

**Top 100 upregulated
transcripts in T-47D
DSG2 KO (#1 + #2) KO
cells vs WT**

Ensembl_Id	Feature_name	log2FoldChange	lfcSE	pvalue	padj
ENSG00000111716	LDHB	4,092763	0,20953107	2,69E-76	9,18E-73
ENSG00000175315	CST6	3,228452	0,3512617	3,32E-10	2,11E-08
ENSG00000198681	MAGEA1	3,096306	0,23177687	3,41E-35	2,45E-32
ENSG00000175445	LPL	3,060917	0,34133001	5,68E-08	2,18E-06
ENSG00000134258	VTCN1	2,98277	0,28732784	9,86E-20	2,24E-17
ENSG00000211448	DIO2	2,93665	0,33741279	1,52E-11	1,28E-09
ENSG00000130635	COL5A1	2,830584	0,34887916	2,27E-07	7,67E-06
ENSG00000120669	SOHLH2	2,7755	0,31706345	1,07E-12	1,15E-10
ENSG00000163220	S100A9	2,751307	0,23719234	1,44E-27	5,78E-25
ENSG00000137501	SYTL2	2,680008	0,35171213	7,14E-07	2,15E-05
ENSG00000092969	TGFB2	2,656604	0,3621478	2,53E-08	1,05E-06
ENSG00000151882	CCL28	2,558178	0,24837276	5,71E-22	1,42E-19
ENSG00000205777	GAGE1	2,504991	0,35965765	2,42E-06	6,43E-05
ENSG00000105278	ZFR2	2,488861	0,31282969	2,55E-12	2,56E-10
ENSG00000165626	BEND7	2,46153	0,33330371	3,11E-09	1,59E-07
ENSG00000198947	DMD	2,421439	0,32798944	2,15E-10	1,42E-08
ENSG00000153956	CACNA2D1	2,40556	0,30808915	1,05E-12	1,13E-10
ENSG00000163347	CLDN1	2,393989	0,29974162	4,33E-16	7,21E-14
ENSG00000167767	KRT80	2,267571	0,22778349	1,02E-21	2,49E-19
ENSG00000198963	RORB	2,255335	0,18110594	6,41E-35	4,37E-32
ENSG00000113389	NPR3	2,236024	0,29565308	3,90E-12	3,75E-10
ENSG00000187608	ISG15	2,229096	0,32832346	8,09E-10	4,64E-08
ENSG00000105810	CDK6	2,212535	0,31757297	3,31E-10	2,11E-08
ENSG00000125266	EFNB2	2,183846	0,36572382	1,51E-05	0,00030657
ENSG00000101144	BMP7	2,150191	0,30916276	3,58E-10	2,23E-08
ENSG00000117228	GBP1	2,146396	0,33369259	9,71E-09	4,44E-07
ENSG00000145284	SCD5	2,095594	0,2844838	6,90E-12	6,28E-10
ENSG00000163171	CDC42EP3	2,071861	0,26034852	3,59E-14	4,75E-12
ENSG00000180875	GREM2	2,048675	0,35538979	3,30E-06	8,42E-05
ENSG00000197565	COL4A6	2,010583	0,32257083	2,52E-08	1,05E-06
ENSG00000118523	CTGF	1,972824	0,35546553	6,94E-06	0,00016028
ENSG00000226887	ERVMER34-1	1,956936	0,26744863	3,66E-12	3,54E-10
ENSG00000064655	EYA2	1,955921	0,35078482	7,73E-07	2,31E-05
ENSG00000111859	NEDD9	1,948721	0,31214105	1,18E-08	5,26E-07
ENSG00000113231	PDE8B	1,940581	0,22864737	1,26E-16	2,23E-14
ENSG00000104419	NDRG1	1,934421	0,35998468	9,26E-06	0,00020354
ENSG00000166823	MESP1	1,903642	0,36995215	6,92E-05	0,00112182
ENSG00000187889	FYB2	1,899169	0,31040657	9,21E-09	4,26E-07
ENSG00000166503	HDGFL3	1,889096	0,21593047	1,48E-17	2,76E-15

ENSG00000109205	ODAM	1,884903	0,32277985	5,27E-08	2,04E-06
ENSG00000210151	MT-TS1	1,869849	0,26331795	2,25E-12	2,33E-10
ENSG00000185532	PRKG1	1,865783	0,37032451	7,55E-05	0,00120792
ENSG00000142089	IFITM3	1,862214	0,27716394	7,41E-11	5,53E-09
ENSG00000108786	HSD17B1	1,854193	0,18563109	5,76E-23	1,51E-20
ENSG00000210112	MT-TM	1,827793	0,21618312	2,71E-17	4,92E-15
ENSG00000110375	UPK2	1,82334	0,27500658	1,78E-10	1,22E-08
ENSG00000128045	RASL11B	1,820712	0,35479329	7,83E-06	0,00017596
ENSG00000074527	NTN4	1,813271	0,35895195	2,99E-05	0,00054534
ENSG00000174099	MSRB3	1,810299	0,27700491	3,93E-10	2,44E-08
ENSG00000165949	IFI27	1,78256	0,36679237	5,73E-08	2,20E-06
ENSG00000189337	KAZN	1,78061	0,34748177	6,93E-06	0,00016028
ENSG00000070190	DAPP1	1,780013	0,37119974	0,000133	0,001933
ENSG00000150687	PRSS23	1,776326	0,32459375	1,35E-07	4,74E-06
ENSG00000175352	NRIP3	1,767134	0,21960264	1,67E-15	2,57E-13
ENSG00000047597	XK	1,751124	0,34948975	9,17E-06	0,00020246
ENSG00000135218	CD36	1,750212	0,27716521	1,58E-09	8,43E-08
ENSG00000138772	ANXA3	1,749129	0,31231848	1,24E-07	4,40E-06
ENSG00000166206	GABRB3	1,745707	0,23730637	8,93E-13	9,90E-11
ENSG00000168952	STXBP6	1,726541	0,2573242	1,13E-10	8,09E-09
ENSG00000175806	MSRA	1,723375	0,32866637	1,75E-06	4,78E-05
ENSG00000172716	SLFN11	1,722383	0,27527973	1,39E-09	7,47E-08
ENSG00000157657	ZNF618	1,71986	0,36575371	0,00012625	0,00186046
ENSG00000183722	LHFPL6	1,717397	0,37034399	0,00018716	0,00253621
ENSG00000126947	ARMCX1	1,709919	0,23430646	6,10E-13	6,96E-11
ENSG00000254615	AC027031.2	1,709231	0,35925554	3,52E-05	0,00062606
ENSG00000127824	TUBA4A	1,706341	0,25154394	2,09E-11	1,71E-09
ENSG00000172965	MIR4435-2HG	1,70271	0,31432229	5,01E-08	1,97E-06
ENSG00000169862	CTNND2	1,701092	0,36968566	0,00035881	0,0042173
ENSG00000246695	RASSF8-AS1	1,697086	0,30985809	2,78E-07	9,14E-06
ENSG00000205413	SAMD9	1,692704	0,33152035	1,25E-06	3,57E-05
ENSG00000198535	C2CD4A	1,68796	0,3674135	2,00E-05	0,00039128
ENSG00000089127	OAS1	1,687764	0,351202	3,81E-06	9,54E-05
ENSG00000189280	GJB5	1,687147	0,36329304	8,21E-05	0,00129384
ENSG00000141449	GREB1L	1,676923	0,36276157	9,18E-05	0,00141644
ENSG00000178773	CPNE7	1,656166	0,36127592	6,20E-05	0,00102709
ENSG00000123094	RASSF8	1,651329	0,23585386	9,04E-12	7,91E-10
ENSG00000156103	MMP16	1,620588	0,34025917	2,88E-06	7,48E-05
ENSG00000115758	ODC1	1,596681	0,18094035	2,55E-18	4,97E-16
ENSG00000170558	CDH2	1,586252	0,37157364	4,30E-05	0,00074091
ENSG00000132821	VSTM2L	1,583262	0,36432657	0,00018163	0,00248488
ENSG00000078725	BRINP1	1,580395	0,37140167	3,80E-05	0,00066606
ENSG00000136689	IL1RN	1,574653	0,36608328	0,00011561	0,00173369
ENSG00000137821	LRRRC49	1,573963	0,21503859	7,02E-13	7,86E-11

ENSG00000113594	LIFR	1,569353	0,36949714	0,00026393	0,00332251
ENSG00000162174	ASRGL1	1,566199	0,32942618	8,23E-06	0,00018389
ENSG00000250303	AP002884.3	1,56465	0,37219639	0,00045548	0,00503687
ENSG00000157601	MX1	1,553616	0,34826046	4,46E-06	0,00010973
ENSG00000164188	RANBP3L	1,552777	0,36583194	0,00022216	0,00290936
ENSG00000117148	ACTL8	1,55206	0,37221155	0,00041835	0,00471797
ENSG00000125726	CD70	1,548762	0,31742855	4,88E-06	0,00011796
ENSG00000164128	NPY1R	1,545886	0,37159066	0,00066126	0,00676127
ENSG00000158055	GRHL3	1,537986	0,30578238	1,39E-06	3,90E-05
ENSG00000148120	C9orf3	1,535048	0,2289262	3,71E-11	2,91E-09
ENSG00000081870	HSPB11	1,532433	0,24557194	7,14E-10	4,15E-08
ENSG00000267795	SMIM22	1,530571	0,2648831	1,90E-08	8,21E-07
ENSG00000126709	IFI6	1,522224	0,31724775	1,19E-06	3,40E-05
ENSG00000227372	TP73-AS1__EN	1,520262	0,30930792	3,32E-06	8,44E-05
ENSG00000156284	CLDN8	1,501962	0,30807342	3,21E-06	8,24E-05
ENSG00000171617	ENC1	1,500272	0,37072639	0,00039669	0,00453373
ENSG00000140479	PCSK6	1,498394	0,37063677	7,60E-05	0,00121472

**Top 100 upregulated
transcripts in T-47D
DSG2 KO (#1 + #2) KO
cells vs WT**

Ensembl_Id	Feature_name	log2FoldCllfcSE	pvalue	padj
ENSG00000079841	RIMS1	-4,91735 0,206904	1,35E-110	1,84E-106
ENSG00000139269	INHBE	-4,50325 0,260835	8,43E-54	1,92E-50
ENSG00000138696	BMPRI1B	-4,46863 0,261347	3,34E-51	6,51E-48
ENSG00000183888	C1orf64	-4,02948 0,306539	2,85E-28	1,25E-25
ENSG00000160180	TFF3	-3,98804 0,181693	3,64E-105	2,48E-101
ENSG00000182575	NXPH3	-3,39879 0,28349	1,22E-28	5,96E-26
ENSG00000179083	FAM133A	-2,90218 0,353321	1,81E-12	1,90E-10
ENSG00000248498	ASNSP1	-2,84507 0,26005	2,65E-26	8,83E-24
ENSG00000184564	SLITRK6	-2,80256 0,359571	1,11E-10	8,03E-09
ENSG00000120875	DUSP4	-2,80194 0,199886	3,75E-44	5,12E-41
ENSG00000160182	TFF1	-2,78544 0,363897	7,02E-10	4,10E-08
ENSG00000225231	LINC02470	-2,74513 0,333606	5,84E-14	7,66E-12
ENSG00000119514	GALNT12	-2,67158 0,344953	2,29E-12	2,35E-10
ENSG00000166106	ADAMTS15	-2,64808 0,35596	1,06E-10	7,71E-09
ENSG00000149150	SLC43A1	-2,49832 0,30226	1,54E-15	2,42E-13
ENSG00000173114	LRRN3	-2,45844 0,116448	8,91E-99	4,05E-95
ENSG00000118298	CA14	-2,44993 0,296727	9,92E-16	1,59E-13
ENSG00000128165	ADM2	-2,41928 0,213788	2,71E-29	1,37E-26
ENSG00000128965	CHAC1	-2,35904 0,300057	2,00E-14	2,67E-12
ENSG00000130513	GDF15	-2,35718 0,142723	3,48E-61	9,49E-58
ENSG00000125398	SOX9	-2,28581 0,28675	2,98E-15	4,33E-13
ENSG00000197594	ENPP1	-2,27337 0,18518	1,61E-34	1,00E-31
ENSG00000150051	MKX	-2,21351 0,266265	2,69E-16	4,59E-14
ENSG00000176641	RNF152	-2,19377 0,201358	1,55E-27	6,03E-25
ENSG00000109586	GALNT7	-2,19224 0,177592	8,92E-35	5,80E-32
ENSG00000144452	ABCA12	-2,14718 0,202197	3,09E-26	1,00E-23
ENSG00000105048	TNNT1	-2,11447 0,146913	7,10E-47	1,08E-43
ENSG00000137573	SULF1	-2,09109 0,191036	8,96E-28	3,71E-25
ENSG00000175197	DDIT3	-2,08614 0,157808	7,62E-40	8,00E-37
ENSG00000137441	FGFBP2	-2,05522 0,345241	1,01E-08	4,62E-07
ENSG00000156113	KCNMA1	-2,03653 0,3366	3,76E-09	1,87E-07
ENSG00000118513	MYB	-2,03596 0,189467	8,74E-27	3,14E-24
ENSG00000167105	TMEM92	-2,0322 0,328977	2,16E-09	1,12E-07
ENSG00000106003	LFNG	-2,03021 0,184683	4,83E-28	2,06E-25
ENSG00000180616	SSTR2	-2,00621 0,314628	4,11E-10	2,54E-08
ENSG00000135905	DOCK10	-1,99695 0,292044	1,65E-11	1,38E-09
ENSG00000111341	MGP	-1,98008 0,342555	1,50E-08	6,57E-07
ENSG00000107731	UNC5B	-1,97699 0,33857	1,35E-08	5,96E-07
ENSG00000144331	ZNF385B	-1,95368 0,289587	2,80E-11	2,26E-09

ENSG00000186806	VSIG10L	-1,94104	0,2766	3,31E-12	3,30E-10
ENSG00000230873	STMND1	-1,91283	0,261431	3,50E-13	4,34E-11
ENSG00000119699	TGFB3	-1,91257	0,146501	6,84E-39	6,23E-36
ENSG00000110811	P3H3	-1,91034	0,264493	6,53E-13	7,37E-11
ENSG00000178538	CA8	-1,90864	0,239239	1,79E-15	2,68E-13
ENSG00000168301	KCTD6	-1,9059	0,172206	2,09E-28	9,81E-26
ENSG00000129951	PLPPR3	-1,89503	0,270215	3,65E-12	3,54E-10
ENSG00000115414	FN1	-1,88763	0,296113	3,09E-10	1,99E-08
ENSG00000163517	HDAC11	-1,88543	0,201663	1,12E-20	2,68E-18
ENSG00000198682	PAPSS2	-1,87406	0,149292	4,32E-36	3,69E-33
ENSG00000070540	WIPI1	-1,86972	0,175673	2,15E-26	7,35E-24
ENSG00000244558	KCNK15-AS1	-1,86691	0,341244	1,10E-07	3,97E-06
ENSG00000134533	RERG	-1,86561	0,163379	3,72E-30	2,12E-27
ENSG00000131711	MAP1B	-1,86303	0,334762	4,98E-08	1,96E-06
ENSG00000040731	CDH10	-1,86008	0,36629	9,00E-07	2,64E-05
ENSG00000111087	GLI1	-1,85722	0,36535	1,42E-06	3,98E-05
ENSG00000196167	COLCA1	-1,8059	0,366785	3,28E-06	8,39E-05
ENSG00000101255	TRIB3	-1,79172	0,198628	2,06E-19	4,39E-17
ENSG00000189334	S100A14	-1,78636	0,290048	9,46E-10	5,27E-08
ENSG00000162576	MXRA8	-1,77753	0,355377	1,35E-06	3,80E-05
ENSG00000168843	FSTL5	-1,77696	0,368877	4,80E-06	0,000116
ENSG00000107821	KAZALD1	-1,76961	0,141187	5,13E-36	4,12E-33
ENSG00000079102	RUNX1T1	-1,7669	0,285836	8,23E-10	4,70E-08
ENSG00000279013	AC110774.1	-1,76176	0,367932	1,00E-05	0,000217
ENSG00000056291	NPFFR2	-1,76079	0,358495	9,06E-07	2,64E-05
ENSG00000173281	PPP1R3B	-1,75651	0,299274	6,22E-09	2,97E-07
ENSG00000116299	KIAA1324	-1,73554	0,157123	2,41E-28	1,10E-25
ENSG00000103528	SYT17	-1,72603	0,317316	7,79E-08	2,90E-06
ENSG00000173467	AGR3	-1,71292	0,129366	5,19E-40	5,90E-37
ENSG00000125746	EML2	-1,71267	0,158747	4,03E-27	1,53E-24
ENSG00000152402	GUCY1A2	-1,70455	0,19137	5,58E-19	1,15E-16
ENSG00000184937	WT1	-1,70113	0,307303	4,44E-08	1,78E-06
ENSG00000187720	THSD4	-1,69152	0,161124	9,18E-26	2,85E-23
ENSG00000197892	KIF13B	-1,67394	0,199759	5,79E-17	1,04E-14
ENSG00000136574	GATA4	-1,65982	0,348336	3,32E-06	8,44E-05
ENSG00000182704	TSKU	-1,65253	0,178905	2,72E-20	6,29E-18
ENSG00000153246	PLA2R1	-1,64434	0,35257	4,87E-06	0,000118
ENSG00000078596	ITM2A	-1,63376	0,303923	9,45E-08	3,46E-06
ENSG00000137331	IER3	-1,63314	0,124468	2,54E-39	2,48E-36
ENSG00000131650	KREMEN2	-1,62844	0,188337	5,61E-18	1,08E-15
ENSG00000104427	ZC2HC1A	-1,58747	0,218692	4,23E-13	5,11E-11
ENSG00000111077	TNS2	-1,58379	0,203996	8,71E-15	1,19E-12
ENSG00000130766	SESN2	-1,58167	0,140615	2,39E-29	1,25E-26
ENSG00000124143	ARHGAP40	-1,57929	0,317997	8,48E-07	2,50E-05

ENSG00000121270	ABCC11	-1,5784	0,219009	6,10E-13	6,96E-11
ENSG00000092421	SEMA6A	-1,57556	0,292812	8,65E-08	3,19E-06
ENSG00000008056	SYN1	-1,56858	0,371893	9,50E-05	0,001462
ENSG00000120594	PLXDC2	-1,56351	0,355975	1,81E-05	0,000359
ENSG00000198142	SOWAHC	-1,56322	0,220888	1,60E-12	1,69E-10
ENSG000000051108	HERPUD1	-1,55365	0,150324	4,85E-25	1,47E-22
ENSG00000138166	DUSP5	-1,55328	0,233574	3,09E-11	2,47E-09
ENSG00000144649	FAM198A	-1,54205	0,253449	1,25E-09	6,75E-08
ENSG00000257101	LRRC37A13P	-1,53876	0,150554	1,62E-24	4,80E-22
ENSG00000105514	RAB3D	-1,53227	0,152925	1,25E-23	3,47E-21
ENSG00000186907	RTN4RL2	-1,52915	0,294049	2,18E-07	7,45E-06
ENSG00000133710	SPINK5	-1,51236	0,362332	7,38E-05	0,001183
ENSG00000128272	ATF4	-1,50025	0,147066	2,00E-24	5,82E-22
ENSG00000246705	H2AFJ	-1,4998	0,10164	2,76E-49	4,71E-46
ENSG00000261474	AC026471.4	-1,49948	0,371991	0,0001513	0,002137
ENSG00000170893	TRH	-1,49517	0,367033	0,0002057	0,00274