	0	0	212	1	0.004717	#N/A	#N/A	#N/A	143	0	0	287	1	0.003484	177	0	0	203	3	0.014778	65	0	0	196	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37890	18983	Cnot7	chr8	40492541	40511404	4724	28	0.005927	4918	33	0.00671	5241	28	0.005342	764	5	0.006545	1048	2	0.001908	5467	22	0.004024	3872	8	0.002066	4297	30	0.006982	1313	4	0.003046	1716	11	0.00641	626	3	0.004792
XR_37891	67620	Lrp2bp	chr8	46010580	46029478	52	8	0.153846	56	2	0.035714	40	4	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	22	3	0.136364	70	15	0.214286	41	6	0.146341	43	4	0.093023	#N/A	#N/A	#N/A	17	2	0.117647	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37891	69479	1700029J0	chr8	45939196	45975488	499	23	0.046092	368	27	0.07337	389	37	0.095116	44	0	0	628	19	0.030255	609	14	0.022989	453	5	0.011038	278	39	0.140288	95	1	0.010526	187	1	0.005348	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37891	72612	Hpf1	chr8	60890392	60907580	2644	98	0.037065	2107	87	0.041291	2373	99	0.041719	651	20	0.030722	1081	40	0.037003	2467	51	0.020673	1820	36	0.01978	2032	72	0.035433	1041	40	0.038425	1069	49	0.045837	323	5	0.01548
XR_37891	102640817	Gm36795	chr8	39872396	39928157	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37892	102632276	Gm30397	chr8	44747479	44766239	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37892	102632429	Gm30504	chr8	45110486	45196511	245	83	0.338776	265	77	0.290566	269	60	0.223048	101	22	0.217822	140	33	0.235714	239	59	0.246862	206	66	0.320388	222	51	0.22973	83	12	0.144578	140	22	0.157143	21	3	0.142857
XR_37892	102632605	Gm30635	chr8	45654563	45678961	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37893	102632930	Gm30880	chr8	46281945	46284669	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37893	102632998	Gm30931	chr8	46363253	46367212	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37893	102633148	Gm31050	chr8	46469991	46471050	4279	21	0.004908	3753	17	0.00453	4538	41	0.009035	795	5	0.006289	1185	5	0.004219	4680	24	0.005128	3191	17	0.005327	4519	26	0.005753	1183	2	0.001691	1406	9	0.006401	270	4	0.014815
XR_37893	102633233	Gm31111	chr8	46668942	46678998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857
XR_37893	102633317	Gm31172	chr8	46770547	46774808	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37893	102633396	Gm31231	chr8	47075201	47083049	66	42	0.636364	50	39	0.78	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	78	61	0.782051	66	54	0.818182	36	33	0.916667	30	25	0.833333	32	21	0.65625	63	55	0.873016	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37894	102633396	Gm31231	chr8	47076960	47083049	66	42	0.636364	50	39	0.78	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	78	61	0.782051	66	54	0.818182	36	33	0.916667	30	25	0.833333	32	21	0.65625	63	55	0.873016	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37894	102633396	Gm31231	chr8	47075201	47083049	66	42	0.636364	50	39	0.78	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	78	61	0.782051	66	54	0.818182	36	33	0.916667	30	25	0.833333	32	21	0.65625	63	55	0.873016	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37894	102633936	Gm31638	chr8	47684618	47700398	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37895	102634392	Gm31984	chr8	47968788	47975581	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	7	0.35	24	12	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37895	102634476	Gm32052	chr8	48002239	48009552	85	77	0.905882	123	108	0.878049	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	69	59	0.855072	102	84	0.823529	44	32	0.727273	61	50	0.819672	50	46	0.92	53	49	0.924528	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37895	102634662	Gm32194	chr8	48213076	48218650	28	25	0.892857	30	26	0.866667	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	43	0.767857	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37895	102634662	Gm32194	chr8	48211863	48218650	28	25	0.892857	30	26	0.866667	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	43	0.767857	#N/A	#N/A	#N/A	47	30	0.638298	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37895	102634662	Gm32194	chr8	48206587	48218650	114	101	0.885965	154	138	0.896104	136	121	0.889706	#N/A	#N/A	#N/A	76	71	0.934211	122	93	0.762295	72	62	0.861111	144	128	0.888889	72	57	0.791667	106	79	0.745283	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37895	102634662	Gm32194	chr8	48214346	48218650	58	40	0.689655	20	10	0.5	44	33	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	51	37	0.72549	55	44	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	40	27	0.675	26	20	0.769231	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37898	102636438	Gm33501	chr8	56872114	56888803	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37899	102637146	Gm34030	chr8	57331691	57335140	1082	21	0.019409	1472	26	0.017663	951	19	0.019979	136	2	0.014706	275	7	0.025455	1070	32	0.029907	1062	69	0.064972	1419	36	0.02537	229	8	0.034934	190	5	0.026316	46	3	0.065217
XR_37899	102637230	Gm34099	chr8	57403117	57415049	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37900	102637603	Gm34370	chr8	59419445	59449647	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37900	102637666	Gm34420	chr8	59458517	59478626	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37901	102638082	Gm34730	chr8	60616414	60631855	3302	31	0.009388	3061	19	0.006207	3449	26	0.007538	538	4	0.007435	1544	22	0.014249	3785	74	0.019551	2571	31	0.012058	3035	27	0.008896	1188	26	0.021886	1315	14	0.010646	453	10	0.022075
XR_37901	75111	4930512H1	chr8	61919647	61922837	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37902	102639000	Gm35424	chr8	63750180	63777476	27	18	0.666667	10	10	1	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	15	13	0.866667	11	5	0.454545	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37902	102639070	Gm35472	chr8	64236378	64237497	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37902	100503519	Gm19744	chr8	48843885	48873582	4914	89	0.018112	4555	69	0.015148	5347	102	0.019076	1102	12	0.010889	2027	25	0.012333	5255	78	0.014843	3945	68	0.017237	4652	42	0.009028	1356	6	0.004425	1737	17	0.009787	562	6	0.010676
XR_37902	100037278	Niban3	chr8	71596356	71607936	500	144	0.288	191	100	0.52356	270	81	0.3	72	44	0.611111	201	88	0.437811	595	159	0.267227	359	56	0.155989	542	147	0.271218	30	2	0.066667	282	88	0.312057	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37902	100037278	Niban3	chr8	71596356	71606742	500	144	0.288	191	100	0.52356	270	81	0.3	72	44	0.611111	201	88	0.437811	595	159	0.267227	359	56	0.155989	542	147	0.271218	30	2	0.066667	282	88	0.312057	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37902	13859	Eps15l1	chr8	72340990	72421576	936	2	0.002137	629	0	0	622	1	0.001608	167	0	0	184	0	0	749	23	0.030708	364	2	0.005495	411	3	0.007299	251	0	0	383	1	0.002611	44	0	0
XR_37903	13859	Eps15l1	chr8	72340990	72421576	936	2	0.002137	629	0	0	622	1	0.001608	167	0	0	184	0	0	749	23	0.030708	364	2	0.005495	411	3	0.007299	251	0	0	383	1	0.002611	44	0	0
XR_37903	13859	Eps15l1	chr8	72340990	72421483	936	2	0.002137	629	0	0	622	1	0.001608	167	0	0	184	0	0	749	23	0.030708	364	2	0.005495	411	3	0.007299	251	0	0	383	1	0.002611	44	0	0
XR_37903	13859	Eps15l1	chr8	72340990	72421483	936	2	0.002137	629	0	0	622	1	0.001608	167	0	0	184	0	0	749	23	0.030708	364	2	0.005495	411	3	0.007299	251	0	0	383	1	0.002611	44	0	0
XR_37903	14232	Fkbp8	chr8	70527721	70535328	427	2	0.004684	514	6	0.011673	618	2	0.003236	44	0	0	131	1	0.007634	546	20	0.03663	419	2	0.004773	770	4	0.005195	146	2	0.013699	262	5	0.019084	40	0	0
XR_37903	17925	Myo9b	chr8	71272576	71355311	2462	16	0.006499	2321	14	0.006032	2602	23	0.008839	606	3	0.00495	860	3	0.003488	3125	17	0.00544	1968	5	0.002541	2511	14	0.005575	888	6	0.006757	1142	1	0.000876	336	1	0.002976
XR_37904	382018	Unc13a	chr8	71645744	71671774	1520	15	0.009868	1572	15	0.009542	1545	6	0.003883	217	0	0	811	5	0.006165	1762	11	0.006243	1147	7	0.006103	1533	13	0.00848	740	3	0.004054	639	10	0.015649	90	0	0
XR_37904	70359	Gtpbp3	chr8	71486144	71492549	1879	558	0.296966	1792	597	0.333147	1861	668	0.358947	377	131	0.34748	721	228	0.316227	1935	703	0.363307	1431	415	0.290007	1671	530	0.317175	361	102	0.282548	912	378	0.414474	227	86	0.378855
XR_37904	70807	Arrdc2	chr8	70835131	70839715	1510	104	0.068874	1486	79	0.053163	1257	52	0.041368	350	3	0.008571	716	49	0.068436	1971	179	0.090817	1187	79	0.066554	1759	109	0.061967	482	23	0.047718	1165	32	0.027468	85	0	0
XR_37904	84036	Kcnn1	chr8	70843158	70857033	447	28	0.06264	327	13	0.039755	453	7	0.015453	150	0	0	201	2	0.00995	771	60	0.077821	448	20	0.044643	476	30	0.063025	82	4	0.04878	146	0	0	81	2	0.024691
XR_37905	102635081	Gm32507	chr8	64937399	64944735	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	20	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37905	102635232	Gm32623	chr8	67198946	67235307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37906	102635597	Gm32888	chr8	67853181	67863826	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37906	102635735	Gm32997	chr8	68954003	68956183	70	3	0.042857	80	1	0.0125	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	26	1	0.038462	56	7	0.125	58	0	0	36	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37906	102635877	Gm33103	chr8	68970449	69002483	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37906	102636695	Gm33695	chr8	69813310	69814081	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37906	102636765	Gm33746	chr8	69883425	69888384	5870	777	0.132368	6098	654	0.107248	6076	559	0.092001	900	91	0.101111	2271	358	0.15764	5875	1033	0.17583	3535	442	0.125035	5685	780	0.137203	1236	245	0.19822	1945	242	0.124422	199	35	0.175879
XR_37907	102637450	Gm34255	chr8	70706867	70724528	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	72	46	0.638889	33	9	0.272727	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37908	102639212	Gm35572	chr8	71752030	71755657	14	12	0.857143	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	17	8	0.470588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37908	14802	Gria4	chr9	4417893	4796143	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XR_37908	14802	Gria4	chr9	4417893	4796143	590	11	0.018644	440	6	0.013636	644	11	0.017081	154	2	0.012987	256	2	0.007813	546	34	0.062271	571	32	0.056042	533	45	0.084428	137	3	0.021898	218	17	0.077982	81	3	0.037037
XR_37908	102633657	Gm31429	chr9	5157038	5166906	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37909	102633739	Gm31492	chr9	5159386	5171522	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37909	102633937	Gm31639	chr9	7255549	7267134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37909	102633937	Gm31639	chr9	7255549	7271508	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37909	102633937	Gm31639	chr9	7255549	7271508	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37909	102634083	Gm31751	chr9	7557172	7619634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37910	102607	Snx19	chr9	30426988	30467141	1595	15	0.009404	1540	14	0.009091	1764	11	0.006236	315	3	0.009524	749	4	0.00534	1671	26	0.01556	1378	11	0.007983	1362	26	0.01909	588	7	0.011905	740	38	0.051351	403	7	0.01737
XR_37910	17535	Mre11a	chr9	14784669	14837125	958	7	0.007307	1135	11	0.009692	1186	13	0.010961	96	2	0.020833	445	2	0.004494	1217	11	0.009039	1129	5	0.004429	1469	13	0.00885	262	2	0.007634	357	1	0.002801	165	1	0.006061
XR_37910	214552	Cep164	chr9	45776838	45828686	1179	11	0.00933	1130	12	0.010619	1120	11	0.009821	40	1	0.025	259	19	0.073359	1162	4	0.003442	1141	25	0.021911	1011	20	0.019782	176	1	0.005682	317	15	0.047319	105	5	0.047619
XR_37911	21683	Tecta	chr9	42330944	42400171	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37911	235169	Foxred1	chr9	35204208	35211171	3173	69	0.021746	2829	52	0.018381	2858	43	0.015045	946	1	0.001057	1632	38	0.023284	3335	100	0.029985	2798	57	0.020372	2997	63	0.021021	1128	14	0.012411	1223	23	0.018806	287	1	0.003484
XR_37911	235169	Foxred1	chr9	35205998	35211171	3173	69	0.021746	2829	52	0.018381	2858	43	0.015045	946	1	0.001057	1632	38	0.023284	3335	100	0.029985	2798	57	0.020372	2997	63	0.021021	1128	14	0.012411	1223	23	0.018806	287	1	0.003484
XR_37911	235169	Foxred1	chr9	35204208	35211171	3173	69	0.021746	2829	52	0.018381	2858	43	0.015045	946	1	0.001057	1632	38	0.023284	3335	100	0.029985	2798	57	0.020372	2997	63	0.021021	1128	14	0.012411	1223	23	0.018806	287	1	0.003484
XR_37911	235344	Sik2	chr9	50889644	51009132	6343	76	0.011982	5720	63	0.011014	6411	48	0.007487	1059	7	0.00661	1812	11	0.006071	6146	67	0.010901	6033	49	0.008122	6088	36	0.005913	1135	9	0.00793	1722	20	0.011614	413	5	0.012107
XR_37911	245902	Ccdc15	chr9	37299902	37350218	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37912	320752	Dpy19l2	chr9	24585580	24696456	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37912	57810	Cdon	chr9	35421729	35502303	5828	38	0.00652	5402	46	0.008515	6290	35	0.005564	1086	7	0.006446	2399	11	0.004585	6384	56	0.008772	5672	43	0.007581	5978	29	0.004851	1721	4	0.002324	2209	6	0.002716	735	2	0.002721
XR_37912	60507	Qtrt1	chr9	21411801	21420279	1557	113	0.072575	1496	122	0.081551	1429	128	0.089573	244	2	0.008197	590	54	0.091525	1668	100	0.059952	1122	107	0.095365	1303	90	0.069071	526	18	0.034221	425	27	0.063529	202	23	0.113861
XR_37912	66163	Mrpl4	chr9	21001252	21008831	32	28	0.875	44	41	0.931818	50	45	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692	26	22	0.846154	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37913	69137	Vstm5	chr9	15238901	15258297	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37913	69325	1700012B0	chr9	14756592	14771049	980	249	0.254082	1112	221	0.198741	1050	217	0.206667	231	40	0.17316	302	88	0.291391	1084	278	0.256458	1096	370	0.337591	1087	268	0.24655	368	65	0.17663	266	67	0.25188	102	36	0.352941
XR_37914	75316	Taf1d	chr9	15305953	15316978	1403	5	0.003564	1340	13	0.009701	1708	9	0.005269	338	2	0.005917	1071	3	0.002801	1597	11	0.006888	1313	9	0.006855	1379	4	0.002901	688	2	0.002907	577	2	0.003466	272	2	0.007353
XR_37914	102637194	Gm34069	chr9	14258890	14264292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37914	102637194	Gm34069	chr9	14258890	14264292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37915	102637311	Gm34156	chr9	14369508	14374808	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37915	102637460	Gm34263	chr9	14643649	14646475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37915	102637460	Gm34263	chr9	14643649	14646475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37915	102637460	Gm34263	chr9	14643649	14646475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37915	102637460	Gm34263	chr9	14643649	14646475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37915	102637460	Gm34263	chr9	14643649	14646475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37916	102637971	Gm34651	chr9	14724626	14732081	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37916	100038437	Gm10706	chr9	14704456	14718722	685	332	0.484672	683	280	0.409956	651	261	0.400922	132	25	0.189394	337	191	0.566766	652	384	0.588957	618	219	0.354369	580	203	0.35	237	82	0.345992	268	115	0.429104	145	52	0.358621
XR_37916	100038437	Gm10706	chr9	14704457	14718722	685	332	0.484672	683	280	0.409956	651	261	0.400922	132	25	0.189394	337	191	0.566766	652	384	0.588957	618	219	0.354369	580	203	0.35	237	82	0.345992	268	115	0.429104	145	52	0.358621
XR_37916	102638396	Gm34973	chr9	15369421	15389554	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	33	31	0.939394	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37916	102638396	Gm34973	chr9	15369421	15389554	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	75	70	0.933333	33	31	0.939394	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37917	102638666	Gm35176	chr9	15475048	15479672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_37917	102638731	Gm35225	chr9	15671211	15677564	#N/A	#N/A	#N/A	30	22	0.733333	20	2	0.1	20	1	0.05	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	24	2	0.083333	33	14	0.424242	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



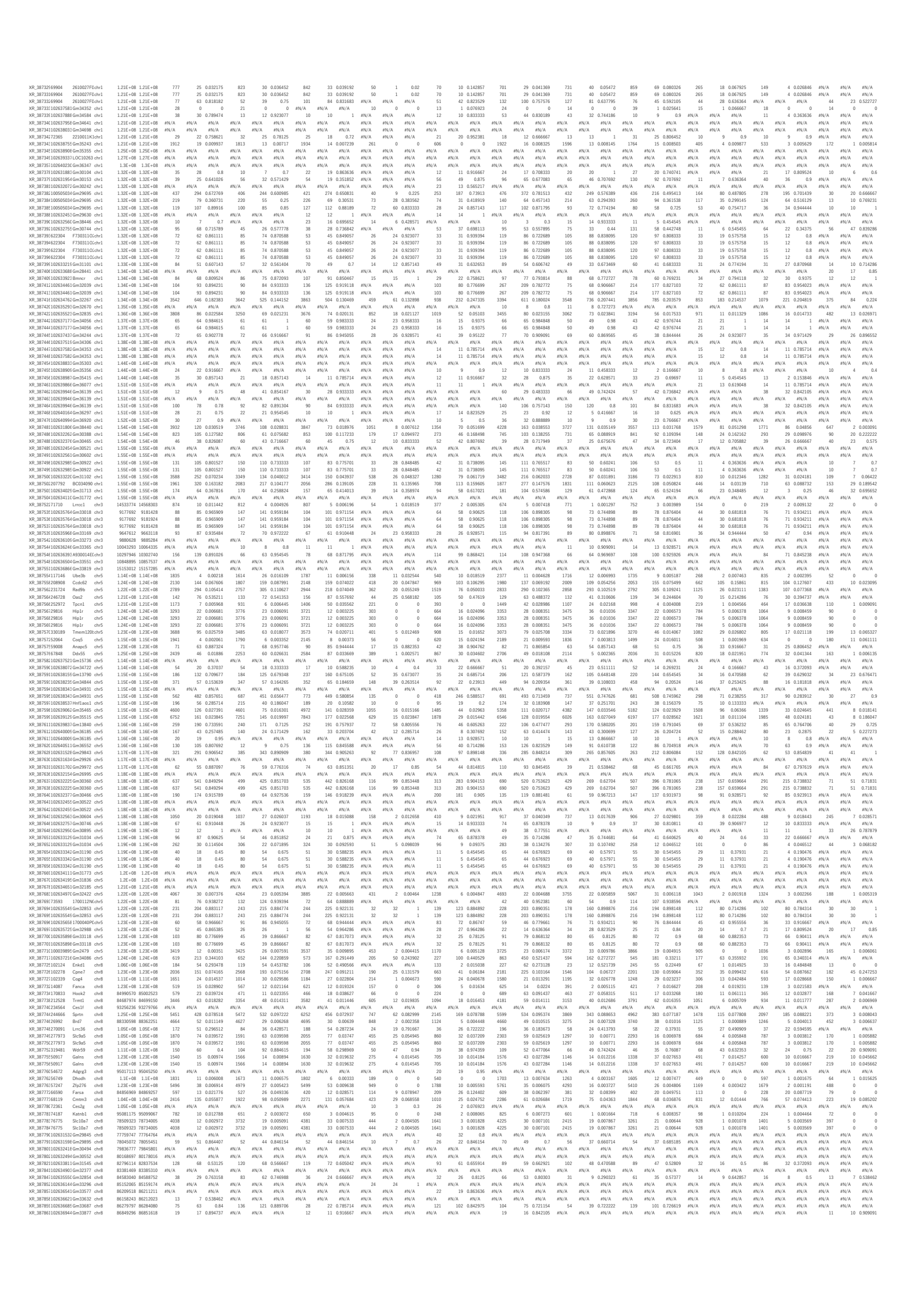
XR_38010:	102632964	Gm30906	chr10	8176108	8193340	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380111	102633712	Gm31471	chr10	9694841	9699214	158	84	0.531646	130	47	0.361538	162	71	0.438272	#N/A	#N/A	#N/A	111	69	0.621622	127	63	0.496063	91	39	0.428571	113	60	0.530973	64	30	0.46875	64	29	0.453125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38011:	102633974	Gm28905	chr10	10126345	10168619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38012(	102634553	Gm32105	chr10	13878048	13883265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38012:	102634781	Gm32283	chr10	15734915	15739187	97	71	0.731959	55	41	0.745455	67	58	0.865672	22	19	0.863636	61	42	0.688525	95	73	0.768421	118	81	0.686441	91	44	0.483516	46	25	0.543478	23	11	0.478261	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38012{	102635124	Gm32543	chr10	17659234	17680892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38012{	102635124	Gm32543	chr10	17659234	17680892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38013(	102635274	Gm32656	chr10	17659796	17678733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380131	102635124	Gm32543	chr10	17512080	17568369	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	37	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38013:	102635429	Gm20655	chr10	17790521	17835601	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38013:	102635429	Gm20655	chr10	17790521	17835601	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38013-	102635429	Gm20655	chr10	17790521	17835601	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38014(	102636197	Gm33332	chr10	19661949	19718807	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38015(	102636447	Gm33510	chr10	20819921	20838792	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38015:	102636668	Gm33671	chr10	21216496	21228458	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38015-	102636738	Gm33728	chr10	21228506	21252242	196	102	0.520408	193	107	0.554404	188	91	0.484043	#N/A	#N/A	#N/A	92	45	0.48913	170	76	0.447059	123	70	0.569106	173	48	0.277457	95	48	0.505263	72	28	0.388889	75	44	0.586667
XR_38015!	102636738	Gm33728	chr10	21228450	21252242	196	102	0.520408	193	107	0.554404	188	91	0.484043	#N/A	#N/A	#N/A	92	45	0.48913	170	76	0.447059	123	70	0.569106	173	48	0.277457	95	48	0.505263	72	28	0.388889	75	44	0.586667
XR_38015(	102636847	Gm33803	chr10	21367946	21374758	497	396	0.796781	657	518	0.788432	560	423	0.755357	54	42	0.777778	254	204	0.80315	522	431	0.82567	419	326	0.778043	559	465	0.831843	214	155	0.724299	247	212	0.8583	72	61	0.847222
XR_38015{	102636967	Gm33892	chr10	21571591	21575201	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38015{	102637034	Gm33945	chr10	21561815	21573760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38016:	628133	Platr6	chr10	21834011	21847612	67	65	0.970149	59	56	0.949153	69	68	0.985507	25	24	0.96	35	34	0.971429	79	73	0.924051	70	59	0.842857	86	76	0.883721	23	22	0.956522	32	28	0.875	12	11	0.916667
XR_38017-	102637787	Gm26740	chr10	22186285	22302823	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38017(	102637976	Gm34656	chr10	22380805	22386053	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38018(	100038582	Gm10824	chr10	22813381	22821942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380181	100038582	Gm10824	chr10	22813381	22821942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38018-	102638600	Gm35126	chr10	22976409	22990277	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38018!	102638669	Gm35179	chr10	23002747	23020410	80	74	0.925	36	35	0.972222	64	54	0.84375	20	18	0.9	39	37	0.948718	71	59	0.830986	52	38	0.730769	32	21	0.65625	26	19	0.730769	24	11	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380187	102638815	Gm35291	chr10	23698535	23711487	273	120	0.43956	293	95	0.324232	198	71	0.358586	110	33	0.3	149	68	0.456376	252	110	0.436508	301	84	0.27907	225	95	0.422222	113	62	0.548673	132	61	0.462121	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380201	102639883	Gm36089	chr10	24553245	24557438	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38020:	102639883	Gm36089	chr10	24553245	24557438	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380207	102640184	Gm36313	chr10	25134096	25154140	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38020{	102640498	Gm36543	chr10	25698744	25714271	184	150	0.815217	150	124	0.826667	154	129	0.837662	#N/A	#N/A	#N/A	83	68	0.819277	185	143	0.772973	143	123	0.86014	141	124	0.879433	55	44	0.8	70	59	0.842857	30	26	0.866667
XR_38021(	102640498	Gm36543	chr10	25698744	25714271	184	150	0.815217	150	124	0.826667	154	129	0.837662	#N/A	#N/A	#N/A	83	68	0.819277	185	143	0.772973	143	123	0.86014	141	124	0.879433	55	44	0.8	70	59	0.842857	30	26	0.866667
XR_38022-	102631786	Gm30034	chr10	26494354	26502312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	12	2	0.166667	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	22	18	0.818182
XR_380227	102631969	Gm30165	chr10	27646973	27671766	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38022{	102632055	Gm30228	chr10	27745843	27809716	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38023-	102632580	Gm30618	chr10	30819685	30828112	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	22	0.611111	28	20	0.714286	22	20	0.909091	20	9	0.45	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38023!	102632655	Gm30676	chr10	31029203	31066231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38023{	102633007	Gm26564	chr10	34230214	34297407	841	173	0.205707	613	184	0.300163	624	178	0.285256	68	10	0.147059	464	179	0.385776	661	90	0.136157	728	177	0.243132	703	175	0.248933	322	126	0.391304	336	145	0.431548	122	27	0.221311
XR_38024:	102633358	Gm31202	chr10	37360698	37364361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38024!	102633522	Gm31330	chr10	37430435	37436975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38024(	102633590	Gm31378	chr10	38115970	38122268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38024{	102633831	Gm31562	chr10	39244811	39255128	140	129	0.921429	100	95	0.95	102	97	0.95098	22	21	0.954545	34	30	0.882353	168	145	0.863095	96	83	0.864583	100	89	0.89	72	54	0.75	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38025-	102634400	Gm31992	chr10	40163972	40170834	138	36	0.26087	152	40	0.263158	123	30	0.243902	94	14	0.148936	131	49	0.374046	158	27	0.170886	102	19	0.186275	149	32	0.214765	147	19	0.129252	42	11	0.261905	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38025(	102634782	Gm32284	chr10	41082816	41097910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380257	102634851	Gm32338	chr10	41102539	41135046	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38025{	102634952	Gm32411	chr10	41135153	41138185	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380261	75561	1700016J1	chr10	42018156	42020092	290	85	0.293103	277	70	0.252708	211	93	0.440758	#N/A	#N/A	#N/A	92	37	0.402174	267	82	0.307116	169	40	0.236686	238	59	0.247899	120	30	0.25	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38026:	75561	1700016J1	chr10	42018154	42022615	290	85	0.293103	277	70	0.252708	211	93	0.440758	#N/A	#N/A	#N/A	92	37	0.402174	267	82	0.307116	169	40	0.236686	238	59	0.247899	120	30	0.25	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38026!	102635812	Gm33058	chr10	41958907	41963178	65	61	0.938462	44	37	0.840909	42	38	0.904762	70	66	0.942857	27	21	0.777778	59	51	0.864407	45	26	0.577778	39	32	0.820513	33	19	0.575758	30	17	0.566667	61	56	0.918033
XR_38026(	102635812	Gm33058	chr10	41958907	41975065	65	61	0.938462	44	37	0.840909	42	38	0.904762	70	66	0.942857	27	21	0.777778	59	51	0.864407	45	26	0.577778	39	32	0.820513	33	19	0.575758	30	17	0.566667	61	56	0.918033
XR_38026{	102636048	Gm38485	chr10	42247436	42274809	4016	84	0.020916	3172	50	0.015763	3832	68	0.017745	202	1	0.00495	960	2	0.002083	5029	64	0.012726	3725	31	0.008322	4407	34	0.007715	1044	9	0.008621	1491	19	0.012743	263	10	0.038023
XR_38027{	102637112	Gm34006	chr10	42862406	42868793	58	47	0.810345	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	52	44	0.846154	40	35	0.875	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	40	0.740741	24	22	0.916667
XR_38027{	102637112	Gm34006	chr10	42862406	42868793	58	47	0.810345	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	52	44	0.846154	40	35	0.875	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	40	0.740741	24	22	0.916667
XR_38028(	102637112	Gm34006	chr10	42862406	42868793	58	47	0.810345	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	52	44	0.846154	40	35	0.875	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	40	0.740741	24	22	0.916667
XR_38028-	102637750	Gm34481	chr10	43658852	43662397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38028{	102638474	Gm35028	chr10	44419957	44424326	32	12	0.375	56	18	0.321429	24	4	0.166667	22	14	0.636364	45	18	0.4	76	8	0.105263	64	6	0.09375	54	11	0.203704	42	10	0.238095	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38029(	102638474	Gm35028	chr10	44419957	44424330	32	12	0.375	56	18	0.321429	24	4	0.166667	22	14	0.636364	45	18	0.4	76	8	0.105263	64	6	0.09375	54	11	0.203704	42	10	0.238095	24	6	0.25	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380291	102638474	Gm35028	chr10	44419957	44427988	150	118	0.786667	116	94	0.810345	172	131	0.761628	34	29	0.852941	42	33	0.785714	115	77	0.669565	108	92	0.851852	92	65	0.706522	49	35	0.714286	22	17	0.772727	28	11	0.392857
XR_38029:	102638637	Gm35154	chr10	44598899	44689114	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	18	14	0.777778	36	20	0.555556	30	22	0.733333	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38029{	102639008	Gm35430	chr10	46228831	46237617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380301	102639285	Gm35632	chr10	50203273	50207459	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38030:	102639285	Gm35632	chr10	50203289	50207459	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380307	102639658	Gm35917	chr10	51175871	51183424	126	107	0.849206	148	137	0.925676	124	106	0.854839	#N/A	#N/A	#N/A	64	53	0.828125	88	67	0.761364	158	131	0.829114	180	154	0.855556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625
XR_38030{	102639851	Gm36065	chr10	52594001	52596656	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38031:	102640213	Gm36335	chr10	54343992	54365223	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38031!	102640461	Gm36517	chr10	56417339	56418001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38031(	102640461	Gm36517	chr10	56417339	56418001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380321	102640785	Gm36769	chr10	56932553	56935391	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38032:	102640859	Gm36827	chr10	56967331	56982231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38032-	102640859	Gm36827	chr10	56967331	56982231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38032(	100125933	2310075K(	chr10	45064061	45067120	4542	39	0.008587	5011	34	0.006785	4932	33	0.006691	844	0	0	1513	6	0.003966	5396	43	0.007969	4397	35	0.00796	4704	33	0.007015	1787	4	0.002238	1270	3	0.002362	312	0	0
XR_38032{	103135	Pan2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	202	2	0.009901	140	0	0	265	2	0.007547	#N/A	#N/A	#N/A	63	0	0	296	1	0.003378	206	1	0.004854	210	1	0.004762	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38032{	103135	Pan2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	202	2	0.009901	140	0	0	265	2	0.007547	#N/A	#N/A	#N/A	63	0	0	296	1	0.003378	206	1	0.004854	210	1	0.004762	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38033(	103135	Pan2	chr10	1.28E+08	1.28E+08	202	2	0.009901	140	0	0	265	2	0.007547	#N/A	#N/A	#N/A	63	0	0	296	1	0.003378	206	1	0.004854	210	1	0.004762	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38033:	103236	Csnk1g2	chr10	80622859	80640744	1715	55	0.03207	1470	68	0.046259	1549	67	0.043254	69	11	0.15942	273	25	0.091575	2017	125	0.061973	1639	84	0.051251	1730	88	0.050867	135	27	0.2	519	29	0.055877	77	24	0.311688
XR_38033-	104248	Cabin1	chr10	75700073	75764357	975	2	0.002051	950	5	0.005263	1032	7	0.006783	105	2	0.019048	535	3	0.005607	1229	2	0.001627	1041	6	0.005764	935	4	0.004278	639	4	0.00626	605	2	0.003306	20	0	0
XR_38033{	109272	Mybpc1	chr10	88518482	88605228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380341	109272	Mybpc1	chr10	88518482	88605228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38034:	109272	Mybpc1	chr10	88518279	88605228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38034(	114229	Kiss1r	chr10	79918385	79924088	1469	123	0.08373	1592	115	0.072236	1531	128	0.083605	116	19	0.163793	512	72	0.140625	1707	259	0.151728	1288	170	0.131988	1617	159	0.09833	358	35	0.097765	461	71	0.154013	92	15	0.163043
XR_38036:	13139	Dgka	chr10	1.29E+08	1.29E+08	176	67	0.380682	87	42	0.482759	234	84	0.358974	20	7	0.35	81	25	0.308642	276	129	0.467391	219	141	0.643836	262	79	0.301527	146	50	0.342466	49	18	0.367347	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38036!	14479	Usp15	chr10	1.23E+08	1.23E+08	4023	35	0.0087	3915	19	0.004853	4107	31	0.007548	199	0	0	1092	3	0.002747	4057	55	0.013557	4216	28	0.006641	4069	28	0.006881	964	2	0.002075	1252	9	0.007188	412	3	0.007282
XR_38036{	18451	P4ha1	chr10	59323202	59372356	3677	22	0.005983	3591	24	0.006683	4213	43	0.010207	785	1	0.001274	1381	6	0.004345	4988	34	0.006816	4237	27	0.006372	4661	34	0.007295	1569	6	0.003824	1344	0	0	465	0	0
XR_38036{	18451	P4ha1	chr10	59323197	59372356	3677	22	0.005983	3591	24	0.006683	4213	43	0.010207	785	1	0.001274	1381	6	0.004345	4988	34	0.006816	4237	27	0.006372	4661	34	0.007295	1569	6	0.003824	1344	0	0	465	0	0
XR_38037(	18551	Pcsk4	chr10	80323084	80329735	1651	23	0.013931	1604	21	0.013092	1246	15	0.012039	332	2	0.006024	590	17	0.028814	1823	83	0.045529	1629	18	0.01105	2003	27	0.01348	192	9	0.046875	440	2	0.004545	30	0	0
XR_380371	18551	Pcsk4	chr10	80323115	80329735	1651	23	0.013931	1604	21	0.013092	1246	15	0.012039	332	2	0.006024	590	17	0.028814	1823	83	0.045529	1629	18	0.01105	2003	27	0.01348	192	9	0.046875	440	2	0.004545	30	0	0
XR_38037:	18551	Pcsk4	chr10	80323088	80329735	1651	23	0.013931	1604	21	0.013092	1246	15	0.012039	332	2	0.006024	590	17	0.028814	1823	83	0.045529	1629	18	0.01105	2003	27	0.01348	192	9	0.046875	440	2	0.004545	30	0	0
XR_38037-	18551	Pcsk4	chr10	80321829	80329743	1651	23	0.013931	1604	21	0.013092	1246	15	0.012039	332	2	0.006024	590	17	0.028814	1823	83	0.045529	1629	18	0.01105	2003	27	0.01348	192	9	0.046875	440	2	0.004545	30	0	0
XR_38037!	18551	Pcsk4	chr10	80321865	80329743	1651	23	0.013931	1604	21	0.013092	1246	15	0.012039	332	2	0.006024	590	17	0.028814	1823	83	0.045529	1629	18	0.01105	2003	27	0.01348	192	9	0.046875	440	2	0.004545	30	0	0
XR_380377	18717	Pip5k1c	chr10	81292962	81319974	2553	243	0.095182	2187	170	0.077732	2227	188	0.084419	565	32	0.056637	1036	114	0.110039	3291	285	0.0866	2479	133	0.053651	2833	139	0.049065	654	72	0.110092	1327	46	0.034665	464	29	0.0625
XR_38038(	208266	Dot1l	chr10	80755101	80795461	3758	81	0.021554	3819	25	0.006546	3806	32	0.008408	358	34	0.094972	994	43	0.04326	4456	102	0.02289	3959	46	0.011619	4551	68	0.014942	1005	28	0.027861	1562	6	0.003841	90	1	0.011111
XR_38038:	216166	Plk5	chr10	80356468	80365489	2666	126	0.047262	2623	115	0.043843	2828	109	0.038543	439	16	0.036446	433	32	0.073903	2762	150	0.054308	2288	80	0.034965	2285	61	0.026696	492	32	0.065041	715	45	0.062937	176	5	0.028409
XR_38038-	216190	Appl2	chr10	83602850	83648877	1171	111	0.094791	979	92	0.093973	1084	101	0.093173	21	18	0.857143	192	71	0.369792	1180	92	0.077966	1355	57	0.042066	1414	42	0.029703	244	24	0.098361	140	28	0.2	102	19	0.186275
XR_38038(	216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XR_38038{	216441	Slc26a10	chr10	1.27E+08	1.27E+08	817	73	0.089351	707	67	0.094767	870	70	0.08046	185	16	0.086486	221	30	0.135747	854	57	0.066745	551	27	0.049002	594	58	0.097643	162	37	0.228395	295	17	0.057627	22	8	0.363636
XR_38038{	21886	Tle2	chr10	81575116	81590468	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XR_38039(	21886	Tle2	chr10	81575116	81590436	1161	49	0.042205	1066	38	0.035647	985	21	0.02132	64	1	0.015625	455	7	0.015385	1298	35	0.026965	929	16	0.017223	1095	32	0.029224	331	12	0.036254	416	29	0.069712	60	15	0.25
XR_38039:	237422	Ric8b	chr10	84917268	85018337	1289	9	0.006982	1229	10	0.008137	1058	4	0.003781	283	4	0.014134	420	3	0.007143	1672	6	0.003589	1596	10	0.006266	1713	16	0.00934	308	0	0	482	1	0.002075	80	0	0
XR_38039:	237422	Ric8b	chr10	84917268	85015101	1289	9	0.006982	1229	10	0.008137	1058	4	0.003781	283	4	0.014134	420	3	0.007143	1672	6	0.003589	1596	10	0.006266	1713	16	0.00934	308	0	0	482	1	0.002075	80	0	0
XR_38039-	237422	Ric8b	chr10	84917268	85018337	1289	9	0.006982	1229	10	0.008137	1058	4	0.003781	283	4	0.014134	420	3	0.007143	1672	6	0.003589	1596	10	0.006266	1713	16	0.00934	308	0	0	482	1	0.002075	80	0	0
XR_38039{	237611	Stac3	chr10	1.28E+08	1.28E+08	13	11	0.846154	14	14	1	18	18	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	26	0.962963	21	13	0.619048	22	18	0.818182	12	8	0.666667	16	12	0.75	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38040(	27355	Pald1	chr10	61319656	61383546	2602	131	0.050346	2201	77	0.034984	2321	82	0.03533	137	7	0.051095	887	50	0.05637	2724	90	0.03304	2031	89	0.043821	2256	78	0.034574	581	17	0.02926	632	29	0.045886	46	2	0.043478
XR_38040-	278279	Tmtc2	chr10	1.05E+08	1.06E+08	2767	14	0.00506	2501	18	0.007197	3353	27	0.008052	474	2	0.004219	961	7	0.007284	2655	29	0.010923	2553	26	0.010184	2071	37	0.017866	887	9	0.010147	901	17	0.018868	394	3	0.007614
XR_38040!	327762	Dna2	chr10	62946983	62974185	2379	120	0.050441	2131	154	0.072267	2175	134	0.061609	549	31	0.056466	582	64	0.109966	2132	124	0.058161	1735	79	0.045533	1611	93	0.057728	680	34	0.05	1004	51	0.050797	278	21	0.07554
XR_38040{	333669	Gm5134	chr10	75954496	75999101	466	329	0.706009	528	359	0.679924	538	376	0.698885	68	52	0.764706	229	165	0.720524	528	356	0.674242	415	289	0.696386	537	345	0.642458	195	100	0.512821	150	101	0.673333	42	32	0.761905
XR_38041:	353025	Caps2	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38041-	380664	Lemd3	chr10	1.21E+08	1.21E+08	8032	34	0.004233	8268	48	0.005806	9221	72	0.007808	1328	2	0.001506	2149	9	0.004188	8337	64	0.007677	6983	41	0.005871	8210	35	0.004263	1845	5	0.00271	2530	5	0.001976	621	1	0.00161
XR_38041{	57267	Apba3	chr10	81266935	81273236	697	3	0.004304	513	2	0.003899	599	1	0.001669	120	0	0	202	2	0.009901	673	5	0.007429	611	10	0.016367	768	3	0.003906	279	0	0	384	2	0.005208	93	0	0
XR_38042(	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_38042:	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_38042:	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_38042-	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_38042!	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_38042{	67074	Mon2	chr10	1.23E+08	1.23E+08	2364	26	0.010998	2684	28	0.010432	2766	12	0.004338	221	0	0	773	1	0.001294	2098	17	0.008103	2484	24	0.009662	2618	10	0.00382	535	2	0.003738	754	3	0.003979	86	0	0
XR_38043(	67331	Atp8b3	chr10	80519584	80539154	551	58	0.105263	470	34	0.07234	524	47	0.089695	84	9	0.107143	196	26	0.132653	438	50	0.114155	405	47	0.116049	396	41	0.103535	152	29	0.190789	177	28	0.158192	95	4	0.042105
XR_380431	67345	Herc4	chr10	63243751	63317879	2858	16	0.005598	3053	41	0.013429	3392	13	0.003833	518	12	0.023166	1017	3	0.00295	3212	25	0.007783	2700	18	0.006667	2700	16	0.005926	827	2	0.002418	1087	9	0.00828	198	1	0.005051
XR_38043{	70428	Polr3b	chr10	84622292	84725736	2295	25	0.010893	1807	16	0.008854	2222	18	0.008101	346	2	0.00578	1086	9	0.008287	2556	14	0.005477	2144	18	0.008396	1921	14	0.007288	714	6	0.008403	856	4	0.004673	356	2	0.005618
XR_380441	71361	Aifm2	chr10	61715264	61738656	728	10	0.013736	647	6	0.009274	540	6	0.011111	44	0	0	117	0	0	563	2	0.003552	554	4	0.00722	794	5	0.006297	125	0	0	94	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38044(	71712	Dram1	chr10	88322801	88357280	654	3	0.004587	575	1	0.001739	594	1	0.001684	156	1	0.00641	307	0	0	548	4	0.007299	694	3	0.004323	650	4	0.006154	96	0	0	148	2	0.013514	55	0	0
XR_380447	73218	Sppl2b	chr10	80855253	80868708	3171	242	0.076317	3083	196	0.063574	3412	271	0.079426	557	67	0.120287	1092	92	0.084249	3448	395	0.114559	2763	232	0.083967	2591	227	0.087611	890	69	0.077528	1049	67	0.06387	440	34	0.077273
XR_38044{	74048	Vsir	chr10	60349328	60430294	20	2	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	4	0.125	22	4	0.181818	22	5	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	21	0.807692
XR_38045(	74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XR_380451	74053	Grip1	chr10	1.2E+08	1.2E+08	272	235	0.863971	216	192	0.888889	189	159	0.84127	13	12	0.923077	154	125	0.811688	216	184	0.851852	202	166	0.821782	205	159	0.77561	108	69	0.638889	35	15	0.428571	42	26	0.619048
XR_38045:	75089	Uhrf1bp1l	chr10	89744968	89809720	1775	16	0.009014	2048	11	0.005371	2224	9	0.004047	151	1	0.006623	700	8	0.011429	1704	10	0.005869	1951	13	0.006663	2341	11	0.004699	250	0	0	568	1	0.001761	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38045!	76877	Rab36	chr10	75036895	75054748	381	6	0.015748	67	6	0.089552	286	9	0.031469	10	0	0	96	2	0.020833	289	4	0.013841	155	3	0.019355	302	25	0.082781	24	2	0.083333	106	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380457	80294	Pofut2	chr10	77259081	77269575	2069	282	0.136298	2229	276	0.123822	2384	296	0.124161	313	110	0.351438	795	141	0.177358	2211	324	0.14654	1894	268	0.141499	2067	246	0.119013	441	90	0.204082	753	132	0.175299	282	51	0.180851
XR_38045{	102639969	Gm36158	chr10	58677381	58683883	82	78	0.95122	19	17	0.894737	82	76	0.926829	31	29	0.935484	59	53	0.898305	106	83	0.783019	64	44	0.6875	76	54	0.710526	45	34	0.755556	34	25	0.735294	13	9	0.692308
XR_380461	102640190	Gm36318	chr10	59441753	59443885	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38047-	102631552	Gm29861	chr10	61217149	61219572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38047!	102631552	Gm29861	chr10	61216463	61219572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38047{	102631904	Gm30121	chr10	61916134	61932456	162	148	0.91358	116	107	0.922414	120	111	0.925	32	31	0.96875	75	70	0.933333	158	142	0.898734	138	112	0.811594	134	112	0.835821	30	28	0.933333	18	18	1	10	9	0.9
XR_38048-	102632178	Gm30322	chr10	62422506	62430396	237	161	0.679325	173	138	0.797688	129	93	0.72093	20	18	0.9	111	86	0.774775	282	188	0.666667	164	113	0.689024	158	113	0.71519	61	35	0.57377	53	34	0.641509	11	7	0.636364
XR_380491	102632617	Gm30644	chr10	63813718	63818224	52	48	0.923077	48	47	0.979167	54	52	0.962963	18	13	0.722222	14	14	1	38	33	0.868421	25	17	0.68	38	27	0.710526	16	6	0.375	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308
XR_380501	102633406	Gm31240	chr10	66740926	66745585	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380517	102634362	Gm31962	chr10	67399678	67419288	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38051{	102634442	Gm32023	chr10	67420054	67425334	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380521	102634639	Gm32176	chr10	67509125	67511420	161	148	0.919255	101	96	0.950495	94	89	0.946809	37	34	0.918919	46	42	0.913043	156	143	0.916667	118	79	0.669492	81	61	0.753086	65	47	0.723077	35	23	0.657143	16	14	0.875
XR_38052:	102634639	Gm32176	chr10	67509125	67511420	161	148	0.919255	101	96	0.950495	94	89	0.946809	37	34	0.918919	46	42	0.913043	156	143	0.916667	118	79	0.669492	81	61	0.753086	65	47	0.723077	35	23	0.657143	16	14	0.875
XR_38052:	102634748	Gm32255	chr10	67496359	67536180	4683	63	0.013453	3806	64	0.016816	4561	69	0.015128	1157	13	0.011236	1437	24	0.016701	5234	52	0.009935	4339	168	0.038719	4227	118	0.027916	1390	19	0.013669	1578	14	0.008872	557	5	0.008977
XR_38052{	102634989	Gm32438	chr10	67693893	67705155	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667
XR_38053(	102635092	Gm32515	chr10	67664629	67667438	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380531	102635169	4930543I1	chr10	67785743	67788833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38053-	102635395	Gm32748	chr10	68329207	68340234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38053!	102635395	Gm32748	chr10	68325394	68340234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38054:	102635915	Gm33130	chr10	69072348	69089880	25	25	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	25	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38054-	102635915	Gm33130	chr10	69072348	69085829	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	38	0.95	48	42	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38054(	102636096	Gm33263	chr10	69147745	69151323	389	131	0.336761	365	60	0.164384	406	66	0.162562	71	11	0.15493	198	89	0.449495	355	156	0.439437	338	78	0.230769	403	100	0.248139	123	23	0.186992	60	15	0.25	53	13	0.245283
XR_380547	102636160	4930423B(	chr10	69326355	69328261	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38054{	102636238	Gm33361	chr10	69905728	69921529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38054{	102636314	Gm33416	chr10	69862685	69866390	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38055(	102636382	Gm33464	chr10	69541083	69563041	51	43	0.843137	41	38	0.926829	39	36	0.923077	13	11	0.846154	32	30	0.9375	62	54	0.870968	52	46	0.884615	57	48	0.842105	14	12	0.857143	29	20	0.689655	12	10	0.833333
XR_380557	102636706	Gm33704	chr10	70293395	70294057	615	425	0.691057	632	446	0.705696	686	482	0.702624	112	97	0.866071	256	194	0.757813	715	526	0.735664	504	303	0.60119	537	335	0.623836	222	128	0.576577	243	175	0.720165	105	58	0.552381
XR_38055{	102637077	Gm33979	chr10	70715249	70740236	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38056:	102637547	Gm34328	chr10	71181357	71201144	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38056-	102637612	Gm34376	chr10	71287735	71292240	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	34	0.772727	43	23	0.534884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38056(	102637756	Gm34486	chr10	71527287	71565366	30	30	1	72	63	0.875	61	52	0.852459	#N/A	#N/A	#N/A	33	32	0.969697	132	120	0.909091	88	73	0.829545	63	52	0.825397	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_380567	102637834	Gm34544	chr10	71664608	71668578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38056{	102637916	Gm34609	chr10	72077759	72112438	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38056{	102637980	Gm34659	chr10	72622828	72631811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A



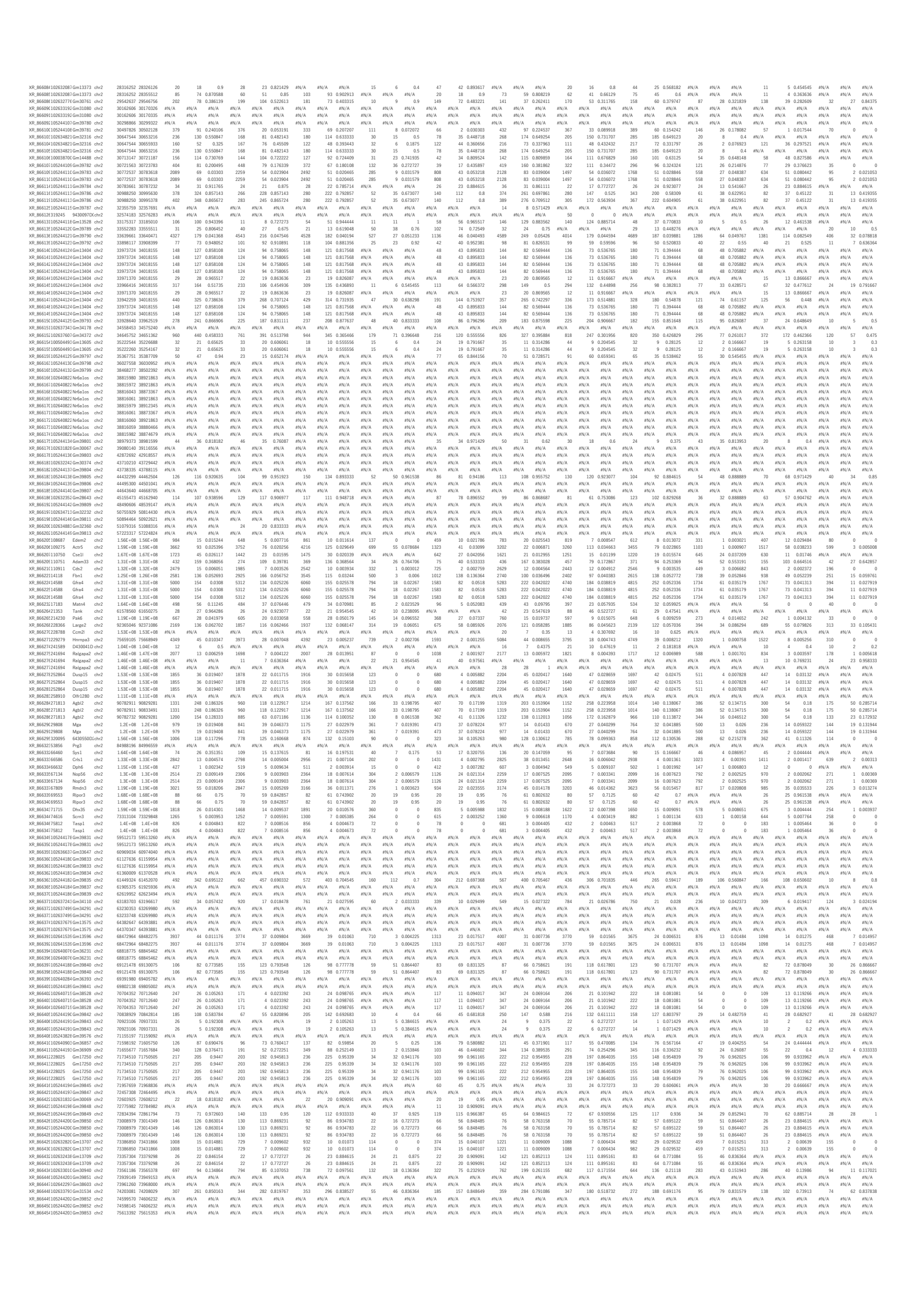
XR_38292	102636983	Gm33905	chr13	1.12E+08	1.12E+08	53	34	0.641509	66	64	0.969697	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	118	98	0.830508	84	77	0.916667	37	22	0.594595	43	30	0.697674	#N/A	#N/A	#N/A	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38293	102637810	Gm34528	chr13	1.14E+08	1.14E+08	160	28	0.175	150	20	0.133333	168	17	0.10119	30	0	0	58	11	0.189655	158	60	0.379747	136	21	0.154412	120	16	0.133333	70	16	0.228571	68	13	0.191176	46	8	0.173913
XR_38293	102637890	Gm34586	chr13	1.14E+08	1.14E+08	68	64	0.941176	88	75	0.852273	79	70	0.886076	11	8	0.727273	94	89	0.946809	113	102	0.902655	86	68	0.790698	74	49	0.662162	74	48	0.648649	57	47	0.824561	34	25	0.735294
XR_38293	102637890	Gm34586	chr13	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	21	19	0.904762	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38293	102638161	Gm34790	chr13	1.15E+08	1.15E+08	1393	2	0.001436	1054	3	0.002846	1211	3	0.002477	533	7	0.013133	681	1	0.001468	1442	14	0.009709	1276	5	0.003918	1273	7	0.005499	597	2	0.00335	534	8	0.014981	200	1	0.005
XR_38293	102638236	Gm34845	chr13	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38294	102638835	Gm16263	chr13	1.19E+08	1.19E+08	34	31	0.911765	28	24	0.857143	38	28	0.736842	16	14	0.875	26	22	0.846154	47	29	0.617021	10	7	0.7	24	4	0.166667	36	11	0.305556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38296	66231	Thoc7	chr14	13949014	13961114	3227	19	0.005888	2798	31	0.011079	3446	46	0.013349	357	0	0	599	2	0.003339	3387	34	0.010038	2995	18	0.00601	3021	14	0.004634	546	0	0	644	4	0.006211	137	0	0
XR_38296	674895	Nek10	chr14	14803580	15012059	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38304	102635694	Gm32966	chr14	4053248	4163215	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38309	102633770	Gm31517	chr14	15053321	15065207	74	52	0.702703	57	31	0.54386	33	26	0.787879	#N/A	#N/A	#N/A	58	38	0.655172	108	64	0.592593	83	38	0.457831	101	42	0.415842	10	3	0.3	33	13	0.393939	10	4	0.4
XR_38309	102633961	Gm31658	chr14	15308512	15332420	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38310	102634149	Gm31804	chr14	15775104	15783652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38310	73440	1700062C1	chr14	16000816	16037265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38310	73440	1700062C1	chr14	16004363	16037265	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38310	102634574	Gm32121	chr14	17330675	17407786	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38310	102634653	Gm32187	chr14	17517932	17527015	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38310	102634653	Gm32187	chr14	17519324	17527015	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38311	102635185	Gm32587	chr14	18547762	18555034	199	186	0.934673	108	105	0.972222	118	115	0.974576	20	19	0.95	202	193	0.955446	137	120	0.875912	142	122	0.859155	92	72	0.782609	46	38	0.826087	33	25	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38311	102635185	Gm32587	chr14	18463610	18555034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38311	102635768	Gm33022	chr14	19292348	19311689	768	531	0.691406	555	358	0.645045	736	500	0.679348	237	170	0.7173	269	164	0.609665	683	478	0.699854	748	567	0.758021	582	349	0.599656	161	97	0.602484	262	153	0.583969	133	73	0.548872
XR_38312	104416	Bap1	chr14	31251352	31259930	3240	50	0.015432	2960	65	0.021959	3097	23	0.007427	604	1	0.001656	1130	13	0.011504	3322	67	0.020169	2712	52	0.019174	3253	58	0.01783	854	6	0.007026	1242	25	0.020129	485	0	0
XR_38312	105445	Dock9	chr14	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38312	105445	Dock9	chr14	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38312	105445	Dock9	chr14	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38313	105522	Ankrd28	chr14	31698775	31781701	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38313	110821	Pcca	chr14	1.23E+08	1.23E+08	172	166	0.965116	212	204	0.962264	277	268	0.967509	78	75	0.961538	55	55	1	184	182	0.98913	133	122	0.917293	168	152	0.904762	75	64	0.853333	81	64	0.790123	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38313	12153	Bmp1	chr14	70474558	70520712	4048	625	0.154397	3825	404	0.105621	4355	550	0.126292	294	33	0.112245	1073	207	0.192917	3904	582	0.149078	3523	504	0.14306	4359	441	0.10117	782	154	0.196931	942	174	0.184713	155	52	0.335484
XR_38314	18996	Pou4f1	chr14	1.04E+08	1.04E+08	5840	99	0.016952	6117	114	0.018637	6312	116	0.018378	1097	18	0.016408	1803	34	0.018857	5514	122	0.022125	5258	85	0.016166	5187	109	0.021014	1719	25	0.014543	2381	30	0.0126	288	4	0.013889
XR_38314	19256	Ptpn20	chr14	33589193	33640753	415	349	0.840964	448	325	0.725446	449	359	0.799555	66	58	0.878788	341	266	0.780059	599	470	0.784641	403	295	0.73201	378	288	0.761905	271	159	0.586716	229	145	0.633188	73	51	0.69863
XR_38315	19645	Rb1	chr14	73192858	73325951	7311	73	0.009985	7330	78	0.010641	8235	79	0.009593	1164	23	0.019759	2295	20	0.008715	8442	103	0.012201	7303	57	0.007805	7312	61	0.008342	1547	28	0.0181	2743	31	0.011301	810	4	0.004938
XR_38315	210808	Lacc1	chr14	77030872	77036929	2541	27	0.010626	2780	33	0.011871	2831	12	0.004239	585	6	0.010256	1215	9	0.007407	2645	35	0.013233	2674	28	0.010471	2877	36	0.012513	628	13	0.020701	910	16	0.017582	136	13	0.095588
XR_38315	21807	Tsc22d1	chr14	76415631	76441620	10186	345	0.03387	9677	273	0.028211	10950	272	0.02484	1879	57	0.030335	2807	71	0.025294	10113	325	0.032137	9486	280	0.029517	10016	375	0.03744	3203	174	0.054324	3903	230	0.058929	520	68	0.130769
XR_38315	21807	Tsc22d1	chr14	76415631	76441620	10186	345	0.03387	9677	273	0.028211	10950	272	0.02484	1879	57	0.030335	2807	71	0.025294	10113	325	0.032137	9486	280	0.029517	10016	375	0.03744	3203	174	0.054324	3903	230	0.058929	520	68	0.130769
XR_38315	21821	Ift88	chr14	57424064	57517936	1883	2	0.001062	1580	9	0.005696	1724	5	0.0029	405	0	0	458	3	0.00655	1940	9	0.004639	1742	10	0.005741	1196	6	0.005017	667	1	0.001499	959	5	0.005214	176	0	0
XR_38315	218850	Tasor	chr14	27423674	27482262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38315	218850	Tasor	chr14	27423674	27481060	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38316	218865	Chdh	chr14	30008901	30040468	2218	60	0.027051	2075	42	0.020241	2357	44	0.018668	355	2	0.005634	1078	20	0.018553	2417	69	0.028548	2094	20	0.009551	2224	31	0.013939	825	12	0.014545	922	13	0.0141	364	3	0.008242
XR_38316	218973	Wdhd1	chr14	47245043	47276861	2278	37	0.016242	2304	41	0.017795	2182	39	0.017874	428	2	0.004673	713	1	0.001403	2382	46	0.019312	2133	35	0.016409	2594	29	0.01118	553	0	0	776	2	0.002577	111	0	0
XR_38316	219094	Khnyn	chr14	55884812	55895018	1758	380	0.216155	1562	243	0.15557	1800	287	0.159444	440	101	0.229545	713	101	0.141655	2315	415	0.179266	1986	302	0.152064	1975	369	0.186835	550	29	0.052727	697	140	0.200861	48	20	0.416667
XR_38316	219094	Khnyn	chr14	55884812	55898780	1758	380	0.216155	1562	243	0.15557	1800	287	0.159444	440	101	0.229545	713	101	0.141655	2315	415	0.179266	1986	302	0.152064	1975	369	0.186835	550	29	0.052727	697	140	0.200861	48	20	0.416667
XR_38316	219094	Khnyn	chr14	55884812	55894075	1758	380	0.216155	1562	243	0.15557	1800	287	0.159444	440	101	0.229545	713	101	0.141655	2315	415	0.179266	1986	302	0.152064	1975	369	0.186835	550	29	0.052727	697	140	0.200861	48	20	0.416667
XR_38316	219094	Khnyn	chr14	55884812	55888580	1758	380	0.216155	1562	243	0.15557	1800	287	0.159444	440	101	0.229545	713	101	0.141655	2315	415	0.179266	1986	302	0.152064	1975	369	0.186835	550	29	0.052727	697	140	0.200861	48	20	0.416667
XR_38316	219114	Ska3	chr14	57806558	57826291	2194	10	0.004558	2319	11	0.004743	2302	16	0.00695	579	0	0	945	1	0.001058	2320	12	0.005172	1973	5	0.002534	2045	12	0.005868	418	0	0	516	2	0.003876	40	0	0
XR_38317	219249	Tdrd3	chr14	87416178	87545507	5879	25	0.004252	5466	58	0.010611	6435	39	0.006061	1256	4	0.003185	1963	2	0.001019	6536	38	0.005814	5748	30	0.005219	6108	26	0.004257	1492	3	0.002011	2265	10	0.004415	847	7	0.008264
XR_38317	238988	Erc2	chr14	27622287	28478537	2518	18	0.007149	2773	35	0.012622	2858	25	0.008747	578	4	0.00692	842	12	0.014252	2503	56	0.022373	2450	20	0.008163	2567	17	0.006623	595	12	0.020168	684	7	0.010234	184	1	0.005435
XR_38317	238988	Erc2	chr14	27622287	28478537	2518	18	0.007149	2773	35	0.012622	2858	25	0.008747	578	4	0.00692	842	12	0.014252	2503	56	0.022373	2450	20	0.008163	2567	17	0.006623	595	12	0.020168	684	7	0.010234	184	1	0.005435
XR_38317	239188	Enox1	chr14	77156248	77721763	4662	95	0.020378	4163	71	0.017055	4725	60	0.012698	581	18	0.030981	1538	20	0.013004	4199	92	0.02191	4058	93	0.022918	3768	114	0.030255	1260	25	0.019841	1619	67	0.041384	487	27	0.055441
XR_38318	239188	Enox1	chr14	77156248	77721763	4662	95	0.020378	4163	71	0.017055	4725	60	0.012698	581	18	0.030981	1538	20	0.013004	4199	92	0.02191	4058	93	0.022918	3768	114	0.030255	1260	25	0.019841	1619	67	0.041384	487	27	0.055441
XR_38318	268747	Carmil3	chr14	55491022	55508272	3677	42	0.011422	3275	28	0.00855	3480	32	0.009195	627	5	0.007974	897	8	0.008919	3747	30	0.008006	2795	11	0.003936	2825	17	0.006018	834	3	0.003597	1019	3	0.002944	572	3	0.005245
XR_38318	268747	Carmil3	chr14	55490889	55501843	3718	79	0.021248	3309	61	0.018435	3520	71	0.02017	644	22	0.034161	917	28	0.030534	3790	72	0.018997	2821	37	0.013116	2851	42	0.014732	853	21	0.024619	1037	16	0.015429	582	13	0.022337
XR_38318	268749	Rnf31	chr14	55591713	55603671	3241	67	0.020673	2373	78	0.03287	2755	81	0.029401	430	2	0.004651	1318	63	0.0478	3458	100	0.028918	2799	77	0.02751	3155	90	0.028526	1057	4	0.003784	1264	46	0.036392	375	0	0
XR_38318	268752	Wdfy2	chr14	62837738	62961509	1388	13	0.009366	1352	7	0.005178	1418	11	0.007757	392	2	0.005102	780	2	0.002564	2104	11	0.005228	1456	4	0.002747	1303	13	0.009977	856	1	0.001168	769	1	0.0013	229	2	0.008734
XR_38318	319955	Ercc6	chr14	32513291	32580990	1861	43	0.023106	1668	27	0.016187	1859	33	0.01775	508	2	0.003937	812	38	0.046798	1958	29	0.014811	1561	19	0.012172	1466	18	0.012278	531	7	0.013183	424	6	0.014151	225	2	0.008889
XR_38318	328370	Rft1	chr14	30654340	30691317	1017	8	0.007866	1028	6	0.005837	1259	10	0.007943	107	1	0.009346	514	2	0.003891	1360	7	0.005147	944	13	0.013771	923	8	0.008667	223	1	0.004484	399	4	0.010025	85	1	0.011765
XR_38318	328370	Rft1	chr14	30654340	30691317	1017	8	0.007866	1028	6	0.005837	1259	10	0.007943	107	1	0.009346	514	2	0.003891	1360	7	0.005147	944	13	0.013771	923	8	0.008667	223	1	0.004484	399	4	0.010025	85	1	0.011765
XR_38319	328381	Sh2d4b	chr14	40811521	40902337	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38319	328417	Parp4	chr14	56575647	56647227	914	13	0.014223	484	9	0.018595	909	42	0.046205	77	0	0	327	13	0.039755	904	12	0.013274	954	15	0.015723	661	12	0.018154	386	3	0.007772	149	1	0.006711	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38319	52023	Pibf1	chr14	99099887	99242909	3913	28	0.007156	3643	33	0.009058	3676	39	0.010609	744	14	0.018817	1738	11	0.006329	4326	34	0.007859	3842	43	0.011192	3749	33	0.008802	1554	7	0.004505	1640	7	0.004268	437	6	0.01373
XR_38319	58245	Gpr180	chr14	1.18E+08	1.18E+08	2082	6	0.002882	1983	11	0.005547	2194	11	0.005014	228	9	0.039474	919	13	0.014146	2327	19	0.008165	2008	12	0.005976	2294	18	0.007847	670	2	0.002985	1013	16	0.015795	334	9	0.026946
XR_38320	66573	Dzip1	chr14	1.19E+08	1.19E+08	2233	123	0.055083	2176	126	0.057904	2462	111	0.045085	256	8	0.03125	689	30	0.043541	2462	107	0.043461	1993	67	0.033618	1975	90	0.04557	502	43	0.085657	594	50	0.084175	243	12	0.049383
XR_38320	69069	Tmem273	chr14	32785894	32817969	50	40	0.8	107	80	0.747664	52	37	0.711538	#N/A	#N/A	#N/A	46	24	0.521739	70	41	0.585714	46	30	0.652174	78	34	0.435897	82	50	0.609756	54	27	0.5	46	13	0.282609
XR_38321	71330	Rcbtb1	chr14	59201034	59237267	4962	25	0.005038	4969	31	0.006239	5226	44	0.008419	872	4	0.004587	1970	6	0.003046	4851	23	0.004741	4565	22	0.004819	4505	23	0.005105	1350	1	0.000741	1270	4	0.00315	667	1	0.001499
XR_38321	72400	Pinx1	chr14	63860279	63919855	1353	99	0.073171	1163	91	0.078246	1200	110	0.091667	309	37	0.119741	743	57	0.076716	1423	99	0.069571	1182	74	0.062606	1398	74	0.052933	497	24	0.04829	606	53	0.087459	125	23	0.184
XR_38321	75339	Mphosph8	chr14	56668235	56697430	989	3	0.003033	848	7	0.008255	979	4	0.004086	50	2	0.04	768	4	0.005208	1026	9	0.008772	1068	4	0.003745	934	5	0.005353	529	1	0.00189	778	10	0.012853	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38322	102631602	Gm29899	chr14	19708003	19742879	17	3	0.176471	11	6	0.545455	13	3	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	3	0.157895	18	1	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38322	102631602	Gm29899	chr14	19708003	19742879	17	3	0.176471	11	6	0.545455	13	3	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	3	0.157895	18	1	0.055556	#N/A	#N/A	#N/A	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38323	102631812	Gm30054	chr14	20364249	20369315	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38323	102632037	Gm30212	chr14	20891687	20917972	86	81	0.94186	104	102	0.980769	113	106	0.938053	45	44	0.977778	42	38	0.904762	144	137	0.951389	120	112	0.933333	95	91	0.957895	48	41	0.854167	32	31	0.96875	34	27	0.794118
XR_38324	102632991	Gm30926	chr14	22728998	22801364	52	16	0.307692	58	9	0.155172	58	17	0.293103	15	2	0.133333	68	43	0.632353	58	22	0.37931	45	23	0.511111	49	13	0.265306	41	14	0.341463	39	13	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38325	102633608	Gm31392	chr14	24044637	24067117	183	136	0.743169	158	129	0.816456	173	133	0.768786	52	41	0.788462	125	96	0.768	184	123	0.668478	142	81	0.570423	196	124	0.632653	46	25	0.543478	96	48	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38325	102633608	Gm31392	chr14	24044637	24067117	183	136	0.743169	158	129	0.816456	173	133	0.768786	52	41	0.788462	125	96	0.768	184	123	0.668478	142	81	0.570423	196	124	0.632653	46	25	0.543478	96	48	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38325	73871	4930428N	chr14	24621030	24622869	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38325	70955	4931403M	chr14	24617583	24631373	321	235	0.732087	261	196	0.750958	348	252	0.724138	61	48	0.786885	134	99	0.738806	404	297	0.735149	372	209	0.561828	348	216	0.62069	127	72	0.566929	66	26	0.393939	44	26	0.590909
XR_38326	102634037	Gm31720	chr14	24518031	24526928	96	79	0.822917	158	139	0.879747	110	93	0.845455	#N/A	#N/A	#N/A	135	110	0.814815	126	105	0.833333	143	116	0.811189	109	79	0.724771	14	7	0.5	54	40	0.740741	10	8	0.8
XR_38326	102634114	Gm31775	chr14	24665132	24772709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38326	102634346	Gm31951	chr14	24829064	24830336	115	101	0.878261	155	124	0.8	130	101	0.776923	18	14	0.777778	70	59	0.842857	146	120	0.821918	147	114	0.77551	125	74	0.592	60	35	0.583333	56	40	0.714286	18	9	0.5
XR_38326	102634501	Gm32068	chr14	24950377	24968194	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38327	102634702	Gm32224	chr14	25128019	25148060	221	197	0.891403	129	117	0.906977	187	172	0.919786	66	58	0.878788	96	81	0.84375	235	198	0.842553	198	166	0.838384	135	112	0.82963	105	84	0.8	70	49	0.7	10	9	0.9
XR_38327	102634702	Gm32224	chr14	25128044	25137817	221	197	0.891403	129	117	0.906977	187	172	0.919786	66	58	0.878788	96	81	0.84375	235	198	0.842553	198	166	0.838384	135	112	0.82963	105	84	0.8	70	49	0.7	10	9	0.9
XR_38327	102634809	Gm32307	chr14	25185486	25186623	64	44	0.6875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	51	39	0.764706	44	37	0.840909	52	34	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38327	102634809	Gm32307	chr14	25185486	25199119	44	33	0.75	35	30	0.857143	43	36	0.837209	#N/A	#N/A	#N/A	25	24	0.96	29	25	0.862069	20	18	0.9	35	28	0.8	31	21	0.677419	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9
XR_38327	102634906	Gm32379	chr14	25201583	25211653	212	192	0.90566	222	207	0.932432	140	129	0.921429	#N/A	#N/A	#N/A	59	50	0.847458	188	177	0.941489	186	173	0.930108	272	247	0.908088	24	18	0.75	51	45	0.882353	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38328	102635259	Gm32645	chr14	25401727	25426426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38328	102635259	Gm32645	chr14	25401728	25426426	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38328	102635259	Gm32645	chr14	25401728	25408680	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38329	414118	Zmiz1os1	chr14	25347666	25378676	1603	84	0.052402	1265	107	0.084585	1600	96	0.06	110	5	0.045455	458	15	0.032751	1739	69	0.039678	1386	50	0.036075	1618	41	0.02534	322	7	0.021739	402	24	0.059701	10	0	0
XR_38329	414118	Zmiz1os1	chr14	25347666	25378518	1603	84	0.052402	1265	107	0.084585	1600	96	0.06	110	5	0.045455	458	15	0.032751	1739	69	0.039678	1386	50	0.036075	1618	41	0.02534	322	7	0.021739	402	24	0.059701	10	0	0
XR_38329	74272	1700054O1	chr14	25705451	25708902	62	22	0.354839	43	12	0.27907	34	13	0.382353	#N/A	#N/A	#N/A	11	4	0.363636	50	28	0.56	82	41	0.5	40	26	0.65	25	14	0.56	12	8	0.666667	11	8	0.727273
XR_38331	102638037	Gm34702	chr14	27386153	27400306	64	53	0.828125	56	51	0.910714	66	56	0.848485	23	18	0.782609	27	23	0.851852	69	65	0.942029	67	61	0.910448	94	71	0.755319	31	28	0.903226	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38331	102638115	Gm34754	chr14	27271352	27282798	19	18	0.947368	25	24	0.96	31	29	0.935484	#N/A	#N/A	#N/A	49	44	0.897959	45	44	0.977778	14	12	0.857143	38	36	0.947368	20	15	0.75	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38331	102638239	Gm34848	chr14	27261766	27265849	19	19	1	15	14	0.933333	17	17	1	#N/A	#N/A	#N/A	36	34	0.944444	18	18	1	29	27	0.931034	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	14	13	0.928571
XR_38331	102638425	Gm34996	chr14	27876669	27888074	469	358	0.763326	374	286	0.764706	440	328	0.745455	40	29	0.725	236	159	0.673729	428	351	0.820093	333	272	0.816817	348	302	0.867816	114	89	0.780702	119	91	0.764706	105	69	0.657143
XR_38331	102638723	Gm35217	chr14	28777374	28798415	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38331	102638804	Gm35281	chr14	29786837	29788209	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38332	102639036	Gm35449	chr14	30017415	30020212	190	148	0.778947	182	145	0.796703	207	154	0.743961	32	30	0.9375	112	91	0.8125	224	180	0.803571	153	117	0.764706	201	156	0.776119	109	90	0.825688	56	42	0.75	37	29	0.783784
XR_38332	102639205	Gm35566	chr14	30484594	30488591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38332	102639205	Gm35566	chr14	30484594	30488591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38332	102639531	Gm35823	chr14	31268909	31320941	174	116	0.666667	242	134	0.553719	265	146	0.550943	45	22	0.488889	88	63	0.715909	321	135	0.420561	296	151	0.510135	268	148	0.552239	173	51	0.294798	102	54	0.529412	24	18	0.75
XR_38332	102639644	Gm35907	chr14	31435234	31464516	1985	10	0.005038	2218	14	0.006312	2531	9	0.003556	329	2	0.006079	499	3	0.006012	2050	13	0.006341	1904	15	0.007878	2200	17	0.007727	350	2	0.005714	523	2	0.003824	129	0	0
XR_38333	102639978	Gm36164	chr14	31912995	31914595	78	70	0.897436	42	41	0.97619	119	115	0.966387	#N/A	#N/A	#N/A	35	32	0.914286	48	45	0.9375	90	82	0.911111	75	71	0.946667	29	29	1	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38333	102640059	LOC10264	chr14	31929565	31943101	475	351	0.738947	463	349	0.75378	410	295	0.719512	118	70	0.59322	252	171	0.678571	575	427	0.742609	470	322	0.685106	388	245	0.631443	176	115	0.653409	275	191	0.694545	138	74	0.536232
XR_38333	102640059	LOC10264	chr14	31929565	31943101	475	351	0.738947	463	349	0.75378	410	295	0.719512	118	70	0.59322	252	171	0.678571	575	427	0.742609	470	322	0.685106	388	245	0.631443	176	115	0.653409	275	191	0.694545	138	74	0.536232
XR_38334	102640484	Gm28651	chr14	32685386	32689250	939	480	0.511182	778	434	0.557841	815	482	0.591411	98	54	0.55102	413	261	0.631961	944	505	0.534958	761	324	0.425756	749	455	0.607477	346	191	0.552023	328	150	0.457317	87	38	0.436782
XR_38334	102640484	Gm28651	chr14	32685386	32689250	939	480	0.511182	778	434	0.557841	815	482	0.591411	98	54	0.55102	413	261	0.631961	944	505	0.534958	761	324	0.425756	749	455	0.607477	346	191	0.552023	328	150	0.457317	87	38	0.436782
XR_38334	102640581	Gm36611	chr14	32752776	32766128	47	34	0.723404	#N/A	#N/A	#N/A	45	39	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	32	18	0.5625	53	35	0.660377	50	30	0.6	32	14	0.4375	34	18	0.529412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38334	102640660	Gm36674	chr14	32905972	32915200	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38334	102640660	Gm36674	chr14	32905972	32915200	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38335	102632498	Gm30556	chr14	34119479	34120861	#N/A	#N/A	#N/A	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38335	320323	A930038B	chr14	34760195	34766021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38335	102633051	Gm30969	chr14	34774481	34778264	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	12	0.6	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38336	102633609	Gm31393	chr14	37601107	37606799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38336	102634198	Gm31839	chr14	40974343	40981350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38336	102635416	Gm32762	chr14	41424608	41430456	163	17	0.104294	160	19	0.11875	187	15	0.080214	28	0	0	66	8	0.121212	196	20	0.102041	183	10	0.054645	134	19	0.141791	54	3	0.055556	74	29	0.391892	60	8	0.133333
XR_38336	102635416	Gm32762	chr14	41424608	41430603	163	17	0.104294	160	19	0.11875	187	15	0.080214	28	0	0	66	8	0.121212	196	20	0.102041	183	10	0.054645	134	19	0.141791	54	3	0.055556	74	29	0.391892	60	8	0.133333
XR_38336	102635416	Gm32762	chr14	41424608	41428891	163	17	0.104294	160	19	0.11875	187	15	0.080214	28	0	0	66	8	0.121212	196	20	0.102041	183	10	0.054645	134	19	0.141791	54	3	0.055556	74	29	0.391892	60	8	0.133333
XR_38338	102634976	Gm32427	chr14	43818429	43829573	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38338	102635046	Gm32482	chr14	43935583	43937685	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38338	102635117	Gm32537	chr14	43874360	43885462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38338	102637183	Gm34060	chr14	44750460	44765684	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	7	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38339	102637183	Gm34060	chr14	44750416	44765780	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	7	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38339	102637369	Gm34198	chr14	44845543	44853266	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38339	102637444	Gm34250	chr14	45442395	45447067	82	72	0.878049	70	61	0.871429	62	55	0.887097	24	23	0.958333	46	41	0.891304	86	75	0.872093	50	43	0.86	73	57	0.780822	54	43	0.796296	66	53	0.80303	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38339	102637590	Gm34360	chr14	45661477	45664435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38339	102637772	Gm34499	chr14	46221115	46227688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38340	102638118	Gm34756	chr14	46481228	46493690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38340	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38340	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38340	102638347	Gm34934	chr14	46878960	46882799	5792	58	0.010014	4270	36	0.008431	5458	30	0.005497	855	3	0.003509	1940	3	0.001546	6561	82	0.012498	5126	34	0.006633	5787	49	0.008467	1532	23	0.015013	1713	12	0.007005	622	2	0.003215
XR_38341	102638653	Gm35166	chr14	47502944	47508209	65	55	0.846154	45	40	0.888889	59	53	0.898305	10	8	0.8	59	51	0.864407	71	62	0.873239	52	42	0.807692	49	45	0.918367	56	49	0.875	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38341	102638914	Gm35360	chr14	47814235	47823090	51	48	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	48	38	0.791667	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38341	102639459	Gm35766	chr14	48636152	48640715	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38341	102639645	Gm534	chr14	48869271	48881919	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38341	102639795	Gm36024	chr14	48982480	48985105	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38341	102639872	Gm36082	chr14	49669807	49672794	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38342	102639955	Gm36146	chr14	49718454	49744289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38342	102640622	Gm36641	chr14	51323275	51325295	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38342	102640622	Gm36641	chr14	51323275	51324427	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38345	102634535	Gm32092	chr14	55784079	55793781	496	105	0.211694	323	31	0.095975	470	57	0.121277	73	10	0.136986	102	23	0.22549	487	168	0.344969	419	110	0.26253	466	77	0.165236	97	30	0.309278	195	26	0.133333	72	12	0.166667
XR_38345	102635011	Gm32454	chr14	56391651	56398828	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38345	102635624	Gm32912	chr14	57104665	57114194	3119	96	0.030779	2690	54	0.020074	3132	76	0.024266	408	11	0.026961	1046	40	0.038241	2995	117	0.039065	2901	64	0.022061	3064	69	0.02252	677	15	0.022157	835	20	0.023952	201	5	0.024876
XR_38346	102636181	Gm33321	chr14	58300802	58303373	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38346	102636181	Gm33321	chr14	58300802	58303373	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38346	102636332	Gm33430	chr14	58428853	58445140	596	428	0.718121	665	526	0.790977	747	554	0.741633	196	141	0.719388	297	247	0.83165	565	452	0.8	533	292	0.547842	533	387	0.726079	267	163	0.610487	196	155	0.790816	32	21	0.65625
XR_38346	102636396	Gm33472	chr14	59043940	59045944	32	29	0.90625	38	36	0.947368	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	12	6	0.5	13	8	0.615385	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2
XR_38347	102638272	Gm34874	chr14	60316479	60343479	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38347	102638426	Gm34997	chr14	60764585	60768043	157	137	0.872611	116	94	0.810345	143	110	0.769231	20	19	0.95	72	59	0.819444	163	128	0.785276	126	101	0.801587	118	96	0.813559	69	52	0.753623	63	56	0.888889	34	33	0.970588
XR_38347	102638697	Gm35196	chr14	61686786	61690312	289	186	0.643599	227	114	0.502203	322	154	0.478261	99	71	0.717172	96	68	0.708333	350	259	0.74	289	235	0.813149	261	174	0.666667	77	48	0.623377	142	108	0.760563	50	48	0.96
XR_38348	102638760	Gm35247	chr14	61817815	61822867	40	36	0.9	47	43	0.914894	65	57	0.876923	11	8	0.727273	46	45	0.978261	54	45	0.833333	49	46	0.938776	46	37	0.804348	43	29	0.674419	26	24	0.923077	32	24	0.75
XR_38348	102638839	Gm35307	chr14	62034867	62038927	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38348	102638915	Gm35361	chr14	62146811	62147539	179	147	0.821229	159	137	0.861635	104	91	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	121	112	0.92562	235	203	0.86383	172	147	0.854651	184	129	0.701087	117	68	0.581197	104	81	0.778846	11	5	0.454545
XR_38348	102638992	Gm35419	chr14	62119308	62171013	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38348	102639065	Gm35468	chr14	62440284	62446721	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38348	102639646	Gm35908	chr14	63070817	63073261	53	45	0.849057	47	42	0.893617	71	68	0.957746	#N/A	#N/A	#N/A	41	40	0.97561	47	45	0.957447	41	37	0.902439	31	28	0.903226	24	13	0.541667	#N/A	#N/A	#N/A	38	23	0.605263
XR_38349	102639796	Gm36025	chr14	63092059	63104187	31	26	0.83871	11	10	0.909091	11	9	0.818182	22	19	0.863636	22	14	0.636364	29	23	0.793103	26	19	0.730769	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38349	102640060	Gm36218	chr14	63740913	63741417	178	49	0.275281	167	60	0.359281	186	49	0.263441	38	7	0.184211	86	25	0.290698	188	32	0.170213	169	41	0.242604	174	45	0.258621	63	16	0.253968	57	10	0.175439	10	7	0.7
XR_38349	102640060	Gm36218	chr14	63739988	63741417	178	49	0.275281	167	60	0.359281	186	49	0.263441	38	7	0.184211	86	25	0.290698	188	32	0.170213	169	41	0.242604	174	45	0.258621	63	16	0.253968	57	10	0.175439	10	7	0.7
XR_38349	102640169	Gm38524	chr14	63649496	63666182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38349	102640311	Gm36410	chr14	63982328	63985898	102	56	0.54902	89	62	0.696629	108	68	0.62963	26	18	0.692308	90	55	0.611111	104	46	0.442308	120	48	0.4	104	38	0.365385	23	9	0.391304	25	11	0.44	31	5	0.16129
XR_38349	102640375	Gm17116	chr14	64111199	64115795	12	11	0.916667	10	9	0.9	13	13	1	#N/A	#N/A	#N/A	19	19	1	36	35	0.972222	20	18	0.9	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A

XR_38441!	102636012	Gm33205	chr15	97195728	97203772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38442!	102636367	Rapgef3os	chr15	97761578	97768837	510	434	0.85098	460	410	0.891304	471	418	0.887473	114	100	0.877193	235	203	0.86383	549	499	0.908925	426	386	0.906103	405	321	0.792593	143	113	0.79021	147	130	0.884354	92	77	0.836957
XR_38442(	102636625	Gm33636	chr15	97836079	97842033	38	28	0.736842	15	10	0.666667	22	18	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	66	56	0.848485	34	17	0.5	14	4	0.285714	26	11	0.423077	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38442!	102636689	Gm33690	chr15	97847475	97872854	308	257	0.834416	252	220	0.873016	321	260	0.809969	#N/A	#N/A	#N/A	106	85	0.801887	323	264	0.817337	326	223	0.684049	378	258	0.68254	109	55	0.504587	127	92	0.724409	10	10	1
XR_38443!	102636991	Gm33909	chr15	98180533	98194555	223	3	0.013453	172	9	0.052326	214	18	0.084112	48	1	0.020833	220	37	0.168182	296	10	0.033784	210	3	0.014286	187	9	0.048128	115	10	0.086957	79	35	0.443038	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38443	102637307	Gm34152	chr15	98690449	98696404	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38444(	102638128	Gm34765	chr15	99576722	99601542	323	251	0.77709	272	204	0.75	262	211	0.805344	38	33	0.868421	99	86	0.868687	360	257	0.713889	310	191	0.616129	217	143	0.658986	189	118	0.624339	107	65	0.607477	71	61	0.859155
XR_38444!	102638279	Gm34880	chr15	99664364	99669856	4229	151	0.035706	4233	117	0.02764	5016	148	0.029506	812	49	0.060345	849	23	0.027091	4004	186	0.046454	3196	106	0.033166	3470	131	0.037752	1013	21	0.020731	1073	48	0.044734	323	2	0.006192
XR_38445	102638508	Gm17057	chr15	99817947	99836021	382	269	0.704188	357	273	0.764706	386	294	0.761658	99	86	0.868687	103	60	0.582524	338	247	0.730769	261	192	0.735632	319	258	0.808777	107	86	0.803738	120	86	0.716667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38445(	102639209	Gm35569	chr15	1.01E+08	1.01E+08	236	127	0.538136	194	104	0.536082	186	94	0.505376	94	51	0.542553	107	63	0.588785	242	97	0.400826	144	82	0.569444	185	92	0.497297	100	33	0.33	92	38	0.413043	16	13	0.8125
XR_38445!	102639385	Gm671	chr15	1.01E+08	1.01E+08	745	263	0.35302	944	254	0.269068	818	229	0.279951	60	24	0.4	557	301	0.540395	767	380	0.495437	765	176	0.230065	710	157	0.221127	293	71	0.242321	326	92	0.282209	30	20	0.666667
XR_38446	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	12	6	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38446!	102639729	Gm35972	chr15	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	39	12	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	10	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	24	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38446!	102640208	Gm36331	chr15	1.02E+08	1.02E+08	3343	15	0.004487	3156	24	0.007605	3780	20	0.005291	384	13	0.033854	796	12	0.015075	3577	23	0.00643	2816	14	0.004972	3274	21	0.006414	977	1	0.001024	1227	5	0.004075	20	0	0
XR_38447	102640453	Gm36510	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	75	71	0.946667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	49	0.98	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	47	0.94	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38448(	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38448(	102631608	Gm29905	chr15	1.03E+08	1.03E+08	531	19	0.035782	464	16	0.034483	437	6	0.01373	146	1	0.006849	233	8	0.034335	593	26	0.043845	385	5	0.012987	486	20	0.041152	230	5	0.021739	276	28	0.101449	39	1	0.025641
XR_38450	102632344	Gm28876	chr15	1.03E+08	1.03E+08	110	90	0.818182	98	89	0.908163	117	109	0.931624	30	29	0.966667	66	56	0.848485	124	119	0.959677	56	55	0.982143	133	122	0.917293	63	54	0.857143	57	56	0.982456	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38450	102632344	Gm28876	chr15	1.03E+08	1.03E+08	1706	37	0.021688	1637	25	0.015272	1766	21	0.011891	297	11	0.037037	754	10	0.013263	1767	24	0.013582	1552	17	0.010954	1684	30	0.017815	444	4	0.009009	508	15	0.029528	119	1	0.008403
XR_38450!	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38450(	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38450	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	1299	85	0.065435	1358	77	0.056701	1194	52	0.043551	30	2	0.066667	209	19	0.090909	1339	73	0.054518	1327	74	0.055765	1180	60	0.050847	244	13	0.053279	288	29	0.100694	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38450!	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	1215	82	0.06749	889	68	0.07649	1246	102	0.081862	69	9	0.130435	489	32	0.06544	1228	144	0.117264	1013	173	0.17078	965	99	0.102591	353	14	0.03966	546	54	0.098901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38450!	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38451(	102632461	Gm30528	chr15	1.03E+08	1.03E+08	1215	82	0.06749	889	68	0.07649	1246	102	0.081862	69	9	0.130435	489	32	0.06544	1228	144	0.117264	1013	173	0.17078	965	99	0.102591	353	14	0.03966	546	54	0.098901	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38451	12524	Cd86	chr16	36568956	36642800	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38452(	12724	Clcn2	chr16	20702435	20717746	1028	25	0.024319	833	25	0.030012	885	20	0.022599	11	11	1	296	15	0.050676	1067	33	0.030928	892	29	0.032511	961	15	0.015609	270	11	0.040741	385	8	0.020779	156	6	0.038462
XR_38452	13682	Eif4a2	chr16	23107484	23113947	4009	29	0.007234	3533	29	0.008208	3665	22	0.006003	744	1	0.001344	1416	7	0.004944	4494	38	0.008456	3949	23	0.005824	3699	14	0.003785	1478	5	0.003383	1606	6	0.003736	127	1	0.007874
XR_38452!	13682	Eif4a2	chr16	23107484	23113947	4009	29	0.007234	3533	29	0.008208	3665	22	0.006003	744	1	0.001344	1416	7	0.004944	4494	38	0.008456	3949	23	0.005824	3699	14	0.003785	1478	5	0.003383	1606	6	0.003736	127	1	0.007874
XR_38452!	16423	Cd47	chr16	49851328	49912503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38453	18171	Nr1i2	chr16	38248349	38294839	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38453	208146	Yeats2	chr16	20141058	20222775	1332	12	0.009009	985	3	0.003046	1260	13	0.010317	111	0	0	645	1	0.00155	1105	16	0.01448	855	4	0.004678	1072	5	0.004664	273	1	0.003663	551	0	0	88	2	0.022727
XR_38453(	208146	Yeats2	chr16	20141058	20232573	1332	12	0.009009	985	3	0.003046	1260	13	0.010317	111	0	0	645	1	0.00155	1105	16	0.01448	855	4	0.004678	1072	5	0.004664	273	1	0.003663	551	0	0	88	2	0.022727
XR_38454(	208146	Yeats2	chr16	20141053	20230831	1332	12	0.009009	985	3	0.003046	1260	13	0.010317	111	0	0	645	1	0.00155	1105	16	0.01448	855	4	0.004678	1072	5	0.004664	273	1	0.003663	551	0	0	88	2	0.022727
XR_38454	208171	Tmprss7	chr16	45664206	45698553	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38454	212514	Spice1	chr16	44347403	44387242	2318	22	0.009491	2158	6	0.00278	2269	10	0.004407	199	0	0	865	4	0.004624	2224	11	0.004946	2428	17	0.007002	2378	11	0.004626	587	1	0.001704	845	2	0.002367	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38454	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576656	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_38454!	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576753	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_38455	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576753	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_38455	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576632	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_38455	224024	Scarf2	chr16	17797301	17806866	6001	513	0.085486	5596	469	0.08381	6625	546	0.082415	1055	84	0.079621	1777	216	0.121553	5956	623	0.1046	5425	412	0.075945	5605	531	0.094737	1645	156	0.094833	1901	190	0.099947	453	52	0.11479
XR_38455	224045	Eif2b5	chr16	20498795	20509323	1131	23	0.020336	946	30	0.031712	1396	26	0.018625	165	0	0	313	13	0.041534	1076	26	0.024164	972	27	0.027778	1087	4	0.00368	404	9	0.022277	376	5	0.013298	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38455(	224079	Atp13a4	chr16	29396046	29541695	265	153	0.577358	170	79	0.464706	226	91	0.402655	66	37	0.560606	78	38	0.487179	261	213	0.816092	169	70	0.414201	136	54	0.397059	79	16	0.202532	111	48	0.432432	70	23	0.328571
XR_38456(	239833	Lmln	chr16	33061870	33127695	2955	37	0.012521	2857	140	0.049002	2928	34	0.011612	686	6	0.008746	975	2	0.002051	3216	76	0.023632	2466	18	0.007299	2996	68	0.022697	731	1	0.001368	962	2	0.002079	485	0	0
XR_38456	239833	Lmln	chr16	33061870	33127695	2955	37	0.012521	2857	140	0.049002	2928	34	0.011612	686	6	0.008746	975	2	0.002051	3216	76	0.023632	2466	18	0.007299	2996	68	0.022697	731	1	0.001368	962	2	0.002079	485	0	0
XR_38456	239833	Lmln	chr16	33061870	33127695	2955	37	0.012521	2857	140	0.049002	2928	34	0.011612	686	6	0.008746	975	2	0.002051	3216	76	0.023632	2466	18	0.007299	2996	68	0.022697	731	1	0.001368	962	2	0.002079	485	0	0
XR_38456	239833	Lmln	chr16	33061870	33127695	2955	37	0.012521	2857	140	0.049002	2928	34	0.011612	686	6	0.008746	975	2	0.002051	3216	76	0.023632	2466	18	0.007299	2996	68	0.022697	731	1	0.001368	962	2	0.002079	485	0	0
XR_38456	239839	Ccdc14	chr16	34690557	34725204	732	21	0.028689	670	20	0.029851	807	20	0.024783	298	7	0.02349	328	21	0.064024	723	24	0.033195	615	24	0.039024	517	17	0.032882	280	17	0.060714	263	11	0.041825	83	2	0.024096
XR_38456!	26425	Nubp1	chr16	10411884	10424453	1102	4	0.00363	1044	12	0.011494	948	7	0.007384	236	0	0	452	1	0.002212	925	8	0.008649	1182	8	0.006768	1041	6	0.005764	396	3	0.007576	315	2	0.006349	184	1	0.005435
XR_38456	27406	Abcf3	chr16	20548556	20560822	389	60	0.154242	381	44	0.115486	391	47	0.120205	#N/A	#N/A	#N/A	119	32	0.268908	350	87	0.248571	353	39	0.110482	386	29	0.07513	107	14	0.130841	146	23	0.157534	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38456(	27416	Abcc5	chr16	20331303	20426389	3112	161	0.051735	3342	190	0.056852	3371	177	0.052507	566	18	0.031802	1357	117	0.08622	3240	132	0.040741	3054	67	0.021938	2929	126	0.043018	1093	40	0.036597	1337	24	0.017951	524	2	0.003817
XR_38456!	27416	Abcc5	chr16	20331303	20426389	3112	161	0.051735	3342	190	0.056852	3371	177	0.052507	566	18	0.031802	1357	117	0.08622	3240	132	0.040741	3054	67	0.021938	2929	126	0.043018	1093	40	0.036597	1337	24	0.017951	524	2	0.003817
XR_38457(	27883	Tango2	chr16	18300825	18348098	3362	71	0.021118	2999	64	0.02134	3356	81	0.024136	327	16	0.04893	496	24	0.048387	3317	69	0.020802	3218	56	0.017402	3140	69	0.021975	480	6	0.0125	808	23	0.028465	289	11	0.038062
XR_38457	27883	Tango2	chr16	18300825	18343912	1346	4	0.002972	1064	5	0.004699	1291	18	0.013943	176	0	0	470	0	0	1215	9	0.007407	1160	6	0.005172	1307	5	0.003826	460	3	0.006522	368	1	0.002717	195	2	0.010256
XR_38457	320007	Sidt1	chr16	44240177	44333212	567	13	0.022928	526	16	0.030418	495	5	0.010101	55	1	0.018182	181	7	0.038674	461	11	0.023861	509	35	0.068762	396	19	0.04798	194	12	0.061856	218	8	0.036697	60	3	0.05
XR_38457!	381038	Parl	chr16	20279820	20302395	1927	4	0.002076	1577	13	0.008244	1983	17	0.008573	315	1	0.003175	836	4	0.004785	1941	8	0.004122	1704	15	0.008803	1672	4	0.002392	768	2	0.002604	619	0	0	221	2	0.00905
XR_38457(	50505	Ercc4	chr16	13109366	13151993	1431	8	0.00559	1131	25	0.022104	1204	6	0.004983	306	1	0.003268	631	23	0.03645	1490	65	0.043624	1446	19	0.01314	1351	28	0.020725	614	1	0.001629	711	21	0.029536	90	0	0
XR_38457	54613	St3gal6	chr16	58469748	58523496	1895	24	0.012665	1693	17	0.010041	1952	20	0.010246	311	1	0.003215	621	6	0.009662	2088	35	0.016762	1631	19	0.011649	1408	18	0.012784	614	6	0.009772	829	7	0.008444	195	1	0.005128
XR_38458	58998	Nectin3	chr16	46436136	46497151	7911	97	0.012261	7648	67	0.00876	8589	64	0.007451	1380	7	0.005072	2526	18	0.007126	8300	88	0.010602	7032	63	0.008959	7744	54	0.006973	2375	10	0.004211	1723	9	0.005223	695	1	0.001439
XR_38458	665119	Sec14l5	chr16	5146909	5180304	583	16	0.027444	491	16	0.032587	634	17	0.026814	36	0	0	224	11	0.049107	578	12	0.020761	568	20	0.035211	560	34	0.060714	99	1	0.010101	103	1	0.009709	36	1	0.027778
XR_38458(	665119	Sec14l5	chr16	5146909	5180478	583	16	0.027444	491	16	0.032587	634	17	0.026814	36	0	0	224	11	0.049107	578	12	0.020761	568	20	0.035211	560	34	0.060714	99	1	0.010101	103	1	0.009709	36	1	0.027778
XR_38459	67014	Riox2	chr16	59471753	59491293	1113	13	0.01168	1232	7	0.005682	1242	8	0.006441	152	4	0.026316	499	2	0.004008	1296	16	0.012346	1267	22	0.017364	1165	8	0.006867	428	1	0.002336	144	0	0	50	0	0
XR_38459!	67657	Rabl3	chr16	37539858	37572385	1284	7	0.005452	1449	9	0.006211	1438	3	0.002086	342	3	0.008772	614	1	0.001629	1229	12	0.009764	1414	6	0.004243	1445	10	0.00692	424	2	0.004717	462	1	0.002165	122	1	0.008197
XR_38459(	67846	Tmem39a	chr16	38562795	38591390	2126	6	0.002822	2591	8	0.003088	2297	13	0.00566	397	1	0.002519	691	1	0.001447	2011	4	0.001989	1969	10	0.005079	1960	18	0.009184	708	1	0.001412	654	2	0.003058	210	1	0.004762
XR_38459!	70573	Tbccd1	chr16	22813271	22844648	455	56	0.123077	552	33	0.059783	497	66	0.132797	92	1	0.01087	230	41	0.178261	473	149	0.315011	594	42	0.070707	602	27	0.04485	187	84	0.449198	199	17	0.085427	38	2	0.052632
XR_38460	72599	Pdia5	chr16	35397308	35490919	3508	63	0.017959	3454	91	0.026346	3939	62	0.01574	702	3	0.004274	1575	43	0.027302	3572	59	0.016517	3314	38	0.011467	3487	64	0.018354	1106	6	0.005425	1394	40	0.028694	360	1	0.002778
XR_38460	72599	Pdia5	chr16	35397308	35490919	3508	63	0.017959	3454	91	0.026346	3939	62	0.01574	702	3	0.004274	1575	43	0.027302	3572	59	0.016517	3314	38	0.011467	3487	64	0.018354	1106	6	0.005425	1394	40	0.028694	360	1	0.002778
XR_38460!	72599	Pdia5	chr16	35398377	35490919	3508	63	0.017959	3454	91	0.026346	3939	62	0.01574	702	3	0.004274	1575	43	0.027302	3572	59	0.016517	3314	38	0.011467	3487	64	0.018354	1106	6	0.005425	1394	40	0.028694	360	1	0.002778
XR_38461	78618	Acap2	chr16	31092412	31201285	1871	13	0.006948	1833	10	0.005456	1605	9	0.005607	106	0	0	589	0	0	1649	6	0.003639	1668	11	0.006595	2105	11	0.005226	371	0	0	563	3	0.005329	189	1	0.005291
XR_38461	78618	Acap2	chr16	31092412	31201284	1871	13	0.006948	1833	10	0.005456	1605	9	0.005607	106	0	0	589	0	0	1649	6	0.003639	1668	11	0.006595	2105	11	0.005226	371	0	0	563	3	0.005329	189	1	0.005291
XR_38461(	102639651	Gm35912	chr16	3002812	3013707	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38461!	102639732	Gm35974	chr16	3468460	3481051	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38462	102640021	Gm36195	chr16	3758779	3763856	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38462!	102640245	Gm36359	chr16	4267796	4284307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38462(	102640245	Gm36359	chr16	4267796	4284307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38463	102640667	Gm36681	chr16	4950767	4955444	635	612	0.96378	643	629	0.978227	687	670	0.975255	193	186	0.963731	295	288	0.976271	766	748	0.976501	568	551	0.97007	538	525	0.975836	244	237	0.971311	275	264	0.96	115	109	0.947826
XR_38463!	102640856	Gm36824	chr16	6086606	6106730	20	15	0.75	14	10	0.714286	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	14	7	0.5	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38463	102631542	Gm29854	chr16	7767891	7771595	124	102	0.822581	117	83	0.709402	126	100	0.793651	41	33	0.804878	59	49	0.830508	97	78	0.804124	75	41	0.546667	72	38	0.527778	60	23	0.383333	37	15	0.405405	42	28	0.666667
XR_38463(	102631542	Gm29854	chr16	7767891	7771595	124	102	0.822581	117	83	0.709402	126	100	0.793651	41	33	0.804878	59	49	0.830508	97	78	0.804124	75	41	0.546667	72	38	0.527778	60	23	0.383333	37	15	0.405405	42	28	0.666667
XR_38463!	102631650	Gm29936	chr16	8341767	8362347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38464(	102631650	Gm29936	chr16	8341767	8362347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38464	102631751	Gm30012	chr16	8457687	8471151	977	23	0.023541	697	18	0.025825	1065	27	0.025352	239	6	0.025105	320	39	0.121875	1253	44	0.035116	840	13	0.015476	729	22	0.030178	288	4	0.013889	413	13	0.031477	203	3	0.014778
XR_38464!	102632511	Gm30567	chr16	9054647	9055420	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38465	102632646	Gm30668	chr16	9997209	10005988	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38465	102632728	Gm30724	chr16	10349642	10353405	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38465!	100503866	Gm15558	chr16	10668360	10683609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38467(	102634546	Gm32100	chr16	11583706	11588531	26	20	0.769231	36	34	0.944444	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38468	102635196	Gm32596	chr16	13154065	13159295	130	14	0.107692	101	7	0.069307	113	6	0.053097	62	12	0.193548	97	15	0.154639	144	8	0.055556	97	0	0	131	11	0.083969	67	0	0	69	3	0.043478	34	0	0
XR_38468!	102635268	Gm15738	chr16	13392385	13405345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38468(	102635268	Gm15738	chr16	13392385	13406550	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38470	102636696	Gm33696	chr16	14892467	14940883	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38470	102637563	Gm34340	chr16	16728744	16732221	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38471(	102638083	Ccdc188	chr16	18217661	18220034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	28	25	0.892857	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5
XR_38471	102638925	Gm35369	chr16	18588799	18596251	3659	269	0.073517	3743	211	0.056372	3802	206	0.054182	467	23	0.049251	1157	53	0.045808	4055	289	0.07127	4172	343	0.082215	4299	290	0.067458	739	54	0.073072	1268	176	0.138801	208	25	0.120192
XR_38471!	619305	4930588K	chr16	18606662	18609745	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38472	102639174	Gm35545	chr16	19218502	19245178	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38472	102639652	Gm35913	chr16	20933721	20935422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38472	102639961	Gm36150	chr16	21392502	21398501	184	148	0.804348	256	218	0.851563	238	189	0.794118	67	51	0.761194	74	63	0.851351	188	147	0.781915	158	119	0.753165	159	133	0.836478	82	54	0.658537	93	70	0.752688	22	17	0.772727
XR_38472!	102639961	Gm36150	chr16	21392502	21398516	184	148	0.804348	256	218	0.851563	238	189	0.794118	67	51	0.761194	74	63	0.851351	188	147	0.781915	158	119	0.753165	159	133	0.836478	82	54	0.658537	93	70	0.752688	22	17	0.772727
XR_38473	102631543	Gm15651	chr16	22540037	22550045	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_38473	102631543	Gm15651	chr16	22540037	22550045	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_38473	102631543	Gm15651	chr16	22544385	22550045	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38473!	102631543	Gm15651	chr16	22540037	22563183	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_38473(	102631543	Gm15651	chr16	22540037	22550045	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_38473!	102631543	Gm15651	chr16	22540037	22562939	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_38474(	102631543	Gm15651	chr16	22540037	22550045	31	27	0.870968	43	40	0.930233	25	22	0.88	24	24	1	42	39	0.928571	44	32	0.727273	31	19	0.612903	14	8	0.571429	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1
XR_38474	102632307	Gm30416	chr16	22792290	22812799	29	8	0.275862	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	58	11	0.189655	51	12	0.235294	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38474!	102632307	Gm30416	chr16	22792290	22812799	29	8	0.275862	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	58	11	0.189655	51	12	0.235294	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38474!	102632573	Gm30611	chr16	22900550	22913011	34	30	0.882353	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	15	3	0.2	34	31	0.911765	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38475	102632687	Gm30693	chr16	23099205	23103122	41	37	0.902439	39	36	0.923077	37	32	0.864865	#N/A	#N/A	#N/A	35	35	1	37	33	0.891892	32	21	0.65625	29	25	0.862069	11	8	0.727273	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38476	102633659	Gm31430	chr16	23804194	23846878	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38476!	102633659	Gm31430	chr16	23804194	23846878	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38477(	102633785	Gm31527	chr16	23988267	23999436	4400	46	0.010455	3445	9	0.002612	4202	39	0.009281	377	3	0.007958	1138	7	0.006151	5110	28	0.005479	4208	32	0.007605	4647	34	0.007317	1070	8	0.007477	1141	5	0.004382	404	6	0.014851
XR_38477	102633938	Gm38456	chr16	24274677	24296233	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38478(	102634162	Gm31814	chr16	24186057	24255649	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38478(	102634582	Gm32126	chr16	24158149	24159559	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38478	102634664	Gm32196	chr16	25143714	25178129	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38478!	102634817	Gm32312	chr16	27317944	27326641	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38479(	102634878	Gm32356	chr16	27467384	27474448	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38479	102635306	Gm32679	chr16	29829301	29847858	28	26	0.928571	50	50	1	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	32	30	0.9375	65	61	0.938462	39	39	1	35	29	0.828571	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38479	102635383	Gm32740	chr16	29860564	29866061	42	31	0.738095	44	30	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38479	102635464	Gm32796	chr16	29978070	29982324	73	61	0.835616	69	62	0.898551	75	65	0.866667	11	10	0.909091	55	50	0.909091	56	42	0.75	54	45	0.833333	57	48	0.842105	32	23	0.71875	40	33	0.825	12	7	0.583333
XR_38479(	102635464	Gm32796	chr16	29977752	29982324	73	61	0.835616	69	62	0.898551	75	65	0.866667	11	10	0.909091	55	50	0.909091	56	42	0.75	54	45	0.833333	57	48	0.842105	32	23	0.71875	40	33	0.825	12	7	0.583333
XR_38479	102635464	Gm32796	chr16	29972860	29982324	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	9	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38479!	102635736	Gm32998	chr16	30067863	30070438	4213	41	0.009732	4510	59	0.013082	4785	41	0.008568	702	4	0.005698	1305	2	0.001533	4733	51	0.010775	4882	67	0.013724	5221	45	0.008619	873	2	0.002291	1487	8	0.00538	89	1	0.011236
XR_38480(	102636439	Gm33502	chr16	30793422	30798813	11	1	0.090909	21	1	0.047619	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	12	3	0.25	12	1	0.083333	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38480	102636516	Gm15742	chr16	30966529	30976471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38481!	102637452	Gm34256	chr16	31590107	31593974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38482(	102637452	Gm34256	chr16	31590477	31593974	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38482	102637744	Gm34476	chr16	31909405	31912500	91	69	0.758242	70	58	0.828571	70	48	0.685714	12	8	0.666667	57	38	0.666667	67	45	0.671642	64	34	0.53125	56	29	0.517857	20	6	0.3	12	12	1	10	7	0.7
XR_38482	102638130	Gm34766	chr16	32698667	32704256	93	53	0.569892	74	40	0.540541	105	47	0.447619	#N/A	#N/A	#N/A	53	34	0.641509	140	62	0.442857	121	58	0.479339	89	26	0.292135	51	23	0.45098	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38482!	102638211	Gm34825	chr16	32759143	32775768	52	41	0.788462	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	58	52	0.896552	58	42	0.724138	64	47	0.734375	48	32	0.666667	24	16	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38482!	100415902	Gm15658	chr16	33785697	33787149	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	16	14	0.875	16	14	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38483	102638631	Gm35150	chr16	34683046	34690562	732	21	0.028689	670	20	0.029851	807	20	0.024783	298	7	0.02349	328	21	0.064024	723	24	0.033195	615	24	0.039024	517	17	0.032882	280	17	0.060714	263	11	0.041825	83	2	0.024096
XR_38483	102638631	Gm35150	chr16	34683046	34690706	732	21	0.028689	670	20	0.029851	807	20	0.024783	298	7	0.02349	328	21	0.064024	723	24	0.033195	615	24	0.039024	517	17	0.032882	280	17	0.060714	263	11	0.041825	83	2	0.024096
XR_38483	102638631	Gm35150	chr16	34683046	34687465	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38483	102638631	Gm35150	chr16	34683046	34687465	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38484(	102639542	Gm35833	chr16	37680756	37685298	68	56	0.823529	58	46	0.793103	66	59	0.893939	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	28	9	0.321429	#N/A	#N/A	#N/A	44	20	0.454545	22	11	0.5
XR_38484	102640069	Gm36225	chr16	37976989	37988253	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38484	102640210	Gm36333	chr16	38433216	38440683	515	177	0.343689	413	128	0.309927	418	117	0.279904	50	29	0.58	208	92	0.442308	509	238	0.467583	416	118	0.283654	330	79	0.239394	186	61	0.327957	132	62	0.469697	89	29	0.325843
XR_38484	102640549	Gm36585	chr16	39115990	39121052	45	29	0.644444	14	9	0.642857	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	38	30	0.789474	43	22	0.511628	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	16	3	0.1875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38485	102640895	Gm36852	chr16	39276875	39278576	42	32	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38485	102640965	Gm36903	chr16	39446749	39507186	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38485	102631684	Gm29960	chr16	42641858	42652640	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38485!	102631824	Gm30064	chr16	44530373	44537129	92	23	0.25	66	3	0.045455	46	1	0.021739	#N/A	#N/A	#N/A	42	36	0.857143	131	58	0.442748	40	6	0.15	31	3	0.096774	40	5	0.125	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38486!	102632085	Gm30252	chr16	44616229	44622190	31	19	0.612903	26	18	0.692308	48	24	0.5	13	3	0.230769	28	19	0.678571	36	20	0.555556	33	18	0.545455	17	4	0.235294	12	6	0.5	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38486(	102632164	Gm30311	chr16	44663193	44665464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38486	102632164	Gm30311	chr16	44663186	44665464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38486	102632164	Gm30311	chr16	44663184	44665464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38486!	102632164	Gm30311	chr16	44659952	44665464	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38487	102632606	Gm30636	chr16	45338037	45362407	108	103	0.953704	122	116	0.95082	114	103	0.903509	13	12	0.923077	75	71	0.946667	131	122	0.931298	74	51	0.689189	69	55	0.797101	73	58	0.794521	20	18	0.9	31	24	0.774194
XR_38487	102632606	Gm30636	chr16	45338037	45362407	108	103	0.953704	122	116	0.95082	114	103	0.903509	13	12	0.923077	75	71	0.946667	131	122	0.931298	74	51	0.689189	69	55	0.797101	73	58	0.794521	20	18	0.9	31	24	0.774194
XR_38487(	102632773	Gm30760	chr16	45362425	45365935	121	111	0.917355	93	79	0.849462	77	64	0.831169	10	10	1	46	42	0.913043	149	133	0.892617	87	71	0.816092	71	51	0.71831	45	24	0.533333	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38487	102632773	Gm30760	chr16	45362425	45365944	121	111	0.917355	93	79	0.849462	77	64	0.831169	10	10	1	46	42	0.913043	149	133	0.892617	87	71	0.816092	71	51	0.71831	45	24	0.533333	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38488	102633353	Gm31198	chr16	46022196	46024423	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38488	102633741	Gm31494	chr16	49572319	49644652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_38488(	100043767	Gm4633	chr16	49848235	49855046	4451	43	0.009661	3450	19	0.005507	4351	28	0.006435	689	2	0.002903	1343	7	0.005212	5073	33	0.006505	3995	25	0.006258	4063	20	0.004922	1085	3	0.002765	1249	4	0.003203	317	5	0.015773
XR_38489	102634712	Gm32231	chr16	50478946	50481695	132	111	0.840909	22	15	0.681818	66	54	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	146	107	0.732877	96	68	0.708333	74	51	0.689189	10	2	0.2	61	21	0.344262	99	61	0.616162	20	9	0.45
XR_38491(	74883	4930461C	chr16	58403621	58408531	3862	55	0.014241	3984	33	0.008283	4070	39	0.009582	371	4	0.010782	1027	5	0.004869	3853	20	0.005191	3855	27	0.007004	3924	38	0.009684	1295	3	0.002317	1563	10	0.006398	180	0	0
XR_38491	74883	4930461C	chr16	58403621	58408531	3862	55	0.014241	3984	33	0.008283	4070	39	0.009582	371	4	0.010782	1027	5	0.004869	3853	20	0.005191	3855	27	0.007004	3924	38	0.009684	1295	3	0.002317	1563	10	0.006398	180	0	0

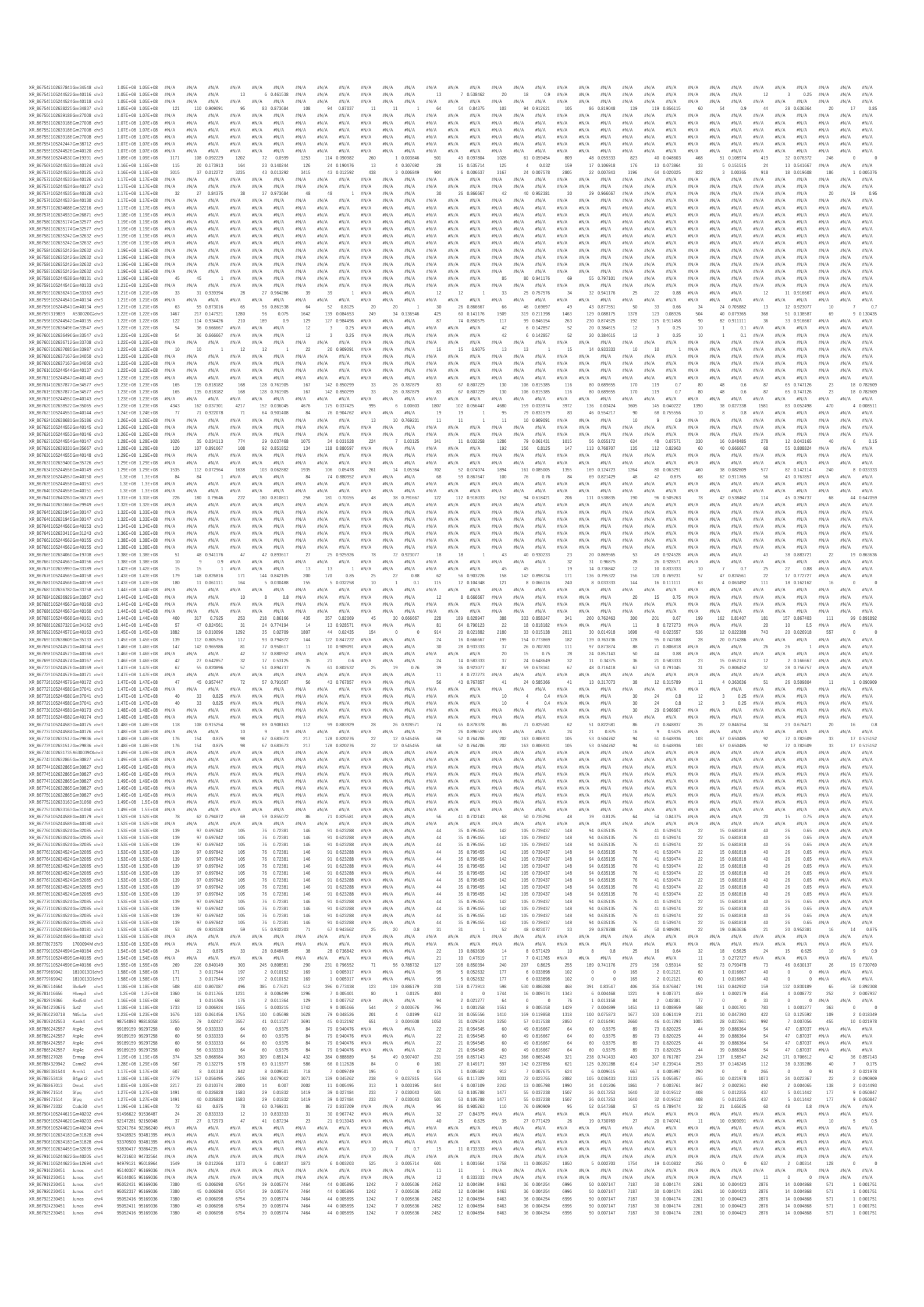
XR_386854	102637647	Gm34406	chr19	60670988	60685696	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386855	102637721	Gm34459	chr19	60657510	60676474	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386864	434724	Gm14367	chrX	5148578	5150575	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386875	75905	Dipk2b	chrX	18414167	18461419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386876	75905	Dipk2b	chrX	18414167	18461419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386879	102635513	Gm32829	chrX	7458613	7473975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386880	102635580	Gm32874	chrX	7500488	7505561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386882	102635921	Gm33135	chrX	8206496	8217912	493	5	0.010142	466	2	0.004292	482	2	0.004149	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	726	11	0.015152	556	7	0.01259	431	8	0.018561	144	0	0	110	3	0.027273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386884	102636164	Gm14502	chrX	8827972	8843940	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	31	26	0.83871	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386890	102636897	Gm33844	chrX	10117697	10120004	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386891	102637082	Gm33984	chrX	10911574	10912210	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386893	102637204	Gm34077	chrX	11395860	11418640	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386894	102637285	Gm34138	chrX	11434263	11437209	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	18	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386895	102637352	Gm34187	chrX	11528393	11533441	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386901	102637983	Gm34661	chrX	13343546	13346538	339	49	0.144543	150	0	0	340	21	0.061765	80	0	0	101	2	0.019802	384	43	0.111979	202	0	0	298	19	0.063758	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386902	102637983	Gm34661	chrX	13343546	13346538	339	49	0.144543	150	0	0	340	21	0.061765	80	0	0	101	2	0.019802	384	43	0.111979	202	0	0	298	19	0.063758	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386903	102637983	Gm34661	chrX	13343546	13347704	339	49	0.144543	150	0	0	340	21	0.061765	80	0	0	101	2	0.019802	384	43	0.111979	202	0	0	298	19	0.063758	48	1	0.020833	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386908	102638571	Gm35105	chrX	17319365	17454628	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	4	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386911	102639118	Gm35506	chrX	18100250	18105623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386916	170735	Arr3	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386920	22754	Zfp92	chrX	73410949	73427625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386926	66826	Taz	chrX	74281902	74290151	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386928	67683	Pbdc1	chrX	1.05E+08	1.05E+08	412	1	0.002427	273	5	0.018315	357	2	0.005602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	404	1	0.002475	444	0	0	316	2	0.006329	55	0	0	59	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386931	102639088	Gm35487	chrX	55971903	55972766	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386932	102639157	Gm35536	chrX	55919980	55925930	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386933	102639628	Gm35893	chrX	56223150	56226516	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386934	102640084	Gm36239	chrX	56598192	56599656	1220	4	0.003279	1113	15	0.013477	1239	8	0.006457	60	0	0	274	1	0.00365	1233	6	0.004866	1105	3	0.002715	1091	3	0.00275	188	1	0.005319	302	0	0	85	0	0
XR_386935	102640154	Gm36289	chrX	56720136	56723608	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386936	102640398	Gm36466	chrX	58121145	58127580	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386937	102640467	Gm36522	chrX	58135157	58177146	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386938	102640531	Gm36570	chrX	59179292	59191608	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386939	102640606	Gm36631	chrX	59589288	59620198	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386949	102632973	Gm30914	chrX	66147486	66169834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386950	102632973	Gm30914	chrX	66147486	66169834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386951	102633079	Gm30993	chrX	66850413	66853065	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386957	102634610	Gm32150	chrX	73320598	73333686	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386960	102635138	Gm38474	chrX	74726307	74728075	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386961	102635138	Gm38474	chrX	74726307	74728075	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386962	102635138	Gm38474	chrX	74726307	74727209	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386963	102635138	Gm38474	chrX	74726307	74728075	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386964	667387	Xlr4d-ps	chrX	74730687	74733950	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386966	102636349	Gm14717	chrX	76246975	76249856	48	40	0.833333	39	36	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	32	0.842105	33	27	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	39	35	0.897436	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386995	102632324	Gm30427	chrX	96105199	96109114	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386998	102632623	Gm30649	chrX	99287089	99291600	70	33	0.471429	58	27	0.465517	55	26	0.472727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	74	11	0.148649	63	47	0.746032	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_386999	102632703	Gm30704	chrX	99330146	99334710	91	87	0.956044	84	82	0.97619	93	89	0.956989	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	95	86	0.905263	62	56	0.903226	69	63	0.913043	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387001	102632825	Gm30798	chrX	99454173	99457728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387006	102633044	Gm14808	chrX	99459001	99461280	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387007	102633044	Gm14808	chrX	99459001	99461280	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387009	102633371	Gm14902	chrX	1.01E+08	1.01E+08	60	0	0	40	0	0	67	2	0.029851	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	64	5	0.078125	44	1	0.022727	56	12	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387011	102633599	Gm31385	chrX	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387012	100042465	Gm3858	chrX	1.02E+08	1.02E+08	34	32	0.941176	29	28	0.965517	34	32	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	42	37	0.880952	37	33	0.891892	31	27	0.870968	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387015	102634296	Gm4779	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387034	102636412	Gm33486	chrX	1.05E+08	1.05E+08	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	1	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1
XR_387043	12662	Chm	chrX	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387044	245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387045	245578	Pcdh11x	chrX	1.2E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387050	102632522	Gm30577	chrX	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	84	6	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387068	102633373	Gm31214	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387069	102633681	Gm14991	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387077	108012	Ap1s2	chrX	1.64E+08	1.64E+08	1649	7	0.004245	1343	10	0.007446	1787	18	0.010073	88	0	0	266	2	0.007519	1745	12	0.006877	1763	21	0.011912	1460	12	0.008219	308	1	0.003247	363	1	0.002755	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387078	110094	Phka2	chrX	1.61E+08	1.61E+08	439	4	0.009112	276	0	0	272	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	347	2	0.005764	414	5	0.012077	336	5	0.014881	63	2	0.031746	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387084	237211	Fancb	chrX	1.65E+08	1.65E+08	264	0	0	292	1	0.003425	267	3	0.011236	20	0	0	107	0	0	288	1	0.003472	283	6	0.021201	271	2	0.00738	76	1	0.013158	81	1	0.012346	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387086	66106	Smpx	chrX	1.58E+08	1.58E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387087	66106	Smpx	chrX	1.58E+08	1.58E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387088	102635791	Gm33039	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387090	100039545	Gm15109	chrX	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387093	102637089	Gm33991	chrX	1.51E+08	1.51E+08	13	13	1	23	22	0.956522	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	16	15	0.9375	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387095	102638613	Gm35136	chrX	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387096	102639025	Gm15155	chrX	1.56E+08	1.56E+08	1608	28	0.017413	1650	19	0.011515	1877	18	0.00959	#N/A	#N/A	#N/A	269	3	0.011152	1512	52	0.034392	1718	125	0.072759	1143	68	0.059493	133	1	0.007519	130	5	0.038462	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387097	102639752	Gm15241	chrX	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387100	102640295	Gm15212	chrX	1.63E+08	1.63E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387102	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387103	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387104	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387105	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387106	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387108	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387109	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387110	102640503	Gm36547	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387111	102640916	Gm36867	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387112	102640989	Gm36918	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387114	102631592	Gm15230	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387115	102631592	Gm15230	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387120	102631592	Gm15230	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387122	102631592	Gm15230	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387123	102631592	Gm15230	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387125	102631592	Gm15230	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387129	102632216	Gm30354	chrX	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387134	100040766	Mroh2a	chr1	88226993	88262289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387149	16865	Eif2d	chr1	1.31E+08	1.31E+08	580	6	0.010345	524	2	0.003817	573	6	0.010471	80	0	0	124	2	0.016129	575	2	0.003478	646	1	0.001548	575	3	0.005217	259	1	0.003861	185	0	0	66	0	0
XR_387151	17248	Mdm4	chr1	1.33E+08	1.33E+08	1126	168	0.149201	1190	254	0.213445	1153	224	0.194276	252	5	0.019841	333	5	0.015015	1142	171	0.149737	1132	219	0.193463	1223	248	0.20278	437	38	0.086957	394	86	0.218274	75	0	0
XR_387152	18557	Cdk18	chr1	1.32E+08	1.32E+08	1815	65	0.035813	1917	25	0.013041	2021	46	0.022761	192	0	0	439	6	0.013667	1666	48	0.028812	1861	60	0.032241	2162	36	0.016651	554	0	0	530	1	0.001887	357	0	0
XR_387153	208777	Sned1	chr1	93235819	93280567	2811	22	0.007826	2580	17	0.006589	2716	28	0.010309	754	5	0.006631	1185	11	0.009283	3073	35	0.01139	2511	21	0.008363	2247	20	0.008901	598	11	0.018395	947	12	0.012672	332	4	0.012048
XR_387156	213452	Dstyk	chr1	1.32E+08	1.32E+08	2859	52	0.018188	2784	51	0.018319	2885	58	0.020104	471	15	0.031847	903	19	0.021041	2895	42	0.014508	2962	35	0.011816	2865	52	0.01815	695	9	0.01295	924	9	0.00974	119	0	0
XR_387158	215615	Rnpep	chr1	1.35E+08	1.35E+08	1471	44	0.029912	1740	33	0.018966	2030	38	0.018719	50	0	0	597	26	0.043551	1726	54	0.031286	1365	38	0.027839	1732	42	0.024249	400	24	0.06	873	28	0.032073	95	1	0.010526
XR_387162	226438	Igfn1	chr1	1.36E+08	1.36E+08	261	166	0.636015	253	152	0.600791	253	172	0.679842	28	26	0.928571	68	56	0.823529	350	202	0.577143	234	128	0.547009	294	128	0.435374	73	34	0.465753	92	44	0.478261	14	7	0.5
XR_387163	226518	Nmnat2	chr1	1.53E+08	1.53E+08	689	15	0.021771	602	14	0.023256	476	12	0.02521	108	2	0.018519	295	8	0.027119	569	16	0.02812	426	11	0.025822	477	17	0.035639	233	7	0.030043	263	14	0.053232	114	7	0.061404
XR_387164	227331	Gigyf2	chr1	87326931	87450796	3656	177	0.048414	3221	150	0.046569	3537	169	0.047781	600	28	0.046667	1063	132	0.124177	3424	170	0.04965	3123	82	0.026257	3349	136	0.040609	878	65	0.074032	1001	79	0.078921	378	1	0.002646
XR_387167	227334	Usp40	chr1	87945119	88008582	575	16	0.027826	353	1	0.002833	472	3	0.006356	#N/A	#N/A	#N/A	44	0	0	586	3	0.005119	356	0	0	598	7	0.011706	68	1	0.014706	266	0	0	150	0	0
XR_387169	227446	Relch	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1766	15	0.008494	1719	25	0.014543	1834	21	0.01145	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2085	24	0.011511	2102	28	0.013321	1895	22	0.011609	772	11	0.014249	683	12	0.01757	134	1	0.007463
XR_387170	240753	Plekha6	chr1	1.33E+08	1.33E+08	522	402	0.770115	385	296	0.768831	431	316	0.733179	69	52	0.753623	120	96	0.8	532	425	0.798872	411	314	0.76399	423	331	0.782506	112	95	0.848214	173	137	0.791908	40	31	0.775
XR_387171	269116	Nfasc	chr1	1.33E+08	1.33E+08	1262	144	0.114105	1207	120	0.09942	1481	127	0.085753	383	29	0.075718	404	37	0.091584	1372	115	0.083819	1148	95	0.082753	1084	85	0.078413	184	31	0.168478	460	34	0.073913	162	21	0.12963
XR_387174	27392	Pign	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1756	9	0.005125	1707	14	0.008202	1819	9	0.004948	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2059	7	0.0034	2068	9	0.004352	1866	9	0.004823	762	2	0.002625	671	2	0.002981	134	1	0.007463
XR_387175	27392	Pign	chr1	1.06E+08	1.06E+08	1756	9	0.005125	1707	14	0.008202	1819	9	0.004948	248	1	0.004032	906	3	0.003311	2059	7	0.0034	2068	9	0.004352	1866	9	0.004823	762	2	0.002625	671	2	0.002981	134	1	0.007463
XR_387176	320718	Slc26a9	chr1	1.32E+08	1.32E+08	234	98	0.418803	147	51	0.346939	163	69	0.423313	53	23	0.433962	82	37	0.45122	292	118	0.40411	187	71	0.379679	193	75	0.388601	64	17	0.265625	90	24	0.266667	22	9	0.409091
XR_387177	329251	Ppp1r12b	chr1	1.35E+08	1.35E+08	142	0	0	59	0	0	123	0	0	10	0	0	48	0	0	159	2	0.012579	136	3	0.022059	129	0	0	13	1	0.076923	41	1	0.02439	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387181	50880	Scly	chr1	91298314	91321075	1376	18	0.013081	899	18	0.020022	1246	14	0.011236	175	7	0.04	570	11	0.019298	1491	22	0.014755	1445	20	0.013841	1332	13	0.00976	283	2	0.007067	651	2	0.003072	264	1	0.003788
XR_387184	545370	Hmcn1	chr1	1.51E+08	1.51E+08	1074	112	0.104283	809	21	0.025958	1067	95	0.089035	143	0	0	277	12	0.043321	1066	94	0.08818	1046	85	0.081262	835	58	0.069461	305	48	0.157377	428	59	0.13785	59	0	0
XR_387185	56207	Uchl5	chr1	1.44E+08	1.44E+08	4392	26	0.00592	4570	21	0.004595	4913	38	0.007735	574	2	0.003484	1952	8	0.004098	4909	24	0.004889	4846	23	0.004746	5118	31	0.006057	1260	3	0.002381	1659	4	0.002411	646	1	0.001548
XR_387186	56489	Ikbke	chr1	1.31E+08	1.31E+08	42	25	0.595238	38	14	0.368421	71	20	0.28169	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	86	20	0.232558	80	25	0.3125	54	17	0.314815	#N/A	#N/A	#N/A	26	12	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387188	59041	Stk25	chr1	93621893	93635826	2762	13	0.004707	2521	14	0.005553	2552	22	0.008621	457	2	0.004376	743	2	0.002692	2848	17	0.005969	2405	14	0.005821	2772	8	0.002886	698	2	0.002865	764	3	0.003927	134	1	0.007463
XR_387189	68507	Ppfia4	chr1	1.34E+08	1.34E+08	392	27	0.068878	293	14	0.047782	286	20	0.06993	65	1	0.015385	282	43	0.152482	457	34	0.074398	309	33	0.106796	394	58	0.147208	193	50	0.259067	206	22	0.106796	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387190	68507	Ppfia4	chr1	1.34E+08	1.34E+08	392	27	0.068878	293	14	0.047782	286	20	0.06993	65	1	0.015385	282	43	0.152482	457	34	0.074398	309	33	0.106796	394	58	0.147208	193	50	0.259067	206	22	0.106796	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387191	68507	Ppfia4	chr1	1.34E+08	1.34E+08	392	27	0.068878	293	14	0.047782	286	20	0.06993	65	1	0.015385	282	43	0.152482	457	34	0.074398	309	33	0.106796	394	58	0.147208	193	50	0.259067	206	22	0.106796	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387195	71836	Shcbp1l	chr1	1.53E+08	1.53E+08	633	58	0.091627	620	64	0.103226	723	70	0.096819	#N/A	#N/A	#N/A	176	20	0.113636	848	55	0.064858	662	25	0.037764	705	79	0.112057	99	1	0.010101	280	62	0.221429	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387197	72482	Acbd6	chr1	1.56E+08	1.56E+08	3478	32	0.009201	3862	33	0.008545	4080	35	0.008578	558	7	0.012545	1464	43	0.029372	3824	43	0.011245	3283	42	0.012793	3642	34	0.009336	1237	12	0.009701	1144	7	0.006119	438	3	0.006849
XR_387198	77040	Atg16l1	chr1	87756008	87792428	3976	21	0.005282	4358	30	0.006884	4452	32	0.007188	996	7	0.007028	1955	18	0.009207	3857	28	0.00726	4426	28	0.006326	3731	17	0.004556	1556	2	0.001285	1561	12	0.007687	604	0	0
XR_387199	78795	Armc9	chr1	86154729	86278284	2000	15	0.0075	1569	11	0.007011	1782	9	0.005051	432	3	0.006944	847	7	0.008264	2032	16	0.007874	1877	13	0.006926	1518	10	0.006588	694	5	0.007205	764	4	0.005236	412	1	0.002427
XR_387200	78795	Armc9	chr1	86154729	86276682	2000	15	0.0075	1569	11	0.007011	1782	9	0.005051	432	3	0.006944	847	7	0.008264	2032	16	0.007874	1877	13	0.006926	1518	10	0.006588	694	5	0.007205	764	4	0.005236	412	1	0.002427
XR_387202	78795	Armc9	chr1	86154729	86262125	2000	15	0.0075	1569	11	0.007011	1782	9	0.005051	432	3	0.006944	847	7	0.008264	2032	16	0.007874	1877	13	0.006926	1518	10	0.006588	694	5	0.007205	764	4	0.005236	412	1	0.002427
XR_387208	102634803	Gm32302	chr1	85914822	85921555	76	73	0.960526	44	42	0.954545	66	63	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	79	76	0.962025	116	106	0.913793	39	31	0.794872	42	40	0.952381	28	28	1	24	23	0.958333	24	22	0.916667
XR_387209	102634967	Gm16341	chr1	86284131	86301770	2745	135	0.04918	2326	96	0.041273	2816	133	0.04723	317	11	0.0347	670	40	0.059701	2525	187	0.074059	2098	225	0.107245	2399	171	0.07128	583	48	0.082333	710	108	0.152113	172	29	0.168605
XR_387210	102634967	Gm16341	chr1	86281472	86301770	2745	135	0.04918	2326	96	0.041273	2816	133	0.04723	317	11	0.0347	670	40	0.059701	2525	187	0.074059	2098	225	0.107245	2399	171	0.07128	583	48	0.082333	710	108	0.152113	172	29	0.168605
XR_387214	102635333	Gm32700	chr1	86430011	86441525	1909	36	0.018858	2026	26	0.012833	2110	31	0.014692	270	7	0.025926	513	6	0.011696	1964	19	0.009674	2463	14	0.005684	2444	13	0.005319	396	3	0.007576	599	6	0.010017	48	2	0.041667
XR_387217	102635655	Gm28375	chr1	87056505	87067537	72	65	0.902778	40	36	0.9	44	41	0.931818	#N/A	#N/A	#N/A	34	31	0.911765	84	73	0.869048	88	61	0.693182	44	35	0.795455	72	46	0.638889	44	39	0.886364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387231	102636823	Gm28888	chr1	88465521	88493786	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387232	102636823	Gm28888	chr1	88460175	88493786	19	15	0.789474	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	13	7	0.538462	12	4	0.333333	16	7	0.4375	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387236	102636823	Gm28888	chr1	88472264	88497294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7
XR_387242	102637553	Gm34331	chr1	89102271	89103553	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387243	102637553	Gm34331	chr1	89102255	89103553	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387247	102637925	Gm34616	chr1	90005113	90007112	62	51	0.822581	84	74	0.880952	72	69	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	52	50	0.961538	36	31	0.861111	62	34	0.548387	62	46	0.741935	22	18	0.818182	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387251	102638195	2700003A0	chr1	90280010	90290770	164	110	0.670732	107	70	0.654206	164	112	0.682927	25	19	0.76	143	84	0.587413	205	130	0.634146	170	90	0.529412	109	50	0.458716	49	20	0.408163	81	31	0.382716	40	16	0.4
XR_387254	102638342	Gm34930	chr1	90248376	90261655	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387256	102638497	Gm35048	chr1	90514384	90522660	52	50	0.961538	40	39	0.975	38	34	0.894737	13	13	1	17	17	1	45	40	0.888889	48	41	0.854167	26	23	0.884615	13	4	0.307692	24	20	0.833333	12	9	0.75
XR_387259	102638691	Gm35192	chr1	90582863	90583292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	23	16	0.695652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	11	7	0.636364	13	6	0.461538	13	11	0.846154
XR_387260	102638753	Gm35242	chr1	90649078	90653941	168	84	0.5	160	75	0.46875	154	85	0.551948	52	24	0.461538	75	40	0.533333	186	97	0.521505	162	73	0.450617	102	29	0.284314	60	35	0.583333	78	29	0.371795	40	28	0.7
XR_387261	102638753	Gm35242	chr1	90649078	90653941	168	84	0.5	160	75	0.46875	154	85	0.551948	52	24	0.461538	75	40	0.533333	186	97	0.521505	162	73	0.450617	102	29	0.284314	60	35	0.583333	78	29	0.371795	40	28	0.7
XR_387262	102638873	Gm35332	chr1	90686845	90703890	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387263	102638944	Gm35381	chr1	90887867	90909118	148	29	0.195946	100	19	0.19	136	20	0.147059	#N/A	#N/A	#N/A	68	16	0.235294	152	25	0.164474	140	27	0.192857	51	11	0.215686	100	16	0.16	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387272	102639756	Gm35992	chr1	92379557	92393620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387273	102639756	Gm35992	chr1	92379557	92393620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387274	102639756	Gm35992	chr1	92379557	92383711	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387275	102639900	Gm36102	chr1	92752144	92761138	99	77	0.777778	118	86	0.728814	67	59	0.880597	22	16	0.727273	48	35	0.729167	182	137	0.752747	108	63	0.583333	100	61	0.61	26	13	0.5	34	24	0.705882	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387276	102639900	Gm36102	chr1	92760501	92761138	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387277	102640006	Gm36184	chr1	92864467	92868537	36	27	0.75	32	26	0.8125	33	23	0.69697	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	42	19	0.452381	33	21	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387284	102640407	Gm36472	chr1	93115282	93115895	265	229	0.864151	267	227	0.850187	266	203	0.763158	63	55	0.873016	87	72	0.827586	302	267	0.884106	228	210	0.921053	224	186	0.830357	108	57	0.527778	117	108	0.923077	63	54	0.857143
XR_387287	102632412	Gm30490	chr1	96548341	96549996	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387289	102634109	Gm31771	chr1	97911103	97924920	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387292	102634377	Gm31973	chr1	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387293	102634377	Gm31973	chr1	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387297	102635334	Gm15389	chr1	1.08E+08	1.08E+08	84	81	0.964286	75	69	0.92	94	89	0.946809	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	87	83	0.954023	83	77	0.927711	82	76	0.926829	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387298	102635409	4921525D0	chr1	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387305	102635722	Gm32985	chr1	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387306	102635794	Gm33042	chr1	1.15E+08	1.15E+08	20	13	0.65	46	41	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	22	17	0.772727	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	20	13	0.65	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387310	102636276	Gm33388	chr1	1.19E+08	1.19E+08	266	94	0.353383	264	84	0.318182	365	104	0.284932	25	10	0.4	101	42	0.415842	273	131	0.479853	232	95	0.409483	264	119	0.450758	71	43	0.605634	83	52	0.626506	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387314	102636537	Gm33575	chr1	1.19E+08	1.19E+08	410	313	0.763415	324	241	0.743827	327	277	0.847095	12	7	0.583333	161	108	0.670807	450	353	0.784444	313	195	0.623003	316	207	0.655063	118	66	0.559322	186	131	0.704301	43	41	0.953488
XR_387317	102636864	Gm33817	chr1	1.2E+08	1.2E+08	553	238	0.43038	467	172	0.368308	474	198	0.417722	135	75	0.555556	301	129	0.428571	673	215	0.319465	525	147	0.28	530	154	0.290566	155	34	0.219355	259	67	0.258687	46	9	0.195652
XR_387323	69904	2610027F0	chr1	1.21E+08	1.21E+08	777	25	0.032175	823	30	0.036452	842	33	0.039192	50	1	0.02	70	10	0.142857	701	29	0.041369	731	40	0.05472	859	69	0.080326	265	18	0.067925	149	4	0.026846	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387324	69904	2610027F0	chr1	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_387328	69904	2610027F0	chr1	1.21E+08	1.21E+08	777	25	0.032175	823	30	0.036452	842	33	0.039192	50	1	0.02	70	10	0.142857	701	29	0.041369	731	40	0.05472	859	69	0.080326	265	18	0.067925	149	4	0.026846	#N/A	#N/A	#N/A

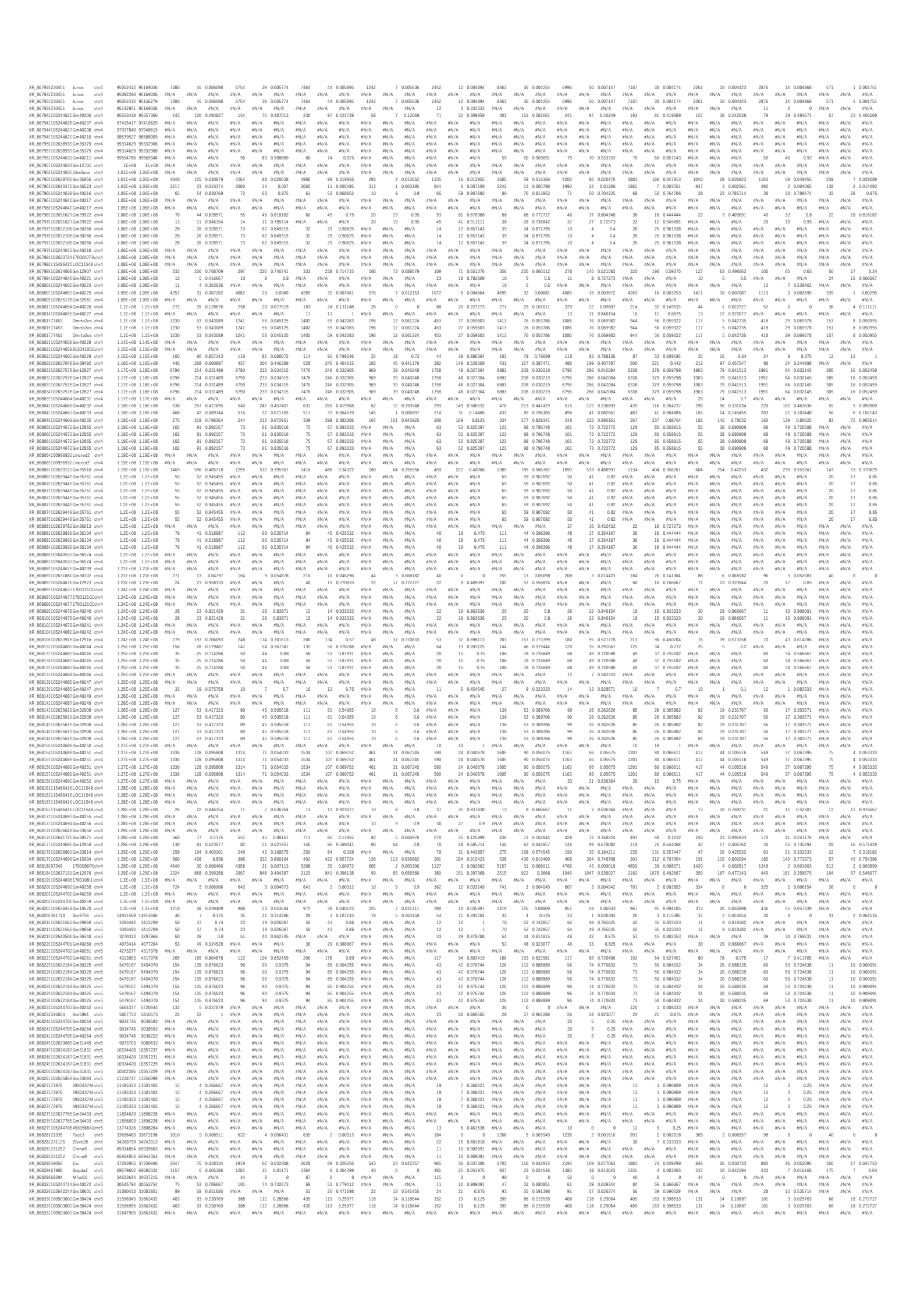


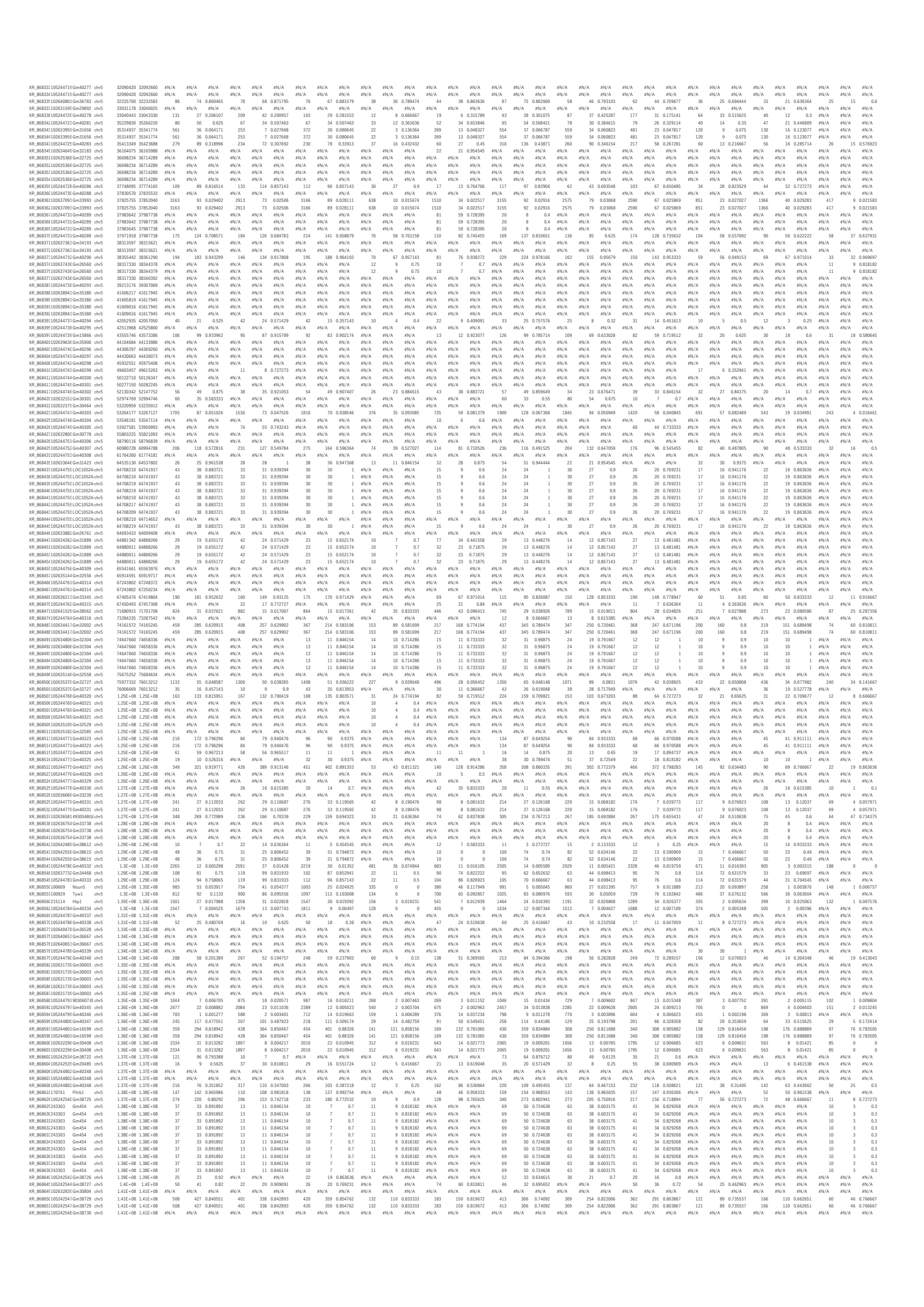
XR_86537	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_86538	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_86538	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_86538	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_86538	102640173	Gm28175	chr1	42257852	42310010	106	87	0.820755	65	55	0.846154	71	58	0.816901	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	98	65	0.663265	128	82	0.640625	76	48	0.631579	12	3	0.25	42	20	0.47619	44	32	0.727273
XR_86538	102640173	Gm28175	chr1	42297546	42310010	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333
XR_86538	102632081	Gm30248	chr1	42602625	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86539	102632081	Gm30248	chr1	42612300	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86539	102632081	Gm30248	chr1	42602625	42639740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86539	105243914	Gm39633	chr1	42936623	42952718	2892	52	0.017981	2846	32	0.011244	3485	54	0.015495	249	2	0.008032	998	10	0.01002	2951	87	0.029482	2782	118	0.042416	2602	51	0.0196	662	6	0.009063	750	43	0.057333	305	12	0.039344
XR_86539	105243915	Gm28782	chr1	43054661	43057134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86540	102642726	Gm38628	chr1	43680426	43695980	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86540	105243917	Gm28893	chr1	44392713	44394451	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091
XR_86540	105243918	Gm39635	chr1	44550054	44551457	1691	31	0.018332	1690	31	0.018343	1762	34	0.019296	210	2	0.009524	635	7	0.011024	1372	51	0.037172	1016	17	0.016732	1408	66	0.046875	468	38	0.081197	522	31	0.059387	109	11	0.100917
XR_86540	105243918	Gm39635	chr1	44522564	44551457	1691	31	0.018332	1690	31	0.018343	1762	34	0.019296	210	2	0.009524	635	7	0.011024	1372	51	0.037172	1016	17	0.016732	1408	66	0.046875	468	38	0.081197	522	31	0.059387	109	11	0.100917
XR_86540	105243920	Gm39637	chr1	45684793	45724478	159	152	0.955975	105	99	0.942857	186	182	0.978495	55	54	0.981818	66	65	0.984848	201	188	0.935323	150	127	0.846667	137	114	0.832117	39	34	0.871795	22	20	0.909091	16	15	0.9375
XR_86540	105243920	Gm39637	chr1	45711802	45724478	159	152	0.955975	105	99	0.942857	186	182	0.978495	55	54	0.981818	66	65	0.984848	201	188	0.935323	150	127	0.846667	137	114	0.832117	39	34	0.871795	22	20	0.909091	16	15	0.9375
XR_86541	105243920	Gm39637	chr1	45684793	45734129	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	18	17	0.944444	21	13	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86541	105243920	Gm39637	chr1	45684793	45724478	159	152	0.955975	105	99	0.942857	186	182	0.978495	55	54	0.981818	66	65	0.984848	201	188	0.935323	150	127	0.846667	137	114	0.832117	39	34	0.871795	22	20	0.909091	16	15	0.9375
XR_86541	105243920	Gm39637	chr1	45684793	45734129	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	18	17	0.944444	21	13	0.619048	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86541	102633144	Gm31046	chr1	46222608	46232699	50	43	0.86	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	42	0.84	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	20	14	0.7	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86541	105243921	Gm39638	chr1	47251863	47288077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86541	105243922	Gm39639	chr1	47433524	47461160	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86541	105243923	Gm39640	chr1	50297902	50322048	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86543	102636041	Gm38484	chr1	57002504	57042519	53	34	0.641509	35	24	0.685714	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	49	27	0.55102	25	20	0.8	22	18	0.818182	15	11	0.733333	29	11	0.37931	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1
XR_86543	102636191	Gm15759	chr1	58289415	58315655	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86543	100504455	Gm15834	chr1	58505116	58517356	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86543	100504455	Gm15834	chr1	58505116	58517356	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86544	100504455	Gm15834	chr1	58505120	58524797	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86544	100504455	Gm15834	chr1	58505115	58517356	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86544	100504455	Gm15834	chr1	58505116	58543920	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86544	100504455	Gm15834	chr1	58505116	58517356	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86544	100504455	Gm15834	chr1	58505115	58517356	2679	103	0.038447	2411	106	0.043965	2783	117	0.042041	770	24	0.031169	1207	29	0.024027	2866	118	0.041172	2124	150	0.070621	1859	103	0.055406	896	22	0.024554	983	40	0.040692	563	13	0.023091
XR_86544	105243931	Gm39646	chr1	58767583	58791873	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86544	105243931	Gm39646	chr1	58767583	58791874	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86544	105243932	Gm29018	chr1	59035934	59037900	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86545	102636732	Gm33724	chr1	59417478	59418927	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86545	102636732	Gm33724	chr1	59393246	59418927	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86545	105243934	Gm39648	chr1	59586398	59596192	121	108	0.892562	93	84	0.903226	134	124	0.925373	#N/A	#N/A	#N/A	50	46	0.92	91	81	0.89011	72	63	0.875	65	53	0.815385	33	29	0.878788	33	27	0.818182	22	20	0.909091
XR_86545	105243934	Gm39648	chr1	59586725	59596192	121	108	0.892562	93	84	0.903226	134	124	0.925373	#N/A	#N/A	#N/A	50	46	0.92	91	81	0.89011	72	63	0.875	65	53	0.815385	33	29	0.878788	33	27	0.818182	22	20	0.909091
XR_86545	105243936	Gm38388	chr1	60594002	60599470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86545	105243936	Gm38388	chr1	60594002	60599470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86545	76443	2310016D	chr1	60778461	60803769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243937	Gm39650	chr1	60887089	60887534	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243938	Gm38137	chr1	60863825	60883061	114	44	0.385965	117	60	0.512821	110	43	0.390909	#N/A	#N/A	#N/A	91	41	0.450549	166	66	0.39759	121	35	0.289256	128	35	0.273438	34	10	0.294118	49	14	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243938	Gm38137	chr1	60867188	60883061	40	31	0.775	43	37	0.860465	41	29	0.707317	#N/A	#N/A	#N/A	27	17	0.62963	39	25	0.641026	42	18	0.428571	50	18	0.36	44	21	0.477273	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243938	Gm38137	chr1	60860958	60883061	82	40	0.487805	68	26	0.382353	73	33	0.452055	20	6	0.3	70	42	0.6	93	57	0.612903	101	51	0.50495	57	19	0.333333	10	7	0.7	15	5	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243938	Gm38137	chr1	60863102	60883061	114	44	0.385965	117	60	0.512821	110	43	0.390909	#N/A	#N/A	#N/A	91	41	0.450549	166	66	0.39759	145	55	0.37931	128	35	0.273438	34	10	0.294118	49	14	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243938	Gm38137	chr1	60863825	60883061	114	44	0.385965	117	60	0.512821	110	43	0.390909	#N/A	#N/A	#N/A	91	41	0.450549	166	66	0.39759	121	35	0.289256	128	35	0.273438	34	10	0.294118	49	14	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	105243938	Gm38137	chr1	60863825	60894365	114	44	0.385965	117	60	0.512821	110	43	0.390909	#N/A	#N/A	#N/A	91	41	0.450549	166	66	0.39759	121	35	0.289256	128	35	0.273438	34	10	0.294118	49	14	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	102637969	Gm34649	chr1	60921232	60945017	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86546	102637969	Gm34649	chr1	60921592	60943488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86547	102637969	Gm34649	chr1	60921232	60943488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86547	102637969	Gm34649	chr1	60921232	60943488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86547	105243939	LOC10524	chr1	61312185	61355557	16	16	1	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86547	105243939	LOC10524	chr1	61306981	61355557	48	41	0.854167	36	27	0.75	44	39	0.886364	#N/A	#N/A	#N/A	33	31	0.939394	46	39	0.847826	38	25	0.657895	13	8	0.615385	11	5	0.454545	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86547	105243942	Gm29083	chr1	62711675	62718187	116	80	0.689655	68	44	0.647059	99	75	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A	44	33	0.75	112	55	0.491071	75	42	0.56	51	20	0.392157	43	19	0.44186	61	23	0.377049	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86547	105243943	Gm39652	chr1	62840311	62844365	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86548	102638767	Gm35252	chr1	62906176	62956594	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	35	30	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86548	102639043	Gm11608	chr1	63266469	63273256	4750	213	0.044842	6038	245	0.040576	5612	213	0.037954	909	30	0.033003	1831	96	0.05243	5091	308	0.060499	4899	356	0.072668	4534	351	0.077415	1177	99	0.084112	2339	161	0.068833	367	30	0.081744
XR_86548	105243945	Gm39654	chr1	64246994	64256156	26	22	0.846154	36	25	0.694444	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	56	43	0.767857	22	16	0.727273	10	10	1	22	16	0.727273	20	10	0.5	20	12	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86548	102639959	Gm36148	chr1	64516801	64518626	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86549	105243947	Gm39655	chr1	66649712	66653317	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86549	105243950	Gm39658	chr1	67345246	67368035	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86549	102640814	Gm28497	chr1	69431226	69444090	59	50	0.847458	44	40	0.909091	44	43	0.977273	#N/A	#N/A	#N/A	49	42	0.857143	49	36	0.734694	50	32	0.64	46	38	0.826087	30	20	0.666667	37	26	0.702703	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86549	102631499	Gm29822	chr1	69781707	69787589	195	132	0.676923	190	134	0.705263	232	165	0.711207	43	33	0.767442	137	108	0.788321	239	154	0.644351	180	96	0.533333	188	104	0.553191	108	53	0.490741	94	56	0.595745	49	35	0.714286
XR_86549	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70894461	46	35	0.76087	59	51	0.864407	60	47	0.783333	16	12	0.75	44	38	0.863636	27	16	0.592593	27	8	0.296296	38	23	0.605263	13	5	0.384615	24	7	0.291667	15	5	0.333333
XR_86549	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70909556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86550	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70918509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86550	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70894461	46	35	0.76087	59	51	0.864407	60	47	0.783333	16	12	0.75	44	38	0.863636	27	16	0.592593	27	8	0.296296	38	23	0.605263	13	5	0.384615	24	7	0.291667	15	5	0.333333
XR_86550	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70918509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86550	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70909556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86550	102631609	Gm29906	chr1	70851015	70918509	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86550	105243952	Gm39659	chr1	71327290	71329408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86552	105243954	Gm39661	chr1	72413065	72421263	72	28	0.388889	86	34	0.395349	78	35	0.448718	30	11	0.366667	43	17	0.395349	74	33	0.445946	64	19	0.296875	66	16	0.242424	34	10	0.294118	38	14	0.368421	23	10	0.434783
XR_86552	105243955	Gm39662	chr1	72640804	72642976	584	284	0.486301	539	227	0.42115	623	232	0.372392	117	56	0.478632	279	110	0.394265	643	354	0.550544	384	193	0.502604	478	250	0.523013	127	50	0.393701	250	99	0.396	114	66	0.578947
XR_86552	105243955	Gm39662	chr1	72642182	72642976	495	215	0.434343	426	135	0.316901	576	196	0.340278	63	14	0.222222	270	112	0.414815	587	304	0.517888	365	206	0.564384	450	232	0.515556	140	72	0.514286	186	46	0.247312	62	28	0.451613
XR_86553	102632811	Gm30788	chr1	72748465	72769929	227	213	0.938326	198	188	0.949495	234	221	0.944444	32	31	0.96875	76	72	0.947368	248	221	0.891129	183	170	0.928962	225	201	0.893333	54	51	0.944444	124	115	0.927419	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86553	102632811	Gm30788	chr1	72745092	72769928	227	213	0.938326	198	188	0.949495	234	221	0.944444	32	31	0.96875	76	72	0.947368	248	221	0.891129	183	170	0.928962	225	201	0.893333	54	51	0.944444	124	115	0.927419	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86553	102632811	Gm30788	chr1	72753192	72769924	227	213	0.938326	198	188	0.949495	234	221	0.944444	32	31	0.96875	76	72	0.947368	248	221	0.891129	183	170	0.928962	225	201	0.893333	54	51	0.944444	124	115	0.927419	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86553	105243956	Gm39663	chr1	72727945	72737799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86553	105243957	Gm29185	chr1	73140245	73309230	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86554	102633781	Gm29183	chr1	73811331	73825324	52	47	0.903846	51	38	0.745098	45	33	0.733333	10	9	0.9	42	34	0.809524	39	31	0.794872	30	20	0.666667	48	31	0.645833	22	11	0.5	30	20	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86554	102633781	Gm29183	chr1	73811331	73827081	69	37	0.536232	52	36	0.692308	63	45	0.714286	20	13	0.65	30	23	0.766667	85	30	0.352941	56	31	0.553571	58	26	0.448276	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	20	8	0.4
XR_86554	102634545	Gm32099	chr1	74786451	74795079	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86555	23874	Farsb	chr1	78425085	78488893	744	0	0	731	3	0.004104	635	7	0.011024	40	0	0	330	1	0.00303	724	4	0.005525	513	4	0.007797	538	0	0	178	1	0.005618	206	1	0.004854	173	1	0.00578
XR_86555	108167342	LOC10816	chr1	80201211	80218503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86555	102635080	Gm32506	chr1	75455521	75459522	923	42	0.045504	869	37	0.042578	1150	32	0.027826	285	11	0.038596	303	28	0.092409	943	41	0.043478	952	19	0.019958	959	28	0.029197	403	10	0.024814	409	27	0.066015	177	7	0.039548
XR_86555	102635231	Gm32622	chr1	75936732	76094342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86555	102635231	Gm32622	chr1	75973979	76094342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86555	102635461	Gm32793	chr1	77522190	77602382	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86556	105243959	Gm39665	chr1	78560045	78588387	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86556	102636693	Gm33693	chr1	78726659	78740780	144	134	0.930556	180	166	0.922222	184	175	0.951087	#N/A	#N/A	#N/A	80	77	0.9625	68	64	0.941176	60	52	0.866667	123	110	0.894309	110	98	0.890909	153	122	0.797386	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86556	102642773	Gm38631	chr1	78719984	78746154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86556	102642773	Gm38631	chr1	78719984	78746154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86556	105243960	Gm39666	chr1	79788251	79791749	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86557	105243961	Gm39667	chr1	80340913	80348728	5538	69	0.012459	4834	38	0.007861	5691	42	0.00738	696	1	0.001437	1306	30	0.022971	5269	45	0.008541	5526	59	0.010677	5660	57	0.010071	837	24	0.028674	1390	9	0.006475	334	2	0.005988
XR_86557	105242389	Gm38673	chr1	80428170	80434886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86557	105242389	Gm38673	chr1	80428170	80480031	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86557	105242389	Gm38673	chr1	80428170	80498102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86557	105242389	Gm38673	chr1	80428170	80434241	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86557	105243962	Gm39668	chr1	82741983	82744788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86557	105243964	C430014B	chr1	82691527	82725921	2057	10	0.004861	2130	14	0.006573	2382	16	0.006717	148	0	0	782	3	0.003836	1629	7	0.004297	1877	14	0.007459	2222	7	0.00315	317	3	0.009464	608	0	0	232	1	0.00431
XR_86557	102637709	Gm34450	chr1	82824279	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824347	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82829876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82825537	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82826697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86558	102637709	Gm34450	chr1	82824715	82836055	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86559	105243965	Gm39669	chr1	84935272	84936017	1443	51	0.035343	1701	71	0.04174	1846	74	0.040087	361	15	0.041551	832	46	0.055288	1557	60	0.038536	1404	82	0.058405	1483	100	0.067431	600	38	0.063333	675	38	0.056296	181	6	0.033149
XR_86565	74106	Dcaf6	chr1	1.65E+08	1.65E+08	5628	26	0.00462	5302	36	0.00679	5753	23	0.003998	1113	3	0.002695	1691	4	0.002365	5688	52	0.009142	5154	33	0.006403	5835	31	0.005313	1501	7	0.004664	1729	6	0.00347	730	3	0.00411
XR_86565	102632385	Gm30472	chr1	1.56E+08	1.56E+08	10	7	0.7	39	32	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	17	6	0.352941	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86565	105243983	Gm39682	chr1	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86565	105243983	Gm39682	chr1	1.56E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86565	105243984	Gm39683	chr1	1.57E+08	1.57E+08	567	526	0.92769	500	464	0.928	599	560	0.934891	143	134	0.937063	243	217	0.893004	511	490	0.958904	537	482	0.897579	461	408	0.885033	205	172	0.839024	199	180	0.904523	103	91	0.883495
XR_86566	105243984	Gm39683	chr1	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	40	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86566	105243987	Gm39685	chr1	1.57E+08	1.57E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86566	105243989	Gm39686	chr1	1.58E+08	1.58E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86566	105243990	Gm39687	chr1	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86566	75256	4930562F1	chr1	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86566	75256	4930562F1	chr1	1.59E+08	1.59E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86567	102633740	Gm31493	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86567	102633740	Gm31493	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86567	102633740	Gm31493	chr1	1.6E+08	1.6E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86567	102634163	Gm31815	chr1	1.62E+08	1.62E+08	27	25	0.925926	35	29	0.828571	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	36	26	0.722222	29	14	0.482759	32	18	0.5625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86568	102634315	Gm31925	chr1	1.62E+08	1.62E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86568	102634393	Gm31985	chr1	1.62E+08	1.62E+08	527	3	0.005693	522	4	0.007663	571	4	0.007005	44	0	0	233	1	0.004292	762	8	0.010499	540	7	0.012963	390	6	0.015385	118	0	0	202	1	0.00495	47	0	0
XR_86568	105243992	Gm39688	chr1	1.62E+08	1.62E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86568	105243993	Gm20471	chr1	1.63E+08	1.63E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86569	105243994	Gm39689	chr1	1.64E+08	1.64E+08	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	22	0.814815	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	7	0.5	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86569	105243995	Gm39690	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86569	105243996	Gm39691	chr1	1.64E+08	1.64E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86569	102635269	Gm32652	chr1	1.65E+08	1.65E+08	15	2	0.133333	40	1	0.025	48	4	0.083333	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	57	2	0.035088	36	0	0	39	2	0.051282	#N/A	#N/A	#N/A	41	6	0.146341	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86570	102635269	Gm32652	chr1	1.65E+08	1.65E+08	15	2	0.133333	40	1	0.025	48	4	0.083333	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	57	2	0.035088	36	0	0	39	2	0.051282	#N/A	#N/A	#N/A	41	6	0.146341	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86570	105243997	Gm39692	chr1	1.65E+08	1.65E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86570	105243998	Gm39693	chr1	1.66E+08	1.66E+08	226	2	0.00885	213	1	0.004695	226	6	0.026549	28	1	0.035714	80	1	0.0125	277	6	0.021661	249	14	0.056225	163	2	0.01227	108	3	0.027778	102	2	0.019608	24	2	0.083333
XR_86570	102636042	Gm33224	chr1	1.66E+08	1.66E+08	226	2	0.00885	213	1	0.004695	226	6	0.026549	28	1	0.035714	80	1	0.0125	264	0	0	249	14	0.056225	163	2	0.01227	108	3	0.027778	102	2	0.019608	24	2	0.083333
XR_86570	102636042	Gm33224	chr1	1.66E+08	1.66E+08	226	2	0.00885	213	1	0.004695	226	6	0.026549	28	1	0.035714	80	1	0.0125	264	0	0	249	14	0.056225	163	2	0.01227	108	3	0.027778	102	2	0.019608	24	2	0.083333
XR_86571	102636042	Gm33224	chr1	1.66E+08	1.66E+08	226	2	0.00885	213	1	0.004695	226	6	0.026549	28	1	0.035714	80	1	0.0125	264	0	0	249	14	0.056225	163	2	0.01227	108	3	0.027778	102	2	0.019608	24	2	0.083333
XR_86571	105243999	Gm39694	chr1	1.66E+08	1.66E+08	#N/A	#N/A	#N/A	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86571	102636591	Gm33610	chr1	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86571	102636591	Gm33610	chr1	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86571	102636591	Gm33610	chr1	1.67E+08	1.67E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86571	105244001	Gm39696	chr1	1.68E+08	1.68E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86571	105244002	Gm39697	chr1	1.69E+08	1.69E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86572	105244002	Gm39697	chr1	1.69E+08	1.69E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86572	105244004	Gm39699	chr1	1.7E+08	1.7E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86572	102638466	Gm10522	chr1	1.71E+08	1.71E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86572	105244007	Gm20045	chr1	1.71E+08	1.71E+08	165	1	0.006061	100	0	0	90	17	0.188889	#N/A	#N/A	#N/A	80	0	0	147	0	0	170	0	0	124	0	0	64	0	0	75	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86573	105244011	Gm39704	chr1	1.72E+08	1.72E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86573	102638851	Gm17224	chr1	1.72E+08	1.72E+08	1838	126	0.068553	1156	85	0.073529	1387	114	0.082192	242	28	0.115702	520	27	0.051923	1652	166	0.100484	1426	141	0.098878	1398	159	0.113734	526	2	0.003802	553	37	0.066908	212	17	0.080189
XR_86573	105244012	Gm37125	chr1	1.73E+08	1.73E+08	88	69	0.784091	83	62	0.746988	86	63	0.732558	#N/A	#N/A	#N/A	75	62	0.826667	119	78	0.655462	99	56	0.565657	62	48	0.774194	10	2	0.2	19	4	0.210526	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86574	105244012	Gm37125	chr1	1.73E+08	1.73E+08	88	69	0.784091	83	62	0.746988	86	63	0.732558	#N/A	#N/A	#N/A	75	62	0.826667	119	78	0.655462	99	56	0.565657	62	48	0.774194	10	2	0.2	19	4	0.210526	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86574	102639353	Gm35686	chr1	1.73E+08	1.73E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86574	105244015	Gm39707	chr1	1.76E+08	1.76E+08	2360	15	0.006356	2218	14	0.006312	2043	17	0.008321	322	0	0	942	2	0.002123	2613	11	0.00421	2390	17	0.007113	2701	18	0.006664	773	0	0	837	2	0.002389	177	1	0.00565



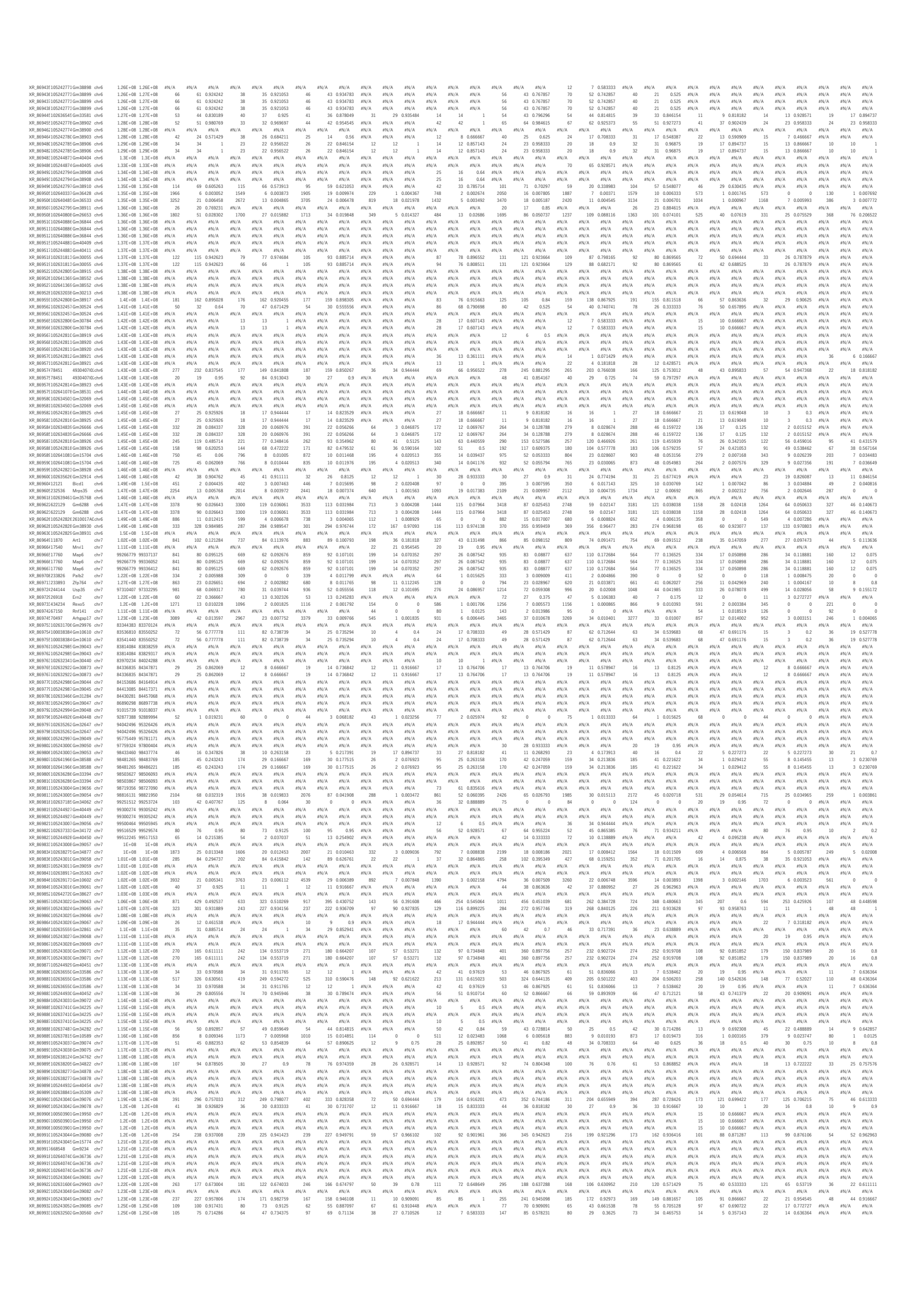
XR_86645	105244203	Gm39853	chr2	75613392	75615353	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86645	105244204	Gm39854	chr2	75508949	75515027	127	120	0.944882	141	127	0.900709	117	105	0.897436	10	10	1	66	62	0.939394	154	138	0.896104	213	170	0.798122	96	76	0.791667	20	15	0.75	40	35	0.875	30	26	0.866667
XR_86645	105244206	Gm39856	chr2	75376536	75381346	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86645	105244207	Gm39857	chr2	75294022	75396106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86646	105244207	Gm39857	chr2	75371591	75396106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86646	105244207	Gm39857	chr2	75371591	75396106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86646	102635707	2600014E2	chr2	75249369	75322407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86646	102635707	2600014E2	chr2	75138837	75322407	2307	89	0.038578	2531	92	0.036349	2513	80	0.031834	281	9	0.032028	604	26	0.043046	1902	84	0.044164	2116	96	0.045369	2130	59	0.0277	680	30	0.044118	728	25	0.034341	317	15	0.047319
XR_86646	102634853	Gm13652	chr2	75124762	75137071	2353	96	0.040799	2577	101	0.039193	2575	86	0.033398	281	9	0.032028	642	30	0.046729	1966	93	0.047304	2180	98	0.044954	2178	65	0.029844	710	32	0.04507	758	28	0.036939	347	18	0.051873
XR_86646	102634853	Gm13652	chr2	75124762	75136815	2353	96	0.040799	2577	101	0.039193	2575	86	0.033398	281	9	0.032028	642	30	0.046729	1966	93	0.047304	2180	98	0.044954	2178	65	0.029844	710	32	0.04507	758	28	0.036939	347	18	0.051873
XR_86646	102634853	Gm13652	chr2	75124762	75137252	2353	96	0.040799	2577	101	0.039193	2575	86	0.033398	281	9	0.032028	642	30	0.046729	1966	93	0.047304	2180	98	0.044954	2178	65	0.029844	710	32	0.04507	758	28	0.036939	347	18	0.051873
XR_86647	102634853	Gm13652	chr2	75124762	75137071	2353	96	0.040799	2577	101	0.039193	2575	86	0.033398	281	9	0.032028	642	30	0.046729	1966	93	0.047304	2180	98	0.044954	2178	65	0.029844	710	32	0.04507	758	28	0.036939	347	18	0.051873
XR_86647	102634853	Gm13652	chr2	75124762	75135282	424	195	0.459906	312	149	0.477564	408	168	0.411765	110	30	0.272727	201	96	0.477612	443	233	0.525959	366	96	0.262295	337	169	0.501484	205	67	0.326829	176	69	0.392045	123	38	0.308943
XR_86647	105244209	Gm39858	chr2	75634015	75634375	52	15	0.288462	54	13	0.240741	33	9	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	26	10	0.384615	58	30	0.517241	20	4	0.2	38	14	0.368421	37	19	0.513514	15	6	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86647	105244209	Gm39858	chr2	75634015	75634375	52	15	0.288462	54	13	0.240741	33	9	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	26	10	0.384615	58	30	0.517241	20	4	0.2	38	14	0.368421	37	19	0.513514	15	6	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86647	102638051	Gm13657	chr2	75776870	75787631	108	34	0.314815	#N/A	#N/A	#N/A	62	22	0.354839	#N/A	#N/A	#N/A	63	13	0.206349	64	10	0.15625	48	15	0.3125	71	13	0.183099	40	9	0.225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86648	102638051	Gm13657	chr2	75776881	75778912	108	34	0.314815	#N/A	#N/A	#N/A	62	22	0.354839	#N/A	#N/A	#N/A	63	13	0.206349	64	10	0.15625	48	15	0.3125	71	13	0.183099	40	9	0.225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86648	102638051	Gm13657	chr2	75776881	75778923	108	34	0.314815	#N/A	#N/A	#N/A	62	22	0.354839	#N/A	#N/A	#N/A	63	13	0.206349	64	10	0.15625	48	15	0.3125	71	13	0.183099	40	9	0.225	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86648	102638253	Gm34861	chr2	75814018	75832187	3487	151	0.043304	3027	162	0.053518	3502	119	0.033981	407	1	0.002457	817	87	0.106487	3891	112	0.028784	3001	113	0.037654	2926	115	0.039303	814	69	0.084767	1077	72	0.066852	310	21	0.067742
XR_86648	102638253	Gm34861	chr2	75814018	75820409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86649	102638253	Gm34861	chr2	75814018	75832187	3487	151	0.043304	3027	162	0.053518	3502	119	0.033981	407	1	0.002457	817	87	0.106487	3891	112	0.028784	3001	113	0.037654	2926	115	0.039303	814	69	0.084767	1077	72	0.066852	310	21	0.067742
XR_86649	102638253	Gm34861	chr2	75814018	75820409	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86649	105244212	Gm39860	chr2	76675641	76680063	3700	66	0.017838	3598	73	0.020289	3703	75	0.020254	914	17	0.0186	1242	12	0.009662	3842	147	0.038261	3405	113	0.033186	3441	62	0.018018	757	23	0.030383	1091	24	0.021998	289	2	0.00692
XR_86649	105244213	Gm39861	chr2	77161979	77163782	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	14	0.56	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86649	105244214	Gm39862	chr2	77061793	77070731	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XR_86649	102638855	Gm35317	chr2	77319721	77323910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86649	102638855	Gm35317	chr2	77319721	77323910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86649	102638855	Gm35317	chr2	77319721	77323910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	105244216	Gm39864	chr2	78266034	78272039	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	105244217	Gm39865	chr2	78750919	78828756	26	23	0.884615	56	51	0.910714	33	31	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A	29	26	0.896552	38	33	0.868421	46	41	0.891304	55	45	0.818182	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	102639516	Gm35813	chr2	79231285	79237816	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	105244218	Gm39866	chr2	79230985	79235188	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	105244219	Gm39867	chr2	79549771	79552561	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	102639964	Gm36153	chr2	80283457	80292288	140	115	0.821429	138	113	0.818841	148	113	0.763514	34	31	0.911765	74	62	0.837838	152	137	0.901316	116	99	0.853448	97	81	0.835052	48	35	0.729167	27	21	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86650	102639964	Gm36153	chr2	80285286	80292407	140	115	0.821429	138	113	0.818841	148	113	0.763514	34	31	0.911765	74	62	0.837838	152	137	0.901316	116	99	0.853448	97	81	0.835052	48	35	0.729167	27	21	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	105244221	Gm39868	chr2	84983713	84991979	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	102640825	Gm13715	chr2	85233680	85243678	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	102640825	Gm13715	chr2	85227409	85243678	104	101	0.971154	99	91	0.919192	90	81	0.9	16	16	1	61	56	0.918033	113	103	0.911504	72	61	0.847222	81	66	0.814815	20	16	0.8	57	49	0.859649	20	16	0.8
XR_86651	105242506	Gm38718	chr2	90193044	90195174	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	105244222	Gm39869	chr2	90351519	90353649	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	105244223	Gm39870	chr2	90624573	90628397	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	105244223	Gm39870	chr2	90624573	90626723	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86651	105244224	Gm39871	chr2	90636116	90670296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	19	0.904762	15	13	0.866667
XR_86652	105244225	Gm39872	chr2	90716406	90735417	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86653	105244229	Gm39876	chr2	91932217	91934516	944	134	0.141949	644	92	0.142857	937	151	0.161153	61	5	0.081967	228	35	0.153509	994	157	0.157948	884	181	0.204751	1042	176	0.168906	179	23	0.128492	437	80	0.183066	55	8	0.145455
XR_86653	102633714	Gm31473	chr2	92028095	92043469	144	34	0.236111	140	17	0.121429	155	21	0.135484	73	11	0.150685	88	32	0.363636	170	66	0.388235	107	30	0.280374	114	21	0.184211	72	24	0.333333	64	15	0.234375	13	6	0.461538
XR_86653	102633714	Gm31473	chr2	92028095	92045252	144	34	0.236111	140	17	0.121429	155	21	0.135484	73	11	0.150685	88	32	0.363636	170	66	0.388235	107	30	0.280374	114	21	0.184211	72	24	0.333333	64	15	0.234375	13	6	0.461538
XR_86653	102633714	Gm31473	chr2	92041856	92043469	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86653	102633714	Gm31473	chr2	92028425	92043469	144	34	0.236111	140	17	0.121429	155	21	0.135484	73	11	0.150685	98	42	0.428571	170	66	0.388235	107	30	0.280374	114	21	0.184211	82	31	0.378049	74	22	0.297297	13	6	0.461538
XR_86653	105244230	Gm39877	chr2	92163355	92177501	152	123	0.809211	99	84	0.848485	106	83	0.783019	30	27	0.9	36	30	0.833333	191	157	0.82199	116	86	0.741379	116	72	0.62069	74	54	0.72973	45	39	0.866667	36	31	0.861111
XR_86654	102634017	Gm13817	chr2	92525051	92540989	169	108	0.639053	170	123	0.723529	224	172	0.767857	38	27	0.710526	71	53	0.746479	180	122	0.677778	150	65	0.433333	170	88	0.517647	72	28	0.388889	46	13	0.282609	28	20	0.714286
XR_86654	105244235	Gm13816	chr2	92742230	92760040	168	87	0.517857	86	54	0.627907	143	91	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	26	16	0.615385	146	55	0.376712	96	46	0.479167	89	40	0.449438	48	15	0.3125	73	21	0.287671	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86654	105244235	Gm13816	chr2	92751482	92760040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86655	102634512	Gm13791	chr2	92854329	92919952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86655	105244236	Gm39880	chr2	92779422	92818535	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86655	105244236	Gm39880	chr2	92805266	92818535	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86655	105244236	Gm39880	chr2	92779422	92848832	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86655	105244237	1700055L(	chr2	93146228	93149249	21	12	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	27	11	0.407407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86656	102635391	Gm32745	chr2	93341092	93353922	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86656	105244238	Gm39881	chr2	93313223	93323312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	20	6	0.3	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86656	105244239	Gm39882	chr2	93257980	93259160	145	127	0.875862	121	108	0.892562	136	123	0.904412	38	37	0.973684	38	34	0.894737	168	150	0.892857	117	90	0.769231	130	103	0.792308	62	47	0.758065	58	51	0.87931	32	30	0.9375
XR_86656	105244240	Gm39883	chr2	93718955	93721441	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86656	414123	Mir670hg	chr2	94160636	94265088	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86657	105244242	Gm39885	chr2	94158164	94168218	134	0	0	143	1	0.006993	122	1	0.008197	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	104	1	0.009615	179	2	0.011173	184	1	0.005435	22	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86657	105244242	Gm39885	chr2	94158164	94168525	134	0	0	143	1	0.006993	122	1	0.008197	#N/A	#N/A	#N/A	52	0	0	104	1	0.009615	179	2	0.011173	184	1	0.005435	22	0	0	40	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86657	105244243	Gm39886	chr2	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86657	105244244	Gm39887	chr2	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86657	105244245	Gm39888	chr2	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86657	105244247	Gm39890	chr2	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	20	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7
XR_86658	102637752	Gm34483	chr2	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86658	102637752	Gm34483	chr2	1.03E+08	1.03E+08	56	51	0.910714	20	13	0.65	47	38	0.808511	#N/A	#N/A	#N/A	40	34	0.85	22	21	0.954545	20	17	0.85	34	22	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A	33	25	0.757576	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86659	105244251	8030431J0	chr2	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86659	105244253	Gm39895	chr2	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86659	102638366	Gm34948	chr2	1.04E+08	1.04E+08	328	234	0.713415	338	264	0.781065	364	262	0.71978	115	90	0.782609	189	137	0.724868	429	329	0.7669	316	261	0.825949	262	192	0.732824	110	78	0.709091	170	117	0.688235	84	54	0.642857
XR_86659	102638366	Gm34948	chr2	1.04E+08	1.04E+08	328	234	0.713415	338	264	0.781065	364	262	0.71978	115	90	0.782609	189	137	0.724868	429	329	0.7669	316	261	0.825949	262	192	0.732824	110	78	0.709091	170	117	0.688235	84	54	0.642857
XR_86660	105244254	Gm39896	chr2	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86661	102639182	Gm38515	chr2	1.04E+08	1.04E+08	38	36	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	18	16	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	27	0.964286	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86661	105244256	Gm39898	chr2	1.05E+08	1.05E+08	2189	13	0.005939	2228	13	0.005835	2353	28	0.0119	131	0	0	706	4	0.005666	2405	15	0.006237	2191	7	0.003195	2399	19	0.00792	781	1	0.00128	575	5	0.008696	65	0	0
XR_86661	105244258	Gm39900	chr2	1.05E+08	1.05E+08	484	177	0.365702	484	166	0.342975	509	197	0.387033	106	63	0.59434	307	132	0.429967	558	156	0.27957	533	188	0.35272	399	110	0.275689	189	53	0.280423	222	80	0.36036	113	36	0.318584
XR_86661	105244258	Gm39900	chr2	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86661	102639693	Gm35946	chr2	1.06E+08	1.06E+08	114	86	0.754386	126	91	0.722222	127	87	0.685039	11	9	0.818182	88	67	0.761364	99	60	0.606061	84	46	0.547619	117	51	0.435897	85	37	0.435294	108	50	0.462963	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86661	102639812	Gm36036	chr2	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86662	102639812	Gm36036	chr2	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86662	102639812	Gm36036	chr2	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86662	102639812	Gm36036	chr2	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86663	105244261	Gm39902	chr2	1.07E+08	1.07E+08	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	15	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86663	105244262	Gm39903	chr2	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	22	12	0.545455	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86663	105244263	Gm39904	chr2	1.08E+08	1.08E+08	73	66	0.90411	57	46	0.807018	58	44	0.758621	12	11	0.916667	33	29	0.878788	71	48	0.676056	64	37	0.578125	48	26	0.541667	37	21	0.567568	27	16	0.592593	10	5	0.5
XR_86663	105244264	Gm39905	chr2	1.09E+08	1.09E+08	26	24	0.923077	15	14	0.933333	18	16	0.888889	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	19	0.678571	23	23	1	22	16	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86664	102632093	Gm30258	chr2	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86664	105244267	Gm39908	chr2	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86664	105244268	Gm39909	chr2	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86665	105244269	Gm39910	chr2	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86665	102634211	Gm13990	chr2	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	21	0.636364
XR_86665	105244271	Gm39912	chr2	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86665	102642737	Gm38629	chr2	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86665	102642737	Gm38629	chr2	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86666	105244272	Gm39913	chr2	1.19E+08	1.19E+08	313	0	0	504	1	0.001984	513	8	0.015595	#N/A	#N/A	#N/A	192	1	0.005208	443	4	0.009029	228	1	0.004386	232	0	0	64	0	0	60	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86666	102635468	Gm32798	chr2	1.19E+08	1.19E+08	252	192	0.761905	273	227	0.831502	243	197	0.8107	30	20	0.666667	71	52	0.732394	215	170	0.790698	283	239	0.844523	308	242	0.785714	64	48	0.75	54	36	0.666667	26	19	0.730769
XR_86666	105244273	Gm39914	chr2	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86666	102635954	Gm14089	chr2	1.19E+08	1.19E+08	36	20	0.555556	32	18	0.5625	38	18	0.473684	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	45	28	0.622222	16	10	0.625	34	12	0.352941	22	9	0.409091	11	4	0.363636	10	7	0.7
XR_86667	105244276	Gm39916	chr2	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86668	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86669	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86669	414106	4930417H(	chr2	1.23E+08	1.23E+08	3974	23	0.005788	3569	23	0.006444	4251	22	0.005175	854	3	0.003513	1549	0	0	3930	37	0.009415	3665	23	0.006276	3616	25	0.006914	811	3	0.003699	1582	3	0.001896	338	1	0.002959
XR_86669	105244279	Gm39919	chr2	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86669	102637753	Gm34484	chr2	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86669	105244280	Gm39920	chr2	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86669	102638255	Gm14002	chr2	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86669	102638818	Gm26697	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86670	102638818	Gm26697	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86670	105244283	Gm39922	chr2	1.27E+08	1.27E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	18	0.692308
XR_86671	102639741	Gm14009	chr2	1.28E+08	1.28E+08	118	105	0.889831	138	128	0.927536	176	156	0.886364	20	18	0.9	165	153	0.927273	155	132	0.851613	173	152	0.878613	154	143	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	57	51	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86672	102639813	Gm29010	chr2	1.28E+08	1.28E+08	67	51	0.761194	77	61	0.792208	73	61	0.835616	23	18	0.782609	29	24	0.827586	117	92	0.786325	64	39	0.609375	59	41	0.694915	26	9	0.346154	24	13	0.541667	10	7	0.7
XR_86672	105244288	Gm39927	chr2	1.29E+08	1.29E+08	181	168	0.928177	143	138	0.965035	189	174	0.920635	70	67	0.957143	99	92	0.929293	174	158	0.908046	160	118	0.7375	185	137	0.740541	69	50	0.724638	38	27	0.710526	29	22	0.758621
XR_86672	105244289	Gm39928	chr2	1.28E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	23	17	0.73913	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86672	105244290	Gm39929	chr2	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86672	102640033	Gm36203	chr2	1.29E+08	1.29E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86672	105244292	Gm39931	chr2	1.29E+08	1.29E+08	1947	27	0.013867	1767	24	0.013582	2338	24	0.010265	288	0	0	953	27	0.028332	2259	57	0.025232	1961	22	0.011219	1940	32	0.016495	863	5	0.005794	874	13	0.014874	216	0	0
XR_86673	105244292	Gm39931	chr2	1.29E+08	1.29E+08	1947	27	0.013867	1767	24	0.013582	2338	24	0.010265	288	0	0	953	27	0.028332	2259	57	0.025232	1961	22	0.011219	1940	32	0.016495	863	5	0.005794	874	13	0.014874	216	0	0
XR_86673	105244293	Gm39932	chr2	1.29E+08	1.29E+08	94	81	0.861702	72	60	0.833333	105	82	0.780952	#N/A	#N/A	#N/A	50	36	0.72	110	76	0.690909	82	45	0.54878	84	49	0.583333	41	18	0.439024	44	30	0.681818	22	12	0.545455
XR_86673	105244294	Gm39933	chr2	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86674	105244297	Gm39936	chr2	1.3E+08	1.3E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86674	105244299	Gm39937	chr2	1.31E+08	1.31E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86675	102633555	Gm14051	chr2	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86675	102633555	Gm14051	chr2	1.32E+08	1.32E+08	822	152	0.184915	810	235	0.290123	936	196	0.209402	175	33	0.188571	290	83	0.286207	783	234	0.298851	678	203	0.29941	741	203	0.273954	311	95	0.305466	295	58	0.19661	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86675	105244303	Gm14095	chr2	1.32E+08	1.32E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86675	102634212	Gm31851	chr2	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86675	102634212	Gm31851	chr2	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86675	105244304	Gm14100	chr2	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	105244304	Gm14100	chr2	1.33E+08	1.33E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	105244305	Gm39940	chr2	1.34E+08	1.34E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	105244306	Gm39941	chr2	1.35E+08	1.35E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	105244307	Gm39942	chr2	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	102635128	Gm32546	chr2	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	102635128	Gm32546	chr2	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	105244309	Gm39943	chr2	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86676	105244309	Gm39943	chr2	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	105244309	Gm39943	chr2	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	105244310	Gm39944	chr2	1.37E+08	1.37E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	102633536	Gm14055	chr2	1.38E+08	1.38E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	102635681	Gm14064	chr2	1.38E+08	1.38E+08	11	4	0.363636	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	2	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	102635681	Gm14064	chr2	1.38E+08	1.38E+08	11	4	0.363636	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	2	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	102635681	Gm14064	chr2	1.38E+08	1.38E+08	11	4	0.363636	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	2	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86677	102636024	LOC10263	chr2	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86678	102636136	Gm14061	chr2	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86678	102636136	Gm14061	chr2	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86678	102636136	Gm14061	chr2	1.39E+08	1.39E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86678	105244314	Gm39948	chr2	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86678	102636570	Gm33599	chr2	1.43E+08	1.43E+08	84	68	0.809524	36	25	0.694444	65	57	0.876923	30	18	0.6	60	47	0.783333	103	70	0.679612	44	26	0.590909	30	18	0.6	59	28	0.474576	56	26	0.464286	20	9	0.45
XR_86678	102636639	Gm33648	chr2	1.44E+08	1.44E+08	3287	238	0.072406	3530	164	0.046459	3639	189	0.051937	553	36	0.065099	1015	79	0.077833	3672	298	0.081155	2950	223	0.075593	3024	156	0.051587	948	60	0.063291	1044	106	0.101533	314	11	0.035032
XR_86679	105244317	Gm39951	chr2	1.45E+08	1.45E+08	157	127	0.808917	160	119	0.74375	84	63	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	148	128	0.864865	196	167	0.852041	142	103	0.725352	193	133	0.689119	67	51	0.761194	96	68	0.708333	75	64	0.853333
XR_86679	105244317	Gm39951	chr2	1.45E+08	1.45E+08	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	25	22	0.88	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86679	105244318	Gm39952	chr2	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86679	105244318	Gm39952	chr2	1.45E+08	1.45E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

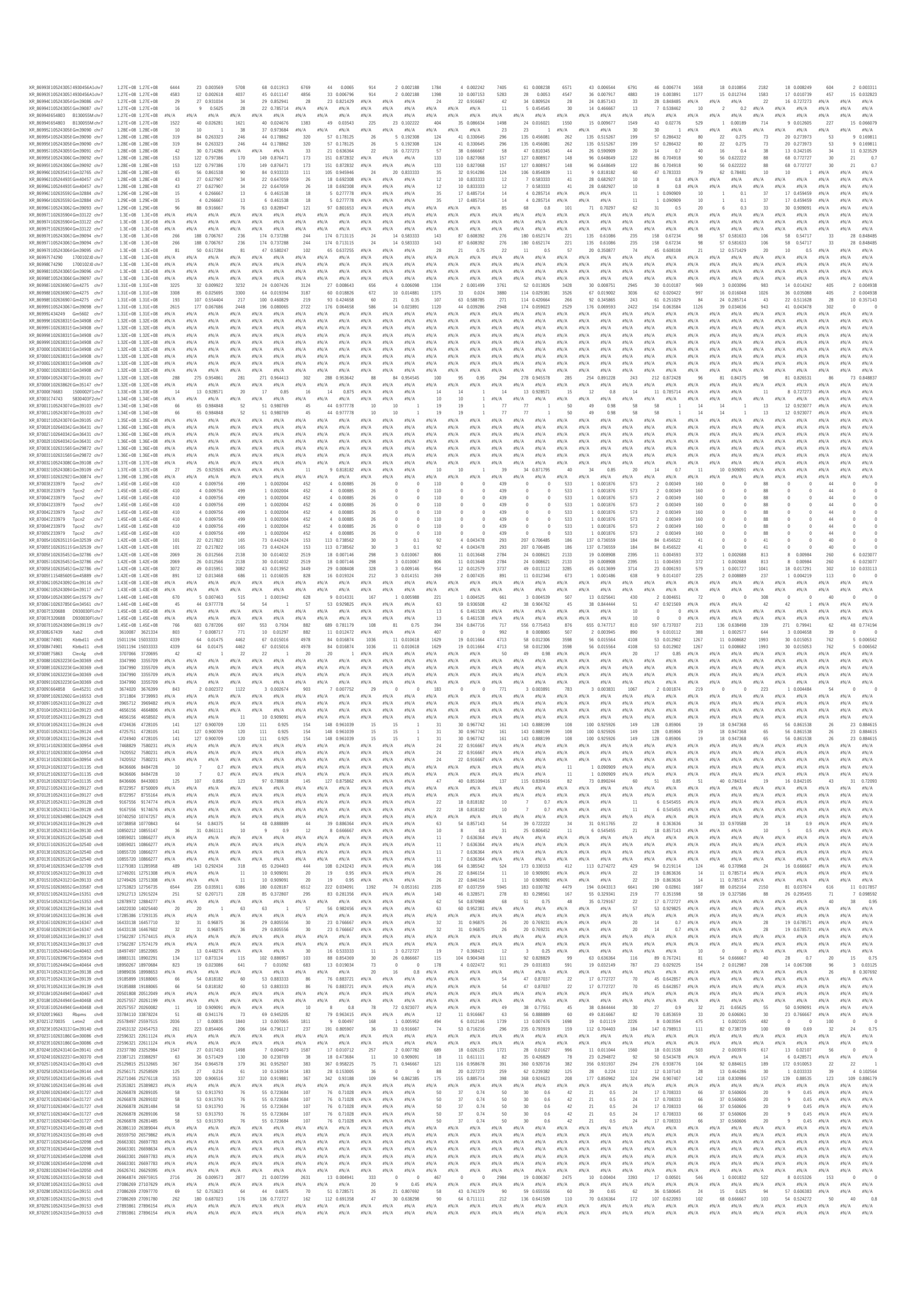


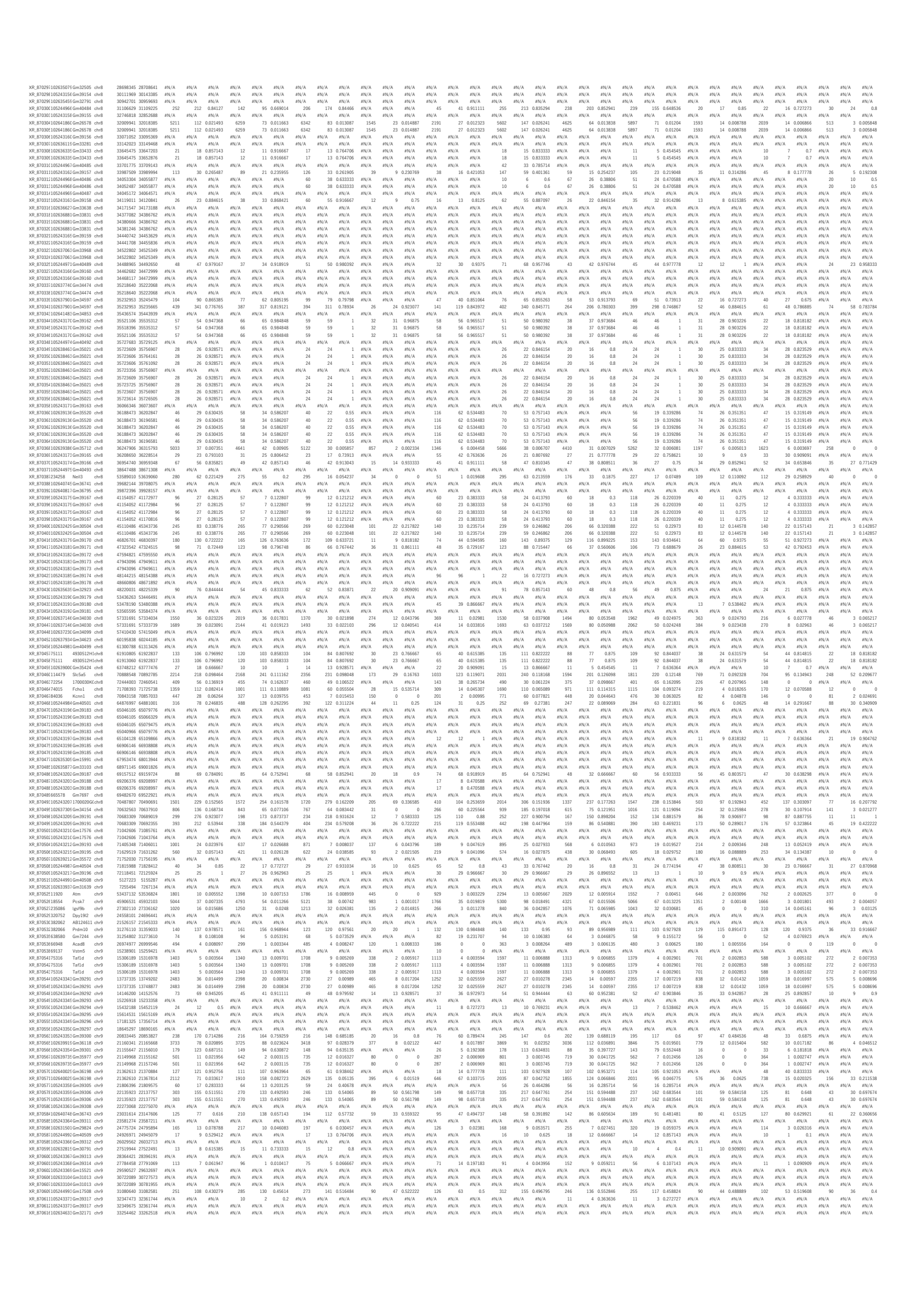




XR_86906	105242651	Gm38806	chr6	50540757	50542978	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86906	105242652	Gm38807	chr6	50601558	50603699	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86906	105242653	Gm38808	chr6	50659851	50679482	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86906	102633693	Gm31455	chr6	50804265	50822252	275	78	0.283636	180	37	0.205556	285	66	0.231579	139	35	0.251799	135	43	0.318519	368	83	0.225543	273	47	0.172161	245	51	0.208163	161	40	0.248447	85	6	0.070588	52	9	0.173077
XR_86907	102634074	Gm31746	chr6	51032935	51061257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86907	102634074	Gm31746	chr6	51032935	51061257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86907	105242654	Gm38809	chr6	50973384	50990183	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86908	105242655	Gm38810	chr6	51154278	51154934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86908	105242655	Gm38810	chr6	51154278	51154934	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86908	102635043	Gm32479	chr6	51285807	51308643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86908	105242656	Gm38811	chr6	51694970	51702609	46	39	0.847826	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	52	46	0.884615	50	41	0.82	38	35	0.921053	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86909	105242661	Gm38814	chr6	53493537	53498278	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86909	105242662	Gm38815	chr6	53469512	53471564	141	122	0.865248	100	83	0.83	203	165	0.812808	87	59	0.678161	51	45	0.882353	121	97	0.801653	85	68	0.8	106	80	0.754717	54	40	0.740741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86910	78616	9530036M	chr6	54137935	54152446	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86911	78616	9530036M	chr6	54137935	54150939	11	9	0.818182	13	12	0.923077	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	27	25	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86911	78616	9530036M	chr6	54137935	54150939	11	9	0.818182	13	12	0.923077	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	27	25	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86911	78616	9530036M	chr6	54137935	54150939	11	9	0.818182	13	12	0.923077	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	27	25	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86911	78616	9530036M	chr6	54137935	54150939	11	9	0.818182	13	12	0.923077	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	27	25	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86911	102641179	Gm38539	chr6	55002120	55003998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86912	105242666	Gm38819	chr6	55325636	55328395	53	41	0.773585	42	37	0.880952	42	32	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A	61	39	0.639344	55	48	0.872727	51	34	0.666667	50	37	0.74	22	18	0.818182	41	25	0.609756	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86912	102637698	Gm34441	chr6	55537043	55651785	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86912	102637698	Gm34441	chr6	55649479	55651785	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86912	105242667	Gm38820	chr6	55789621	55804884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86912	434018	4930533I2	chr6	57484514	57495691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86912	434018	4930533I2	chr6	57484514	57495691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86913	434018	4930533I2	chr6	57484514	57495691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86913	434018	4930533I2	chr6	57464073	57495691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86913	102638540	Gm35077	chr6	58497956	58533690	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86913	105242670	Gm38822	chr6	58758345	58813748	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86913	102638876	Gm35335	chr6	60339805	60374268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86914	105242671	Gm38823	chr6	60411196	60449685	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86914	102639571	Gm35851	chr6	64704366	64728861	2008	31	0.015438	2098	39	0.018589	2308	38	0.016464	165	2	0.012121	709	14	0.019746	1718	40	0.023283	2101	78	0.037125	1613	71	0.044017	740	18	0.024324	860	49	0.056977	68	7	0.102941
XR_86914	102639571	Gm35851	chr6	64704366	64728861	2008	31	0.015438	2098	39	0.018589	2308	38	0.016464	165	2	0.012121	709	14	0.019746	1718	40	0.023283	2101	78	0.037125	1613	71	0.044017	740	18	0.024324	860	49	0.056977	68	7	0.102941
XR_86914	102639953	Gm36144	chr6	65662049	65671247	2901	99	0.034126	3017	64	0.021213	2704	72	0.026627	582	13	0.022337	1141	37	0.032428	3138	122	0.038878	2516	138	0.054849	2408	129	0.053571	910	59	0.064835	1082	34	0.031423	596	13	0.021812
XR_86914	105242673	Gm38824	chr6	66311011	66315679	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86915	72484	2610300M	chr6	66451943	66466472	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86915	72484	2610300M	chr6	66451943	66466483	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	8	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86915	102640846	Gm36816	chr6	66984317	67008987	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	48	0.96	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86915	105242674	Gm38825	chr6	67178681	67186692	16	9	0.5625	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	11	3	0.272727	13	2	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86915	102641749	Gm38573	chr6	67717736	67721436	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86916	102632036	Gm30211	chr6	70729213	70749242	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86916	102632036	Gm30211	chr6	70729213	70749242	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86916	102632036	Gm30211	chr6	70729213	70749242	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86916	102632191	Gm30331	chr6	70806991	70814791	54	51	0.944444	71	68	0.957746	60	58	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	40	37	0.925	52	47	0.903846	52	52	1	55	50	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86916	105242675	Gm38826	chr6	71094585	71106629	269	149	0.553903	244	143	0.586066	252	139	0.551587	58	34	0.586207	100	58	0.58	241	69	0.286307	234	103	0.440171	194	100	0.515464	109	49	0.449541	107	51	0.476636	32	19	0.59375
XR_86916	105242675	Gm38826	chr6	71088376	71106633	269	149	0.553903	244	143	0.586066	252	139	0.551587	58	34	0.586207	100	58	0.58	241	69	0.286307	234	103	0.440171	194	100	0.515464	109	49	0.449541	107	51	0.476636	32	19	0.59375
XR_86916	105242675	Gm38826	chr6	71087777	71106633	269	149	0.553903	244	143	0.586066	252	139	0.551587	58	34	0.586207	100	58	0.58	241	69	0.286307	234	103	0.440171	194	100	0.515464	109	49	0.449541	107	51	0.476636	32	19	0.59375
XR_86916	105242676	Gm38827	chr6	71154105	71157968	180	175	0.972222	164	151	0.920732	140	134	0.957143	#N/A	#N/A	#N/A	56	51	0.910714	112	97	0.866071	124	101	0.814516	124	114	0.919355	87	82	0.942529	43	37	0.860465	44	43	0.977273
XR_86916	105242677	Gm38828	chr6	71312209	71322654	344	304	0.883721	345	316	0.915942	400	357	0.8925	45	41	0.911111	132	122	0.924242	341	285	0.835777	337	281	0.833828	411	344	0.836983	80	60	0.75	122	109	0.893443	36	32	0.888889
XR_86917	105242677	Gm38828	chr6	71312209	71322657	344	304	0.883721	345	316	0.915942	400	357	0.8925	45	41	0.911111	132	122	0.924242	341	285	0.835777	337	281	0.833828	411	344	0.836983	80	60	0.75	122	109	0.893443	36	32	0.888889
XR_86917	105242679	Gm38830	chr6	71533219	71537869	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86917	105242682	Gm38832	chr6	72161912	72167826	54	10	0.185185	37	18	0.486486	60	11	0.183333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	78	22	0.282051	67	17	0.253731	66	7	0.106061	26	8	0.307692	24	7	0.291667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86917	105244843	Gm40377	chr6	73222797	73224972	217	160	0.737327	321	187	0.582555	307	169	0.550489	62	52	0.83871	192	83	0.432292	383	240	0.626632	285	108	0.378947	240	122	0.508333	118	66	0.559322	119	81	0.680672	32	27	0.84375
XR_86918	105244843	Gm40377	chr6	73222797	73225834	217	160	0.737327	321	187	0.582555	307	169	0.550489	62	52	0.83871	192	83	0.432292	383	240	0.626632	285	108	0.378947	240	122	0.508333	118	66	0.559322	119	81	0.680672	32	27	0.84375
XR_86918	105244843	Gm40377	chr6	73222797	73224972	217	160	0.737327	321	187	0.582555	307	169	0.550489	62	52	0.83871	192	83	0.432292	383	240	0.626632	285	108	0.378947	240	122	0.508333	118	66	0.559322	119	81	0.680672	32	27	0.84375
XR_86918	105242685	Gm38834	chr6	73248763	73254494	1498	8	0.00534	1331	6	0.004508	1525	15	0.009836	151	2	0.013245	524	33	0.062977	1702	9	0.005288	1547	16	0.010343	1606	25	0.015567	273	1	0.003663	468	13	0.027778	80	1	0.0125
XR_86918	105242686	Gm38835	chr6	75427450	75474984	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86918	105242687	Gm38836	chr6	76695452	76711577	10	9	0.9	30	24	0.8	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	2	0.181818	12	3	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86918	105242688	Gm38837	chr6	77598739	77605174	118	111	0.940678	109	103	0.944954	120	111	0.925	#N/A	#N/A	#N/A	58	55	0.948276	66	54	0.818182	125	90	0.72	126	84	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	75	64	0.853333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86918	102634534	Gm32091	chr6	80140419	80166659	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86918	105242690	Gm38838	chr6	81428997	81446257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86918	105242691	Gm38839	chr6	81707217	81716200	107	91	0.850467	81	71	0.876543	54	50	0.925926	#N/A	#N/A	#N/A	52	49	0.942308	136	109	0.801471	58	45	0.775862	95	69	0.726316	13	12	0.923077	38	28	0.736842	28	20	0.714286
XR_86919	105242694	Gm38842	chr6	81971600	81972958	42	33	0.785714	51	33	0.647059	51	33	0.647059	11	8	0.727273	32	27	0.84375	68	48	0.705882	74	56	0.756757	69	43	0.623188	24	17	0.708333	38	19	0.5	20	19	0.95
XR_86919	105244847	Gm40381	chr6	82119749	82126072	175	30	0.171429	153	34	0.222222	147	19	0.129252	#N/A	#N/A	#N/A	45	7	0.155556	186	34	0.182796	112	11	0.098214	141	15	0.106383	71	5	0.070423	71	18	0.253521	24	2	0.083333
XR_86919	105242696	Gm38843	chr6	82803855	82805173	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86919	105242696	Gm38843	chr6	82803860	82805179	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86919	102635189	Gm32591	chr6	82835109	82841391	122	107	0.877049	105	90	0.857143	119	98	0.823529	68	62	0.911765	45	39	0.866667	165	151	0.915152	92	73	0.793478	79	62	0.78481	57	39	0.684211	56	45	0.803571	11	7	0.636364
XR_86919	102635189	Gm32591	chr6	82831265	82841391	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86920	105242698	Gm38844	chr6	83531753	83547244	66	40	0.606061	50	25	0.5	70	45	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	44	24	0.545455	48	12	0.25	66	45	0.681818	53	19	0.358491	22	10	0.454545	30	9	0.3
XR_86920	105242698	Gm38844	chr6	83533854	83547244	66	40	0.606061	50	25	0.5	70	45	0.642857	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	44	24	0.545455	48	12	0.25	66	45	0.681818	53	19	0.358491	22	10	0.454545	30	9	0.3
XR_86920	105242699	Gm38845	chr6	84479845	84497184	86	74	0.860465	79	65	0.822785	36	34	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	33	27	0.818182	73	56	0.767123	67	47	0.701493	30	28	0.933333	43	31	0.72093	71	51	0.71831	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86920	105242699	Gm38845	chr6	84479845	84522036	38	30	0.789474	43	33	0.767442	40	29	0.725	10	9	0.9	32	24	0.75	37	26	0.702703	#N/A	#N/A	#N/A	27	21	0.777778	22	12	0.545455	36	20	0.555556	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86920	71157	4933423K1	chr6	85374854	85386965	5040	377	0.074802	4601	421	0.091502	4775	428	0.089634	436	5	0.011468	1159	10	0.008628	4681	334	0.071352	4171	340	0.081515	4072	368	0.090373	1298	70	0.053929	1542	32	0.020752	376	16	0.042553
XR_86921	105242703	Gm38847	chr6	85856332	85861133	160	63	0.39375	100	35	0.35	136	58	0.426471	22	11	0.5	71	36	0.507042	146	74	0.506849	100	39	0.39	128	42	0.328125	53	15	0.283019	45	18	0.4	24	7	0.291667
XR_86921	105242392	Gm38676	chr6	86528764	86531209	2061	8	0.003882	1961	2	0.00102	1773	12	0.006768	291	0	0	642	2	0.003115	2099	7	0.003335	1581	5	0.003163	2046	8	0.00391	657	3	0.004566	585	1	0.001709	78	1	0.012821
XR_86922	105242706	Gm38850	chr6	86653954	86663064	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	35	0.972222	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86922	102637526	Gm34312	chr6	87597557	87598911	156	105	0.673077	166	123	0.740964	99	71	0.717172	29	21	0.724138	109	67	0.614679	191	103	0.539267	153	79	0.51634	149	101	0.677852	55	29	0.527273	38	22	0.578947	36	21	0.583333
XR_86922	105242709	Gm38852	chr6	87651089	87653700	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86923	102637660	Gm34414	chr6	87741036	87749134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86924	105242712	Gm38855	chr6	88048137	88053844	103	61	0.592233	98	69	0.704082	121	76	0.628099	16	12	0.75	52	37	0.711538	119	75	0.630252	83	44	0.53012	80	62	0.775	28	20	0.714286	11	8	0.727273	12	8	0.666667
XR_86924	105242713	Gm38856	chr6	88152369	88154996	262	190	0.725191	120	92	0.766667	155	114	0.735484	56	40	0.714286	85	66	0.776471	287	187	0.651568	283	187	0.660777	189	122	0.645503	22	12	0.545455	63	31	0.492063	31	21	0.677419
XR_86925	102640127	Gm36268	chr6	88914789	88917100	98	76	0.77551	67	60	0.895522	69	59	0.855072	12	9	0.75	13	12	0.923077	116	79	0.681034	75	56	0.746667	66	35	0.530303	36	22	0.611111	43	28	0.651163	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86925	102640310	Gm36409	chr6	88964748	88973887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86925	102640310	Gm36409	chr6	88964748	88973887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86925	102640310	Gm36409	chr6	88964748	88973887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86925	102640310	Gm36409	chr6	88964748	88973887	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86926	105242717	Gm38860	chr6	91009977	91010670	76	70	0.921053	70	65	0.928571	71	68	0.957746	48	46	0.958333	71	66	0.929577	45	36	0.8	49	35	0.714286	16	5	0.3125	36	26	0.722222	43	39	0.906977	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86926	102632229	Gm30364	chr6	91117417	91128230	3390	52	0.015339	3142	69	0.021961	3343	58	0.01735	609	1	0.001642	1000	28	0.028	3563	63	0.017682	3377	43	0.012733	3457	59	0.017067	971	8	0.008239	1213	29	0.023908	236	1	0.004237
XR_86927	105244853	Gm40387	chr6	91660737	91680749	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86927	105242720	Gm38862	chr6	92404540	92424686	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	28	18	0.642857	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86927	105242721	Gm38863	chr6	93194131	93238995	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86927	105242721	Gm38863	chr6	93194131	93238995	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86927	105242721	Gm38863	chr6	93194131	93238995	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86928	105242722	Gm38864	chr6	95905121	95922972	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86928	102634502	2900060L2	chr6	96028224	96121422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86928	102634502	2900060L2	chr6	96049706	96121422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86929	102634502	2900060L2	chr6	96022634	96121422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86929	102634657	Gm32191	chr6	97252904	97270452	477	339	0.710692	444	305	0.686937	447	301	0.673378	132	91	0.689394	220	160	0.727273	481	343	0.713098	351	254	0.723647	371	254	0.684636	176	108	0.613636	194	111	0.572165	123	82	0.666667
XR_86929	115486428	LOC11548	chr6	97579295	97583114	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86929	102635260	Gm32646	chr6	98402819	98423101	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86930	78059	4930595L1	chr6	98535237	98552104	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86930	78059	4930595L1	chr6	98531381	98552104	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	18	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86930	105242725	Gm38865	chr6	99114644	99128709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86930	102635772	Gm26748	chr6	99726785	99732609	2108	147	0.069734	2301	135	0.05867	2306	134	0.058109	538	36	0.066914	706	41	0.058074	1885	129	0.068435	2122	165	0.077757	1933	133	0.068805	665	34	0.051128	793	34	0.042875	313	32	0.102236
XR_86930	102636006	Gm33201	chr6	99966521	99980568	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86931	105242726	Gm38866	chr6	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86931	105242726	Gm38866	chr6	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86931	105242727	Gm38867	chr6	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86931	105242728	Gm38868	chr6	1E+08	1E+08	138	132	0.956522	133	119	0.894737	147	141	0.959184	55	51	0.927273	73	68	0.931507	141	129	0.914894	140	116	0.828571	196	167	0.852041	47	41	0.87234	49	38	0.77551	40	27	0.675
XR_86933	102637557	Gm34335	chr6	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86933	102637557	Gm34335	chr6	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86933	102637557	Gm34335	chr6	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86933	102637557	Gm34335	chr6	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86933	105242731	Gm38870	chr6	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86934	105242732	Gm38871	chr6	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86934	105244860	Gm40393	chr6	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86934	105244860	Gm40393	chr6	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86934	102638652	Gm35165	chr6	1.08E+08	1.08E+08	110	100	0.909091	119	112	0.941176	93	88	0.946237	44	44	1	93	87	0.935484	132	122	0.924242	105	98	0.933333	116	109	0.939655	70	70	1	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86934	102638652	Gm35165	chr6	1.08E+08	1.08E+08	110	100	0.909091	119	112	0.941176	93	88	0.946237	44	44	1	93	87	0.935484	132	122	0.924242	105	98	0.933333	116	109	0.939655	70	70	1	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86935	102639064	Gm35467	chr6	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86935	102639169	Gm20387	chr6	1.11E+08	1.11E+08	821	43	0.052375	964	29	0.030083	973	25	0.025694	33	5	0.151515	419	21	0.050119	737	62	0.084125	726	82	0.112948	706	54	0.076487	380	33	0.086842	223	27	0.121076	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86935	105242737	Gm38873	chr6	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86935	105244863	Gm40395	chr6	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86936	105242738	Gm26799	chr6	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86936	105242738	Gm26799	chr6	1.13E+08	1.13E+08	95	87	0.915789	131	126	0.961832	72	67	0.930556	30	30	1	89	84	0.94382	117	102	0.871795	84	77	0.916667	97	86	0.886598	59	46	0.779661	124	103	0.830645	33	29	0.878788
XR_86936	105242741	Gm38875	chr6	1.14E+08	1.14E+08	2344	109	0.046502	2197	63	0.028675	2531	69	0.027262	496	10	0.020161	670	27	0.040299	2555	114	0.044618	2122	121	0.057022	2065	107	0.051816	797	42	0.052698	587	27	0.045997	98	4	0.040816
XR_86936	105242742	Gm38876	chr6	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86936	102640014	Gm36190	chr6	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86936	105242743	Gm38877	chr6	1.15E+08	1.15E+08	278	227	0.816547	248	211	0.850806	249	208	0.835341	65	62	0.953846	80	71	0.8875	283	221	0.780919	188	133	0.707447	214	160	0.747664	69	41	0.594203	57	31	0.54386	60	43	0.716667
XR_86936	105242744	Gm38878	chr6	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86937	105242744	Gm38878	chr6	1.15E+08	1.15E+08	187	147	0.786096	159	111	0.698113	207	149	0.719807	23	17	0.73913	52	38	0.730769	171	117	0.684211	203	129	0.635468	156	107	0.685897	56	22	0.392857	73	51	0.69863	10	9	0.9
XR_86937	105242744	Gm38878	chr6	1.15E+08	1.15E+08	187	147	0.786096	159	111	0.698113	207	149	0.719807	23	17	0.73913	52	38	0.730769	171	117	0.684211	203	129	0.635468	156	107	0.685897	56	22	0.392857	73	51	0.69863	10	9	0.9
XR_86937	102640168	Gm36301	chr6	1.16E+08	1.16E+08	233	179	0.76824	121	81	0.669421	182	136	0.747253	12	12	1	43	30	0.697674	303	165	0.544554	243	180	0.740741	212	116	0.54717	58	33	0.568966	75	41	0.546667	17	14	0.823529
XR_86937	102640168	Gm36301	chr6	1.16E+08	1.16E+08	233	179	0.76824	121	81	0.669421	182	136	0.747253	12	12	1	43	30	0.697674	303	165	0.544554	243	180	0.740741	212	116	0.54717	58	33	0.568966	75	41	0.546667	17	14	0.823529
XR_86937	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86937	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86937	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86937	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86937	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86937	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86938	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86938	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86938	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86938	10264023	Gm36355	chr6	1.16E+08	1.16E+08	290	0	0	164	0	0	299	5	0.016722	178	0	0	237	1	0.004219	269	0	0	243	3	0.012346	166	3	0.018072	182	0	0	140	0	0	60	1	0.016667
XR_86938	105242745	Gm38879	chr6	1.16E+08	1.16E+08	126	72	0.571429	109	63	0.577982	158	85	0.537975	#N/A	#N/A	#N/A	68	34	0.5	140	62	0.442857	130	78	0.6	108	58	0.537037	81	46	0.567901	44	24	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86938	105242748	Gm38880	chr6	1.16E+08	1.16E+08	241	212	0.879668	195	173	0.887179	202	184	0.910891	76	61	0.802632	100	91	0.91	258	232	0.899225	228	168	0.736842	254	202	0.795276	88	77	0.875	120	88	0.733333	95	75	0.789474
XR_86938	10524292	Gm38882	chr6	1.16E+08	1.16E+08	398	313	0.786432	351	293	0.834758	320	259	0.809375	85	81	0.910112	185	132	0.713514	369	268	0.726287	288	191	0.663194	271	195	0.719557	101	53	0.524752	161	111	0.689441	13	13	1
XR_86939	10263167	2810048H	chr6	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86939	105242751	Gm38883	chr6	1.18E+08	1.18E+08	193	141	0.73057	245	169	0.689796	191	165	0.863874	13	10	0.769231	40	32	0.8	224	120	0.535714	221	164	0.742081	251	155	0.61753	74	63	0.851351	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86940	105242753	Gm38885	chr6	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86940	105242756	Gm38886	chr6	1.19E+08	1.19E+08	112	73	0.651786	72	36	0.5	64	48	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	132	82	0.621212	88	61	0.693182	100	50	0.5	64	35	0.546875	44	36	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86940	102632681	Gm30690	chr6	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86940	105242758	Gm38887	chr6	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86941	105242759	Gm38889	chr6	1.21E+08	1.21E+08	1201	6	0.004996	1101	2	0.001817	1275	9	0.007059	110	1	0.009091	528	1	0.001894	1020	7	0.006863	784	3	0.003827	549	8	0.014572	415	4	0.009639	642	1	0.001558	360	1	0.002778
XR_86941	102643040	Gm36651	chr6	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86942	105242765	Gm38894	chr6	1.25E+08	1.25E+08	44	40	0.909091	68	56	0.823529	64	56	0.875	45	43	0.955556	#N/A	#N/A	#N/A	52	47	0.903846	#N/A	#N/A	#N/A	72	65	0.902778	54	46	0.851852	58	55	0.948276	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86942	105242766	Gm38895	chr6	1.25E+08	1.25E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86942	105242768	Gm38896	chr6	1.25E+08	1.25E+08	2456	15	0.006107	2101	6	0.002856	2803	9	0.003211	618	1	0.001618	532	0	0	3331	27	0.008106	2376	19	0.007997	3099	26	0.00839	339	0	0	641	0	0	33	0	0
XR_86942	105242765	Gm24175	chr6	1.25E+08	1.25E+08	26	21	0.807692	26	23	0.884615	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	41	35	0.853659	36	31	0.861111	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86942	105242765	Gm24175	chr6	1.25E+08	1.25E+08	26	21	0.807692	26	23	0.884615	40	38	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	41	35	0.853659	36	31	0.861111	15	13	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86943	102635868	Gm26728	chr6	1.25E+08	1.25E+08	252	227	0.900794	191	170	0.890052	236	216	0.915254	29	22	0.758621	54	50	0.925926	247	219	0.88664	232	208	0.896552	188	163	0.867021	37	21	0.567568	26	17	0.653846	#N/A	#N/A	#N/A
XR_86943	102635868	Gm26728	chr6	1.25E+08	1.26E+08	702	36	0.051282	525	2	0.00381	712	4	0.005618	157	0	0	243	1	0.004115	775	31	0.04	650	40	0.061538	737	21	0.028494	208	5	0.024038	247	19	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A



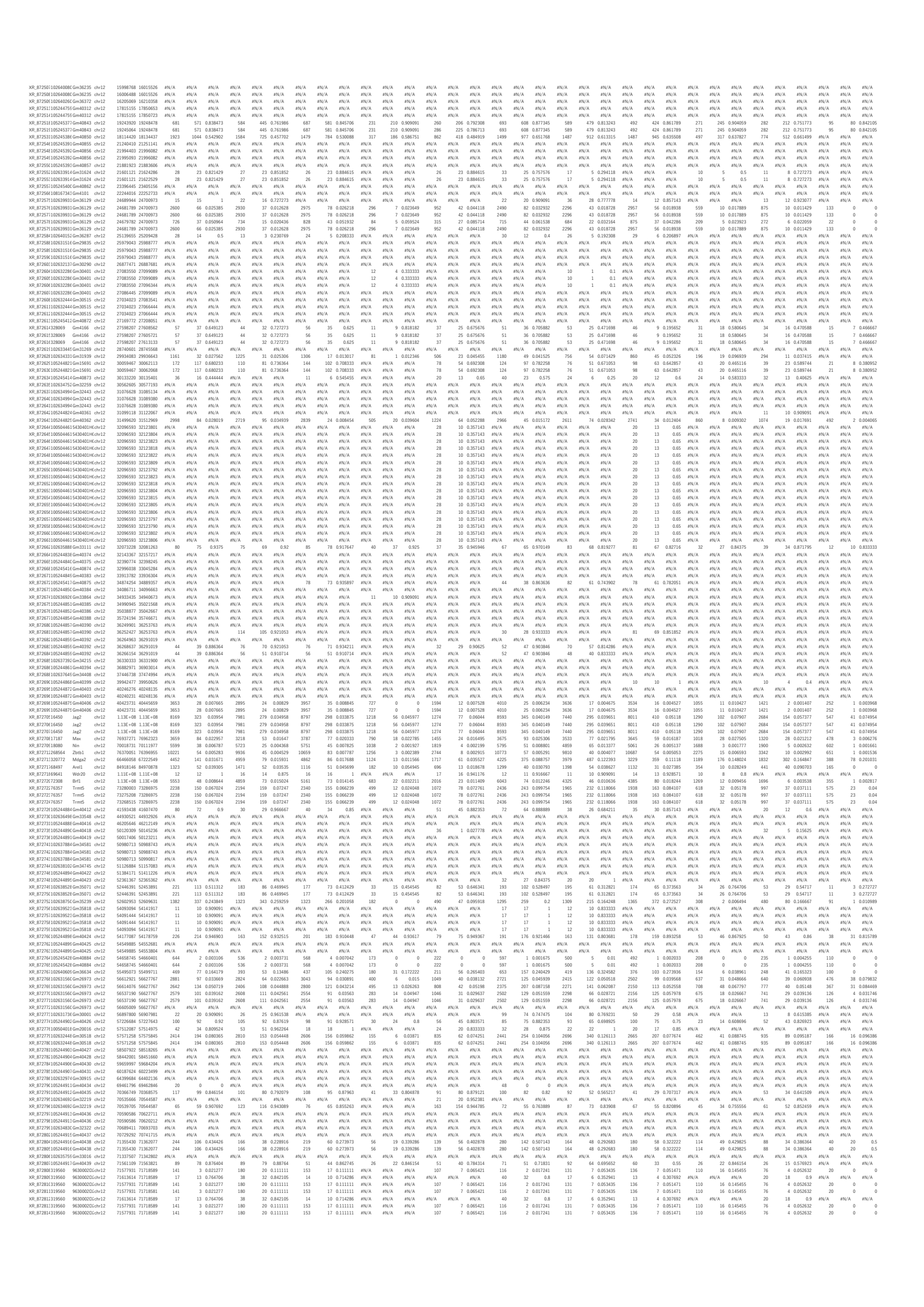




XR_870922	105242394	Gm38678	chr9	74865798	74876545	197	12	0.060914	175	6	0.034286	210	9	0.042857	20	0	0	162	10	0.061728	254	15	0.059055	246	17	0.069106	263	12	0.045627	37	1	0.027027	157	3	0.019108	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870923	102636520	Gm33562	chr9	74792582	74863136	1373	34	0.024763	1351	33	0.024426	1522	26	0.017083	237	3	0.012658	469	8	0.017058	1721	74	0.042998	1265	45	0.035573	1483	21	0.01416	403	4	0.009926	592	14	0.023649	149	2	0.013423
XR_870924	102636520	Gm33562	chr9	74792582	74863136	1373	34	0.024763	1351	33	0.024426	1522	26	0.017083	237	3	0.012658	469	8	0.017058	1721	74	0.042998	1265	45	0.035573	1483	21	0.01416	403	4	0.009926	592	14	0.023649	149	2	0.013423
XR_870925	102636520	Gm33562	chr9	74817270	74863136	1373	34	0.024763	1351	33	0.024426	1522	26	0.017083	237	3	0.012658	469	8	0.017058	1721	74	0.042998	1265	45	0.035573	1483	21	0.01416	403	4	0.009926	592	14	0.023649	149	2	0.013423
XR_870927	105243457	Gm39373	chr9	75763810	75769160	77	33	0.428571	78	40	0.512821	29	7	0.241379	36	16	0.444444	71	33	0.464789	40	24	0.6	25	2	0.08	14	4	0.285714	64	24	0.375	53	17	0.320755	24	3	0.125
XR_870928	102637314	Gm34158	chr9	76754762	76784854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870931	102637974	Gm34654	chr9	77800738	77808975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870933	102638216	Gm34829	chr9	77994167	78002120	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870934	102638216	Gm34829	chr9	77994167	78004650	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870935	102638216	Gm34829	chr9	77994167	78007938	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870936	102638216	Gm34829	chr9	77994167	78002677	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870937	105243459	Gm39375	chr9	78012817	78020703	40	32	0.8	22	17	0.772727	73	64	0.876712	#N/A	#N/A	#N/A	56	32	0.571429	40	28	0.7	44	31	0.704545	40	27	0.675	#N/A	#N/A	#N/A	22	9	0.409091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870938	105243460	Gm39376	chr9	78785627	78789552	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870939	105243461	Gm39377	chr9	79378119	79390855	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870940	105243462	Gm39378	chr9	79740310	79745742	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870942	105243465	Gm39380	chr9	80681926	80714942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870943	105243465	Gm39380	chr9	80681926	80714942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870944	105243465	Gm39380	chr9	80681926	80780288	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870945	105243466	Gm39381	chr9	80970328	80993714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870948	102641372	Gm38553	chr9	82853079	82865320	89	74	0.831461	105	91	0.866667	174	149	0.856322	#N/A	#N/A	#N/A	94	83	0.882979	121	99	0.818182	173	134	0.774566	124	108	0.870968	84	61	0.72619	62	51	0.822581	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870949	105243467	Gm39382	chr9	82959858	82966042	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870950	105243468	Gm39383	chr9	83008107	83044249	36	32	0.888889	32	28	0.875	37	34	0.918919	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	11	9	0.818182	24	18	0.75	25	22	0.88	26	16	0.615385	12	5	0.416667	10	5	0.5
XR_870951	105243468	Gm39383	chr9	83008114	83042786	36	32	0.888889	32	28	0.875	37	34	0.918919	#N/A	#N/A	#N/A	14	13	0.928571	11	9	0.818182	24	18	0.75	25	22	0.88	26	16	0.615385	12	5	0.416667	10	5	0.5
XR_870952	102639431	Gm35746	chr9	83071329	83072769	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870955	115486417	LOC11548	chr9	83100504	83105979	99	67	0.676768	76	38	0.5	69	56	0.811594	#N/A	#N/A	#N/A	58	43	0.741379	83	54	0.650602	112	55	0.491071	91	26	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	19	0.575758
XR_870963	105243470	Gm39384	chr9	83571560	83573151	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870964	105243471	Gm39385	chr9	83694780	83710981	61	56	0.918033	58	55	0.948276	48	45	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	34	31	0.911765	20	19	0.95	46	37	0.804348	34	29	0.852941	14	5	0.357143	63	49	0.777778	13	4	0.307692
XR_870965	105243472	Gm39386	chr9	83726146	83728320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870966	105243473	Gm39387	chr9	83880883	83897226	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870967	105243473	Gm39387	chr9	83880883	83897226	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870968	105243474	Gm39388	chr9	84582141	84613493	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870970	105243474	Gm39388	chr9	84582746	84613493	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870974	105243476	Gm39389	chr9	86954959	86962806	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870979	105245025	Gm26567	chr9	88599640	88637103	938	6	0.006397	989	6	0.006067	1064	4	0.003759	259	3	0.011583	425	0	0	1009	9	0.00892	917	6	0.006543	1079	19	0.017609	286	1	0.003497	483	2	0.004141	260	2	0.007692
XR_870980	105245025	Gm26567	chr9	88599640	88608097	938	6	0.006397	989	6	0.006067	1064	4	0.003759	259	3	0.011583	425	0	0	1009	9	0.00892	917	6	0.006543	1079	19	0.017609	286	1	0.003497	483	2	0.004141	260	2	0.007692
XR_870985	105245031	Gm40542	chr9	89087482	89088408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870986	105245031	Gm40542	chr9	89088095	89088408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870988	105245032	Gm40543	chr9	89354438	89365930	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870989	105245033	Gm40544	chr9	89178012	89179160	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870990	105243494	Gm39398	chr9	90458976	90482876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870991	102632963	Gm30905	chr9	90687386	90697613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870992	102632963	Gm30905	chr9	90687386	90704924	15	12	0.8	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	12	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	13	6	0.461538	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870993	102632963	Gm30905	chr9	90687386	90704957	15	12	0.8	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	12	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	13	6	0.461538	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870994	105245034	Gm40545	chr9	91351166	91352489	467	45	0.09636	455	28	0.061538	508	33	0.064961	84	4	0.047619	157	12	0.076433	447	44	0.098434	297	23	0.077441	339	35	0.103245	193	9	0.046632	145	13	0.089655	105	11	0.104762
XR_870995	105245035	Gm40546	chr9	91316202	91354063	93	4	0.043011	156	8	0.051282	99	5	0.050505	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	81	6	0.074074	78	3	0.038462	96	7	0.072917	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_870996	102633433	Gm29478	chr9	91404351	91600756	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_870997	102633433	Gm29478	chr9	91404350	91605906	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_870998	102633433	Gm29478	chr9	91404351	91600756	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_870999	102633433	Gm29478	chr9	91404352	91563426	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_871000	102633433	Gm29478	chr9	91403975	91600756	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	10	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	30	4	0.133333	30	0	0
XR_871001	102633433	Gm29478	chr9	91404352	91548532	53	3	0.056604	53	3	0.056604	13	1	0.076923	30	0	0	51	9	0.176471	49	3	0.061224	11	0	0	36	6	0.166667	42	0	0	50	5	0.1	30	0	0
XR_871002	102633433	Gm29478	chr9	91403493	91600756	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	0	0
XR_871006	102633625	Gm31409	chr9	91918875	91961196	28	24	0.857143	50	34	0.68	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	39	0.696429	32	23	0.71875	28	17	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871007	102633625	Gm31409	chr9	91918875	91961196	28	24	0.857143	50	34	0.68	30	21	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	39	0.696429	32	23	0.71875	28	17	0.607143	#N/A	#N/A	#N/A	22	15	0.681818	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871008	102633863	Gm31588	chr9	92187027	92230161	11	3	0.272727	14	9	0.642857	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	11	0	0	17	3	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	3	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871009	102633863	Gm31588	chr9	92217527	92230161	11	3	0.272727	14	9	0.642857	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	11	0	0	17	3	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	3	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871010	102633863	Gm31588	chr9	92187027	92230161	11	3	0.272727	14	9	0.642857	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	11	0	0	17	3	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	3	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871011	102633863	Gm31588	chr9	92187027	92230161	11	3	0.272727	14	9	0.642857	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	11	0	0	17	3	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	3	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871012	102633863	Gm31588	chr9	92187027	92230161	11	3	0.272727	14	9	0.642857	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	11	0	0	17	3	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	21	3	0.142857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871014	105243499	Gm39401	chr9	93970748	93980149	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871015	102634207	Gm31847	chr9	94142999	94190340	13	13	1	10	9	0.9	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	10	8	0.8	14	13	0.928571	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871016	102634207	Gm31847	chr9	93980270	94190340	13	13	1	10	9	0.9	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	10	8	0.8	14	13	0.928571	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871017	105243501	Gm39403	chr9	94108183	94118886	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871019	105243502	Gm39404	chr9	94584811	94595047	102	96	0.941176	27	27	1	77	74	0.961039	#N/A	#N/A	#N/A	56	52	0.928571	134	128	0.955224	108	89	0.824074	70	64	0.914286	36	34	0.944444	25	21	0.84	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871020	105243502	Gm39404	chr9	94584811	94603570	102	96	0.941176	27	27	1	77	74	0.961039	#N/A	#N/A	#N/A	56	52	0.928571	134	128	0.955224	108	89	0.824074	70	64	0.914286	36	34	0.944444	25	21	0.84	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871022	105243502	Gm39404	chr9	94584811	94595047	102	96	0.941176	27	27	1	77	74	0.961039	#N/A	#N/A	#N/A	56	52	0.928571	134	128	0.955224	108	89	0.824074	70	64	0.914286	36	34	0.944444	25	21	0.84	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871029	102635123	Gm32542	chr9	95580660	95593195	88	33	0.375	90	22	0.244444	102	21	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A	60	23	0.383333	74	45	0.608108	58	17	0.293103	62	19	0.306452	66	16	0.242424	26	6	0.230769	42	9	0.214286
XR_871031	102635123	Gm32542	chr9	95580660	95593332	88	33	0.375	90	22	0.244444	102	21	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A	60	23	0.383333	74	45	0.608108	58	17	0.293103	62	19	0.306452	66	16	0.242424	26	6	0.230769	42	9	0.214286
XR_871033	105243505	Gm39407	chr9	95706908	95708687	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871034	105243505	Gm39407	chr9	95706908	95708652	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871035	100504734	Gm16794	chr9	95942045	95954690	1225	42	0.034286	923	22	0.023835	950	22	0.023158	105	1	0.009524	286	28	0.097902	1288	34	0.026398	1051	31	0.029496	892	18	0.020179	253	10	0.039526	309	16	0.05178	98	1	0.010204
XR_871036	100504734	Gm16794	chr9	95942045	95963247	#N/A	#N/A	#N/A	44	44	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	80	80	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871037	100504734	Gm16794	chr9	95942045	95954690	1225	42	0.034286	923	22	0.023835	950	22	0.023158	105	1	0.009524	286	28	0.097902	1288	34	0.026398	1051	31	0.029496	892	18	0.020179	253	10	0.039526	309	16	0.05178	98	1	0.010204
XR_871038	105243506	Gm39408	chr9	96283493	96285269	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871039	105245039	Gm40550	chr9	96385415	96399984	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871040	105243507	Gm39409	chr9	96378116	96396858	125	82	0.656	137	103	0.751825	146	93	0.636986	60	48	0.8	56	36	0.642857	141	116	0.822695	124	85	0.685484	135	78	0.577778	56	32	0.571429	70	43	0.614286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871041	105243507	Gm39409	chr9	96378116	96388529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871043	100502670	Gm16010	chr9	97014365	97022215	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	27	0.964286	34	33	0.970588	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871044	100502670	Gm16010	chr9	97015627	97022215	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871045	100502694	Gm19325	chr9	97048161	97055209	477	306	0.641509	403	238	0.590571	463	286	0.617711	103	67	0.650485	204	140	0.686275	468	309	0.660256	372	242	0.650538	311	131	0.421222	203	117	0.576355	143	109	0.762238	63	51	0.809524
XR_871047	100502694	Gm19325	chr9	97048161	97055209	477	306	0.641509	403	238	0.590571	463	286	0.617711	103	67	0.650485	204	140	0.686275	468	309	0.660256	372	242	0.650538	311	131	0.421222	203	117	0.576355	143	109	0.762238	63	51	0.809524
XR_871051	102636521	Gm33563	chr9	98771622	98779175	80	80	1	180	174	0.966667	170	162	0.952941	#N/A	#N/A	#N/A	85	78	0.917647	150	140	0.933333	170	151	0.888235	195	173	0.887179	110	92	0.836364	90	87	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871052	105243509	Gm39411	chr9	98749689	98751290	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871053	102636916	Gm33857	chr9	99161054	99176021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871054	102636916	Gm33857	chr9	99161047	99176021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871062	102637419	4930540E(	chr9	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871063	102637419	4930540E(	chr9	1E+08	1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871064	102637635	Gm34397	chr9	1E+08	1E+08	14	11	0.785714	16	11	0.6875	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	15	5	0.333333	13	5	0.384615	14	0	0	24	1	0.041667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871066	105243516	Gm28166	chr9	1E+08	1E+08	529	434	0.820416	352	281	0.798295	485	406	0.837113	155	124	0.8	199	177	0.889447	729	576	0.790123	486	335	0.6893	477	310	0.649895	144	91	0.631944	208	161	0.774038	93	69	0.741935
XR_871078	20350	Sema3f	chr9	1.08E+08	1.08E+08	4492	28	0.006233	4433	51	0.011505	4585	60	0.013086	498	5	0.01004	1036	16	0.015444	4356	37	0.008494	3641	35	0.009613	5271	49	0.009296	917	1	0.001091	1219	20	0.016407	124	1	0.008065
XR_871081	235567	Dnajc13	chr9	1.04E+08	1.04E+08	2532	33	0.013033	2385	19	0.007966	2520	12	0.004762	633	1	0.00158	734	13	0.017711	2967	22	0.007415	2513	12	0.004775	2278	13	0.005707	747	21	0.028112	696	2	0.002874	189	2	0.010582
XR_871094	66595	Aste1	chr9	1.05E+08	1.05E+08	1590	8	0.005031	1307	13	0.009946	1235	5	0.004049	307	2	0.006515	930	7	0.007527	1481	3	0.002026	1310	8	0.006107	1437	10	0.006959	823	4	0.00486	780	5	0.00641	296	0	0
XR_871095	67789	Dalrd3	chr9	1.09E+08	1.09E+08	3105	20	0.006441	2423	21	0.008667	2760	13	0.00471	415	2	0.004819	1116	7	0.006272	3294	27	0.008197	2892	20	0.006916	2446	10	0.004088	596	2	0.003356	1435	7	0.004878	323	2	0.006192
XR_871096	68265	Iqcf3	chr9	1.07E+08	1.07E+08	36	31	0.861111	22	19	0.863636	18	17	0.944444	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	15	10	0.666667	36	24	0.666667	31	20	0.645161	23	16	0.695652	24	14	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871102	76257	Slc38a3	chr9	1.08E+08	1.08E+08	2407	76	0.031575	1928	55	0.028527	2066	53	0.025653	365	14	0.038356	950	34	0.035789	2541	119	0.046832	2065	60	0.029056	2338	74	0.031651	503	9	0.017893	798	40	0.050125	208	7	0.033654
XR_871114	102633663	Gm31434	chr9	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871130	105245059	Gm40564	chr9	1.05E+08	1.05E+08	3228	29	0.008984	2948	21	0.007123	3024	27	0.008929	414	1	0.002415	879	16	0.018203	3599	35	0.009725	3327	12	0.003607	3159	14	0.004432	783	3	0.003831	1065	4	0.003756	487	2	0.004107
XR_871131	654798	D030055H	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1296	35	0.027006	1017	42	0.041298	1198	43	0.035893	145	1	0.006897	481	16	0.033264	1303	44	0.033768	975	33	0.033846	1078	37	0.034323	202	1	0.00495	410	15	0.036585	128	0	0
XR_871136	102636338	4930500F1	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1863	140	0.075148	1443	79	0.054747	1631	85	0.052115	311	11	0.03537	700	38	0.054286	1718	135	0.07858	1574	74	0.047014	1667	92	0.055189	452	6	0.013274	876	37	0.042237	258	17	0.065891
XR_871137	102636338	4930500F1	chr9	1.06E+08	1.06E+08	1863	140	0.075148	1443	79	0.054747	1631	85	0.052115	311	11	0.03537	700	38	0.054286	1718	135	0.07858	1574	74	0.047014	1667	92	0.055189	452	6	0.013274	876	37	0.042237	258	17	0.065891
XR_871139	102636522	Gm33564	chr9	1.06E+08	1.06E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871142	105243524	Gm39420	chr9	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871143	105243524	Gm39420	chr9	1.07E+08	1.07E+08	247	217	0.878543	191	160	0.837696	235	201	0.855319	53	36	0.679245	120	97	0.808333	301	245	0.813953	208	143	0.6875	192	134	0.697917	96	54	0.5625	44	35	0.795455	26	14	0.538462
XR_871146	105243525	Gm39421	chr9	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871151	102637153	Gm34037	chr9	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871152	102637153	Gm34037	chr9	1.07E+08	1.07E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871161	102638470	Gm35025	chr9	1.09E+08	1.09E+08	4408	170	0.038566	4494	160	0.035603	4931	213	0.043196	1104	24	0.021739	1570	69	0.043949	5040	279	0.055357	3915	160	0.040868	4108	178	0.04333	1198	59	0.049249	2100	110	0.052381	680	32	0.047059
XR_871176	18087	Nktr	chr9	1.22E+08	1.22E+08	4111	20	0.004865	4069	34	0.008356	4055	22	0.005425	683	2	0.002928	1239	5	0.004036	3867	45	0.011637	4249	27	0.006354	4053	35	0.008636	971	4	0.004119	1257	10	0.007955	494	2	0.004049
XR_871177	18087	Nktr	chr9	1.22E+08	1.22E+08	4111	20	0.004865	4069	34	0.008356	4055	22	0.005425	683	2	0.002928	1239	5	0.004036	3867	45	0.011637	4249	27	0.006354	4053	35	0.008636	971	4	0.004119	1257	10	0.007955	494	2	0.004049
XR_871210	54214	Golga4	chr9	1.19E+08	1.19E+08	2508	11	0.004386	2224	19	0.008543	2461	12	0.004876	346	3	0.008671	876	1	0.001142	2432	12	0.004934	2194	9	0.004102	1991	9	0.00452	654	1	0.001529	474	2	0.004219	168	1	0.005952
XR_871260	105243528	Gm39423	chr9	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	29	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871274	105243534	Gm39427	chr9	1.1E+08	1.1E+08	128	98	0.765625	114	81	0.710526	146	106	0.726027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	136	93	0.683824	116	71	0.612069	94	55	0.585106	24	16	0.666667	30	14	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871277	102639389	Gm35715	chr9	1.11E+08	1.11E+08	86	78	0.906977	67	61	0.910448	65	54	0.830769	#N/A	#N/A	#N/A	36	31	0.861111	100	63	0.63	62	49	0.790323	77	60	0.779221	34	23	0.676471	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871283	105243538	Gm39430	chr9	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871284	105243539	Gm39431	chr9	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871285	105243539	Gm39431	chr9	1.12E+08	1.12E+08	20	10	0.5	10	4	0.4	16	7	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	34	20	0.588235	28	8	0.285714	12	4	0.333333	18	3	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871289	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871290	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	14	3	0.214286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	5	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871291	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871292	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871293	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871294	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871295	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871296	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871297	102640100	Gm36251	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871299	105243544	Gm4657	chr9	1.13E+08	1.13E+08	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	53	49	0.924528	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	63	38	0.603175	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871300	105243544	Gm4657	chr9	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871301	102640255	Gm36367	chr9	1.13E+08	1.13E+08	192	152	0.791667	212	170	0.801887	225	191	0.848889	72	61	0.847222	126	108	0.857143	176	142	0.806818	172	138	0.802326	168	130	0.77381	76	58	0.763158	106	75	0.707547	33	28	0.848485
XR_871306	105243546	Gm39437	chr9	1.13E+08	1.13E+08	33	26	0.787879	11	10	0.909091	17	16	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	10	4	0.4	11	5	0.454545	34	27	0.794118	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871307	105243546	Gm39437	chr9	1.13E+08	1.13E+08	33	26	0.787879	11	10	0.909091	17	16	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	10	4	0.4	11	5	0.454545	34	27	0.794118	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871308	105243547	Gm39438	chr9	1.13E+08	1.13E+08	109	87	0.798165	61	50	0.819672	94	72	0.765957	#N/A	#N/A	#N/A	15	8	0.533333	116	69	0.594828	90	59	0.655556	125	60	0.48	16	3	0.1875	14	4	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871310	102642652	Gm38623	chr9	1.14E+08	1.14E+08	165	155	0.939394	141	131	0.929078	95	90	0.947368	#N/A	#N/A	#N/A	33	32	0.969697	153	139	0.908497	123	108	0.878049	89	83	0.932584	84	77	0.916667	30	30	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871317	105243558	Gm39447	chr9	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871318	105243559	Gm39448	chr9	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871319	105245082	Gm40582	chr9	1.16E+08	1.16E+08	3839	19	0.004949	3918	30	0.007657	4199	19	0.004525	854	4	0.004684	1616	3	0.001856	4232	23	0.005435	3842	23	0.005986	3531	86	0.024356	995	1	0.001005	1297	7	0.005397	623	2	0.00321
XR_871320	105245082	Gm40582	chr9	1.16E+08	1.16E+08	3839	19	0.004949	3918	30	0.007657	4199	19	0.004525	854	4	0.004684	1616	3	0.001856	4232	23	0.005435	3842	23	0.005986	3531	86	0.024356	995	1	0.001005	1297	7	0.005397	623	2	0.00321
XR_871321	105245082	Gm40582	chr9	1.16E+08	1.16E+08	3839	19	0.004949	3918	30	0.007657	4199	19	0.004525	854	4	0.004684	1616	3	0.001856	4232	23	0.005435	3842	23	0.005986	3531	86	0.024356	995	1	0.001005	1297	7	0.005397	623	2	0.00321
XR_871324	78580	D730003K	chr9	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871325	105243560	Gm39449	chr9	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871330	105243561	Gm39450	chr9	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871331	105243562	Gm39451	chr9	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871333	105243563	Gm39452	chr9	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871337	102636127	Gm33285	chr9	1.18E+08	1.18E+08	106	89	0.839623	114	92	0.807018	126	97	0.769841	23	19	0.826087	48	43	0.895833	129	111	0.860465	100	88	0.88	95	59	0.621053	42	29	0.690476	48	35	0.729167	25	18	0.72
XR_871338	102636303	Gm33408	chr9	1.18E+08	1.18E+08	5924	130	0.021945	6235	122	0.019567	6986	108	0.015459	619	6	0.009693	2000	36	0.018	6549	194	0.029623	5541	191	0.03447	5836	138	0.023646	1873	71	0.037907	2028	51	0.025148	205	4	0.019512
XR_871340	102636303	Gm33408	chr9	1.18E+08	1.18E+08	5924	130	0.021945	6235	122	0.019567	6986	108	0.015459	619	6	0.009693	2000	36	0.018	6549	194	0.029623	5541	191	0.03447	5836	138	0.023646	1873	71	0.037907	2028	51	0.025148	205	4	0.019512
XR_871341	102636303	Gm33408	chr9	1.18E+08	1.18E+08	5924	130	0.021945	6235	122	0.019567	6986	108	0.015459	619	6	0.009693	2000	36	0.018	6549	194	0.029623	5541	191	0.03447	5836	138	0.023646	1873	71	0.037907	2028	51	0.025148	205	4	0.019512
XR_871343	102636375	Gm33460	chr9	1.18E+08	1.18E+08	820	29	0.035366	600	17	0.028333	776	28	0.036082	170	2	0.011765	321	22	0.068536	798	9	0.011278	619	9	0.01454	686	31	0.04519	240	6	0.025	216	3	0.013889	96	1	0.010417
XR_871344	102636375	Gm33460	chr9	1.18E+08	1.18E+08	820	29	0.035366	600	17	0.028333	776	28	0.036082	170	2	0.011765	321	22	0.068536	798	9	0.011278	619	9	0.01454	686	31	0.04519	240	6	0.025	216	3	0.013889	96	1	0.010417
XR_871346	102636563	LOC10263	chr9	1.19E+08	1.19E+08	143	124	0.867133	95	80	0.842105	157	144	0.917197	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	162	136	0.839506	89	70	0.786517	97	68	0.701031	53	38	0.716981	54	42	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871347	102636563	LOC10263	chr9	1.19E+08	1.19E+08	143	124	0.867133	95	80	0.842105	157	144	0.917197	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	162	136	0.839506	89	70	0.786517	97	68	0.701031	53	38	0.716981	54	42	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871349	100039837	Gm2449	chr9	1.2E+08	1.2E+08	3998	30	0.007504	3664	37	0.010098	4020	26	0.006468	955	8	0.008377	1467	4	0.002727	4190	35	0.008353	3901	25	0.006409	3954	16	0.004047	890	1	0.001124	1848	3	0.001623	525	3	0.005714
XR_871350	100039837	Gm2449	chr9	1.2E+08	1.2E+08	3998	30	0.007504	3664	37	0.010098	4020	26	0.006468	955	8	0.008377	1467	4	0.002727	4190	35	0.008353	3901	25	0.006409	3954	16	0.004047	890	1	0.001124	1848	3	0.001623	525	3	0.005714
XR_871352	100039837	Gm2449	chr9	1.2E+08	1.2E+08	3998	30	0.007504	3664	37	0.010098	4020	26	0.006468	955	8	0.008377	1467	4	0.002727	4190	35	0.008353	3901	25	0.006409	3954	16	0.004047	890	1	0.001124	1848	3	0.001623	525	3	0.005714
XR_871354	100039837	Gm2449	chr9	1.2E+08	1.2E+08	3998	30	0.007504	3664	37	0.010098	4020	26	0.006468	955	8	0.008377	1467	4	0.002727	4190	35	0.008353	3901	25	0.006409	3954	16	0.004047	890	1	0.001124	1848	3	0.001623	525	3	0.005714
XR_871355	102636843	Gm33800	chr9	1.2E+08	1.2E+08	5942	69	0.011612	5234	48	0.009171	5701	41	0.007192	820	5	0.006098	1576	10	0.006345	6310	97	0.015372	4778	31	0.006488	5827	27	0.004634	1656	3	0.001812	1849	11	0.005949	292	2	0.006849
XR_871360	102642880	Gm38642	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	15	10	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	17	0.566667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871365	102637315	Gm34159	chr9	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	56	51	0.910714	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	82	62	0.756098	15	7	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871366	105243569	Gm39456	chr9	1.21E+08	1.21E+08	364	88	0.241758	444	98	0.220721	426	101	0.237089	88	26	0.295455	149	40	0.268456	332	121	0.364458	314	60	0.191083	329	122	0.370821	112	32	0.285714	197	40	0.203046	68	24	0.352941
XR_871367	105243569	Gm39456	chr9	1.21E+08	1.21E+08	364	88	0.241758	444	98	0.220721	426	101	0.237089	88	26	0.295455	149	40	0.268456	332	121	0.364458	314	60	0.191083	329	122	0.370821	112	32	0.285714	197	40	0.203046	68	24	0.352941
XR_871369	105243570	Gm39457	chr9	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

XR_871370	105243571	Gm39458	chr9	1.21E+08	1.21E+08	173	70	0.404624	150	68	0.453333	186	77	0.413978	30	21	0.7	76	36	0.473684	154	59	0.383117	150	53	0.353333	147	49	0.333333	37	9	0.243243	39	23	0.589744	31	17	0.548387
XR_871371	105243572	Gm39459	chr9	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871374	105243574	Gm39460	chr9	1.21E+08	1.21E+08	621	390	0.628019	523	363	0.694073	608	403	0.662829	128	83	0.648438	224	168	0.75	588	408	0.693878	547	389	0.711152	510	350	0.686275	191	139	0.727749	290	207	0.713793	90	76	0.844444
XR_871376	102638090	Gm34735	chr9	1.21E+08	1.21E+08	435	372	0.855172	435	326	0.749425	423	348	0.822695	116	90	0.775862	123	96	0.780488	355	255	0.71831	367	278	0.757493	363	289	0.796143	96	64	0.666667	80	53	0.6625	76	67	0.881579
XR_871377	102638090	Gm34735	chr9	1.21E+08	1.21E+08	435	372	0.855172	435	326	0.749425	423	348	0.822695	116	90	0.775862	123	96	0.780488	355	255	0.71831	367	278	0.757493	363	289	0.796143	96	64	0.666667	80	53	0.6625	76	67	0.881579
XR_871388	105243578	Gm39463	chr9	1.22E+08	1.22E+08	1712	190	0.110981	1415	131	0.09258	1686	138	0.081851	185	32	0.172973	501	84	0.167665	1874	149	0.079509	1775	153	0.086197	1928	158	0.08195	426	67	0.157277	559	70	0.125224	225	40	0.177778
XR_871389	105243579	Gm39464	chr9	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871391	105243580	Gm39465	chr9	1.22E+08	1.22E+08	162	56	0.345679	150	72	0.48	178	82	0.460674	54	24	0.444444	66	29	0.439394	182	61	0.335165	148	71	0.47973	168	81	0.482143	94	57	0.606383	52	28	0.538462	70	48	0.685714
XR_871392	102639046	Gm35454	chr9	1.22E+08	1.22E+08	22	20	0.909091	56	51	0.910714	92	82	0.891304	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	64	58	0.90625	54	49	0.907407	20	9	0.45	52	48	0.923077	48	41	0.854167	48	40	0.833333
XR_871396	105245087	Gm40586	chr9	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871398	102639738	Gm17021	chr9	1.24E+08	1.24E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871411	105245092	Gm40590	chr10	3345546	3346710	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871413	102631785	Gm30033	chr10	3514722	3539627	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871418	105245093	Gm40591	chr10	4075663	4085056	56	39	0.696429	71	49	0.690141	60	46	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A	70	52	0.742857	83	58	0.698795	55	35	0.636364	50	38	0.76	67	38	0.567164	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871424	105245096	Gm40594	chr10	5469834	5472634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871427	105245099	Gm40597	chr10	7491302	7496644	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871431	14728	Lilrb4a	chr10	51490902	51496613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871432	14728	Lilrb4a	chr10	51490902	51496613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871433	14728	Lilrb4a	chr10	51490903	51496613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871438	268281	Shprh	chr10	11149272	11217595	2853	19	0.00666	2338	8	0.003422	2669	21	0.007868	458	1	0.002183	1003	2	0.001994	2650	14	0.005283	2187	9	0.004115	2137	10	0.004679	984	3	0.003049	948	3	0.003165	258	0	0
XR_871439	71365	Pdss2	chr10	43218248	43406791	196	189	0.964286	181	170	0.939227	149	143	0.959732	#N/A	#N/A	#N/A	205	191	0.931707	181	164	0.906077	145	135	0.931034	88	78	0.886364	102	84	0.823529	106	89	0.839623	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871442	73075	Ppil6	chr10	41490371	41507448	842	2	0.002375	724	3	0.004144	771	2	0.002594	244	0	0	422	0	0	1048	5	0.004771	930	7	0.007527	818	2	0.002445	355	1	0.002817	505	2	0.00396	118	0	0
XR_871443	75973	Ccdc162	chr10	41538844	41716510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871445	102632856	Gm30820	chr10	7979880	7988871	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871446	102632856	Gm30820	chr10	7979880	7988871	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871447	102632856	Gm30820	chr10	7979880	7988871	10	10	1	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871449	102633038	Gm30959	chr10	8192735	8198027	37	34	0.918919	30	30	1	54	51	0.944444	11	1	0.090909	26	24	0.923077	56	47	0.839286	45	35	0.777778	38	32	0.842105	25	17	0.68	14	12	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871453	102633974	Gm28905	chr10	10126345	10161062	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871454	102633974	Gm28905	chr10	9975947	10161062	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871455	102633974	Gm28905	chr10	9975947	10161719	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871460	105245107	Gm40601	chr10	12058648	12088407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871462	105245109	Gm40603	chr10	14322431	14324480	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	0	0	14	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871463	105245110	Gm40604	chr10	15747323	15760073	83	8	0.096386	95	10	0.105263	53	10	0.188679	22	1	0.045455	26	4	0.153846	78	19	0.24359	50	7	0.14	50	10	0.2	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871464	105245110	Gm40604	chr10	15747323	15760073	83	8	0.096386	95	10	0.105263	53	10	0.188679	22	1	0.045455	26	4	0.153846	78	19	0.24359	50	7	0.14	50	10	0.2	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871465	105245110	Gm40604	chr10	15698131	15760073	83	8	0.096386	95	10	0.105263	53	10	0.188679	22	1	0.045455	26	4	0.153846	78	19	0.24359	50	7	0.14	50	10	0.2	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871466	105245110	Gm40604	chr10	15711640	15760073	83	8	0.096386	95	10	0.105263	53	10	0.188679	22	1	0.045455	26	4	0.153846	78	19	0.24359	50	7	0.14	50	10	0.2	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871468	102635274	Gm32656	chr10	17674733	17678733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871469	102635124	Gm32543	chr10	17659234	17680892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871470	102635429	Gm20655	chr10	17783279	17835601	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871471	102635429	Gm20655	chr10	17790521	17835601	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871478	105245113	Gm40607	chr10	19235311	19243553	22	17	0.772727	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	14	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871482	105245114	Gm40608	chr10	21176182	21185926	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871483	102637034	Gm33945	chr10	21559471	21573760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871484	102637034	Gm33945	chr10	21561815	21573760	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871501	102637913	Gm34607	chr10	22376450	22400810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871502	102637913	Gm34607	chr10	22376450	22402583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871503	102637913	Gm34607	chr10	22389747	22400810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871504	102637913	Gm34607	chr10	22390125	22400810	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871505	102637913	Gm34607	chr10	22389747	22411005	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871506	105245116	Gm40610	chr10	22450488	22460954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871507	105245118	Gm40612	chr10	22570800	22606473	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871508	105245118	Gm40612	chr10	22570800	22613438	96	84	0.875	123	102	0.829268	144	130	0.902778	12	12	1	74	65	0.878378	107	85	0.794393	87	57	0.655172	91	65	0.714286	51	33	0.647059	46	35	0.76087	22	8	0.363636
XR_871509	102638669	Gm35179	chr10	23002747	23020410	80	74	0.925	36	35	0.972222	64	54	0.84375	20	18	0.9	39	37	0.948718	71	59	0.830986	52	38	0.730769	32	21	0.65625	26	19	0.730769	24	11	0.458333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871511	102638815	Gm35291	chr10	23706290	23711487	273	120	0.43956	293	95	0.324232	198	71	0.358586	110	33	0.3	149	68	0.456376	252	110	0.436508	301	84	0.27907	225	95	0.422222	113	62	0.548673	132	61	0.462121	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871524	102639883	Gm36089	chr10	24553245	24569895	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871526	105245121	Gm40615	chr10	24460852	24463531	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871527	105245122	Gm40616	chr10	24924064	24930504	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871528	102640072	Gm36228	chr10	24930547	24959940	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871530	102640498	Gm36543	chr10	25698744	25708265	106	88	0.830189	60	45	0.75	52	36	0.692308	12	10	0.833333	41	30	0.731707	131	108	0.824427	132	101	0.765152	#N/A	#N/A	#N/A	35	20	0.571429	33	20	0.606061	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871557	102631786	Gm30034	chr10	26434862	26502312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871558	102631786	Gm30034	chr10	26434862	26502312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871559	102631786	Gm30034	chr10	26434862	26502312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871560	102631786	Gm30034	chr10	26434886	26502312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871561	102631786	Gm30034	chr10	26434886	26502312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871562	105245124	Gm40618	chr10	26982194	26983043	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871565	105245126	Gm40620	chr10	29287247	29290497	243	236	0.971193	185	180	0.972973	298	288	0.966443	108	102	0.944444	98	96	0.979592	220	213	0.968182	241	225	0.93361	194	187	0.963918	107	100	0.934579	57	51	0.894737	33	30	0.909091
XR_871566	105245127	Gm40621	chr10	29367610	29375529	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871567	105245128	Gm40622	chr10	30450520	30451703	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871568	102633007	Gm26564	chr10	34230214	34297424	841	173	0.205707	613	184	0.300163	624	178	0.285256	68	10	0.147059	464	179	0.385776	661	90	0.136157	728	177	0.243132	703	175	0.248933	322	126	0.391304	336	145	0.431548	122	27	0.221311
XR_871571	105245129	Gm40623	chr10	35838517	35854217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871572	105245129	Gm40623	chr10	35838517	35854217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871573	105245129	Gm40623	chr10	35838517	35854217	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871577	102633435	Gm26535	chr10	37319505	37338948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871578	102633435	Gm26535	chr10	37333231	37338948	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871579	102633522	Gm31330	chr10	37430435	37436365	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871580	105245130	Gm40624	chr10	38354784	38382402	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871584	102633831	Gm31562	chr10	39244811	39255128	140	129	0.921429	100	95	0.95	102	97	0.95098	22	21	0.954545	34	30	0.882353	168	145	0.863095	96	83	0.864583	100	89	0.89	72	54	0.75	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871594	102634400	Gm31992	chr10	40163972	40175840	138	36	0.26087	152	40	0.263158	123	30	0.243902	94	14	0.148936	131	49	0.374046	158	27	0.170886	102	19	0.186275	149	32	0.214765	147	19	0.129252	42	11	0.261905	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871595	75561	1700016J1	chr10	42018154	42020092	290	85	0.293103	277	70	0.252708	211	93	0.440758	#N/A	#N/A	#N/A	92	37	0.402174	267	82	0.307116	169	40	0.236686	238	59	0.247899	120	30	0.25	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871596	75561	1700016J1	chr10	42018154	42029110	290	85	0.293103	277	70	0.252708	211	93	0.440758	#N/A	#N/A	#N/A	92	37	0.402174	267	82	0.307116	169	40	0.236686	238	59	0.247899	120	30	0.25	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871600	105245137	Gm40630	chr10	42041555	42074070	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871601	105245137	Gm40630	chr10	42041555	42081937	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871611	105245138	Gm40631	chr10	43320198	43342510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871613	105245139	Gm40632	chr10	43675768	43682850	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871618	105245141	Gm40634	chr10	43741309	43743056	47	18	0.382979	42	8	0.190476	29	6	0.206897	10	2	0.2	26	8	0.307692	37	13	0.351351	40	16	0.4	42	7	0.166667	27	6	0.222222	22	7	0.318182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871619	105245142	Gm40635	chr10	43792585	43801108	39	17	0.435897	74	41	0.554054	20	9	0.45	20	9	0.45	24	12	0.5	68	33	0.485294	64	32	0.5	26	12	0.461538	54	20	0.37037	46	33	0.717391	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871622	105245143	Gm40636	chr10	43968288	43985230	22	21	0.954545	11	9	0.818182	12	9	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	34	33	0.970588	14	14	1	12	10	0.833333	12	11	0.916667	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871625	105245144	Gm40637	chr10	44267742	44268202	3133	14	0.004469	3451	28	0.008114	3735	39	0.010442	508	2	0.003937	1196	11	0.009197	3383	24	0.007094	3379	23	0.006807	3431	35	0.010201	956	5	0.00523	1173	7	0.005968	309	1	0.003236
XR_871626	105245145	Gm40638	chr10	44902617	44943276	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871627	105245146	Gm40639	chr10	45024302	45028182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871628	105245146	Gm40639	chr10	45024302	45028182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871629	105245146	Gm40639	chr10	45024400	45028182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871630	102639008	Gm35430	chr10	46229155	46237617	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871631	105245147	Gm40640	chr10	46303684	46328475	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871634	105245149	Gm40642	chr10	50091127	50108416	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871635	105245149	Gm40642	chr10	50057034	50108416	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871636	105245149	Gm40642	chr10	50091127	50116140	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871637	102639285	Gm35632	chr10	50203273	50252189	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871640	105245152	A230054N	chr10	50889155	50894534	3584	143	0.0399	3463	108	0.031187	3926	146	0.037188	564	20	0.035461	1541	37	0.02401	3615	153	0.042324	3258	211	0.064764	3292	158	0.047995	1023	36	0.035191	1261	87	0.068993	215	14	0.065116
XR_871641	102639658	Gm35917	chr10	51175871	51187091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871642	105245153	Gm40645	chr10	51520022	51526263	38	25	0.657895	32	17	0.53125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	12	0.428571	44	18	0.409091	13	7	0.538462	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871644	105245154	Gm40646	chr10	51965285	51970400	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871645	105245155	Gm40647	chr10	52804928	52825198	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871648	105245157	Gm40649	chr10	53181165	53207139	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871652	105245159	Gm40651	chr10	54165171	54228819	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871653	102640390	Gm36460	chr10	56395138	56399289	93	91	0.978495	112	110	0.982143	128	122	0.953125	#N/A	#N/A	#N/A	44	41	0.931818	44	37	0.840909	#N/A	#N/A	#N/A	124	92	0.741935	#N/A	#N/A	#N/A	128	119	0.929688	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871656	102640859	Gm36827	chr10	56967331	56982231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871657	105245160	Gm40652	chr10	57117222	57160180	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871676	103220	Ttc41	chr10	86706897	86760824	2319	14	0.006037	2387	13	0.005446	2368	15	0.006334	467	4	0.008565	940	4	0.004255	2804	12	0.00428	2020	11	0.005446	2485	11	0.004427	831	1	0.001203	1012	1	0.000988	304	3	0.009868
XR_871679	109272	Mybpc1	chr10	88518481	88605228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871680	109272	Mybpc1	chr10	88518482	88605227	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871681	109272	Mybpc1	chr10	88518482	88605228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871683	109272	Mybpc1	chr10	88518482	88605227	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871684	109272	Mybpc1	chr10	88518482	88605227	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871686	110962	Mbd6	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2164	20	0.009242	1655	18	0.010876	2076	17	0.008189	355	1	0.002817	849	2	0.002356	2510	23	0.009163	2485	15	0.006036	2416	24	0.009934	739	4	0.005413	974	3	0.00308	204	0	0
XR_871687	110962	Mbd6	chr10	1.27E+08	1.27E+08	2164	20	0.009242	1655	18	0.010876	2076	17	0.008189	355	1	0.002817	849	2	0.002356	2510	23	0.009163	2485	15	0.006036	2416	24	0.009934	739	4	0.005413	974	3	0.00308	204	0	0
XR_871691	11567	Avil	chr10	1.27E+08	1.27E+08	133	106	0.796992	70	60	0.857143	110	105	0.954545	20	19	0.95	73	64	0.876712	149	127	0.852349	112	94	0.839286	89	70	0.786517	#N/A	#N/A	#N/A	66	62	0.939394	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871695	117150	Pip4k2c	chr10	1.27E+08	1.27E+08	3408	347	0.101819	3734	312	0.083557	3869	293	0.07573	554	79	0.142599	1047	150	0.143266	3397	327	0.096261	3512	229	0.065205	3827	199	0.051999	996	81	0.081325	1218	98	0.08046	198	22	0.111111
XR_871704	192734	Lrrc75b	chr10	75554033	75560680	3146	116	0.036872	3151	64	0.020311	3313	68	0.020525	326	13	0.039877	983	35	0.035605	3499	124	0.035439	3010	79	0.026246	3171	64	0.020183	817	34	0.041616	1044	17	0.016284	367	24	0.065395
XR_871707	216151	Polrmt	chr10	79736131	79746586	1538	38	0.024707	1347	32	0.023756	1219	41	0.033634	608	1	0.001645	584	25	0.042808	1671	42	0.025135	977	57	0.058342	1037	29	0.027965	418	1	0.002392	523	18	0.034417	281	2	0.007117
XR_871709	216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XR_871710	216292	Mettl25	chr10	1.06E+08	1.06E+08	2466	16	0.006488	2358	8	0.003393	2531	22	0.008692	691	2	0.002894	1366	14	0.010249	2814	15	0.00533	2609	21	0.008049	2490	15	0.006024	906	2	0.002208	1278	13	0.010172	384	8	0.020833
XR_871714	28240	Trpm2	chr10	77930568	77969903	456	200	0.438596	344	182	0.52907	302	172	0.569536	69	49	0.710145	205	104	0.507317	542	211	0.389299	495	190	0.383838	322	154	0.478261	75	53	0.706667	109	70	0.642202	11	6	0.545455
XR_871715	333669	Gm5134	chr10	75954496	76000462	466	329	0.706009	528	359	0.679924	538	376	0.698885	68	52	0.764706	229	165	0.720524	528	356	0.674242	415	289	0.696386	537	345	0.642458	195	100	0.512821	150	101	0.673333	42	32	0.761905
XR_871718	52666	Arhgef25	chr10	1.27E+08	1.27E+08	1396	242	0.173352	1304	231	0.177147	1597	238	0.149029	123	11	0.089431	213	34	0.159624	1433	285	0.198883	1522	263	0.172799	1469	339	0.230769	199	20	0.100503	399	78	0.195489	21	1	0.047619
XR_871719	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_871720	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_871722	59093	Pcbp3	chr10	76761854	76962117	1788	107	0.059843	1197	59	0.04929	1413	63	0.044586	84	7	0.083333	434	39	0.089862	2112	120	0.056818	1693	104	0.061429	1429	103	0.072078	431	12	0.027842	501	40	0.07984	94	5	0.053191
XR_871724	66932	Rexo1	chr10	80542661	80564790	99	84	0.848485	113	96	0.849558	110	94	0.854545	11	10	0.909091	56	52	0.928571	107	86	0.803738	126	107	0.849206	120	99	0.825	64	56	0.875	91	79	0.868132	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871727	70432	Rufy2	chr10	62980222	63016909	1640	116	0.070732	1586	129	0.081337	1875	107	0.057067	199	0	0	750	55	0.073333	1994	161	0.080742	1465	152	0.103754	1555	145	0.093248	752	46	0.06117	670	12	0.01791	192	16	0.083333
XR_871732	72002	Slc39a5	chr10	1.28E+08	1.28E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871734	74978	Lrriq1	chr10	1.03E+08	1.03E+08	58	8	0.137931	82	5	0.060976	78	5	0.064103	#N/A	#N/A	#N/A	56	2	0.035714	66	6	0.090909	28	4	0.142857	66	2	0.030303	54	3	0.055556	22	1	0.045455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871740	105245181	Gm40669	chr10	59252407	59261882	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	24	20	0.833333	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871741	105245181	Gm40669	chr10	59253323	59261882	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	28	21	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	24	20	0.833333	26	18	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871742	105245182	Gm40670	chr10	59267171	59277540	143	73	0.51049	95	51	0.536842	111	67	0.603604	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	160	64	0.4	138	60	0.434783	89	48	0.539326	53	14	0.264151	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871743	105245182	Gm40670	chr10	59267171	59273920	143	73	0.51049	95	51	0.536842	111	67	0.603604	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	160	64	0.4	138	60	0.434783	89	48	0.539326	53	14	0.264151	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871744	105245183	Gm40671	chr10	59575464	59582407	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871745	105245184	Gm40672	chr10	59664554	59670036	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871746	105245184	Gm40672	chr10	59664554	59687234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871747	105245185	Gm40673	chr10	59909447	59922598	110	48	0.436364	94	56	0.595745	102	42	0.411765	#N/A	#N/A	#N/A	35	18	0.514286	180	23	0.127778	134	28	0.208955	148	30	0.202703	26	8	0.307692	65	18	0.276923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871757	102640758	Gm36750	chr10	60888607	60890486	26	6	0.230769	25	8	0.32	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	38	26	0.684211	#N/A	#N/A	#N/A	38	19	0.5	54	14	0.259259	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871759	102631552	Gm29861	chr10	61217149	61219572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871762	105245187	Gm40674	chr10	61845074	61874131	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871763	105245187	Gm40674	chr10	61856873	61874131	347	284	0.818444	235	204	0.868085	278	237	0.852518	22	20	0.909091	67	60	0.895522	401	326	0.812968	352	292	0.829545	300	250	0.833333	68	59	0.867647	62	46	0.741935	22	22	1
XR_871771	105245190	Gm40677	chr10	66293284	66512512	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871772	105245191	Gm40678	chr10	66803950	66829667	10	8	0.8	14	8	0.571429	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871773	105245191	Gm40678	chr10	66810940	66829667	10	8	0.8	14	8	0.571429	23	18	0.782609	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871782	105245192	Gm40679	chr10	67501115	67503142	260	155	0.596154	221	134	0.606335	250	156	0.624	24	10	0.416667	105	41	0.390476	284	121	0.426056	228	97	0.425439	226	118	0.522124	48	32	0.666667	25	17	0.68	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871788	102634888	Gm32364	chr10	67582739	67596601	174	138	0.793103	256	210	0.820313	216	177	0.819444	30	28	0.933333	64	58	0.90625	223	175	0.784753	138	101	0.731884	152	122	0.802632	19	15	0.789474	79	58	0.734177	57	47	0.824561
XR_871796	105245194	Gm40680	chr10	67705230	67710606	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871797	105245195	Gm40681	chr10	67749152	67778373	339	279	0.823009	308	254	0.824675	326	277	0.849693	65	55	0.846154	131	106	0.80916	251	204	0.812749	315	251	0.796825	299	207	0.692308	126	99	0.785714	78	62	0.794872	81	66	0.814815
XR_871801	102635578	Gm32872	chr10	68529000	68533936	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871802	105245197	Gm40683	chr10	68386587	68439789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871803	105245197	Gm40683	chr10	68415682	68439789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871807	105245198	Gm40684	chr10	69112452	69117443	30	26	0.866667	23	20	0.869565	28	25	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A	15	14	0.933333	26	22	0.846154	17	15	0.882353	22	21	0.954545	12	11	0.916667	19	19	1	10	8	0.8
XR_871808	102636096	Gm33263	chr10	69147745	69151323	389	131	0.336761	365	60	0.164384	406	66	0.162562	71	11	0.15493	198	89	0.449495	355	156	0.439437	338	78	0.230769	403	100	0.248139	123	23	0.186992	60	15	0.25	53	13	0.245283
XR_871809	105245199	Gm40685	chr10	69312067	69315430	140	133	0.95	185	182	0.983784	167	165	0.988024	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	188	180	0.957447	189	169	0.89418	217	200	0.921659	44	40	0.909091	44	43	0.977273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871813	105245201	Gm40687	chr10	70291314	70308449	664	539	0.811747	685	574	0.837956	745	613	0.822819	124	98	0.790323	251	211	0.840637	738	596	0.807588	585	464	0.793162	588	435	0.739796	241	169	0.701245	296	242	0.817568	102	75	0.735294
XR_871815	105245202	Gm40688	chr10	70626718	70635263	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_871816	102637077	Gm33979	chr10	70738742	70740236	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

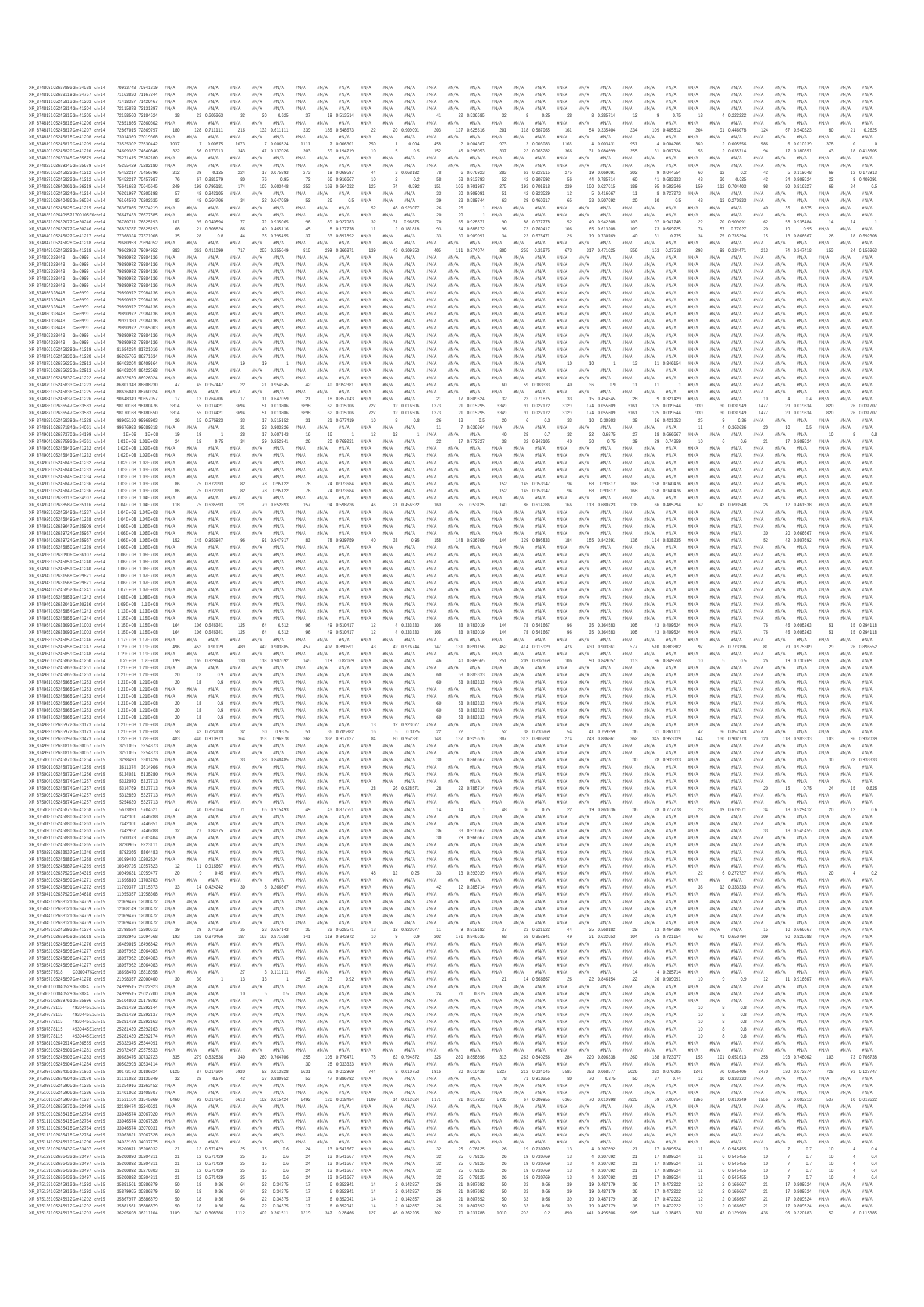
XR_87181	105245203	Gm40689	chr10	70830785	70842942	140	128	0.914286	140	127	0.907143	180	166	0.922222	#N/A	#N/A	#N/A	108	97	0.898148	136	128	0.941176	136	114	0.838235	132	119	0.901515	56	52	0.928571	56	41	0.732143	30	27	0.9
XR_87182	105245205	Gm40690	chr10	71962612	72005345	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87182	102637980	Gm34659	chr10	72622828	72643042	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87182	102638141	Gm34776	chr10	72939935	72973145	101	91	0.90099	95	86	0.905263	65	61	0.938462	11	11	1	104	85	0.817308	74	63	0.851351	68	55	0.808824	70	58	0.828571	68	41	0.602941	68	49	0.720588	43	33	0.767442
XR_87182	102638141	Gm34776	chr10	72939935	72973147	101	91	0.90099	95	86	0.905263	65	61	0.938462	11	11	1	104	85	0.817308	74	63	0.851351	68	55	0.808824	70	58	0.828571	68	41	0.602941	68	49	0.720588	43	33	0.767442
XR_87182	102638141	Gm34776	chr10	72939935	72973146	101	91	0.90099	95	86	0.905263	65	61	0.938462	11	11	1	104	85	0.817308	74	63	0.851351	68	55	0.808824	70	58	0.828571	68	41	0.602941	68	49	0.720588	43	33	0.767442
XR_87182	105245206	Gm40691	chr10	74127544	74137217	50	31	0.62	48	27	0.5625	52	26	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	80	49	0.6125	64	34	0.53125	52	17	0.326923	54	22	0.407407	38	15	0.394737	52	18	0.346154	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87182	105245207	Gm40692	chr10	75025341	75034478	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87183	105245209	Gm40694	chr10	75400745	75402251	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87183	105245210	Gm40695	chr10	75632351	75636385	366	351	0.959016	312	300	0.961538	379	366	0.965699	94	86	0.914894	198	186	0.939394	435	374	0.85977	340	278	0.817647	275	241	0.876364	164	138	0.841463	99	86	0.868687	94	75	0.797872
XR_87183	105245211	Gm40696	chr10	75697138	75709263	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87183	105245213	Gm40697	chr10	75860910	75861698	1443	12	0.008316	1286	9	0.006998	1415	15	0.010601	207	8	0.038647	466	18	0.038627	1503	20	0.013307	1252	25	0.019968	1290	22	0.017054	396	0	0	574	15	0.026132	160	0	0
XR_87183	105245214	Gm40698	chr10	75953850	75954559	227	129	0.568282	260	124	0.476923	261	139	0.532567	26	18	0.692308	110	60	0.545455	312	172	0.551282	176	116	0.659091	274	147	0.536496	126	52	0.412698	76	52	0.684211	22	14	0.636364
XR_87183	105245215	Gm40699	chr10	76345295	76347257	3442	20	0.005811	3338	25	0.00749	3561	31	0.008705	251	0	0	813	2	0.00246	3453	23	0.006661	3107	25	0.008046	3253	30	0.009222	836	3	0.003589	1060	3	0.00283	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87184	105245219	Gm40703	chr10	77250856	77253224	110	21	0.190909	114	28	0.245614	121	22	0.181818	25	0	0	54	10	0.185185	117	21	0.179487	98	13	0.132653	108	23	0.212963	44	1	0.022727	58	10	0.172414	12	0	0
XR_87184	102639550	Gm35837	chr10	77225587	77243041	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87184	102639550	Gm35837	chr10	77206387	77235560	11	8	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	39	25	0.641026	30	23	0.766667	#N/A	#N/A	#N/A	51	27	0.529412	57	21	0.368421	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87184	105245220	Gm40704	chr10	77211020	77211935	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87184	102639662	Gm35920	chr10	77458009	77470556	94	86	0.914894	126	117	0.928571	113	105	0.929204	30	27	0.9	45	39	0.866667	109	101	0.926606	87	74	0.850575	90	68	0.755556	42	36	0.857143	44	39	0.886364	22	21	0.954545
XR_87185	105245221	Gm40705	chr10	77939058	77940259	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	28	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87185	105245225	Gm40709	chr10	78352483	78355640	3765	23	0.006109	3660	27	0.007377	4337	38	0.008762	422	0	0	531	15	0.028249	4306	57	0.013237	3682	28	0.007605	4310	29	0.006729	750	5	0.006667	920	11	0.011957	264	2	0.007576
XR_87185	105245225	Gm40709	chr10	78352483	78355640	3765	23	0.006109	3660	27	0.007377	4337	38	0.008762	422	0	0	531	15	0.028249	4306	57	0.013237	3682	28	0.007605	4310	29	0.006729	750	5	0.006667	920	11	0.011957	264	2	0.007576
XR_87185	105245225	Gm40709	chr10	78352483	78355454	3765	23	0.006109	3660	27	0.007377	4337	38	0.008762	422	0	0	531	15	0.028249	4306	57	0.013237	3682	28	0.007605	4310	29	0.006729	750	5	0.006667	920	11	0.011957	264	2	0.007576
XR_87185	105245225	Gm40709	chr10	78352483	78355640	3765	23	0.006109	3660	27	0.007377	4337	38	0.008762	422	0	0	531	15	0.028249	4306	57	0.013237	3682	28	0.007605	4310	29	0.006729	750	5	0.006667	920	11	0.011957	264	2	0.007576
XR_87186	105245228	Gm40712	chr10	79028641	79036029	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87186	105245228	Gm40712	chr10	79027978	79036029	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87186	105245229	Gm40713	chr10	79797838	79807040	117	106	0.905983	#N/A	#N/A	#N/A	48	40	0.833333	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	114	100	0.877193	96	79	0.822917	109	95	0.87156	#N/A	#N/A	#N/A	47	45	0.957447	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87187	102632666	Gm30682	chr10	80294135	80298327	1528	324	0.212042	1347	226	0.16778	1452	269	0.185262	149	26	0.174497	305	60	0.196721	1579	340	0.215326	1258	214	0.170111	1539	220	0.14295	270	39	0.144444	332	81	0.243976	122	25	0.204918
XR_87187	105245232	Gm40716	chr10	80471409	80475380	1872	150	0.080128	1844	124	0.067245	1646	119	0.072296	444	39	0.087838	499	28	0.056112	1709	124	0.072557	1778	132	0.074241	2011	159	0.079065	641	54	0.084243	617	55	0.089141	92	17	0.184783
XR_87187	102633484	Gm31298	chr10	80612960	80622747	1724	26	0.015081	1441	24	0.016655	1571	51	0.032463	56	0	0	266	2	0.007519	1956	21	0.010736	1641	32	0.0195	1693	24	0.014176	123	1	0.00813	500	1	0.002	75	2	0.026667
XR_87188	102634443	Gm32024	chr10	81594565	81597302	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	35	0.897436	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5
XR_87188	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82196050	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87188	105245239	Gm40720	chr10	82178136	82196050	98	0	0	197	1	0.005076	94	2	0.021277	#N/A	#N/A	#N/A	145	0	0	165	0	0	170	0	0	247	0	0	135	0	0	105	2	0.019048	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87190	105245244	Gm40723	chr10	83349708	83352219	358	309	0.863128	286	236	0.825175	367	312	0.850136	24	24	1	134	123	0.91791	436	376	0.862385	229	165	0.720524	240	197	0.820833	166	124	0.746988	144	119	0.826389	49	44	0.897959
XR_87190	105245244	Gm40723	chr10	83344095	83352219	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87190	102637159	Gm34043	chr10	83948038	83963723	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	20	0.833333	70	58	0.828571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87190	105245246	Gm40725	chr10	83971609	83987199	87	81	0.931034	40	37	0.925	103	91	0.883495	#N/A	#N/A	#N/A	49	38	0.77551	109	82	0.752294	81	48	0.592593	67	54	0.80597	20	14	0.7	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87190	105245247	Gm40726	chr10	84028464	84031158	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87191	102637247	Gm34113	chr10	84089683	84096228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87191	105245248	Gm40727	chr10	84104377	84110284	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87191	102637645	Gm34405	chr10	84499888	84502709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87191	105245249	Gm40728	chr10	84802629	84867501	115	106	0.921739	79	74	0.936709	115	107	0.930435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	81	65	0.802469	117	87	0.74359	140	115	0.821429	36	27	0.75	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87191	105245251	Gm40730	chr10	85339013	85339952	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87192	105245253	Gm40732	chr10	85739703	85740339	187	108	0.57754	180	123	0.683333	165	102	0.618182	60	40	0.666667	98	64	0.653061	169	90	0.532544	119	71	0.596639	114	50	0.438596	86	40	0.465116	71	33	0.464789	28	7	0.25
XR_87192	102639289	Gm35636	chr10	86161950	86188620	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87192	102631620	Gm29915	chr10	87502828	87507999	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87192	627270	Igf1os	chr10	87826756	87863393	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87193	102632060	Gm30233	chr10	88068073	88090347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87194	102633203	Gm31090	chr10	89812159	89813893	10	10	1	42	39	0.928571	23	23	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87194	105245258	Gm40736	chr10	91410595	91439619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87194	105245260	Gm40738	chr10	92389658	92471193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	105245261	Gm40739	chr10	93074808	93077453	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	105245262	Gm40740	chr10	93126416	93128315	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	105245263	Gm40741	chr10	93143277	93145472	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	12	9	0.75	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	102635134	Gm32551	chr10	93284973	93289465	268	234	0.873134	212	185	0.872642	222	202	0.90991	52	52	1	100	87	0.87	377	332	0.880637	202	175	0.866337	185	154	0.832432	47	37	0.787234	134	110	0.820896	51	47	0.921569
XR_87195	105245264	Gm40742	chr10	93430285	93431028	376	107	0.284574	460	93	0.202174	305	48	0.157377	22	10	0.454545	42	10	0.238095	419	99	0.236277	333	39	0.117117	450	128	0.284444	33	4	0.121212	33	18	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	102635396	Gm32749	chr10	94230565	94233134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	102635396	Gm32749	chr10	94230565	94233134	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87195	102635396	Gm32749	chr10	94230565	94238611	36	22	0.611111	#N/A	#N/A	#N/A	37	24	0.648649	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	27	0.692308	75	40	0.533333	61	35	0.57377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87196	105245265	Gm40743	chr10	94512277	94514879	5750	87	0.01513	6265	51	0.00814	6283	67	0.010664	1180	28	0.023729	1546	30	0.019405	6426	110	0.017118	6299	80	0.0127	6401	109	0.017029	1346	35	0.026003	1729	77	0.044534	569	30	0.052724
XR_87196	105245265	Gm40743	chr10	94512576	94514879	5750	87	0.01513	6265	51	0.00814	6283	67	0.010664	1180	28	0.023729	1546	30	0.019405	6426	110	0.017118	6299	80	0.0127	6401	109	0.017029	1346	35	0.026003	1729	77	0.044534	569	30	0.052724
XR_87196	102635509	Gm32827	chr10	94414949	94426461	37	35	0.945946	14	12	0.857143	15	14	0.933333	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	16	16	1	41	37	0.902439	14	11	0.785714	42	33	0.785714	17	11	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87196	105245266	Gm40744	chr10	94961637	94965244	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87196	102636201	Gm33336	chr10	95630503	95632244	375	345	0.92	291	275	0.945017	262	248	0.946565	20	17	0.85	59	56	0.949153	187	181	0.967914	224	208	0.928571	295	275	0.932203	89	87	0.977528	73	67	0.917808	55	45	0.818182
XR_87196	102636263	Gm33377	chr10	95847797	95896811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87197	105245268	Gm40746	chr10	96180922	96182695	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87197	105245270	Gm40748	chr10	96305501	96308732	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87197	102636813	Gm33782	chr10	96309081	96362527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87197	102636813	Gm33782	chr10	96309081	96362527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87197	102636813	Gm33782	chr10	96309081	96362527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87197	102636973	Gm33897	chr10	96715763	96727924	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87198	102637248	Gm34114	chr10	97400613	97428583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87198	105245271	Gm40749	chr10	97621067	97623256	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87198	105245271	Gm40749	chr10	97620168	97623256	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87198	102637506	Gm34297	chr10	98537488	98567532	84	82	0.97619	60	54	0.9	58	50	0.862069	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	66	59	0.893939	28	23	0.821429	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87198	105245273	Gm40750	chr10	98807137	98809465	34	32	0.941176	28	23	0.821429	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	17	11	0.647059	39	32	0.820513	41	30	0.731707	44	32	0.727273	25	17	0.68	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87199	102637570	Gm34346	chr10	98833533	98882737	25	23	0.92	25	22	0.88	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	31	26	0.83871	11	7	0.636364	17	7	0.411765	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667
XR_87199	102637874	Gm34574	chr10	99216677	99228922	97	23	0.237113	29	5	0.172414	57	15	0.263158	10	4	0.4	16	4	0.25	80	26	0.325	78	12	0.153846	82	35	0.426829	11	1	0.090909	23	5	0.217391	12	0	0
XR_87199	102637874	Gm34574	chr10	99216677	99228922	97	23	0.237113	29	5	0.172414	57	15	0.263158	10	4	0.4	16	4	0.25	80	26	0.325	78	12	0.153846	82	35	0.426829	11	1	0.090909	23	5	0.217391	12	0	0
XR_87199	102637874	Gm34574	chr10	99216677	99232089	78	22	0.282051	15	2	0.133333	84	26	0.309524	#N/A	#N/A	#N/A	21	5	0.238095	101	39	0.386139	73	15	0.205479	46	11	0.23913	19	2	0.105263	23	8	0.347826	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87199	102637874	Gm34574	chr10	99216677	99228657	97	23	0.237113	29	5	0.172414	57	15	0.263158	10	4	0.4	16	4	0.25	80	26	0.325	78	12	0.153846	82	35	0.426829	11	1	0.090909	23	5	0.217391	12	0	0
XR_87199	102638142	Gm34777	chr10	99233075	99239013	78	22	0.282051	15	2	0.133333	84	26	0.309524	#N/A	#N/A	#N/A	21	5	0.238095	101	39	0.386139	73	15	0.205479	46	11	0.23913	19	2	0.105263	23	8	0.347826	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87200	102638482	Gm35035	chr10	99450219	99460674	42	1	0.02381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	0	0	43	1	0.023256	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87200	105245274	Gm40751	chr10	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87200	105245274	Gm40751	chr10	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87200	105245275	Gm40752	chr10	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87200	105245276	Gm40753	chr10	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87201	102639996	Gm36177	chr10	1.07E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	39	30	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87201	105245277	Gm40754	chr10	1.08E+08	1.08E+08	4530	27	0.00596	5355	49	0.00915	4632	22	0.00475	703	2	0.002845	1062	4	0.003766	4542	33	0.007266	5295	27	0.005099	6008	37	0.006158	844	1	0.001185	1174	5	0.004259	201	0	0
XR_87201	105245277	Gm40754	chr10	1.08E+08	1.08E+08	4530	27	0.00596	5355	49	0.00915	4632	22	0.00475	703	2	0.002845	1062	4	0.003766	4542	33	0.007266	5295	27	0.005099	6008	37	0.006158	844	1	0.001185	1174	5	0.004259	201	0	0
XR_87201	105245277	Gm40754	chr10	1.08E+08	1.08E+08	4530	27	0.00596	5355	49	0.00915	4632	22	0.00475	703	2	0.002845	1062	4	0.003766	4542	33	0.007266	5295	27	0.005099	6008	37	0.006158	844	1	0.001185	1174	5	0.004259	201	0	0
XR_87202	105245281	Gm40757	chr10	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87202	102640834	Gm36808	chr10	1.11E+08	1.11E+08	50	46	0.92	50	50	1	48	46	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	60	57	0.95	45	36	0.8	32	25	0.78125	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87202	105245284	Gm40760	chr10	1.11E+08	1.11E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87203	105245285	Gm40761	chr10	1.11E+08	1.11E+08	276	218	0.789855	349	297	0.851003	268	237	0.884328	76	60	0.789474	205	180	0.878049	280	247	0.882143	295	246	0.833898	251	203	0.808765	84	63	0.75	32	24	0.75	14	8	0.571429
XR_87203	105245285	Gm40761	chr10	1.11E+08	1.11E+08	276	218	0.789855	349	297	0.851003	268	237	0.884328	76	60	0.789474	205	180	0.878049	280	247	0.882143	295	246	0.833898	251	203	0.808765	84	63	0.75	32	24	0.75	14	8	0.571429
XR_87203	102631942	Gm30145	chr10	1.11E+08	1.11E+08	338	254	0.751479	335	295	0.880597	330	278	0.842424	65	62	0.953846	112	90	0.803571	349	291	0.833811	351	263	0.749288	316	277	0.876582	96	63	0.65625	118	98	0.830508	34	26	0.764706
XR_87203	102631942	Gm30145	chr10	1.11E+08	1.11E+08	338	254	0.751479	335	295	0.880597	330	278	0.842424	65	62	0.953846	112	90	0.803571	349	291	0.833811	351	263	0.749288	316	277	0.876582	96	63	0.65625	118	98	0.830508	34	26	0.764706
XR_87203	102631942	Gm30145	chr10	1.11E+08	1.11E+08	338	254	0.751479	335	295	0.880597	330	278	0.842424	65	62	0.953846	112	90	0.803571	349	291	0.833811	351	263	0.749288	316	277	0.876582	96	63	0.65625	118	98	0.830508	34	26	0.764706
XR_87203	102632099	Gm30262	chr10	1.12E+08	1.12E+08	503	174	0.345924	324	120	0.37037	294	89	0.302721	30	25	0.833333	150	78	0.52	500	249	0.498	374	136	0.363636	318	131	0.41195	142	49	0.34507	45	26	0.577778	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87203	102632099	Gm30262	chr10	1.12E+08	1.12E+08	22	8	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	22	8	0.363636	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	33	16	0.484848	21	8	0.380952	11	2	0.181818	10	7	0.7	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87203	102632099	Gm30262	chr10	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	102632099	Gm30262	chr10	1.12E+08	1.12E+08	44	19	0.431818	28	9	0.321429	44	16	0.363636	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	53	32	0.603774	47	17	0.361702	41	16	0.390244	10	7	0.7	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	102632099	Gm30262	chr10	1.12E+08	1.12E+08	503	174	0.345924	324	120	0.37037	294	89	0.302721	30	25	0.833333	150	78	0.52	500	249	0.498	374	136	0.363636	318	131	0.41195	142	49	0.34507	45	26	0.577778	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	105245287	Gm40763	chr10	1.12E+08	1.12E+08	109	59	0.541284	120	66	0.55	135	78	0.577778	#N/A	#N/A	#N/A	184	95	0.516304	80	50	0.625	65	21	0.323077	#N/A	#N/A	#N/A	90	54	0.6	50	30	0.6	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	105245288	Gm40764	chr10	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	105245289	Gm40765	chr10	1.14E+08	1.14E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	105245290	Gm40766	chr10	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	105245291	Gm40767	chr10	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	105245291	Gm40767	chr10	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87204	102633331	Gm31182	chr10	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87205	102633331	Gm31182	chr10	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87205	105245292	Gm40768	chr10	1.17E+08	1.17E+08	120	69	0.575	100	74	0.74	91	67	0.736264	#N/A	#N/A	#N/A	68	47	0.691176	157	94	0.598726	93	69	0.741935	109	72	0.66055	63	37	0.587302	33	17	0.515152	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87205	100038610	Gm10747	chr10	1.17E+08	1.17E+08	581	497	0.855422	429	369	0.86014	600	498	0.83	116	103	0.887931	174	145	0.833333	572	512	0.895105	414	309	0.746377	404	334	0.826733	200	160	0.8	105	80	0.761905	58	49	0.844828
XR_87206	102634363	Gm31963	chr10	1.17E+08	1.17E+08	1940	21	0.010825	1995	7	0.003509	1990	18	0.009045	447	3	0.006711	756	13	0.017196	1778	23	0.012936	2043	13	0.006363	1815	17	0.009366	612	0	0	734	2	0.002725	238	1	0.004202
XR_87206	102634363	Gm31963	chr10	1.17E+08	1.17E+08	1940	21	0.010825	1995	7	0.003509	1990	18	0.009045	447	3	0.006711	756	13	0.017196	1778	23	0.012936	2043	13	0.006363	1815	17	0.009366	612	0	0	734	2	0.002725	238	1	0.004202
XR_87206	105245294	Gm40770	chr10	1.17E+08	1.17E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87206	102634889	Gm32365	chr10	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87206	102634889	Gm32365	chr10	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87207	105245298	Gm40773	chr10	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87207	105245298	Gm40773	chr10	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87207	102635210	Gm32605	chr10	1.18E+08	1.18E+08	162	17	0.104938	111	0	0	135	5	0.037037	26	3	0.115385	22	2	0.090909	157	11	0.070064	134	7	0.052239	124	3	0.024194	56	2	0.035714	50	0	0	54	4	0.074074
XR_87207	102635210	Gm32605	chr10	1.18E+08	1.18E+08	169	161	0.952663	135	122	0.903704	104	97	0.932692	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	151	136	0.900662	94	73	0.776596	12	6	0.5	46	40	0.869565	82	65	0.792683	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87207	102635210	Gm32605	chr10	1.18E+08	1.18E+08	169	161	0.952663	135	122	0.903704	104	97	0.932692	#N/A	#N/A	#N/A	30	29	0.966667	151	136	0.900662	94	73	0.776596	12	6	0.5	46	40	0.869565	82	65	0.792683	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87207	102635283	Gm32663	chr10	1.18E+08	1.18E+08	37	35	0.945946	39	31	0.794872	52	49	0.942308	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	64	57	0.890625	44	29	0.659091	48	34	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87208	105245300	Gm40775	chr10	1.18E+08	1.18E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87209	105245302	Gm40777	chr10	1.19E+08	1.19E+08	125	8	0.064	114	3	0.026316	88	6	0.068182	10	0	0	55	8	0.145455	162	13	0.080247	135	11	0.081481	93	9	0.096774	#N/A	#N/A	#N/A	52	4	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87209	105245302	Gm40777	chr10	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87209	102636606	Gm33624	chr10	1.19E+08	1.19E+08	36	34	0.944444	33	23	0.69697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	9	0.5625	37	31	0.837838	#N/A	#N/A	#N/A	24	18	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87209	102636606	Gm33624	chr10	1.19E+08	1.19E+08	508	441	0.86811	498	421	0.845382	500	417	0.834	54	47	0.87037	180	159	0.883333	532	477	0.896617	372	327	0.879032	463	388	0.838013	143	107	0.748252	173	145	0.83815	99	92	0.929293
XR_87209	102636606	Gm33624	chr10	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87209	102636606	Gm33624	chr10	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87210	105245303	Gm40778	chr10	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87211	105245305	Gm40780	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87211	105245306	Gm40781	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87211	105245306	Gm40781	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87211	102637835	Gm34545	chr10	1.2E+08	1.2E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	105245308	Gm40783	chr10	1.2E+08	1.2E+08	48	35	0.729167	30	20	0.666667	33	24	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	51	41	0.803922	45	35	0.777778	42	33	0.785714	39	31	0.794872	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	102638518	Gm35062	chr10	1.21E+08	1.21E+08	74	47	0.635135	48	33	0.6875	56	28	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	74	59	0.797297	22	19	0.863636	33	14	0.424242	33	24	0.727273	125	94	0.752	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	105245309	Gm40784	chr10	1.21E+08	1.21E+08	15	14	0.933333	14	13	0.928571	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	31	20	0.645161	29	21	0.724138	26	14	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	102642038	Gm10741	chr10	1.21E+08	1.21E+08	79	69	0.873418	83	72	0.86747	115	95	0.826087	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	60	50	0.833333	84	69	0.821429	57	42	0.736842	#N/A	#N/A	#N/A	24	12	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	105245312	Gm40787	chr10	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	105245312	Gm40787	chr10	1.21E+08	1.21E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87212	102639366	Gm35696	chr10	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87213	102639366	Gm35696	chr10	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87213	102639366	Gm35696	chr10	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87213	102639587	Gm35865	chr10	1.22E+08	1.22E+08	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	40	38	0.95	14	12	0.857143	33	30	0.909091	47	43	0.914894	24	22	0.916667	28	27	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87213	105245315	Gm40790	chr10	1.22E+08	1.22E+08	20	19	0.95	24	24	1	30	29	0.966667	#N/A	#N/A	#N/A	28	24	0.857143	34	33	0.970588	20	18	0.9	20	19	0.95	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87214	102639819	Gm36041	chr10	1.22E+08	1.22E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87214	105245316	Gm40791	chr10	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87214	102640145	Gm36394	chr10	1.23E+08	1.23E+08	6985	92	0.013171	6740	95	0.014095	7517	103	0.013702	1095	18	0.016438	2350	23	0.009787	7392	152	0.020563	6147	202	0.032862	6457	160	0.024779	1961	24	0.012239	2305	45	0.019523	597	17	0.028476
XR_87214	105245318	Gm40793	chr10	1.23E+08	1.23E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	105245319	Gm40794	chr10	1.24E+08	1.24E+08	23	9	0.391304	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	12	4	0.333333	29	10	0.344828	18	1	0.055556	18	6	0.333333	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	105245320	Gm40795	chr10	1.26E+08	1.26E+08	31	23	0.741935	46	29	0.630435	50	39	0.78	#N/A	#N/A	#N/A	63	52	0.825397	67	48	0.716418	31	26	0.83871	50	23	0.46	12	7	0.583333	11	6	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	102640938	Gm36884	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	105245321	Gm40796	chr10	1.26E+08	1.26E+08	81	76	0.938272	53	43	0.811321	62	54	0.870968	#N/A	#N/A	#N/A	85	80	0.941176	98	89	0.908163	24	23	0.958333	26	20	0.769231	57	45	0.789474	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	102631553	Gm29862	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	102631553	Gm29862	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	102631553	Gm29862	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87215	102631795	Gm30041	chr10	1.26E+08	1.26E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

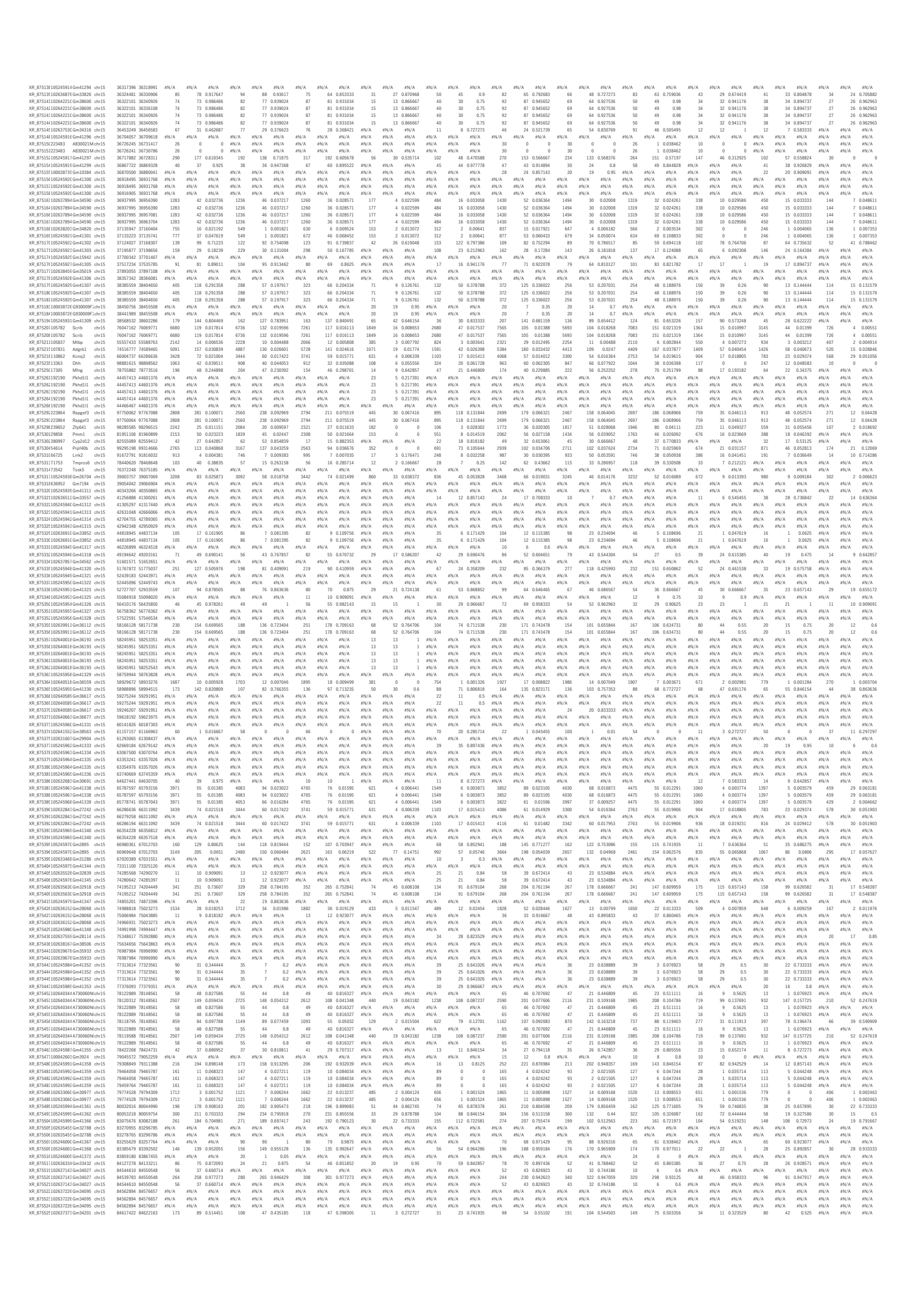


XR_87281	105244918	Gm40440	chr12	72027316	72040193	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87282	105244919	Gm40441	chr12	72835935	72844428	495	252	0.509091	528	240	0.454545	508	201	0.395669	206	100	0.485437	194	71	0.365979	443	229	0.51693	556	161	0.289568	512	199	0.388672	224	90	0.401786	194	86	0.443299	115	37	0.321739
XR_87282	105244920	Gm40442	chr12	73404420	73406461	105	89	0.847619	97	83	0.85567	129	115	0.891473	17	14	0.823529	47	42	0.893617	94	85	0.904255	70	63	0.9	77	72	0.935065	22	20	0.909091	24	21	0.875	21	21	1
XR_87282	105244920	Gm40442	chr12	73402746	73406461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87282	105245433	Gm40889	chr12	74140536	74146763	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87282	102637845	Gm34552	chr12	74311766	74317162	205	57	0.278049	187	61	0.326203	220	48	0.218182	20	0	0	103	33	0.320388	206	33	0.160194	179	37	0.206704	107	22	0.205607	70	25	0.357143	90	15	0.166667	51	13	0.254902
XR_87282	105243601	Gm39473	chr12	74825300	74828615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87282	105245434	Gm40890	chr12	75701908	75712040	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87282	105244921	Gm40443	chr12	76309841	76319583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	105244921	Gm40443	chr12	76309841	76319583	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	105244922	Gm40444	chr12	76273241	76275951	70	55	0.785714	88	70	0.795455	90	74	0.822222	#N/A	#N/A	#N/A	151	135	0.89404	82	70	0.853659	40	33	0.825	80	69	0.8625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	105244923	Gm40445	chr12	76523491	76526875	48	38	0.791667	28	27	0.964286	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	53	38	0.716981	40	25	0.625	20	15	0.75	11	10	0.909091	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	102638686	Gm35189	chr12	77038594	77053229	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	102638686	Gm35189	chr12	77038594	77053229	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	102638686	Gm35189	chr12	77038594	77055077	127	35	0.275591	83	9	0.108434	148	29	0.195946	#N/A	#N/A	#N/A	13	1	0.076923	138	27	0.195652	132	22	0.166667	96	17	0.177083	36	6	0.166667	45	4	0.088889	12	0	0
XR_87283	105244924	Gm40446	chr12	77129021	77174665	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	105244924	Gm40446	chr12	77129021	77191718	30	25	0.833333	32	28	0.875	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	38	0.703704	71	51	0.71831	68	51	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	32	20	0.625	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87283	105244924	Gm40446	chr12	77129021	77132246	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87284	102639090	Gm35488	chr12	77789868	77812819	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87284	626215	Gm6657	chr12	78197044	78214072	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87284	626215	Gm6657	chr12	78197044	78209027	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87284	105244940	Gm40462	chr12	79140130	79148676	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	37	32	0.864865	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	37	35	0.945946	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87284	102639935	Gm36132	chr12	79862542	79867569	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87285	102640645	Gm36660	chr12	80018408	80086044	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95
XR_87285	102631669	Gm29952	chr12	80273437	80281934	55	28	0.509091	25	2	0.08	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	37	24	0.648649	#N/A	#N/A	#N/A	19	0	0	54	10	0.185185	#N/A	#N/A	#N/A	34	7	0.205882	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87286	102632827	Gm30799	chr12	82069528	82103751	151	135	0.89404	186	169	0.908602	122	109	0.893443	#N/A	#N/A	#N/A	106	96	0.90566	141	118	0.836879	98	75	0.765306	131	105	0.801527	48	30	0.625	76	52	0.684211	30	18	0.6
XR_87286	102632827	Gm30799	chr12	82069715	82103751	151	135	0.89404	186	169	0.908602	122	109	0.893443	#N/A	#N/A	#N/A	106	96	0.90566	141	118	0.836879	98	75	0.765306	131	105	0.801527	48	30	0.625	76	52	0.684211	30	18	0.6
XR_87286	105244955	1700030I0	chr12	83121415	83125266	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87287	105244956	Gm40474	chr12	84018327	84053777	791	58	0.073325	776	21	0.027062	761	36	0.047306	52	8	0.153846	310	25	0.080645	714	84	0.117647	969	53	0.054696	874	54	0.061785	160	1	0.00625	329	24	0.072948	42	6	0.142857
XR_87287	105244956	Gm40474	chr12	84018495	84053619	791	58	0.073325	776	21	0.027062	761	36	0.047306	52	8	0.153846	310	25	0.080645	714	84	0.117647	969	53	0.054696	874	54	0.061785	160	1	0.00625	329	24	0.072948	42	6	0.142857
XR_87287	105244957	Gm40475	chr12	84163073	84169109	825	717	0.869091	773	680	0.87969	868	754	0.868664	74	67	0.905405	317	295	0.930599	931	828	0.889366	726	626	0.862259	800	699	0.87375	187	164	0.877005	405	362	0.893827	147	124	0.843537
XR_87287	105244958	Gm40476	chr12	84158340	84160759	387	353	0.912145	358	343	0.958101	370	346	0.935135	32	29	0.90625	98	83	0.846939	383	353	0.921671	339	306	0.902655	344	304	0.883721	50	33	0.66	71	66	0.929577	40	35	0.875
XR_87287	105244959	Gm40477	chr12	85429512	85436457	145	113	0.77931	153	114	0.745098	157	133	0.847134	34	33	0.970588	49	32	0.653061	160	100	0.625	176	117	0.664773	179	133	0.743017	48	28	0.583333	42	28	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87287	105244959	Gm40477	chr12	85429512	85436457	145	113	0.77931	153	114	0.745098	157	133	0.847134	34	33	0.970588	49	32	0.653061	160	100	0.625	176	117	0.664773	179	133	0.743017	48	28	0.583333	42	28	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87287	102634795	Gm32296	chr12	85538170	85542280	59	55	0.932203	50	47	0.94	73	70	0.958904	#N/A	#N/A	#N/A	31	29	0.935484	80	73	0.9125	50	43	0.86	113	104	0.920354	34	30	0.882353	43	34	0.790698	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87287	102634795	Gm32296	chr12	85538177	85542280	59	55	0.932203	50	47	0.94	73	70	0.958904	#N/A	#N/A	#N/A	31	29	0.935484	80	73	0.9125	50	43	0.86	113	104	0.920354	34	30	0.882353	43	34	0.790698	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87288	102634865	Gm32348	chr12	85578879	85585365	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87288	105244963	Gm40481	chr12	86215976	86241858	1019	6	0.005888	765	2	0.002614	1002	12	0.011976	88	0	0	198	1	0.005051	1125	7	0.006222	1211	8	0.006606	1068	5	0.004682	166	1	0.006024	343	1	0.002915	20	0	0
XR_87288	102635288	Gm32666	chr12	86309098	86311260	470	352	0.748936	549	394	0.717668	557	445	0.798923	72	54	0.75	224	168	0.75	601	431	0.717138	399	243	0.609023	431	329	0.763341	175	107	0.611429	157	76	0.484076	67	37	0.552239
XR_87288	102635288	Gm32666	chr12	86309098	86311260	470	352	0.748936	549	394	0.717668	557	445	0.798923	72	54	0.75	224	168	0.75	601	431	0.717138	399	243	0.609023	431	329	0.763341	175	107	0.611429	157	76	0.484076	67	37	0.552239
XR_87288	102635288	Gm32666	chr12	86309098	86311260	470	352	0.748936	549	394	0.717668	557	445	0.798923	72	54	0.75	224	168	0.75	601	431	0.717138	399	243	0.609023	431	329	0.763341	175	107	0.611429	157	76	0.484076	67	37	0.552239
XR_87288	102635288	Gm32666	chr12	86309098	86311260	470	352	0.748936	549	394	0.717668	557	445	0.798923	72	54	0.75	224	168	0.75	601	431	0.717138	399	243	0.609023	431	329	0.763341	175	107	0.611429	157	76	0.484076	67	37	0.552239
XR_87289	105244965	Gm40483	chr12	86359049	86361172	268	66	0.246269	164	18	0.109756	215	54	0.251163	97	8	0.082474	100	23	0.23	292	84	0.287671	263	42	0.159696	212	31	0.146226	19	1	0.052632	103	8	0.07767	22	1	0.045455
XR_87289	105244973	Gm40491	chr12	86831096	86833763	118	100	0.847458	150	131	0.873333	152	134	0.881579	20	12	0.6	51	42	0.823529	102	64	0.627451	36	30	0.833333	135	109	0.807407	75	46	0.613333	50	43	0.86	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87290	105245023	Gm40537	chr12	88935244	88972729	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87290	105245024	Gm40538	chr12	90399690	90408799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87290	102637693	Gm26512	chr12	90738207	90812245	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87290	102637693	Gm26512	chr12	90738100	90767065	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87290	102637693	Gm26512	chr12	90738100	90747166	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245030	Gm40541	chr12	91534769	91536748	228	214	0.938596	199	186	0.934673	178	172	0.966292	33	32	0.969697	108	105	0.972222	215	202	0.939535	169	148	0.87574	219	190	0.86758	46	44	0.956522	79	60	0.759494	37	35	0.945946
XR_87291	102638151	Gm16876	chr12	91681798	91689636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245037	Gm40548	chr12	92001818	92013642	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245037	Gm40548	chr12	92010899	92021613	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	102638266	Gm34869	chr12	93210460	93220047	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245040	Gm40551	chr12	95530025	95558892	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245041	Gm40552	chr12	97313037	97377526	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245041	Gm40552	chr12	97313037	97360891	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87291	105245041	Gm40552	chr12	97242256	97377526	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87292	105245044	Gm40554	chr12	99024439	99073006	88	71	0.806818	78	65	0.833333	58	48	0.827586	#N/A	#N/A	#N/A	64	49	0.765625	78	65	0.833333	51	28	0.54902	84	57	0.678571	24	15	0.625	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87293	105245048	Gm40557	chr12	1E+08	1E+08	431	285	0.661253	429	250	0.582751	527	319	0.605313	81	61	0.753086	147	99	0.673469	468	316	0.675214	325	197	0.606154	409	267	0.652812	188	140	0.744681	126	79	0.626984	32	10	0.3125
XR_87293	105245048	Gm40557	chr12	1E+08	1E+08	431	285	0.661253	429	250	0.582751	527	319	0.605313	81	61	0.753086	147	99	0.673469	468	316	0.675214	325	197	0.606154	409	267	0.652812	188	140	0.744681	126	79	0.626984	32	10	0.3125
XR_87293	105245049	Gm40558	chr12	1.01E+08	1.01E+08	159	140	0.880503	132	110	0.833333	139	121	0.870504	37	32	0.864865	39	36	0.923077	154	135	0.876623	129	100	0.775194	103	84	0.815534	60	44	0.733333	61	46	0.754098	30	24	0.8
XR_87293	102640534	Gm36572	chr12	1.01E+08	1.01E+08	12	12	1	53	50	0.943396	57	53	0.929825	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	70	59	0.842857	#N/A	#N/A	#N/A	57	47	0.824561	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	33	26	0.787879
XR_87294	102632020	Gm30198	chr12	1.02E+08	1.02E+08	32	13	0.40625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	24	13	0.541667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87295	105245053	Gm40561	chr12	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87295	105245054	Gm40562	chr12	1.04E+08	1.04E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87295	102634184	Gm31829	chr12	1.05E+08	1.05E+08	24	18	0.75	22	14	0.636364	62	44	0.709677	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	35	0.466667	81	31	0.382716	53	31	0.584906	22	8	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87295	102634254	Gm31884	chr12	1.05E+08	1.05E+08	308	173	0.561688	316	214	0.677215	403	231	0.573201	94	63	0.670213	160	105	0.65625	332	159	0.478916	306	176	0.575163	358	141	0.393855	114	53	0.464912	152	63	0.414474	88	46	0.522727
XR_87295	105245061	Gm40565	chr12	1.06E+08	1.06E+08	296	256	0.864865	91	79	0.868132	257	221	0.859922	28	21	0.75	93	84	0.903226	311	267	0.858521	173	130	0.751445	151	112	0.741722	63	47	0.746032	73	47	0.643836	33	27	0.818182
XR_87296	102634895	Gm32370	chr12	1.06E+08	1.06E+08	81	60	0.740741	75	62	0.826667	22	19	0.863636	30	22	0.733333	33	25	0.757576	87	68	0.781609	70	44	0.628571	62	40	0.645161	45	26	0.577778	33	18	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87296	102634895	Gm32370	chr12	1.06E+08	1.06E+08	81	60	0.740741	75	62	0.826667	22	19	0.863636	30	22	0.733333	33	25	0.757576	87	68	0.781609	70	44	0.628571	62	40	0.645161	45	26	0.577778	33	18	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87296	102635364	Gm32723	chr12	1.06E+08	1.06E+08	58	54	0.931034	38	36	0.947368	61	55	0.901639	42	36	0.857143	70	68	0.971429	85	82	0.964706	86	75	0.872093	121	113	0.933884	52	50	0.961538	86	71	0.825581	42	39	0.928571
XR_87296	105245066	Gm40569	chr12	1.07E+08	1.07E+08	30	17	0.566667	14	6	0.428571	27	16	0.592593	#N/A	#N/A	#N/A	26	15	0.576923	30	22	0.733333	25	6	0.24	17	7	0.411765	12	3	0.25	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87297	102636059	Gm33236	chr12	1.08E+08	1.08E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87297	105245070	Gm40572	chr12	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87297	105245070	Gm40572	chr12	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87297	105245071	Gm40573	chr12	1.09E+08	1.09E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	549	296	0.539162	440	262	0.595455	407	230	0.565111	22	10	0.454545	160	102	0.6375	428	204	0.476636	543	252	0.464088	478	272	0.569038	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87298	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87299	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87299	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87299	102637209	Gm34081	chr12	1.09E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87299	102637209	Gm34081	chr12	1.09E+08	1.1E+08	489	253	0.517382	326	192	0.588957	339	181	0.533923	22	10	0.454545	160	102	0.6375	336	143	0.425595	427	196	0.459016	330	182	0.551515	175	93	0.531429	77	45	0.584416	44	37	0.840909
XR_87299	102637209	Gm34081	chr12	1.1E+08	1.1E+08	29	26	0.896552	33	31	0.939394	44	42	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	27	27	1	28	23	0.821429	37	27	0.72973	29	25	0.862069	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87299	102637991	Gm34667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	89	27	0.303371	67	19	0.283582	68	18	0.264706	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	88	54	0.613636	95	21	0.221053	77	16	0.207792	60	17	0.283333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87299	102637991	Gm34667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	89	27	0.303371	67	19	0.283582	68	18	0.264706	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	88	54	0.613636	95	21	0.221053	77	16	0.207792	60	17	0.283333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87299	102637991	Gm34667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	89	27	0.303371	67	19	0.283582	68	18	0.264706	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	88	54	0.613636	95	21	0.221053	77	16	0.207792	60	17	0.283333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87299	102637991	Gm34667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	89	27	0.303371	67	19	0.283582	68	18	0.264706	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	88	54	0.613636	95	21	0.221053	77	16	0.207792	60	17	0.283333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87299	102637991	Gm34667	chr12	1.1E+08	1.1E+08	89	27	0.303371	67	19	0.283582	68	18	0.264706	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	88	54	0.613636	95	21	0.221053	77	16	0.207792	60	17	0.283333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	105245072	Gm40574	chr12	1.1E+08	1.1E+08	119	32	0.268908	67	19	0.283582	98	27	0.27551	#N/A	#N/A	#N/A	26	6	0.230769	88	54	0.613636	129	24	0.186047	77	16	0.207792	60	17	0.283333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638066	Gm34719	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638066	Gm34719	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638066	Gm34719	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638066	Gm34719	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638066	Gm34719	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638066	Gm34719	chr12	1.1E+08	1.1E+08	139	102	0.733813	136	97	0.713235	134	103	0.768657	#N/A	#N/A	#N/A	97	78	0.804124	127	101	0.795276	#N/A	#N/A	#N/A	101	69	0.683168	66	43	0.651515	99	65	0.656566	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87300	102638299	Gm34895	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87301	105245073	Gm40575	chr12	1.1E+08	1.1E+08	84	75	0.892857	78	71	0.910256	80	76	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	98	89	0.908163	30	28	0.933333	60	59	0.983333	20	18	0.9	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87302	629595	Gm6988	chr12	1.1E+08	1.1E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87302	105245075	Gm40577	chr12	1.1E+08	1.1E+08	531	167	0.314501	438	135	0.308219	531	158	0.297552	130	70	0.538462	206	91	0.441748	353	110	0.311615	392	169	0.431122	300	41	0.136667	138	28	0.202899	86	6	0.069767	40	6	0.15
XR_87303	102639562	Gm35846	chr12	1.11E+08	1.11E+08	509	354	0.695481	420	309	0.735714	429	301	0.701632	76	43	0.565789	212	161	0.759434	527	340	0.645161	422	282	0.668246	312	209	0.669872	107	60	0.560748	146	108	0.739726	33	20	0.606061
XR_87303	102639562	Gm35846	chr12	1.11E+08	1.11E+08	509	354	0.695481	420	309	0.735714	429	301	0.701632	76	43	0.565789	212	161	0.759434	527	340	0.645161	422	282	0.668246	312	209	0.669872	107	60	0.560748	146	108	0.739726	33	20	0.606061
XR_87303	100503323	A230087F1	chr12	1.11E+08	1.11E+08	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	26	3	0.115385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	32	6	0.1875	36	7	0.194444	22	2	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87304	105245444	Gm40898	chr12	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	40	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87304	102640949	Gm36894	chr12	1.12E+08	1.12E+08	356	310	0.870787	213	203	0.953052	347	306	0.881844	90	84	0.933333	114	109	0.95614	425	347	0.816471	300	226	0.753333	238	183	0.768908	123	89	0.723577	234	177	0.75641	58	43	0.741379
XR_87304	102640949	Gm36894	chr12	1.12E+08	1.12E+08	689	530	0.769231	666	529	0.794294	709	567	0.799718	120	100	0.833333	288	242	0.840278	668	530	0.793413	588	433	0.736395	693	483	0.69697	141	80	0.567376	208	130	0.625	59	41	0.694915
XR_87304	102640949	Gm36894	chr12	1.12E+08	1.12E+08	689	530	0.769231	666	529	0.794294	709	567	0.799718	120	100	0.833333	288	242	0.840278	668	530	0.793413	588	433	0.736395	693	483	0.69697	141	80	0.567376	208	130	0.625	59	41	0.694915
XR_87305	102640949	Gm36894	chr12	1.12E+08	1.12E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87305	102631593	Gm29890	chr12	1.12E+08	1.12E+08	210	149	0.709524	121	85	0.702479	141	109	0.77305	11	8	0.727273	96	84	0.875	210	137	0.652381	164	93	0.567073	209	130	0.62201	41	22	0.536585	130	88	0.676923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87305	102631593	Gm29890	chr12	1.12E+08	1.12E+08	210	149	0.709524	121	85	0.702479	141	109	0.77305	11	8	0.727273	96	84	0.875	210	137	0.652381	164	93	0.567073	209	130	0.62201	41	22	0.536585	130	88	0.676923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87306	102631593	Gm29890	chr12	1.12E+08	1.12E+08	210	149	0.709524	121	85	0.702479	141	109	0.77305	11	8	0.727273	96	84	0.875	210	137	0.652381	164	93	0.567073	209	130	0.62201	41	22	0.536585	130	88	0.676923	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87306	105245085	Gm40584	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87306	105245085	Gm40584	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87306	102631879	Gm30101	chr12	1.13E+08	1.13E+08	1180	25	0.021186	906	2	0.002208	1000	18	0.018	86	20	0.232558	198	11	0.055556	1148	39	0.033972	989	3	0.003033	966	14	0.014493	279	13	0.046595	483	17	0.035197	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87306	105245090	Gm40588	chr12	1.13E+08	1.13E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87306	102632292	1700127F2	chr12	1.13E+08	1.13E+08	651	24	0.036866	880	28	0.031818	824	23	0.027913	94	8	0.085106	296	13	0.043919	778	19	0.024422	836	18	0.021531	887	30	0.033822	208	14	0.067308	362	35	0.096685	70	3	0.042857
XR_87308	105245445	Gm40899	chr12	1.15E+08	1.15E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87308	102633083	Gm30996	chr12	1.15E+08	1.15E+08	11	5	0.454545	11	5	0.454545	18	11	0.611111	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	19	9	0.473684	11	1	0.090909	13	4	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87308	105245446	Gm40900	chr12	1.16E+08	1.16E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87309	105243777	Gm39562	chr12	1.19E+08	1.19E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87309	432720	Akr1c19	chr13	4233503	4248361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87309	105245151	Gm40644	chr13	3149600	3169709	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87309	105245156	Gm40648	chr13	3202644	3216688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245162	Gm40653	chr13	3276891	3282376	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245163	Gm40654	chr13	3514914	3519532	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245164	Gm40655	chr13	3825479	3836003	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245165	Gm40656	chr13	4252165	4258461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	102638797	Gm9973	chr13	4364554	4391259	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245166	Gm40657	chr13	4555411	4565781	26	24	0.923077	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	28	25	0.892857	46	40	0.869565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245168	Gm40658	chr13	4725779	4745537	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245168	Gm40658	chr13	4739758	4745537	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245169	Gm40659	chr13	5258802	5266034	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87310	105245170	Gm40660	chr13	5455229	5470234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87311	105245171	Gm40661	chr13	5553389	5559608	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87311	102638869	Gm35330	chr13	5690833	5724605	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87311	102638869	Gm35330	chr13	5690821	5724605	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87311	105245172	Gm40662	chr13	6995654	7076197	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87311	102639667	Gm35925	chr13	7137850	7165604	20	16	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	75	62	0.826667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87311	102640119	Gm36264	chr13	9001952	9076374	76	51	0.671053	48	28	0.583333	64	46	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	34	24	0.705882	66	58	0.878788	68	54	0.794118	93	80	0.860215	20	16	0.8	56	49	0.875	22	14	0.636364
XR_87311	102640119	Gm36264	chr13	9001952	9076335	76	51	0.671053	48	28	0.583333	64	46	0.71875	#N/A	#N/A	#N/A	34	24	0.705882	66	58	0.878788	68	54	0.794118	93	80	0.860215	20	16	0.8	56	49	0.875	22	14	0.636364
XR_87312	102640331	Gm36423	chr13	9674531	9689541	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87312	102640331	Gm36423	chr13	9680701	9689541	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87312	105245175	Gm40665	chr13	9796372	9801823	#N/A	#N/A	#N/A	30	11	0.366667	45	14	0.311111	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	49	30	0.612245	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	9	0.3	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87312	102640472	Gm36525	chr13	10539204	10557739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87312	105245176	Gm40666	chr13	10674389	10676726	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87312	105355	Slc17a3	chr13	23838936	23860718	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87313	70430	Tbce	chr13	13997947	14039650	1297	11	0.008481	1117	9	0.008057	1380	13	0.00942	163	0	0	560	4	0.007143	1556	13	0.008355	1162	10	0.008606	951	8	0.008412	508	2	0.003937	397	3	0.007557	146	0	0
XR_87313	97884	B3galnt2	chr13	13954474	13999088	2799	26	0.009289	2314	19	0.008211	2433	14	0.005754	719	5	0.006954	1272	13	0.01022	2909	19	0.006531	2093	12	0.005733	2050	7	0.003415	731	1	0.001368	1111	3	0.0027	254	2	0.007874
XR_87313	105245177	Gm40667	chr13	12309705	12323488	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87313	100039786	Gm2423	chr13	13231493	13232975	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87314	105245451	Gm40903	chr13	13030789	13033906	12	8	0.666667	18	10	0.555556	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	11	6	0.545455	14	8	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87314	105245452	Gm40904	chr13	12925762	12932245	827	769	0.929867	721	675	0.9362	712	668	0.938202	179	166	0.927374	523	488	0.933078	1104	1004	0.90942	1006	862	0.856859	576	519	0.901042	518	452	0.872587	422	345	0.817536	406	340	0.837438
XR_87314	102632874	Gm30836	chr13	13589603	13591201	2119	10	0.004719	2016	11	0.005456	2268	5	0.002205	390	0	0	890	4	0.004494	2163	9	0.004161	2145	10	0.004662	2351	14	0.005955	748	1	0.001337	836	9	0.010766	243	0	0
XR_87314	102634027	Gm31711	chr13	16214079	16261349	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87314	105245356	Gm40826	chr13	17682710	17685778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

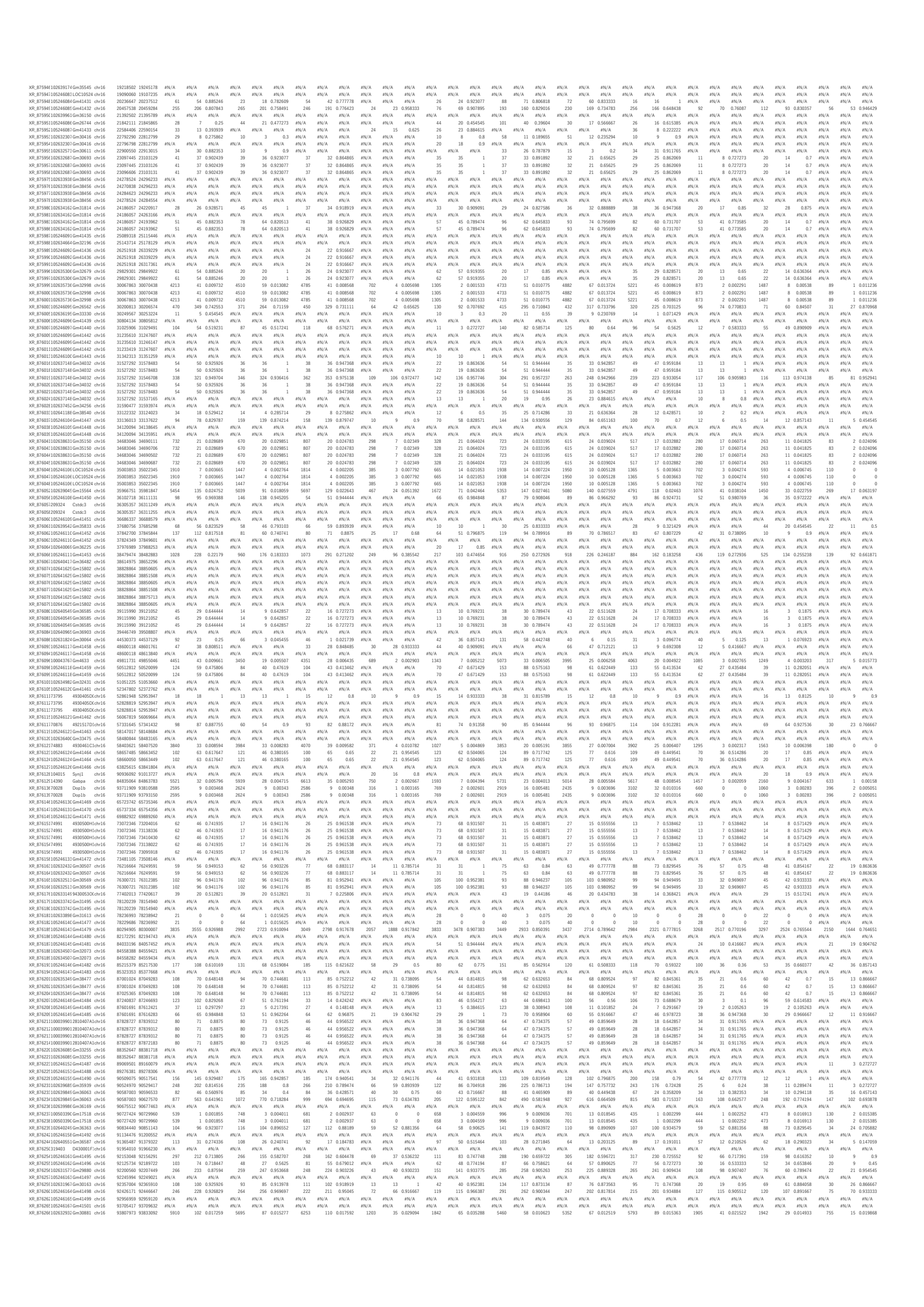
XR_87315(	102634258	Gm31887	chr13	19145560	19193683	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87315:	105245357	Gm40827	chr13	19395847	19425573	2267	10	0.004411	2019	9	0.004458	2329	9	0.003864	454	8	0.017621	778	1	0.001285	2463	16	0.006496	1936	9	0.004649	2171	10	0.004606	689	3	0.004354	837	2	0.002389	409	0	0
XR_87315!	102634724	Gm32242	chr13	20989276	21010596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87315(	102634724	Gm32242	chr13	20936803	21010596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87315:	102634724	Gm32242	chr13	20989276	21010577	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87315!	105245360	Gm40828	chr13	21477617	21478825	218	6	0.027523	210	23	0.109524	241	18	0.074689	100	2	0.02	177	11	0.062147	267	19	0.071161	241	20	0.082988	173	26	0.150289	133	2	0.015038	86	8	0.093023	12	0	0
XR_87316	105245363	Gm40831	chr13	21910929	21912358	194	82	0.42268	186	66	0.354839	237	107	0.451477	25	6	0.24	107	54	0.504673	223	120	0.538117	178	80	0.449438	153	72	0.470588	14	10	0.714286	79	35	0.443038	22	9	0.409091
XR_87316	105245364	Gm40832	chr13	23284323	23286746	58	1	0.017241	74	1	0.013514	20	1	0.05	#N/A	#N/A	#N/A	98	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	42	0	0	39	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87317	105245366	Gm40833	chr13	23433296	23434672	55	6	0.109091	#N/A	#N/A	#N/A	70	4	0.057143	#N/A	#N/A	#N/A	50	4	0.08	135	26	0.192593	70	5	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87317	102636274	Gm33387	chr13	23591323	23599137	284	252	0.887324	186	169	0.908602	247	214	0.866397	10	10	1	129	114	0.883721	291	267	0.917526	275	225	0.818182	202	168	0.831683	50	42	0.84	92	81	0.880435	33	28	0.848485
XR_87317	102636274	Gm33387	chr13	23591323	23605954	284	252	0.887324	186	169	0.908602	247	214	0.866397	10	10	1	129	114	0.883721	291	267	0.917526	275	225	0.818182	202	168	0.831683	50	42	0.84	92	81	0.880435	33	28	0.848485
XR_87317	105245367	Gm11337	chr13	23794402	23804640	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87318(	10524537C	Gm40836	chr13	27398060	27432740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87318	10524537C	Gm40836	chr13	27395407	27432740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87318:	10524537C	Gm40836	chr13	27399605	27432740	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87318:	10524537C	Gm40836	chr13	27398060	27427527	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87318!	102637956	Gm34639	chr13	28890552	28898671	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319(	102637956	Gm34639	chr13	28893433	28898671	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319	102637956	Gm34639	chr13	28890552	28896014	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319:	102637956	Gm34639	chr13	28890552	28897357	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319:	105245394	Gm40858	chr13	28912736	28916770	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	22	21	0.954545	#N/A	#N/A	#N/A	26	26	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	20	18	0.9	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319!	105245398	Gm40860	chr13	30003375	30035446	66	43	0.651515	82	64	0.780488	58	47	0.810345	12	11	0.916667	61	38	0.622951	51	18	0.352941	83	62	0.746988	96	62	0.645833	20	8	0.4	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319(	105245398	Gm40860	chr13	30003375	30035446	66	43	0.651515	82	64	0.780488	58	47	0.810345	12	11	0.916667	61	38	0.622951	51	18	0.352941	83	62	0.746988	96	62	0.645833	20	8	0.4	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87319	105245401	Gm40863	chr13	30230827	30235223	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87320(	105245408	Gm40869	chr13	30166206	30177886	144	138	0.958333	200	192	0.96	164	153	0.932927	48	46	0.958333	142	133	0.93662	80	71	0.8875	48	39	0.8125	152	150	0.986842	#N/A	#N/A	#N/A	88	88	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87320	102638578	Gm35109	chr13	30610964	30614580	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87320!	105245418	Gm40876	chr13	32465453	32493281	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87321(	102639635	Gm35899	chr13	32865053	32870912	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87321:	105245454	Gm40905	chr13	33284461	33293474	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87321	105245455	Gm40906	chr13	33359100	33368110	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87321!	102640439	Gm36500	chr13	34130478	34134810	1068	25	0.023408	954	36	0.037736	1155	22	0.019048	39	0	0	331	4	0.012085	1143	13	0.011374	842	28	0.033254	1001	26	0.025974	289	5	0.017301	242	1	0.004132	72	1	0.013889
XR_87322(	102640439	Gm36500	chr13	34130478	34138469	1068	25	0.023408	954	36	0.037736	1155	22	0.019048	39	0	0	331	4	0.012085	1143	13	0.011374	842	28	0.033254	1001	26	0.025974	289	5	0.017301	242	1	0.004132	72	1	0.013889
XR_87322	102640439	Gm36500	chr13	34130478	34138469	1068	25	0.023408	954	36	0.037736	1155	22	0.019048	39	0	0	331	4	0.012085	1143	13	0.011374	842	28	0.033254	1001	26	0.025974	289	5	0.017301	242	1	0.004132	72	1	0.013889
XR_87322:	102640439	Gm36500	chr13	34130478	34132772	1068	25	0.023408	954	36	0.037736	1155	22	0.019048	39	0	0	331	4	0.012085	1143	13	0.011374	842	28	0.033254	1001	26	0.025974	289	5	0.017301	242	1	0.004132	72	1	0.013889
XR_87322	105245458	Gm40908	chr13	34459557	34482181	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87322!	105245459	Gm40909	chr13	34500122	34506499	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87322	102640991	Gm16984	chr13	34963950	34983306	64	2	0.03125	56	0	0	16	1	0.0625	#N/A	#N/A	#N/A	55	5	0.090909	52	5	0.096154	104	8	0.076923	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	8	0.16	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87323(	105245461	Gm40910	chr13	35078489	35083396	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87323(	105245463	Gm40912	chr13	36207753	36228022	57	54	0.947368	30	28	0.933333	47	43	0.914894	#N/A	#N/A	#N/A	15	15	1	20	10	0.5	45	44	0.977778	55	54	0.981818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87323	100042773	Tmed10-p:	chr13	35990257	35995172	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87324	102642800	Gm38636	chr13	36715696	36724162	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87324:	102632411	Gm30489	chr13	36823990	36970968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87324!	102632411	Gm30489	chr13	36823990	36970968	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87324	102632558	Gm30600	chr13	37239870	37249411	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87324	105245464	Gm40913	chr13	37333725	37341997	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325	105245466	Gm40915	chr13	37616601	37627571	77	65	0.844156	#N/A	#N/A	#N/A	74	71	0.959459	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	98	0.890909	78	74	0.948718	92	86	0.934783	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325:	105245466	Gm40915	chr13	37618487	37627571	77	65	0.844156	#N/A	#N/A	#N/A	74	71	0.959459	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	110	98	0.890909	78	74	0.948718	92	86	0.934783	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325:	105245467	Gm40916	chr13	37636754	37643342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325	105245467	Gm40916	chr13	37633792	37643342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325!	105245467	Gm40916	chr13	37633792	37643342	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	8	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325(	100042802	AI463229	chr13	37657013	37667729	467	93	0.199143	420	60	0.142857	488	132	0.270492	69	14	0.202899	137	22	0.160584	490	105	0.214286	336	29	0.08631	379	44	0.116095	155	8	0.051613	151	18	0.119205	44	6	0.136364
XR_87325	105245468	Gm40917	chr13	37643905	37648099	36	29	0.805556	21	14	0.666667	29	25	0.862069	12	12	1	27	23	0.851852	33	26	0.787879	26	19	0.730769	25	16	0.64	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325	105245469	Gm40918	chr13	37717382	37734742	#N/A	#N/A	#N/A	16	15	0.9375	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	47	41	0.87234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87325!	102633878	Gm31600	chr13	37762784	37767935	23	18	0.782609	13	13	1	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	12	9	0.75	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87326:	105245472	Gm40921	chr13	38258030	38259711	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87327(	105245473	Gm40922	chr13	38554864	38563889	88	59	0.670455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	32	0.8	20	14	0.7	112	84	0.75	96	67	0.697917	24	10	0.416667	26	4	0.153846	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87327:	66336	Cenpp	chr13	49542413	49652950	1563	4	0.002559	1342	1	0.000745	1218	14	0.011494	246	0	0	998	4	0.004008	1419	6	0.004228	1509	7	0.004639	1142	5	0.004378	496	1	0.002016	812	4	0.004926	202	1	0.00495
XR_87327!	105245475	Gm40924	chr13	39912866	39923211	52	45	0.865385	26	22	0.846154	36	35	0.972222	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	53	42	0.792453	59	47	0.79661	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87328(	10263465C	Gm32184	chr13	41540908	41606076	5258	32	0.006086	5123	37	0.007222	5696	25	0.004389	899	4	0.004449	1874	6	0.003202	5615	51	0.009083	5730	33	0.005759	6636	48	0.007233	1364	3	0.002199	2391	9	0.003764	434	0	0
XR_87328	10263465C	Gm32184	chr13	41540908	41571506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87328!	10263494C	Gm32401	chr13	41486911	41525087	17	15	0.882353	14	13	0.928571	31	29	0.935484	18	18	1	13	13	1	46	38	0.826087	21	17	0.809524	16	12	0.75	15	13	0.866667	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329(	10263494C	Gm32401	chr13	41486911	41525087	17	15	0.882353	14	13	0.928571	31	29	0.935484	18	18	1	13	13	1	46	38	0.826087	21	17	0.809524	16	12	0.75	15	13	0.866667	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329	10263494C	Gm32401	chr13	41486911	41525087	17	15	0.882353	14	13	0.928571	31	29	0.935484	18	18	1	13	13	1	46	38	0.826087	21	17	0.809524	16	12	0.75	15	13	0.866667	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329	105245476	Gm40925	chr13	41677096	41681553	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329!	105245476	Gm40925	chr13	41677096	41683924	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329(	105245476	Gm40925	chr13	41677096	41681553	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329	105245476	Gm40925	chr13	41677096	41680741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329(	105245476	Gm40925	chr13	41676858	41681553	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87329!	102635142	Gm32555	chr13	41992718	42021086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87330(	102635142	Gm32555	chr13	42018053	42021086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87330	102635142	Gm32555	chr13	42007077	42021086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87330:	105245478	Gm15813	chr13	43117664	43122643	61	46	0.754098	26	20	0.769231	36	20	0.555556	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	86	50	0.581395	68	35	0.514706	24	14	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87330(	105245481	Gm40929	chr13	43173527	43191596	706	29	0.041076	676	14	0.02071	720	26	0.036111	33	1	0.030303	495	10	0.020202	651	36	0.0553	683	38	0.055637	780	29	0.037179	271	3	0.01107	273	24	0.087912	58	23	0.396552
XR_87330!	105245481	Gm40929	chr13	43171822	43191596	1283	35	0.02728	1203	21	0.017456	1224	30	0.02451	91	0	0	730	11	0.015068	1333	39	0.029257	1351	39	0.028868	1393	29	0.020818	452	2	0.004425	542	23	0.042435	213	25	0.117371
XR_87331	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331:	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331:	10263600C	Gm33195	chr13	43864556	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331	10263600C	Gm33195	chr13	43864556	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331(	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331	10263600C	Gm33195	chr13	43864418	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87331!	10263600C	Gm33195	chr13	43864418	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332(	10263600C	Gm33195	chr13	43864556	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332:	10263600C	Gm33195	chr13	43864418	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332:	10263600C	Gm33195	chr13	43863214	43868589	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2
XR_87332	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332!	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332(	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332	10263600C	Gm33195	chr13	43864555	43868589	1569	11	0.007011	1515	11	0.007261	1834	8	0.004362	528	2	0.003788	542	3	0.005535	1712	17	0.00993	1607	15	0.009334	1400	4	0.002857	536	0	0	695	2	0.002878	230	2	0.008696
XR_87332(	102636424	Gm33489	chr13	44010823	44044887	96	78	0.8125	51	40	0.784314	78	64	0.820513	#N/A	#N/A	#N/A	59	48	0.813559	92	73	0.793478	48	43	0.895833	40	21	0.525	39	28	0.717949	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87333(	102637052	Gm33958	chr13	44364019	44400161	81	76	0.938272	77	63	0.818182	78	70	0.897436	10	9	0.9	90	84	0.933333	104	92	0.884615	96	81	0.84375	75	60	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	68	46	0.676471	44	36	0.818182
XR_87333	102637133	Gm34020	chr13	44467020	44470727	54	44	0.814815	42	36	0.857143	88	68	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	54	37	0.685185	72	42	0.583333	38	26	0.684211	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87333(	105245482	Gm40930	chr13	44504628	44508705	287	150	0.522648	205	85	0.414634	295	129	0.437288	#N/A	#N/A	#N/A	114	49	0.429825	346	202	0.583815	259	118	0.455598	254	120	0.472441	75	48	0.64	102	56	0.54902	12	7	0.583333
XR_87333!	102637478	Gm34276	chr13	44533965	44568643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334(	102637478	Gm34276	chr13	44533965	44568643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334	102637478	Gm34276	chr13	44533965	44568643	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334:	102637478	Gm34276	chr13	44533965	44544955	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334:	105245483	Gm40931	chr13	44573582	44637009	109	84	0.770642	108	86	0.796296	102	83	0.813725	34	31	0.911765	62	53	0.854839	98	68	0.693878	76	60	0.789474	95	81	0.852632	62	46	0.741935	52	50	0.961538	20	16	0.8
XR_87334	105245484	Gm40932	chr13	45106951	45117884	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334!	105245485	Gm40933	chr13	45359100	45371211	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334	10263842C	Gm34991	chr13	46019856	46025786	32	14	0.4375	13	2	0.153846	23	7	0.304348	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	10	7	0.7	22	5	0.227273	33	12	0.363636	10	3	0.3	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87334!	10263842C	Gm34991	chr13	46021516	46025786	32	14	0.4375	13	2	0.153846	23	7	0.304348	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	10	7	0.7	22	5	0.227273	33	12	0.363636	10	3	0.3	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87335(	10263842C	Gm34991	chr13	46021298	46037769	32	14	0.4375	13	2	0.153846	23	7	0.304348	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	10	7	0.7	22	5	0.227273	33	12	0.363636	10	3	0.3	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87335	10263858C	Gm35110	chr13	46473549	46496461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87335	105245486	Gm40934	chr13	47219526	47224306	76	63	0.828947	78	64	0.820513	97	83	0.85567	11	6	0.545455	78	48	0.615385	77	56	0.727273	97	75	0.773196	82	63	0.768293	62	47	0.758065	68	52	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87335!	105245487	Gm40935	chr13	47116579	47123514	1541	14	0.009085	1148	9	0.00784	1367	7	0.005121	452	3	0.006637	561	6	0.010695	1737	23	0.013241	1288	10	0.007764	1255	12	0.009562	520	0	0	536	7	0.01306	110	0	0
XR_87335	105245487	Gm40935	chr13	47115704	47132081	134	115	0.858209	228	202	0.885965	149	122	0.818792	73	65	0.890411	184	160	0.869565	192	149	0.776042	252	187	0.742063	212	184	0.867925	114	88	0.77193	89	78	0.876404	20	19	0.95
XR_87335	10263941C	Gm35733	chr13	47438680	47439339	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87335!	105245488	Gm40936	chr13	47461264	47464280	41	36	0.878049	10	10	1	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87336	10524549C	Gm40938	chr13	47902068	47948474	170	144	0.847059	114	97	0.850877	149	136	0.912752	22	21	0.954545	72	53	0.736111	156	97	0.621795	160	78	0.4875	104	56	0.538462	40	25	0.625	28	20	0.714286	20	12	0.6
XR_87336:	102639899	Gm36101	chr13	48028356	48043795	44	35	0.795455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	37	0.840909	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87336:	102639899	Gm36101	chr13	48028356	48043795	44	35	0.795455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	37	0.840909	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87336!	102639899	Gm36101	chr13	48028356	48043795	44	35	0.795455	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	44	37	0.840909	22	11	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87336(	102640229	Gm36346	chr13	48107897	48110117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87336	102640229	Gm36346	chr13	48107897	48111641	51	46	0.901961	49	39	0.795918	40	33	0.825	10	8	0.8	36	34	0.944444	44	30	0.681818	28	16	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	35	23	0.657143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87337(	105245492	Gm40940	chr13	48439665	48446672	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87337	105245493	Gm40941	chr13	48465810	48477602	133	125	0.93985	110	98	0.890909	124	117	0.943548	32	31	0.96875	39	35	0.897436	136	115	0.845588	102	84	0.823529	114	84	0.736842	44	37	0.840909	56	43	0.767857	13	13	1
XR_87337:	102640299	Gm36402	chr13	48491392	48505499	798	765	0.958647	895	858	0.958659	899	860	0.956618	234	228	0.974359	318	304	0.955975	870	847	0.973563	670	652	0.973134	670	641	0.956716	264	249	0.943182	310	302	0.974194	244	235	0.963115
XR_87337!	105245494	Gm40942	chr13	49161905	49163639	52	51	0.980769	41	39	0.95122	38	34	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	32	31	0.96875	47	39	0.829787	50	41	0.82	10	3	0.3	32	31	0.96875	40	26	0.65	26	24	0.923077
XR_87337(	105245495	Gm40943	chr13	49169808	49172300	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87337	105245495	Gm40943	chr13	49169808	49183825	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87338	71252	4933433N:	chr13	50136993	50155392	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87338(	105245498	Gm40946	chr13	50449019	50465210	38	37	0.973684	40	34	0.85	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	28	27	0.964286	30	26	0.866667	30	23	0.766667	20	16	0.8	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87338	105245498	Gm40946	chr13	50448790	50465222	38	37	0.973684	40	34	0.85	56	52	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	28	27	0.964286	30	26	0.866667	30	23	0.766667	20	16	0.8	26	21	0.807692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87338	102634193	Gm31835	chr13	50516647	50527644	168	152	0.904762	112	104	0.928571	229	199	0.868996	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	105	93	0.885714	127	110	0.866142	134	114	0.850746	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87338!	102634193	Gm31835	chr13	50516647	50539528	79	62	0.78481	72	62	0.861111	83	71	0.855422	21	19	0.904762	36	32	0.888889	85	59	0.694118	77	38	0.493506	65	25	0.384615	37	14	0.378378	30	14	0.466667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87339(	10263446C	Gm32038	chr13	50651705	50673399	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87339:	105245499	Gm40947	chr13	50854923	50878264	82	72	0.878049	24	24	1	106	97	0.915094	24	22	0.916667	41	39	0.95122	84	73	0.869048	105	73	0.695238	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87339	10263522C	Gm32613	chr13	50981488	50991581	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	82	77	0.939024	20	20	1	43	39	0.906977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87339!	10263522C	Gm32613	chr13	50990114	50991581	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	82	77	0.939024	20	20	1	43	39	0.906977	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87339	102635522	Gm32834	chr13	51381888	51418712	306	168	0.54902	228	116	0.508772	296	164	0.554054	#N/A	#N/A	#N/A	57	54	0.947368	277	161	0.581227	114	54	0.473684	188	115	0.611702	#N/A	#N/A	#N/A	121	83	0.68595	22	22	1
XR_87339	102635522	Gm32834	chr13	51378153	51418686	306	168	0.54902	228	116	0.508772	296	164	0.554054	#N/A	#N/A	#N/A	57	54	0.947368	277	161	0.581227	114	54	0.473684	188	115	0.611702	#N/A	#N/A	#N/A	121	83	0.68595	22	22	1
XR_87339	10524550C	Gm40948	chr13	52082639	52083607	193	160	0.829016	143	114	0.797203	182	162	0.89011	#N/A	#N/A	#N/A	90	66	0.733333	220	177	0.804545	132	106	0.80303	191	161	0.842932	64	53	0.828125	#N/A	#N/A	#N/A	47	39	0.829787
XR_87340:	105245502	Gm40950	chr13	52954401	52967188	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87340	102636789	Gm33763	chr13	53461355	53481973	180	58	0.322222	198	58	0.292929	238	62	0.260504	30	29	0.966667	180	43	0.238889	134	38	0.283582	205	77	0.37561	148	55	0.371622	135	45	0.333333	96	27	0.28125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87340!	102636789	Gm33763	chr13	53461355	53481973	180	58	0.322222	198	58	0.292929	238	62	0.260504	30	29	0.966667	180	43	0.238889	134	38	0.283582	205	77	0.37561	148	55	0.371622	135	45	0.333333	96	27	0.28125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87340(	102636789	Gm33763	chr13	53461355	53481973	180	58	0.322222	198	58	0.292929	238	62	0.260504	30	29	0.966667	180	43	0.238889	134	38	0.283582	205	77	0.37561	148	55	0.371622	135	45	0.333333	96	27	0.28125	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87340(	105245504	Gm40952	chr13	53501857	53504386	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87340!	102636939	Gm33873	chr13	53485135	53497427	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341(	102636939	Gm33873	chr13	53485135	53505738	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341	102636939	Gm33873	chr13	53482624	53497427	65	49	0.753846	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	4	0.333333	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341:	102637135	Gm34022	chr13	53507513	53533267	159	141	0.886792	112	95	0.848214	85	80	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	98	93	0.94898	108	90	0.833333	105	78	0.742857	42	32	0.761905	33	33	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341	102637135	Gm34022	chr13	53507513	53533272	159	141	0.886792	112	95	0.848214	85	80	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	98	93	0.94898	108	90	0.833333	105	78	0.742857	42	32	0.761905	33	33	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341!	102637135	Gm34022	chr13	53507513	53533273	159	141	0.886792	112	95	0.848214	85	80	0.941176	#N/A	#N/A	#N/A	39	36	0.923077	98	93	0.94898	108	90	0.833333	105	78	0.742857	42	32	0.761905	33	33	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341	102637481	Gm34278	chr13	53691140	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341	102637481	Gm34278	chr13	53688062	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87341!	102637481	Gm34278	chr13	53682556	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342(	102637481	Gm34278	chr13	53691140	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342	102637481	Gm34278	chr13	53691140	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342:	102637481	Gm34278	chr13	53682562	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342:	102637481	Gm34278	chr13	53691140	53700474	28	28	1	20	18	0.9	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	30	23	0.766667	28	24	0.857143	#N/A	#N/A	#N/A	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342	102637696	Gm34439	chr13	53765151	53787736	61	53	0.868852	83	73	0.879518	75	61	0.813333	39	34	0.871795	76	64	0.842105	51	40	0.784314	48	38	0.791667	32	27	0.84375	47	36	0.765957	42	27	0.642857	11	5	0.454545
XR_87342!	102637696	Gm34439	chr13	53764761	53787724	61	53	0.868852	83	73	0.879518	75	61	0.813333	39	34	0.871795	76	64	0.842105	51	40	0.784314	48	38	0.791667	32	27	0.84375	47	36	0.765957	42	27	0.642857	11	5	0.454545
XR_87342(	105245506	Gm40954	chr13	53839281	53850088	329	291	0.884498	298	265	0.889262	330	295	0.893939	48	38	0.791667	137	123	0.89781	360	303	0.841667	271	212	0.782288	246	194	0.788618	99	69	0.69697	82	57	0.695122	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342	105245506	Gm40954	chr13	53839281	53840467	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87342	102637851	Gm34557	chr13	53932983	53935283	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87343(	105245507	Gm40955	chr13	54283242	54288991	236	67	0.283898	273	114	0.417582	91	66	0.725275	#N/A	#N/A	#N/A	168	58	0.345238	189	67	0.354497	195	45	0.230769	233	85	0.364807	115	26	0.226087	35	3	0.085714	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87343:	102637957	Gm34640	chr13	54177791	54179333	149	56	0.375839	78	33	0.423077	50	18	0.36	#N/A	#N/A	#N/A	99	59	0.59596	101	47	0.465347	115	44	0.382609	56	21	0.375	39	11	0.282051	41	18	0.439024	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87343	17121	Mxd3	chr13	55325479	55329900	2576	23	0.008929	2383	15	0.006295	2643	18	0.00681	200	1	0.005	763	2	0.002621	2494	27	0.010826	2131	29	0.013609	2383	36	0.015107	591	0	0	826	4	0.004843	160	1	0.00625
XR_87343!	212281	Zfp729a	chr13	67612760	67637803	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95

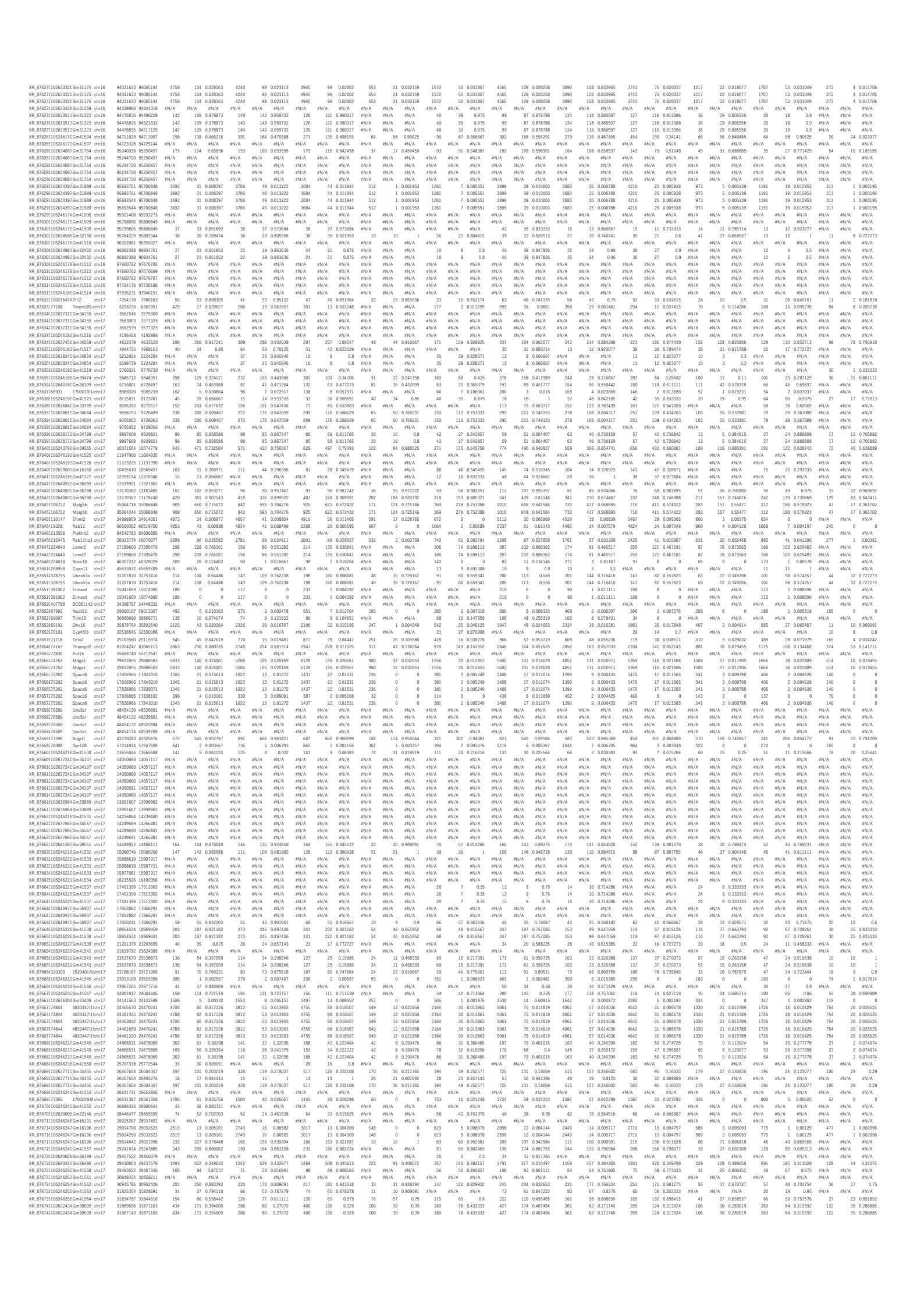
XR_87443	105245702	Gm41113	chr14	25379277	25383704	1603	84	0.052402	1265	107	0.084585	1600	96	0.06	110	5	0.045455	458	15	0.032751	1739	69	0.039678	1386	50	0.036075	1618	41	0.02534	322	7	0.021739	402	24	0.059701	10	0	0
XR_87445	414118	Zmiz1os1	chr14	25255014	25381914	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87446	414118	Zmiz1os1	chr14	25255014	25381914	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87446	414118	Zmiz1os1	chr14	25255014	25381914	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87446	102637182	Gm34059	chr14	26315188	26324676	76	75	0.986842	82	80	0.97561	114	111	0.973684	61	61	1	36	35	0.972222	78	76	0.974359	70	67	0.957143	96	87	0.90625	34	28	0.823529	36	34	0.944444	20	15	0.75
XR_87447	102637406	Gm34223	chr14	26397038	26404157	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87447	102637406	Gm34223	chr14	26397038	26404157	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87447	105245706	Gm41114	chr14	26966234	26968808	2150	11	0.005116	1739	11	0.006325	2107	8	0.003797	256	1	0.003906	923	6	0.006501	2649	20	0.00755	1939	21	0.01083	1865	9	0.004826	804	10	0.012438	647	1	0.001546	226	2	0.00885
XR_87448	105245710	Gm41118	chr14	29736218	29750515	134	115	0.858209	134	123	0.91791	166	142	0.855422	44	40	0.909091	56	47	0.839286	171	118	0.690058	152	107	0.703947	124	57	0.459677	24	13	0.541667	78	52	0.666667	26	12	0.461538
XR_87448	102638804	Gm35281	chr14	29786837	29796974	84	65	0.77381	119	103	0.865546	62	57	0.919355	42	33	0.785714	83	67	0.807229	79	56	0.708861	28	21	0.75	26	16	0.615385	24	20	0.833333	38	24	0.631579	24	17	0.708333
XR_87448	102639205	Gm35566	chr14	30484594	30488591	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87448	78467	1700087M	chr14	30770679	30778024	40	38	0.95	76	73	0.960526	52	52	1	#N/A	#N/A	#N/A	56	54	0.964286	64	62	0.96875	52	50	0.961538	68	62	0.911765	64	61	0.953125	40	36	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87449	105245713	Gm41121	chr14	30950432	30951434	968	6	0.006198	901	3	0.00333	1035	9	0.008696	162	0	0	628	11	0.017516	714	3	0.004202	872	4	0.004587	988	8	0.008097	433	10	0.023095	427	2	0.004684	94	2	0.021277
XR_87449	102639531	Gm35823	chr14	31267922	31320941	162	137	0.845679	196	161	0.821429	163	145	0.889571	40	34	0.85	86	78	0.906977	154	135	0.876623	213	167	0.784038	192	166	0.864583	70	47	0.671429	61	43	0.704918	24	18	0.75
XR_87449	102639719	LOC10263	chr14	31578382	31591714	31	29	0.935484	28	27	0.964286	25	16	0.64	12	10	0.833333	27	21	0.777778	42	35	0.833333	31	19	0.612903	12	7	0.583333	27	11	0.407407	23	17	0.73913	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87449	102639719	LOC10263	chr14	31578382	31591714	31	29	0.935484	28	27	0.964286	25	16	0.64	12	10	0.833333	27	21	0.777778	42	35	0.833333	31	19	0.612903	12	7	0.583333	27	11	0.407407	23	17	0.73913	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87450	102640059	LOC10264	chr14	31928570	31943101	319	308	0.965517	320	310	0.96875	281	272	0.967972	60	58	0.966667	153	145	0.947712	407	382	0.938575	320	303	0.946875	240	235	0.979167	118	111	0.940678	181	175	0.966851	76	70	0.921053
XR_87450	105245717	Gm41125	chr14	31943562	31946428	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	30	25	0.833333	32	25	0.78125	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	23	0.884615	22	18	0.818182
XR_87450	105245719	Gm41127	chr14	32140431	32144811	227	193	0.85022	230	197	0.856522	236	187	0.792373	16	16	1	91	80	0.879121	183	139	0.759563	199	148	0.743719	230	182	0.791304	30	11	0.366667	91	73	0.802198	14	6	0.428571
XR_87450	102640484	Gm28651	chr14	32685386	32746829	939	480	0.511182	778	434	0.557841	815	482	0.591411	98	54	0.55102	413	261	0.631961	944	505	0.534958	761	324	0.425756	749	455	0.607477	346	191	0.552023	328	150	0.457317	87	38	0.436782
XR_87451	105245724	Gm41130	chr14	33229671	33231943	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87451	102631782	Gm30031	chr14	33912626	33923099	3616	152	0.042035	3886	112	0.028821	4028	126	0.031281	350	11	0.031429	1492	79	0.052949	3664	222	0.06059	3274	145	0.044288	3928	221	0.056263	1155	30	0.025974	1361	79	0.058046	178	19	0.106742
XR_87451	102631782	Gm30031	chr14	33912626	33923099	3616	152	0.042035	3886	112	0.028821	4028	126	0.031281	350	11	0.031429	1492	79	0.052949	3664	222	0.06059	3274	145	0.044288	3928	221	0.056263	1155	30	0.025974	1361	79	0.058046	178	19	0.106742
XR_87452	105245727	Gm41131	chr14	34365127	34367571	541	153	0.28281	433	139	0.321016	548	175	0.319343	93	47	0.505376	217	76	0.35023	657	228	0.347032	481	145	0.301455	503	68	0.135189	234	60	0.25641	171	43	0.251462	51	19	0.372549
XR_87452	105245730	Gm41133	chr14	35133719	35148770	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87452	102633694	Gm31456	chr14	38279215	38311821	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87452	102633694	Gm31456	chr14	38279215	38333408	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	102634076	Gm20642	chr14	39214826	39249746	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	102634198	Gm31839	chr14	40974343	40981350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	102634198	Gm31839	chr14	40974343	40981350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	27	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	102634269	Gm31895	chr14	41232267	41234850	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	105245732	Gm41135	chr14	42124187	42128160	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	105245732	Gm41135	chr14	42124187	42129546	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	102638116	Gm7951	chr14	42114803	42117238	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87453	100503856	1700024B(	chr14	41943984	42003821	26	16	0.615385	15	7	0.466667	19	14	0.736842	#N/A	#N/A	#N/A	13	10	0.769231	16	8	0.5	15	6	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	15	9	0.6	11	6	0.545455	11	8	0.727273
XR_87454	100041106	Gm3141	chr14	43148326	43168651	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87455	102640955	Gm8082	chr14	42991226	42993494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87455	635209	Gm7152	chr14	42826393	42836520	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87455	105242438	Gm3015	chr14	42766423	42768691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87455	102636948	Gm8024	chr14	42521716	42524151	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	38	33	0.868421	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87456	102636948	Gm8024	chr14	42521716	42531594	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87456	105245739	Gm41138	chr14	43798448	43800730	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87456	105242437	Gm8180	chr14	43782319	43784616	12	12	1	10	9	0.9	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	28	0.651163	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87457	102635555	Gm32857	chr14	44226217	44315513	374	350	0.935829	333	302	0.906907	404	368	0.910891	#N/A	#N/A	#N/A	120	115	0.958333	313	290	0.926518	394	342	0.86802	358	279	0.77933	123	99	0.804878	67	47	0.701493	71	65	0.915493
XR_87457	102636873	Gm8247	chr14	44583282	44585558	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87457	105245742	Gm41141	chr14	44758109	44761831	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87457	102637183	Gm34060	chr14	44750397	44765684	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	7	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87457	105245743	Gm41142	chr14	44944490	44958462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87457	105245744	Gm41143	chr14	45391733	45422370	50	47	0.94	55	54	0.981818	60	57	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	70	66	0.942857	70	65	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	50	36	0.72	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	45	0.9
XR_87458	105245746	Gm41145	chr14	45573820	45582167	31	31	1	#N/A	#N/A	#N/A	26	24	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1	39	39	1	60	59	0.983333	22	22	1	24	24	1	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87458	102637772	Gm34499	chr14	46221115	46227688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87458	102637772	Gm34499	chr14	46221115	46227688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87458	102637772	Gm34499	chr14	46221115	46227688	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87458	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87458	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87458	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87459	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87459	102638201	E130120K	chr14	46546345	46557076	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87459	105245747	Gm41146	chr14	46626161	46631575	134	121	0.902985	122	114	0.934426	118	108	0.915254	13	13	1	48	40	0.833333	125	114	0.912	118	95	0.805085	105	97	0.92381	42	37	0.880952	33	23	0.69697	32	25	0.78125
XR_87459	105245747	Gm41146	chr14	46626161	46631575	134	121	0.902985	122	114	0.934426	118	108	0.915254	13	13	1	48	40	0.833333	125	114	0.912	118	95	0.805085	105	97	0.92381	42	37	0.880952	33	23	0.69697	32	25	0.78125
XR_87459	105245747	Gm41146	chr14	46626161	46631575	134	121	0.902985	122	114	0.934426	118	108	0.915254	13	13	1	48	40	0.833333	125	114	0.912	118	95	0.805085	105	97	0.92381	42	37	0.880952	33	23	0.69697	32	25	0.78125
XR_87459	105245748	Gm41147	chr14	47341899	47355646	176	152	0.863636	123	107	0.869919	132	115	0.871212	27	26	0.962963	74	65	0.878378	210	191	0.909524	150	131	0.873333	129	112	0.868217	33	32	0.969697	62	55	0.887097	11	10	0.909091
XR_87459	105245749	Gm41148	chr14	47791038	47805372	156	96	0.615385	186	106	0.569892	228	127	0.557018	38	23	0.605263	59	41	0.694915	175	98	0.56	158	56	0.35443	160	59	0.36875	64	26	0.40625	65	33	0.507692	32	14	0.4375
XR_87459	105245749	Gm41148	chr14	47791038	47805372	156	96	0.615385	186	106	0.569892	228	127	0.557018	38	23	0.605263	59	41	0.694915	175	98	0.56	158	56	0.35443	160	59	0.36875	64	26	0.40625	65	33	0.507692	32	14	0.4375
XR_87460	75943	4930572G(	chr14	48561439	48570179	10	10	1	45	43	0.955556	50	50	1	#N/A	#N/A	#N/A	39	38	0.974359	87	82	0.942529	42	38	0.904762	57	51	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87460	75943	4930572G(	chr14	48560794	48570179	10	10	1	45	43	0.955556	50	50	1	#N/A	#N/A	#N/A	39	38	0.974359	87	82	0.942529	42	38	0.904762	57	51	0.894737	#N/A	#N/A	#N/A	33	29	0.878788	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87460	102639645	Gm534	chr14	48869271	48881919	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87460	102639645	Gm534	chr14	48869271	48877309	246	194	0.788618	204	177	0.867647	172	145	0.843023	11	7	0.636364	176	134	0.761364	280	235	0.839286	232	152	0.655172	213	151	0.70892	88	54	0.613636	151	71	0.470199	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87460	102639645	Gm534	chr14	48869271	48881919	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87461	102639645	Gm534	chr14	48869271	48881919	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87461	102643128	Gm38660	chr14	48702963	48722014	49	5	0.102041	17	1	0.058824	37	7	0.189189	#N/A	#N/A	#N/A	16	5	0.3125	39	22	0.564103	33	16	0.484848	14	2	0.142857	14	1	0.071429	#N/A	#N/A	#N/A	10	3	0.3
XR_87461	102640338	Gm26782	chr14	50870296	50881054	767	6	0.007823	780	2	0.002564	850	4	0.004706	188	0	0	396	10	0.025253	1015	3	0.002956	698	4	0.005731	666	1	0.001502	226	0	0	226	1	0.004425	40	0	0
XR_87461	102640847	Gm17079	chr14	51693036	51695319	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87461	102631639	Gm17078	chr14	51608892	51611148	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87462	102632266	Gm30392	chr14	53901633	53961652	89	73	0.820225	24	7	0.291667	82	68	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	62	43	0.693548	91	77	0.846154	61	47	0.770492	121	80	0.661157	70	52	0.742857	35	26	0.742857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87462	102632266	Gm30392	chr14	53893585	53961652	89	73	0.820225	24	7	0.291667	82	68	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	62	43	0.693548	91	77	0.846154	61	47	0.770492	121	80	0.661157	70	52	0.742857	35	26	0.742857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87462	102632266	Gm30392	chr14	53901633	53995575	210	174	0.828571	226	195	0.862832	219	189	0.863014	30	29	0.966667	98	87	0.887755	243	223	0.917695	228	201	0.881579	237	204	0.860759	99	89	0.89899	84	69	0.821429	75	68	0.906667
XR_87462	102632266	Gm30392	chr14	53893586	53961652	89	73	0.820225	24	7	0.291667	82	68	0.829268	#N/A	#N/A	#N/A	62	43	0.693548	91	77	0.846154	61	47	0.770492	121	80	0.661157	70	52	0.742857	35	26	0.742857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87462	105245754	Gm41153	chr14	54492313	54492913	259	203	0.783784	154	128	0.831169	168	136	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A	90	72	0.8	183	114	0.622951	175	129	0.737143	139	87	0.625899	74	52	0.702703	78	58	0.74359	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87464	105245759	Gm41158	chr14	55466366	55468537	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	25	0.480769	54	24	0.444444	#N/A	#N/A	#N/A	20	10	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	28	4	0.142857	26	9	0.346154
XR_87464	102634535	Gm32092	chr14	55784079	55793781	496	105	0.211694	323	31	0.095975	470	57	0.121277	73	10	0.136986	102	23	0.22549	487	168	0.344969	419	110	0.26253	466	77	0.165236	97	30	0.309278	195	26	0.133333	72	12	0.166667
XR_87464	102634535	Gm32092	chr14	55784079	55793781	496	105	0.211694	323	31	0.095975	470	57	0.121277	73	10	0.136986	102	23	0.22549	487	168	0.344969	419	110	0.26253	466	77	0.165236	97	30	0.309278	195	26	0.133333	72	12	0.166667
XR_87464	105245760	Gm41159	chr14	55820028	55823589	2247	186	0.082777	2113	184	0.08708	2009	159	0.079144	208	13	0.0625	442	27	0.061086	2145	167	0.077855	1900	171	0.09	2177	156	0.071658	389	14	0.03599	512	92	0.179688	220	17	0.077273
XR_87465	102635624	Gm32912	chr14	57104665	57111418	3119	96	0.030779	2690	54	0.020074	3132	76	0.024266	408	11	0.026961	1046	40	0.038241	2995	117	0.039065	2901	64	0.022061	3064	69	0.02252	677	15	0.022157	835	20	0.023952	201	5	0.024876
XR_87465	105245762	Gm41161	chr14	57377107	57384053	347	151	0.435159	293	109	0.372014	280	135	0.482143	50	40	0.8	229	124	0.541485	247	144	0.582996	294	173	0.588435	281	163	0.580071	73	59	0.808219	184	143	0.777174	46	41	0.891304
XR_87465	102636332	Gm33430	chr14	58428853	58436825	596	428	0.718121	665	526	0.790977	747	554	0.741633	196	141	0.719388	297	247	0.83165	565	452	0.8	533	292	0.547842	533	387	0.726079	267	163	0.610487	196	155	0.790816	32	21	0.65625
XR_87465	105245764	Gm41162	chr14	59046163	59072002	133	114	0.857143	65	57	0.876923	129	111	0.860465	12	11	0.916667	51	38	0.745098	157	131	0.834395	139	111	0.798561	96	77	0.802083	45	27	0.6	25	21	0.84	34	24	0.705882
XR_87466	102642877	Gm38641	chr14	60251474	60263907	2921	15	0.005135	2361	38	0.016095	2615	20	0.007648	511	1	0.001957	1280	8	0.00625	3029	20	0.006603	2770	17	0.006137	2227	45	0.020207	1018	22	0.021611	1155	27	0.023377	483	2	0.004141
XR_87466	102642877	Gm38641	chr14	60251496	60263907	2921	15	0.005135	2361	38	0.016095	2615	20	0.007648	511	1	0.001957	1280	8	0.00625	3029	20	0.006603	2770	17	0.006137	2227	45	0.020207	1018	22	0.021611	1155	27	0.023377	483	2	0.004141
XR_87466	102636546	Gm33582	chr14	60176951	60182982	1369	107	0.078159	1482	81	0.054656	1798	87	0.048387	238	0	0	418	28	0.066986	1529	82	0.05363	1472	87	0.059103	1618	87	0.05377	546	44	0.080586	550	36	0.065455	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87466	102636546	Gm33582	chr14	60176516	60180334	478	101	0.211297	477	74	0.155136	567	84	0.148148	96	0	0	202	28	0.138614	501	76	0.151697	471	78	0.165605	526	81	0.153992	171	44	0.25731	213	36	0.169014	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87466	102636546	Gm33582	chr14	60171647	60180334	449	370	0.824053	441	387	0.877551	471	422	0.895966	116	104	0.896552	204	168	0.823529	470	399	0.848936	323	242	0.749226	353	293	0.830028	150	122	0.813333	191	148	0.774869	72	44	0.611111
XR_87467	105245768	Gm41165	chr14	60678656	60682493	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	22	9	0.409091	57	13	0.22807	33	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87467	105245769	Gm41166	chr14	60616939	60623216	65	51	0.784615	67	47	0.701493	84	69	0.821429	13	12	0.923077	36	21	0.583333	91	73	0.802198	102	94	0.921569	81	69	0.851852	21	12	0.571429	70	58	0.828571	12	6	0.5
XR_87467	105245771	Gm41167	chr14	61037937	61050622	1201	76	0.063281	1193	59	0.049455	1171	76	0.064902	198	9	0.045455	325	33	0.101538	1155	80	0.069264	1110	73	0.065766	1377	80	0.058097	466	21	0.045064	354	23	0.064972	80	11	0.1375
XR_87467	105245772	Gm41168	chr14	61073646	61079508	32	29	0.90625	44	41	0.931818	35	33	0.942857	12	10	0.833333	37	35	0.945946	36	34	0.944444	31	24	0.774194	30	24	0.8	14	14	1	21	19	0.904762	12	10	0.833333
XR_87467	105245772	Gm41168	chr14	61056762	61079508	118	13	0.110169	112	7	0.0625	111	2	0.018018	44	3	0.068182	133	44	0.330827	115	6	0.052174	94	7	0.074468	107	2	0.018692	60	18	0.3	55	0	0	20	1	0.05
XR_87468	105245773	Gm41169	chr14	61472841	61490398	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87468	105245775	Gm41171	chr14	61845334	61846707	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	60	57	0.95	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	22	0.846154	26	23	0.884615	32	30	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87468	105245776	Gm41172	chr14	62456467	62459180	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87468	105245777	Gm41173	chr14	62327882	62332055	2532	17	0.006714	2131	20	0.009385	2301	12	0.005215	647	1	0.001546	1145	7	0.006114	2456	15	0.006107	2271	18	0.007926	2527	18	0.007123	794	4	0.005038	704	2	0.002841	313	1	0.003195
XR_87468	102639344	Gm35678	chr14	62794975	62796104	33	23	0.69697	33	23	0.69697	38	27	0.710526	11	11	1	35	27	0.771429	41	25	0.609756	28	20	0.714286	36	22	0.611111	32	25	0.78125	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87469	102639646	Gm35908	chr14	63070817	63077375	53	45	0.849057	47	42	0.893617	71	68	0.957746	#N/A	#N/A	#N/A	41	40	0.97561	47	45	0.957447	41	37	0.902439	31	28	0.903226	24	13	0.541667	#N/A	#N/A	#N/A	38	23	0.605263
XR_87469	102639796	Gm36025	chr14	63092059	63104187	31	26	0.83871	11	10	0.909091	11	9	0.818182	22	19	0.863636	22	14	0.636364	29	23	0.793103	26	19	0.730769	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	13	10	0.769231	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63338855	63345662	244	50	0.204918	244	73	0.29918	271	83	0.306273	38	4	0.105263	173	61	0.352601	340	115	0.338235	198	37	0.186869	147	8	0.054422	40	6	0.15	130	50	0.384615	63	4	0.063492
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63338855	63345648	244	50	0.204918	244	73	0.29918	271	83	0.306273	38	4	0.105263	173	61	0.352601	340	115	0.338235	198	37	0.186869	147	8	0.054422	40	6	0.15	130	50	0.384615	63	4	0.063492
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63339827	63345648	244	50	0.204918	244	73	0.29918	271	83	0.306273	38	4	0.105263	173	61	0.352601	340	115	0.338235	198	37	0.186869	147	8	0.054422	40	6	0.15	130	50	0.384615	63	4	0.063492
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63318003	63321379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63308919	63321379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63318003	63320741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87469	100042988	Gm4151	chr14	63318003	63329243	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87470	100042988	Gm4151	chr14	63317683	63321379	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87470	100042988	Gm4151	chr14	63338858	63358503	244	50	0.204918	244	73	0.29918	271	83	0.306273	38	4	0.105263	173	61	0.352601	340	115	0.338235	198	37	0.186869	147	8	0.054422	40	6	0.15	130	50	0.384615	63	4	0.063492
XR_87470	100042988	Gm4151	chr14	63318003	63331239	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87470	102639980	Gm36165	chr14	63358672	63373196	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87470	105245779	Gm17232	chr14	63493656	63502900	360	252	0.7	303	216	0.712871	340	287	0.844118	58	42	0.724138	141	117	0.829787	288	234	0.8125	198	131	0.661616	250	158	0.632	156	85	0.544872	149	123	0.825503	33	23	0.69697
XR_87470	105245781	Gm41175	chr14	63803720	63826001	35	26	0.742857	34	27	0.794118	45	38	0.844444	14	13	0.928571	29	24	0.827586	34	24	0.705882	40	33	0.825	35	27	0.771429	29	16	0.551724	13	10	0.769231	11	8	0.727273
XR_87470	102640375	Gm17116	chr14	64111199	64114082	127	65	0.511811	109	55	0.504587	88	32	0.363636	36	9	0.25	70	40	0.571429	105	69	0.657143	68	26	0.382353	86	54	0.627907	#N/A	#N/A	#N/A	67	42	0.626866	59	27	0.457627
XR_87472	102631745	Gm30008	chr14	65171285	65175017	96	94	0.979167	42	42	1	69	67	0.971014	28	28	1	50	48	0.96	128	122	0.953125	50	47	0.94	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87472	102631745	Gm30008	chr14	65171279	65175018	96	94	0.979167	42	42	1	69	67	0.971014	28	28	1	50	48	0.96	128	122	0.953125	50	47	0.94	46	43	0.934783	#N/A	#N/A	#N/A	20	19	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87472	105245786	Gm41178	chr14	65296452	65299186	22	4	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	34	6	0.176471	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	74	16	0.216216	70	11	0.157143	52	19	0.365385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87472	105245789	Gm41181	chr14	65903037	65914254	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87472	105245789	Gm41181	chr14	65903037	65914254	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87472	105245790	Gm41182	chr14	65922237	65927392	56	52	0.928571	52	49	0.942308	55	51	0.927273	14	14	1	12	11	0.916667	63	55	0.873016	50	36	0.72	45	40	0.888889	34	25	0.735294	29	25	0.862069	12	11	0.916667
XR_87472	105245791	Gm41183	chr14	66336036	66343729	580	161	0.277586	446	128	0.286996	500	121	0.242	115	31	0.269565	137	44	0.321168	565	194	0.343363	360	148	0.411111	408	107	0.262255	132	38	0.287879	140	53	0.378571	49	21	0.428571
XR_87473	105245792	Gm41184	chr14	66470209	66472615	305	273	0.895082	279	254	0.910394	327	303	0.926606	52	45	0.865385	76	63	0.828947	328	292	0.890244	275	217	0.789091	300	235	0.783333	83	53	0.638554	102	83	0.813725	31	18	0.580645
XR_87473	102632339	Gm30438	chr14	67159163	67178111	120	93	0.775	67	57	0.850746	123	102	0.829268	11	9	0.818182	69	63	0.913043	123	109	0.886179	83	50	0.60241	98	83	0.846939	45	36	0.8	40	30	0.75	30	26	0.866667
XR_87473	102632339	Gm30438	chr14	67159163	67178111	120	93	0.775	67	57	0.850746	123	102	0.829268	11	9	0.818182	69	63	0.913043	123	109	0.886179	83	50	0.60241	98	83	0.846939	45	36	0.8	40	30	0.75	30	26	0.866667
XR_87473	102632339	Gm30438	chr14	67159163	67178111	120	93	0.775	67	57	0.850746	123	102	0.829268	11	9	0.818182	69	63	0.913043	123	109	0.886179	83	50	0.60241	98	83	0.846939	45	36	0.8	40	30	0.75	30	26	0.866667
XR_87474	102632339	Gm30438	chr14	67159163	67178111	120	93	0.775	67	57	0.850746	123	102	0.829268	11	9	0.818182	69	63	0.913043	123	109	0.886179	83	50	0.60241	98	83	0.846939	45	36	0.8	40	30	0.75	30	26	0.866667
XR_87474	102632339	Gm30438	chr14	67159163	67189212	120	93	0.775	67	57	0.850746	123	102	0.829268	11	9	0.818182	69	63	0.913043	123	109	0.886179	83	50	0.60241	98	83	0.846939	45	36	0.8	40	30	0.75	30	26	0.866667
XR_87474	105245795	Gm20675	chr14	67232416	67233195	3600	107	0.029722	3597	94	0.026133	3706	82	0.022126	602	8	0.013289	1564	37	0.023657	3974	124	0.031203	3183	112	0.035187	3332	101	0.030312	1283	49	0.038192	1218	72	0.059113	644	23	0.035714
XR_87475	105245797	Gm41188	chr14	67948160	67960826	84	78	0.928571	76	61	0.802632	85	70	0.823529	10	9	0.9	32	26	0.8125	94	76	0.808511	52	34	0.653846	74	49	0.662162	38	21	0.552632	31	25	0.806452	14	12	0.857143
XR_87475	105245798	Gm41189	chr14	68034379	68035959	182	146	0.802198	164	133	0.810976	154	123	0.798701	20	19	0.95	94	82	0.87234	188	148	0.787234	131	84	0.641221	98	71	0.72449	52	29	0.557692	26	12	0.461538	26	15	0.576923
XR_87475	102633226	Gm31107	chr14	68042391	68051659	644	132	0.204969	675	119	0.176296	656	80	0.121951	87	0	0	210	7	0.033333	530	95	0.179245	584	123	0.210616	647	134	0.20711	296	9	0.030405	198	20	0.10101	44	0	0
XR_87475	102633226	Gm31107	chr14	68042391	68051659	644	132	0.204969	675	119	0.176296	656	80	0.121951	87	0	0	210	7	0.033333	530	95	0.179245	584	123	0.210616	647	134	0.20711	296	9	0.030405	198	20	0.10101	44	0	0
XR_87475	102633226	Gm31107	chr14	68042391	68046377	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87475	102633392	Gm31227	chr14	68437418	68496859	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87475	105245799	Gm41190	chr14	68436478	68461268	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87475	105245799	Gm41190	chr14	68436478	68461704	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87475	105245799	Gm41190	chr14	68436478	68461704	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87475	105245800	Gm41191	chr14	68539967	68543639	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87476	105245801	Gm41192	chr14	69024302	69030490	322	205	0.636646	352	215	0.610795	333	231	0.693694	44	37	0.840909	88	53	0.602273	266	150	0.56391	267	150	0.561798	302	165	0.546358	165	113	0.684848	73	34	0.465753	10	0	0
XR_87476	105245802	Gm37762	chr14	69201500	69213378	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87476	102636146	Gm27177	chr14	69591398	69640470	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87476	102636146	Gm27177	chr14	69581540	69640466	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87477	105245804	Gm41194	chr14	69522656	69532121	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87477	100862085	Gm16867	chr14	69363290	69503041	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87477	100862085	Gm16867	chr14	69418946	69503794	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87478	105245807	Gm41197	chr14	69304406	69313871	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87478	102636467	Gm33524	chr14	70020505	70059691	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87478	102636467	Gm33524	chr14	70020505	70063615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87478	105245808	Gm41198	chr14	69974258	69995327	372	69	0.185484	289	60	0.207612	333	69	0.207207	53	13	0.245283	89	27	0.303371	363	100	0.275482	273	108	0.395604	252	80	0.31746	70	14	0.2	149	64	0.42953	62	12	0.193548
XR_87479	102636905	Gm26908	chr14	70203419	70218044	165	131	0.793939	150	111	0.74	111	94	0.846847	20	16	0.8	121	102	0.842975	241	205	0.850622	105	80	0.761905	120	100	0.833333	107	81	0.757009	106	88	0.830189	35	32	0.914286
XR_87479	102636905	Gm26908	chr14	70203407	70210665	165	131	0.793939	150	111	0.74	111	94	0.846847	20	16	0.8	121	102	0.842975	241	205	0.850622	105	80	0.761905	120	100	0.833333	107	81	0.757009	106	88	0.830189	35	32	0.914286
XR_87479	102636905	Gm26908	chr14	70205111	70210665	867	115	0.132641	871	82	0.094145	889	53	0.059618	185	23	0.124324	311	46	0.14791	991	141	0.142281	829	60	0.072376	1052	62	0.058935	258	45	0.174419	315	25	0.079365	36	0	0
XR_87480	102642339	Gm38605	chr14	70636058	70640120	758	168	0.221636	820	180	0.219512	760	147	0.193421	118	45	0.381356	285	78	0.273684	746	223	0.298928	814	208	0.255528	713	207	0.290323	214	36	0.168224	352	141	0.400568	102	21	0.205882
XR_87480	102637699	Gm34442	chr14	70789584	70801984	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87480	102637773	Gm34500	chr14	70837501	70850391	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	37	27	0.72973	30	22	0.733333	16	7	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87480	102637773	Gm34500	chr14	70828405	70850391	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	37	27	0.72973	30	22	0.733333	16	7	0.4375	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A

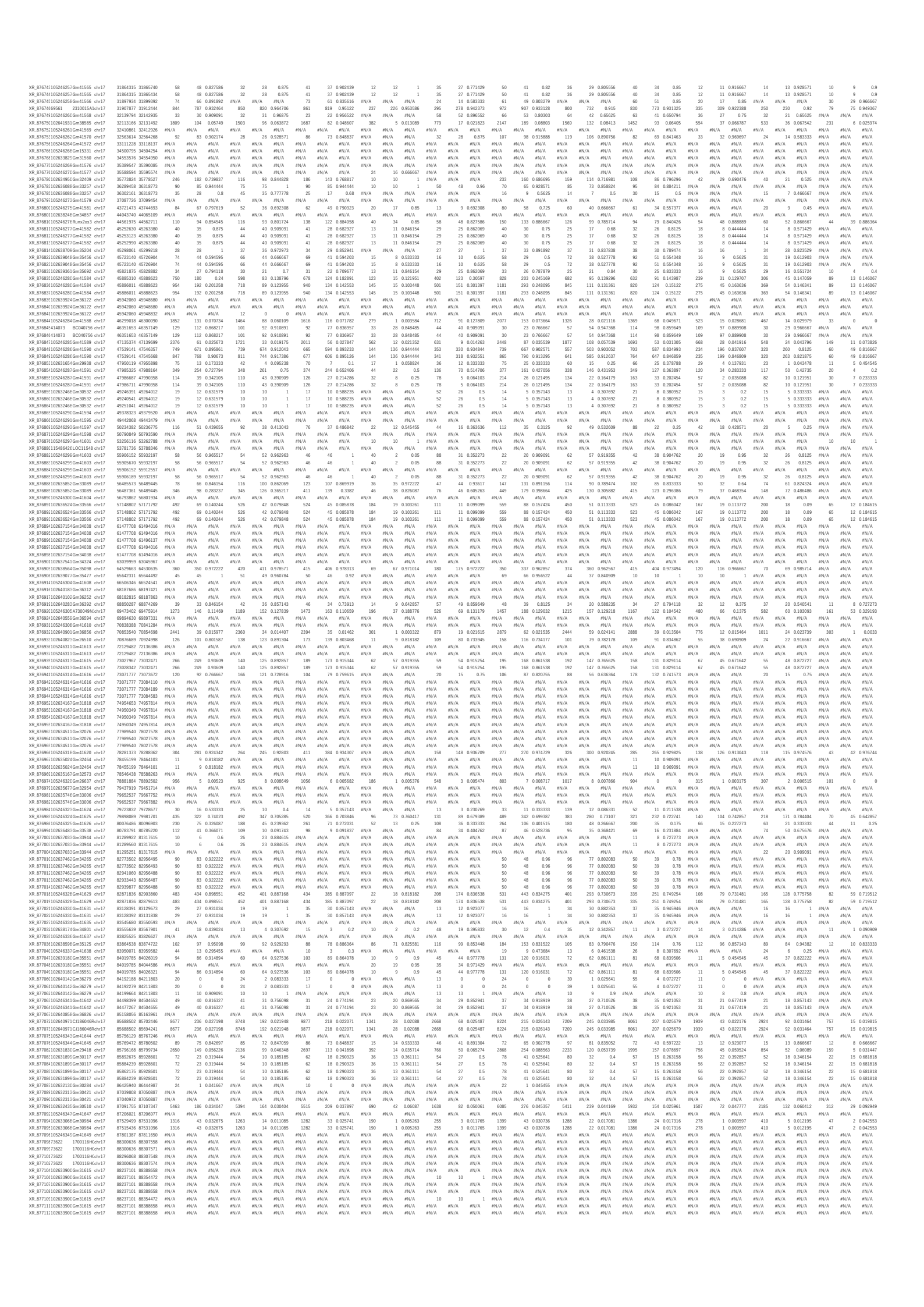




XR_87552	105246007	Gm41374	chr15	84708698	84713818	153	51	0.333333	120	28	0.233333	156	59	0.378205	#N/A	#N/A	#N/A	143	58	0.405594	177	65	0.367232	118	31	0.262712	99	15	0.151515	86	31	0.360465	63	30	0.47619	10	1	0.1
XR_87552	105243769	Gm39558	chr15	84988035	85004607	532	2	0.003759	547	3	0.005484	568	5	0.008803	84	0	0	189	1	0.005291	603	4	0.006633	587	5	0.008518	627	6	0.009569	#N/A	#N/A	#N/A	189	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87552	105243769	Gm39558	chr15	84988035	84994001	532	2	0.003759	547	3	0.005484	568	5	0.008803	84	0	0	189	1	0.005291	603	4	0.006633	587	5	0.008518	627	6	0.009569	#N/A	#N/A	#N/A	189	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87553	105243769	Gm39558	chr15	85001457	85006203	79	54	0.683544	94	56	0.595745	110	76	0.690909	12	7	0.583333	75	47	0.626667	170	80	0.470588	119	31	0.260504	79	41	0.518987	46	33	0.717391	104	28	0.269231	13	3	0.230769
XR_87553	105243769	Gm39558	chr15	84988035	85004607	532	2	0.003759	547	3	0.005484	568	5	0.008803	84	0	0	189	1	0.005291	603	4	0.006633	587	5	0.008518	627	6	0.009569	#N/A	#N/A	#N/A	189	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87553	105246008	Gm15722	chr15	86085365	86091316	96	72	0.75	81	63	0.777778	103	88	0.854369	#N/A	#N/A	#N/A	74	62	0.837838	93	69	0.741935	58	42	0.724138	95	58	0.610526	12	3	0.25	71	41	0.577465	20	17	0.85
XR_87553	105246009	Gm41375	chr15	86053567	86058616	5293	64	0.012091	4425	46	0.010395	4796	64	0.013344	662	23	0.034743	1482	9	0.006073	5004	62	0.01239	4536	60	0.013228	4622	57	0.012332	1437	4	0.002784	1927	7	0.003633	639	2	0.00313
XR_87553	75160	4930543I0	chr15	86704157	86766134	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_87554	75160	4930543I0	chr15	86704157	86724583	359	292	0.81337	361	314	0.869806	366	306	0.836066	144	114	0.791667	259	230	0.888031	447	379	0.847875	305	206	0.67541	330	229	0.693939	154	105	0.681818	226	170	0.752212	85	58	0.682353
XR_87554	102638997	Gm35422	chr15	87454488	87469666	130	47	0.361538	105	47	0.447619	150	72	0.48	10	7	0.7	59	29	0.491525	105	56	0.533333	112	34	0.303571	115	33	0.286957	18	7	0.388889	41	13	0.317073	12	9	0.75
XR_87554	102638997	Gm35422	chr15	87454022	87469666	130	47	0.361538	105	47	0.447619	150	72	0.48	10	7	0.7	59	29	0.491525	105	56	0.533333	112	34	0.303571	115	33	0.286957	18	7	0.388889	41	13	0.317073	12	9	0.75
XR_87554	102639243	Gm35599	chr15	87803896	87921945	#N/A	#N/A	#N/A	27	16	0.592593	23	19	0.826087	#N/A	#N/A	#N/A	16	12	0.75	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87555	105246010	Gm41376	chr15	88215214	88217999	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87555	105246011	4930445N	chr15	88222674	88315630	246	202	0.821138	274	225	0.821168	302	240	0.794702	46	40	0.869565	138	107	0.775362	243	178	0.73251	156	113	0.724359	220	146	0.663636	92	45	0.48913	108	69	0.638889	44	29	0.659091
XR_87555	105246011	4930445N	chr15	88241457	88315630	246	202	0.821138	274	225	0.821168	302	240	0.794702	46	40	0.869565	138	107	0.775362	243	178	0.73251	156	113	0.724359	220	146	0.663636	92	45	0.48913	108	69	0.638889	44	29	0.659091
XR_87555	105246011	4930445N	chr15	88222674	88317175	262	203	0.774809	277	218	0.787004	279	213	0.763441	46	40	0.869565	158	116	0.734177	251	179	0.713147	124	91	0.733871	162	102	0.62963	111	73	0.657658	103	58	0.563107	24	15	0.625
XR_87555	105246011	4930445N	chr15	88222674	88315630	246	202	0.821138	274	225	0.821168	302	240	0.794702	46	40	0.869565	138	107	0.775362	243	178	0.73251	156	113	0.724359	220	146	0.663636	92	45	0.48913	108	69	0.638889	44	29	0.659091
XR_87555	105246011	4930445N	chr15	88222674	88315630	246	202	0.821138	274	225	0.821168	302	240	0.794702	46	40	0.869565	138	107	0.775362	243	178	0.73251	156	113	0.724359	220	146	0.663636	92	45	0.48913	108	69	0.638889	44	29	0.659091
XR_87555	102639540	Gm35831	chr15	88422025	88514419	89	80	0.898876	67	60	0.895522	83	76	0.915663	10	9	0.9	57	47	0.824561	109	99	0.908257	95	80	0.842105	95	81	0.852632	38	30	0.789474	52	39	0.75	10	2	0.2
XR_87556	105246012	Gm41377	chr15	88734121	88742156	7119	52	0.007304	8063	67	0.00831	8086	71	0.008781	923	6	0.006501	1997	14	0.007011	7037	37	0.005258	6951	43	0.006186	6635	46	0.006933	1701	11	0.006467	2194	7	0.003191	555	2	0.003604
XR_87556	102642900	Gm38643	chr15	88895760	88899582	232	103	0.443966	243	71	0.292181	283	75	0.265018	24	6	0.25	116	49	0.422414	252	158	0.626984	196	104	0.530612	190	129	0.678947	94	44	0.468085	128	78	0.609375	20	16	0.8
XR_87556	102642900	Gm38643	chr15	88885491	88899582	89	80	0.898876	72	68	0.944444	84	78	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	86	79	0.918605	68	62	0.911765	56	50	0.892857	56	52	0.928571	56	49	0.875	56	50	0.892857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87556	102642900	Gm38643	chr15	88893240	88899582	377	128	0.339523	328	62	0.189024	373	88	0.235925	37	8	0.216216	152	72	0.473684	329	168	0.510638	258	130	0.503876	279	122	0.437276	111	35	0.315315	163	84	0.515337	34	17	0.5
XR_87556	105246016	C730034F	chr15	89429523	89440351	1074	12	0.011173	1248	9	0.007212	1048	8	0.007634	#N/A	#N/A	#N/A	210	3	0.014286	1051	7	0.00666	1233	8	0.006488	1085	2	0.001843	262	0	0	216	1	0.00463	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87556	105246016	C730034F	chr15	89430015	89444425	1074	12	0.011173	1248	9	0.007212	1048	8	0.007634	#N/A	#N/A	#N/A	210	3	0.014286	1051	7	0.00666	1233	8	0.006488	1085	2	0.001843	262	0	0	216	1	0.00463	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87557	105246016	C730034F	chr15	89430015	89446879	1074	12	0.011173	1248	9	0.007212	1048	8	0.007634	#N/A	#N/A	#N/A	210	3	0.014286	1051	7	0.00666	1233	8	0.006488	1085	2	0.001843	262	0	0	216	1	0.00463	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87557	102640207	Gm36330	chr15	90045020	90075277	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	12	0.857143	41	24	0.585366
XR_87558	115486415	LOC11548	chr15	92364936	92366929	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87558	102641118	Gm38535	chr15	93165229	93204866	339	322	0.949853	466	447	0.959227	431	409	0.948956	75	70	0.933333	111	109	0.981982	310	291	0.93871	293	238	0.812287	323	285	0.882353	134	127	0.947761	132	99	0.75	72	66	0.916667
XR_87558	102632199	Gm30339	chr15	93706468	93741854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87558	102632199	Gm30339	chr15	93706466	93741854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87559	102632199	Gm30339	chr15	93706449	93738513	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87559	102632199	Gm30339	chr15	93732690	93741854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87559	102632199	Gm30339	chr15	93706467	93741854	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87559	105246024	Gm41386	chr15	93698941	93712755	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87559	105246024	Gm41386	chr15	93698941	93712755	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87559	105246024	Gm41386	chr15	93697415	93712755	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87559	105246024	Gm41386	chr15	93698941	93712768	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87559	105246024	Gm41386	chr15	93705485	93712755	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87559	105246024	Gm41386	chr15	93698941	93712755	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87560	105246024	Gm41386	chr15	93698941	93712755	256	141	0.550781	232	139	0.599138	230	124	0.53913	52	36	0.692308	130	94	0.723077	219	139	0.634703	196	116	0.591837	218	106	0.486239	94	62	0.659574	89	57	0.640449	20	12	0.6
XR_87560	105246025	Gm41387	chr15	93660175	93698646	#N/A	#N/A	#N/A	24	19	0.791667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87560	102633097	Gm31007	chr15	94889176	94895188	493	452	0.916836	434	395	0.910138	485	452	0.931959	85	75	0.882353	262	226	0.862595	510	431	0.845098	435	332	0.763218	375	297	0.792	185	133	0.718919	233	161	0.690987	162	108	0.666667
XR_87560	102633185	Gm31075	chr15	95183061	95203767	15	11	0.733333	39	35	0.897436	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	24	13	0.541667	35	13	0.371429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87560	102633185	Gm31075	chr15	95183061	95203767	15	11	0.733333	39	35	0.897436	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	12	0.923077	24	13	0.541667	35	13	0.371429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87561	105246027	Gm41389	chr15	95897656	95911885	219	197	0.899543	186	177	0.951613	214	188	0.878505	55	54	0.981818	94	88	0.93617	226	209	0.924779	198	181	0.914141	189	166	0.878307	62	43	0.693548	93	88	0.946237	62	58	0.935484
XR_87561	791370	A130051J0	chr15	95787889	95796229	28	27	0.964286	#N/A	#N/A	#N/A	72	65	0.902778	#N/A	#N/A	#N/A	54	50	0.925926	60	57	0.95	28	22	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87561	791370	A130051J0	chr15	95787889	95790168	3235	160	0.049459	2859	181	0.063309	3537	162	0.045802	829	26	0.031363	844	67	0.079384	3672	249	0.06781	3413	198	0.058013	2884	178	0.06172	823	31	0.037667	1326	116	0.087481	626	6	0.009585
XR_87561	791370	A130051J0	chr15	95787889	95794345	58	51	0.87931	22	20	0.909091	86	77	0.895349	#N/A	#N/A	#N/A	54	50	0.925926	91	84	0.923077	59	50	0.847458	35	27	0.771429	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87561	791370	A130051J0	chr15	95787889	95804461	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87562	105246030	Gm41392	chr15	96494472	96498764	133	97	0.729323	114	82	0.719298	123	86	0.699187	52	41	0.788462	69	51	0.73913	160	118	0.7375	135	111	0.822222	96	72	0.75	56	40	0.714286	75	41	0.546667	23	10	0.434783
XR_87562	105246030	Gm41392	chr15	96494472	96498764	133	97	0.729323	114	82	0.719298	123	86	0.699187	52	41	0.788462	69	51	0.73913	160	118	0.7375	135	111	0.822222	96	72	0.75	56	40	0.714286	75	41	0.546667	23	10	0.434783
XR_87562	102634946	Gm32406	chr15	96515750	96518387	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87562	102634946	Gm32406	chr15	96515750	96518387	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	#N/A	#N/A	#N/A	24	17	0.708333	#N/A	#N/A	#N/A	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87562	102635376	Gm32733	chr15	97102525	97107514	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87562	102635456	Gm32789	chr15	97067187	97069320	17	1	0.058824	#N/A	#N/A	#N/A	11	1	0.090909	#N/A	#N/A	#N/A	26	17	0.653846	73	46	0.630137	70	41	0.585714	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	33	14	0.424242	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87562	102635530	Gm32840	chr15	97044140	97106932	304	179	0.588816	238	114	0.478992	288	113	0.392361	76	45	0.592105	179	109	0.608939	324	182	0.561728	273	118	0.432234	275	117	0.425455	154	75	0.487013	109	42	0.385321	54	16	0.296296
XR_87563	102636012	Gm33205	chr15	97187415	97203772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	102636012	Gm33205	chr15	97187415	97203772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	102636012	Gm33205	chr15	97198303	97203772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	102636012	Gm33205	chr15	97195728	97203772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	102636012	Gm33205	chr15	97187415	97203772	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	105246031	Gm41393	chr15	97403665	97407047	31	20	0.645161	16	8	0.5	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	14	7	0.5	15	8	0.533333	34	11	0.323529	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	105246031	Gm41393	chr15	97394644	97407047	31	20	0.645161	16	8	0.5	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	14	7	0.5	15	8	0.533333	34	11	0.323529	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87563	105246031	Gm41393	chr15	97403665	97407047	31	20	0.645161	16	8	0.5	40	21	0.525	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	14	7	0.5	15	8	0.533333	34	11	0.323529	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87564	102636188	Gm33325	chr15	97338169	97357451	245	239	0.97551	311	300	0.96463	273	259	0.948718	65	62	0.953846	112	107	0.955357	235	223	0.948936	245	214	0.873469	284	245	0.862676	95	88	0.926316	48	42	0.875	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87564	102636188	Gm33325	chr15	97338169	97343210	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87564	105246032	Gm41394	chr15	97611210	97620274	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87564	105246033	Gm41395	chr15	98029216	98036849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87564	105246034	B430209F	chr15	98955333	98979356	508	13	0.025591	471	7	0.014862	506	13	0.025692	99	1	0.010101	218	5	0.022936	481	4	0.008316	367	3	0.008174	502	3	0.005976	66	0	0	111	0	0	93	0	0
XR_87565	105246034	B430209F	chr15	98955333	98979356	508	13	0.025591	471	7	0.014862	506	13	0.025692	99	1	0.010101	218	5	0.022936	481	4	0.008316	367	3	0.008174	502	3	0.005976	66	0	0	111	0	0	93	0	0
XR_87565	105246037	Gm41398	chr15	99015373	99024281	115	96	0.834783	150	131	0.873333	140	118	0.842857	#N/A	#N/A	#N/A	70	61	0.871429	75	68	0.906667	85	74	0.870588	100	87	0.87	65	47	0.723077	60	53	0.883333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87565	105246038	Gm41399	chr15	99041236	99051835	509	299	0.587426	361	171	0.473684	524	262	0.5	50	1	0.02	66	26	0.393939	590	369	0.625424	328	176	0.536585	480	211	0.439583	115	72	0.626087	85	32	0.376471	22	0	0
XR_87565	102638128	Gm34765	chr15	99594712	99601542	323	251	0.77709	272	204	0.75	262	211	0.805344	38	33	0.868421	99	86	0.868687	360	257	0.713889	310	191	0.616129	217	143	0.658986	189	118	0.624339	107	65	0.607477	71	61	0.859155
XR_87566	102638128	Gm34765	chr15	99575652	99601542	323	251	0.77709	272	204	0.75	262	211	0.805344	38	33	0.868421	99	86	0.868687	360	257	0.713889	310	191	0.616129	217	143	0.658986	189	118	0.624339	107	65	0.607477	71	61	0.859155
XR_87566	102638279	Gm34880	chr15	99664364	99669856	4229	151	0.035706	4233	117	0.02764	5016	148	0.029506	812	49	0.060345	849	23	0.027091	4004	186	0.046454	3196	106	0.033166	3470	131	0.037752	1013	21	0.020731	1073	48	0.044734	323	2	0.006192
XR_87566	105246040	1700121M	chr15	99914964	99920299	153	90	0.588235	149	79	0.530201	146	71	0.486301	#N/A	#N/A	#N/A	62	37	0.596774	75	45	0.6	85	52	0.611765	55	35	0.636364	70	33	0.471429	107	57	0.53271	50	33	0.66
XR_87566	105246041	Gm41401	chr15	1.01E+08	1.01E+08	416	312	0.75	412	341	0.82767	446	369	0.827354	116	96	0.827586	183	138	0.754098	400	306	0.765	226	144	0.637168	389	263	0.676093	135	89	0.659259	182	104	0.571429	111	67	0.603604
XR_87566	102639209	Gm35569	chr15	1.01E+08	1.01E+08	236	127	0.538136	194	104	0.536082	186	94	0.505376	94	51	0.542553	107	63	0.588785	242	97	0.400826	144	82	0.569444	185	92	0.497297	100	33	0.33	92	38	0.413043	16	13	0.8125
XR_87566	105246042	Gm41402	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87566	105246043	Gm41403	chr15	1.01E+08	1.01E+08	73	24	0.328767	13	8	0.615385	22	6	0.272727	13	8	0.615385	11	8	0.727273	80	22	0.275	40	22	0.55	31	21	0.677419	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87566	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	84	78	0.928571	99	96	0.969697	98	94	0.959184	15	13	0.866667	33	33	1	81	78	0.962963	87	80	0.91954	81	75	0.925926	22	14	0.636364	30	26	0.866667	12	8	0.666667
XR_87566	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	84	78	0.928571	99	96	0.969697	98	94	0.959184	15	13	0.866667	33	33	1	81	78	0.962963	87	80	0.91954	81	75	0.925926	22	14	0.636364	30	26	0.866667	12	8	0.666667
XR_87567	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	10	6	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	32	0.533333	#N/A	#N/A	#N/A	13	5	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87567	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	9	0.692308	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87567	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87567	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87567	102639573	Gm35853	chr15	1.01E+08	1.01E+08	84	78	0.928571	99	96	0.969697	98	94	0.959184	15	13	0.866667	33	33	1	81	78	0.962963	87	80	0.91954	81	75	0.925926	22	14	0.636364	30	26	0.866667	12	8	0.666667
XR_87567	102639385	Gm671	chr15	1.01E+08	1.01E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	16	0.8	30	20	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	3	0.25	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87567	102639799	Gm36026	chr15	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	11	0.333333	65	7	0.107692	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87567	105246044	Gm41404	chr15	1.02E+08	1.02E+08	266	85	0.319549	298	49	0.16443	228	52	0.22807	24	4	0.166667	128	47	0.367188	295	95	0.322034	218	43	0.197248	265	60	0.226415	143	30	0.20979	200	55	0.275	11	2	0.181818
XR_87568	105246045	Gm41405	chr15	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	432988	Gm9918	chr15	1.02E+08	1.02E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	105	7	0.066667	56	1	0.017857	70	4	0.057143	20	1	0.05	24	7	0.291667	78	7	0.089744	88	1	0.011364	84	12	0.142857	32	2	0.0625	30	2	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87568	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87569	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87569	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87569	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87569	102640519	Gm36560	chr15	1.03E+08	1.03E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87569	102632344	Gm28876	chr15	1.03E+08	1.03E+08	1706	37	0.021688	1637	25	0.015272	1766	21	0.011891	297	11	0.037037	754	10	0.013263	1767	24	0.013582	1552	17	0.010954	1684	30	0.017815	444	4	0.009009	508	15	0.029528	119	1	0.008403
XR_87569	102632344	Gm28876	chr15	1.03E+08	1.03E+08	110	90	0.818182	98	89	0.908163	117	109	0.931624	30	29	0.966667	66	56	0.848485	124	119	0.959677	56	55	0.982143	133	122	0.917293	63	54	0.857143	57	56	0.982456	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87569	102632344	Gm28876	chr15	1.03E+08	1.03E+08	1706	37	0.021688	1637	25	0.015272	1766	21	0.011891	297	11	0.037037	754	10	0.013263	1767	24	0.013582	1552	17	0.010954	1684	30	0.017815	444	4	0.009009	508	15	0.029528	119	1	0.008403
XR_87572	12667	Chrd	chr16	20733050	20742382	3694	69	0.018679	3904	33	0.008453	3894	72	0.01849	605	22	0.036364	901	11	0.012209	4052	81	0.01999	3508	87	0.0248	4148	73	0.017599	754	14	0.018568	1122	9	0.008021	11	2	0.181818
XR_87573	16180	Il1rap	chr16	26581509	26730128	1192	41	0.034396	918	42	0.045752	1147	36	0.031386	346	1	0.00289	528	27	0.051136	1249	54	0.043235	1082	14	0.012939	860	23	0.026744	551	14	0.025408	355	15	0.042254	12	12	1
XR_87574	20357	Sema5b	chr16	35541154	35664261	4652	102	0.021926	5111	104	0.020348	5347	92	0.017206	347	5	0.014409	1663	34	0.020445	4654	159	0.034164	4750	132	0.027789	4742	136	0.02868	1272	44	0.034591	1558	34	0.021823	396	8	0.020202
XR_87576	212517	Cfap44	chr16	44394742	44468391	251	93	0.370518	235	88	0.374468	246	82	0.333333	12	1	0.083333	126	38	0.301587	210	62	0.295238	184	57	0.309783	196	77	0.392857	162	64	0.395062	106	49	0.462264	40	38	0.95
XR_87577	224014	Fgd4	chr16	16461716	16600207	2588	22	0.008501	2423	14	0.005778	2390	26	0.010879	254	0	0	760	5	0.006579	2184	22	0.010073	2123	8	0.003768	2222	15	0.006751	610	0	0	828	6	0.007246	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87577	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576754	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_87578	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576754	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_87578	224022	Slc7a4	chr16	17572946	17576637	177	0	0	147	1	0.006803	249	6	0.024096	93	2	0.021505	55	1	0.018182	186	3	0.016129	174	3	0.017241	146	0	0	90	0	0	76	1	0.013158	36	0	0
XR_87580	245308	Zdhhc19	chr16	32496241	32506021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87580	268857	Nlrc3	chr16	3943807	3979017	76	72	0.947368	90	86	0.955556	121	120	0.991736	#N/A	#N/A	#N/A	93	87	0.935484	111	109	0.981982	87	87	1	93	90	0.967742	89	85	0.955056	74	71	0.959459	11	11	1
XR_87582	320007	Sidt1	chr16	44240177	44333212	567	13	0.022928	526	16	0.030418	495	5	0.010101	55	1	0.018182	181	7	0.038674	461	11	0.023861	509	35	0.068762	396	19	0.04798	194	12	0.061856	218	8	0.036697	60	3	0.05
XR_87583	56375	B4galt4	chr16	38751128	38768849	149	134	0.899329	98	85	0.867347	133	122	0.917293	20	17	0.85	36	31	0.861111	66	51	0.772727	122	87	0.713115	87	67	0.770115	43	26	0.604651	42	32	0.761905	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87583	66793	Efcab1	chr16	14906224	14965910	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87585	74685	Lrrc74b	chr16	17548716	17561326	383	54	0.140992	198	20	0.10101	339	44	0.129794	#N/A	#N/A	#N/A	147	17	0.115646	443	97	0.218962	231	20	0.08658	249	38	0.15261	120	2	0.016667	39	6	0.153846	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87585	105246058	Gm41409	chr16	3775742	3778357	144	136	0.944444	132	128	0.969697	163	155	0.95092	#N/A	#N/A	#N/A	60	59	0.983333	44	41	0.931818	132	126	0.954545	132	126	0.954545	92	81	0.880435	48	44	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87586	102640245	Gm36359	chr16	4264712	4284307	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87586	105246062	D330022H	chr16	4590940	4594255	3926	191	0.04865	3930	193	0.049109	4071	177	0.043478	411	12	0.029197	1070	24	0.02243	4112	86	0.020914	3811	51	0.013382	4839	62	0.012813	596	6	0.010067	931	7	0.007519	164	3	0.018293
XR_87587	105246066	Gm41416	chr16	5483865	5484954	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87587	102640856	Gm36824	chr16	6086606	6106730	20	15	0.75	14	10	0.714286	14	14	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	11	0.846154	14	7	0.5	20	7	0.35	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87587	102631650	Gm29936	chr16	8338906	8362347	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87587	102631650	Gm29936	chr16	8341767	8365012	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87587	102631751	Gm30012	chr16	8459072	8471155	977	23	0.023541	697	18	0.025825	1065	27	0.025352	239	6	0.025105	320	39	0.121875	1253	44	0.035116	840	13	0.015476	729	22	0.030178	288	4	0.013889	413	13	0.031477	203	3	0.014778
XR_87588	102632348	Gm30444	chr16	9005360	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87588	102632348	Gm30444	chr16	9005360	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632348	Gm30444	chr16	9005360	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632348	Gm30444	chr16	9005360	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632348	Gm30444	chr16	9005360	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632348	Gm30444	chr16	9005360	9007799	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632348	Gm30444	chr16	9004284	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632348	Gm30444	chr16	9003488	9007239	123	70	0.569106	101	77	0.762376	103	58	0.563107	#N/A	#N/A	#N/A	51	30	0.588235	139	69	0.496403	156	70	0.448718	118	38	0.322034	37	18	0.486486	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	105246068	Gm41418	chr16	9279972	9290565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	105246068	Gm41418	chr16	9279972	9290565	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87589	102632646	Gm30668	chr16	10003960	10005988	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87590	105246069	Gm41419	chr16	10371350	10378925	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87590	105246070	Gm41420	chr16	10470003	10473103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87590	100503866	Gm15558	chr16	10670659	10683609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87590	100503866	Gm15558	chr16	10670659	10683609	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87591	78790	4930414F1	chr16	12765794	12834942	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87591	108167340	LOC10816	chr16	12734435	12735309	41	38	0.926829	58	56	0.965517	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A	24	24	1	34	32	0.941176	28	20	0.714286	20	17	0.85	22	17	0.772727	14	11	0.785714	22	18	0.818182
XR_87591	102642616	Gm38619	chr16	12704374	12711595	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87591	102642421	Gm45919	chr16	12563490	12684245	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87592	105246073	Gm41421	chr16	13436504	13440201	456	67	0.14693	406	69	0.169951	340	74	0.217647	90	1	0.011111	263	39	0.148289	430	56	0.130233	558	66	0.11828	217	61	0.281106	347	1	0.002882	324	59	0.182099	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87593	105246075	Gm41423	chr16	15101376	15114218	39	19	0.487179	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	10	5	0.5	25	14	0.56	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	4	0.307692	24	5	0.208333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87593	105246076	Gm41424	chr16	15490234	15529006	115	112	0.973913	96	93	0.96875	117	111	0.948718	#N/A	#N/A	#N/A	68	62	0.911765	74	68	0.918919	168	144	0.857143	34	22	0.647059	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87593	105246077	Gm41425	chr16	15863437	15877478	1129	62	0.054916	1188	67	0.056397	923	67	0.072589	46	12	0.26087	506	28	0.055336	1030	66	0.064078	1041	64	0.061479	953	44	0.04617	421	24	0.057007	396	4	0.010101	187	34	0.181818
XR_87593	105246080	Gm41427	chr16	17936110	17944289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87593	105246080	Gm41427	chr16	17936110	17944289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87593	105246080	Gm41427	chr16	17936110	17944289	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87594	102638009	Gm34679	chr16	18169515	18174348	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87594	102638083	Ccdc188	chr16	18217661	18220025	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	23	22	0.956522	28	25	0.892857	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87594	102638849	Gm15764	chr16	18413588	18424381	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87594	105246081	Gm41428	chr16	18731773	18734266	78	74	0.948718	108	105	0.972222	84	82	0.97619	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	73	66	0.90411	64	59	0.921875	67	57	0.850746	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87594	105246082	Gm41429	chr16	18696724	18718994	778	96	0.123393	564	122	0.216312	643	95	0.147745	214	21	0.098131	388	39	0.100515	779	112	0.143774	635	69	0.108661	629	113	0.17965	296	50	0.168919	350	48	0.137143	236	26	0.110169
XR_87594	102639174	Gm35545	chr16	19218502	19245178	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A

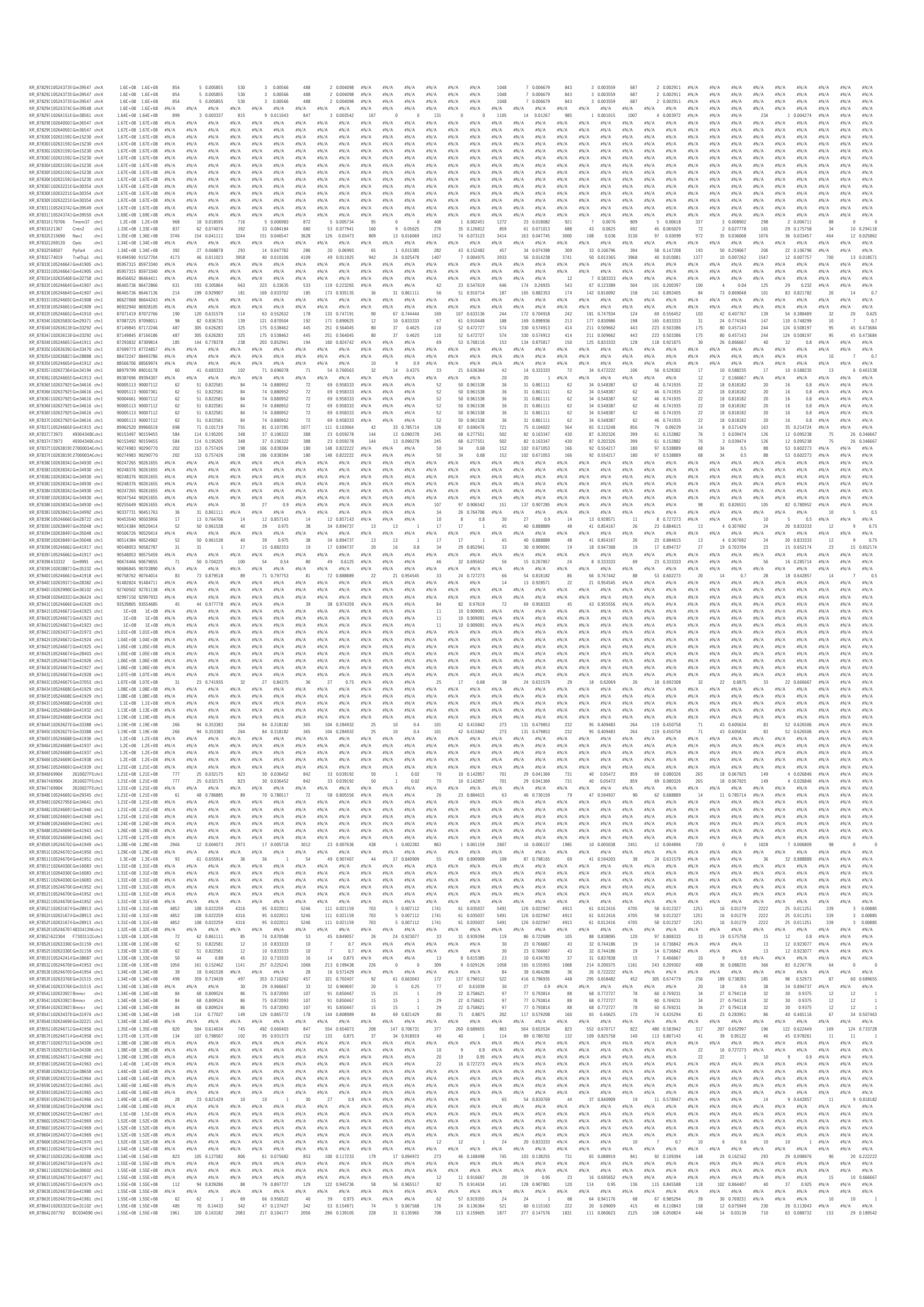


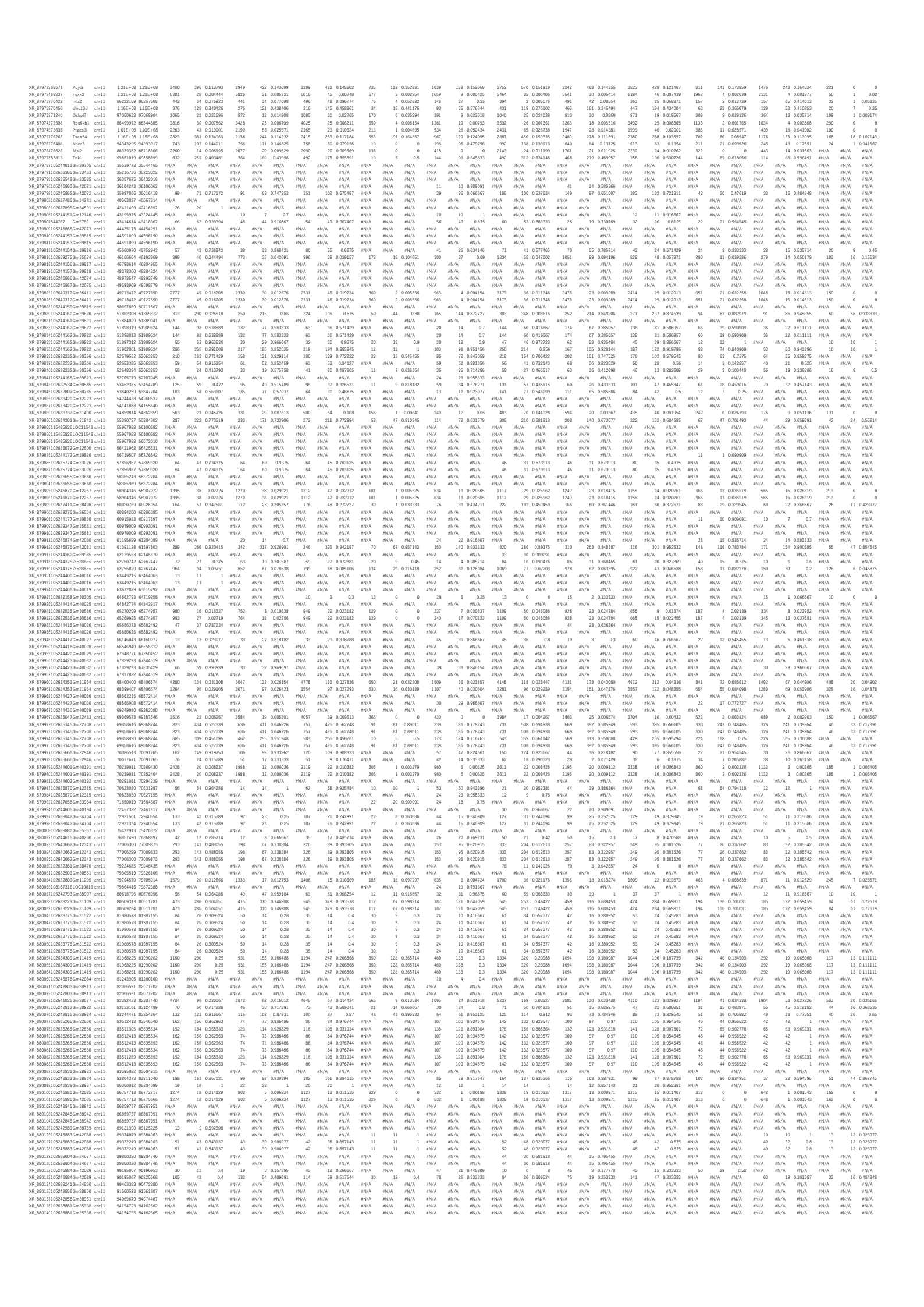


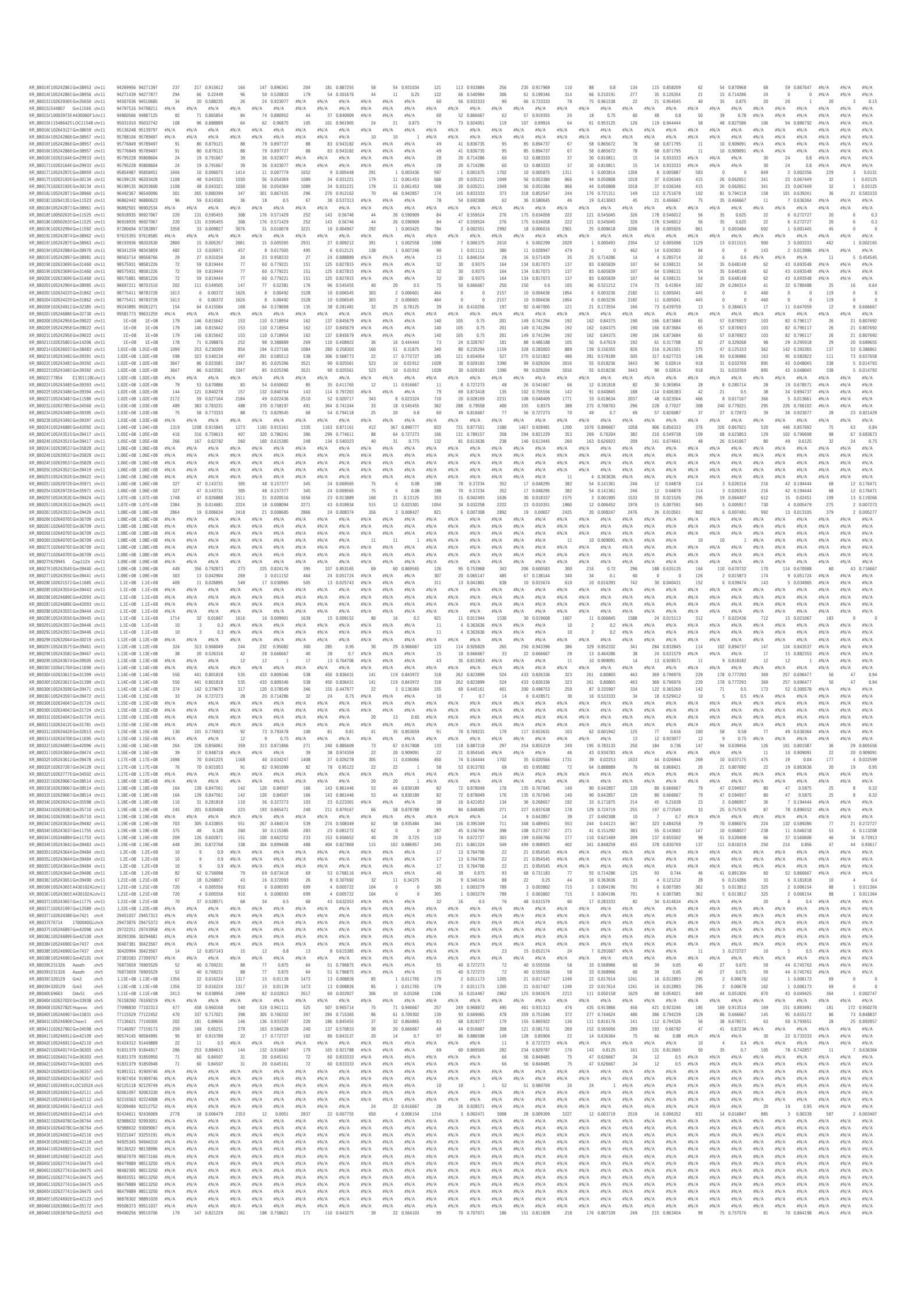


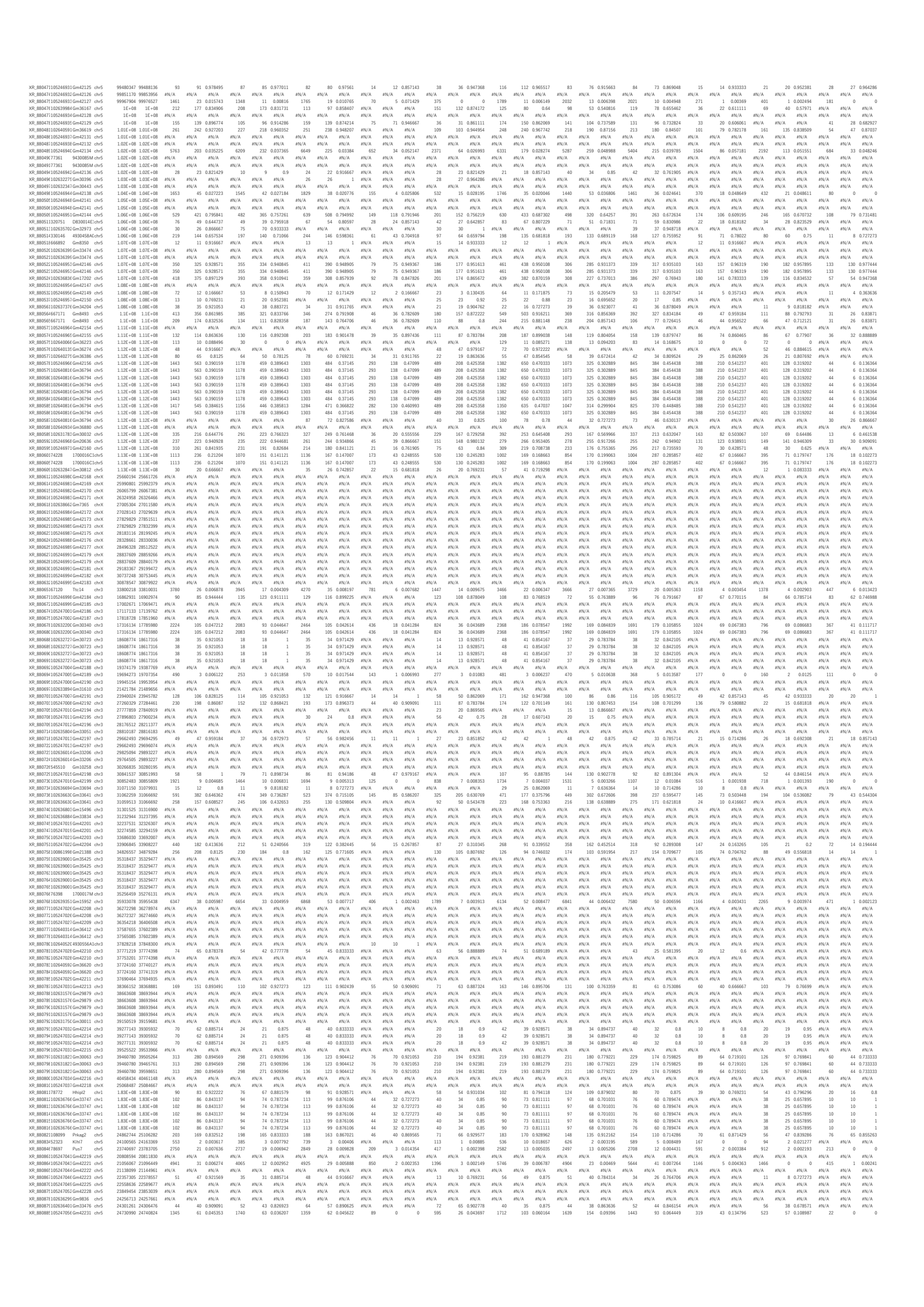
XR_87711	102633900	Gm31615	chr17	88237101	88388658	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87711	105246353	Gm41653	chr17	89958752	89976632	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87711	102634850	Gm32337	chr17	90461922	90509418	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87711	102635088	Gm32512	chr17	94164557	94176816	#N/A	#N/A	#N/A	11	5	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	19	9	0.473684	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87712	101056014	AY036118	chr17	39848112	39898385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87713	108167336	Gm45947	chr18	60257185	60271350	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87713	68591	Mocos	chr18	24653492	24695960	1769	123	0.069531	1457	117	0.080302	1665	133	0.07988	333	45	0.135135	589	56	0.095076	1685	142	0.084273	1537	90	0.058556	1597	125	0.078272	395	61	0.15443	475	42	0.088421	170	24	0.141176
XR_87714	72504	Taf4b	chr18	14783201	14960424	4553	143	0.031408	4778	166	0.034743	4600	148	0.032174	336	65	0.193452	1645	41	0.024924	4256	158	0.037124	4505	128	0.028413	4773	199	0.041693	1097	21	0.019143	1664	42	0.02524	472	23	0.048729
XR_87715	105246358	Gm41657	chr18	4244121	4250779	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	5	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87715	105246359	Gm41658	chr18	4541612	4560697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87715	105246359	Gm41658	chr18	4541612	4562599	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	8	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87715	105246359	Gm41658	chr18	4541612	4553578	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87715	105246360	Gm41659	chr18	4908813	4912271	158	152	0.962025	173	168	0.971098	197	190	0.964467	22	21	0.954545	88	84	0.954545	170	166	0.976471	157	143	0.910828	102	95	0.931373	89	80	0.898876	68	64	0.941176	24	22	0.916667
XR_87715	105246360	Gm41659	chr18	4869777	4912271	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87715	105246360	Gm41659	chr18	4908813	4912271	158	152	0.962025	173	168	0.971098	197	190	0.964467	22	21	0.954545	88	84	0.954545	170	166	0.976471	157	143	0.910828	102	95	0.931373	89	80	0.898876	68	64	0.941176	24	22	0.916667
XR_87716	115486421	LOC11548	chr18	5136575	5142799	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87716	102638095	Gm34740	chr18	5887268	5889876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87716	102638095	Gm34740	chr18	5887268	5889876	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87716	105246363	Gm41662	chr18	6014253	6024013	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	105246364	Gm41663	chr18	6007711	6015278	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	105246364	Gm41663	chr18	6004578	6015278	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	105246365	Gm41664	chr18	6234863	6326693	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	102638402	Gm34979	chr18	7332445	7346738	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	105246366	Mir133a-1	chr18	10778306	10791393	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	105246367	Gm41665	chr18	11815710	11819550	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	20	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	4	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87717	105246368	Gm41666	chr18	11949342	11950435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87718	105246368	Gm41666	chr18	11949342	11950435	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87718	105246369	Gm41667	chr18	12121479	12122470	1101	3	0.002725	824	8	0.009709	984	6	0.006098	230	0	0	475	1	0.002105	1079	24	0.022243	946	10	0.010571	836	7	0.008373	491	16	0.032587	598	14	0.023411	192	2	0.010417
XR_87718	102640077	Gm36232	chr18	12409559	12422479	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87718	102640077	Gm36232	chr18	12413641	12425262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87718	105246371	Gm41668	chr18	12645444	12648649	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	50	12	0.24	39	13	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87718	105246371	Gm41668	chr18	12645444	12648506	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	6	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A	50	12	0.24	39	13	0.333333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87719	102640676	Gm36689	chr18	13453998	13456178	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87719	105246374	Gm41670	chr18	13546625	13601284	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87719	75176	4930543D	chr18	14894092	14899364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87719	105246376	Gm41672	chr18	15233049	15252008	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87720	105246377	Gm41673	chr18	16037135	16039879	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	12	10	0.833333	11	8	0.727273
XR_87720	105246378	Gm41674	chr18	17050571	17058297	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87720	102633111	Gm31018	chr18	17520585	17533929	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87720	105246379	Gm41675	chr18	21319305	21328075	206	193	0.936893	295	275	0.932203	190	178	0.936842	#N/A	#N/A	#N/A	80	67	0.8375	274	258	0.941606	296	268	0.905405	325	281	0.864615	125	112	0.896	50	49	0.98	50	41	0.82
XR_87720	105246379	Gm41675	chr18	21318771	21328075	206	193	0.936893	295	275	0.932203	190	178	0.936842	#N/A	#N/A	#N/A	80	67	0.8375	274	258	0.941606	296	268	0.905405	325	281	0.864615	125	112	0.896	50	49	0.98	50	41	0.82
XR_87720	102633947	Gm31646	chr18	21480493	21628198	190	179	0.942105	164	152	0.926829	172	161	0.936047	43	41	0.953488	110	104	0.945455	205	184	0.897561	172	142	0.825581	105	98	0.933333	77	63	0.818182	35	31	0.885714	54	49	0.907407
XR_87720	102633947	Gm31646	chr18	21480493	21628198	190	179	0.942105	164	152	0.926829	172	161	0.936047	43	41	0.953488	110	104	0.945455	205	184	0.897561	172	142	0.825581	105	98	0.933333	77	63	0.818182	35	31	0.885714	54	49	0.907407
XR_87720	102633947	Gm31646	chr18	21480493	21649595	190	179	0.942105	164	152	0.926829	172	161	0.936047	43	41	0.953488	110	104	0.945455	205	184	0.897561	172	142	0.825581	105	98	0.933333	77	63	0.818182	35	31	0.885714	54	49	0.907407
XR_87721	102633947	Gm31646	chr18	21480493	21628198	190	179	0.942105	164	152	0.926829	172	161	0.936047	43	41	0.953488	110	104	0.945455	205	184	0.897561	172	142	0.825581	105	98	0.933333	77	63	0.818182	35	31	0.885714	54	49	0.907407
XR_87721	102633947	Gm31646	chr18	21480493	21628198	190	179	0.942105	164	152	0.926829	172	161	0.936047	43	41	0.953488	110	104	0.945455	205	184	0.897561	172	142	0.825581	105	98	0.933333	77	63	0.818182	35	31	0.885714	54	49	0.907407
XR_87721	105246380	Gm41676	chr18	22334840	22344110	4661	88	0.01888	4091	45	0.011	4619	59	0.012773	792	8	0.010101	1241	25	0.020145	4309	91	0.021119	3785	33	0.008719	4204	55	0.013083	737	3	0.004071	1257	11	0.008751	91	0	0
XR_87722	105246381	Gm41677	chr18	24100531	24101558	280	189	0.675	268	206	0.768657	266	187	0.703008	#N/A	#N/A	#N/A	116	79	0.681034	335	255	0.761194	311	217	0.697749	250	173	0.692	114	71	0.622807	142	90	0.633803	44	24	0.545455
XR_87722	105246381	Gm41677	chr18	24100531	24104675	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87722	105246381	Gm41677	chr18	24100531	24103431	58	24	0.413793	60	30	0.5	62	26	0.419355	#N/A	#N/A	#N/A	42	16	0.380952	54	35	0.648148	64	24	0.375	56	29	0.517857	24	6	0.25	52	23	0.442308	22	11	0.5
XR_87722	105246381	Gm41677	chr18	24100531	24104675	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87722	102641609	Gm38565	chr18	24289768	24302611	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87722	102641609	Gm38565	chr18	24289768	24302611	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87722	102641609	Gm38565	chr18	24289768	24311021	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87722	102641609	Gm38565	chr18	24289768	24317390	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87723	102635129	Gm32547	chr18	24426143	24433457	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	11	11	1	10	9	0.9	10	8	0.8	15	15	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87723	102635129	Gm32547	chr18	24426143	24467699	1355	32	0.023616	1356	28	0.020649	1383	28	0.020246	282	2	0.007092	524	23	0.043893	1496	23	0.015374	1335	17	0.012734	1567	31	0.019783	398	16	0.040201	302	21	0.069536	94	12	0.12766
XR_87723	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87723	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87723	102636049	Gm33228	chr18	25821279	26212603	56	48	0.857143	65	48	0.738462	54	44	0.814815	#N/A	#N/A	#N/A	46	40	0.869565	76	54	0.710526	77	44	0.571429	61	40	0.655738	26	17	0.653846	14	8	0.571429	13	10	0.769231
XR_87723	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87723	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87723	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26216555	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26216555	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	26011605	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	26007676	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87724	102636049	Gm33228	chr18	26011605	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	11	3	0.272727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87725	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87725	102636049	Gm33228	chr18	26105091	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87725	102636049	Gm33228	chr18	25835804	26212603	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87725	105246385	Gm41679	chr18	26268359	26329872	114	93	0.815789	79	63	0.797468	89	76	0.853933	25	20	0.8	53	42	0.792453	86	59	0.686047	86	71	0.825581	68	45	0.661765	33	19	0.575758	20	14	0.7	30	18	0.6
XR_87725	105246385	Gm41679	chr18	26268359	26316409	114	93	0.815789	79	63	0.797468	89	76	0.853933	25	20	0.8	53	42	0.792453	86	59	0.686047	86	71	0.825581	68	45	0.661765	33	19	0.575758	20	14	0.7	30	18	0.6
XR_87725	102636920	Gm33860	chr18	28101479	28161645	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87725	102636920	Gm33860	chr18	28069952	28161656	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87726	102636920	Gm33860	chr18	28101479	28161660	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87726	408061	BC051408	chr18	28711861	28726847	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87726	105246386	Gm41680	chr18	29759854	29774606	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87726	105246387	Gm41681	chr18	31397610	31403371	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87726	102642358	Gm38606	chr18	31556104	31571194	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87727	102642358	Gm38606	chr18	31556104	31571194	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87727	102638180	Gm34806	chr18	32158206	32162504	3257	22	0.006755	3209	10	0.003116	3741	35	0.009356	612	2	0.003268	1071	2	0.001867	3478	40	0.011501	3110	33	0.010611	3144	16	0.005089	1118	5	0.004472	1309	4	0.003056	483	1	0.00207
XR_87727	102638180	Gm34806	chr18	32158206	32162504	3257	22	0.006755	3209	10	0.003116	3741	35	0.009356	612	2	0.003268	1071	2	0.001867	3478	40	0.011501	3110	33	0.010611	3144	16	0.005089	1118	5	0.004472	1309	4	0.003056	483	1	0.00207
XR_87727	102638180	Gm34806	chr18	32158206	32162504	3257	22	0.006755	3209	10	0.003116	3741	35	0.009356	612	2	0.003268	1071	2	0.001867	3478	40	0.011501	3110	33	0.010611	3144	16	0.005089	1118	5	0.004472	1309	4	0.003056	483	1	0.00207
XR_87727	102638180	Gm34806	chr18	32154404	32162504	3257	22	0.006755	3209	10	0.003116	3741	35	0.009356	612	2	0.003268	1071	2	0.001867	3478	40	0.011501	3110	33	0.010611	3144	16	0.005089	1118	5	0.004472	1309	4	0.003056	483	1	0.00207
XR_87727	102642443	Gm26717	chr18	32153468	32159895	126	101	0.801587	132	121	0.916667	134	116	0.865672	22	20	0.909091	51	47	0.921569	115	67	0.582609	140	55	0.392857	139	85	0.611511	#N/A	#N/A	#N/A	38	11	0.289474	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87728	102639080	Gm35480	chr18	32585357	32591702	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87728	69593	2310026I2	chr18	32923799	32935528	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87728	105246391	Gm41683	chr18	33240480	33262570	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87728	105246392	Gm41684	chr18	33493311	33519866	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87728	105246392	Gm41684	chr18	33493311	33514054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87729	105246394	Gm41686	chr18	34166839	34183391	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87729	105246396	Gm41688	chr18	34611376	34613030	26	26	1	27	25	0.925926	31	31	1	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	29	28	0.965517	11	11	1	14	9	0.642857	16	15	0.9375	#N/A	#N/A	#N/A	13	13	1
XR_87729	105246397	Gm41689	chr18	34849125	34850988	102	89	0.872549	144	110	0.763889	120	108	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	60	47	0.783333	84	72	0.857143	102	75	0.735294	90	72	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	102	85	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87729	105246397	Gm41689	chr18	34849125	34850988	102	89	0.872549	144	110	0.763889	120	108	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	60	47	0.783333	84	72	0.857143	102	75	0.735294	90	72	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	102	85	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87730	105246398	Gm41690	chr18	34993638	34995476	11	9	0.818182	55	45	0.818182	54	45	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	11	9	0.818182	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87730	105246399	Gm41691	chr18	35502712	35517526	378	306	0.809524	377	317	0.840849	447	376	0.841163	95	76	0.8	215	157	0.730233	382	303	0.793194	321	259	0.806854	369	301	0.815718	196	168	0.857143	52	39	0.75	106	90	0.849057
XR_87730	105246400	Gm41692	chr18	35540859	35542689	143	95	0.664336	141	102	0.723404	129	89	0.689922	40	27	0.675	37	26	0.702703	129	79	0.612403	111	62	0.558559	144	63	0.4375	30	16	0.533333	52	25	0.480769	12	1	0.083333
XR_87730	105246401	Gm41693	chr18	35872611	35877311	196	48	0.244898	152	35	0.230263	229	44	0.19214	11	11	1	17	13	0.764706	266	67	0.25188	183	40	0.218579	147	59	0.401361	21	20	0.952381	167	28	0.167665	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87731	105246403	Gm41695	chr18	36240161	36243200	91	78	0.857143	50	43	0.86	64	57	0.890625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	57	48	0.842105	42	35	0.833333	27	21	0.777778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87731	105246406	Gm41698	chr18	36515257	36517987	1930	81	0.041969	1838	91	0.04951	1697	77	0.045374	46	11	0.23913	612	20	0.03268	1848	103	0.055736	2152	52	0.024164	2354	58	0.024639	406	7	0.017241	549	21	0.038251	248	11	0.044355
XR_87731	105246406	Gm41698	chr18	36515193	36517983	1942	89	0.045829	1838	91	0.04951	1697	77	0.045374	46	11	0.23913	612	20	0.03268	1848	103	0.055736	2152	52	0.024164	2365	65	0.027484	406	7	0.017241	549	21	0.038251	248	11	0.044355
XR_87732	105246407	Gm41699	chr18	36709020	36718962	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	5	0.416667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87732	102631869	Gm30093	chr18	38025003	38104754	1078	45	0.041744	811	18	0.022195	910	17	0.018681	261	6	0.022989	347	23	0.066282	1359	40	0.029433	869	27	0.03107	920	25	0.027174	442	36	0.081448	436	26	0.059633	119	2	0.016807
XR_87732	102641610	Gm38566	chr18	38168484	38178438	44	19	0.431818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	26	0.464286	48	8	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87732	69881	20103200	chr18	38212112	38229163	4896	38	0.007761	4425	40	0.00904	5131	46	0.008965	650	2	0.003077	1357	14	0.010317	5174	67	0.012949	4598	36	0.007829	4733	53	0.011198	1302	17	0.013057	1911	19	0.009942	398	7	0.017588
XR_87733	105246412	Gm41702	chr18	38338216	38339710	981	2	0.002039	1133	6	0.005296	863	3	0.003476	363	0	0	352	0	0	1013	19	0.018756	1259	17	0.013503	1205	4	0.00332	372	3	0.008065	460	2	0.004348	113	0	0
XR_87733	105246413	Gm41703	chr18	38360788	38367770	623	57	0.091493	383	59	0.154047	615	78	0.126829	#N/A	#N/A	#N/A	209	18	0.086124	607	21	0.034596	387	114	0.294574	359	14	0.038997	140	18	0.128571	194	23	0.118557	55	7	0.127273
XR_87733	105246414	Gm41704	chr18	38483511	38488778	421	34	0.08076	345	14	0.04058	268	6	0.022388	114	14	0.122807	146	15	0.10274	333	15	0.045045	343	11	0.03207	371	14	0.037736	176	22	0.125	211	8	0.037915	20	9	0.45
XR_87733	105246414	Gm41704	chr18	38483511	38488778	421	34	0.08076	345	14	0.04058	268	6	0.022388	114	14	0.122807	146	15	0.10274	333	15	0.045045	343	11	0.03207	371	14	0.037736	176	22	0.125	211	8	0.037915	20	9	0.45
XR_87733	105246414	Gm41704	chr18	38483511	38488778	421	34	0.08076	345	14	0.04058	268	6	0.022388	114	14	0.122807	146	15	0.10274	333	15	0.045045	343	11	0.03207	371	14	0.037736	176	22	0.125	211	8	0.037915	20	9	0.45
XR_87733	105246414	Gm41704	chr18	38482099	38488778	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	11	0.785714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87733	105246414	Gm41704	chr18	38483511	38488778	421	34	0.08076	345	14	0.04058	268	6	0.022388	114	14	0.122807	146	15	0.10274	333	15	0.045045	343	11	0.03207	371	14	0.037736	176	22	0.125	211	8	0.037915	20	9	0.45
XR_87733	100503620	Gm15337	chr18	39357763	39371084	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87733	100503620	Gm15337	chr18	39357763	39371084	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87734	100503620	Gm15337	chr18	39357763	39371084	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87734	102633040	Gm30961	chr18	39636305	39648531	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87734	105246417	Gm41707	chr18	39804839	39871031	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87734	105246418	Gm41708	chr18	39906485	39929433	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87734	105246418	Gm41708	chr18	39906485	39929433	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87735	105246420	Gm41710	chr18	40780069	40811782	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87735	78536	C030004G	chr18	42615618	42623817	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	14	9	0.642857	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87735	78536	C030004G	chr18	42615618	42623817	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	4	0.4	14	9	0.642857	12	7	0.583333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87736	105246422	Gm41712	chr18	43059261	43067603	136	105	0.772059	65	53	0.815385	55	47	0.854545	24	20	0.833333	81	76	0.938272	136	118	0.867647	98	77	0.785714	97	69	0.71134	117	77	0.65812	32	26	0.8125	24	18	0.75
XR_87736	105246424	Gm41714	chr18	43443776	43465462	80	75	0.9375	62	57	0.919355	66	61	0.924242	47	37	0.787234	31	28	0.903226	84	70	0.833333	57	42	0.736842	46	24	0.521739	32	20	0.625	34	21	0.617647	15	7	0.466667
XR_87737	105246425	Gm41715	chr18	43844642	43870414	132	122	0.924242	99	86	0.868687	127	117	0.92126	#N/A	#N/A	#N/A	52	51	0.980769	176	153	0.869318	145	121	0.834483	173	140	0.809249	#N/A	#N/A	#N/A	40	36	0.9	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87737	105246426	Gm41716	chr18	44268013	44271836	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87737	105246428	Gm41718	chr18	45719115	45735412	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87737	102634286	Gm31907	chr18	45430264	45510292	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87737	102634286	Gm31907	chr18	45430264	45507023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	22	0.709677	33	29	0.878788	15	11	0.733333	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	22	12	0.545455	39	30	0.769231
XR_87737	102634286	Gm31907	chr18	45430264	45507023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	22	0.709677	33	29	0.878788	15	11	0.733333	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	22	12	0.545455	39	30	0.769231
XR_87737	102634286	Gm31907	chr18	45430264	45507023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	31	22	0.709677	33	29	0.878788	15	11	0.733333	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	22	12	0.545455	39	30	0.769231
XR_87738	100042226	Gm3734	chr18	46630676	46641603	150	53	0.353333	161	49	0.304348	135	38	0.281481	10	3	0.3	100	43	0.43	187	78	0.417112	127	28	0.220472	136	55	0.404412	26	11	0.423077	94	30	0.319149	22	9	0.409091
XR_87738	100042226	Gm3734	chr18	46630676	46641603	150	53	0.353333	161	49	0.304348	135	38	0.281481	10	3	0.3	100	43	0.43	187	78	0.417112	127	28	0.220472	136	55	0.404412	26	11	0.423077	94	30	0.319149	22	9	0.409091
XR_87738	105246430	Gm41720	chr18	47732989	47744932	538	520	0.966543	431	417	0.967517	465	441	0.948387	187	181	0.967914	229	221	0.965066	367	341	0.929155	403	339	0.841191	230	200	0.869565	215	172	0.8	101	84	0.831683	82	67	0.817073
XR_87738	105246431	Gm41721	chr18	48240544	48306316	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87738	102635683	Gm32958	chr18	49547819	49558988	314	193	0.61465	398	221	0.555276	303	152	0.50165	85	28	0.329412	129	82	0.635659	293	188	0.641638	271	138	0.509225	245	79	0.322449	102	60	0.588235	139	71	0.510791	72	43	0.597222
XR_87740	105246432	Gm41722	chr18	51555780	51566408	13	11	0.846154	13	11	0.846154	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	26	20	0.769231	27	19	0.703704	19	16	0.842105	14	10	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87740	105246433	Gm41723	chr18	51936100	51954099	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87740	105246435	Gm41725	chr18	52698927	52719273	68	26	0.382353	74	27	0.364865	82	32	0.390244	22	1	0.045455	60	28	0.466667	68	27	0.397059	60	13	0.216667	60	12	0.2	28	9	0.321429	49	23	0.469388	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87740	105246435	Gm41725	chr18	52699352	52719273	68	26	0.382353	74	27	0.364865	82	32	0.390244	22	1	0.045455	60	28	0.466667	68	27	0.397059	60	13	0.216667	60	12	0.2	28	9	0.321429	49	23	0.469388	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87740	105246438	Gm41728	chr18	53853497	53859102	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87741	105246439	Gm41729	chr18	54209814	54220364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87741	105246440	Gm41730	chr18	54277270	54281098	85	66	0.776471	67	43	0.641791	57	40	0.701754	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	78	69	0.884615	94	68	0.723404	57	49	0.859649	34	26	0.764706	32	29	0.90625	22	10	0.454545
XR_87741	102636743	Gm33732	chr18	54828805	54840255	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87743	105246442	Gm41731	chr18	55022580	55037312	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87743	102637503	Gm34295	chr18	55592086	55646080	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87743	105246444	Gm41733	chr18	55692906	55701532	11	3	0.272727	42	24	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87744	105246445	Gm41734	chr18	55726764	55733834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87744	105246447	Gm41736	chr18	56031428	56033086	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87744	105246449	Gm41738	chr18	56686413	56692867	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87745	105246452	Gm15345	chr18	56795433	56801861	34	28	0.823529	31	24	0.774194	25	21	0.84	#N/A	#N/A	#N/A	27	21	0.777778	26	22	0.846154	31	26	0.83871	43	30	0.697674	12	6	0.5	28	20	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87745	102638405	Gm34982	chr18	57419747	57430261	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87745	105246453	Gm26507	chr18	58215511	58222911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87746	105246453	Gm26507	chr18	58215511	58222911	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87746	105246454	Gm41741	chr18	58210295	58215455	4982	134	0.026897	5190	110	0.021195	5719	131	0.022906	730	13	0.017808	2002	32	0.015984	5145	263	0.051118	4816	164	0.034053	4643	164	0.035322	1127	61	0.054126	1667	124	0.074385	504	35	0.069444

XR_87786	10524658	Gm41851	chr19	42509119	42512197	49	25	0.510204	23	11	0.478261	38	17	0.447368	15	7	0.466667	70	47	0.671429	45	32	0.711111	69	45	0.652174	28	20	0.714286	56	43	0.767857	27	20	0.740741	44	34	0.772727
XR_87786	10263764	Gm19437	chr19	42745729	42750627	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87786	10264164	Gm38568	chr19	43424826	43427960	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87786	10263795	Gm34636	chr19	43545927	43568987	216	186	0.861111	246	176	0.715447	281	238	0.846975	78	61	0.782051	104	78	0.75	234	175	0.747863	171	128	0.748538	148	86	0.581081	83	66	0.795181	36	18	0.5	40	31	0.775
XR_87787	10524658	Gm41853	chr19	44282438	44283697	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87787	10263905	Gm35460	chr19	44614758	44646816	170	87	0.511765	303	130	0.429043	273	129	0.472527	#N/A	#N/A	#N/A	108	36	0.333333	270	133	0.492593	192	71	0.369792	198	55	0.277778	69	12	0.173913	117	20	0.17094	45	13	0.288889
XR_87787	10263905	Gm35460	chr19	44614758	44646813	170	87	0.511765	303	130	0.429043	273	129	0.472527	#N/A	#N/A	#N/A	108	36	0.333333	270	133	0.492593	192	71	0.369792	198	55	0.277778	69	12	0.173913	117	20	0.17094	45	13	0.288889
XR_87787	10263905	Gm35460	chr19	44614758	44646815	170	87	0.511765	303	130	0.429043	273	129	0.472527	#N/A	#N/A	#N/A	108	36	0.333333	270	133	0.492593	192	71	0.369792	198	55	0.277778	69	12	0.173913	117	20	0.17094	45	13	0.288889
XR_87787	10263905	Gm35460	chr19	44636853	44646812	65	43	0.661538	47	33	0.702128	29	20	0.689655	#N/A	#N/A	#N/A	42	27	0.642857	26	11	0.423077	38	10	0.263158	47	30	0.638298	36	15	0.416667	52	28	0.538462	12	10	0.833333
XR_87788	10524658	Gm41854	chr19	44672417	44674916	1518	77	0.050725	1385	54	0.038989	1456	44	0.03022	412	20	0.048544	608	29	0.047697	1545	88	0.056958	1411	99	0.070163	1069	42	0.039289	599	39	0.065109	497	63	0.126761	276	8	0.028986
XR_87788	10263947	Gm35782	chr19	45060632	45075099	1758	54	0.030717	2031	37	0.018218	1673	34	0.020323	162	0	0	642	7	0.010903	1873	51	0.027229	1612	37	0.022953	1712	35	0.020444	370	30	0.081081	730	7	0.009589	44	0	0
XR_87788	10263947	Gm35782	chr19	45060632	45075094	1732	54	0.031178	1998	35	0.017518	1645	34	0.020669	152	0	0	625	7	0.0112	1834	50	0.027263	1588	36	0.02267	1689	35	0.020722	370	30	0.081081	717	7	0.009763	44	0	0
XR_87788	10263947	Gm35782	chr19	45060632	45075094	1732	54	0.031178	1998	35	0.017518	1645	34	0.020669	152	0	0	625	7	0.0112	1834	50	0.027263	1588	36	0.02267	1689	35	0.020722	370	30	0.081081	717	7	0.009763	44	0	0
XR_87788	10263947	Gm35782	chr19	45060632	45075094	1732	54	0.031178	1998	35	0.017518	1645	34	0.020669	152	0	0	625	7	0.0112	1834	50	0.027263	1588	36	0.02267	1689	35	0.020722	370	30	0.081081	717	7	0.009763	44	0	0
XR_87788	10263947	Gm35782	chr19	45060632	45075109	1784	54	0.030269	2064	37	0.017926	1701	35	0.020576	172	0	0	659	7	0.010622	1912	52	0.027197	1636	38	0.023227	1735	35	0.020173	370	30	0.081081	743	7	0.009421	44	0	0
XR_87789	10524658	Gm41858	chr19	47483840	47485344	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	45	40	0.888889	12	11	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	43	35	0.813953	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87790	10524659	Gm41860	chr19	52372948	52389660	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87790	10524659	Gm41861	chr19	52943109	52946811	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87790	10524659	Gm41862	chr19	53085037	53088696	#N/A	#N/A	#N/A	20	15	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	16	10	0.625	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87790	10263206	Gm30234	chr19	53050716	53076146	136	124	0.911765	176	165	0.9375	116	112	0.965517	11	2	0.181818	160	153	0.95625	148	145	0.97973	88	85	0.965909	120	117	0.975	#N/A	#N/A	#N/A	100	95	0.95	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87790	10263206	Gm30234	chr19	53050716	53067601	82	74	0.902439	85	78	0.917647	94	87	0.925532	10	10	1	36	33	0.916667	83	75	0.903614	81	72	0.888889	68	44	0.647059	36	34	0.944444	37	28	0.756757	14	11	0.785714
XR_87790	10263206	Gm30234	chr19	53050716	53067601	82	74	0.902439	85	78	0.917647	94	87	0.925532	10	10	1	36	33	0.916667	83	75	0.903614	81	72	0.888889	68	44	0.647059	36	34	0.944444	37	28	0.756757	14	11	0.785714
XR_87790	10263206	Gm30234	chr19	53050716	53064689	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87791	10263206	Gm30234	chr19	53050716	53105897	154	47	0.305195	179	59	0.329609	167	51	0.305389	78	37	0.474359	99	50	0.505051	128	73	0.570313	160	47	0.29375	128	42	0.328125	62	19	0.306452	54	23	0.425926	22	7	0.318182
XR_87791	10263206	Gm30234	chr19	53050716	53105897	154	47	0.305195	179	59	0.329609	167	51	0.305389	78	37	0.474359	99	50	0.505051	128	73	0.570313	160	47	0.29375	128	42	0.328125	62	19	0.306452	54	23	0.425926	22	7	0.318182
XR_87791	10263247	Gm30541	chr19	53306741	53325815	38	16	0.421053	44	21	0.477273	34	21	0.617647	#N/A	#N/A	#N/A	62	44	0.709677	44	24	0.545455	32	20	0.625	26	12	0.461538	23	14	0.608696	39	18	0.461538	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87791	10524659	Gm41863	chr19	53855298	53860355	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87791	10264150	Gm16299	chr19	53819252	53825212	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87792	10263294	Gm30890	chr19	53770365	53787024	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	33	30	0.909091	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87792	10524659	Gm41865	chr19	54154877	54175117	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	54	33	0.611111	20	14	0.7	20	3	0.15	#N/A	#N/A	#N/A	21	7	0.333333	35	19	0.542857	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87792	10524659	Gm41866	chr19	54198385	54201323	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	41	0.82	76	67	0.881579	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87792	10524659	Gm41867	chr19	54758603	54761014	36	28	0.777778	25	21	0.84	32	24	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	26	15	0.576923	33	18	0.545455	33	24	0.727273	#N/A	#N/A	#N/A	11	3	0.272727	21	9	0.428571
XR_87792	10263363	Gm31418	chr19	55127271	55140840	214	47	0.219626	180	27	0.15	216	30	0.138889	#N/A	#N/A	#N/A	68	26	0.382353	264	97	0.367424	266	69	0.259398	262	59	0.225191	52	8	0.153846	108	25	0.231481	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87793	10263363	Gm31418	chr19	55127221	55140840	214	47	0.219626	180	27	0.15	216	30	0.138889	#N/A	#N/A	#N/A	68	26	0.382353	264	97	0.367424	266	69	0.259398	262	59	0.225191	52	8	0.153846	108	25	0.231481	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87793	10263387	Gm31595	chr19	55268826	55274158	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	21	0.954545	53	39	0.735849	14	10	0.714286	26	10	0.384615	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	52	35	0.673077
XR_87794	10524660	Gm41871	chr19	55701143	55702627	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87794	10263444	Gm32028	chr19	56177735	56199050	333	264	0.792793	470	351	0.746809	455	361	0.793407	#N/A	#N/A	#N/A	156	113	0.724359	322	265	0.822981	361	300	0.831025	484	389	0.803719	133	113	0.849624	77	55	0.714286	47	44	0.93617
XR_87794	10263460	Gm32144	chr19	56263413	56266917	88	82	0.931818	109	106	0.972477	94	92	0.978723	#N/A	#N/A	#N/A	75	74	0.986667	93	88	0.946237	75	72	0.96	73	69	0.945205	#N/A	#N/A	#N/A	56	53	0.946429	58	56	0.965517
XR_87794	10263468	Gm17197	chr19	56356688	56366385	355	215	0.605634	320	189	0.590625	290	198	0.682759	65	37	0.569231	180	107	0.594444	333	221	0.663664	235	153	0.651064	323	177	0.547988	87	42	0.482759	112	63	0.5625	79	25	0.316456
XR_87794	10263468	Gm17197	chr19	56356687	56366385	355	215	0.605634	320	189	0.590625	290	198	0.682759	65	37	0.569231	180	107	0.594444	333	221	0.663664	235	153	0.651064	323	177	0.547988	87	42	0.482759	112	63	0.5625	79	25	0.316456
XR_87794	10263475	Gm32257	chr19	56273381	56288670	44	12	0.272727	24	8	0.333333	28	8	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	6	0.272727	22	5	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87794	10263475	Gm32257	chr19	56273381	56288664	44	12	0.272727	24	8	0.333333	28	8	0.285714	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	6	0.272727	22	5	0.227273	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87794	10263535	Gm32718	chr19	56746914	56760237	51	40	0.784314	48	38	0.791667	60	45	0.75	20	14	0.7	41	32	0.780488	72	60	0.833333	63	46	0.730159	48	32	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	34	28	0.823529	22	14	0.636364
XR_87795	10263535	Gm32718	chr19	56746914	56760237	51	40	0.784314	48	38	0.791667	60	45	0.75	20	14	0.7	41	32	0.780488	72	60	0.833333	63	46	0.730159	48	32	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	34	28	0.823529	22	14	0.636364
XR_87795	10263535	Gm32718	chr19	56746914	56760237	51	40	0.784314	48	38	0.791667	60	45	0.75	20	14	0.7	41	32	0.780488	72	60	0.833333	63	46	0.730159	48	32	0.666667	#N/A	#N/A	#N/A	34	28	0.823529	22	14	0.636364
XR_87795	10264214	Gm38597	chr19	56977801	56984849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87796	10264214	Gm38597	chr19	56980825	56984849	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87796	10524660	Gm41874	chr19	57404465	57411272	955	386	0.404188	646	241	0.373065	744	250	0.336022	219	69	0.315068	305	187	0.613115	870	402	0.462069	708	281	0.396893	664	309	0.465361	324	152	0.469136	262	106	0.40458	72	31	0.430556
XR_87796	10263564	Gm32932	chr19	57522228	57531160	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	7	0.7	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	8	0.571429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87796	10524660	Gm41875	chr19	58231333	58232505	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87796	10524660	Gm41876	chr19	58456149	58459592	2026	30	0.014808	2079	34	0.016354	2358	37	0.015691	329	3	0.009119	750	9	0.012	2192	51	0.023266	1733	29	0.016734	2334	44	0.018852	618	6	0.009709	901	27	0.029967	158	0	0
XR_87796	10524661	Gm41877	chr19	58794515	58802372	203	116	0.571429	170	72	0.423529	211	110	0.521327	25	3	0.12	124	91	0.733871	173	98	0.566474	161	69	0.428571	165	75	0.454545	71	41	0.577465	91	52	0.571429	10	0	0
XR_87797	10524661	Gm41879	chr19	60035900	60039033	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87797	10524661	Gm41880	chr19	60040385	60050388	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87797	10524661	Gm41881	chr19	60135549	60140383	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87797	10524661	Gm41882	chr19	60310847	60325262	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87797	10263750	Gm34300	chr19	60375885	60379675	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87798	10524661	Gm41884	chr19	60547430	60551112	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87799	10524365	Gm39489	chrX	5730162	5749677	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87802	26896	Med14	chrX	12696204	12762594	770	2	0.002597	360	3	0.008333	507	6	0.011834	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	847	5	0.005903	716	2	0.002793	824	5	0.006068	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87803	53627	Porcn	chrX	8193848	8206548	493	5	0.010142	466	2	0.004292	482	2	0.004149	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	726	11	0.015152	556	7	0.01259	431	8	0.018561	144	0	0	110	3	0.027273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87803	60322	Chst7	chrX	20058963	20099991	889	8	0.008999	790	13	0.016456	1064	10	0.009398	39	0	0	183	0	0	921	10	0.010858	736	11	0.014946	755	10	0.013245	88	0	0	88	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87803	75905	Dipk2b	chrX	18414167	18461419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87803	75905	Dipk2b	chrX	18414167	18461419	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87803	10263558	Gm32874	chrX	7500488	7504099	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87803	10524364	Gm39488	chrX	7948145	8032975	376	5	0.013298	285	4	0.014035	397	3	0.007557	65	1	0.015385	66	0	0	394	7	0.017766	367	4	0.010899	338	1	0.002959	63	0	0	63	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87804	10263592	Gm33135	chrX	8216562	8217912	55	36	0.654545	57	34	0.596491	55	36	0.654545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	48	31	0.645833	36	27	0.75	31	23	0.741935	17	13	0.764706	13	12	0.923077	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87804	10263592	Gm33135	chrX	8214734	8217912	22	19	0.863636	36	34	0.944444	28	26	0.928571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	20	0.740741	#N/A	#N/A	#N/A	42	34	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87804	10263592	Gm33135	chrX	8206496	8217912	493	5	0.010142	466	2	0.004292	482	2	0.004149	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	726	11	0.015152	556	7	0.01259	431	8	0.018561	144	0	0	110	3	0.027273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87804	10263592	Gm33135	chrX	8205707	8217912	493	5	0.010142	466	2	0.004292	482	2	0.004149	#N/A	#N/A	#N/A	91	0	0	726	11	0.015152	556	7	0.01259	431	8	0.018561	144	0	0	110	3	0.027273	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87805	10263681	Gm33784	chrX	9480573	9484526	96	80	0.833333	106	90	0.849057	136	104	0.764706	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	156	99	0.634615	84	49	0.583333	88	56	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87805	10524365	Gm39494	chrX	10989143	10991957	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	17	7	0.411765	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87805	10524366	Gm39495	chrX	11362034	11363510	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87805	10524366	Gm39496	chrX	11512994	11525733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87805	10524366	Gm39496	chrX	11512994	11525733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87806	10524366	Gm39496	chrX	11487873	11525733	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87806	10524662	Gm41890	chrX	12967588	12994484	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10524366	Gm4203	chrX	17111320	17115627	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10524366	Gm39497	chrX	17393298	17516990	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10524366	Gm39498	chrX	17776754	17790228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10524366	Gm39498	chrX	17776754	17809103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10524366	Gm39498	chrX	17776754	17806414	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10263911	Gm35506	chrX	18100250	18105623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10263911	Gm35506	chrX	18100250	18105623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10263911	Gm35506	chrX	18100250	18105623	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87807	10524662	Gm41891	chrX	18115964	18147122	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87808	10524662	Gm41892	chrX	19236846	19242458	191	1	0.005236	99	0	0	60	1	0.016667	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	196	5	0.02551	141	4	0.028369	119	1	0.008403	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87808	10524366	Gm39499	chrX	20706989	20711621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87808	10524662	Gm41894	chrX	24597569	24599023	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87809	14404	Gabre	chrX	72261440	72274828	100	1	0.01	186	3	0.016129	188	2	0.010638	#N/A	#N/A	#N/A	60	2	0.033333	158	12	0.075949	156	5	0.032051	172	7	0.040698	44	0	0	52	1	0.019231	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87809	18968	Pola1	chrX	93492790	93632387	552	5	0.009058	526	1	0.001901	455	2	0.004396	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	557	2	0.003591	554	1	0.001805	499	10	0.02004	238	4	0.016807	88	1	0.011364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87809	19655	Rbmx	chrX	57383348	57393046	631	3	0.004754	469	3	0.006397	551	5	0.009074	26	0	0	183	1	0.005464	734	4	0.00545	633	4	0.006319	494	1	0.002024	110	3	0.027273	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87809	19655	Rbmx	chrX	57383348	57393037	631	3	0.004754	469	3	0.006397	551	5	0.009074	26	0	0	183	1	0.005464	734	4	0.00545	633	4	0.006319	494	1	0.002024	110	3	0.027273	66	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87810	320923	Map7d3	chrX	56794833	56822490	131	9	0.068702	34	0	0	143	6	0.041958	#N/A	#N/A	#N/A	10	0	0	121	4	0.033058	85	4	0.047059	90	0	0	60	4	0.066667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87810	76130	Las1l	chrX	95920045	95956969	163	2	0.01227	64	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	213	2	0.00939	72	0	0	111	2	0.018018	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87810	76130	Las1l	chrX	95920045	95956969	163	2	0.01227	64	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	40	0	0	213	2	0.00939	72	0	0	111	2	0.018018	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10264267	Gm38625	chrX	56344120	56346396	381	7	0.018373	448	0	0	433	3	0.006928	#N/A	#N/A	#N/A	12	0	0	408	4	0.009804	252	2	0.007937	370	2	0.005405	12	1	0.083333	#N/A	#N/A	#N/A	13	0	0
XR_87811	10524368	Gm39514	chrX	56387228	56395835	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10524368	Gm39515	chrX	56682477	56684891	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10524368	Gm39516	chrX	57742398	57748045	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10524368	Gm39517	chrX	57857628	57863953	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10264046	Gm36522	chrX	58135153	58177146	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10524368	Gm39518	chrX	59306935	59330139	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87811	10264060	Gm36631	chrX	59589288	59692078	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87812	10524663	Gm14661	chrX	60799436	60808323	96	25	0.260417	58	5	0.086207	90	22	0.244444	#N/A	#N/A	#N/A	48	13	0.270833	100	48	0.48	90	17	0.188889	58	13	0.224138	#N/A	#N/A	#N/A	52	3	0.057692	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87812	10264206	Gm38595	chrX	71020800	71028296	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87812	10263461	Gm32150	chrX	73320598	73334120	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87812	10524369	Gm39520	chrX	74318368	74328290	#N/A	#N/A	#N/A	34	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	56	0	0	48	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87812	10524369	Gm39521	chrX	74856438	74860177	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	40	35	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87812	10524369	Gm39522	chrX	75561475	75565211	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10524369	Gm14707	chrX	76224511	76246728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10524369	Gm14707	chrX	76224511	76246728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10524663	Gm41896	chrX	76273647	76275280	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10524369	Gm39523	chrX	85609354	85614228	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10524370	Gm39524	chrX	86713268	86722630	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10264309	Gm38657	chrX	92934936	93039266	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87813	10264309	Gm38657	chrX	92934936	93057944	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87814	10263922	Gm35587	chrX	93401285	93434706	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87814	10524370	Gm35641	chrX	93713052	93740161	52	46	0.884615	#N/A	#N/A	#N/A	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	22	22	1	#N/A	#N/A	#N/A	22	17	0.772727	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87816	10524663	Gm41897	chrX	95981913	95986705	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87817	10263240	Rpl17-ps8	chrX	96484841	96485497	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87818	10524370	Gm39527	chrX	96966832	96991054	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87818	10524370	Gm39528	chrX	99288219	99320843	51	48	0.941176	66	63	0.954545	60	55	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	66	55	0.833333	49	42	0.857143	46	35	0.76087	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87818	10263329	Gm31155	chrX	99557333	99562877	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87818	10524663	Gm41898	chrX	99711306	99730825	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87818	10263429	Gm4779	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87818	10263429	Gm4779	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87819	10263429	Gm4779	chrX	1.02E+08	1.02E+08	356	340	0.955056	155	142	0.916129	312	293	0.939103	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	395	364	0.921519	258	214	0.829457	353	324	0.917847	34	30	0.882353	22	20	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87821	10524371	Gm39530	chrX	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	116	1	0.008621	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87822	10816733	Gm45946	chrX	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87822	10263657	Gm33605	chrX	1.05E+08	1.05E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87823	10263337	Gm31214	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87823	10263337	Gm31214	chrX	1.36E+08	1.36E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87824	10263337	Gm31214	chrX	1.36E+08	1.36E+08	15	13	0.866667	15	12	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	9	0.9	13	9	0.692308	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87824	10524372	Gm39535	chrX	1.36E+08	1.36E+08	213	108	0.507042	273	114	0.417582	191	95	0.497382	#N/A	#N/A	#N/A	60	24	0.4	202	112	0.554455	205	110	0.536585	166	90	0.542169	#N/A	#N/A	#N/A	59	26	0.440678	50	38	0.76
XR_87824	10524372	Gm39536	chrX	1.37E+08	1.37E+08	44	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	11	0.161765	26	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87824	10524372	Gm39536	chrX	1.37E+08	1.37E+08	44	0	0	22	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	68	11	0.161765	26	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87824	10524372	Gm39537	chrX	1.4E+08	1.4E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87825	10524372	Gm39538	chrX	1.41E+08	1.41E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87825	17318	Mid1	chrX	1.7E+08	1.7E+08	210	1	0.004762	180	0	0	250	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	80	0	0	268	7	0.026119	347	1	0.002882	325	0	0	50	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87826	434864	Gm15107	chrX	1.48E+08	1.48E+08	30	24	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87826	77622	Apex2	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87826	77622	Apex2	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87826	77622	Apex2	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87826	77622	Apex2	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	77622	Apex2	chrX	1.51E+08	1.51E+08	276	0	0	231	1	0.004329	379	8	0.021108	#N/A	#N/A	#N/A	116	0	0	277	2	0.00722	300	3	0.01	355	1	0.002817	48	0	0	90	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	10524372	Gm39539	chrX	1.41E+08	1.41E+08	64	58	0.90625	64	60	0.9375	48	46	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	12	2	0.166667	12	2	0.166667	50	34	0.68	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	10263579	Gm33039	chrX	1.44E+08	1.44E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	10263605	Gm33235	chrX	1.44E+08	1.44E+08	392	11	0.028061	529	40	0.075614	508	4	0.007874	#N/A	#N/A	#N/A	24	0	0	379	1	0.002639	242	0	0	253	2	0.007905	#N/A	#N/A	#N/A	121	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	434863	Gm15128	chrX	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	434863	Gm15128	chrX	1.48E+08	1.48E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	2	0.2	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87827	10524372	Gm39540	chrX	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10524372	Gm39540	chrX	1.52E+08	1.52E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	10	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10524664	Gm41902	chrX	1.53E+08	1.53E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10524373	Gm39543	chrX	1.54E+08	1.54E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10524373	Gm39545	chrX	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10524373	Gm39545	chrX	1.55E+08	1.55E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10263902	Gm15155	chrX	1.56E+08	1.56E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87828	10524373	Gm15169	chrX	1.58E+08	1.58E+08	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_87829	10524373	Gm39546	chrX	1.6E+08	1.6E+08	20	14	0.7	24	23	0.958333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	18	0.818182	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	24	22	0.916667	#N/A	#N/A	#N/A









XR_88185	102635538	Gm32846	chr7	17396816	17446443	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88186	102635538	Gm32846	chr7	17396816	17424109	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88186	102635538	Gm32846	chr7	17396816	17452049	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88186	102635538	Gm32846	chr7	17396816	17452052	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88186	105242860	Gm38952	chr7	18955022	18957538	4056	147	0.036243	3024	106	0.035053	3638	152	0.041781	784	49	0.0625	1166	26	0.022298	3824	149	0.038964	3639	151	0.041495	2978	109	0.036602	1257	62	0.049324	974	29	0.029774	255	18	0.070588
XR_88187	105242862	Gm26802	chr7	19298260	19300793	77	10	0.12987	134	7	0.052239	142	8	0.056338	43	5	0.116279	89	4	0.044944	144	11	0.076389	88	5	0.056818	119	10	0.084034	65	1	0.015385	78	1	0.012821	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88187	105242863	Gm38954	chr7	19405689	19408309	2198	139	0.063239	2254	108	0.047915	2640	72	0.027273	275	42	0.152727	726	30	0.041322	2390	113	0.04728	2408	127	0.052741	2580	48	0.018605	577	21	0.036395	653	32	0.049005	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88187	105242864	Gm38955	chr7	19715464	19720152	2243	5	0.002229	1884	10	0.005308	2039	25	0.012261	358	0	0	560	6	0.010714	2621	16	0.006105	2356	14	0.005942	2074	9	0.004339	409	0	0	1101	7	0.006358	94	1	0.010638
XR_88187	102638099	Gm34744	chr7	19749736	19754953	2144	30	0.013993	2060	28	0.013592	2336	21	0.00899	510	1	0.001961	869	10	0.011507	2600	90	0.034615	2082	35	0.016811	2499	43	0.017207	647	6	0.009274	842	16	0.019002	305	3	0.009836
XR_88187	102638099	Gm34744	chr7	19749570	19754953	2120	24	0.011321	2060	28	0.013592	2321	20	0.008617	510	1	0.001961	869	10	0.011507	2573	78	0.030315	2062	31	0.015034	2477	37	0.014937	637	4	0.006279	832	15	0.018029	305	3	0.009836
XR_88188	102638099	Gm34744	chr7	19749573	19754953	2120	24	0.011321	2060	28	0.013592	2321	20	0.008617	510	1	0.001961	869	10	0.011507	2573	78	0.030315	2062	31	0.015034	2477	37	0.014937	637	4	0.006279	832	15	0.018029	305	3	0.009836
XR_88188	102638293	Gm34891	chr7	19829994	19847605	32	29	0.90625	55	49	0.890909	26	25	0.961538	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	58	28	0.482759	18	15	0.833333	35	26	0.742857	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88188	105242876	Gm38964	chr7	24355066	24355873	93	66	0.709677	110	74	0.672727	44	25	0.568182	36	26	0.722222	54	41	0.759259	74	49	0.662162	61	31	0.508197	90	41	0.455556	30	19	0.633333	50	24	0.48	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88188	102640044	Gm26550	chr7	24620047	24638394	1179	172	0.145886	1288	178	0.138199	1245	144	0.115663	203	2	0.009852	572	154	0.269231	1420	236	0.166197	966	172	0.178054	1156	118	0.102076	529	81	0.153119	500	91	0.182	251	22	0.087649
XR_88189	102640044	Gm26550	chr7	24620047	24638396	1179	172	0.145886	1288	178	0.138199	1245	144	0.115663	203	2	0.009852	572	154	0.269231	1420	236	0.166197	966	172	0.178054	1156	118	0.102076	529	81	0.153119	500	91	0.182	251	22	0.087649
XR_88189	105242877	Gm38965	chr7	24853825	24854785	30	19	0.633333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	22	11	0.5	48	35	0.729167	39	22	0.564103	32	20	0.625	37	22	0.594595	24	12	0.5	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88189	105242879	Gm38967	chr7	25483186	25486841	61	52	0.852459	41	35	0.853659	26	19	0.730769	10	10	1	25	21	0.84	38	32	0.842105	32	25	0.78125	66	51	0.772727	10	9	0.9	21	15	0.714286	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88190	105242881	Gm38969	chr7	25618668	25619661	422	122	0.2891	473	115	0.243129	469	133	0.283582	#N/A	#N/A	#N/A	135	0	0	432	169	0.391204	413	116	0.280872	474	120	0.253165	87	0	0	240	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88190	105247243	Gm42375	chr7	26304421	26307212	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88190	105242886	Gm38972	chr7	27480521	27484283	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	11	10	0.909091	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	41	37	0.902439	13	12	0.923077	20	18	0.9	#N/A	#N/A	#N/A	10	8	0.8	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88190	105242886	Gm38972	chr7	27480521	27486960	2175	17	0.007816	2149	13	0.006049	2115	8	0.003783	177	0	0	657	3	0.004566	2395	10	0.004175	2459	9	0.00366	3214	7	0.002178	403	1	0.002481	717	3	0.004184	95	0	0
XR_88190	105242886	Gm38972	chr7	27480521	27486960	2175	17	0.007816	2149	13	0.006049	2115	8	0.003783	177	0	0	657	3	0.004566	2395	10	0.004175	2459	9	0.00366	3214	7	0.002178	403	1	0.002481	717	3	0.004184	95	0	0
XR_88190	105242887	Gm15541	chr7	27502719	27507959	1294	7	0.00541	999	11	0.011011	1308	2	0.001529	390	0	0	463	5	0.010799	1164	10	0.008591	1091	9	0.008249	1163	2	0.00172	476	1	0.002101	423	0	0	201	0	0
XR_88190	105242888	Gm38973	chr7	27649195	27654232	2382	178	0.074727	2642	213	0.080621	2661	231	0.086809	466	41	0.087983	1094	82	0.074954	2513	218	0.086749	1761	138	0.078365	2320	200	0.086207	818	60	0.07335	1014	49	0.048323	278	20	0.071942
XR_88191	105247244	Gm26891	chr7	27926408	27928474	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88191	105242892	Gm38976	chr7	28146095	28148502	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88191	105242893	Gm38977	chr7	28548020	28550183	415	271	0.653012	339	218	0.643068	394	227	0.576142	62	36	0.580645	189	113	0.597884	475	239	0.503158	477	178	0.373166	403	221	0.548387	158	67	0.424051	225	150	0.666667	83	37	0.445783
XR_88192	100038382	Gm10648	chr7	28870545	28876334	147	121	0.823129	137	126	0.919708	152	135	0.888158	10	8	0.8	52	45	0.865385	130	105	0.807692	124	97	0.782258	118	93	0.788136	44	27	0.613636	50	38	0.76	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88192	105242894	Gm38978	chr7	28927470	28932124	26	8	0.307692	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	36	29	0.805556	30	25	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	38	7	0.184211	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88192	105242895	Gm38979	chr7	29029575	29030065	68	55	0.808824	60	43	0.716667	64	48	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	36	25	0.694444	68	35	0.514706	26	20	0.769231	24	5	0.208333	22	16	0.727273	24	15	0.625	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88193	105242898	Gm38982	chr7	29553467	29555628	#N/A	#N/A	#N/A	42	35	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	45	0.75	30	21	0.7	35	21	0.6	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88193	105242900	Gm38983	chr7	29759567	29768253	618	6	0.009709	679	4	0.005891	580	1	0.001724	10	0	0	229	2	0.008734	540	3	0.005556	528	4	0.007576	618	2	0.003236	63	0	0	174	6	0.034483	20	0	0
XR_88193	105242900	Gm38983	chr7	29759567	29768253	618	6	0.009709	679	4	0.005891	580	1	0.001724	10	0	0	229	2	0.008734	540	3	0.005556	528	4	0.007576	618	2	0.003236	63	0	0	174	6	0.034483	20	0	0
XR_88193	102634056	Gm31735	chr7	29970602	29983513	1737	14	0.00806	2005	10	0.004988	2079	14	0.006734	172	1	0.005814	267	0	0	1822	16	0.008782	1639	6	0.003661	1829	4	0.002187	697	0	0	469	3	0.006397	91	0	0
XR_88193	102634056	Gm31735	chr7	29970602	29972766	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88193	78171	4930479H	chr7	30346597	30353946	142	133	0.93662	60	56	0.933333	91	88	0.967033	#N/A	#N/A	#N/A	50	41	0.82	115	106	0.921739	118	114	0.966102	123	119	0.96748	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88193	105247245	Gm42376	chr7	30392399	30398644	64	47	0.734375	19	15	0.789474	57	37	0.649123	10	8	0.8	12	9	0.75	80	62	0.775	65	47	0.723077	56	35	0.625	14	11	0.785714	42	21	0.5	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88193	105247245	Gm42376	chr7	30392399	30394855	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88193	105247245	Gm42376	chr7	30392399	30394808	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88194	102634718	Gm32236	chr7	30820421	30830315	844	429	0.508294	774	366	0.472868	947	450	0.475185	142	74	0.521127	400	215	0.5375	964	528	0.547718	816	395	0.484069	543	197	0.362799	278	103	0.370504	323	127	0.393189	42	15	0.357143
XR_88194	52222	D7Ertd128	chr7	30881953	30886420	37	23	0.621622	35	23	0.657143	45	32	0.711111	#N/A	#N/A	#N/A	14	10	0.714286	25	19	0.76	36	16	0.444444	58	38	0.655172	11	7	0.636364	11	7	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88194	105247246	Gm42377	chr7	30989739	31028855	196	160	0.816327	116	95	0.818966	123	99	0.804878	98	78	0.795918	133	112	0.842105	239	183	0.76569	155	110	0.709677	108	86	0.796296	41	38	0.926829	119	98	0.823529	16	13	0.8125
XR_88194	105242901	Gm38984	chr7	31036843	31057714	98	80	0.816327	161	136	0.84472	141	122	0.865248	55	49	0.890909	62	53	0.854839	202	161	0.79703	104	82	0.788462	156	116	0.74359	50	42	0.84	69	51	0.73913	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88194	105247247	Gm12762	chr7	34231182	34234323	751	51	0.067909	772	26	0.033679	756	24	0.031746	176	22	0.125	281	1	0.003559	880	67	0.076136	701	33	0.047076	665	23	0.034586	274	11	0.040146	269	2	0.007435	137	11	0.080292
XR_88194	102638938	Gm35378	chr7	34629645	34631558	377	12	0.03183	324	7	0.021605	345	15	0.043478	26	0	0	90	6	0.066667	336	9	0.026786	418	12	0.028708	340	7	0.020588	122	1	0.008197	80	2	0.025	36	0	0
XR_88195	105242908	Gm38987	chr7	34812708	34844179	3530	120	0.033994	3880	115	0.029639	3677	78	0.021213	436	22	0.050459	1036	34	0.032819	2944	132	0.044837	3504	108	0.030822	3957	112	0.028304	862	23	0.026682	979	44	0.044944	274	15	0.054745
XR_88195	102639154	Gm35534	chr7	34983346	34990109	183	143	0.781421	122	87	0.713115	170	113	0.664706	60	42	0.7	77	54	0.701299	162	124	0.765432	136	106	0.779412	119	86	0.722689	63	53	0.84127	75	62	0.826667	83	63	0.759036
XR_88195	102639258	Gm35611	chr7	35086207	35090995	#N/A	#N/A	#N/A	112	20	0.178571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	1	0.02	80	4	0.05	30	7	0.233333	65	1	0.015385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88195	102639258	Gm35611	chr7	35086249	35096660	#N/A	#N/A	#N/A	112	20	0.178571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	1	0.02	80	4	0.05	30	7	0.233333	65	1	0.015385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88195	102639258	Gm35611	chr7	35086474	35090995	#N/A	#N/A	#N/A	112	20	0.178571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	1	0.02	80	4	0.05	30	7	0.233333	65	1	0.015385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88195	102639258	Gm35611	chr7	35086191	35090995	#N/A	#N/A	#N/A	112	20	0.178571	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	50	1	0.02	80	4	0.05	30	7	0.233333	65	1	0.015385	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88195	102639328	Gm35665	chr7	35134661	35140684	75	53	0.706667	61	37	0.606557	87	61	0.701149	#N/A	#N/A	#N/A	24	15	0.625	95	66	0.694737	62	50	0.806452	68	45	0.661765	13	8	0.615385	28	18	0.642857	33	23	0.69697
XR_88195	102639398	Gm35724	chr7	35128889	35142427	274	67	0.244526	271	47	0.173432	303	39	0.128713	#N/A	#N/A	#N/A	92	27	0.293478	323	102	0.315789	259	47	0.181467	308	55	0.178571	90	20	0.222222	151	19	0.125828	33	8	0.242424
XR_88195	102639398	Gm35724	chr7	35128889	35142427	274	67	0.244526	271	47	0.173432	303	39	0.128713	#N/A	#N/A	#N/A	92	27	0.293478	323	102	0.315789	259	47	0.181467	308	55	0.178571	90	20	0.222222	151	19	0.125828	33	8	0.242424
XR_88195	105242909	Gm38988	chr7	35163337	35172658	159	87	0.54717	117	62	0.529915	108	52	0.481481	10	8	0.8	41	18	0.439024	205	94	0.458537	130	59	0.453846	125	48	0.384	67	25	0.373134	29	18	0.62069	11	2	0.181818
XR_88196	105242910	Gm38989	chr7	35230468	35234814	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	59	0.983333	#N/A	#N/A	#N/A	60	52	0.866667	70	65	0.928571	55	44	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88196	105242910	Gm38989	chr7	35230630	35234814	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	60	59	0.983333	#N/A	#N/A	#N/A	60	52	0.866667	70	65	0.928571	55	44	0.8	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88196	105247248	Gm42378	chr7	35415014	35448607	258	12	0.046512	243	13	0.053498	284	17	0.059859	63	2	0.031746	89	1	0.011236	247	25	0.101215	197	37	0.187817	273	28	0.102564	78	4	0.051282	92	8	0.086957	50	8	0.16
XR_88196	105247248	Gm42378	chr7	35415014	35448973	269	23	0.085502	273	39	0.142857	284	17	0.059859	63	2	0.031746	89	1	0.011236	247	25	0.101215	207	41	0.198068	299	50	0.167224	78	4	0.051282	92	8	0.086957	50	8	0.16
XR_88196	105247249	Gm42379	chr7	35658415	35660340	38	35	0.921053	10	8	0.8	29	28	0.965517	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	34	33	0.970588	40	34	0.85	29	22	0.758621	#N/A	#N/A	#N/A	11	11	1	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88196	105242911	Gm38990	chr7	35953648	35960933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88196	105242911	Gm38990	chr7	35953648	35960933	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88196	105242912	Gm38991	chr7	36076255	36097794	258	232	0.899225	213	193	0.906103	231	212	0.917749	84	70	0.833333	99	90	0.909091	192	168	0.875	234	181	0.773504	210	158	0.752381	110	92	0.836364	84	68	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88196	105242912	Gm38991	chr7	36076255	36102297	258	232	0.899225	213	193	0.906103	231	212	0.917749	84	70	0.833333	99	90	0.909091	192	168	0.875	234	181	0.773504	210	158	0.752381	110	92	0.836364	84	68	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88197	105242912	Gm38991	chr7	36076243	36097794	258	232	0.899225	213	193	0.906103	231	212	0.917749	84	70	0.833333	99	90	0.909091	192	168	0.875	234	181	0.773504	210	158	0.752381	110	92	0.836364	84	68	0.809524	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88197	102640220	Gm36340	chr7	36153772	36158013	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88197	105242913	Gm38992	chr7	36538521	36543017	88	57	0.647727	64	31	0.484375	83	54	0.650602	11	7	0.636364	37	21	0.567568	94	40	0.425532	48	17	0.354167	74	22	0.297297	28	14	0.5	24	9	0.375	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88197	102640863	Gm36830	chr7	37092832	37112821	38	33	0.868421	26	23	0.884615	43	38	0.883721	28	26	0.928571	26	22	0.846154	10	9	0.9	15	14	0.933333	34	25	0.735294	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88197	102640984	Gm28076	chr7	37129856	37140361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88198	102640984	Gm28076	chr7	37129856	37140361	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88198	102631556	Gm28075	chr7	37140412	37156841	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88198	105242917	Gm38994	chr7	37172083	37173446	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88198	105242918	Gm38995	chr7	37205758	37208602	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88198	105242920	Gm30483	chr7	37327979	37329923	40	30	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	27	23	0.851852	28	23	0.821429	32	24	0.75	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88199	102632482	Gm30544	chr7	37321064	37327894	216	11	0.050926	184	10	0.054348	215	15	0.069767	43	1	0.023256	68	12	0.176471	232	14	0.060345	127	3	0.023622	160	44	0.275	85	6	0.070588	66	1	0.015152	65	14	0.215385
XR_88199	102632668	Gm30684	chr7	38049254	38062307	770	44	0.057143	624	42	0.067308	720	34	0.047222	42	1	0.02381	324	6	0.018519	883	48	0.05436	606	29	0.047855	620	30	0.048387	187	31	0.165775	109	17	0.155963	113	6	0.053097
XR_88200	102634560	Gm32110	chr7	38927765	38971143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88200	102634560	Gm32110	chr7	38962640	38971143	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88200	11982	Atp10a	chr7	58658359	58830244	1854	8	0.004315	1694	18	0.010626	1931	13	0.006732	202	0	0	564	14	0.024823	1473	10	0.006789	1455	8	0.005498	1841	15	0.008148	344	5	0.014535	470	1	0.002128	70	0	0
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136489	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136393	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88201	14256	Flt3l	chr7	45131183	45136490	346	56	0.16185	290	85	0.293103	276	62	0.224638	#N/A	#N/A	#N/A	112	29	0.258929	300	15	0.05	246	49	0.199187	320	41	0.128125	114	11	0.096491	81	11	0.135802	24	4	0.166667
XR_88202	18213	Ntrk3	chr7	78179986	78578439	2196	45	0.020492	2039	31	0.015204	2443	37	0.015145	169	4	0.023669	623	10	0.016051	1957	41	0.02095	1953	81	0.041475	1978	27	0.01365	644	16	0.024845	687	26	0.037846	126	2	0.015873
XR_88202	18213	Ntrk3	chr7	78179986	78578439	2196	45	0.020492	2039	31	0.015204	2443	37	0.015145	169	4	0.023669	623	10	0.016051	1957	41	0.02095	1953	81	0.041475	1978	27	0.01365	644	16	0.024845	687	26	0.037846	126	2	0.015873
XR_88202	18213	Ntrk3	chr7	78179986	78578439	2196	45	0.020492	2039	31	0.015204	2443	37	0.015145	169	4	0.023669	623	10	0.016051	1957	41	0.02095	1953	81	0.041475	1978	27	0.01365	644	16	0.024845	687	26	0.037846	126	2	0.015873
XR_88202	20927	Abcc8	chr7	46104528	46180039	2160	82	0.037963	1643	70	0.042605	1969	52	0.026409	334	13	0.038922	531	28	0.052731	2381	81	0.034019	1664	46	0.027644	1985	90	0.04534	455	21	0.046154	649	28	0.043143	88	19	0.215909
XR_88202	20927	Abcc8	chr7	46107238	46180039	2160	82	0.037963	1643	70	0.042605	1969	52	0.026409	334	13	0.038922	531	28	0.052731	2381	81	0.034019	1664	46	0.027644	1985	90	0.04534	455	21	0.046154	649	28	0.043143	88	19	0.215909
XR_88202	233276	Tubgcp5	chr7	55794135	55831459	1881	79	0.041999	1921	53	0.02759	1979	63	0.031834	363	2	0.00551	777	35	0.045045	1768	70	0.039593	1699	33	0.019423	1615	34	0.021053	573	28	0.048866	729	27	0.037037	292	20	0.068493
XR_88203	269955	Rccd1	chr7	80294591	80324687	1399	466	0.333095	940	390	0.414894	1213	463	0.381698	294	41	0.139456	664	234	0.35241	1394	511	0.366571	1309	541	0.413293	1376	611	0.444041	304	52	0.171053	412	97	0.235437	70	0	0
XR_88203	68667	Trpm4	chr7	45303347	45334067	1217	173	0.142153	1129	139	0.123118	1198	125	0.104341	66	8	0.121212	414	12	0.028986	1060	172	0.162264	825	135	0.163636	869	138	0.158803	402	44	0.109453	255	24	0.094118	131	0	0
XR_88203	68667	Trpm4	chr7	45303347	45334066	1217	173	0.142153	1129	139	0.123118	1198	125	0.104341	66	8	0.121212	414	12	0.028986	1060	172	0.162264	825	135	0.163636	869	138	0.158803	402	44	0.109453	255	24	0.094118	131	0	0
XR_88203	68667	Trpm4	chr7	45303347	45334066	1217	173	0.142153	1129	139	0.123118	1198	125	0.104341	66	8	0.121212	414	12	0.028986	1060	172	0.162264	825	135	0.163636	869	138	0.158803	402	44	0.109453	255	24	0.094118	131	0	0
XR_88203	68667	Trpm4	chr7	45303347	45334065	1217	173	0.142153	1129	139	0.123118	1198	125	0.104341	66	8	0.121212	414	12	0.028986	1060	172	0.162264	825	135	0.163636	869	138	0.158803	402	44	0.109453	255	24	0.094118	131	0	0
XR_88203	78070	Cpt1c	chr7	44958483	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88203	78070	Cpt1c	chr7	44958483	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88203	78070	Cpt1c	chr7	44958483	44974845	64	5	0.078125	28	0	0	70	2	0.028571	#N/A	#N/A	#N/A	65	2	0.030769	83	5	0.060241	33	3	0.090909	30	6	0.2	#N/A	#N/A	#N/A	30	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88204	102635822	Gm33067	chr7	39146488	39205890	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88204	102636268	Gm33382	chr7	39317872	39354694	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88204	105242922	Gm38996	chr7	40295866	40303819	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88204	105242923	Gm38997	chr7	41010786	41032587	87	64	0.735632	103	81	0.786408	104	82	0.788462	27	20	0.740741	30	25	0.833333	85	53	0.623529	78	45	0.576923	69	39	0.565217	41	13	0.317073	27	8	0.296296	10	10	1
XR_88204	105242923	Gm38997	chr7	41010786	41032587	87	64	0.735632	103	81	0.786408	104	82	0.788462	27	20	0.740741	30	25	0.833333	85	53	0.623529	78	45	0.576923	69	39	0.565217	41	13	0.317073	27	8	0.296296	10	10	1
XR_88204	102638189	Gm34811	chr7	41203187	41209995	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88204	434175	Ccnb1-ps	chr7	42105769	42107302	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	55	14	0.254545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88205	105242928	Gm39000	chr7	43461500	43465987	1965	66	0.033588	1562	64	0.040973	1904	57	0.029937	360	8	0.022222	452	21	0.04646	2023	63	0.031142	1742	86	0.049369	1583	45	0.028427	583	12	0.020583	839	31	0.036949	293	38	0.129693
XR_88205	105242929	Gm39001	chr7	44374497	44375903	537	153	0.284916	506	144	0.284585	445	136	0.305618	128	41	0.320313	214	50	0.233645	638	170	0.266458	396	116	0.292929	360	82	0.227778	148	30	0.202703	145	42	0.289655	27	2	0.074074
XR_88205	105242931	Gm39003	chr7	44446893	44451967	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88206	105242934	Gm39006	chr7	45299159	45302360	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88206	102633721	Gm31479	chr7	45595196	45603548	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88206	105242936	Gm39008	chr7	45659062	45676103	138	131	0.949275	74	66	0.891892	107	95	0.88785	#N/A	#N/A	#N/A	69	67	0.971014	92	82	0.891304	122	108	0.885246	#N/A	#N/A	#N/A	24	21	0.875	#N/A	#N/A	#N/A	45	42	0.933333
XR_88207	105242937	Gm39009	chr7	45765353	45775793	84	44	0.52381	107	55	0.514019	77	35	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	53	21	0.396226	36	11	0.305556	112	33	0.294643	120	16	0.133333	33	10	0.30303	78	10	0.128205	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88207	105242938	Gm39010	chr7	46041578	46042423	419	368	0.878282	338	315	0.931953	370	345	0.932432	111	106	0.954955	171	153	0.894737	437	381	0.871854	355	314	0.884507	381	334	0.87664	161	146	0.906832	141	129	0.914894	96	79	0.822917
XR_88207	102634252	Gm31882	chr7	46718894	46721322	11	2	0.181818	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	10	1	0.1	14	0	0	11	4	0.363636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88207	105242939	Gm39011	chr7	46855627	46861244	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88207	105242939	Gm39011	chr7	46855627	46861231	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88207	105242940	Gm39012	chr7	46957883	46970301	680	6	0.008824	520	3	0.005769	670	4	0.00597	75	4	0.053333	152	11	0.072368	797	5	0.006274	607	7	0.011532	491	2	0.004073	156	1	0.00641	284	1	0.003521	77	0	0
XR_88208	115486422	LOC11548	chr7	48878041	48880624	225	120	0.533333	196	71	0.362245	277	114	0.411552	18	4	0.222222	168	104	0.619048	252	150	0.595238	175	84	0.48	197	68	0.345178	95	32	0.336842	124	41	0.330645	37	15	0.405405
XR_88208	102636974	Gm33898	chr7	52887595	52976998	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88208	102636974	Gm33898	chr7	52887605	52907166	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88208	102636974	Gm33898	chr7	52887607	52907166	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88209	105242944	Gm39015	chr7	55765094	55768596	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88209	105242946	Gm39017	chr7	57276321	57302118	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88214	102633955	Gm31652	chr7	61329639	61336236	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88215	105247267	Gm42395	chr7	62297387	62309919	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88215	105242959	Gm39023	chr7	63823239	63852637	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88215	105242960	Gm39024	chr7	63956388	63959355	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88216	102635542	Gm20670	chr7	64057210	64068796	99	33	0.333333	57	17	0.298246	94	26	0.276596	22	6	0.272727	32	14	0.4375	93	12	0.129032	76	4	0.052632	58	7	0.12069	30	4	0.133333	63	8	0.126984	31	2	0.064516
XR_88216	102635542	Gm20670	chr7	64057210	64068796	99	33	0.333333	57	17	0.298246	94	26	0.276596	22	6	0.272727	32	14	0.4375	93	12	0.129032	76	4	0.052632	58	7	0.12069	30	4	0.133333	63	8	0.126984	31	2	0.064516
XR_88216	102635542	Gm20670	chr7	64057210	64068796	99	33	0.333333	57	17	0.298246	94	26	0.276596	22	6	0.272727	32	14	0.4375	93	12	0.129032	76	4	0.052632	58	7	0.12069	30	4	0.133333	63	8	0.126984	31	2	0.064516
XR_88218	102637575	Gm34350	chr7	67805810	67831071	67	0	0	40	1	0.025	62	3	0.048387	#N/A	#N/A	#N/A	92	6	0.065217	76	3	0.039474	60	10	0.166667	70	7	0.1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88219	102637987	Gm34664	chr7	68843110	68916024	620	271	0.437097	708	283	0.399718	684	276	0.403509	209	59	0.282297	448	204	0.455357	649	223	0.343606	478	170	0.355649	675	222	0.328889	286	74	0.258741	418	134	0.320574	63	31	0.492063
XR_88219	102637987	Gm34664	chr7	68909416	68916024	620	271	0.437097	708	283	0.399718	684	276	0.403509	209	59	0.282297	448	204	0.455357	649	223	0.343606	478	170	0.355649	675	222	0.328889	286	74	0.258741	418	134	0.320574	63	31	0.492063
XR_88219	102637987	Gm34664	chr7	68842138	68916024	620	271	0.437097	708	283	0.399718	684	276	0.403509	209	59	0.282297	448	204	0.455357	649	223	0.343606	478	170	0.355649	675	222	0.328889	286	74	0.258741	418	134	0.320574	63	31	0.492063
XR_88219	102637987	Gm34664	chr7	68887478	68916024	620	271	0.437097	708	283	0.399718	684	276	0.403509	209	59	0.282297	448	204	0.455357	649	223	0.343606	478	170	0.355649	675	222	0.328889	286	74	0.258741	418	134	0.320574	63	31	0.492063
XR_88219	102637987	Gm34664	chr7	68843110	68916024	620	271	0.437097	708	283	0.399718	684	276	0.403509	209	59	0.282297	448	204	0.455357	649	223	0.343606	478	170	0.355649	675	222	0.328889	286	74	0.258741	418	134	0.320574	63	31	0.492063
XR_88219	105242967	Gm39029	chr7	69056788	69061807	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88219	102638227	Gm34838	chr7	69391548	69400257	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88220	102641929	Gm38584	chr7	69475368	69491037	183	143	0.781421	215	178	0.827907	193	157	0.813472	16	14	0.875	52	39	0.75	207	149	0.719807	155	94	0.606452	195	139	0.712821	40	27	0.675	48	33	0.6875	30	21	0.7
XR_88220	102641929	Gm38584	chr7	69485424	69491037	183	143	0.781421	215	178	0.827907	193	157	0.813472	16	14	0.875	52	39	0.75	207	149	0.719807	155	94	0.606452	195	139	0.712821	40	27	0.675	48	33	0.6875	30	21	0.7
XR_88220	102638792	Gm35271	chr7	70202844	70207234	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88220	105242969	Gm39031	chr7	70708125	70716474	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88220	105242970	Gm39032	chr7	70802110	70811451	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88220	105247269	Gm42397	chr7	70957920	70975030	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88221	105242971	Gm39033	chr7	71090997	71123278	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88221	102640046	Gm36212	chr7	71234645	71265466	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88221	105242972	Gm39034	chr7	71282412	71287581	26	18	0.692308	26	19	0.730769	25	21	0.84	#N/A	#N/A	#N/A	12	9	0.75	41	25	0.609756	41	31	0.756098	44	28	0.636364	#N/A	#N/A	#N/A	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88221	102640113	Gm36260	chr7	71373324	71379820	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_88221	105242973	Gm39035	chr7	72306862	72323340	203	7	0.034483	306	1	0.003268	210	3	0.014286	28	0	0	97	0	0	178	0	0	156	0	0	150	0	0	109	0	0	140	3	0.021429	24	0	0
XR_88221	102640914	Gm36865	chr7	72748190	72826646	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	14	1	22	13	0.590909	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385
XR_88221	100504141	Gm20083	chr7	73185620	73192432	170	134	0.788235	217	162	0.746544	202	138	0.683168	42	37	0.880952	92	69	0.75	238	193	0.810924	215	101	0.469767	169	99	0.585799	34	15	0.441176	53	41	0.773585	35	14	0.4
XR_88221	100504141	Gm20083	chr7	73185620	73192432	170	134	0.788235	217	162	0.746544	202	138	0.683168	42	37	0.880952	92	69	0.75	238	193	0.810924	215	101	0.469767	169	99	0.585799	34	15	0.441176	53	41	0.773585	35	14	0.4
XR_88221	100504141	Gm20083	chr7	73185387	73192432	170	134	0.788235	217	162	0.746544	202	138	0.683168	42	37	0.880952	92	69	0.75	238	193	0.810924	215	101	0.469767	169	99	0.585799	34	15	0.441176	53	41	0.773585	35	14	0.4
XR_88222	100504141	Gm20083	chr7	73184642	73192432	373	326	0.873995	355	288	0.811268	407	335	0.823096	102	95	0.931373	234	204	0.871795	404	337	0.834158	343	213	0.620991	209	136	0.650718	104	75	0.721154	111	96	0.864865	90	60	0.666667
XR_88222	100504141	Gm20083	chr7	73185637	73192432	170	134	0.788235	217	162	0.746544	202	138	0.683168	42	37	0.880952	92	69	0.75	238	193	0.810924	215	101	0.469767	169	99	0.585799	34	15	0.441176	53	41	0.773585	35	14	0.4
XR_88222	100504141	Gm20083	chr7	73185391	73192432	170	134	0.788235	217	162	0.746544	202	138	0.683168	42	37	0.880952	92	69	0.75	238	193	0.810924	215	101	0.469767	169	99	0.585799	34	15	0.441176	53	41	0.773585	35	14	0.4

XR_882223	100504141	Gm20083	chr7	73183922	73192432	323	294	0.910217	322	268	0.832298	351	306	0.871795	102	95	0.931373	197	178	0.903553	342	295	0.862573	302	189	0.625828	160	112	0.7	104	75	0.721154	100	88	0.88	77	59	0.766234
XR_882227	105242975	Gm39036	chr7	73602753	73604109	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882228	102631948	Gm30149	chr7	73583285	73603364	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882229	102631948	Gm30149	chr7	73583285	73600503	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882235	105242978	Gm39038	chr7	78552852	78574321	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882236	105242979	Gm39039	chr7	78893775	78895782	1799	22	0.012229	2017	40	0.019831	1860	15	0.008065	231	1	0.004329	650	4	0.006154	1820	11	0.006044	1872	600	0.320513	2153	7	0.003251	603	8	0.013267	607	9	0.014827	127	1	0.007874
XR_882237	102633372	Gm31213	chr7	78938946	78954479	60	10	0.166667	140	25	0.178571	65	15	0.230769	#N/A	#N/A	#N/A	89	33	0.370787	54	10	0.185185	54	28	0.518519	131	33	0.251908	49	30	0.612245	42	7	0.166667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882241	105242980	Gm39040	chr7	79243823	79247572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882242	105242980	Gm39040	chr7	79245771	79247572	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882244	105242981	Gm39041	chr7	79298950	79302400	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882247	102633956	Gm31653	chr7	79396496	79398612	325	249	0.766154	296	226	0.763514	303	230	0.759076	#N/A	#N/A	#N/A	104	82	0.788462	322	267	0.829193	293	230	0.784983	240	182	0.758333	71	48	0.676056	67	63	0.940299	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882249	105247270	Gm42398	chr7	80543160	80556074	38	17	0.447368	28	18	0.642857	36	21	0.583333	12	10	0.833333	#N/A	#N/A	#N/A	46	24	0.521739	28	6	0.214286	33	18	0.545455	#N/A	#N/A	#N/A	13	8	0.615385	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882250	102634642	Gm32178	chr7	80956460	80981429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882252	102634642	Gm32178	chr7	80977913	80981429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882253	102634642	Gm32178	chr7	80956460	80981429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882254	102634642	Gm32178	chr7	80956460	80981429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882255	102634642	Gm32178	chr7	80956460	80981429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882259	102634642	Gm32178	chr7	80956460	80981429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882262	102635176	Gm32579	chr7	81708152	81710141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882263	105247272	Gm42400	chr7	81731461	81737634	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	30	26	0.866667	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882264	102635324	Gm32695	chr7	81835537	81849058	247	240	0.97166	170	167	0.982353	203	193	0.950739	78	73	0.935897	73	73	1	191	183	0.958115	178	172	0.966292	216	207	0.958333	87	76	0.873563	79	77	0.974684	46	39	0.847826
XR_882266	102635324	Gm32695	chr7	81835536	81849058	247	240	0.97166	170	167	0.982353	203	193	0.950739	78	73	0.935897	73	73	1	191	183	0.958115	178	172	0.966292	216	207	0.958333	87	76	0.873563	79	77	0.974684	46	39	0.847826
XR_882270	102635543	Gm32850	chr7	82120005	82161645	223	100	0.44843	209	84	0.401914	170	87	0.511765	#N/A	#N/A	#N/A	90	36	0.4	236	96	0.40678	197	75	0.380711	237	115	0.485232	54	27	0.5	21	14	0.666667	40	21	0.525
XR_882271	102635543	Gm32850	chr7	82120005	82123894	223	100	0.44843	209	84	0.401914	170	87	0.511765	#N/A	#N/A	#N/A	90	36	0.4	236	96	0.40678	197	75	0.380711	237	115	0.485232	54	27	0.5	21	14	0.666667	40	21	0.525
XR_882272	102635543	Gm32850	chr7	82120005	82161645	223	100	0.44843	209	84	0.401914	170	87	0.511765	#N/A	#N/A	#N/A	90	36	0.4	236	96	0.40678	197	75	0.380711	237	115	0.485232	54	27	0.5	21	14	0.666667	40	21	0.525
XR_882278	105247275	Gm42403	chrX	34821944	34838141	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882281	105247278	Gm42405	chrX	35367202	35369094	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882282	105247278	Gm42405	chrX	35367771	35369094	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882283	105247279	Gm42406	chrX	36138031	36196288	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882284	105247279	Gm42406	chrX	36138031	36195827	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882286	105243672	Gm39503	chrX	37154190	37172730	49	44	0.897959	53	52	0.981132	41	39	0.95122	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	45	45	1	29	28	0.965517	39	39	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882287	105243672	Gm39503	chrX	37168641	37173075	10	3	0.3	34	25	0.735294	22	19	0.863636	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	13	7	0.538462	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882288	70380	Mospd1	chrX	53347776	53370561	159	2	0.012579	88	2	0.022727	112	1	0.008929	#N/A	#N/A	#N/A	27	1	0.037037	186	0	0	74	1	0.013514	144	0	0	99	0	0	20	0	0	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882290	102642845	Gm38640	chrX	37567742	37581320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882291	102642845	Gm38640	chrX	37567742	37581473	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882292	102642845	Gm38640	chrX	37567742	37581313	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882293	102642845	Gm38640	chrX	37567742	37581320	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882294	105243675	Gm39506	chrX	38121576	38158422	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882295	105243676	Gm39507	chrX	38228492	38233654	20	17	0.85	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882296	109304	B230118I1	chrX	42378049	42406629	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882297	109304	B230118I1	chrX	42378049	42398751	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882299	105243677	Gm39508	chrX	45152171	45154256	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882301	105243679	Gm39510	chrX	47465791	47466863	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882302	105243680	Gm39511	chrX	48254336	48256792	276	0	0	280	3	0.010714	281	2	0.007117	#N/A	#N/A	#N/A	58	0	0	150	0	0	282	2	0.007092	293	1	0.003413	46	0	0	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882305	105243682	Gm39513	chrX	49286916	49315605	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882307	105247280	Gm42407	chrX	52760995	52763973	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882308	102639750	Gm35988	chrX	53128780	53167728	36	22	0.611111	#N/A	#N/A	#N/A	12	12	1	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	14	6	0.428571	22	10	0.454545	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882309	102639750	Gm35988	chrX	53072242	53167728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882310	102639750	Gm35988	chrX	53063860	53167728	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882312	102633761	Gm31511	chrY	15155266	15168330	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882313	102639559	Gm35843	chrY	19867879	19880935	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882315	101055632	Gm29582	chrY	30725675	30738546	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882317	102639191	LOC10263	chrY	31621865	31634741	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882318	102633256	Gm21094	chrY	32607553	32620428	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882319	100040363	Gm20838	chrY	33530260	33543149	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882321	105247283	Gm28597	chrY	41242210	41255476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882322	101055773	Gm29276	chrY	42569202	42582235	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882325	102635961	Gm28504	chrY	43160242	43173182	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882327	102636418	Gm21739	chrY	44251476	44264429	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882328	102640051	Gm29647	chrY	46481181	46494106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882329	102632829	Gm21256	chrY	47450975	47463847	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882330	100038971	Gm20792	chrY	48311870	48324789	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882337	102639708	Gm21758	chrY	59395280	59408253	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882340	100504642	Gm21996	chrY	89732650	89745517	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A
XR_882341	100040357	Gm20837	chrY	90401275	90414163	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A