

Top 100 upregulated transcripts in T-47D DSG2 KO (#1 + #2) tumor xenografts compared to WT

Ensembl_Id	Feature_name	log2Fold	lfcSE	p_value	adj_p_value
ENSG00000110848	CD69	3,77902	0,4047699	3,06E-09	6,66E-07
ENSG00000198963	RORB	3,71109	0,3406218	6,10E-22	3,06E-18
ENSG00000076706	MCAM	3,3554	0,3750368	1,88E-13	1,77E-10
ENSG00000188393	CLEC2A	3,07589	0,4151876	1,87E-07	1,78E-05
ENSG00000175315	CST6	2,96626	0,3434316	1,40E-13	1,46E-10
ENSG00000137752	CASP1	2,84616	0,353793	1,37E-11	6,63E-09
ENSG00000250584	LINC01511	2,83083	0,3816938	2,15E-08	3,02E-06
ENSG00000164708	PGAM2	2,79139	0,3836051	2,84E-08	3,78E-06
ENSG00000170465	KRT6C	2,75129	0,4247164	4,30E-06	0,000206
ENSG00000105974	CAV1	2,61088	0,4226476	1,75E-05	0,0006069
ENSG00000135116	HRK	2,60728	0,3771926	7,40E-08	8,43E-06
ENSG00000110852	CLEC2B	2,59807	0,3425215	1,65E-12	1,13E-09
ENSG00000106366	SERPINE1	2,49333	0,4192275	3,61E-05	0,0010873
ENSG00000058085	LAMC2	2,48171	0,4037231	3,40E-07	2,81E-05
ENSG00000137959	IFI44L	2,47902	0,3196564	2,81E-14	3,85E-11
ENSG00000111799	COL12A1	2,45407	0,2507608	5,00E-22	3,06E-18
ENSG00000253898	LINC01419	2,41242	0,4229673	8,60E-06	0,0003468
ENSG00000184384	MAML2	2,37404	0,3790465	1,65E-08	2,46E-06
ENSG00000248685	LINC02484	2,36228	0,4221558	1,86E-05	0,0006379
ENSG00000142089	IFITM3	2,35084	0,3917912	4,36E-10	1,26E-07
ENSG00000092969	TGFB2	2,30804	0,4007855	1,30E-07	1,35E-05
ENSG00000088899	LZTS3	2,29413	0,3605956	5,52E-09	1,02E-06
ENSG00000175445	LPL	2,28774	0,3843534	9,23E-07	5,93E-05
ENSG00000230937	MIR205HG	2,27798	0,3722323	3,04E-09	6,66E-07
ENSG00000111728	ST8SIA1	2,26977	0,399224	4,83E-07	3,61E-05
ENSG00000173705	SUSD5	2,25023	0,3226887	7,02E-11	2,78E-08
ENSG00000132274	TRIM22	2,23549	0,4108249	0,000121	0,0028092
ENSG00000180938	ZNF572	2,23107	0,4124934	5,45E-06	0,0002413
ENSG00000197565	COL4A6	2,16792	0,351986	6,56E-08	7,65E-06
ENSG00000128422	KRT17	2,15872	0,4164177	1,42E-06	8,47E-05
ENSG00000149131	SERPING1	2,13657	0,4082835	8,16E-05	0,0020709
ENSG00000163347	CLDN1	2,12738	0,3652311	1,35E-08	2,12E-06
ENSG00000149485	FADS1	2,1156	0,3302614	1,19E-09	3,03E-07
ENSG00000168280	KIF5C	2,11514	0,3852965	1,17E-06	7,18E-05
ENSG00000114279	FGF12	2,09774	0,3112792	2,40E-10	7,68E-08
ENSG00000144935	TRPC1	2,0843	0,3518673	1,53E-07	1,54E-05
ENSG00000243649	CFB	2,06934	0,3939059	2,84E-06	0,0001445
ENSG00000165512	ZNF22	2,06636	0,3280017	3,59E-09	7,35E-07
ENSG00000078081	LAMP3	2,06463	0,3836483	1,89E-07	1,79E-05
ENSG00000186081	KRT5	2,06009	0,419336	1,87E-05	0,0006392
ENSG00000178363	CALML3	2,05486	0,4269616	3,47E-05	0,0010522
ENSG00000145284	SCD5	2,05241	0,3962327	9,94E-06	0,0003894

ENSG00000112981	NME5	2,0378	0,4232913	0,000319	0,0058961
ENSG00000011028	MRC2	2,03671	0,4187863	0,000229	0,0045731
ENSG00000170454	KRT75	2,01414	0,4255246	4,82E-06	0,0002221
ENSG00000060709	RIMBP2	1,99635	0,4230187	0,000897	0,0126064
ENSG00000213614	HEXA	1,98733	0,2995713	4,62E-10	1,26E-07
ENSG00000154188	ANGPT1	1,98666	0,385818	1,07E-05	0,0004141
ENSG00000129680	MAP7D3	1,97293	0,4196518	0,000126	0,0028866
ENSG00000117228	GBP1	1,95652	0,3758952	1,94E-06	0,00011
ENSG00000163565	IFI16	1,95555	0,2733805	6,62E-12	3,43E-09
ENSG00000060718	COL11A1	1,95528	0,2966183	1,28E-10	4,83E-08
ENSG00000185201	IFITM2	1,95362	0,2645729	2,14E-12	1,34E-09
ENSG00000204397	CARD16	1,95304	0,3744589	4,78E-06	0,0002221
ENSG00000150556	LYPD6B	1,95088	0,3803131	4,36E-06	0,000207
ENSG00000102934	PLLP	1,94718	0,2799655	4,59E-11	1,92E-08
ENSG00000113946	CLDN16	1,9266	0,4189705	0,000118	0,0027487
ENSG00000108244	KRT23	1,91162	0,3294378	4,23E-08	5,35E-06
ENSG00000138271	GPR87	1,90843	0,3872783	7,38E-06	0,000304
ENSG00000172638	EFEMP2	1,90488	0,3806595	1,17E-05	0,0004437
ENSG00000143546	S100A8	1,8974	0,4199623	0,000212	0,0043483
ENSG00000021300	PLEKHB1	1,89166	0,3931187	1,72E-05	0,0005986
ENSG00000085741	WNT11	1,88666	0,3755344	2,25E-06	0,000124
ENSG00000180616	SSTR2	1,88087	0,3920005	7,04E-05	0,0018249
ENSG00000105141	CASP14	1,87971	0,4209306	5,29E-05	0,0014592
ENSG00000168016	TRANK1	1,87964	0,3649941	2,79E-06	0,0001425
ENSG00000141756	FKBP10	1,8715	0,3126855	1,02E-08	1,69E-06
ENSG00000154342	WNT3A	1,8714	0,3939754	1,42E-05	0,0005096
ENSG00000090376	IRAK3	1,86474	0,4227003	0,001587	0,0193883
ENSG00000250280	AC026124.1	1,86259	0,4109861	0,000557	0,0090157
ENSG00000086570	FAT2	1,86216	0,4196067	0,000269	0,00517
ENSG00000278318	ZNF229	1,85706	0,412845	0,000549	0,0088915
ENSG00000081059	TCF7	1,85466	0,4227362	0,000837	0,0119756
ENSG00000164176	EDIL3	1,84469	0,3881821	3,46E-05	0,0010505
ENSG00000119917	IFIT3	1,84083	0,3756919	1,36E-06	8,20E-05
ENSG00000139211	AMIGO2	1,83694	0,2460767	1,34E-13	1,46E-10
ENSG00000173432	SAA1	1,8335	0,4170287	4,91E-05	0,0013805
ENSG00000188732	FAM221A	1,83079	0,347781	2,44E-06	0,0001296
ENSG00000253304	TMEM200B	1,82784	0,4036493	7,29E-05	0,0018832
ENSG00000078053	AMPH	1,82649	0,4026426	0,000104	0,0024903
ENSG00000095596	CYP26A1	1,82631	0,4079338	1,14E-05	0,0004339
ENSG00000165164	CFAP47	1,82172	0,4113081	0,000178	0,0037803
ENSG00000168824	HGNC:1879C	1,81705	0,4181096	0,00037	0,0066204
ENSG00000111817	DSE	1,81084	0,4197288	0,000509	0,0084635
ENSG00000243910	TUBA4B	1,80452	0,425076	0,000363	0,0065297
ENSG00000166509	CLEC3A	1,7989	0,4240733	0,00065	0,0099908
ENSG00000184226	PCDH9	1,79873	0,4150512	3,23E-06	0,0001622
ENSG00000154783	FGD5	1,79269	0,4059846	1,95E-05	0,0006609
ENSG00000115221	ITGB6	1,77839	0,383205	1,38E-05	0,0005032

ENSG00000268658	LINC00664	1,77523	0,411837	0,000568	0,0091164
ENSG00000134326	CMPK2	1,77504	0,3563627	2,00E-06	0,0001123
ENSG00000270093	AP000473.2	1,77056	0,4221336	0,002397	0,0258422
ENSG00000137501	SYTL2	1,76984	0,2503146	3,28E-12	1,76E-09
ENSG00000026652	AGPAT4	1,76586	0,414072	0,000369	0,0066204
ENSG00000125730	C3	1,76508	0,4108213	0,000191	0,0039815
ENSG00000166033	HTRA1	1,76122	0,3526877	2,35E-06	0,0001282
ENSG00000228956	SATB1-AS1	1,76113	0,4223914	0,00095	0,0131759
ENSG00000212916	MAP10	1,74848	0,4039392	0,000546	0,008855
ENSG00000254731	AP003059.1	1,74683	0,4084418	0,000677	0,0102709
ENSG00000111199	TRPV4	1,73553	0,358961	1,21E-05	0,0004549

Top 100 downregulated transcripts in T-47D DSG2 KO (#1 + #2) tumor xenografts compared to WT

Ensembl_Id	Feature_n	log2Fold	lfcSE	p_value	adj_p_value
ENSG00000171428	NAT1	-2,76537	0,322845761	5,81E-17	1,75E-13
ENSG00000229453	SPINK8	-2,76168	0,381201735	3,15E-12	1,75E-09
ENSG00000205426	KRT81	-2,74355	0,413210526	2,18E-10	7,13E-08
ENSG00000101298	SNPH	-2,69657	0,330997641	1,95E-15	3,26E-12
ENSG00000005249	PRKAR2B	-2,55697	0,25104232	5,76E-24	8,66E-20
ENSG00000149256	TENM4	-2,45368	0,41304201	1,25E-08	2,00E-06
ENSG00000167757	KLK11	-2,45249	0,39771762	2,42E-09	5,53E-07
ENSG00000010932	FMO1	-2,44975	0,399928713	4,89E-09	9,31E-07
ENSG00000128849	CGNL1	-2,44449	0,296968307	6,32E-16	1,58E-12
ENSG00000165643	SOHLH1	-2,41778	0,419914282	5,05E-08	6,28E-06
ENSG00000147573	TRIM55	-2,3553	0,416218632	1,70E-08	2,50E-06
ENSG00000178403	NEUROG2	-2,34276	0,420844482	6,96E-08	8,05E-06
ENSG00000282815	TEX13C	-2,33816	0,422080023	3,00E-07	2,55E-05
ENSG00000179083	FAM133A	-2,31722	0,382766246	3,62E-09	7,35E-07
ENSG00000187730	GABRD	-2,24624	0,282093419	1,84E-15	3,26E-12
ENSG00000160180	TFF3	-2,24379	0,308354835	1,12E-12	8,89E-10
ENSG00000125788	DEFB126	-2,24023	0,411352023	2,72E-07	2,39E-05
ENSG00000179593	ALOX15B	-2,23374	0,430213501	2,23E-06	0,000123562
ENSG00000166106	ADAMTS15	-2,22015	0,371654042	7,68E-09	1,34E-06
ENSG00000125931	CITED1	-2,20918	0,413500359	3,10E-07	2,62E-05
ENSG00000065833	ME1	-2,19021	0,427809739	1,37E-06	8,21E-05
ENSG00000131771	PPP1R1B	-2,18264	0,391869707	7,12E-08	8,18E-06
ENSG00000148803	FUOM	-2,17227	0,42444174	3,83E-07	3,03E-05
ENSG00000169347	GP2	-2,15997	0,427813269	5,91E-07	4,17E-05
ENSG00000117115	PADI2	-2,1506	0,408771704	4,91E-07	3,64E-05
ENSG00000173175	ADCY5	-2,12695	0,422039602	2,69E-06	0,000139791
ENSG00000103316	CRYM	-2,11008	0,408346999	7,33E-07	4,98E-05
ENSG00000064787	BCAS1	-2,05922	0,29590583	9,03E-12	4,53E-09
ENSG00000111341	MGP	-2,04709	0,368110041	8,24E-08	9,18E-06
ENSG00000074370	ATP2A3	-2,04433	0,324314292	6,00E-10	1,58E-07
ENSG00000163884	KLF15	-2,04135	0,390320295	3,19E-07	2,68E-05
ENSG00000224960	PPP4R3CP	-2,01996	0,39608602	6,50E-07	4,53E-05
ENSG00000154080	CHST9	-1,9975	0,428948536	1,38E-05	0,00050323
ENSG00000162407	PLPP3	-1,96758	0,333458728	6,89E-09	1,23E-06
ENSG00000050030	NEXMIF	-1,95685	0,339924991	1,47E-08	2,24E-06
ENSG00000153060	TEKT5	-1,92707	0,401795427	4,81E-06	0,000222129
ENSG00000134240	HMGCS2	-1,90183	0,380067251	9,74E-07	6,19E-05
ENSG00000170442	KRT86	-1,90003	0,39396859	2,37E-06	0,000128238
ENSG00000182111	ZNF716	-1,84595	0,369163453	7,59E-07	5,03E-05
ENSG00000168453	HR	-1,83837	0,292403412	3,85E-10	1,16E-07
ENSG00000143194	MAEL	-1,82781	0,420857934	7,89E-06	0,000321794
ENSG00000104154	SLC30A4	-1,82531	0,304851173	3,28E-09	7,04E-07
ENSG00000115290	GRB14	-1,82433	0,366774594	8,32E-07	5,44E-05

ENSG00000107742	SPOCK2	-1,81791	0,411973769	1,60E-05	0,000565797
ENSG00000113763	UNC5A	-1,79996	0,420490691	4,24E-05	0,001244367
ENSG00000152049	KCNE4	-1,79091	0,393305686	1,34E-05	0,000497382
ENSG00000196917	HCAR1	-1,78917	0,276126745	2,00E-10	6,76E-08
ENSG00000141977	CIB3	-1,78648	0,426718472	3,06E-05	0,000963745
ENSG00000121966	CXCR4	-1,7845	0,408168707	3,41E-05	0,001043945
ENSG00000105668	UPK1A	-1,78178	0,421086898	4,99E-05	0,001396521
ENSG00000242265	PEG10	-1,7806	0,404239032	2,45E-05	0,000804748
ENSG00000177689	MAGEB10	-1,7746	0,42723921	0,0001345	0,003019557
ENSG00000170893	TRH	-1,76908	0,418920361	2,35E-05	0,000780238
ENSG00000124493	GRM4	-1,76679	0,389628736	1,02E-05	0,000396948
ENSG00000172551	MUCL1	-1,75214	0,417041291	5,75E-05	0,001560582
ENSG00000126778	SIX1	-1,75049	0,327465993	1,81E-07	1,75E-05
ENSG00000162482	AKR7A3	-1,74575	0,35505496	1,68E-06	9,71E-05
ENSG00000158258	CLSTN2	-1,74411	0,339341975	7,17E-07	4,94E-05
ENSG00000198846	TOX	-1,72577	0,430216932	0,0001964	0,004081474
ENSG00000253552	HOXA-AS2	-1,70717	0,407430289	0,0002276	0,004558142
ENSG00000188488	SERPINA5	-1,68888	0,40107733	3,25E-05	0,001001025
ENSG00000147145	LPAR4	-1,66023	0,424135878	0,0001049	0,002504751
ENSG00000141655	TNFRSF11A	-1,65976	0,384398525	2,80E-05	0,000896936
ENSG00000261342	AC006538,1	-1,65591	0,395358174	3,85E-05	0,001147801
ENSG00000106541	AGR2	-1,64793	0,343060063	4,17E-06	0,000201171
ENSG00000182575	NXPH3	-1,646	0,428247107	0,0002379	0,004727226
ENSG00000178538	CA8	-1,64152	0,310245645	2,48E-07	2,22E-05
ENSG00000151726	ACSL1	-1,63911	0,334524138	9,79E-07	6,19E-05
ENSG00000076258	FMO4	-1,63373	0,283173878	5,62E-09	1,02E-06
ENSG00000155792	DEPTOR	-1,62743	0,359765486	8,76E-06	0,000351282
ENSG00000135218	CD36	-1,60428	0,398018394	0,0001004	0,002420277
ENSG00000138696	BMPR1B	-1,60293	0,341166461	3,69E-06	0,000182255
ENSG00000198682	PAPSS2	-1,60135	0,276637235	8,35E-09	1,44E-06
ENSG00000080493	SLC4A4	-1,59381	0,415252544	0,0001834	0,003874848
ENSG00000245848	CEBPA	-1,58977	0,309530112	3,77E-07	3,02E-05
ENSG00000166407	LMO1	-1,57995	0,420161168	0,0002555	0,004977484
ENSG00000179869	ABCA13	-1,57192	0,425974182	0,0003374	0,006182356
ENSG00000120875	DUSP4	-1,56865	0,347181638	9,38E-06	0,000371508
ENSG00000136883	KIF12	-1,56649	0,423656297	0,0005181	0,008574003
ENSG00000224899	AC019155,3	-1,56591	0,417910563	0,0006825	0,010349226
ENSG00000008513	ST3GAL1	-1,55806	0,31103452	7,56E-07	5,03E-05
ENSG00000249550	LINC01234	-1,55504	0,416486437	0,000254	0,00496179
ENSG00000240240	BX664727,3	-1,55442	0,406246961	0,000163	0,003512582
ENSG00000131914	LIN28A	-1,55195	0,428760483	0,0006261	0,009750695
ENSG00000272831	AC027644,3	-1,54922	0,215445293	8,00E-13	6,68E-10
ENSG00000119138	KLF9	-1,54881	0,270837752	1,10E-08	1,79E-06
ENSG00000164403	SHROOM1	-1,54847	0,368594085	4,67E-05	0,001326518
ENSG00000186493	C5orf38	-1,54784	0,256522864	4,05E-09	8,13E-07
ENSG00000263753	LINC00667	-1,54291	0,396760709	0,0001401	0,003112563
ENSG00000105929	ATP6V0A4	-1,52856	0,425217586	0,0005989	0,00948331

ENSG00000104112	SCG3	-1,52821	0,391826833	0,0002172	0,004426262
ENSG00000096088	PGC	-1,52511	0,415315167	0,0002759	0,005259195
ENSG00000204385	SLC44A4	-1,51991	0,416405617	0,0001602	0,003466925
ENSG00000222020	AC062017,1	-1,51549	0,400557871	0,0002683	0,005167964
ENSG00000049130	KITLG	-1,51486	0,239478056	3,22E-10	9,88E-08
ENSG00000078549	ADCYAP1R1	-1,51353	0,429191334	0,0006923	0,010440763
ENSG00000138166	DUSP5	-1,51223	0,329043344	7,10E-06	0,000297956