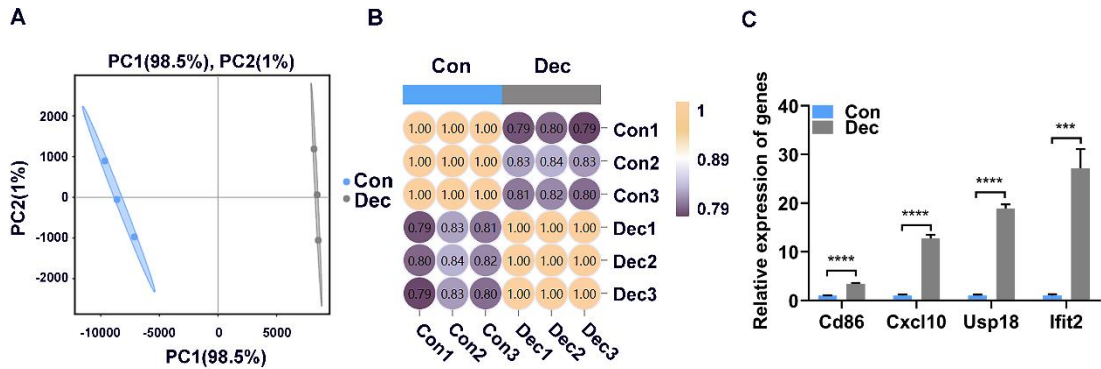


Supplementary figure 1:

Caption of the figure 1. (A) PCA analysis of MDSCs treated with PBS and Dec. (B) Sample correlation test, n=3. (C) Validation of M1 macrophage-related gene expression by qPCR.



Supplementary table 1:

Caption of the table 1.

2293 differentially expressed genes of Control and Decitabine treated groups at 48 hours.

Nu	Con1-48h	Con2-48h	Con3-48h	Dec1-48h	Dec2-48h	Dec3-48h	Con48h_mean	Dec48h_mean	log2(fc)	PValue	FDR	Symbol
1	59.24	60.56	60.47	1.08	1.01	1.18	60.09	1.09	-5.78472	0	0	Itgb2l
2	12.59	11.69	10.83	74.89	81.36	80.49	11.70333333	78.91333333	2.75335	0	0	Mx1
3	65.94	61.41	62.38	18.3	18.29	18.44	63.24333333	18.34333333	-1.78566	0	0	Mxd1
4	125.56	118.1	121.47	328.7	316.29	345.37	121.71	330.12	1.439543	0	0	Cd36
5	27.65	27.65	30.03	3.17	3.56	3.46	28.44333333	3.396666667	-3.0659	0	0	Slc2a3
6	17.21	19.31	18.59	72.91	70.09	74.73	18.37	72.57666667	1.982154	0	0	Il7r
7	15.51	16.03	17.38	1.24	0.84	0.9	16.30666667	0.993333333	-4.03704	0	0	Abca13
8	72.76	71.48	72.1	13.63	12.72	14.05	72.11333333	13.46666667	-2.42087	0	0	Lbr
9	200.38	199.65	204.74	55.8	56.33	53.65	201.59	55.26	-1.86712	0	0	Lta4h
10	173.66	175.21	174.31	5.2	4.62	5.4	174.3933333	5.073333333	-5.10327	0	0	Elane
11	3.26	3.3	3.33	36.94	39.69	38.36	3.296666667	38.33	3.539394	0	0	D10Wsu102e
12	33.13	32.24	33.32	7.95	7.4	7.68	32.89666667	7.676666667	-2.09939	0	0	Cyfp2
13	61.89	66.24	61.82	18.02	18.96	19.12	63.31666667	18.7	-1.75955	0	0	Atp2a3
14	121.46	127.19	127.69	36.2	35.73	36.16	125.4466667	36.03	-1.7998	0	0	Top2a
15	61.78	65.02	64.74	263.9	263.36	266.23	63.84666667	264.4966667	2.050566	0	0	Lgmn
16	198.39	208	202.75	562.31	627.94	517.65	203.0466667	569.3	1.487378	0	0	Ctsl
17	19.06	19.37	19.76	79.87	72.94	78.63	19.39666667	77.14666667	1.991795	0	0	Plk2
18	192.67	182.92	195.28	57.79	52.67	54.58	190.29	55.01333333	-1.79035	0	0	Ero1a
19	351.91	357.09	364.62	1033.55	1028.48	1028.21	357.8733333	1030.08	1.525235	0	0	Ctsb
20	392.44	325.64	377.7	22.04	20.94	22.09	365.26	21.69	-4.07382	0	0	Stfa2
21	55.45	53.18	51.58	471.78	537.62	480.93	53.40333333	496.7766667	3.217596	0	0	Noct
22	122.69	128.73	131.8	4.06	3.99	4.1	127.74	4.05	-4.97914	0	0	Ms4a3
23	93.93	96.9	97.59	239.55	235.07	247.01	96.14	240.5433333	1.323088	0	0	Lipa
24	278.49	281.08	274.66	104.6	109.16	115.08	278.0766667	109.6133333	-1.34306	0	0	Scd2
25	58.98	57.16	55.62	155.4	163.02	167.25	57.25333333	161.89	1.499582	0	0	Sdc3
26	162.89	151.65	161.51	39.68	37.97	36.92	158.6833333	38.19	-2.05488	0	0	Il1r2
27	109.28	111.59	109.86	25.5	23.39	24.81	110.2433333	24.56666667	-2.16592	0	0	Fam107b
28	1679.54	1554.84	1642.14	176.99	167.66	161.16	1625.506667	168.6033333	-3.26918	0	0	Lcn2
29	77.57	75.68	79.78	4.98	5.05	5.36	77.67666667	5.13	-3.92045	0	0	Fcnb
30	3.23	2.74	3.12	40.65	38.8	43.52	3.03	40.99	3.757882	0	0	Siglec1
31	33.08	30.45	35.38	128.31	130.72	130.06	32.97	129.6966667	1.975916	0	0	Zbp1
32	3.38	3.34	3.24	196.9	177.02	192.83	3.32	188.9166667	5.830423	0	0	Ctsk
33	38.48	40.06	38.57	165.49	163.42	167.38	39.03666667	165.43	2.083319	0	0	Atp6v0d2
34	178.34	173.06	183.8	901.56	882.07	901.12	178.4	894.9166667	2.326638	0	0	Gpnmb
35	8.95	7.04	7.74	83.32	79.25	83.11	7.91	81.89333333	3.371996	0	0	Usp18
36	8.65	7.87	8.18	43.72	44.33	44.59	8.233333333	44.21333333	2.424933	0	0	Emp1
37	860.04	911.25	932.53	321.46	314.63	312.79	901.2733333	316.2933333	-1.5107	0	0	Arhgdib

38	277.94	273.35	269.77	32.16	29.66	31.35	273.6866667	31.05666667	-3.13955	0	0 Pglyrp1
39	38.96	39.55	39.31	176.22	171.34	174.68	39.27333333	174.08	2.148129	0	0 Mfge8
40	114.61	123.65	121.37	32.68	30.24	31.35	119.8766667	31.42333333	-1.93164	0	0 Mki67
41	4508.24	4453.18	4788.69	136.67	127.44	128.63	4583.37	130.9133333	-5.12972	0	0 Ngp
42	1952.96	1922.64	2135.3	35.61	44.28	48.71	2003.633333	42.86666667	-5.54662	0	0 Ltf
43	92.78	83.41	86.76	371.26	365.34	376.1	87.65	370.9	2.081204	0	0 Lgals3bp
44	77.24	70.64	74.28	8.81	7.64	7.67	74.05333333	8.04	-3.2033	0	0 EglN3
45	12.7	10.21	11.83	63.64	60.47	64.74	11.58	62.95	2.442571	0	0 Slfn8
46	35.6	33.58	32.67	227.44	203.2	211.25	33.95	213.9633333	2.65588	0	0 Ccl7
47	595.35	590.56	588.61	262.97	272.58	253.01	591.5066667	262.8533333	-1.17014	0	0 Gpi1
48	23.02	25	23.49	91.82	91.12	95.3	23.83666667	92.74666667	1.960113	0	0 Hgsnat
49	88.42	87.35	87.1	255.35	267.13	259.67	87.62333333	260.7166667	1.573096	0	0 Ccn3
50	313.93	306.95	337.01	6.75	6.25	7.75	319.2966667	6.916666667	-5.52868	0	0 Camp
51	967.61	906.15	966.08	2428	2362.5	2295.85	946.6133333	2362.116667	1.319233	0	0 Ctss
52	52.52	55.39	52.18	170.51	165.41	186.77	53.36333333	174.23	1.707072	0	0 Anpep
53	16.66	16.64	16.15	3.04	3.06	2.98	16.48333333	3.026666667	-2.44521	0	0 Megf9
54	29.19	26.76	27.25	111.39	112.2	122.2	27.73333333	115.2633333	2.055241	0	0 Znfx1
55	895.42	898.95	873.84	354.26	363.03	367.88	889.4033333	361.7233333	-1.29795	0	0 Thbs1
56	38.09	38.73	40.44	118.39	121.13	120.38	39.08666667	119.9666667	1.617885	0	0 C3ar1
57	4297.98	4282.77	4497.92	648.22	608.88	648.3	4359.556667	635.1333333	-2.77905	0	0 Chil3
58	67.86	67.42	66.08	1227.73	1350.45	1254.31	67.12	1277.496667	4.250433	0	0 Slc38a6
59	160.37	160.11	174.3	10.25	9.2	9.2	164.9266667	9.55	-4.11018	0	0 Serpinb1a
60	85.38	85.1	84.08	19.72	19.63	22.83	84.85333333	20.72666667	-2.03348	0	0 Ckap4
61	56.28	60.12	56.58	141.74	141.12	145.31	57.66	142.7233333	1.307578	0	0 Myof
62	3341.32	3525.12	3439.54	7568.31	7399.45	7812.79	3435.326667	7593.516667	1.144321	0	0 Mmp12
63	41.33	36.09	42.08	285.7	268.83	285.24	39.83333333	279.9233333	2.812984	0	0 Mmp13
64	219.33	223.04	234.07	21.69	21.22	21.25	225.48	21.38666667	-3.39822	0	0 Cd177
65	65.37	68.71	72	6.63	6.47	6.93	68.69333333	6.676666667	-3.36297	0	0 Epx
66	125.21	129.05	131.47	3.85	3.45	4.17	128.5766667	3.823333333	-5.07165	0	0 Lipg
67	6.34	6.11	4.54	241.23	257.93	239.75	5.663333333	246.3033333	5.442641	0	0 Sirt5
68	230.33	229.16	239.74	45.97	48.79	44.59	233.0766667	46.45	-2.32705	0	0 Hmgb2
69	12750.63	10337.38	11579.66	551.36	511.71	473.02	11555.89	512.03	-4.49626	0	0 S100a9
70	147.95	147.33	157.79	6.84	7.05	6.66	151.0233333	6.85	-4.46252	0	0 Prtn3
71	233.2	219.47	238.22	31.52	32.59	26.38	230.2966667	30.16333333	-2.93263	0	0 Ifitm6
72	314.49	277.18	290.58	21.38	21.5	19.89	294.0833333	20.92333333	-3.81304	0	0 Stfa2l1
73	162.08	169.54	173.75	26.27	28.53	27.09	168.4566667	27.29666667	-2.62558	0	0 Fdps
74	105.48	105.42	105.43	10.51	10.46	10.53	105.4433333	10.5	-3.32801	0	0 Chil1
75	4.26	3.41	3.46	59.91	63.55	62.02	3.71	61.82666667	4.058738	0	0 Phf11d

76	986.64	858.64	966.78	51.04	49.32	47.67	937.3533333	49.34333333	-4.24767	0	0 Cstdc5
77	171.02	144.7	163.71	12.8	13.75	12.5	159.81	13.01666667	-3.61793	0	0 Stfa1
78	330.23	317.94	319.74	783.51	742.87	751.63	322.6366667	759.3366667	1.234829	0	0 H2-D1
79	24.06	20.53	21.67	100.93	102.62	101.41	22.08666667	101.6533333	2.20241	0	0 Ifi207
80	2.16	1.43	1.82	52	49.27	53.47	1.803333333	51.58	4.838074	0	0 Ifi213
81	92.63	91.37	99.94	18.99	19.98	19.62	94.64666667	19.53	-2.27686	0	0 Ceacam1
82	55	53.12	53.59	171.64	169.62	169.26	53.90333333	170.1733333	1.658559	0	0 Gvin2
83	323.01	356.96	345.75	1137.52	1108.51	1156.76	341.9066667	1134.263333	1.730081	0	0 Clec7a
84	12.67	12.48	12.81	2.42	2.58	2.55	12.65333333	2.516666667	-2.32993	0	0 Nhsl2
85	37.15	33.85	32.59	126.28	128.55	132.55	34.53	129.1266667	1.902865	0	0 Mndal
86	2.44	2.1	2.4	51.1	62	54.65	2.313333333	55.91666667	4.595233	0	0 Olfr784
87	39.3	39.38	39.73	13.03	12.82	12.7	39.47	12.85	-1.61899	0	0 Syne1
88	50.16	51.29	51.27	17.67	17.96	18.68	50.90666667	18.10333333	-1.4916	2.05E-306	3.92E-304 Sort1
89	65.31	57.8	58.41	183.88	182.56	191.97	60.50666667	186.1366667	1.621196	7.10E-306	1.35E-303 Stat1
90	62.64	58.5	58.61	17.61	16.05	15.92	59.91666667	16.52666667	-1.85816	4.07E-305	7.62E-303 Rab44
91	27.59	26.16	29.86	3.04	2.61	3	27.87	2.883333333	-3.2729	1.45E-304	2.68E-302 Stk26
92	11.41	10.45	11.11	41.59	42.42	44.48	10.99	42.83	1.96243	5.07E-303	9.30E-301 Ifih1
93	54.08	53.75	52.47	20.37	19.31	21.11	53.43333333	20.26333333	-1.39887	8.59E-302	1.56E-299 Sorl1
94	74.39	75.16	72.66	16.68	18.43	18.69	74.07	17.93333333	-2.04625	3.09E-301	5.55E-299 Padi4
95	66.7	69.55	64.91	19.5	18.98	18.57	67.05333333	19.01666667	-1.81804	7.81E-294	1.39E-291 Ccna2
96	28.88	24.97	28.02	85.51	84.54	88.29	27.29	86.11333333	1.657864	1.34E-293	2.35E-291 Parp14
97	122.61	115.07	122.26	293.74	286.81	280.24	119.98	286.93	1.257905	1.91E-289	3.33E-287 Npc2
98	3.85	3.17	3.02	22.71	21.4	21.36	3.346666667	21.82333333	2.705075	1.04E-287	1.80E-285 Ddx60
99	586.62	577.8	577.57	277.33	283.6	279.23	580.6633333	280.0533333	-1.052	1.19E-286	2.03E-284 Pgk1
100	1447.34	1540.32	1527.81	3173.11	3114.64	3137.83	1505.156667	3141.86	1.061705	1.65E-284	2.79E-282 Ctsd
101	39.78	38.9	41.51	11.04	10.19	10.78	40.06333333	10.67	-1.90872	2.41E-281	4.03E-279 Kif11
102	76.55	80.09	77.8	27	28.76	27.12	78.14666667	27.62666667	-1.50012	7.67E-281	1.27E-278 Sun2
103	26.8	23.95	25.61	80.03	76.72	81.45	25.45333333	79.4	1.641284	9.17E-279	1.49E-276 Ddx58
104	9.48	9.54	10.34	43.27	39.67	44.75	9.786666667	42.56333333	2.120722	9.18E-279	1.49E-276 Zranb3
105	13.51	12.73	13.4	42.72	42.38	47.39	13.21333333	44.16333333	1.740855	2.41E-278	3.87E-276 Mthfr
106	67.58	66.54	67.91	162.48	160.4	173.61	67.34333333	165.4966667	1.297195	5.25E-278	8.36E-276 Gns
107	244.77	233.2	246.24	500.59	504	500.74	241.4033333	501.7766667	1.0556	5.05E-277	7.96E-275 Mpeg1
108	84.27	85.14	86.16	34.47	34.84	36.81	85.19	35.37333333	-1.26802	9.55E-276	1.49E-273 Vcan
109	7490.56	6196.51	7021.21	382.75	353.36	306.86	6902.76	347.6566667	-4.31144	1.05E-274	1.62E-272 S100a8
110	62.89	57.84	63.48	197.09	191.2	187.49	61.40333333	191.9266667	1.644166	7.79E-274	1.19E-271 Ms4a6d
111	10.09	10.36	12.36	51.48	46.36	51.41	10.93666667	49.75	2.185523	8.17E-274	1.24E-271 Slamf7
112	37.21	34.7	35.24	10.53	9.75	10.16	35.71666667	10.14666667	-1.81559	3.76E-273	5.67E-271 Nedd4
113	115.51	115.52	107.59	3.78	4.8	3.35	112.8733333	3.976666667	-4.827	6.47E-273	9.66E-271 Mpo

114	50.99	50.74	53.96	14.59	14.64	14.73	51.89666667	14.65333333	-1.82441	1.56E-272	2.32E-270	Spn
115	426.27	435.45	420.47	153.49	159.24	142.07	427.39666667	151.6	-1.49531	5.81E-271	8.52E-269	Hmgn2
116	28.64	29.3	31.66	140.4	128.9	131.35	29.86666667	133.55	2.160772	3.40E-269	4.95E-267	C1qa
117	20.03	19.99	18.78	58.4	54.96	57.77	19.6	57.04333333	1.541205	3.12E-265	4.49E-263	Lhfp12
118	17.62	16.54	14.87	1.45	1.99	2.23	16.34333333	1.89	-3.11224	5.05E-265	7.22E-263	Ets1
119	16.18	14.37	14.77	54.09	59.01	54.7	15.10666667	55.93333333	1.888523	9.75E-262	1.38E-259	Ccnd1
120	16.01	17.88	15	50.46	51.13	53.35	16.29666667	51.64666667	1.664098	2.34E-261	3.29E-259	Dnmt3a
121	304.78	312.87	320.57	142.81	139.04	138.75	312.74	140.2	-1.15748	1.58E-259	2.20E-257	Pygl
122	54.92	55.88	56.25	130.43	128.52	144.71	55.68333333	134.5533333	1.272861	4.20E-258	5.81E-256	Adgre1
123	11.68	10.53	12.05	57.46	59.43	60.72	11.42	59.20333333	2.374116	8.10E-258	1.11E-255	Oas1g
124	27.92	29.14	28.08	6.64	6.34	6.82	28.38	6.6	-2.10434	9.69E-255	1.32E-252	Arhgap19
125	39.82	38.79	38.76	1.44	2.04	2.11	39.12333333	1.863333333	-4.39207	1.31E-253	1.76E-251	Septin5
126	91.35	83.98	94.19	28.07	25.64	27.52	89.84	27.07666667	-1.73031	2.13E-253	2.85E-251	F13a1
127	49.36	50.32	52.84	143.76	136.67	147.87	50.84	142.7666667	1.489623	3.13E-252	4.13E-250	Plau
128	25.25	26.67	25.98	77.11	75.79	74.79	25.96666667	75.89666667	1.547376	5.68E-252	7.43E-250	Cd180
129	3.01	3.19	3.07	21.29	20.55	20.78	3.09	20.87333333	2.755982	8.09E-252	1.05E-249	Pomk
130	136.7	149.01	148.58	41.69	40.09	41.74	144.7633333	41.17333333	-1.81391	8.91E-252	1.15E-249	Tuba4a
131	1298.54	1204.51	1321.81	3176.01	3056.51	2968.54	1274.953333	3067.02	1.266393	2.03E-250	2.60E-248	B2m
132	105.91	104.15	105.33	36.23	36.3	36.15	105.13	36.22666667	-1.53705	3.21E-250	4.07E-248	Tfdp1
133	458.86	470.19	469.65	218.33	207.85	210.94	466.2333333	212.3733333	-1.13445	3.77E-250	4.74E-248	Tpi1
134	32.18	32.22	33.82	9.66	9.47	9.16	32.74	9.43	-1.79572	1.66E-249	2.07E-247	Stard4
135	18.21	16.03	17.11	62.16	61.74	64.45	17.11666667	62.78333333	1.87498	9.67E-249	1.20E-246	Gbp2
136	9.1	8.42	8.59	27.35	30.7	28.64	8.703333333	28.89666667	1.731263	3.31E-245	4.07E-243	Nlrc5
137	83.87	82.22	78.89	184.95	185.54	197	81.66	189.1633333	1.211931	1.87E-244	2.28E-242	Tapbp
138	30.99	33.3	30.27	5.79	5.89	6.25	31.52	5.976666667	-2.39885	1.34E-243	1.63E-241	Fads2
139	18.17	15.19	15.49	63.19	61.73	66.78	16.28333333	63.9	1.97242	3.25E-242	3.92E-240	Parp12
140	27.25	22.86	23.69	80.01	82.01	85.63	24.6	82.55	1.74661	2.69E-241	3.21E-239	Stat2
141	158.24	138.91	158.65	501.03	479.79	459.48	151.9333333	480.1	1.659897	5.23E-241	6.22E-239	Ccl2
142	268.42	260.33	269.4	630.75	591.44	580.95	266.05	601.0466667	1.17578	1.14E-240	1.34E-238	H2-K1
143	1.16	0.97	0.98	11.27	10.15	10.93	1.036666667	10.78333333	3.378779	4.41E-238	5.17E-236	Kdr
144	8.43	6.79	7.18	30.02	29.64	30.44	7.466666667	30.03333333	2.008028	7.85E-238	9.14E-236	Herc6
145	13.3	14.34	13.99	40.64	41.25	44.05	13.87666667	41.98	1.597041	2.24E-237	2.59E-235	Rgl1
146	91.24	83.12	90.55	12.83	11.77	9.88	88.30333333	11.49333333	-2.94167	2.30E-237	2.64E-235	Ceacam10
147	110.76	109.14	113.56	32.3	29.77	28.43	111.1533333	30.16666667	-1.88152	2.26E-235	2.57E-233	Bnip3
148	70	75.9	70.95	176.15	172.48	181.7	72.28333333	176.7766667	1.290193	1.83E-234	2.07E-232	Slc15a3
149	8.1	7.58	7.88	0.64	0.51	0.57	7.853333333	0.573333333	-3.77586	2.96E-234	3.33E-232	Mgam
150	1836.89	1674.32	1702.17	213.23	238.33	195.72	1737.793333	215.76	-3.00976	3.80E-232	4.24E-230	Cstdc4
151	11.29	11.89	11.63	2.96	3.03	2.81	11.60333333	2.933333333	-1.98393	6.06E-232	6.72E-230	Cenpf

152	10.22	10.41	10.23	26.65	26.48	27.9	10.28666667	27.01	1.392718	6.52E-232	7.19E-230	Igf2r
153	28.5	25.99	27.08	74.82	77.41	76.82	27.19	76.35	1.489552	1.07E-231	1.17E-229	Tap1
154	7.81	6.56	7.34	33.68	33.61	34.54	7.236666667	33.94333333	2.229731	5.92E-230	6.45E-228	Gm5431
155	541.43	452.36	508.7	28.99	26.58	22	500.83	25.85666667	-4.27571	8.17E-230	8.84E-228	Stfa3
156	23.77	23.57	20.77	84.95	82.5	88.13	22.70333333	85.19333333	1.907836	2.85E-228	3.06E-226	Tmem106a
157	39.26	39.8	39.62	14.55	14.34	14.79	39.56	14.56	-1.44203	5.27E-228	5.63E-226	Smc2
158	22.01	24.28	23.82	61.68	60.3	63.81	23.37	61.93	1.405981	8.98E-227	9.53E-225	Fnip2
159	2.17	1.5	1.97	35.91	32.66	32.94	1.88	33.83666667	4.169783	4.04E-225	4.26E-223	Ifi205
160	46.09	44.15	48.08	113.23	111.78	117.93	46.10666667	114.3133333	1.309946	7.15E-225	7.50E-223	Cd274
161	843	778.19	833.8	253.12	266.24	223.89	818.33	247.75	-1.7238	6.53E-224	6.80E-222	Ifitm1
162	90.54	91.81	92.69	25.7	23.79	26.03	91.68	25.17333333	-1.86471	7.59E-224	7.86E-222	Nfe2
163	56.48	57.35	56.37	18.62	20.4	19.65	56.73333333	19.55666667	-1.53654	9.66E-224	9.94E-222	Hjulp
164	81.16	85.15	82.43	28.07	25.36	25.77	82.91333333	26.4	-1.65107	1.64E-223	1.67E-221	Rrm2
165	35.16	34.46	33.7	6.35	6.13	6.06	34.44	6.18	-2.47841	3.03E-222	3.08E-220	Dgat2
166	19.72	17.95	18.06	48.84	49.33	50.9	18.57666667	49.69	1.419464	2.98E-221	3.02E-219	Dtx3l
167	67.8	71.39	69.56	166.98	158.74	166.33	69.58333333	164.0166667	1.237029	3.40E-221	3.41E-219	Pld3
168	45.15	37.68	41.67	120.6	122.39	122.88	41.5	121.9566667	1.555185	8.27E-220	8.25E-218	Trim30a
169	67.08	64.71	66.32	20.67	19.79	18.08	66.03666667	19.51333333	-1.75881	3.58E-218	3.55E-216	Adpgk
170	48.05	49.9	51.5	13.93	13.53	12.88	49.81666667	13.44666667	-1.88938	7.06E-217	6.97E-215	Ccnb1
171	42.84	41.64	44.57	11.99	11.35	11.12	43.01666667	11.48666667	-1.90494	1.17E-216	1.15E-214	Rab27a
172	17.8	17.98	19.1	51.01	49.17	51.44	18.29333333	50.54	1.466108	1.61E-216	1.57E-214	Dhrs9
173	51.62	49.64	51.22	131.62	125.15	126.09	50.82666667	127.62	1.328197	2.01E-215	1.95E-213	Atf3
174	317.26	308.32	318.64	140.19	135	127.22	314.74	134.1366667	-1.23046	3.55E-215	3.42E-213	Dstn
175	24.54	23.14	25.81	83.42	84.37	81.12	24.49666667	82.97	1.760004	3.95E-215	3.79E-213	H2-T22
176	39.57	46.43	41.65	14.76	15.53	15.58	42.55	15.29	-1.47657	2.36E-212	2.25E-210	Ncapd2
177	40.78	41.42	40.1	13.37	13.01	13.48	40.76666667	13.28666667	-1.61741	6.24E-211	5.91E-209	Gys1
178	1.2	0.65	0.76	19.45	19.54	18.47	0.87	19.15333333	4.460436	5.85E-210	5.49E-208	Ifi208
179	320.99	335.28	330.85	156.03	155.85	151.72	329.04	154.5333333	-1.09034	5.86E-210	5.49E-208	Coro1a
180	39.72	31.82	36.04	127.21	129.2	123.73	35.86	126.7133333	1.821121	1.18E-209	1.10E-207	Oas1a
181	42.24	45.5	43.25	13.85	14	14.23	43.66333333	14.02666667	-1.63825	2.11E-209	1.95E-207	Tpx2
182	16.45	17.23	16.31	2.09	2.17	1.98	16.66333333	2.08	-3.00202	1.90E-207	1.75E-205	Rflnb
183	175.78	189.81	177.89	368.78	374.38	393.61	181.16	378.9233333	1.064642	2.05E-205	1.87E-203	Itgax
184	55.43	54.25	56.94	7.88	10.1	8.86	55.54	8.946666667	-2.63411	1.64E-204	1.49E-202	Lrg1
185	73.72	69.71	71.73	179.97	173.63	180.37	71.72	177.99	1.311349	2.56E-204	2.31E-202	Lrpap1
186	5.6	5.34	5.51	19.93	19.76	22.5	5.483333333	20.73	1.918595	6.62E-201	5.87E-199	Flrt2
187	47.85	47.38	45.87	3.31	3.41	3.01	47.03333333	3.243333333	-3.85813	7.35E-200	6.49E-198	Ctsg
188	5.92	4.89	5.77	23.29	24.61	24.17	5.526666667	24.02333333	2.119955	1.24E-199	1.09E-197	Gbp9
189	20.68	21.19	24.74	4.23	4.34	3.04	22.20333333	3.87	-2.52037	1.37E-199	1.20E-197	Ak4

190	29.26	27.68	28.03	6.42	6.02	7.53	28.32333333	6.656666667	-2.08912	8.69E-199	7.52E-197	Ccdc88c
191	1.81	1.51	2.05	25.92	24.45	24.47	1.79	24.94666667	3.800816	4.80E-198	4.14E-196	Ms4a6b
192	77.86	73.69	76.65	22.55	25.26	22.63	76.06666667	23.48	-1.69583	4.14E-196	3.53E-194	Pclaf
193	50.59	47.16	50.8	7.24	7.3	8.34	49.51666667	7.626666667	-2.69879	1.05E-194	8.90E-193	Mapk13
194	19.69	20.88	21.62	3.94	4.19	4.73	20.73	4.286666667	-2.27379	1.18E-194	9.94E-193	Ripor2
195	14.92	15.86	14.29	3.38	3.65	3.45	15.02333333	3.493333333	-2.10453	1.44E-194	1.21E-192	Nup210
196	67.65	68.41	63.15	18.95	20.08	19.43	66.40333333	19.48666667	-1.76877	1.07E-193	8.94E-192	R3hdm4
197	102.38	105.29	105.97	212.93	209.56	206.45	104.5466667	209.6466667	1.003813	1.67E-193	1.39E-191	Cd84
198	7.37	6.48	5.82	31.85	30.85	32.79	6.556666667	31.83	2.279353	3.49E-193	2.89E-191	Gbp3
199	40.21	36.43	37.08	6.3	5.55	5.71	37.90666667	5.853333333	-2.69512	2.32E-191	1.91E-189	Thy1
200	37	34.28	39.05	7.9	7.78	8.73	36.77666667	8.136666667	-2.17628	1.75E-190	1.43E-188	Olfm4
201	182.19	180.69	178.64	81.27	81.41	83.85	180.5066667	82.17666667	-1.13525	3.36E-190	2.72E-188	Slc16a3
202	29.35	32.15	30.19	71.06	66.95	74.58	30.56333333	70.86333333	1.213237	1.76E-189	1.42E-187	Plxna1
203	46.86	46.18	47.31	14.73	15.32	15.14	46.78333333	15.06333333	-1.63495	1.35E-188	1.08E-186	Ndrp1
204	10.41	10.06	10.97	36.48	33.94	36.74	10.48	35.72	1.769093	3.91E-188	3.13E-186	Irgm2
205	30.31	30.32	29.28	8.64	8.17	8.03	29.97	8.28	-1.85582	4.31E-188	3.43E-186	Bub1
206	134.99	116.35	127.17	365.65	374.78	338.01	126.17	359.48	1.510543	2.33E-187	1.84E-185	Fabp5
207	102.99	103.83	101.42	27.45	28.91	26.03	102.7466667	27.46333333	-1.90351	6.26E-186	4.91E-184	Ube2c
208	28.57	24.38	25.4	76.24	76.5	80.06	26.11666667	77.6	1.571086	9.29E-186	7.25E-184	Tor3a
209	12.74	10.62	12.23	53.46	58.97	55.93	11.86333333	56.12	2.242006	1.10E-185	8.57E-184	Ube2l6
210	8.85	8.72	10	28.97	30.12	29.95	9.19	29.68	1.691354	3.37E-185	2.61E-183	P2rx7
211	10.24	8.15	9.55	37.63	37.48	40.66	9.313333333	38.59	2.050858	7.26E-185	5.59E-183	Cmpk2
212	58.56	60.28	56.79	116.75	118.78	123.24	58.54333333	119.59	1.03052	9.40E-185	7.21E-183	Clic4
213	35.04	39.42	38.92	20.89	13.46	18.07	37.79333333	17.47333333	-1.11298	9.88E-184	7.54E-182	Sgms2
214	5.71	5.22	5.96	24.76	25.46	25.07	5.63	25.09666667	2.156289	1.90E-183	1.44E-181	Gbp5
215	18.54	19.09	19.71	4.62	4.6	5.06	19.11333333	4.76	-2.00555	2.65E-183	2.00E-181	Il18rap
216	13.6	11.84	12.62	44.8	47.39	44.88	12.68666667	45.69	1.848565	9.52E-183	7.17E-181	Dhx58
217	2.74	3.34	3.05	16.61	17	18.29	3.043333333	17.3	2.507048	1.21E-181	9.00E-180	Wfs1
218	26.27	26.47	26.08	7.83	7.53	7.69	26.27333333	7.683333333	-1.77379	3.23E-181	2.40E-179	Hmmr
219	75.39	65.5	71.55	188.88	181.82	176.88	70.81333333	182.5266667	1.366014	6.89E-180	5.10E-178	Sifn1
220	68.96	76.99	73.56	161.02	177.07	169.83	73.17	169.3066667	1.210315	2.78E-179	2.05E-177	Mrc1
221	2.19	2.92	2.82	17.75	18.97	20.39	2.643333333	19.03666667	2.848351	2.99E-179	2.19E-177	Gbp4
222	17.34	13.82	14.85	71.81	66.16	66.03	15.33666667	68	2.14855	4.75E-179	3.47E-177	Ifi47
223	1.58	1.01	1.22	16.05	15.85	17.55	1.27	16.48333333	3.698108	6.87E-179	5.00E-177	Tgtp2
224	1.35	1.26	1.4	6.38	7	7.56	1.336666667	6.98	2.384587	1.23E-178	8.93E-177	Ahnak2
225	43.85	45.19	41.39	12.65	13.73	12.65	43.47666667	13.01	-1.74062	3.11E-177	2.24E-175	Lmnb1
226	4.35	4.24	3.81	33.21	34.13	34.44	4.133333333	33.92666667	3.037042	3.50E-177	2.51E-175	Ch25h
227	43.82	44.25	46.84	14.04	14.45	13.15	44.97	13.88	-1.69596	5.01E-177	3.58E-175	Nusap1

228	7.78	5.27	6.41	108.49	108.52	113.67	6.486666667	110.2266667	4.086852	5.05E-177	3.60E-175	Ifit2
229	73.21	62.72	69.59	191.69	186.83	180.13	68.50666667	186.2166667	1.442666	1.84E-176	1.31E-174	H2-T23
230	44.26	46.72	43.31	14.83	15.1	14.75	44.76333333	14.89333333	-1.58765	8.31E-176	5.86E-174	Grk6
231	88.6	92.43	99.79	201.01	190.86	204.36	93.60666667	198.7433333	1.086223	1.14E-174	7.98E-173	Dcstamp
232	91.88	89.51	93.09	43.17	42.31	41.93	91.49333333	42.47	-1.10722	1.17E-174	8.17E-173	Smc4
233	248.98	259.1	260.31	127.55	122.31	120.24	256.13	123.3666667	-1.05392	1.09E-173	7.60E-172	Cd24a
234	5.27	4.74	5.03	17.78	16.84	19.09	5.013333333	17.90333333	1.836386	1.15E-173	7.97E-172	Flt1
235	3.15	3.64	3.18	29.56	24.28	25.05	3.323333333	26.29666667	2.984177	6.25E-173	4.32E-171	H2-Q6
236	15.17	17.22	15.06	5.18	4.85	4.42	15.81666667	4.816666667	-1.71534	1.97E-172	1.36E-170	Kn11
237	51.14	45.3	52.58	4.38	4.75	3.63	49.67333333	4.253333333	-3.54581	2.84E-171	1.93E-169	Ly6g
238	12.68	13.88	13.69	1.71	1.49	1.83	13.41666667	1.676666667	-3.00036	2.96E-171	2.01E-169	Crispld2
239	21.3	23.82	23.67	5.77	6.13	5.56	22.93	5.82	-1.97815	1.48E-170	9.98E-169	Kif15
240	17.23	18.23	19.23	2.37	2.24	2.84	18.23	2.483333333	-2.87596	1.90E-170	1.27E-168	Prom1
241	12.7	13.11	12.83	30.51	30.79	32.75	12.88	31.35	1.283333	6.28E-170	4.19E-168	Plxnb2
242	1.34	0.76	0.92	34.09	32.98	36.02	1.006666667	34.36333333	5.093212	6.98E-170	4.64E-168	Ifi44
243	19.57	20.3	21.95	7.15	7.12	7.16	20.60666667	7.143333333	-1.52844	2.66E-169	1.75E-167	Cenpe
244	31.14	26.89	28.36	2.33	2.69	2.6	28.79666667	2.54	-3.503	3.05E-169	2.00E-167	Asprv1
245	23.46	22.96	23.87	53.03	55.09	54.47	23.43	54.19666667	1.209847	4.93E-169	3.23E-167	Gbp7
246	57.99	55.4	56.16	18.98	18.39	18.68	56.51666667	18.68333333	-1.59692	8.43E-169	5.49E-167	Tacc3
247	10.55	9.18	10.18	40.19	39.63	39.31	9.97	39.71	1.993837	3.01E-168	1.95E-166	Igtp
248	39.63	42.28	41.45	84.68	87.63	88.9	41.12	87.07	1.082335	4.24E-168	2.74E-166	Ddhd1
249	15.55	13.75	14.31	34.62	35.16	37.69	14.53666667	35.82333333	1.301203	1.33E-167	8.56E-166	Helz2
250	41.1	39.43	40.08	85.56	83.93	86.67	40.20333333	85.38666667	1.086696	7.86E-166	5.01E-164	Dck
251	13.55	14.78	14.11	38.34	36.85	37.47	14.14666667	37.55333333	1.408479	1.76E-165	1.12E-163	Slc37a2
252	514.27	493.4	533.06	232.17	204.8	215.6	513.5766667	217.5233333	-1.23941	2.28E-165	1.44E-163	Hp
253	3.4	3.64	3.04	52.7	53.17	57.95	3.36	54.60666667	4.022544	3.34E-165	2.10E-163	Ms4a4c
254	22.74	21.25	21.05	65.82	65.89	62.37	21.68	64.69333333	1.577252	5.03E-165	3.15E-163	Epsti1
255	58.95	52.37	56.83	172.59	181.65	156.94	56.05	170.3933333	1.604083	7.58E-165	4.74E-163	C1qc
256	168.21	174.6	169.56	72.67	78.77	80.05	170.79	77.16333333	-1.14624	9.61E-165	5.98E-163	Ccnd3
257	67.12	71.16	69.71	27.33	27.42	27.34	69.33	27.36333333	-1.34124	2.40E-164	1.49E-162	Rrm1
258	50.13	52.02	50.45	18.25	17.71	18.41	50.86666667	18.12333333	-1.48887	7.66E-164	4.73E-162	Rcsd1
259	11.47	7.82	9.03	58.09	57.74	57.73	9.44	57.85333333	2.615541	7.92E-164	4.87E-162	Phf11b
260	19.3	17.7	19.38	2.36	2.05	2.46	18.79333333	2.29	-3.0368	1.94E-163	1.19E-161	Lbp
261	23.02	24.56	23.76	52.05	54.75	55.59	23.78	54.13	1.18668	6.11E-163	3.74E-161	Rin2
262	12.54	12.78	13.21	1.36	1.25	1.16	12.84333333	1.256666667	-3.35335	1.52E-162	9.24E-161	Myb
263	79.26	66.49	72.11	20.71	21.61	20.9	72.62	21.07333333	-1.78495	1.53E-161	9.30E-160	Limd2
264	19.8	20.25	20.35	46.97	49.82	49.67	20.13333333	48.82	1.277886	2.45E-161	1.48E-159	Ccdc80
265	152.25	163.36	166.72	68.82	62.7	66.34	160.7766667	65.95333333	-1.28554	6.14E-160	3.67E-158	Kpna2

266	41.07	32.76	36.72	215.04	214.4	225.8	36.85	218.4133333	2.567324	8.10E-160	4.83E-158	Ifi204
267	15.01	12.28	11.74	4.99	4.04	4.11	13.01	4.38	-1.57062	1.92E-158	1.13E-156	Syne2
268	26.81	27.42	25.64	95.38	79.21	84.53	26.62333333	86.37333333	1.697895	2.01E-158	1.18E-156	Sgk1
269	34.45	34.94	33.84	73.48	78.25	76.6	34.41	76.11	1.145258	2.38E-158	1.40E-156	Themis2
270	101.86	90.88	92.49	46.07	50.15	40.53	95.07666667	45.58333333	-1.06058	6.87E-158	4.01E-156	Ppp1cb
271	14.13	14.62	16.1	56.2	51.3	53.37	14.95	53.62333333	1.842715	1.71E-157	9.94E-156	H2-Q4
272	29.12	29.38	26.49	63.67	67.53	68.31	28.33	66.50333333	1.231096	1.80E-157	1.04E-155	Slc7a8
273	36.01	35.99	34.93	12.62	12.57	13.6	35.64333333	12.93	-1.46291	2.81E-157	1.62E-155	Tbc1d8
274	15.79	11.99	14.47	45.88	48.49	51.51	14.08333333	48.62666667	1.787759	4.58E-157	2.63E-155	Oas2
275	40.21	41.43	40.19	10.86	12.02	12.21	40.61	11.69666667	-1.79574	1.93E-156	1.11E-154	Pram1
276	34.6	33.92	35.21	8.11	7.78	7.82	34.57666667	7.903333333	-2.12927	3.45E-156	1.97E-154	Dgat1
277	33.5	36.49	34.19	8.97	8.05	8.37	34.72666667	8.463333333	-2.03675	5.49E-156	3.12E-154	Plk1
278	253.22	249.12	274.35	32.41	30.26	24.9	258.8966667	29.19	-3.14883	8.10E-156	4.59E-154	Prg2
279	3.7	3.86	3.8	14.01	16.27	14.37	3.786666667	14.88333333	1.974697	1.43E-155	8.09E-154	Maf
280	33.8	36.64	37.14	12.05	12.02	11.96	35.86	12.01	-1.57814	1.60E-155	8.99E-154	Kif20a
281	17.72	12.77	14.39	173.24	172.94	176.55	14.96	174.2433333	3.541921	7.45E-155	4.17E-153	Irf7
282	41.84	44.78	45.47	18.17	15.83	16.28	44.03	16.76	-1.39346	1.64E-154	9.19E-153	Prc1
283	69.75	65.98	65.88	160.8	167.96	150.46	67.20333333	159.74	1.249121	1.93E-153	1.06E-151	Fcgr1
284	50.42	48.95	53.69	104.41	110.17	115.93	51.02	110.17	1.110597	5.77E-153	3.17E-151	Tor1aip1
285	12.37	11.16	12.42	33.97	32.48	32.47	11.98333333	32.97333333	1.46027	1.39E-152	7.59E-151	Mertk
286	79.84	82.09	87.99	213.96	217.49	198.41	83.30666667	209.9533333	1.333565	1.39E-152	7.59E-151	C1qb
287	5.02	7.32	6.05	34.1	36.45	34.64	6.13	35.06333333	2.516004	2.49E-152	1.36E-150	Igf1
288	54.52	53.02	56.51	21.68	23.31	22.59	54.68333333	22.52666667	-1.27947	2.08E-151	1.13E-149	Idi1
289	50.42	54.1	53.09	19.25	19.43	20.57	52.53666667	19.75	-1.41147	1.59E-150	8.59E-149	Mcm5
290	8.11	8.96	8.33	2.31	2.29	2.23	8.466666667	2.276666667	-1.89487	3.26E-150	1.76E-148	Aspm
291	2.37	2.49	2.56	15.77	14.16	14.54	2.473333333	14.82333333	2.583341	6.86E-150	3.67E-148	Angptl2
292	18.42	15.43	17.35	50.06	51.46	49.94	17.06666667	50.48666667	1.564721	2.06E-149	1.10E-147	Rnf128
293	5.61	6.37	5.74	21.93	21.56	22.83	5.906666667	22.10666667	1.904065	4.36E-149	2.32E-147	Igf2bp2
294	96.46	96.71	95.2	46.98	46.36	45.67	96.12333333	46.33666667	-1.05273	1.60E-147	8.45E-146	Cnn2
295	4.82	3.78	4.79	20.08	21.12	22.77	4.463333333	21.32333333	2.25624	2.24E-147	1.18E-145	Slc6a8
296	85.12	80.92	87.71	288.53	255.59	249.59	84.58333333	264.57	1.645204	2.28E-147	1.20E-145	Mt2
297	43.42	45.17	46.74	113.52	103.96	111.73	45.11	109.7366667	1.282526	5.81E-146	3.02E-144	P2rx4
298	0.18	0.13	0.17	53.74	52.04	50.84	0.16	52.20666667	8.350018	4.56E-143	2.35E-141	Serpinb9g
299	31.37	30.65	28.55	10.33	10.32	10.34	30.19	10.33	-1.54723	1.15E-142	5.94E-141	Anln
300	37.51	36.07	36.79	16.13	15.79	15.71	36.79	15.87666667	-1.21241	1.72E-140	8.81E-139	Tfrc
301	47.63	48.16	49.59	14.92	16.07	16.74	48.46	15.91	-1.60686	3.24E-140	1.65E-138	Cdca3
302	32.02	31.69	31.36	70.37	70.14	73.63	31.69	71.38	1.171492	3.80E-140	1.93E-138	Lgals8
303	6.83	7.25	7.18	21.47	20.01	22.66	7.086666667	21.38	1.593083	5.23E-140	2.65E-138	Frmd4a

304	38.05	32.17	36.64	85.96	93.73	92.22	35.62	90.63666667	1.347407	9.86E-140	4.97E-138	Trafd1
305	39.43	37.84	38.81	82.12	83.08	83.24	38.69333333	82.81333333	1.097778	2.18E-139	1.09E-137	Il21r
306	45.34	45.42	52.09	10.33	9.66	10.23	47.61666667	10.07333333	-2.24093	2.64E-138	1.32E-136	Hsd11b1
307	29.11	27.4	30.53	8.59	7.79	8.53	29.01333333	8.303333333	-1.80495	5.74E-138	2.83E-136	Cxcr2
308	29.56	31.85	30.21	14.01	14.81	16.18	30.54	15	-1.02574	5.75E-138	2.83E-136	Cbx5
309	20.68	20.57	21.72	44.57	45.92	46.66	20.99	45.71666667	1.123018	8.92E-138	4.39E-136	Nceh1
310	15.9	15.95	16.49	43.35	41.15	40.59	16.11333333	41.69666667	1.371677	1.56E-137	7.64E-136	Tlr7
311	20.05	18.13	22.34	73.37	69.2	67.66	20.17333333	70.07666667	1.796485	3.32E-137	1.62E-135	Apoe
312	2.32	1.33	1.59	51.62	51.58	54.08	1.746666667	52.42666667	4.907625	8.91E-137	4.34E-135	Oasl1
313	6.59	6.16	6.6	0.31	0.36	0.26	6.45	0.31	-4.37896	5.30E-136	2.57E-134	Slco4c1
314	22	19.92	20.56	49.71	51.19	51.58	20.82666667	50.82666667	1.287154	7.78E-136	3.76E-134	Parp9
315	18.2	18.66	18.45	7.45	7.64	6.51	18.43666667	7.2	-1.35651	3.18E-135	1.53E-133	Ankrd28
316	6.3	5.53	5.32	20.62	21.05	21.26	5.716666667	20.97666667	1.875539	3.93E-135	1.89E-133	Mov10
317	0.27	0.27	0.2	12.23	11.76	13.35	0.246666667	12.44666667	5.657053	9.12E-135	4.37E-133	Gramd1c
318	46.1	45.82	43.86	19.88	18.13	23.38	45.26	20.46333333	-1.1452	1.50E-134	7.17E-133	Mtus1
319	9.56	10.32	10.74	32.41	29.51	32.49	10.20666667	31.47	1.624465	3.15E-133	1.50E-131	Rasa4
320	34.8	35.25	36.22	73.15	69.12	74.8	35.42333333	72.35666667	1.030426	3.03E-132	1.44E-130	Clcn7
321	21.04	20.36	21	7.46	6.86	7.24	20.8	7.186666667	-1.53319	3.11E-132	1.47E-130	E2f2
322	22.45	24.35	24.15	56.5	55.44	58.55	23.65	56.83	1.264813	4.00E-132	1.89E-130	Cd300ld
323	157.43	159.77	146.66	65.12	65.18	64.41	154.62	64.90333333	-1.25236	7.89E-132	3.72E-130	Stmn1
324	885.77	785.51	873.41	399.36	376.43	365.62	848.23	380.47	-1.15667	8.57E-132	4.03E-130	Ly6c2
325	62.15	59	58.66	29.55	27.54	31.95	59.93666667	29.68	-1.01395	2.25E-131	1.06E-129	Atp11b
326	36.69	34.32	34.88	73.54	73.95	75.46	35.29666667	74.31666667	1.074154	5.70E-131	2.66E-129	Tor1aip2
327	19.63	17.73	17.61	58.16	56.98	60.85	18.32333333	58.66333333	1.678777	1.08E-130	5.01E-129	Daxx
328	37.83	40.86	39.21	81.29	79.25	88.03	39.3	82.85666667	1.076088	1.08E-130	5.03E-129	Myo1e
329	35.06	25.39	30.8	271.82	268.49	268.23	30.41666667	269.5133333	3.147423	2.33E-130	1.08E-128	Slfn4
330	27.45	27.18	27.48	7.77	7.57	7.58	27.37	7.64	-1.84095	6.38E-130	2.94E-128	Adgrg3
331	3.79	4.24	3.99	12.78	12.65	12.6	4.006666667	12.67666667	1.661701	6.59E-130	3.03E-128	Nes
332	23.03	22.22	22.86	7.73	7.52	6.84	22.70333333	7.363333333	-1.62447	1.52E-129	6.96E-128	Cip2a
333	19.75	20.6	20.18	9.2	8.8	9.53	20.17666667	9.176666667	-1.13665	2.70E-129	1.24E-127	Dock5
334	15.98	13.74	15.85	46.86	47.11	45.27	15.19	46.41333333	1.611417	1.23E-128	5.59E-127	Apobec1
335	76.84	77.22	75.8	28.43	27.79	26.93	76.62	27.71666667	-1.46697	2.42E-128	1.09E-126	Cdk1
336	19.29	20.24	20.98	6.83	7.42	6.91	20.17	7.053333333	-1.51583	1.69E-127	7.57E-126	Abcd2
337	30.89	32.53	31.2	13.46	14.08	15.09	31.54	14.21	-1.15028	2.67E-127	1.20E-125	Fasn
338	18.37	18.69	18.2	5.22	5.68	5.3	18.42	5.4	-1.77024	8.99E-127	4.01E-125	Prr11
339	6.17	6.35	6.13	0.16	0.28	0.23	6.216666667	0.223333333	-4.79887	2.02E-126	8.98E-125	Rnf144a
340	60.94	61.87	61.84	21.82	24	21.89	61.55	22.57	-1.44735	2.11E-126	9.37E-125	Pnkp
341	12.46	12.19	12.69	37.36	34.64	37.38	12.44666667	36.46	1.550555	2.44E-126	1.08E-124	Ly9

342	40.44	45.93	52.2	14.47	11.94	12.62	46.19	13.01	-1.82796	4.73E-126	2.09E-124	Phgdh
343	1.25	0.85	1.19	11.49	11.86	11.99	1.096666667	11.78	3.425143	1.05E-125	4.63E-124	Gm4951
344	9.17	10.19	10.71	3.06	2.87	2.26	10.02333333	2.73	-1.87639	1.36E-125	5.99E-124	Fam160a2
345	27.54	29.56	31.21	78.34	71.84	71.42	29.43666667	73.86666667	1.327309	3.84E-125	1.68E-123	Pdpn
346	107.72	107.74	106.82	49.67	51.41	48.85	107.4266667	49.97666667	-1.10403	4.63E-125	2.02E-123	Anp32e
347	23.52	27.1	23.69	5.57	7.12	6.33	24.77	6.34	-1.96604	7.87E-125	3.42E-123	Scd1
348	14.78	15.34	14.1	3.92	4.62	4.59	14.74	4.376666667	-1.75183	2.18E-124	9.44E-123	Lrp8
349	0.69	0.23	0.51	15.47	15.09	15.05	0.476666667	15.20333333	4.995263	2.25E-124	9.74E-123	Ifit3b
350	149.91	143	148.21	72.87	76.93	67.88	147.04	72.56	-1.01896	6.62E-124	2.85E-122	Clec12a
351	14.05	10.48	9.44	59.44	61	54.39	11.32333333	58.27666667	2.36362	1.34E-123	5.75E-122	Xaf1
352	34.37	37.78	34.97	9.94	8.73	9.11	35.70666667	9.26	-1.94711	2.18E-123	9.33E-122	Cdc20
353	698.06	612.69	682.59	1424.88	1329.08	1305.27	664.4466667	1353.076667	1.026018	2.86E-123	1.22E-121	Prdx1
354	68.55	70.77	69.35	22.09	19.26	19	69.55666667	20.11666667	-1.7898	2.97E-122	1.26E-120	Birc5
355	7.05	5.91	7.86	34.25	31.37	33.15	6.94	32.92333333	2.246103	3.40E-122	1.44E-120	Slamf8
356	6.56	5.96	6.54	22.7	20.32	21.52	6.353333333	21.51333333	1.759645	2.18E-121	9.18E-120	Serpinb9
357	20.38	21.27	21.42	5.36	4.66	5.44	21.02333333	5.153333333	-2.02841	3.37E-121	1.42E-119	Tcp11l2
358	56.62	57.81	58.54	25.42	23.25	23.14	57.65666667	23.93666667	-1.26827	8.63E-121	3.62E-119	Mcm7
359	87.44	82.43	85.79	21.89	20.14	24.09	85.22	22.04	-1.95107	2.84E-120	1.19E-118	Fam162a
360	48.95	38.58	41.95	195.59	199.13	210.76	43.16	201.8266667	2.22535	2.90E-119	1.20E-117	Rnf213
361	18.6	18.55	18.53	5.26	5.51	5.27	18.56	5.346666667	-1.79549	2.11E-118	8.72E-117	Gca
362	26.54	23.28	27.68	79.43	80.49	78.59	25.83333333	79.50333333	1.621782	3.03E-118	1.25E-116	Trex1
363	29.28	31.56	31.44	11.19	10.2	10.79	30.76	10.72666667	-1.51985	4.14E-118	1.71E-116	Ckap2l
364	34.6	34.82	34.86	14.14	12.87	16.06	34.76	14.35666667	-1.27571	1.23E-117	5.04E-116	Arap3
365	20.9	21.16	20.17	50.4	48.74	49.05	20.74333333	49.39666667	1.251766	1.37E-117	5.60E-116	Lap3
366	20.44	20.34	19.03	6.54	7.06	6.79	19.93666667	6.796666667	-1.55252	1.94E-117	7.87E-116	Kif20b
367	76.95	74.69	79.36	36.75	34.47	36.04	77	35.75333333	-1.10678	5.32E-117	2.15E-115	Parvg
368	44.61	43.3	44.55	18.52	19.16	17.64	44.15333333	18.44	-1.25968	1.01E-114	4.08E-113	Mxi1
369	7.13	7.62	7.4	17.24	16.99	17.6	7.383333333	17.27666667	1.226481	1.16E-114	4.68E-113	Crybg1
370	3.52	3.19	3.14	16.81	16.52	16.75	3.283333333	16.69333333	2.346039	1.56E-114	6.28E-113	Slc39a2
371	47.31	50.17	50.19	22.16	21.04	21.51	49.22333333	21.57	-1.19032	2.76E-114	1.10E-112	Qsox1
372	12.52	13.65	13.07	1.98	1.98	1.86	13.08	1.94	-2.75323	4.09E-114	1.63E-112	Depdc1b
373	8.58	8.38	8.09	21.13	22.78	24.74	8.35	22.88333333	1.454449	6.46E-114	2.56E-112	Rassf8
374	31.15	30.98	33.49	11.67	11.32	12.04	31.87333333	11.67666667	-1.44872	1.99E-112	7.83E-111	Il16
375	32.24	23.33	25.84	175.12	180.89	176.97	27.13666667	177.66	2.710803	7.11E-112	2.79E-110	Ifi209
376	15.7	16.64	17.58	4.89	4.74	4.62	16.64	4.75	-1.80866	3.09E-111	1.20E-109	Spag5
377	5.2	4.84	4.86	22.24	22.43	25.36	4.966666667	23.34333333	2.232661	7.10E-111	2.75E-109	Plekhn1
378	11.45	12.57	12.66	0.57	0.46	0.62	12.22666667	0.55	-4.47446	1.23E-109	4.73E-108	4930438A08Rik
379	27.26	29.67	28.26	10.27	9.61	10.03	28.39666667	9.97	-1.51006	1.23E-109	4.75E-108	Kif23

380	60.14	64.2	61.17	29.29	30.2	28.86	61.83666667	29.45	-1.07019	1.93E-109	7.40E-108	Mcm6
381	10.78	10.72	9.72	3.66	3.26	3.24	10.40666667	3.386666667	-1.61957	9.34E-109	3.56E-107	Kntc1
382	28.13	29.69	28.64	13.15	11.7	12.9	28.82	12.58333333	-1.19556	1.09E-108	4.13E-107	Spata13
383	20.29	21.03	20.46	7.16	7.4	7.05	20.59333333	7.203333333	-1.51544	1.11E-108	4.22E-107	Ncapg
384	13.21	11.98	11.62	29.72	31.46	31.16	12.27	30.78	1.326858	5.17E-107	1.95E-105	Septin8
385	18.23	18.9	20.64	6.52	6.36	6.39	19.25666667	6.423333333	-1.58396	1.53E-106	5.74E-105	Ect2
386	10.88	12.19	12.65	31.63	32.58	36.56	11.90666667	33.59	1.496262	3.48E-106	1.30E-104	Nrp1
387	194.88	183.5	184.04	91.68	84.43	83.17	187.4733333	86.42666667	-1.11714	5.73E-106	2.14E-104	Anp32a
388	6.51	7.54	7.18	1.7	1.62	1.83	7.076666667	1.716666667	-2.04346	6.37E-106	2.37E-104	Kif14
389	12.92	13.78	13.2	2.62	2.36	3.15	13.3	2.71	-2.29506	8.63E-106	3.21E-104	Fmo5
390	46.41	41.54	43.45	12.47	13.67	11.55	43.8	12.56333333	-1.80171	1.25E-105	4.62E-104	Ccnb2
391	181.08	179.09	192.28	80.26	71.18	70.9	184.15	74.11333333	-1.31308	7.15E-105	2.62E-103	Plac8
392	44.64	44.35	42.19	15.45	19.66	16.33	43.72666667	17.14666667	-1.35059	1.90E-104	6.95E-103	Uhrf1
393	3.45	1.83	2.23	57.75	56.47	58.72	2.503333333	57.64666667	4.525315	3.59E-104	1.31E-102	Ifi206
394	11.66	12.46	10.44	27.47	28.21	29.86	11.52	28.51333333	1.307496	2.33E-103	8.46E-102	Sulf2
395	1.27	1.65	1.34	17.76	17.93	17.02	1.42	17.57	3.629151	3.99E-103	1.45E-101	Phf11a
396	21.44	23.13	25.81	52.2	54.48	58.96	23.46	55.21333333	1.234814	1.25E-102	4.52E-101	Tlr8
397	25.65	25.18	24.43	10.75	11.43	11.53	25.08666667	11.23666667	-1.15871	2.23E-102	8.05E-101	Pdk1
398	22.81	23.32	21.63	5.88	6.09	6.97	22.58666667	6.313333333	-1.839	2.41E-102	8.66E-101	Cdca7
399	32.12	31.69	29.92	4.72	4.49	5.4	31.24333333	4.87	-2.68155	3.75E-102	1.35E-100	Trem3
400	28.84	28.42	28.7	9.58	8.85	8.78	28.65333333	9.07	-1.65953	4.47E-102	1.60E-100	Kif22
401	4.58	3.72	3.56	30.78	35.11	30.34	3.953333333	32.07666667	3.020383	9.23E-102	3.29E-100	Fabp4
402	13.21	13.62	13.29	5.47	4.93	5.66	13.37333333	5.353333333	-1.32085	1.23E-101	4.36E-100	Lmtk2
403	20.98	19.94	22.46	47.01	47.82	49.64	21.12666667	48.15666667	1.18867	1.29E-101	4.57E-100	Slc35f6
404	33.53	36.2	36.3	11.77	10.58	10.25	35.34333333	10.86666667	-1.70153	2.67E-101	9.44E-100	Aurka
405	42.93	40.99	43.18	98.12	95.58	92.35	42.36666667	95.35	1.170303	3.37E-101	1.19E-99	Cd300c2
406	56.4	48.8	52.9	108.65	114.19	115.37	52.7	112.7366667	1.097082	4.79E-101	1.68E-99	Evl
407	23.99	23.75	24.65	9.87	9.22	9.97	24.13	9.686666667	-1.31676	1.34E-100	4.66E-99	Nt5e
408	10	10.6	9.9	20.53	20.08	22.12	10.16666667	20.91	1.040346	3.00E-99	1.04E-97	Zcchc2
409	4.44	4.93	4.38	18.71	19.17	19.42	4.583333333	19.1	2.059104	3.56E-99	1.23E-97	Blnk
410	19.53	19.74	17.36	4.67	4.55	5.28	18.87666667	4.833333333	-1.96551	3.68E-99	1.26E-97	Cdca2
411	16.75	16.13	17.09	4.18	3.47	3.13	16.65666667	3.593333333	-2.21271	7.65E-99	2.62E-97	Depdc1a
412	23.05	22.91	21.66	51.98	46.66	52.31	22.54	50.31666667	1.158549	2.01E-97	6.83E-96	Gpr137b
413	15.82	17.43	15.55	4.27	5.13	4.1	16.26666667	4.5	-1.85392	2.06E-97	6.97E-96	Pknx2
414	29.04	29.99	27.43	6.78	6.39	6.8	28.82	6.656666667	-2.1142	8.91E-97	3.00E-95	Rasgrp2
415	22.1	15.25	18.83	162.05	162.26	167.63	18.72666667	163.98	3.130354	1.24E-96	4.18E-95	Ifi211
416	27.8	31.25	28.35	59.21	56.97	60.32	29.13333333	58.83333333	1.013963	4.08E-96	1.37E-94	Egr2
417	18.47	17.51	19.06	7.57	7.3	7.63	18.34666667	7.5	-1.29056	5.34E-96	1.79E-94	Tmx4

418	28.18	26.38	26.23	8.62	8.43	8.2	26.93	8.416666667	-1.67789	5.93E-96	1.98E-94	Nuf2
419	15.95	17.28	16.71	41.81	38.88	37.91	16.646666667	39.533333333	1.247836	6.58E-96	2.19E-94	Gla
420	11.53	10.76	10.74	1.11	1.27	1.46	11.01	1.28	-3.1046	8.90E-96	2.96E-94	Gfi1
421	13.51	13.05	14.42	38.81	36.13	36.64	13.66	37.193333333	1.445087	1.12E-95	3.71E-94	Wdr91
422	12.22	14.64	13.82	0.56	0.98	1.16	13.56	0.9	-3.91329	1.80E-95	5.92E-94	Mogat2
423	7.29	6.14	5.9	23.62	23.08	22.14	6.443333333	22.946666667	1.832405	2.04E-95	6.72E-94	Car13
424	36.17	36.21	35.06	14.75	15.36	15.78	35.813333333	15.296666667	-1.22728	7.79E-95	2.55E-93	Sqle
425	2.38	2.92	2.78	10.2	11.12	12.79	2.693333333	11.37	2.077768	1.16E-94	3.81E-93	Myrf
426	33.7	34.79	31.01	10.64	11.29	11.06	33.166666667	10.996666667	-1.59267	2.60E-94	8.46E-93	Aurkb
427	41.43	41.53	42.17	14.04	14.54	11.58	41.71	13.386666667	-1.6396	2.84E-94	9.22E-93	Knstrn
428	10.54	10.12	11.15	2.57	2.69	2.7	10.603333333	2.653333333	-1.99864	3.03E-94	9.82E-93	Mbnl3
429	37.51	35.33	36.96	9.66	9.45	7.53	36.6	8.88	-2.04321	4.38E-93	1.42E-91	Cebpe
430	3.34	3.07	2.6	25.05	21.31	20.6	3.003333333	22.32	2.893701	7.12E-93	2.30E-91	H2-Q7
431	17.98	18.89	19.54	42.81	41.04	43.79	18.803333333	42.546666667	1.178058	1.59E-92	5.09E-91	Lacc1
432	14.82	14.45	14.82	4.49	4.26	3.92	14.696666667	4.223333333	-1.79903	2.12E-92	6.76E-91	Pi16
433	5.56	6.04	5.78	1.24	1.32	1.46	5.793333333	1.34	-2.11216	2.38E-92	7.59E-91	Hip1r
434	15.22	14.3	13.96	5.49	5.25	5.37	14.493333333	5.37	-1.4324	3.84E-92	1.22E-90	Impa2
435	7.46	7.34	6.99	16.79	17.71	18.13	7.263333333	17.543333333	1.272219	3.81E-91	1.20E-89	Ctnnbp2nl
436	40.23	39.36	39.27	18.4	19.32	19.28	39.62	19	-1.06023	3.93E-91	1.24E-89	Arhgap4
437	15.49	16.53	15.13	3.91	4.36	4.14	15.716666667	4.136666667	-1.92575	9.57E-91	3.01E-89	Kif2c
438	31.26	34.56	33.33	68.23	66.24	69.78	33.05	68.083333333	1.042651	2.19E-90	6.87E-89	Scpep1
439	11.96	11.55	12.63	4.05	4.23	3.72	12.046666667	4	-1.59056	2.25E-90	7.05E-89	Iqgap3
440	1.05	0.65	1.01	8.5	9.65	9.29	0.903333333	9.146666667	3.339916	2.47E-90	7.74E-89	Gas6
441	26.22	21.21	24.82	4.65	5.38	4.44	24.083333333	4.823333333	-2.31993	2.71E-90	8.48E-89	Selenbp1
442	11.02	10.99	10.31	1.46	1.42	1.01	10.773333333	1.296666667	-3.05459	3.78E-90	1.18E-88	Plppr3
443	2.5	2.87	2.87	0.15	0.17	0.25	2.746666667	0.19	-3.85361	6.06E-90	1.88E-88	Itih5
444	75.16	72.54	73.3	36.25	36.09	34.57	73.666666667	35.636666667	-1.04765	6.31E-90	1.96E-88	Cbx3
445	0.18	0.11	0.09	2.27	2.39	2.28	0.126666667	2.313333333	4.190864	6.77E-90	2.10E-88	Olf1459
446	16.14	16.61	17.22	53.34	57.97	50.95	16.656666667	54.086666667	1.699173	1.66E-89	5.12E-88	Rhoc
447	23.33	23.64	26.43	56.6	52.59	52.59	24.466666667	53.926666667	1.140181	1.66E-89	5.13E-88	Rab7b
448	28.72	29.35	30.37	12.71	12.47	13.49	29.48	12.89	-1.19348	3.30E-89	1.01E-87	Egln1
449	19.71	20.31	19.96	6.24	5.43	5.88	19.993333333	5.85	-1.77301	3.62E-89	1.11E-87	Neil3
450	26.78	27.81	26.79	11.55	11.13	12.64	27.126666667	11.773333333	-1.20419	4.12E-89	1.26E-87	Slc27a4
451	12.19	12	12.07	0.56	1.15	0.66	12.086666667	0.79	-3.93542	1.52E-88	4.61E-87	Lin28a
452	16.72	15.95	16.74	7.12	7.29	7.18	16.47	7.196666667	-1.19444	1.45E-87	4.38E-86	Iqgap2
453	27.82	27.94	31.41	78.64	72.29	74.51	29.056666667	75.146666667	1.37084	1.92E-87	5.79E-86	Scimp
454	27.13	21.69	24.87	169.11	172.28	177.05	24.563333333	172.813333333	2.814636	2.03E-87	6.09E-86	Slfn5
455	2.01	1.61	2.49	9.78	9.69	10.84	2.036666667	10.103333333	2.31055	3.71E-87	1.11E-85	Tlr3

456	4.33	5.68	5.55	18.16	20.88	14.24	5.186666667	17.76	1.775752	4.92E-87	1.47E-85	Frmd4b
457	1.65	1.41	1.46	9.62	8.2	10.58	1.506666667	9.466666667	2.651496	3.04E-86	9.03E-85	Cp
458	45.27	44.01	45.06	16.58	18.13	16.72	44.78	17.143333333	-1.38521	3.52E-86	1.05E-84	Cdca8
459	28.8	30.78	30.36	12.16	11.61	12	29.98	11.923333333	-1.33021	3.55E-86	1.05E-84	Lig1
460	32.23	32.3	34.97	69.48	68.43	68.31	33.166666667	68.74	1.051416	3.90E-86	1.15E-84	Cmtm3
461	5.97	5.66	5.68	13.39	12.85	13.42	5.77	13.22	1.196079	9.72E-86	2.87E-84	Sash1
462	36.93	41.21	36.49	16.33	16.13	15.8	38.21	16.086666667	-1.24808	1.96E-85	5.77E-84	Racgap1
463	10.24	11.58	10.01	23.95	25.02	26.56	10.61	25.176666667	1.246663	2.21E-85	6.49E-84	Fblim1
464	4.88	2.95	4.48	70.36	68.36	78.05	4.103333333	72.256666667	4.138262	3.03E-85	8.89E-84	Ifit1
465	40.91	41.35	42.98	16.65	15.12	13.92	41.746666667	15.23	-1.45475	3.30E-85	9.68E-84	Asf1b
466	15.79	15.68	16.55	36.33	36.3	37.36	16.006666667	36.663333333	1.195665	3.83E-85	1.12E-83	Slc11a1
467	8.57	8.48	8.45	0.63	0.48	0.72	8.5	0.61	-3.80058	5.82E-85	1.70E-83	Erg
468	7.16	6.9	7.84	2.29	2.23	2.17	7.3	2.23	-1.71085	8.28E-85	2.41E-83	Elov16
469	50.74	42.09	46.16	135.92	132.07	137.44	46.33	135.1433333	1.544472	8.72E-85	2.53E-83	Gvin1
470	10.74	11.2	11.04	3.4	3.87	3.59	10.993333333	3.62	-1.60257	3.63E-84	1.05E-82	Kif4
471	35.81	38.12	37.28	18.3	16.07	16.59	37.07	16.986666667	-1.12585	5.94E-84	1.71E-82	Bub1b
472	15.85	17.17	16.76	7.02	6.89	6.79	16.593333333	6.9	-1.26594	6.14E-84	1.77E-82	Ncapd3
473	11.29	11.64	12.23	24.72	25.84	27.02	11.72	25.86	1.14175	9.63E-84	2.76E-82	Plekhn2
474	13.97	14.29	13.31	3.58	3.89	4.18	13.856666667	3.883333333	-1.83521	1.64E-83	4.70E-82	Mybl2
475	23.4	22.72	22.56	8.32	8.04	6.91	22.893333333	7.756666667	-1.56142	2.04E-83	5.83E-82	Ncaph
476	2.27	2.49	2.5	9.87	9.76	9.36	2.42	9.663333333	1.997514	4.23E-83	1.20E-81	Slc20a2
477	25.86	25.58	28.59	10.34	10.29	10.57	26.676666667	10.4	-1.35899	5.53E-83	1.57E-81	Exoc6
478	17.37	19.38	19.54	41.75	43.44	44.38	18.763333333	43.19	1.202781	1.99E-82	5.60E-81	Lmna
479	22.44	16.83	21.43	101.46	98.38	101.67	20.233333333	100.5033333	2.312437	2.25E-82	6.31E-81	Irgm1
480	14.25	15.55	13.73	4.86	5.31	4.44	14.51	4.87	-1.57505	2.78E-82	7.79E-81	Blm
481	19.47	19.01	20.46	40.99	39.47	41.2	19.646666667	40.553333333	1.045536	3.88E-82	1.08E-80	Srxn1
482	25.55	28	24.69	11.58	12.34	11.66	26.08	11.86	-1.13684	4.68E-82	1.31E-80	Ndc1
483	13.82	9.39	12.23	38.84	38.23	39.42	11.813333333	38.83	1.716756	5.66E-82	1.57E-80	H2-T24
484	16.6	17.02	17.33	6.55	5.84	5.82	16.983333333	6.07	-1.48435	1.00E-81	2.78E-80	Cdc25a
485	28.3	19.16	21.6	202.5	192.43	201.2	23.02	198.71	3.109705	1.07E-81	2.95E-80	Oasl2
486	59.34	60.98	64.73	16.51	13.55	12.68	61.683333333	14.246666667	-2.11426	7.93E-81	2.18E-79	Mgst2
487	15.57	17.61	15.99	5.47	5.42	5.95	16.39	5.613333333	-1.54589	5.22E-80	1.42E-78	Mthfd1l
488	2.63	2.68	2.43	9.99	9.55	10.24	2.58	9.926666667	1.943938	6.19E-80	1.68E-78	Ttyh2
489	12.06	12.6	12.74	4.91	5.03	4.6	12.466666667	4.846666667	-1.36301	1.44E-79	3.90E-78	Ipcef1
490	13.5	11.78	11.88	3.71	3.42	3.71	12.386666667	3.613333333	-1.77739	1.79E-79	4.85E-78	Gabbr1
491	30.55	31.96	30.13	9.57	9.7	9.26	30.88	9.51	-1.69916	3.00E-79	8.10E-78	Msra
492	1.45	1.61	1.79	16.15	14.74	14.57	1.616666667	15.153333333	3.228541	3.12E-79	8.42E-78	Ms4a7
493	10.76	10.75	10.77	2.42	2.65	1.96	10.76	2.343333333	-2.19904	4.28E-79	1.15E-77	Svip

494	4.6	4.1	4.27	28	26.34	27.23	4.323333333	27.19	2.65286	5.91E-79	1.59E-77	Ms4a4a
495	4.83	3.25	3.91	36.86	32.74	36.24	3.996666667	35.28	3.141981	8.07E-79	2.17E-77	Gbp6
496	30.61	31.19	29.25	9.17	10.9	11.17	30.35	10.41333333	-1.54326	1.08E-78	2.91E-77	Gapt
497	6.71	6.9	5.99	20.27	17.86	19.71	6.533333333	19.28	1.561214	1.45E-78	3.88E-77	Rasgef1b
498	37.3	38.08	37.9	18.68	16.07	16.18	37.76	16.97666667	-1.15331	2.13E-78	5.68E-77	Trem1
499	23.84	23.45	23.69	10.36	10.66	11.82	23.66	10.94666667	-1.11196	2.72E-78	7.25E-77	6430548M08Rik
500	18.69	17.5	18.38	6.39	6.68	6.27	18.19	6.446666667	-1.49652	2.89E-78	7.69E-77	Trim59
501	4.94	2.52	3.12	111.92	109.99	115.27	3.526666667	112.3933333	4.994107	3.02E-78	8.03E-77	Ifit3
502	18.69	18.12	17.54	6.98	6.62	6.46	18.11666667	6.686666667	-1.43796	4.07E-78	1.08E-76	Plk4
503	13.75	13.5	14.21	29.18	27.34	28.55	13.82	28.35666667	1.03693	4.27E-78	1.13E-76	Tnfsf8
504	0.21	0.12	0.11	4.96	4.36	4.77	0.146666667	4.696666667	5.001024	6.28E-78	1.66E-76	Slc9a4
505	0.83	1.56	1.32	10.61	10.04	9.17	1.236666667	9.94	3.006789	1.05E-77	2.77E-76	Mcoln3
506	34.5	33.11	34.16	14.48	15.75	14.8	33.92333333	15.01	-1.17635	2.31E-77	6.04E-76	Me2
507	7.68	8.69	8.59	30.32	27.81	27.06	8.32	28.39666667	1.771066	4.09E-77	1.06E-75	Acp5
508	3.01	2.83	2.92	36.18	35.08	30.31	2.92	33.85666667	3.5354	8.43E-77	2.19E-75	Ccl12
509	19.95	18.23	18.68	44.48	43.88	43.33	18.95333333	43.89666667	1.21166	1.94E-76	5.01E-75	Gm21188
510	2.93	3.25	2.66	12.72	13.63	13.81	2.946666667	13.38666667	2.183641	2.89E-76	7.47E-75	Gbp8
511	20.64	19.87	17.5	8.88	8.82	7.61	19.33666667	8.436666667	-1.19659	5.11E-76	1.32E-74	Bri3bp
512	13.04	12.65	13.42	33.32	31.43	31.75	13.03666667	32.16666667	1.302991	5.34E-76	1.37E-74	MIkl
513	40.61	38.57	40.44	17.22	17.57	18.95	39.87333333	17.91333333	-1.15439	1.15E-75	2.95E-74	Cdk2
514	8.88	9.59	10.52	0.46	0.27	0.36	9.663333333	0.363333333	-4.73316	3.77E-75	9.62E-74	Cldn15
515	4.15	4.28	4.41	17.32	17.06	17.7	4.28	17.36	2.020084	6.95E-75	1.76E-73	Trim30c
516	14.65	14.18	15.39	4.49	4.73	4.34	14.74	4.52	-1.70534	7.61E-75	1.93E-73	Esco2
517	28.36	25.36	25.72	60.92	69.12	62.23	26.48	64.09	1.275196	9.85E-75	2.49E-73	Clec4a3
518	32.75	34.11	32.06	72.35	71.32	66.78	32.97333333	70.15	1.089143	1.39E-74	3.50E-73	Metrn1
519	8.41	7.9	7.76	1.92	1.91	1.97	8.023333333	1.933333333	-2.05311	1.59E-74	4.00E-73	Gm7694
520	9.78	9.32	9.77	23.22	20.98	21.78	9.623333333	21.99333333	1.192458	1.72E-74	4.32E-73	Ocstamp
521	30.78	32.01	32.99	8.82	8.31	9.9	31.92666667	9.01	-1.82516	1.82E-74	4.57E-73	Prss34
522	15.65	15.44	15.94	6.15	6.6	6.05	15.67666667	6.266666667	-1.32285	2.03E-74	5.08E-73	Ccnf
523	16.36	13.11	15.6	79.95	64.21	75.74	15.02333333	73.3	2.286608	4.15E-74	1.03E-72	Cfb
524	1.51	0.79	1.1	9.49	8.96	8.89	1.133333333	9.113333333	3.007407	5.55E-74	1.38E-72	Mx2
525	3.05	3.07	2.8	8.36	8.27	8.62	2.973333333	8.416666667	1.501168	9.79E-74	2.44E-72	Jag1
526	11.16	11.47	10.93	4.05	4.2	4.36	11.18666667	4.203333333	-1.41217	1.14E-73	2.83E-72	Sgo2a
527	33.95	36.6	32.97	11.51	11.84	11.4	34.50666667	11.58333333	-1.57482	1.72E-73	4.28E-72	H2ax
528	13.79	13.43	13.04	32.61	29.74	34.82	13.42	32.39	1.271164	2.08E-73	5.15E-72	Cav1
529	23.98	20.47	20.73	54.76	55.29	51.42	21.72666667	53.82333333	1.308765	5.05E-73	1.25E-71	Ifi35
530	54.81	61.48	58.51	117.41	125.76	114.4	58.26666667	119.19	1.032521	5.29E-73	1.30E-71	Trem2
531	28.88	29.94	30.42	14.27	12.73	13.96	29.74666667	13.65333333	-1.12347	7.91E-73	1.94E-71	Mcm2

532	0.62	0.6	0.72	4.51	5.26	5.49	0.646666667	5.086666667	2.975626	1.85E-72	4.52E-71	Slc1a4
533	19.13	18.6	20.76	8.08	7.81	7.6	19.49666667	7.83	-1.31614	1.88E-72	4.59E-71	Golim4
534	28.59	28.35	28.08	9.77	10.96	10.34	28.34	10.35666667	-1.45228	2.56E-72	6.25E-71	Siglece
535	15.12	16.78	14.54	5.08	6.28	5.47	15.48	5.61	-1.46433	5.09E-72	1.24E-70	Foxm1
536	496.95	540.96	488.95	184.07	205.82	211.57	508.9533333	200.4866667	-1.34403	5.25E-72	1.28E-70	Fn1
537	40.5	42.41	43.14	17.45	16.51	16.47	42.01666667	16.81	-1.32164	9.42E-72	2.29E-70	Plscr1
538	12.57	12.8	12.1	1.31	1.41	1.29	12.49	1.336666667	-3.22406	1.41E-71	3.42E-70	Septin1
539	31.8	30.36	31.77	14.32	12.74	14.09	31.31	13.71666667	-1.19069	1.48E-71	3.59E-70	Ccng2
540	3.19	3.52	3.83	10.67	10.03	9.72	3.513333333	10.14	1.529145	2.14E-71	5.15E-70	Slc30a1
541	14.85	8.92	12.52	168.74	157.99	147.13	12.09666667	157.9533333	3.706817	2.38E-71	5.73E-70	Isg15
542	19.36	18.93	22.44	49.29	47.75	51.38	20.24333333	49.47333333	1.289204	1.44E-70	3.44E-69	Serpinb6a
543	2.05	2.25	2.24	9.89	9.29	9.56	2.18	9.58	2.135698	4.37E-70	1.04E-68	Havcr2
544	5.72	5.78	5.5	0.24	0.24	0.14	5.666666667	0.206666667	-4.77712	4.73E-70	1.13E-68	Ankrd22
545	29.11	28.69	29.97	10.48	13.29	10.68	29.25666667	11.48333333	-1.34922	6.40E-70	1.52E-68	Mad2l1
546	22.25	17.27	19.34	82.34	81.58	82.82	19.62	82.24666667	2.067632	1.49E-69	3.51E-68	Trim30d
547	30.14	29.58	29.12	12.22	13.49	13.93	29.61333333	13.21333333	-1.16425	1.70E-69	4.01E-68	Vegfa
548	8.08	6.67	6.51	17.2	16.89	16.54	7.086666667	16.87666667	1.251851	2.07E-69	4.88E-68	Parp11
549	10.4	10.01	10.72	22.34	21.7	21.42	10.37666667	21.82	1.072308	2.93E-69	6.88E-68	Cyp4v3
550	24	23.44	22.34	6.75	7.79	7.72	23.26	7.42	-1.64836	4.48E-69	1.05E-67	Hmgb3
551	8.96	9.83	9.93	3.53	2.89	1.85	9.573333333	2.756666667	-1.7961	7.59E-69	1.78E-67	Cit
552	18.87	12.93	17.33	103.26	98.3	100.12	16.37666667	100.56	2.618343	1.24E-68	2.90E-67	Rtp4
553	21.07	19.83	19.74	9.51	9.08	9.86	20.21333333	9.483333333	-1.09184	1.33E-68	3.11E-67	Rybp
554	1.25	0.78	0.45	44.29	48.78	38.77	0.826666667	43.94666667	5.732304	1.52E-68	3.53E-67	Lyz1
555	5.02	5.98	5.24	1.62	1.5	1.37	5.413333333	1.496666667	-1.85476	3.14E-68	7.28E-67	Rap1gap2
556	39.77	34.9	37.94	13.49	12.31	14.33	37.53666667	13.37666667	-1.48858	3.43E-68	7.93E-67	Ffar2
557	33.18	25.77	29.21	111.95	106.21	111.87	29.38666667	110.01	1.904401	5.56E-68	1.28E-66	Ifi203
558	57.94	40.57	51.06	326.13	289.98	296.64	49.85666667	304.25	2.609399	7.75E-68	1.79E-66	Ly6a
559	12	10.48	11.65	25.01	23.51	25.25	11.37666667	24.59	1.111994	4.31E-67	9.91E-66	Tdrd7
560	54.01	50.87	52.71	22.61	21.31	19.62	52.53	21.18	-1.31044	6.94E-67	1.59E-65	Mettl9
561	0.72	0.65	0.47	4.71	4.67	5.05	0.613333333	4.81	2.971294	1.47E-66	3.36E-65	Stra6l
562	9.93	11.04	10.9	20.86	21.69	22.17	10.62333333	21.57333333	1.022013	1.60E-66	3.67E-65	Daglb
563	4.26	3.67	4.11	13.9	11.8	12.85	4.013333333	12.85	1.678895	1.79E-66	4.08E-65	Serpinb9b
564	32.52	32.63	34.32	12.75	11.75	9.95	33.15666667	11.48333333	-1.52976	2.97E-66	6.77E-65	Cdkn2d
565	27.32	26.87	31.11	57.99	55.6	58.98	28.43333333	57.52333333	1.016564	4.43E-66	1.01E-64	Mdfic
566	9.9	8.5	8.81	1.35	1.35	1.78	9.07	1.493333333	-2.60257	5.60E-66	1.27E-64	S1pr4
567	0.93	0.67	1.05	5.44	5.2	5.58	0.883333333	5.406666667	2.61371	8.76E-66	1.98E-64	Perm1
568	5.71	6.14	6.21	16.62	15.57	15.96	6.02	16.05	1.414738	1.21E-65	2.73E-64	Ctnn
569	11.85	8.77	9.61	29.11	28.04	28.06	10.07666667	28.40333333	1.495042	7.12E-65	1.59E-63	Trim34a

570	4.81	5.97	5.33	0.65	0.79	0.72	5.37	0.72	-2.89885	8.59E-65	1.91E-63	Dgkg
571	5.13	4.51	4.83	0.98	0.92	0.76	4.823333333	0.886666667	-2.44357	9.87E-65	2.19E-63	Tspan2
572	8.16	6.39	7.34	28.21	29.97	25.85	7.296666667	28.01	1.940633	1.27E-64	2.81E-63	Ly86
573	2.03	1.89	1.49	6.31	7.16	7.13	1.803333333	6.866666667	1.928944	1.40E-64	3.10E-63	C77080
574	21.41	22.25	23.79	6.38	6.2	6.53	22.483333333	6.37	-1.81949	3.44E-64	7.59E-63	Tk1
575	31.79	31.5	32.67	15.22	14.35	15.05	31.986666667	14.873333333	-1.10474	5.01E-64	1.10E-62	Sc5d
576	14.45	13.89	13.85	4.75	5.42	5.06	14.063333333	5.076666667	-1.46999	6.52E-64	1.43E-62	Susd1
577	27.19	28.04	28.88	11.95	10.81	10.76	28.036666667	11.173333333	-1.32726	7.03E-64	1.54E-62	Slc43a3
578	16.51	16.99	17.69	6.03	6.54	6.07	17.063333333	6.213333333	-1.45746	8.05E-64	1.76E-62	Mis18bp1
579	10.06	10.21	9.53	21.84	24.68	23.12	9.933333333	23.213333333	1.224604	1.39E-63	3.03E-62	Slc27a1
580	20.11	21.33	21.61	7.87	8.72	7.87	21.016666667	8.153333333	-1.36607	2.08E-63	4.53E-62	Arhgap15
581	19.32	20.4	18.28	43.02	41.8	41.22	19.333333333	42.013333333	1.119757	2.12E-63	4.60E-62	Pdcd1lg2
582	50.36	51.38	48.82	23.94	24.1	23.02	50.186666667	23.686666667	-1.08323	2.38E-63	5.16E-62	Fkbp4
583	10.14	9.84	10.54	3.94	4.67	4.09	10.173333333	4.233333333	-1.26493	2.69E-63	5.81E-62	G2e3
584	15.68	13.05	13.57	30.74	29.6	31.24	14.1	30.526666667	1.114375	3.50E-63	7.55E-62	Uba7
585	19.08	17.55	20.07	8.49	8.51	7.34	18.9	8.113333333	-1.22002	3.59E-63	7.75E-62	Hells
586	4.71	4.72	4.04	13.39	14.53	13.77	4.49	13.896666667	1.629952	4.30E-63	9.26E-62	Prr5l
587	30.16	28.29	26.89	8.59	9.87	8.72	28.446666667	9.06	-1.65068	4.59E-63	9.87E-62	Dut
588	4.83	5.22	5.37	11.98	11.29	12.74	5.14	12.003333333	1.223595	5.90E-63	1.27E-61	Tent5c
589	0.89	1.02	0.98	3.74	3.98	4.35	0.963333333	4.023333333	2.062284	8.97E-63	1.91E-61	Efr3b
590	26.28	23.33	28.22	57.32	54.06	56.14	25.943333333	55.84	1.105935	9.13E-63	1.95E-61	Casp1
591	1.03	1.16	0.81	5.73	5.5	6.03	1	5.753333333	2.524398	9.47E-63	2.02E-61	Hpgds
592	3.32	3.69	4.11	10.77	9.86	11.17	3.706666667	10.6	1.51587	1.47E-62	3.13E-61	Syt7
593	1.51	1.56	1.97	6.87	7.89	6.97	1.68	7.243333333	2.108193	3.09E-62	6.54E-61	Pde7b
594	7.29	6.58	5.46	0.16	0.25	0.21	6.443333333	0.206666667	-4.96243	3.55E-62	7.52E-61	Prss57
595	48.36	49.15	50.72	19.26	19.06	17.43	49.41	18.583333333	-1.41079	4.16E-62	8.79E-61	Abtb1
596	3.04	2.83	2.7	7.19	7.24	8.31	2.856666667	7.58	1.407865	5.06E-62	1.07E-60	Agrn
597	3.02	3.28	3.82	14.46	13.09	13.6	3.373333333	13.716666667	2.023683	7.15E-62	1.50E-60	Marco
598	20.91	22.27	22.98	8.14	8.35	7.91	22.053333333	8.133333333	-1.43908	9.61E-62	2.02E-60	Cdc45
599	15	15.93	14.95	5.95	6.03	6.27	15.293333333	6.083333333	-1.32997	1.04E-61	2.18E-60	Clspn
600	12.28	12.6	12.17	24.3	25.72	27.64	12.35	25.886666667	1.067698	1.42E-61	2.98E-60	Gaa
601	19.57	21.02	20.26	7.61	8.92	8.88	20.283333333	8.47	-1.25986	6.66E-61	1.38E-59	Fdft1
602	13.3	13.82	13.13	5.09	5.74	5.5	13.416666667	5.443333333	-1.30146	7.82E-61	1.62E-59	Chaf1a
603	20.32	21.73	21.16	8.27	8.29	8.69	21.07	8.416666667	-1.32387	1.08E-60	2.24E-59	Cep55
604	2.83	2.63	2.42	7.91	7.11	8	2.626666667	7.673333333	1.54662	1.50E-60	3.10E-59	Apbb2
605	10.64	11.06	10.24	3.55	3.53	3.35	10.646666667	3.476666667	-1.61463	1.93E-60	3.98E-59	Kif18b
606	1.77	0.78	1.3	34.58	33.16	35.49	1.283333333	34.41	4.74486	2.24E-60	4.60E-59	Ifit1bl1
607	27.22	26.32	28.21	12.11	11.99	11.5	27.25	11.866666667	-1.19934	2.36E-60	4.84E-59	Dbf4

608	18.78	19.87	19.22	7.57	6.68	8.61	19.29	7.62	-1.33999	3.83E-60	7.84E-59	Stx11
609	6.27	3.45	4.71	72.9	76.38	79.85	4.81	76.37666667	3.989023	4.83E-60	9.86E-59	Rsad2
610	1.1	0.99	1.07	7.45	7.35	7.59	1.053333333	7.463333333	2.824858	7.17E-60	1.46E-58	Cd200
611	19.42	20.63	19.9	9.18	8.62	8.5	19.98333333	8.766666667	-1.1887	7.61E-60	1.55E-58	Nup107
612	8.94	8.72	8.67	2.85	2.62	2.64	8.776666667	2.703333333	-1.69893	7.74E-60	1.57E-58	Sgo1
613	2.86	2.51	3.13	0.67	0.64	0.62	2.833333333	0.643333333	-2.13886	8.94E-60	1.81E-58	B3galt2
614	3.21	3.16	3.45	14.49	11.64	12.97	3.273333333	13.03333333	1.993374	1.80E-59	3.65E-58	Edn1
615	4.32	4.87	4.25	1.44	1.26	1.44	4.48	1.38	-1.69883	2.49E-59	5.04E-58	Polq
616	0.84	0.71	0.83	5.22	5.3	5.08	0.793333333	5.2	2.712513	2.51E-59	5.07E-58	Plpp3
617	20.3	21.09	20.23	9.06	9.87	10.26	20.54	9.73	-1.07792	3.19E-59	6.43E-58	Atg9a
618	10.81	11.7	10.74	22.51	23.65	23.46	11.08333333	23.20666667	1.066147	5.49E-59	1.10E-57	Slc38a7
619	7.24	7.13	7.62	21.28	21.65	20.04	7.33	20.99	1.517817	5.92E-59	1.19E-57	Speg
620	5.14	5.57	5.14	1.66	1.54	2.01	5.283333333	1.736666667	-1.60513	6.93E-59	1.39E-57	Ticrr
621	7.5	8.29	7.47	20.99	21.39	23.34	7.753333333	21.90666667	1.498481	9.59E-59	1.91E-57	Dusp1
622	3.01	2.96	3.01	7.51	7.76	7.56	2.993333333	7.61	1.346144	1.66E-58	3.30E-57	Tbc1d4
623	5.7	5.73	5.42	13.02	12.71	12.55	5.616666667	12.76	1.183842	5.99E-58	1.18E-56	Map4k3
624	4.73	4.44	3.95	0.44	0.38	0.56	4.373333333	0.46	-3.24903	8.13E-58	1.60E-56	Klf5
625	23.18	21.93	23.33	10.43	10.65	9.81	22.81333333	10.29666667	-1.1477	9.80E-58	1.93E-56	Ccne2
626	7.86	7.92	7.5	17.21	15.53	16.42	7.76	16.38666667	1.078394	1.41E-57	2.76E-56	Gga2
627	7.84	7.93	8.38	17.22	17	19.51	8.05	17.91	1.153705	1.45E-57	2.84E-56	Dennd1a
628	29.28	27.67	28.89	64.86	55.4	60.25	28.61333333	60.17	1.072357	2.18E-57	4.26E-56	Rgs1
629	21.71	17.96	20.81	41.57	41.69	40.73	20.16	41.33	1.035694	2.23E-57	4.35E-56	Irf9
630	1.6	1.74	1.47	15.6	15.45	14.96	1.603333333	15.33666667	3.257839	3.59E-57	6.99E-56	Mnd1
631	4.25	7.09	5.03	17.63	13.43	11.32	5.456666667	14.12666667	1.372329	3.94E-57	7.67E-56	Cd22
632	2.19	3.82	3.66	19.83	19.09	20.38	3.223333333	19.76666667	2.616444	4.49E-57	8.73E-56	Gstt1
633	11.41	11.38	11.47	28.95	29.43	29.28	11.42	29.22	1.355394	7.91E-57	1.53E-55	Serpina3g
634	5.75	6.06	5.85	11.91	12.5	12.21	5.886666667	12.20666667	1.052146	8.98E-57	1.73E-55	Slc12a7
635	5.79	5.68	5.39	13.39	13.65	14.04	5.62	13.69333333	1.284832	1.42E-56	2.72E-55	Pros1
636	7.83	9.86	9.63	2.54	2.37	3.33	9.106666667	2.746666667	-1.72924	2.50E-56	4.79E-55	Parpbbp
637	15.63	16.27	15.11	6.42	6.22	6.06	15.67	6.233333333	-1.32993	2.62E-56	5.02E-55	Figl1
638	62.27	62.93	68.46	29.15	27.87	27.3	64.55333333	28.10666667	-1.19958	2.82E-56	5.39E-55	Id1
639	51.56	51.43	54.53	20.83	18.64	20.82	52.50666667	20.09666667	-1.38554	5.23E-56	9.92E-55	Cks1b
640	4.81	4.14	4.2	9.8	9.93	9.65	4.383333333	9.793333333	1.159772	1.60E-55	3.03E-54	Mfhas1
641	21.89	22.59	21.01	10.12	10.95	11.1	21.83	10.72333333	-1.02556	1.69E-55	3.18E-54	E2f8
642	9.02	8.85	7.79	4	4.23	4.26	8.553333333	4.163333333	-1.03875	2.45E-55	4.60E-54	Igf1r
643	5.08	5.14	4.78	14.37	11.91	13.01	5	13.09666667	1.3892	2.59E-55	4.84E-54	Src
644	15.96	11.52	15.64	74.22	74.84	67.79	14.37333333	72.28333333	2.330268	3.25E-55	6.07E-54	Ms4a6c
645	26.27	25.78	27.22	12.58	11.28	11.94	26.42333333	11.93333333	-1.14682	3.88E-55	7.24E-54	Khl6

646	6.6	6.65	6.39	2.78	2.45	2.7	6.546666667	2.643333333	-1.3084	4.04E-55	7.52E-54	Atad5
647	57.18	56.12	51.55	25.39	25.15	25.84	54.95	25.46	-1.10989	4.10E-55	7.62E-54	Cenpa
648	2.94	2.37	2.09	8.83	9.87	9.37	2.466666667	9.356666667	1.923432	5.16E-55	9.59E-54	Scamp5
649	20.18	21.05	21.81	8.71	8.69	8.29	21.01333333	8.563333333	-1.29506	6.91E-55	1.28E-53	Ndc80
650	32.16	31.94	32	14.96	15.78	15.71	32.03333333	15.48333333	-1.04886	1.25E-54	2.30E-53	Aldoc
651	0.13	0.06	0.16	11.5	10.08	10.4	0.116666667	10.66	6.513671	1.87E-54	3.45E-53	Cyp2a4
652	18.88	17.79	19.27	7.06	7.12	6.59	18.64666667	6.923333333	-1.42938	2.75E-54	5.07E-53	Shcbp1
653	21.83	21.72	21.86	8.94	9.05	9.77	21.80333333	9.253333333	-1.2365	1.17E-53	2.14E-52	Kifc1
654	6.36	5.83	5.86	12.65	13.68	12.88	6.016666667	13.07	1.119223	1.87E-53	3.41E-52	Itsn1
655	9.12	8.06	9.05	1.02	0.83	1.4	8.743333333	1.083333333	-3.01271	3.00E-53	5.46E-52	Rdh12
656	8.2	6.83	7.63	2.4	1.89	2.16	7.553333333	2.15	-1.81278	6.00E-53	1.09E-51	Nos2
657	11.36	10.84	11.35	4.09	4.3	4.18	11.18333333	4.19	-1.41633	1.19E-52	2.14E-51	Rhou
658	3.46	3.64	3.32	8.45	9.41	8.6	3.473333333	8.82	1.344458	1.29E-52	2.32E-51	Gask1b
659	15.39	14.59	16.84	5.36	5.31	5.06	15.60666667	5.243333333	-1.57361	3.50E-52	6.29E-51	Acat2
660	4.99	5.02	5.25	16.02	15.65	17.49	5.086666667	16.38666667	1.68773	4.48E-52	8.05E-51	Pdgfa
661	2.63	2.75	2.39	6.08	6.23	7.21	2.59	6.506666667	1.328967	4.63E-52	8.30E-51	Fmn1
662	7.11	9.53	7.78	2.47	3.03	2.72	8.14	2.74	-1.57085	5.29E-52	9.46E-51	Stil
663	0.42	0.35	0.4	1.6	1.55	1.64	0.39	1.596666667	2.033517	1.89E-51	3.35E-50	Vmn2r97
664	45.43	50.23	51.41	19.58	17.92	16.08	49.02333333	17.86	-1.45674	2.30E-51	4.08E-50	Tipin
665	21.4	15.59	18.45	80.99	85.8	88.23	18.48	85.00666667	2.201611	2.53E-51	4.47E-50	Oas3
666	22.13	17.82	19.36	1.01	0.65	0.44	19.77	0.7	-4.81981	4.50E-51	7.90E-50	Myl10
667	10.58	12.8	11.59	3.53	4.69	4.04	11.65666667	4.086666667	-1.51216	6.86E-51	1.20E-49	Egr3
668	19.63	23.75	19.42	44.38	49.29	45.44	20.93333333	46.37	1.14739	8.23E-51	1.44E-49	Tubb2a
669	3.34	3.1	3	8.59	8.86	8.63	3.146666667	8.693333333	1.466085	1.19E-50	2.07E-49	Rcbtb1
670	20.25	23.19	23.91	10.2	9.74	9.53	22.45	9.823333333	-1.19243	2.24E-50	3.90E-49	Dlgap5
671	19.29	20.71	21.98	43.23	40.61	41.72	20.66	41.85333333	1.018502	2.25E-50	3.91E-49	Lpxn
672	9.46	10.18	10.24	2.64	2.54	2.82	9.96	2.666666667	-1.90111	5.34E-50	9.26E-49	Tuba8
673	11.14	12.39	10.82	21.49	23.21	25.21	11.45	23.30333333	1.025189	5.97E-50	1.03E-48	9930111J21Rik1
674	8.68	9.13	8.56	17.92	18.04	20.84	8.79	18.93333333	1.106993	9.35E-50	1.61E-48	Ank
675	5.31	6.48	5.27	1.05	1.25	1.54	5.686666667	1.28	-2.15144	1.65E-49	2.84E-48	Pif1
676	10.44	10.6	11	3.68	3.46	3.47	10.68	3.536666667	-1.59445	1.79E-49	3.08E-48	Mcu
677	9.95	10.98	11.03	23.19	23.54	23.39	10.65333333	23.37333333	1.133559	2.00E-49	3.44E-48	Impact
678	0.51	0.18	0.24	2.68	3.91	2.27	0.31	2.953333333	3.252004	2.01E-49	3.45E-48	Sema3a
679	0.11	0.06	0.12	1.95	1.91	2.36	0.096666667	2.073333333	4.42279	2.02E-49	3.47E-48	C4b
680	15.71	16.11	15.41	4.4	4.17	4	15.74333333	4.19	-1.90972	2.93E-49	5.01E-48	Tmem40
681	5.47	4.79	4.64	14.84	14.52	12.99	4.966666667	14.11666667	1.50705	5.38E-49	9.20E-48	Kif3a
682	15.8	12.33	15.46	42.51	36.97	41.78	14.53	40.42	1.476035	5.62E-49	9.58E-48	Car2
683	16.74	20.81	21.63	9.97	9.28	10.21	19.72666667	9.82	-1.00635	6.86E-49	1.17E-47	Ncapg2

684	18.35	18.15	19.01	39.01	38.98	42.6	18.50333333	40.19666667	1.119291	1.12E-48	1.89E-47	Aopep
685	8.15	9	9.77	3.3	3.49	3.3	8.973333333	3.363333333	-1.41575	1.62E-48	2.74E-47	Hsd17b7
686	18.57	18.46	18	7.23	5.89	6.89	18.34333333	6.67	-1.4595	2.87E-48	4.84E-47	Fbxo5
687	0.88	0.9	0.76	4.11	4.26	4.36	0.846666667	4.243333333	2.325332	3.67E-48	6.18E-47	Clec1a
688	10.48	10.3	10.08	5.03	4.8	5.08	10.28666667	4.97	-1.04946	4.34E-48	7.30E-47	Abcc4
689	1.52	2.02	1.35	6.04	6.29	6.69	1.63	6.34	1.959611	4.58E-48	7.67E-47	Fgfr1
690	0.75	0.98	0.81	0.09	0.07	0.09	0.846666667	0.083333333	-3.34483	1.19E-47	1.97E-46	Dnah8
691	34.35	34.73	30.14	15.03	15.19	15	33.07333333	15.07333333	-1.13367	1.83E-47	3.02E-46	Mvd
692	5.64	5.82	7.44	11.45	13.73	13	6.3	12.72666667	1.014431	4.80E-47	7.89E-46	Tns1
693	7.15	7.92	6.99	16.76	16.43	16.19	7.353333333	16.46	1.162494	1.45E-46	2.37E-45	Eepd1
694	6.97	5.77	6.6	24.83	19.64	20.41	6.446666667	21.62666667	1.746186	1.47E-46	2.41E-45	H2-M2
695	8.24	10.43	8.41	2.62	3.37	3.24	9.026666667	3.076666667	-1.55283	1.61E-46	2.62E-45	Cep128
696	14.69	14.38	14.39	6.39	6.34	6.31	14.48666667	6.346666667	-1.19065	2.14E-46	3.48E-45	Tmem71
697	4.82	5.18	5.45	12.15	12.68	12.84	5.15	12.55666667	1.285809	3.71E-46	6.01E-45	Steap3
698	8.43	11.64	10.82	18.91	23.8	23.39	10.29666667	22.03333333	1.09751	7.55E-46	1.21E-44	Slc25a22
699	5.45	4.67	4.79	13.04	11.85	13.59	4.97	12.82666667	1.367829	7.82E-46	1.26E-44	Mmp2
700	0.25	0.4	0.29	7.43	7.95	8.83	0.313333333	8.07	4.686799	9.48E-46	1.52E-44	Actg2
701	0.15	0.14	0.09	6.16	6.63	6.28	0.126666667	6.356666667	5.649162	1.13E-45	1.81E-44	Ifi214
702	0.1	0.19	0.23	2.58	2.52	3.02	0.173333333	2.706666667	3.964896	1.28E-45	2.04E-44	Ednrb
703	19.03	18.87	19.11	9.02	8.6	9.05	19.00333333	8.89	-1.096	1.74E-45	2.78E-44	Pgp
704	30.5	32.02	30.32	14.59	13.62	12.68	30.94666667	13.63	-1.183	2.31E-45	3.69E-44	Agpat2
705	6.55	6.41	5.78	14.67	14.22	15.02	6.246666667	14.63666667	1.228429	3.65E-45	5.81E-44	Pdp1
706	4.51	5.31	5.2	11.17	11.35	11.9	5.006666667	11.47333333	1.196362	3.92E-45	6.23E-44	Tmem132a
707	8.35	9.32	9.16	2.37	2.53	2.19	8.943333333	2.363333333	-1.91999	9.01E-45	1.43E-43	Slc17a9
708	2.43	2.9	2.53	8.05	7.82	8.07	2.62	7.98	1.606822	1.91E-44	3.01E-43	Slc28a2
709	9.35	9.9	9.48	3.51	3.32	3.78	9.576666667	3.536666667	-1.43713	2.33E-44	3.68E-43	Nek2
710	7.47	7.28	7.22	15.63	14.52	14.59	7.323333333	14.91333333	1.02603	2.88E-44	4.53E-43	Tent4a
711	15.45	17.07	15.95	7.44	7.85	8.45	16.15666667	7.913333333	-1.02977	4.09E-44	6.43E-43	Arsb
712	1.65	1.79	1.83	4.8	4.58	4.68	1.756666667	4.686666667	1.415722	6.49E-44	1.01E-42	Phlpp1
713	35.41	32.8	33.65	15.38	17.03	16.02	33.95333333	16.14333333	-1.07261	1.07E-43	1.66E-42	Lmo4
714	0.36	0.22	0.26	3.26	3.31	2.75	0.28	3.106666667	3.471869	1.09E-43	1.69E-42	F830016B08Rik
715	12.78	13.17	12.34	5.28	4.34	5.46	12.76333333	5.026666667	-1.34433	1.54E-43	2.38E-42	Olfml2b
716	5.66	6.83	6.05	2.51	2.49	2.53	6.18	2.51	-1.29992	1.60E-43	2.47E-42	Mpp7
717	11.49	9.93	10.94	1.7	1.82	1.38	10.78666667	1.633333333	-2.72336	1.67E-43	2.58E-42	Clec4b2
718	10.67	11.63	11.24	4.07	4.46	4.86	11.18	4.463333333	-1.32473	1.97E-43	3.04E-42	Prkd2
719	8.92	8.7	9.45	2.76	3.17	2.97	9.023333333	2.966666667	-1.60482	2.46E-43	3.79E-42	Ttk
720	1.73	1.43	1.69	5.11	4.95	5.82	1.616666667	5.293333333	1.711154	4.28E-43	6.54E-42	Bhlhe41
721	15.21	17.44	13.6	6.57	6.38	6.22	15.41666667	6.39	-1.2706	4.50E-43	6.86E-42	Palm

722	7.33	7.2	7.89	1.22	1.42	1.71	7.473333333	1.45	-2.3657	4.58E-43	6.98E-42	Ms4a2
723	19.8	21.92	20.22	6.5	6.9	6.12	20.64666667	6.506666667	-1.66592	5.99E-43	9.10E-42	Ltb
724	20.56	19.29	20.2	9.3	8.99	8.53	20.01666667	8.94	-1.16286	6.68E-43	1.01E-41	Mfsd13a
725	9.11	9.09	8.8	4.43	4.15	4.59	9	4.39	-1.0357	8.68E-43	1.31E-41	Brca1
726	4.36	4.5	4.28	0.57	0.89	0.76	4.38	0.74	-2.56533	1.40E-42	2.11E-41	Bmx
727	7.12	7.21	7.44	3.24	3.01	3.08	7.256666667	3.11	-1.22239	2.08E-42	3.12E-41	Ercc6l
728	14.81	12.63	10.5	2.78	2.3	1.53	12.64666667	2.203333333	-2.521	2.63E-42	3.93E-41	BC035044
729	8.36	8.13	8.08	3.6	3.76	3.76	8.19	3.706666667	-1.14374	2.78E-42	4.15E-41	Cbx4
730	1.69	1.58	1.63	4.37	4.96	6.42	1.633333333	5.25	1.684498	2.82E-42	4.20E-41	Epb41l1
731	0.94	0.85	1.02	3.3	2.89	3.06	0.936666667	3.083333333	1.718883	3.17E-42	4.71E-41	Kif1a
732	32.1	22.29	27.01	85.16	80.01	68.98	27.13333333	78.05	1.524332	7.72E-42	1.14E-40	Ccl5
733	4.99	5.38	5.9	19.18	17.98	16.63	5.423333333	17.93	1.725124	9.22E-42	1.37E-40	Il18bp
734	1.67	1.33	1.37	0.06	0.03	0.1	1.456666667	0.063333333	-4.52356	1.27E-41	1.87E-40	Pgr
735	32.62	34.55	36.43	13.63	14.63	12.8	34.53333333	13.68666667	-1.33522	1.42E-41	2.08E-40	Tyms
736	15.06	16.35	15.52	4.93	5.87	5.33	15.64333333	5.376666667	-1.54076	1.72E-41	2.52E-40	Pbk
737	15.95	15	15.64	7.55	6.7	7.12	15.53	7.123333333	-1.12443	2.22E-41	3.24E-40	Gbe1
738	18.42	17.49	19.92	42.99	35.48	39.29	18.61	39.25333333	1.076737	2.41E-41	3.51E-40	Procr
739	19.58	18.63	20.68	9.93	9.29	10.2	19.63	9.806666667	-1.00123	2.88E-41	4.19E-40	Rbpms
740	6.85	6.32	7.01	14.41	14.7	15	6.726666667	14.70333333	1.12818	3.50E-41	5.08E-40	Trim21
741	13.16	11.74	15.37	4.09	4.21	4.83	13.42333333	4.376666667	-1.61684	7.21E-41	1.04E-39	Ift80
742	7.46	8.42	8.86	2	1.71	1.45	8.246666667	1.72	-2.2614	8.42E-41	1.21E-39	Tbc1d10c
743	3.96	3.61	3.67	8.79	8.29	8.46	3.746666667	8.513333333	1.184116	1.14E-40	1.64E-39	Cyria
744	0.02	0.03	0.03	12.34	11.42	10.58	0.026666667	11.44666667	8.745674	2.41E-40	3.42E-39	Dazl
745	6.43	5.75	7.09	13.59	12.43	13.88	6.423333333	13.3	1.050032	2.83E-40	4.02E-39	Arhgap12
746	7.33	7.64	7.85	2.48	2.75	2.58	7.606666667	2.603333333	-1.5469	3.14E-40	4.46E-39	Cldn1
747	46.19	44.82	41.18	16.64	17.79	15.76	44.06333333	16.73	-1.39714	3.28E-40	4.66E-39	Cks2
748	6.92	7.02	6.83	3.03	3.19	3.49	6.923333333	3.236666667	-1.09696	3.50E-40	4.96E-39	Kdm6b
749	0.74	0.3	0.75	10.31	10.85	10.54	0.596666667	10.56666667	4.146451	4.02E-40	5.69E-39	Fabp3
750	1.88	1.66	1.8	0.16	0.15	0.21	1.78	0.173333333	-3.36026	4.28E-40	6.05E-39	Cacna2d2
751	7.72	8.88	8.12	2.83	2.76	2.59	8.24	2.726666667	-1.59551	6.03E-40	8.50E-39	9830107B12Rik
752	3.54	3.49	3.49	8.09	7.73	8.25	3.506666667	8.023333333	1.194101	6.70E-40	9.44E-39	Cdk14
753	0.63	0.42	0.46	2.42	2.71	2.26	0.503333333	2.463333333	2.291026	7.84E-40	1.10E-38	Tnfsf10
754	0.78	0.83	1.05	2.55	2.84	2.72	0.886666667	2.703333333	1.608276	7.86E-40	1.10E-38	Tanc2
755	5.31	5.42	5.42	2.08	1.66	1.84	5.383333333	1.86	-1.5332	8.19E-40	1.15E-38	Chst15
756	2.83	3.57	3.33	12.6	11.67	13.39	3.243333333	12.55333333	1.952521	8.36E-40	1.17E-38	Akr1b8
757	6.02	5.76	7.16	16.78	17.5	15.01	6.313333333	16.43	1.379859	1.06E-39	1.48E-38	Adap2
758	15.65	15.61	15.78	8.03	7.01	6.95	15.68	7.33	-1.09704	1.69E-39	2.36E-38	C1rl
759	3.43	3.46	3.46	1.53	1.53	1.47	3.45	1.51	-1.19205	2.03E-39	2.83E-38	Brca2

760	3.89	4.37	3.58	9.49	9.11	10.48	3.946666667	9.693333333	1.296358	3.43E-39	4.76E-38	Gpt2
761	15.63	14.63	17.18	6.18	6.14	6.62	15.81333333	6.313333333	-1.32467	3.81E-39	5.29E-38	Rad51ap1
762	14.05	14.65	17.16	6.15	5.31	5.99	15.28666667	5.816666667	-1.39401	3.85E-39	5.34E-38	Nrep
763	13.04	11.97	11.7	2.01	2.8	2.62	12.23666667	2.476666667	-2.30474	3.89E-39	5.39E-38	Tmem216
764	0.4	0.48	0.48	2.16	2.26	1.97	0.453333333	2.13	2.232209	5.46E-39	7.55E-38	Abca9
765	28.03	28.15	27.6	14.46	14.16	13.12	27.92666667	13.91333333	-1.00518	7.88E-39	1.09E-37	Rpia
766	25.17	25.56	30.9	6.85	6.43	3.61	27.21	5.63	-2.27293	1.17E-38	1.61E-37	Ear1
767	5.5	4.87	5.27	1.73	1.45	1.73	5.213333333	1.636666667	-1.67145	1.62E-38	2.23E-37	Ifnlr1
768	0.63	0.43	0.84	7.48	6.31	7.88	0.633333333	7.223333333	3.511628	2.26E-38	3.08E-37	Cited4
769	5.51	5.7	5.64	17.31	15.86	15.09	5.616666667	16.08666667	1.518079	2.34E-38	3.19E-37	Phlda3
770	6.62	6.68	6.18	1.63	1.65	1.44	6.493333333	1.573333333	-2.04513	2.82E-38	3.84E-37	Troap
771	9.89	10.19	10.09	3.89	3.51	4.1	10.05666667	3.833333333	-1.39148	4.03E-38	5.44E-37	Nxn
772	2.97	2.91	4.4	0.87	0.84	1.83	3.426666667	1.18	-1.53802	4.57E-38	6.17E-37	Mctp2
773	11.93	12.11	11.18	23.25	23.11	25.48	11.74	23.94666667	1.028392	5.53E-38	7.44E-37	Il11ra1
774	5.89	6.02	6.15	12.04	12.71	12.13	6.02	12.29333333	1.030041	5.90E-38	7.94E-37	Ctso
775	3.62	3.62	3.88	0.35	0.49	0.48	3.706666667	0.44	-3.07455	6.23E-38	8.38E-37	Pip5k1b
776	12.95	13.2	11.78	3.73	3.92	3.45	12.64333333	3.7	-1.77278	6.76E-38	9.08E-37	Pimreg
777	1.23	1.15	0.76	2.43	2.57	2.27	1.046666667	2.423333333	1.211191	8.91E-38	1.20E-36	Arhgef12
778	14.59	13.07	12.67	28.21	24.43	28.83	13.44333333	27.15666667	1.014416	1.65E-37	2.19E-36	Zup1
779	6.18	6.22	5.53	12.3	13.08	12.03	5.976666667	12.47	1.061048	1.83E-37	2.43E-36	Emp2
780	11.86	10.92	11.76	5.5	5.02	5.74	11.51333333	5.42	-1.08694	2.76E-37	3.67E-36	Entpd5
781	0.73	0.61	0.64	3.41	3.03	3.49	0.66	3.31	2.326293	3.03E-37	4.02E-36	Dlg3
782	5.48	6.11	5.83	2.79	2.51	2.55	5.806666667	2.616666667	-1.14998	4.32E-37	5.70E-36	Brip1
783	3.48	3.12	3.46	8.43	8.71	8.56	3.353333333	8.566666667	1.353138	6.05E-37	7.95E-36	Cd6
784	27.06	25.16	26.96	10.86	9.88	9.34	26.39333333	10.02666667	-1.39633	6.20E-37	8.13E-36	Rnaseh2c
785	359.54	310.41	311.47	108.82	115.61	93.42	327.14	105.95	-1.62652	1.45E-36	1.89E-35	Csta2
786	7.33	7.59	8.48	2.14	2.07	2.3	7.8	2.17	-1.84578	3.59E-36	4.66E-35	Cd55
787	0.11	0.06	0.14	1.06	1.04	1.16	0.103333333	1.086666667	3.394532	3.64E-36	4.73E-35	Dgkk
788	7.36	5.41	7.01	23.25	22.69	20.93	6.593333333	22.29	1.757317	3.79E-36	4.91E-35	Aif1
789	4.44	5.18	4.83	11.87	13.36	13.02	4.816666667	12.75	1.40439	3.86E-36	4.99E-35	Gm15448
790	29.88	28.62	27.32	11.13	14.4	11.68	28.60666667	12.40333333	-1.20562	4.53E-36	5.86E-35	Lyl1
791	0.4	0.37	0.39	3.06	3.3	5.16	0.386666667	3.84	3.311944	6.03E-36	7.78E-35	Dok7
792	18.6	18.78	19.07	7.73	8.13	7.4	18.81666667	7.753333333	-1.27912	8.13E-36	1.05E-34	Jdp2
793	20.39	23.08	22.69	9.88	10.01	10.99	22.05333333	10.29333333	-1.09929	9.65E-36	1.24E-34	Ica1
794	17.65	19.91	18.73	7.7	8.43	9.09	18.76333333	8.406666667	-1.15831	1.57E-35	2.01E-34	Rhof
795	9.12	8.74	9.29	3.75	3.66	3.28	9.05	3.563333333	-1.34469	1.77E-35	2.26E-34	Ska2
796	14.92	17.3	15.91	7.6	7.47	7.63	16.04333333	7.566666667	-1.08424	2.07E-35	2.65E-34	Rnf26
797	3.52	3.56	3.41	8.25	8.58	8.34	3.496666667	8.39	1.262691	3.45E-35	4.40E-34	Syn1

798	2.36	2.49	2.29	0.4	0.47	0.45	2.38	0.44	-2.43539	3.85E-35	4.91E-34	Klh123
799	46.33	42.31	44.77	116.56	92.79	112.67	44.47	107.34	1.271283	5.51E-35	7.00E-34	Acod1
800	10.14	8.98	8.49	3.39	3.63	3.68	9.203333333	3.566666667	-1.36758	6.67E-35	8.45E-34	Dennd2d
801	8.96	9.82	9.66	19.9	18.64	18.41	9.48	18.98333333	1.001774	1.07E-34	1.35E-33	Pacc1
802	1.02	0.86	0.94	0.23	0.18	0.18	0.94	0.196666667	-2.25691	1.10E-34	1.39E-33	Kcnh7
803	4.04	3.91	4.01	1.63	1.29	1.14	3.986666667	1.353333333	-1.55867	1.14E-34	1.44E-33	Slc22a15
804	2.13	2.4	2.39	0.32	0.37	0.44	2.306666667	0.376666667	-2.61445	1.22E-34	1.54E-33	Reck
805	5.26	5.58	6.45	1.86	1.57	1.76	5.763333333	1.73	-1.73613	1.37E-34	1.73E-33	Kif18a
806	5.89	6.83	5.99	1.44	1.27	1.14	6.236666667	1.283333333	-2.28088	1.78E-34	2.23E-33	Cdc25c
807	0.28	0.27	0.34	4.47	4.97	4.53	0.296666667	4.656666667	3.972383	1.80E-34	2.25E-33	Sectm1a
808	0.16	0.12	0.14	1.91	1.64	1.98	0.14	1.843333333	3.718818	3.28E-34	4.07E-33	Ms4a14
809	13.35	14.78	14.91	4.38	5.15	4.86	14.34666667	4.796666667	-1.58061	4.26E-34	5.28E-33	Cpa3
810	7.79	7.74	7.49	1.74	1.74	1.62	7.673333333	1.7	-2.17432	4.87E-34	6.02E-33	Arhgef39
811	3.15	2.96	3.04	0.84	0.68	0.73	3.05	0.75	-2.02385	4.99E-34	6.15E-33	Map3k9
812	10.54	9.5	10.84	21.66	20.66	21.45	10.29333333	21.25666667	1.046205	5.33E-34	6.57E-33	Tmem86a
813	3.84	4.31	4.41	15.17	16.16	16.84	4.186666667	16.05666667	1.939298	8.66E-34	1.07E-32	Cd300ld3
814	3.74	3.27	3.1	9.99	10.09	9.08	3.37	9.72	1.528208	1.07E-33	1.31E-32	Tmem140
815	20.96	19.44	21.13	9.67	9.79	9.3	20.51	9.586666667	-1.09723	1.08E-33	1.33E-32	Rnf167
816	8.06	7.31	8.06	17.37	16.61	18.92	7.81	17.63333333	1.174911	1.09E-33	1.34E-32	Tnfsf4
817	11.16	9.33	10.47	28.83	26.05	28.73	10.32	27.87	1.43327	1.21E-33	1.49E-32	Ddit3
818	0.68	0.9	0.82	2.75	2.47	1.74	0.8	2.32	1.536053	1.48E-33	1.81E-32	Dpy19l3
819	16.4	15.28	16.45	4.65	4.36	3.92	16.04333333	4.31	-1.89621	1.57E-33	1.92E-32	Ankrd37
820	1.52	1.4	1.55	3.27	3.05	3.34	1.49	3.22	1.111748	2.20E-33	2.69E-32	Pgap1
821	4.43	4.16	4.02	10.31	10.36	10.66	4.203333333	10.44333333	1.312976	2.31E-33	2.82E-32	Aldh1b1
822	0.12	0.29	0.15	1.59	1.64	1.74	0.186666667	1.656666667	3.149747	3.70E-33	4.51E-32	Kitl
823	3.25	3.05	2.81	7.79	7.01	7.22	3.036666667	7.34	1.273292	3.80E-33	4.62E-32	Trim5
824	10.35	11.4	10.55	4.91	4.69	4.36	10.76666667	4.653333333	-1.21024	4.04E-33	4.91E-32	Rad54l
825	1.45	0.86	0.8	4.7	3.91	4.5	1.036666667	4.37	2.075681	4.33E-33	5.26E-32	Colec12
826	1.45	1.31	1.63	7.98	8.95	9.37	1.463333333	8.766666667	2.58277	6.53E-33	7.88E-32	Ms4a8a
827	12.44	13.88	13.65	4.19	4.8	4.2	13.32333333	4.396666667	-1.59947	7.11E-33	8.57E-32	Poc1a
828	57.18	37.8	44.27	227.57	231	196.49	46.41666667	218.3533333	2.23395	8.89E-33	1.07E-31	Bst2
829	8.11	8.59	9.43	23	19.96	19.53	8.71	20.83	1.257918	1.24E-32	1.49E-31	H2-M3
830	11.24	10.77	10.53	4.93	5.14	4.25	10.84666667	4.773333333	-1.18418	1.25E-32	1.49E-31	Cdc6
831	13.53	11.61	11.09	4.92	5.06	4.83	12.07666667	4.936666667	-1.29061	1.28E-32	1.53E-31	Pxmp4
832	7.73	7.24	7.44	3.03	2.69	3.2	7.47	2.973333333	-1.32903	1.45E-32	1.73E-31	Slc25a15
833	4.24	4.22	3.7	8.08	8.58	8.38	4.053333333	8.346666667	1.042091	1.85E-32	2.19E-31	Palld
834	13	11.41	13.25	5.05	6.27	5.23	12.55333333	5.516666667	-1.1862	2.01E-32	2.39E-31	Igfbp4
835	102.62	81.59	92.59	339.22	339.88	262.18	92.26666667	313.76	1.76578	2.08E-32	2.47E-31	Ifi27l2a

836	8.28	8.86	8.31	4.27	3.54	3.58	8.483333333	3.796666667	-1.1599	2.28E-32	2.70E-31	Dtl
837	0.77	1.04	0.76	4.02	4.47	3.72	0.856666667	4.07	2.248223	2.79E-32	3.29E-31	Amigo2
838	3.61	3.75	3.59	7.25	7.43	7.25	3.65	7.31	1.001975	3.70E-32	4.36E-31	Cblb
839	7.61	7.95	7.84	3.18	3.74	3.45	7.8	3.456666667	-1.17409	4.02E-32	4.73E-31	Ctdspl
840	8.37	8.41	9.06	3.47	3.02	3.01	8.613333333	3.166666667	-1.44361	7.93E-32	9.29E-31	Mdm1
841	49.74	51.65	54.26	24.06	25.98	23.42	51.88333333	24.48666667	-1.08327	8.00E-32	9.37E-31	Ear2
842	5.28	5.71	5.38	1.95	2.06	1.91	5.456666667	1.973333333	-1.46739	1.06E-31	1.24E-30	Phf19
843	3.34	3.05	3.73	9.79	8.99	10.08	3.373333333	9.62	1.511862	1.22E-31	1.42E-30	Il33
844	12	12.96	12.08	6.24	5.68	5.75	12.34666667	5.89	-1.06778	2.38E-31	2.77E-30	Melk
845	3.43	3.55	3.73	9.54	7.45	6.18	3.57	7.723333333	1.1133	3.65E-31	4.21E-30	Mtmr10
846	0.05	0.2	0.06	2.97	3.91	2.67	0.103333333	3.183333333	4.945161	3.86E-31	4.44E-30	Patj
847	3.06	3	2.52	6.76	7.09	7.21	2.86	7.02	1.295456	4.62E-31	5.31E-30	Tlr9
848	7.51	5.74	5.77	1.82	1.94	1.37	6.34	1.71	-1.89049	4.94E-31	5.68E-30	Ska1
849	5.15	5.96	5.11	1.96	2.64	2.72	5.406666667	2.44	-1.14786	4.97E-31	5.71E-30	Bcr
850	10.91	13.17	10.73	6.57	5.74	4.98	11.60333333	5.763333333	-1.00956	7.26E-31	8.28E-30	Rad51
851	7.11	7.78	7.22	2.47	2.67	2.78	7.37	2.64	-1.48113	7.33E-31	8.36E-30	Pxylp1
852	2.6	2.28	2.53	7.07	7.98	8.24	2.47	7.763333333	1.652165	1.17E-30	1.33E-29	Eef1a2
853	2.25	1.38	1.54	10.09	6.89	8.81	1.723333333	8.596666667	2.318576	1.24E-30	1.41E-29	Cd40
854	1.22	1.48	1.78	8.22	7.32	7.7	1.493333333	7.746666667	2.375039	1.74E-30	1.97E-29	Tm4sf19
855	15.52	15.81	15.39	5.78	5.89	5.77	15.57333333	5.813333333	-1.42164	2.02E-30	2.28E-29	Grhpr
856	7.56	7.99	8.41	3.51	3.15	3.68	7.986666667	3.446666667	-1.21239	2.16E-30	2.43E-29	Gen1
857	4.87	2.81	5.31	31.05	30.84	31.94	4.33	31.27666667	2.852648	2.50E-30	2.82E-29	Cxcl10
858	0.9	0.9	0.8	3.66	3.28	4.39	0.866666667	3.776666667	2.123564	3.02E-30	3.39E-29	Lrp11
859	2.55	2.6	2.8	6.8	6.73	7.78	2.65	7.103333333	1.422504	4.17E-30	4.67E-29	Scarf1
860	8	8.6	8.81	17.34	15.62	18.68	8.47	17.21333333	1.023093	4.20E-30	4.70E-29	Hbegf
861	14.99	18.75	20.46	7.43	7.91	4.36	18.06666667	6.566666667	-1.4601	5.20E-30	5.79E-29	Spc24
862	10	10.51	9.41	5.43	4.31	4.47	9.973333333	4.736666667	-1.0742	5.40E-30	6.00E-29	Bora
863	0.99	1.14	1.16	3.74	3.77	3.5	1.096666667	3.67	1.742655	6.27E-30	6.96E-29	Sgcb
864	13.12	11.59	12.69	5.08	5.35	5	12.46666667	5.143333333	-1.2773	6.59E-30	7.30E-29	Cdca5
865	23.84	24.73	24.67	11.45	11.53	11.23	24.41333333	11.40333333	-1.09821	6.61E-30	7.32E-29	Rogdi
866	0.14	0.11	0.42	2.79	3.66	3.35	0.223333333	3.266666667	3.870549	8.45E-30	9.33E-29	Tm9sf5
867	1.1	0.79	1.22	5.6	4.66	4.8	1.036666667	5.02	2.275735	8.65E-30	9.54E-29	Lilra5
868	24.84	26.97	25.15	11.95	12.52	10.02	25.65333333	11.49666667	-1.15793	9.04E-30	9.95E-29	Spc25
869	3.92	2.99	3.39	7.35	6.21	7.45	3.433333333	7.003333333	1.028432	1.07E-29	1.18E-28	Tmcc3
870	3.82	3.46	3.42	7.9	6.79	7.81	3.566666667	7.5	1.072314	1.32E-29	1.44E-28	Ahr
871	17.02	16.52	16.51	7.38	6.49	6.52	16.68333333	6.796666667	-1.29551	1.45E-29	1.58E-28	Galk1
872	19.78	21.41	19.87	9.14	10.25	9.79	20.35333333	9.726666667	-1.06525	1.57E-29	1.72E-28	Rbm38
873	0.78	0.61	0.85	3.27	3.2	3.15	0.746666667	3.206666667	2.102538	1.65E-29	1.79E-28	Pacsin1

874	7.59	7.57	7.36	19.17	13.65	16.71	7.506666667	16.51	1.137096	2.22E-29	2.40E-28	Mcoln2
875	0.4	0.44	0.37	2.31	2.21	2.25	0.403333333	2.256666667	2.484149	2.24E-29	2.42E-28	Nlrc3
876	1.46	1.7	1.46	5.11	4.58	5.02	1.54	4.903333333	1.670832	2.61E-29	2.82E-28	Scin
877	0.48	0.39	0.38	2.01	1.76	1.71	0.416666667	1.826666667	2.132248	3.19E-29	3.44E-28	Snhg11
878	0.4	0.41	0.37	3.03	3.11	2.31	0.393333333	2.816666667	2.840164	8.64E-29	9.26E-28	Trim29
879	0.34	0.41	0.68	1.94	1.9	2.12	0.476666667	1.986666667	2.059297	1.17E-28	1.25E-27	Naip1
880	3.6	4.19	3.79	1.46	1.54	1.53	3.86	1.51	-1.35405	1.33E-28	1.42E-27	Bard1
881	16.85	15.87	15.87	6.57	6.22	7.51	16.19666667	6.766666667	-1.25918	1.40E-28	1.49E-27	Cenpq
882	1.34	1.82	1.32	4.5	4.82	4.71	1.493333333	4.676666667	1.646944	1.43E-28	1.52E-27	Cd276
883	5.26	4.91	5.19	11.76	11.91	10.71	5.12	11.46	1.162391	1.44E-28	1.53E-27	Serpinb6b
884	30.72	29.92	26.89	12.63	16.66	14.4	29.17666667	14.56333333	-1.00247	1.64E-28	1.74E-27	Fcho1
885	0.49	0.43	0.61	3.04	2.69	3.67	0.51	3.133333333	2.619129	2.03E-28	2.15E-27	Dusp4
886	2	1.87	1.72	0.28	0.32	0.24	1.863333333	0.28	-2.73439	3.05E-28	3.22E-27	Ttc21a
887	6.43	6.14	5.92	2.79	2.94	3.13	6.163333333	2.953333333	-1.06137	3.39E-28	3.57E-27	Fancd2
888	2.85	2.77	2.69	11.75	14.63	14.11	2.77	13.49666667	2.284645	5.40E-28	5.66E-27	Rnase2a
889	0.44	0.38	0.33	3.72	3.14	2.72	0.383333333	3.193333333	3.058392	8.70E-28	9.06E-27	Htra4
890	8.97	9.54	8.95	3.56	3.21	3.94	9.153333333	3.57	-1.35837	1.04E-27	1.08E-26	Ska3
891	2.82	3.3	3.17	0.55	0.66	0.64	3.096666667	0.616666667	-2.32815	1.33E-27	1.38E-26	Muc13
892	3.01	2.98	2.76	0.55	0.63	0.79	2.916666667	0.656666667	-2.15109	1.39E-27	1.44E-26	Far2
893	8.58	8.27	8.6	17.94	17.51	18.53	8.483333333	17.99333333	1.084759	1.44E-27	1.49E-26	Zfp809
894	5.07	5.14	5.3	2.47	2.49	2.15	5.17	2.37	-1.12528	1.44E-27	1.49E-26	Mastl
895	6.28	5.94	5.38	1.57	1.73	1.44	5.866666667	1.58	-1.89262	1.65E-27	1.70E-26	Ankle1
896	2.7	2.45	2.76	6.57	6.78	6.73	2.636666667	6.693333333	1.34401	1.99E-27	2.05E-26	Gm7592
897	27.29	25.92	26.15	11.73	12.59	10.9	26.45333333	11.74	-1.17202	2.75E-27	2.81E-26	Naa10
898	3.65	4.62	4.08	8.73	9.01	9.22	4.116666667	8.986666667	1.126309	3.03E-27	3.10E-26	Adgrl2
899	4.9	3.75	4.69	9.53	9.98	9.85	4.446666667	9.786666667	1.138093	3.35E-27	3.43E-26	B3gnt3
900	10.09	10.18	10.25	3.83	4.07	3.89	10.17333333	3.93	-1.37219	3.83E-27	3.91E-26	Ntng2
901	1.89	2.36	1.88	0.52	0.48	0.49	2.043333333	0.496666667	-2.04057	4.41E-27	4.49E-26	Ccdc18
902	0.38	0.38	0.34	2.05	2.67	2.42	0.366666667	2.38	2.698421	4.76E-27	4.84E-26	Slc18a1
903	10.3	11.28	10.2	21.39	21.81	22.77	10.59333333	21.99	1.053691	4.83E-27	4.91E-26	Tnfsf12
904	5.8	4.93	5.42	11.11	10.86	11.08	5.383333333	11.01666667	1.033116	5.38E-27	5.46E-26	Tlr1
905	2.73	2.9	3.18	0.68	0.78	0.66	2.936666667	0.706666667	-2.05508	5.69E-27	5.76E-26	Il18r1
906	2.61	2.35	1.94	6.91	7.55	8.28	2.3	7.58	1.720564	5.72E-27	5.79E-26	Oas1b
907	7.66	5.37	4.93	2.57	2.36	2.77	5.986666667	2.566666667	-1.22186	6.18E-27	6.24E-26	Exo1
908	8.04	9.26	9.54	1.83	2.38	1.85	8.946666667	2.02	-2.14699	6.43E-27	6.49E-26	Klrb1f
909	0.21	0.19	0.2	1.5	1.32	1.18	0.2	1.333333333	2.736966	9.71E-27	9.76E-26	Kif5a
910	3.74	3.44	3.91	8.25	7.44	7.83	3.696666667	7.84	1.084629	1.58E-26	1.58E-25	Ppfibp2
911	25.04	23.85	20.91	10.98	9.49	7.92	23.26666667	9.463333333	-1.29784	1.61E-26	1.61E-25	H2az2

912	4.74	5.73	4.7	2.5	2.36	2.47	5.056666667	2.443333333	-1.04934	1.95E-26	1.95E-25	E2f7
913	6.06	5.26	5.94	1.45	1.03	1.33	5.753333333	1.27	-2.17957	2.08E-26	2.07E-25	Nos1ap
914	8.78	5.95	5.95	2.11	2.42	2.33	6.893333333	2.286666667	-1.59196	2.21E-26	2.20E-25	Atg16l2
915	1.09	1.13	1.12	3.04	3.13	3.52	1.113333333	3.23	1.536649	2.70E-26	2.68E-25	Esys3
916	4.59	4.18	3.84	1.27	1.4	1.33	4.203333333	1.333333333	-1.6565	3.33E-26	3.29E-25	Inpp5j
917	11.96	14.21	14.03	3.89	4.08	3.78	13.4	3.916666667	-1.77453	3.65E-26	3.60E-25	Cdkn3
918	17.86	15.24	17.2	7.8	7.42	7.19	16.76666667	7.47	-1.16642	4.05E-26	3.99E-25	Prim1
919	6.12	6.45	7.12	0.7	0.7	0.83	6.563333333	0.743333333	-3.14235	4.16E-26	4.10E-25	Prg3
920	3.13	3.16	1.97	10.61	10.83	9.69	2.753333333	10.37666667	1.914092	4.59E-26	4.52E-25	Cd72
921	2.46	2.1	2.58	4.89	5.39	5.58	2.38	5.286666667	1.151397	6.05E-26	5.94E-25	Tnfrsf11a
922	11.07	37.03	10.29	41.97	34.76	45.71	19.46333333	40.81333333	1.068282	6.26E-26	6.14E-25	Ece1
923	0.24	0.18	0.2	1.33	1.29	1.13	0.206666667	1.25	2.59655	6.29E-26	6.17E-25	Cd109
924	1.08	1	1.24	0.08	0.09	0.04	1.106666667	0.07	-3.98272	6.78E-26	6.64E-25	Chdh
925	0.46	0.23	0.26	2.2	2.22	2.26	0.316666667	2.226666667	2.813849	8.10E-26	7.92E-25	Pdgc
926	5.68	4.63	6.38	13.02	12.57	13.08	5.563333333	12.89	1.212231	8.42E-26	8.24E-25	Gstt3
927	1.45	1.82	1.18	4.45	4.68	4.68	1.483333333	4.603333333	1.633836	9.24E-26	9.02E-25	Eng
928	3.09	3.79	3.47	9.07	8.79	9.79	3.45	9.216666667	1.417649	1.32E-25	1.28E-24	Sphk1
929	0.25	0.1	0.11	1.96	1.58	1.71	0.153333333	1.75	3.512612	1.85E-25	1.79E-24	Ceacam19
930	1.57	1.51	1.47	0.4	0.36	0.49	1.516666667	0.416666667	-1.86394	2.09E-25	2.01E-24	Mroh2a
931	0.15	0.15	0.15	0.71	0.84	0.92	0.15	0.823333333	2.456514	2.61E-25	2.51E-24	Chd5
932	0.96	0.99	0.89	2.54	2.52	2.48	0.946666667	2.513333333	1.408674	2.89E-25	2.77E-24	Jcad
933	0.85	0.95	1.3	5.08	6.09	5.71	1.033333333	5.626666667	2.444975	3.05E-25	2.92E-24	Batf2
934	0.09	0	0.07	9.13	8.2	8.53	0.053333333	8.62	7.336507	3.59E-25	3.43E-24	Apol9b
935	0.74	0.83	0.68	2.9	2.86	2.48	0.75	2.746666667	1.872719	3.71E-25	3.55E-24	Pde8b
936	6.08	6.42	5.64	2.75	2.76	2.99	6.046666667	2.833333333	-1.09364	3.93E-25	3.75E-24	Agap2
937	6.17	5.55	6.26	2.19	2.27	2.48	5.993333333	2.313333333	-1.37339	4.24E-25	4.05E-24	BC055324
938	0.33	0.05	0.28	6.24	6.43	5.68	0.22	6.116666667	4.79717	4.29E-25	4.09E-24	Iigp1
939	6.05	5.59	5.86	1.46	1.97	2.46	5.833333333	1.963333333	-1.57102	4.65E-25	4.42E-24	Tesk2
940	0.26	0.28	0.29	1.76	1.51	2.15	0.276666667	1.806666667	2.70711	5.96E-25	5.65E-24	Gpr176
941	0.84	1.41	1.62	7.39	8.4	6.8	1.29	7.53	2.545279	7.67E-25	7.25E-24	Lipn
942	4.43	3.89	4.37	0.19	0.18	0.14	4.23	0.17	-4.63705	1.11E-24	1.04E-23	Mrgpra2b
943	0.52	0.3	0.53	1.96	2.02	2.24	0.45	2.073333333	2.203955	1.28E-24	1.20E-23	Adcy3
944	4.14	4.37	4.84	1.83	1.87	1.59	4.45	1.763333333	-1.3355	1.31E-24	1.23E-23	Fanci
945	10.53	11.48	11.22	4.2	4.34	5.36	11.07666667	4.633333333	-1.2574	1.44E-24	1.35E-23	Eef2k
946	6.98	7.3	6.93	3.89	3.01	2.57	7.07	3.156666667	-1.16331	1.48E-24	1.38E-23	Cenpi
947	6.18	5.45	8.09	0.48	0.42	0.39	6.573333333	0.43	-3.93422	1.72E-24	1.61E-23	1700020L24Rik
948	11.8	10.24	11.34	5.31	4.84	5.56	11.12666667	5.236666667	-1.0873	1.76E-24	1.64E-23	Dsn1
949	4.97	4.65	8.22	15.01	12.85	13.82	5.946666667	13.89333333	1.22424	2.28E-24	2.13E-23	Pkdcc

950	10.34	9.45	11.18	4.33	4.07	3.73	10.32333333	4.043333333	-1.35229	2.86E-24	2.65E-23	Hibch
951	12.77	13.6	16.58	5.27	5.67	5.61	14.31666667	5.516666667	-1.37583	4.39E-24	4.06E-23	Nrm
952	5.74	6.66	5.98	2.08	2.35	1.88	6.126666667	2.103333333	-1.54242	6.14E-24	5.65E-23	Eme1
953	0.55	0.83	0.71	2.1	2.24	2.54	0.696666667	2.293333333	1.718906	7.54E-24	6.92E-23	Dagla
954	1.22	1.17	0.82	2.71	2.75	2.71	1.07	2.723333333	1.347763	7.84E-24	7.19E-23	Arhgef37
955	7.59	6.31	6.95	3.49	3.05	3.03	6.95	3.19	-1.12346	8.79E-24	8.04E-23	Abhd18
956	1.03	0.96	0.92	0.02	0.04	0.09	0.97	0.05	-4.27798	9.48E-24	8.67E-23	Ncam1
957	0.54	0.71	0.64	3.23	2.8	2.98	0.63	3.003333333	2.253141	1.19E-23	1.08E-22	Kazn
958	0.52	0.34	0.43	2.64	2.34	3.16	0.43	2.713333333	2.657658	1.27E-23	1.16E-22	Prkar1b
959	15.26	14.37	16.2	7.56	7.01	6.54	15.27666667	7.036666667	-1.11837	1.62E-23	1.47E-22	Cep19
960	9.25	10.07	10.92	4.2	4.96	4.49	10.08	4.55	-1.14756	1.65E-23	1.50E-22	Ckap2
961	3.04	2.41	2.8	0.19	0.25	0.34	2.75	0.26	-3.40285	1.75E-23	1.58E-22	Tinagl1
962	0.08	0.09	0.04	0.84	0.69	1.01	0.07	0.846666667	3.596367	1.86E-23	1.68E-22	Flt4
963	2.73	2.42	2.84	0.84	0.74	0.92	2.663333333	0.833333333	-1.67627	1.88E-23	1.70E-22	Fbxo10
964	43.49	38.39	44.8	17.27	19.92	17.55	42.22666667	18.24666667	-1.21052	2.17E-23	1.95E-22	Ly6c1
965	1.8	1.17	1.1	6.68	5.93	5.99	1.356666667	6.2	2.192202	2.30E-23	2.07E-22	Lta
966	3.51	2.99	3.15	1.46	1.26	1.24	3.216666667	1.32	-1.28503	3.30E-23	2.96E-22	Tgfbr3
967	10.25	9.73	10.11	4.88	3.81	4.35	10.03	4.346666667	-1.20634	3.44E-23	3.07E-22	Haus5
968	0.89	0.88	0.81	2.55	1.91	2.45	0.86	2.303333333	1.421315	3.88E-23	3.47E-22	Rasal2
969	8.64	10.73	9.86	22.09	19.28	22.1	9.743333333	21.15666667	1.118625	5.50E-23	4.89E-22	H2bc4
970	4.66	4.66	5.31	11.79	12.71	11.86	4.876666667	12.12	1.313422	7.64E-23	6.77E-22	Gbgt1
971	0.14	0.08	0.08	2.15	1.73	2.19	0.1	2.023333333	4.338662	9.38E-23	8.27E-22	Bcam
972	10.15	9.61	10.11	4.41	4.49	5.19	9.956666667	4.696666667	-1.08403	9.48E-23	8.35E-22	Cenpl
973	6.98	6.91	6.78	3.17	3.63	3.22	6.89	3.34	-1.04466	1.00E-22	8.80E-22	Zfp101
974	2.02	2	1.88	0.59	0.58	0.47	1.966666667	0.546666667	-1.84702	1.42E-22	1.24E-21	Xk
975	7.43	6.67	6.71	2.67	3.21	2.92	6.936666667	2.933333333	-1.2417	1.65E-22	1.44E-21	Shmt1
976	0.57	0.58	0.73	2.44	2.69	2.94	0.626666667	2.69	2.101836	1.65E-22	1.44E-21	S1pr1
977	0.7	0.81	0.68	1.91	2	1.82	0.73	1.91	1.387604	1.84E-22	1.60E-21	Reps2
978	1.1	1.32	1.1	2.86	2.84	2.92	1.173333333	2.873333333	1.292112	2.02E-22	1.75E-21	Rgmb
979	4.52	3.78	4.16	0.49	0.66	0.5	4.153333333	0.55	-2.91677	2.35E-22	2.04E-21	Rnf125
980	0.07	0.02	0.02	3.44	3.77	3.05	0.036666667	3.42	6.543383	2.44E-22	2.12E-21	Slc47a1
981	1.28	1.03	1.24	2.57	3.08	2.44	1.183333333	2.696666667	1.188321	3.09E-22	2.68E-21	Cacna1d
982	11.35	9.49	12.33	5.57	4.78	5.84	11.05666667	5.396666667	-1.03478	3.19E-22	2.76E-21	Hirip3
983	3.34	3.86	2.49	1.05	1.22	1.04	3.23	1.103333333	-1.54967	3.27E-22	2.83E-21	Cbx6
984	19.46	17.44	16.68	34.06	38.41	35.19	17.86	35.88666667	1.006716	3.91E-22	3.37E-21	Selenow
985	1.16	0.84	1.04	0.05	0.13	0.02	1.013333333	0.066666667	-3.926	8.05E-22	6.90E-21	Baiap3
986	8.38	9.46	7.44	19.33	18.43	17.69	8.426666667	18.48333333	1.133191	8.78E-22	7.51E-21	Ccnyl1
987	9.65	9.33	9.73	5.03	4.77	4.4	9.57	4.733333333	-1.01566	8.82E-22	7.54E-21	Ctps

988	0.15	0.18	0.16	1.37	1.35	1.45	0.163333333	1.39	3.089194	1.19E-21	1.01E-20	Ptpn
989	2.14	1.84	2	0.78	0.65	0.57	1.993333333	0.666666667	-1.58015	1.36E-21	1.16E-20	Gria3
990	7.02	7.41	7.31	3.15	2.88	2.85	7.246666667	2.96	-1.29172	1.45E-21	1.23E-20	Nsl1
991	6.94	6.98	6.78	3.38	3	3.88	6.9	3.42	-1.0126	1.45E-21	1.23E-20	Ccp110
992	5.93	5.67	6.78	0.86	0.48	0.89	6.126666667	0.743333333	-3.04302	2.04E-21	1.72E-20	Nkg7
993	4.96	4.28	4.86	2.27	2.33	2.42	4.7	2.34	-1.00615	2.37E-21	1.99E-20	Rps6ka5
994	0.01	0.02	0.04	1.59	1.73	1.81	0.023333333	1.71	6.19546	2.52E-21	2.12E-20	Pde11a
995	2.63	3.92	3.29	0.44	0.62	0.43	3.28	0.496666667	-2.72335	2.76E-21	2.31E-20	Sytl1
996	2.18	2.19	2.46	5.07	4.66	4.96	2.276666667	4.896666667	1.104877	2.94E-21	2.46E-20	Clmp
997	2.13	1.61	1.97	7.26	7.37	8.15	1.903333333	7.593333333	1.996205	3.31E-21	2.77E-20	Gstm2
998	2.31	1.92	4.2	0.45	0.31	0.22	2.81	0.326666667	-3.10468	4.36E-21	3.64E-20	Nxpe2
999	2.57	2.08	1.85	6.4	6.09	5.46	2.166666667	5.983333333	1.465472	4.43E-21	3.69E-20	Snx16
1000	0.68	0.69	0.6	3.2	3.26	2.4	0.656666667	2.953333333	2.169111	4.73E-21	3.94E-20	Mpv17l
1001	2.92	2.96	3.09	0.64	0.64	0.53	2.99	0.603333333	-2.30912	5.09E-21	4.24E-20	Sapcd2
1002	1.78	2.58	2.35	5.69	5.13	5.2	2.236666667	5.34	1.255489	5.38E-21	4.48E-20	Enpp1
1003	5.24	4.63	5.22	12.68	13.07	12.95	5.03	12.9	1.358741	5.61E-21	4.66E-20	Hebp1
1004	3.32	1.82	2.52	13.65	11.8	12.16	2.553333333	12.53666667	2.2957	5.76E-21	4.78E-20	Npy
1005	1.52	2.56	1.66	7.15	6.83	6.63	1.913333333	6.87	1.844222	6.25E-21	5.19E-20	Meis3
1006	5.41	6.38	5.04	2.28	1.99	2.68	5.61	2.316666667	-1.27595	7.54E-21	6.25E-20	Ddx11
1007	4.9	4.82	4.45	1.98	1.68	1.98	4.723333333	1.88	-1.32907	1.06E-20	8.72E-20	Chtf18
1008	0.61	0.56	0.63	0.09	0.12	0.06	0.6	0.09	-2.73697	1.67E-20	1.37E-19	Zfp831
1009	2.47	2.87	2.46	0.99	0.95	1.08	2.6	1.006666667	-1.36893	2.07E-20	1.69E-19	Neto2
1010	0.54	0.53	0.58	1.55	1.76	1.7	0.55	1.67	1.602345	2.17E-20	1.77E-19	Olf1152
1011	4.8	4.69	4.97	1.28	1.29	0.96	4.82	1.176666667	-2.03433	2.21E-20	1.80E-19	Snai3
1012	1.73	1.84	1.39	0.23	0.38	0.21	1.653333333	0.273333333	-2.59664	2.37E-20	1.93E-19	Stc2
1013	8.32	9.96	9.01	2.34	2.32	1.16	9.096666667	1.94	-2.22928	3.26E-20	2.65E-19	G0s2
1014	0.07	0.05	0.01	1.07	0.88	0.91	0.043333333	0.953333333	4.459432	4.73E-20	3.82E-19	Neo1
1015	0.78	0.73	0.78	3.59	7.29	4.43	0.763333333	5.103333333	2.741055	4.87E-20	3.93E-19	Gm11127
1016	3.83	4.22	3.85	10.74	11.43	9	3.966666667	10.39	1.389197	5.78E-20	4.66E-19	Tmem37
1017	1.08	1.03	0.87	3.19	3.24	2.85	0.993333333	3.093333333	1.638812	6.91E-20	5.56E-19	Nectin4
1018	0.75	0.83	0.82	0.12	0.07	0.17	0.8	0.12	-2.73697	8.13E-20	6.51E-19	Nlrp12
1019	1.19	1.3	1.22	3.76	3.71	3.72	1.236666667	3.73	1.592719	8.69E-20	6.95E-19	Tmem144
1020	382.97	301.41	340.62	139.45	152.3	118.58	341.6666667	136.7766667	-1.32077	8.81E-20	7.05E-19	Wfdc21
1021	4.16	3.93	3.48	1.56	2.2	1.61	3.856666667	1.79	-1.10739	9.18E-20	7.34E-19	Zfp395
1022	0.1	0.11	0.12	1.53	2.42	1.12	0.11	1.69	3.941448	1.03E-19	8.19E-19	Zfp575
1023	2.45	2.16	2.14	0.67	0.8	0.78	2.25	0.75	-1.58496	1.46E-19	1.16E-18	Satb1
1024	9.01	9.18	8.81	3.5	4.58	4.3	9	4.126666667	-1.12495	2.27E-19	1.80E-18	Fam117a
1025	1.83	2.21	2.08	5.29	4.55	5.55	2.04	5.13	1.33039	2.38E-19	1.88E-18	Il20rb

1026	8.25	6.76	7.41	2.08	3.06	2.35	7.473333333	2.496666667	-1.58175	2.60E-19	2.05E-18	Ada
1027	2.48	2.04	2.37	0.63	0.63	0.55	2.296666667	0.603333333	-1.92851	2.87E-19	2.26E-18	Sh2d5
1028	0.24	0.33	0.14	2.25	1.58	2.16	0.236666667	1.996666667	3.076665	3.06E-19	2.41E-18	Atf7ip2
1029	5.71	5.36	4.48	9.77	10.3	11.69	5.183333333	10.58666667	1.030296	3.19E-19	2.51E-18	Fyn
1030	0.05	0.11	0	1.49	1.56	1.47	0.053333333	1.506666667	4.820179	3.24E-19	2.54E-18	Hspb7
1031	22.28	23.18	20.68	9.5	10.37	10.38	22.04666667	10.08333333	-1.12859	3.34E-19	2.63E-18	Mcpt8
1032	0.74	1.02	0.85	3.08	2.98	3.13	0.87	3.063333333	1.816015	4.29E-19	3.35E-18	Cyp4f37
1033	2.83	2.58	2.12	5.13	5.11	5.57	2.51	5.27	1.070116	4.47E-19	3.49E-18	Large1
1034	10.18	12.44	11.3	5.52	5.08	5.14	11.30666667	5.246666667	-1.1077	4.79E-19	3.73E-18	Dedd2
1035	0	0	0	9.98	12.36	11.25	0.001	11.19666667	13.45078	6.33E-19	4.93E-18	Serpinb1c
1036	2.21	2.61	3.16	0.2	0.23	0.39	2.66	0.273333333	-3.28269	8.59E-19	6.68E-18	Mfsd2a
1037	2.16	1.56	1.88	4.13	4.3	4.49	1.866666667	4.306666667	1.206107	9.27E-19	7.20E-18	Cds1
1038	1.67	1.5	1.47	0.41	0.28	0.74	1.546666667	0.476666667	-1.69811	9.51E-19	7.38E-18	Amotl2
1039	9.01	10.3	7.69	23.63	29.44	18.13	9	23.73333333	1.398918	1.08E-18	8.37E-18	Gm49369
1040	1.62	1.68	1.81	0.07	0.23	0.13	1.703333333	0.143333333	-3.57091	1.38E-18	1.06E-17	Rtnk2
1041	1.19	1.1	1.21	2.77	2.87	2.72	1.166666667	2.786666667	1.256148	1.86E-18	1.43E-17	Myo1b
1042	1.68	2.21	2	0.34	0.64	0.65	1.963333333	0.543333333	-1.8534	2.27E-18	1.74E-17	Ubash3a
1043	2.07	1.74	1.44	3.95	3.54	4.62	1.75	4.036666667	1.20581	2.28E-18	1.75E-17	Kcp
1044	0.11	0.11	0.12	0.82	0.89	0.98	0.113333333	0.896666667	2.984	3.60E-18	2.75E-17	Slc4a5
1045	1.26	0.96	0.99	0	0.07	0.03	1.07	0.033333333	-5.0045	3.69E-18	2.81E-17	Sema4f
1046	3.79	2.94	4.17	1.28	1.25	1.25	3.633333333	1.26	-1.52787	3.79E-18	2.88E-17	Ifit1bl2
1047	0.59	0.21	0.24	5.25	4.38	4.72	0.346666667	4.783333333	3.786395	3.93E-18	2.99E-17	Fstl1
1048	1.03	0.88	0.93	0.11	0.15	0.14	0.946666667	0.133333333	-2.82782	4.87E-18	3.70E-17	Card10
1049	1.19	1.01	0.93	3.29	3.31	2.96	1.043333333	3.186666667	1.610848	4.90E-18	3.72E-17	Inka2
1050	3.07	4.01	3.32	1.69	1.27	1.54	3.466666667	1.5	-1.20859	5.00E-18	3.79E-17	Kif24
1051	1.29	1.8	1.67	3.86	3.41	3.6	1.586666667	3.623333333	1.191318	5.88E-18	4.45E-17	Nr1d2
1052	1.03	0.74	0.84	2.41	2.81	2.25	0.87	2.49	1.517058	7.29E-18	5.50E-17	Asb13
1053	0.79	0.64	0.78	2.42	2.53	2.89	0.736666667	2.613333333	1.826807	7.77E-18	5.86E-17	Pkp2
1054	0.42	0.21	0.38	1.3	1.44	1.4	0.336666667	1.38	2.035275	8.07E-18	6.08E-17	Pakap
1055	0.35	0.31	0.45	1.41	2.23	1.85	0.37	1.83	2.306246	8.73E-18	6.57E-17	Sgsm1
1056	1.15	0.99	1.02	2.79	2.48	2.83	1.053333333	2.7	1.357997	8.97E-18	6.75E-17	Csrnp2
1057	28.75	28.75	33.75	16.2	13.87	13.67	30.41666667	14.58	-1.06087	9.06E-18	6.81E-17	Ear6
1058	4.05	4.09	3.92	1.78	1.56	1.31	4.02	1.55	-1.37493	1.21E-17	9.04E-17	Traip
1059	9.36	7.73	9.38	3.56	3.94	3.73	8.823333333	3.743333333	-1.237	1.30E-17	9.73E-17	Ddit4
1060	16.44	16.03	16.18	9.16	7.76	6.91	16.21666667	7.943333333	-1.02966	1.46E-17	1.09E-16	Rhno1
1061	8.5	7.77	8.61	4.01	3.7	3.52	8.293333333	3.743333333	-1.14763	1.50E-17	1.12E-16	Hyls1
1062	2.14	2.34	1.66	4.58	5.56	5.41	2.046666667	5.183333333	1.340604	1.55E-17	1.16E-16	Olf111
1063	3.32	2.17	2.33	5.96	5.96	6.63	2.606666667	6.183333333	1.246179	1.66E-17	1.24E-16	Ankrd24

1064	0.15	0.17	0.13	1.19	1.61	1.11	0.15	1.303333333	3.119172	1.96E-17	1.46E-16	Lpar1
1065	4.88	4.7	4.69	1.78	2.11	1.75	4.756666667	1.88	-1.33922	2.30E-17	1.70E-16	Kifc5b
1066	1.36	0.8	0.62	5.89	5.14	4.82	0.926666667	5.283333333	2.511326	2.57E-17	1.90E-16	H2-Q5
1067	0.32	0.25	0.45	2.52	3.22	3.01	0.34	2.916666667	3.100714	2.66E-17	1.97E-16	Fcna
1068	0.59	0.66	0.65	0.02	0.02	0.01	0.633333333	0.016666667	-5.24793	2.68E-17	1.98E-16	Lct
1069	2.49	2.82	2.59	1.16	1.58	1.18	2.633333333	1.306666667	-1.011	2.69E-17	1.98E-16	Pask
1070	9.26	9.6	10.98	4.15	3.15	3.67	9.946666667	3.656666667	-1.44368	2.88E-17	2.13E-16	Tnfrsf18
1071	0.35	0.2	0.21	1.98	1.6	2.01	0.253333333	1.863333333	2.878777	2.92E-17	2.16E-16	Cyp2s1
1072	4.56	4.56	5.16	0.91	0.78	0.68	4.76	0.79	-2.59104	2.95E-17	2.17E-16	Lmo1
1073	3.75	3.76	3.72	7.94	8.16	7.67	3.743333333	7.923333333	1.081784	3.11E-17	2.29E-16	Suv39h2
1074	6.15	6.62	5.82	2.88	2.52	2.86	6.196666667	2.753333333	-1.17031	3.38E-17	2.48E-16	P2rx1
1075	1.54	1.4	1.56	0.08	0.15	0.07	1.5	0.1	-3.90689	3.75E-17	2.75E-16	4921507P07Rik
1076	3.92	3.93	3.96	1.37	1.59	1.35	3.936666667	1.436666667	-1.45425	3.81E-17	2.79E-16	Zfand4
1077	0.65	0.55	0.32	2.78	2.26	2.15	0.506666667	2.396666667	2.24192	3.91E-17	2.86E-16	Apol7c
1078	0.73	0.6	0.62	1.89	2.18	2.35	0.65	2.14	1.719099	3.97E-17	2.91E-16	Mrgpre
1079	6.19	5.58	3.14	11.52	11.78	11.3	4.97	11.53333333	1.214492	4.02E-17	2.94E-16	Kyat3
1080	5.58	4.48	5.52	2.95	1.98	2.55	5.193333333	2.493333333	-1.05859	4.33E-17	3.16E-16	Zfp949
1081	0.03	0.03	0.06	3.2	3.26	3.2	0.04	3.22	6.330917	4.91E-17	3.58E-16	Magea13
1082	6.88	5.64	5.83	2.1	2.98	2.37	6.116666667	2.483333333	-1.30047	5.49E-17	3.99E-16	Rad54b
1083	0.02	0.03	0.02	0.25	0.29	0.28	0.023333333	0.273333333	3.550197	5.55E-17	4.03E-16	Dnah6
1084	1.84	2.09	2.32	0.03	0.1	0.07	2.083333333	0.066666667	-4.96578	5.81E-17	4.22E-16	Gjb3
1085	4.03	3.95	3.41	10.71	8.2	9.76	3.796666667	9.556666667	1.331774	6.09E-17	4.41E-16	Layn
1086	0.13	0.1	0.07	5.68	7.86	5.7	0.1	6.413333333	6.003002	6.19E-17	4.48E-16	Gstp2
1087	0.45	0.25	0.39	1.57	1.51	1.48	0.363333333	1.52	2.064706	7.85E-17	5.67E-16	Prokr1
1088	0.52	0.42	0.53	1.42	1.31	1.37	0.49	1.366666667	1.479808	9.13E-17	6.57E-16	Fbxo32
1089	0.08	0.09	0.14	2.15	1.86	1.64	0.103333333	1.883333333	4.187911	9.26E-17	6.66E-16	Htr2b
1090	2.49	2.58	2.41	5.69	6.64	5.97	2.493333333	6.1	1.290733	9.48E-17	6.81E-16	Mpzl1
1091	1.21	0.97	1.13	0.45	0.47	0.31	1.103333333	0.41	-1.42817	1.00E-16	7.21E-16	Cmah
1092	9.21	8.48	8.04	4.06	4.17	4.39	8.576666667	4.206666667	-1.02774	1.14E-16	8.19E-16	Gypc
1093	0.11	0	0.12	5.89	6.93	5.5	0.076666667	6.106666667	6.315642	1.33E-16	9.49E-16	Rpl39l
1094	1.79	2.23	2.11	4.35	4.1	4.68	2.043333333	4.376666667	1.098908	1.88E-16	1.34E-15	Ano8
1095	8.8	8.15	7.61	3.03	3.26	2.24	8.186666667	2.843333333	-1.52569	2.28E-16	1.62E-15	Cenph
1096	1.12	1.24	1.15	3.33	3.33	3.17	1.17	3.276666667	1.48572	2.33E-16	1.65E-15	Spsb4
1097	1.35	1.34	1.02	3.84	3.72	3.69	1.236666667	3.75	1.600434	2.36E-16	1.67E-15	Trim47
1098	13.46	14	13.65	7.64	5.97	5.39	13.70333333	6.333333333	-1.11349	2.49E-16	1.76E-15	Haus4
1099	9.08	11.04	6.78	4.81	3.93	4.18	8.966666667	4.306666667	-1.058	2.99E-16	2.10E-15	Cenpu
1100	4.02	3.98	3.73	9.1	7.77	7.24	3.91	8.036666667	1.039429	3.28E-16	2.31E-15	Rnf180
1101	5.71	5.84	6.19	2.7	2.3	2.17	5.913333333	2.39	-1.30696	3.46E-16	2.43E-15	Ddb2

1102	19.44	18.43	19.35	10	9.85	8.57	19.07333333	9.473333333	-1.00961	3.63E-16	2.55E-15	Cst7
1103	0.26	0.31	0.36	1	0.94	1.3	0.31	1.08	1.800691	3.66E-16	2.57E-15	Col24a1
1104	2.8	2.78	2.85	7.04	6.11	6.32	2.81	6.49	1.207648	3.81E-16	2.67E-15	Laptm4b
1105	0.73	0.48	0.72	2.19	2.07	2.93	0.643333333	2.396666667	1.897391	4.30E-16	3.00E-15	Rab15
1106	1.61	1.37	1.6	3.8	3.44	4.08	1.526666667	3.773333333	1.305454	4.39E-16	3.06E-15	Repin1
1107	1.02	1.02	1.03	0.2	0.14	0.22	1.023333333	0.186666667	-2.45474	5.10E-16	3.55E-15	Aff2
1108	0.54	0.42	0.36	0.09	0.07	0.05	0.44	0.07	-2.65208	5.34E-16	3.71E-15	Amer2
1109	2.04	1.96	1.79	5.68	6.12	5.6	1.93	5.8	1.587452	5.34E-16	3.71E-15	Adamtsl5
1110	1.34	1.3	1.32	4.52	4.11	3.73	1.32	4.12	1.642106	5.98E-16	4.14E-15	Nr1h3
1111	4.21	3.78	3.21	8.43	9.06	9.02	3.733333333	8.836666667	1.243038	7.23E-16	5.00E-15	Gstt2
1112	1.45	0.78	1.29	4.17	4.27	4.16	1.173333333	4.2	1.839776	7.89E-16	5.44E-15	H2-T10
1113	2.08	2.43	2.7	5.09	5.44	4.82	2.403333333	5.116666667	1.090167	8.54E-16	5.89E-15	Aldh1l1
1114	4.92	4.7	4.84	1.81	2.31	2.7	4.82	2.273333333	-1.08422	9.57E-16	6.59E-15	Wdr90
1115	0.73	0.63	0.65	1.96	2.11	2.06	0.67	2.043333333	1.608692	1.04E-15	7.17E-15	Thbd
1116	1.22	1.51	1.63	3.17	3.11	3.57	1.453333333	3.283333333	1.175796	1.05E-15	7.22E-15	Igf2bp3
1117	1.82	1.73	2.29	4.54	3.92	4.7	1.946666667	4.386666667	1.172119	1.16E-15	7.95E-15	Tmem67
1118	6.66	8.45	8.18	3.67	2.68	3.14	7.763333333	3.163333333	-1.29523	1.36E-15	9.32E-15	Cenpn
1119	3.15	2.67	2.44	5.64	6.82	6.07	2.753333333	6.176666667	1.165649	1.51E-15	1.03E-14	Asb2
1120	0.06	0	0	5.69	6.14	5.55	0.02	5.793333333	8.17825	1.56E-15	1.06E-14	Clec2g
1121	1.18	0.96	0.95	2.28	2.24	2.81	1.03	2.443333333	1.246206	1.64E-15	1.12E-14	Mfap3l
1122	3.75	4.72	3.51	8.08	8.12	7.79	3.993333333	7.996666667	1.001805	1.67E-15	1.14E-14	Abcd4
1123	1.06	1.78	1.38	0.25	0.23	0.32	1.406666667	0.266666667	-2.39917	1.74E-15	1.18E-14	Arhgap33
1124	1.35	1.26	1.27	3.15	2.71	2.8	1.293333333	2.886666667	1.15831	1.78E-15	1.21E-14	Nckap1
1125	0.32	0.33	0.28	1.54	1.47	1.38	0.31	1.463333333	2.238918	2.44E-15	1.65E-14	Zfp750
1126	1.74	0.79	0.76	2.91	2.79	2.74	1.096666667	2.813333333	1.359155	2.76E-15	1.86E-14	Ak1
1127	4.22	3.63	3.7	1.19	1.32	1.51	3.85	1.34	-1.52263	3.03E-15	2.04E-14	Fam83d
1128	0.94	0.81	0.86	3.18	2.58	2.53	0.87	2.763333333	1.667322	3.17E-15	2.12E-14	Mab21l3
1129	5.72	6.69	5.56	1.9	1.58	2.15	5.99	1.876666667	-1.67438	3.32E-15	2.22E-14	Aunip
1130	0.1	0.05	0.18	1.81	0.94	1	0.11	1.25	3.506353	3.46E-15	2.31E-14	Tgtp1
1131	6.98	6.45	7.18	3.69	3.63	2.52	6.87	3.28	-1.06661	4.24E-15	2.83E-14	Mipep
1132	5.72	5.87	5.6	2.14	2.39	2.61	5.73	2.38	-1.26757	4.66E-15	3.10E-14	4930579G24Rik
1133	0.25	0.42	0.22	1.72	1.45	1.56	0.296666667	1.576666667	2.409963	4.82E-15	3.20E-14	Npas4
1134	12.34	11.55	11.8	5.89	5.68	4.97	11.89666667	5.513333333	-1.10956	5.08E-15	3.37E-14	Rfc4
1135	0.95	0.88	0.97	2.88	2.55	2.54	0.933333333	2.656666667	1.509153	5.28E-15	3.50E-14	Cpeb1
1136	0.31	0.15	0.14	1.48	1.24	1.65	0.2	1.456666667	2.864599	5.67E-15	3.75E-14	Gbp11
1137	0.71	0.6	1.08	0.02	0.01	0.02	0.796666667	0.016666667	-5.57894	5.88E-15	3.88E-14	Hlf
1138	2.73	2.48	2.44	1.05	0.87	1.12	2.55	1.013333333	-1.33139	6.12E-15	4.04E-14	Asrgl1
1139	2.42	1.91	2	0.34	0.47	0.35	2.11	0.386666667	-2.44808	7.21E-15	4.74E-14	Oscp1

1140	0.62	0.77	0.72	1.84	2.09	2.1	0.703333333	2.01	1.514915	7.32E-15	4.81E-14	Tyro3
1141	0.1	0.05	0.26	0.74	0.82	0.8	0.136666667	0.786666667	2.525091	7.55E-15	4.95E-14	Tex14
1142	4.76	4.06	4.83	1.8	1.63	1.85	4.55	1.76	-1.37029	8.10E-15	5.31E-14	Rab37
1143	0.33	0.35	0.35	1.04	1.27	1.15	0.343333333	1.153333333	1.748128	9.12E-15	5.97E-14	Epas1
1144	2.71	2.04	2.36	5.64	4.64	4.92	2.37	5.066666667	1.09615	9.63E-15	6.30E-14	Gnb4
1145	0.59	0.42	0.48	2.71	2.97	2.84	0.496666667	2.84	2.515541	9.66E-15	6.31E-14	Sdcbp2
1146	5.69	6.1	5.98	2.34	3.04	2.82	5.923333333	2.733333333	-1.11575	9.78E-15	6.39E-14	Hrob
1147	44.04	32.72	42.27	104.19	80.23	94.66	39.67666667	93.02666667	1.229354	9.93E-15	6.48E-14	Ly6i
1148	1.96	1.51	1.44	3.94	3.73	4.05	1.636666667	3.906666667	1.255178	1.14E-14	7.40E-14	Mid1
1149	0.82	0.81	1.08	2.14	2.56	2.28	0.903333333	2.326666667	1.364934	1.36E-14	8.81E-14	Mamld1
1150	0.44	0.33	0.52	1.52	1.72	1.29	0.43	1.51	1.81214	1.48E-14	9.60E-14	ARVCF
1151	1.39	1.69	1.36	3.17	3.11	3	1.48	3.093333333	1.063565	1.51E-14	9.79E-14	Snx33
1152	1.01	0.69	0.83	0.05	0.09	0.22	0.843333333	0.12	-2.81307	1.53E-14	9.92E-14	Cbln3
1153	0.1	0.17	0.32	1.58	1.92	1.96	0.196666667	1.82	3.210114	1.70E-14	1.10E-13	Vsig8
1154	0.66	0.68	0.7	1.33	1.52	1.52	0.68	1.456666667	1.099064	1.72E-14	1.11E-13	Sh3pxd2a
1155	0	0	0	0.78	0.94	0.9	0.001	0.873333333	9.770389	1.84E-14	1.19E-13	Strc
1156	0	0.03	0	3.61	3.44	4.01	0.01	3.686666667	8.526173	2.06E-14	1.33E-13	C2
1157	0.3	0.1	0.24	2.8	3.83	2.3	0.213333333	2.976666667	3.802516	2.17E-14	1.40E-13	Xlr
1158	0.08	0.06	0.05	0.84	0.65	0.71	0.063333333	0.733333333	3.533432	2.55E-14	1.63E-13	Cdh5
1159	2.17	1.95	2.33	6.52	4.66	5.24	2.15	5.473333333	1.348083	2.81E-14	1.80E-13	Slamf6
1160	4.66	3.97	4.03	2.08	1.9	1.2	4.22	1.726666667	-1.28925	2.83E-14	1.81E-13	Tedc1
1161	2.43	3.04	3.25	0.87	0.69	0.78	2.906666667	0.78	-1.89782	2.90E-14	1.86E-13	Spns3
1162	0.85	0.67	0.77	1.7	1.64	2.05	0.763333333	1.796666667	1.234938	3.51E-14	2.23E-13	Col4a2
1163	0.83	1	0.79	0.03	0.06	0	0.873333333	0.03	-4.8635	4.02E-14	2.55E-13	Glt1d1
1164	0.33	0.56	0.54	1.85	1.88	1.58	0.476666667	1.77	1.892697	4.15E-14	2.63E-13	Marveld2
1165	6.79	6.25	7.4	3.1	3.48	2.64	6.813333333	3.073333333	-1.14856	5.27E-14	3.34E-13	Ccdc34
1166	0.38	0.34	0.27	1.1	1.36	0.97	0.33	1.143333333	1.792708	5.75E-14	3.63E-13	Etl4
1167	8.12	7.21	10.01	3.11	2.23	2.56	8.446666667	2.633333333	-1.68149	7.79E-14	4.88E-13	Cystm1
1168	1.08	0.51	0.47	5.01	5.66	5.03	0.686666667	5.233333333	2.930048	8.02E-14	5.02E-13	Ccl24
1169	7.42	9.47	7.01	2.58	2.78	3.11	7.966666667	2.823333333	-1.49658	8.62E-14	5.39E-13	Gcat
1170	0.27	0.15	0.45	2.22	1.96	1.88	0.29	2.02	2.80023	8.67E-14	5.42E-13	Npdc1
1171	0	0	0	1.08	0.95	1.27	0.001	1.1	10.10329	1.01E-13	6.32E-13	Cdh19
1172	0.76	0.92	0.86	2.5	2.47	2.38	0.846666667	2.45	1.532916	1.07E-13	6.68E-13	Ptchd1
1173	0	0	0	0.48	0.69	0.67	0.001	0.613333333	9.260528	1.11E-13	6.89E-13	Kcnh1
1174	1.01	1.21	1.42	3.02	2.82	3.7	1.213333333	3.18	1.390051	1.15E-13	7.12E-13	Fam78b
1175	1.7	1.22	1.96	0.22	0.07	0.12	1.626666667	0.136666667	-3.57319	1.16E-13	7.23E-13	Zfp57
1176	0.28	0.18	0.1	0.69	1	0.95	0.186666667	0.88	2.237039	1.46E-13	9.03E-13	Antxr1
1177	0.19	0.29	0.4	1.18	1.46	1.53	0.293333333	1.39	2.244472	1.48E-13	9.18E-13	Trpc6

1178	6.85	7.97	6.2	3.26	2.88	3.97	7.006666667	3.37	-1.05598	1.54E-13	9.52E-13	Rad18
1179	5.16	5.05	4.92	2.78	2.54	2.22	5.043333333	2.513333333	-1.00478	1.55E-13	9.58E-13	Chek1
1180	0.02	0.02	0	2.26	2.77	2.85	0.013333333	2.626666667	7.622052	1.72E-13	1.06E-12	Wdr49
1181	0	0	0	2.29	2.49	2.4	0.001	2.393333333	11.22481	1.86E-13	1.14E-12	Tex19.1
1182	1.31	1.43	1.23	3.07	3.43	4.05	1.323333333	3.516666667	1.410032	1.96E-13	1.21E-12	Slc9a7
1183	0.03	0.04	0.03	1.03	1.56	1.64	0.033333333	1.41	5.402586	1.96E-13	1.21E-12	Adam33
1184	0.14	0.21	0.16	0.47	0.45	0.46	0.17	0.46	1.436099	2.01E-13	1.23E-12	Fat3
1185	0.6	0.48	0.59	1.5	1.51	1.51	0.556666667	1.506666667	1.436475	2.06E-13	1.26E-12	Gcnt4
1186	3.23	2.73	2.91	6.81	5.64	6.32	2.956666667	6.256666667	1.081423	2.13E-13	1.31E-12	Best1
1187	0.09	0.13	0.15	2.43	1.36	1.1	0.123333333	1.63	3.724237	2.70E-13	1.65E-12	Pianp
1188	0.32	0.17	0.33	1.34	1.26	1.29	0.273333333	1.296666667	2.246074	2.71E-13	1.65E-12	Ina
1189	0.74	0.92	0.9	4.36	4.12	4	0.853333333	4.16	2.285402	2.72E-13	1.66E-12	Setd4
1190	10.78	11	9.78	4.79	4.95	4.19	10.52	4.643333333	-1.1799	2.72E-13	1.66E-12	Oip5
1191	3.38	4.26	3.71	9.57	9.8	8.41	3.783333333	9.26	1.291354	3.31E-13	2.01E-12	Syngn1
1192	0.04	0.02	0.11	0.7	0.54	0.55	0.056666667	0.596666667	3.396353	3.53E-13	2.14E-12	Pcdh15
1193	9.56	9.24	9.37	4.05	4.25	3.81	9.39	4.036666667	-1.21796	4.07E-13	2.46E-12	Gins1
1194	25.63	20.9	28.72	11.59	11.79	6.98	25.08333333	10.12	-1.30952	4.43E-13	2.68E-12	Retnlg
1195	0.01	0	0	2.38	1.77	1.8	0.003333333	1.983333333	9.216746	4.77E-13	2.88E-12	Nlrp4e
1196	0.1	0.04	0.16	1.12	1.33	1.26	0.1	1.236666667	3.628385	5.05E-13	3.05E-12	Prkg2
1197	3.57	3.54	3.39	1.52	1.42	1.31	3.5	1.416666667	-1.30485	5.44E-13	3.28E-12	Dynlt1c
1198	2.35	2.56	3.1	0.88	1.14	1.14	2.67	1.053333333	-1.34188	5.49E-13	3.31E-12	Slc18a2
1199	1.08	1.1	1.12	0.13	0.19	0.16	1.1	0.16	-2.78136	5.60E-13	3.37E-12	Gramd2
1200	0	0	0	1.83	2.39	2.62	0.001	2.28	11.15482	5.70E-13	3.43E-12	Taf7l
1201	0.04	0.04	0.02	0.64	0.43	0.49	0.033333333	0.52	3.963474	6.32E-13	3.80E-12	Abcb1a
1202	1.32	1.28	1.37	0.23	0.23	0.34	1.323333333	0.266666667	-2.31107	7.91E-13	4.73E-12	Xkr5
1203	0.28	0.34	0.37	0.84	0.86	1.07	0.33	0.923333333	1.484386	7.93E-13	4.74E-12	Amotl1
1204	0.08	0.1	0.11	0.76	0.81	0.69	0.096666667	0.753333333	2.962198	8.32E-13	4.97E-12	Cfap57
1205	2.68	2.49	2.2	4.8	5.6	5.46	2.456666667	5.286666667	1.105656	8.98E-13	5.36E-12	Prnp
1206	0.51	0.66	0.51	2.98	2.42	1.98	0.56	2.46	2.13516	9.58E-13	5.71E-12	4933430l17Rik
1207	0.18	0.17	0.15	0.65	0.8	0.95	0.166666667	0.8	2.263034	9.63E-13	5.73E-12	Dpysl5
1208	2.27	2.7	2.84	1.04	0.87	0.94	2.603333333	0.95	-1.45436	1.14E-12	6.77E-12	Kbtbd6
1209	0.63	0.43	0.37	1.29	1.41	1.52	0.476666667	1.406666667	1.561228	1.15E-12	6.81E-12	Slc4a11
1210	1.37	1.56	1.35	0.13	0.07	0.06	1.426666667	0.086666667	-4.04103	1.25E-12	7.38E-12	Krt83
1211	3.44	3.85	3.79	1.47	1.38	1.22	3.693333333	1.356666667	-1.44486	1.32E-12	7.79E-12	Efcab11
1212	9.88	9.76	9.89	4.37	5.3	3.71	9.843333333	4.46	-1.1421	1.78E-12	1.04E-11	Spint2
1213	11.31	8.77	11.59	3.82	4.52	3.12	10.55666667	3.82	-1.46651	2.22E-12	1.30E-11	Gal
1214	13.8	15.41	16.39	8.87	6.59	5.73	15.2	7.063333333	-1.10565	2.24E-12	1.31E-11	Cenpk
1215	0.64	0.72	0.67	1.92	1.81	2.06	0.676666667	1.93	1.512084	2.25E-12	1.31E-11	Me1

1216	0.27	0.29	0.34	1.08	0.9	1.02	0.3	1	1.736966	2.25E-12	1.32E-11	Cdcp1
1217	7.01	7.61	8.02	3.17	4.07	2.39	7.546666667	3.21	-1.23327	2.33E-12	1.36E-11	Mycbp
1218	0.37	0.37	0.44	2.33	2.9	2.65	0.393333333	2.626666667	2.739409	2.46E-12	1.43E-11	Pdlim4
1219	0.29	0.19	0.15	0.87	0.8	0.77	0.21	0.813333333	1.953457	2.91E-12	1.69E-11	Efnb2
1220	0.05	0.05	0.02	2.39	2.05	1.9	0.04	2.113333333	5.723377	2.96E-12	1.72E-11	Bglap3
1221	4.46	4.35	4.05	2.15	1.98	2.23	4.286666667	2.12	-1.01579	3.34E-12	1.93E-11	Polr3g
1222	3.31	2.12	2.1	5.36	6.73	5.62	2.51	5.903333333	1.233842	3.62E-12	2.09E-11	Cracr2b
1223	0.26	0.26	0.3	1.01	0.89	1.14	0.273333333	1.013333333	1.890376	3.93E-12	2.26E-11	Fam83h
1224	9.02	11.23	8.17	2.83	4.26	2.82	9.473333333	3.303333333	-1.51995	4.00E-12	2.30E-11	Haao
1225	0.04	0.04	0.07	0.41	0.47	0.44	0.05	0.44	3.137504	4.61E-12	2.64E-11	Ky
1226	0.05	0.11	0.1	1.57	1.06	1.17	0.086666667	1.266666667	3.869416	4.96E-12	2.84E-11	Lims2
1227	0.17	0.03	0.08	0.89	0.81	1.19	0.093333333	0.963333333	3.367571	4.96E-12	2.84E-11	Tnfrsf11b
1228	2.2	2.13	2.07	4.32	4.28	4.36	2.133333333	4.32	1.017922	7.14E-12	4.05E-11	Maml2
1229	0.06	0.05	0.07	1.18	0.97	1.2	0.06	1.116666667	4.218092	7.23E-12	4.09E-11	Serpind1
1230	4.58	4.46	4.52	1.68	1.85	2.01	4.52	1.846666667	-1.2914	7.35E-12	4.16E-11	Ssbp2
1231	2.72	1.99	2.16	5.67	5.57	5.89	2.29	5.71	1.318143	8.04E-12	4.54E-11	Bckdhh
1232	6.2	7.34	5.84	2.94	2.89	3.48	6.46	3.103333333	-1.05772	8.39E-12	4.73E-11	Pcyox1l
1233	1.22	0.89	0.81	3.54	2.95	1.86	0.973333333	2.783333333	1.515808	8.59E-12	4.84E-11	Pmepa1
1234	1.29	1.32	1.19	2.66	2.57	2.84	1.266666667	2.69	1.086569	9.03E-12	5.09E-11	Napepld
1235	0.46	0.13	0.21	3.19	2.06	2.06	0.266666667	2.436666667	3.1918	9.70E-12	5.45E-11	Csn2
1236	4.34	3.37	4.31	0.89	0.74	1.1	4.006666667	0.91	-2.13846	1.02E-11	5.72E-11	Ggt1
1237	0.22	0.23	0.27	1.09	1.04	1.41	0.24	1.18	2.297681	1.04E-11	5.86E-11	Gata3
1238	0	0	0.07	1.73	1.5	1.51	0.023333333	1.58	6.081388	1.05E-11	5.89E-11	Serpnb9e
1239	4.41	4.59	3.96	1.97	1.86	2.15	4.32	1.993333333	-1.11585	1.05E-11	5.89E-11	Nr4a1
1240	1.23	0.88	0.87	0.15	0.29	0.09	0.993333333	0.176666667	-2.49125	1.06E-11	5.91E-11	Crtac1
1241	9.26	6.98	11.16	2.38	3.02	2.35	9.133333333	2.583333333	-1.82191	1.07E-11	6.01E-11	Gm9733
1242	0.15	0.15	0.2	1.12	1.05	1.3	0.166666667	1.156666667	2.794936	1.15E-11	6.44E-11	Foxf2
1243	0.04	0.07	0.11	0.79	1.17	1.16	0.073333333	1.04	3.825971	1.19E-11	6.63E-11	Lmod3
1244	0.55	0.66	0.54	0.13	0.07	0.05	0.583333333	0.083333333	-2.80735	1.19E-11	6.65E-11	Btl9
1245	1.56	1.74	1.63	0.49	0.43	0.44	1.643333333	0.453333333	-1.85798	1.21E-11	6.76E-11	Zfp987
1246	1.54	1.71	1.91	3.65	3.16	3.88	1.72	3.563333333	1.050819	1.29E-11	7.17E-11	Gprc5c
1247	0.96	0.8	0.72	2.11	1.77	1.65	0.826666667	1.843333333	1.156939	1.35E-11	7.49E-11	Myo6
1248	0.21	0.07	0.11	0.8	0.44	0.43	0.13	0.556666667	2.098302	1.39E-11	7.75E-11	Adgrb1
1249	1.26	0.91	1.2	2.41	2.27	2.5	1.123333333	2.393333333	1.091235	1.54E-11	8.56E-11	Enpp4
1250	4.09	4.1	5.22	1.38	1.4	1.11	4.47	1.296666667	-1.78547	1.58E-11	8.74E-11	Cenpp
1251	5.21	5.64	6.82	2.11	2.87	2.24	5.89	2.406666667	-1.29123	1.59E-11	8.78E-11	Fut7
1252	0.96	0.61	0.68	1.9	1.38	2.1	0.75	1.793333333	1.257681	1.59E-11	8.78E-11	Tnc
1253	0.69	0.57	0.7	1.43	1.5	1.41	0.653333333	1.446666667	1.146841	1.69E-11	9.36E-11	Zfp366

1254	1.88	2.02	1.91	4.1	5.01	4.81	1.936666667	4.64	1.260549	2.17E-11	1.19E-10	Dpep3
1255	0.34	0.3	0.24	0.99	0.91	1.12	0.293333333	1.006666667	1.778973	2.22E-11	1.22E-10	Il31ra
1256	0.1	0.08	0.25	0.56	0.64	0.59	0.143333333	0.596666667	2.057551	2.25E-11	1.24E-10	Gprc5b
1257	0	0	0	1.34	1.12	1.25	0.001	1.236666667	10.27224	2.35E-11	1.29E-10	Cyp2a5
1258	0.51	0.19	0.56	4.73	5.4	3.61	0.42	4.58	3.446886	2.64E-11	1.45E-10	Ccl8
1259	3.96	3.27	3.47	1.71	1.52	1.62	3.566666667	1.616666667	-1.14155	2.71E-11	1.49E-10	Btla
1260	0.02	0.01	0	0.5	0.58	0.52	0.01	0.533333333	5.736966	2.72E-11	1.49E-10	Cntn3
1261	0.02	0.03	0	2.3	2.65	1.86	0.016666667	2.27	7.089583	2.73E-11	1.49E-10	Tuba3b
1262	0.84	0.81	1.31	2.5	2.85	2.03	0.986666667	2.46	1.318024	2.79E-11	1.53E-10	Arhgap22
1263	3.31	3.64	3.68	1.25	1.89	1.51	3.543333333	1.55	-1.19284	2.94E-11	1.61E-10	Hacl1
1264	0.05	0.05	0.03	0.25	0.25	0.26	0.043333333	0.253333333	2.547488	2.97E-11	1.62E-10	Plxna2
1265	0.55	0.32	0.56	1.32	1.28	1.09	0.476666667	1.23	1.367606	3.04E-11	1.66E-10	Ccbe1
1266	0	0	0.06	3.08	2.56	2.46	0.02	2.7	7.076816	3.20E-11	1.75E-10	Apol9a
1267	0.11	0.12	0.15	0.49	0.45	0.42	0.126666667	0.453333333	1.839535	3.72E-11	2.02E-10	Akap6
1268	0.52	0.38	0.28	1.98	1.66	1.86	0.393333333	1.833333333	2.220645	4.12E-11	2.23E-10	Ankrd45
1269	0	0	0	0.86	1.07	1.11	0.001	1.013333333	9.984893	4.24E-11	2.30E-10	Kcns3
1270	2.8	2.97	2.44	1.2	1.14	1.12	2.736666667	1.153333333	-1.24661	5.18E-11	2.79E-10	Tube1
1271	0.11	0.16	0.05	0.93	0.75	0.78	0.106666667	0.82	2.942515	6.09E-11	3.27E-10	Sorbs3
1272	0.53	0.4	0.57	1.85	1.56	1.32	0.5	1.576666667	1.656878	6.49E-11	3.48E-10	Tlr11
1273	1.53	1.51	1.5	3.18	3.53	3.73	1.513333333	3.48	1.201358	7.08E-11	3.79E-10	Arpin
1274	5.64	5.95	6.11	2.41	2.74	2.54	5.9	2.563333333	-1.20269	7.34E-11	3.92E-10	Cib2
1275	0.81	0.8	0.73	2.28	2.61	2.11	0.78	2.333333333	1.580846	8.06E-11	4.30E-10	Schip1
1276	0.39	0.49	0.4	1.3	1.32	1.2	0.426666667	1.273333333	1.577429	8.38E-11	4.46E-10	Ace
1277	3.8	3.84	3.84	1.49	1.78	1.57	3.826666667	1.613333333	-1.24604	9.54E-11	5.06E-10	Map2k6
1278	0.77	0.62	0.51	0.26	0.09	0.15	0.633333333	0.166666667	-1.926	9.75E-11	5.17E-10	Hspa12a
1279	2.56	2.41	3.08	1.25	0.93	1.04	2.683333333	1.073333333	-1.32193	1.02E-10	5.40E-10	Fancb
1280	0.06	0	0.07	4.14	5.29	4.55	0.043333333	4.66	6.748709	1.03E-10	5.45E-10	Gtsf1
1281	0.44	0.52	0.34	1.85	1.83	1.7	0.433333333	1.793333333	2.049095	1.04E-10	5.52E-10	Pla1a
1282	0.71	0.38	0.5	1.41	1.71	1.74	0.53	1.62	1.61193	1.07E-10	5.64E-10	Trpv4
1283	0.08	0.06	0.08	0.54	0.8	0.61	0.073333333	0.65	3.147899	1.13E-10	5.99E-10	Adcy4
1284	0	0.01	0.02	0.47	0.44	0.45	0.01	0.453333333	5.5025	1.19E-10	6.30E-10	Myom3
1285	0	0.04	0	3.7	2.64	3.04	0.013333333	3.126666667	7.873444	1.28E-10	6.71E-10	Trap1a
1286	0.83	0.7	0.7	0.15	0.18	0.18	0.743333333	0.17	-2.12847	1.28E-10	6.73E-10	Cep126
1287	2.04	2.75	2.35	4.6	5.25	5.34	2.38	5.063333333	1.089126	1.53E-10	8.02E-10	Fbxw9
1288	0.14	0.19	0.06	0.84	1.26	1.01	0.13	1.036666667	2.995369	1.62E-10	8.50E-10	Mill2
1289	1.03	1	0.99	2.35	2.4	2.35	1.006666667	2.366666667	1.23327	1.76E-10	9.18E-10	Ehhadh
1290	4.48	4.25	3.94	1.82	1.32	0.97	4.223333333	1.37	-1.62421	1.77E-10	9.22E-10	Mxd3
1291	0.35	0.37	0.22	1.78	1.37	1.5	0.313333333	1.55	2.306498	1.92E-10	9.98E-10	Olfir56

1292	0.03	0.01	0	0.2	0.25	0.3	0.013333333	0.25	4.228819	2.04E-10	1.06E-09	Cspg4
1293	6.66	7.4	6.9	2.41	2.95	2.65	6.986666667	2.67	-1.38776	2.10E-10	1.09E-09	Metrn
1294	0.33	0.33	0.27	0.82	1	0.97	0.31	0.93	1.584963	2.24E-10	1.16E-09	Gm12185
1295	0.84	0.68	0.76	1.56	1.69	1.44	0.76	1.563333333	1.040554	2.50E-10	1.29E-09	Tjp1
1296	0.07	0.05	0.04	0.64	0.48	0.53	0.053333333	0.55	3.366322	2.84E-10	1.46E-09	Rims3
1297	3.68	3.12	3.08	5.78	7.96	7	3.293333333	6.913333333	1.069833	2.87E-10	1.47E-09	Cryzl2
1298	0.02	0.03	0.01	0.12	0.16	0.22	0.02	0.166666667	3.058894	3.03E-10	1.55E-09	Zfp469
1299	0.63	0.53	0.52	2.88	1.78	1.99	0.56	2.216666667	1.984893	3.52E-10	1.80E-09	Cysltr2
1300	5.97	5.12	5.71	2.54	2.81	2.88	5.6	2.743333333	-1.0295	3.59E-10	1.83E-09	Mfng
1301	0	0.03	0	1.73	1.66	1.43	0.01	1.606666667	7.327927	3.68E-10	1.88E-09	CN725425
1302	1.63	1.4	1.3	2.95	2.86	2.86	1.443333333	2.89	1.001665	4.10E-10	2.09E-09	Phf11c
1303	0.82	0.78	0.53	1.86	2.33	2.05	0.71	2.08	1.550693	4.21E-10	2.14E-09	Prrg4
1304	2.21	1.78	2.35	0.56	0.53	0.38	2.113333333	0.49	-2.10867	4.28E-10	2.18E-09	Dipk1b
1305	7.28	5.61	6.05	13.52	15.14	11.69	6.313333333	13.45	1.091132	4.32E-10	2.20E-09	Ins16
1306	0.53	0.74	0.77	2.05	2.19	2.34	0.68	2.193333333	1.689518	4.52E-10	2.29E-09	Stbd1
1307	1.43	1.5	1.61	3.18	4.02	3.7	1.513333333	3.633333333	1.263564	4.74E-10	2.41E-09	Cyp27a1
1308	0.14	0.07	0.16	0.67	0.82	0.63	0.123333333	0.706666667	2.518467	4.78E-10	2.42E-09	Khl33
1309	0.94	1.54	1.61	3.53	2.57	3.79	1.363333333	3.296666667	1.27387	4.91E-10	2.49E-09	Clec9a
1310	0.04	0.06	0.05	0.49	0.53	0.61	0.05	0.543333333	3.441838	5.26E-10	2.66E-09	Angpt2
1311	5.87	4	4.05	13.96	8.39	10.01	4.64	10.78666667	1.217052	6.45E-10	3.24E-09	Ston2
1312	0.23	0.31	0.19	0.78	0.68	1.32	0.243333333	0.926666667	1.929117	6.62E-10	3.32E-09	Wnk2
1313	3.14	3.45	3.06	8.4	7.24	6.58	3.216666667	7.406666667	1.203258	6.85E-10	3.44E-09	Tspan17
1314	1.4	2.17	1.5	4.39	5.09	3.16	1.69	4.213333333	1.317939	6.87E-10	3.45E-09	BC147527
1315	0.81	1.03	0.57	2.55	2.28	2.04	0.803333333	2.29	1.511277	7.06E-10	3.54E-09	Rtkn
1316	0.93	1.18	1.12	2.9	2.3	2.56	1.076666667	2.586666667	1.264522	7.19E-10	3.60E-09	Plcd1
1317	0	0	0	0.99	0.96	0.75	0.001	0.9	9.813781	7.91E-10	3.95E-09	Serpinb9f
1318	0.1	0.17	0.08	0.43	0.42	0.45	0.116666667	0.433333333	1.893085	8.37E-10	4.17E-09	Igsf3
1319	0.04	0.01	0.02	0.4	0.32	0.39	0.023333333	0.37	3.987061	9.61E-10	4.77E-09	Cgn
1320	0.3	0.13	0.17	2.3	1.58	1.55	0.2	1.81	3.177918	9.95E-10	4.94E-09	Cd2
1321	1.15	0.59	1.03	2.46	2.75	1.98	0.923333333	2.396666667	1.376106	1.15E-09	5.68E-09	Mdga1
1322	1.09	1.42	1.39	0.49	0.15	0.14	1.3	0.26	-2.32193	1.25E-09	6.17E-09	Zfp819
1323	0.65	0.32	0.54	1.17	1.09	1.12	0.503333333	1.126666667	1.162475	1.37E-09	6.70E-09	Afap1
1324	0.02	0	0	1.22	1.55	1.13	0.006666667	1.3	7.60733	1.47E-09	7.22E-09	Slc25a31
1325	0.14	0.24	0.09	0.74	0.75	0.93	0.156666667	0.806666667	2.364274	1.62E-09	7.92E-09	Susd2
1326	0.19	0.23	0.08	1.01	1.04	1.02	0.166666667	1.023333333	2.618239	1.65E-09	8.07E-09	Tubb3
1327	0.31	0.47	0.55	1.37	1.94	1.96	0.443333333	1.756666667	1.986377	1.70E-09	8.29E-09	A4galt
1328	0.5	0.49	0.67	2.21	1.96	1.75	0.553333333	1.973333333	1.834414	1.71E-09	8.34E-09	D630023F18Rik
1329	0.45	0.54	0.47	0.11	0.04	0.03	0.486666667	0.06	-3.0199	1.79E-09	8.72E-09	Mapk4

1330	0.01	0.06	0	0.6	0.65	0.43	0.023333333	0.56	4.584963	1.98E-09	9.65E-09	Olfr11
1331	2.87	2.87	3.92	1.22	0.93	1.41	3.22	1.186666667	-1.44015	2.07E-09	1.01E-08	Prss16
1332	7.46	7.13	7.45	15.07	15.98	13.09	7.346666667	14.71333333	1.001962	2.11E-09	1.03E-08	Ly96
1333	1.15	0.96	1.07	3.87	3.72	2.58	1.06	3.39	1.677221	2.49E-09	1.21E-08	Phyhd1
1334	27.65	25.87	23.24	9.11	8.25	4.41	25.58666667	7.256666667	-1.81801	2.82E-09	1.36E-08	Pde2a
1335	6.52	6.82	5.28	3.29	2.5	2.95	6.206666667	2.913333333	-1.09115	2.82E-09	1.36E-08	Tmem138
1336	0.49	0.12	0.4	1.9	1.88	1.53	0.336666667	1.77	2.394357	2.96E-09	1.43E-08	Angptl6
1337	1.54	1.62	1.5	3.27	3.12	3.55	1.553333333	3.313333333	1.092916	3.26E-09	1.57E-08	Slc6a4
1338	2.48	2.06	2.43	1.28	0.65	1.09	2.323333333	1.006666667	-1.20661	3.30E-09	1.59E-08	Jam2
1339	0.19	0.27	0.18	0.62	1.18	0.68	0.213333333	0.826666667	1.954196	3.42E-09	1.64E-08	Fam135a
1340	0.38	0.59	0.5	1.39	1.18	1.7	0.49	1.423333333	1.53842	3.59E-09	1.72E-08	Slc45a3
1341	0.86	0.81	0.68	0.28	0.14	0.21	0.783333333	0.21	-1.89924	4.13E-09	1.97E-08	Fam160a1
1342	1.9	2.62	2.75	0.88	0.79	0.78	2.423333333	0.816666667	-1.56917	4.56E-09	2.18E-08	Pdxp
1343	0.07	0.05	0	1.75	2.91	3.01	0.04	2.556666667	5.99812	4.71E-09	2.24E-08	Mrap
1344	0.08	0.05	0.06	0.76	0.57	0.75	0.063333333	0.693333333	3.452512	4.72E-09	2.25E-08	Liph
1345	0.74	0.76	0.97	2.28	1.79	2.39	0.823333333	2.153333333	1.387023	5.15E-09	2.44E-08	Tsku
1346	0.01	0.01	0	0.26	0.36	0.34	0.006666667	0.32	5.584963	5.19E-09	2.46E-08	Myh3
1347	2.87	3.6	3.99	6.96	7.87	6.84	3.486666667	7.223333333	1.050816	5.37E-09	2.55E-08	Cbr3
1348	0.6	0.51	0.48	1.26	1.27	1.06	0.53	1.196666667	1.174957	5.42E-09	2.57E-08	Tmtc2
1349	1.8	2.21	2.4	4.1	4.07	4.66	2.136666667	4.276666667	1.001125	5.64E-09	2.67E-08	H2aw
1350	0.69	1.24	1.31	3.45	3.05	2.9	1.08	3.133333333	1.536667	5.67E-09	2.68E-08	Slc22a18
1351	0.2	0.14	0.14	0.81	1.42	1.28	0.16	1.17	2.870365	6.79E-09	3.20E-08	Epcam
1352	0.11	0.02	0.05	0.42	0.49	0.3	0.06	0.403333333	2.748938	7.61E-09	3.58E-08	Wdr66
1353	4.45	6	5.36	2.55	2.76	2.26	5.27	2.523333333	-1.06247	8.44E-09	3.96E-08	Psph
1354	0	0	0	0.65	0.96	1.19	0.001	0.933333333	9.866249	8.58E-09	4.02E-08	Prss50
1355	0	0	0	1.3	0.8	0.92	0.001	1.006666667	9.97537	8.84E-09	4.14E-08	Gm4779
1356	1.3	1.2	1.17	0.49	0.58	0.6	1.223333333	0.556666667	-1.13593	9.44E-09	4.41E-08	Col11a2
1357	0.01	0	0	0.5	0.45	0.54	0.003333333	0.496666667	7.219169	9.60E-09	4.49E-08	Bmp10
1358	0.18	0.19	0.22	0.83	0.92	1.1	0.196666667	0.95	2.272175	9.77E-09	4.57E-08	Cyp4f39
1359	0.71	0.9	0.77	1.61	1.77	1.54	0.793333333	1.64	1.047697	1.04E-08	4.83E-08	Ppfia4
1360	0.17	0.08	0.08	0.64	0.58	0.74	0.11	0.653333333	2.570316	1.15E-08	5.33E-08	Hic1
1361	6.11	7.14	6.66	1.82	3.34	1.87	6.636666667	2.343333333	-1.5019	1.20E-08	5.57E-08	Vamp5
1362	0.58	0.41	0.42	1.54	1.44	2.1	0.47	1.693333333	1.849133	1.28E-08	5.94E-08	B3galnt1
1363	0.05	0.04	0.11	0.5	0.55	0.71	0.066666667	0.586666667	3.137504	1.38E-08	6.36E-08	Ddx4
1364	0.17	0.06	0.11	0.71	0.94	0.89	0.113333333	0.846666667	2.901222	1.41E-08	6.49E-08	Trim43b
1365	2.27	2.28	2.05	0.6	0.56	0.18	2.2	0.446666667	-2.30023	1.46E-08	6.71E-08	Mgarp
1366	0.03	0	0.07	1.29	1.2	1.19	0.033333333	1.226666667	5.201634	1.50E-08	6.91E-08	Hormad1
1367	0.54	0.63	0.69	1.3	1.49	1.38	0.62	1.39	1.164745	1.70E-08	7.77E-08	Nlrp10

1368	0.06	0.1	0.41	0.58	0.41	0.2	0.19	0.396666667	1.061928	1.79E-08	8.18E-08	Scn3a
1369	1.29	1.62	1.1	2.84	2.62	3.01	1.336666667	2.823333333	1.07876	1.83E-08	8.38E-08	Oit3
1370	0.02	0.02	0.01	0.3	0.29	0.45	0.016666667	0.346666667	4.378512	1.99E-08	9.07E-08	Vmn2r96
1371	22.48	16	18.5	9.84	9.83	7.43	18.993333333	9.033333333	-1.07216	2.05E-08	9.34E-08	Lsm5
1372	0	0	0	0.44	0.37	0.2	0.001	0.336666667	8.395177	2.23E-08	1.01E-07	Rsph4a
1373	0.03	0.03	0	1.62	1.48	1.66	0.02	1.586666667	6.309855	2.48E-08	1.12E-07	Gm7609
1374	0.33	0.46	0.28	1.51	1.21	1.33	0.356666667	1.35	1.920311	2.50E-08	1.13E-07	Rap1gap
1375	0.68	0.57	0.52	1.44	1.46	1.26	0.59	1.386666667	1.232834	2.60E-08	1.17E-07	Akap5
1376	1.81	1.06	1.43	3.1	2.94	2.58	1.433333333	2.873333333	1.003351	2.65E-08	1.19E-07	Ypel2
1377	0	0.02	0	0.59	0.52	0.56	0.006666667	0.556666667	6.383704	2.65E-08	1.20E-07	Clvs1
1378	0.13	0.16	0.35	0.54	0.87	0.54	0.213333333	0.65	1.60733	2.71E-08	1.22E-07	Nectin1
1379	2.71	2.78	2.2	1.26	0.99	1.44	2.563333333	1.23	-1.05936	2.86E-08	1.29E-07	Smtn
1380	2.4	2.81	2.09	1.1	1.27	1.26	2.433333333	1.21	-1.00793	2.96E-08	1.33E-07	Rmi2
1381	0.52	0.19	0.23	0.75	1.04	0.5	0.313333333	0.763333333	1.284615	3.08E-08	1.38E-07	Arnt2
1382	2.98	3.14	1.95	6.37	6.16	6.29	2.69	6.273333333	1.221626	3.34E-08	1.49E-07	Pthr1
1383	1	0.96	1.01	0.37	0.47	0.23	0.99	0.356666667	-1.47285	3.40E-08	1.52E-07	Bcl11a
1384	0	0	0	0.72	1	0.56	0.001	0.76	9.569856	3.64E-08	1.62E-07	Tuba3a
1385	0.09	0.04	0.02	0.23	0.29	0.19	0.05	0.236666667	2.242857	3.97E-08	1.77E-07	Rasgrf2
1386	0.15	0.17	0.17	1.46	1.5	1.48	0.163333333	1.48	3.179706	3.97E-08	1.77E-07	Crip2
1387	2.72	2.4	2.22	5.33	5.1	5.95	2.446666667	5.46	1.158083	4.06E-08	1.81E-07	Il6
1388	0.44	0.36	0.3	0.84	0.96	1.08	0.366666667	0.96	1.388565	4.39E-08	1.95E-07	Kank2
1389	2.66	2.49	2.73	4.82	6.03	6.05	2.626666667	5.633333333	1.100756	4.57E-08	2.03E-07	Tmem267
1390	0.04	0	0.03	0.32	0.34	0.37	0.023333333	0.343333333	3.879146	4.71E-08	2.08E-07	Ssc5d
1391	1.02	0.61	1.01	2.21	2.54	2.75	0.88	2.5	1.506353	4.79E-08	2.12E-07	Shfl
1392	2.35	2.2	2.19	4.3	5.36	4.33	2.246666667	4.663333333	1.053575	5.30E-08	2.34E-07	Prxl2a
1393	1.15	1.5	0.83	3.05	3.15	2.8	1.16	3	1.370838	5.30E-08	2.34E-07	Gdf15
1394	0.43	0.46	0.58	1.9	1.43	1.45	0.49	1.593333333	1.701194	5.35E-08	2.36E-07	Bco2
1395	1.43	1.72	1.66	0.43	0.35	0.22	1.603333333	0.333333333	-2.26604	5.61E-08	2.47E-07	Dapk2
1396	0.05	0.04	0	0.31	0.32	0.35	0.03	0.326666667	3.444785	5.66E-08	2.49E-07	Tmem26
1397	1.16	1.25	1.17	2.62	2.23	2.49	1.193333333	2.446666667	1.03582	5.81E-08	2.55E-07	5730409E04Rik
1398	0.06	0.03	0	0.39	0.48	0.33	0.03	0.4	3.736966	5.86E-08	2.58E-07	Slc16a9
1399	2.34	2.01	2.15	1	0.8	0.89	2.166666667	0.896666667	-1.27283	5.97E-08	2.62E-07	Plekha6
1400	3.15	2.86	2.87	1.35	1.15	1.11	2.96	1.203333333	-1.29856	6.10E-08	2.68E-07	Agbl5
1401	4.71	5.39	6.05	2.1	1.76	2.75	5.383333333	2.203333333	-1.28881	6.92E-08	3.03E-07	Lrr1
1402	0.57	0.65	0.38	1.18	0.92	1.16	0.533333333	1.086666667	1.0268	7.39E-08	3.23E-07	Shroom4
1403	0.46	0.67	0.5	1.89	1.69	2.02	0.543333333	1.866666667	1.780555	7.46E-08	3.26E-07	Tmem221
1404	0.41	0.58	0.59	0.13	0.12	0.1	0.526666667	0.116666667	-2.1745	7.66E-08	3.34E-07	Tmc7
1405	0	0	0	0.34	0.45	0.3	0.001	0.363333333	8.50515	7.81E-08	3.40E-07	Stk31

1406	0.33	0.28	0.24	0.76	0.97	0.9	0.283333333	0.876666667	1.629528	7.99E-08	3.47E-07	Itgae
1407	1.06	0.89	1.04	1.7	2.34	2.15	0.996666667	2.063333333	1.049794	8.24E-08	3.58E-07	Sema4c
1408	0.01	0	0	0.66	0.52	0.56	0.003333333	0.58	7.442943	8.39E-08	3.64E-07	Olf194
1409	0.3	0.23	0.33	0.88	0.6	0.92	0.286666667	0.8	1.480626	9.17E-08	3.97E-07	Kcnj10
1410	0	0	0	0.15	0.17	0.14	0.001	0.153333333	7.260528	9.18E-08	3.97E-07	Gm45861
1411	1.63	2.14	2.07	0.61	0.76	0.65	1.946666667	0.673333333	-1.53161	9.27E-08	4.01E-07	Tfap4
1412	0	0	0	0.54	0.59	0.42	0.001	0.516666667	9.01309	9.53E-08	4.11E-07	8030474K03Rik
1413	0.13	0.13	0.1	0.35	0.38	0.46	0.12	0.396666667	1.724893	9.72E-08	4.19E-07	Abca8b
1414	0.07	0.16	0.08	1.74	2.73	2.62	0.103333333	2.363333333	4.515446	9.73E-08	4.19E-07	Retnla
1415	0.63	0.71	0.64	0.14	0.3	0.17	0.66	0.203333333	-1.69862	9.73E-08	4.19E-07	Dnajc6
1416	0	0	0	0.53	0.62	0.53	0.001	0.56	9.129283	9.84E-08	4.24E-07	Pla2g2d
1417	0.06	0.1	0.1	0.84	0.82	1.5	0.086666667	1.053333333	3.603341	9.99E-08	4.30E-07	Csf3
1418	0.13	0.12	0.11	0.35	0.27	0.4	0.12	0.34	1.5025	9.99E-08	4.30E-07	Map1b
1419	0.02	0.02	0.02	0.55	0.69	0.59	0.02	0.61	4.930737	1.12E-07	4.82E-07	Cyp4a12b
1420	0.45	0.49	0.37	0.08	0.08	0.07	0.436666667	0.076666667	-2.50986	1.19E-07	5.10E-07	Pnpla1
1421	0.66	0.79	0.79	1.82	1.95	1.45	0.746666667	1.74	1.220551	1.19E-07	5.12E-07	Arc
1422	0.37	0.34	0.4	1.03	1.22	1.27	0.37	1.173333333	1.665016	1.20E-07	5.15E-07	Samd11
1423	0.83	0.68	0.56	1.37	1.63	1.74	0.69	1.58	1.195256	1.20E-07	5.17E-07	Ttc12
1424	0.15	0.22	0.13	1.13	0.86	1.08	0.166666667	1.023333333	2.618239	1.22E-07	5.22E-07	Aqp3
1425	1.18	1.36	0.98	3.08	2.55	3.87	1.173333333	3.166666667	1.432352	1.23E-07	5.27E-07	Ffar4
1426	0.57	0.64	0.53	0.03	0.17	0.17	0.58	0.123333333	-2.23349	1.27E-07	5.42E-07	Lrrc75b
1427	2.95	4.43	3.4	8.53	7.08	6.17	3.593333333	7.26	1.014647	1.29E-07	5.52E-07	Tmem171
1428	0.18	0.14	0.18	0.46	0.46	0.46	0.166666667	0.46	1.464668	1.37E-07	5.85E-07	Cacnb4
1429	4.71	3.68	3.86	1.86	2.06	1.88	4.083333333	1.933333333	-1.07866	1.45E-07	6.17E-07	Fbxo48
1430	0.81	0.8	1.13	2.59	2.44	2.21	0.913333333	2.413333333	1.401814	1.47E-07	6.27E-07	Ppm1j
1431	0.11	0.1	0.07	0.35	0.72	0.55	0.093333333	0.54	2.532495	1.48E-07	6.28E-07	Npas2
1432	0.1	0.04	0.15	1.24	0.9	1.25	0.096666667	1.13	3.54716	1.50E-07	6.39E-07	Prss46
1433	1.35	1.69	0.83	0.29	0.19	0.24	1.29	0.24	-2.42626	1.51E-07	6.42E-07	Chst13
1434	1.23	0.92	1.78	3.76	3.34	3.74	1.31	3.613333333	1.463764	1.55E-07	6.59E-07	Sco2
1435	0	0	0	0.3	0.38	0.34	0.001	0.34	8.409391	1.65E-07	6.99E-07	Sez6l
1436	0.15	0.11	0.06	0.56	0.49	0.62	0.106666667	0.556666667	2.383704	1.71E-07	7.25E-07	Neur11a
1437	0.26	0.38	0.59	1.62	1.21	1.39	0.41	1.406666667	1.778585	1.77E-07	7.50E-07	Serpina3f
1438	0.01	0	0	0.09	0.1	0.11	0.003333333	0.1	4.906891	1.87E-07	7.88E-07	Zan
1439	0.14	0.08	0.09	0.41	0.46	0.45	0.103333333	0.44	2.090198	1.93E-07	8.15E-07	Fhdc1
1440	0.87	0.6	0.72	1.58	1.57	1.47	0.73	1.54	1.076962	1.97E-07	8.29E-07	Loxl3
1441	0.23	0.23	0.14	0.65	0.61	0.64	0.2	0.633333333	1.662965	2.00E-07	8.41E-07	Ptpdc1
1442	0.06	0.06	0.02	0.36	0.42	0.36	0.046666667	0.38	3.025535	2.05E-07	8.62E-07	Susd5
1443	0.28	0.55	0.22	2.92	3.62	1.86	0.35	2.8	3	2.05E-07	8.65E-07	Gm36079

1444	0.22	0.27	0.13	0.59	0.73	0.59	0.206666667	0.636666667	1.623233	2.08E-07	8.74E-07	Slc17a8
1445	0.5	0.85	0.77	0.1	0.14	0.16	0.706666667	0.133333333	-2.40599	2.12E-07	8.92E-07	Kiss1r
1446	0.04	0.04	0.01	0.53	0.35	0.23	0.03	0.37	3.624491	2.13E-07	8.94E-07	Cyp26b1
1447	0.26	0.1	0.02	0.82	1.1	0.86	0.126666667	0.926666667	2.871014	2.18E-07	9.15E-07	Cpne6
1448	0.67	0.83	0.61	0.28	0.32	0.21	0.703333333	0.27	-1.38125	2.20E-07	9.21E-07	Nat8l
1449	0.12	0.02	0.03	0.72	0.54	0.52	0.056666667	0.593333333	3.388271	2.22E-07	9.30E-07	Avil
1450	3.29	2.08	2.53	1.54	0.97	1.01	2.633333333	1.173333333	-1.16628	2.23E-07	9.33E-07	Tnfsf13b
1451	1.1	1.29	1.23	0.48	0.3	0.56	1.206666667	0.446666667	-1.43376	2.25E-07	9.41E-07	Afap1l1
1452	5.79	4.33	3.56	0.32	0.13	0.19	4.56	0.213333333	-4.41785	2.49E-07	1.04E-06	Csta3
1453	5	5.5	4.34	13.79	10.75	8.3	4.946666667	10.94666667	1.145963	2.87E-07	1.19E-06	H2ac18
1454	1.32	1.57	1.2	2.77	2.99	2.52	1.363333333	2.76	1.01753	2.91E-07	1.21E-06	Mansc1
1455	0	0	0	0.23	0.2	0.23	0.001	0.22	7.78136	3.14E-07	1.30E-06	Vmn2r5
1456	0.57	0.42	0.54	1.27	1.2	1.09	0.51	1.186666667	1.218346	3.19E-07	1.32E-06	Paqr8
1457	1.02	1.36	1.02	0.45	0.18	0.09	1.133333333	0.24	-2.23947	3.29E-07	1.36E-06	Hoxa9
1458	0.25	0.21	0.18	0.66	0.75	0.68	0.213333333	0.696666667	1.707359	3.29E-07	1.36E-06	Tmem151a
1459	2.27	1.95	2.16	1.01	0.84	1.15	2.126666667	1	-1.08859	3.33E-07	1.38E-06	9930012K11Rik
1460	0.73	0.72	0.91	0	0.05	0.04	0.786666667	0.03	-4.71272	3.47E-07	1.43E-06	Elovl3
1461	0.07	0.1	0.02	0.48	0.53	0.49	0.063333333	0.5	2.980891	3.48E-07	1.44E-06	Fam83f
1462	3.53	2.4	3.37	6.79	7.51	5.94	3.1	6.746666667	1.121907	3.49E-07	1.44E-06	Il18
1463	0.5	0.29	0.32	0.9	1.05	1.05	0.37	1	1.434403	3.50E-07	1.44E-06	Npr1
1464	0.01	0.02	0.02	0.25	0.27	0.14	0.016666667	0.22	3.722466	3.55E-07	1.47E-06	Col5a3
1465	0.06	0.07	0.04	0.4	0.23	0.35	0.056666667	0.326666667	2.527247	3.61E-07	1.49E-06	Olfml3
1466	0.86	0.77	0.83	1.91	1.89	1.48	0.82	1.76	1.10188	3.98E-07	1.63E-06	Peli3
1467	1.53	1.47	1.26	2.96	2.86	3.16	1.42	2.993333333	1.075862	4.17E-07	1.71E-06	Mapre3
1468	0.36	0.58	0.46	0.99	1.21	1.51	0.466666667	1.236666667	1.405992	4.18E-07	1.72E-06	Acot6
1469	0.36	0.42	0.28	1.06	1.12	1.69	0.353333333	1.29	1.868269	4.23E-07	1.74E-06	Pigz
1470	0.04	0.09	0.08	0.3	0.23	0.19	0.07	0.24	1.777608	4.36E-07	1.79E-06	Synpo2
1471	4.08	3.67	3.28	1.44	1.66	0.77	3.676666667	1.29	-1.51103	4.51E-07	1.85E-06	Psmc3ip
1472	0	0	0	0.23	0.2	0.18	0.001	0.203333333	7.667703	4.62E-07	1.89E-06	Slc2a12
1473	0.16	0.13	0.17	0.61	0.52	0.69	0.153333333	0.606666667	1.984233	4.83E-07	1.97E-06	Ogdhl
1474	0.09	0.09	0.18	0.38	0.33	0.57	0.12	0.426666667	1.830075	4.88E-07	1.99E-06	Ank1
1475	0.43	0.4	0.4	0.79	0.87	0.86	0.41	0.84	1.034765	4.89E-07	2.00E-06	Kif5c
1476	4.35	4	4.55	1.56	2.04	1.68	4.3	1.76	-1.28876	5.05E-07	2.06E-06	Mettl26
1477	0.05	0.06	0	0.63	0.77	0.75	0.036666667	0.716666667	4.288761	5.09E-07	2.07E-06	Mmp10
1478	2.5	1.88	2.52	1.3	0.93	1.03	2.3	1.086666667	-1.08172	5.14E-07	2.09E-06	Ttpa
1479	2.6	2.47	1.85	4.73	4.85	4.69	2.306666667	4.756666667	1.044141	5.53E-07	2.25E-06	Ldhb
1480	0.93	0.91	1.15	2.16	2.07	2.07	0.996666667	2.1	1.075206	5.60E-07	2.27E-06	Chst1
1481	0.49	0.39	0.25	0.02	0.12	0.12	0.376666667	0.086666667	-2.11974	5.71E-07	2.31E-06	Cxadr

1482	0	0	0	0.1	0.11	0.13	0.001	0.113333333	6.824428	6.32E-07	2.55E-06	Nlgn1
1483	0.97	0.76	1.01	2.26	2.03	2.7	0.913333333	2.33	1.351117	6.80E-07	2.74E-06	Tmeff1
1484	1.81	2.21	1.87	4.42	3.87	3.99	1.963333333	4.093333333	1.059971	6.82E-07	2.75E-06	Tusc1
1485	0	0	0	0.69	0.59	0.55	0.001	0.61	9.252665	7.02E-07	2.82E-06	Foxs1
1486	0.19	0.29	0.23	0.63	0.59	0.49	0.236666667	0.57	1.268105	7.50E-07	3.01E-06	Pkd1l2
1487	0.86	0.77	0.72	2.29	1.66	2.37	0.783333333	2.106666667	1.427264	7.59E-07	3.05E-06	Slc46a1
1488	0.02	0	0	0.47	0.52	0.47	0.006666667	0.486666667	6.189825	7.63E-07	3.06E-06	Gpat2
1489	0.54	0.42	0.62	0.09	0.07	0.02	0.526666667	0.06	-3.13386	8.07E-07	3.23E-06	C7
1490	2.99	2.17	2.78	4.47	5.93	6.79	2.646666667	5.73	1.114359	8.15E-07	3.26E-06	Il15
1491	0.01	0.03	0.03	0.52	0.37	0.3	0.023333333	0.396666667	4.087463	8.63E-07	3.45E-06	Tpbgl
1492	2.13	2.36	2.09	0.86	1.14	0.81	2.193333333	0.936666667	-1.22752	8.86E-07	3.54E-06	Gas2
1493	1.47	1.38	1.21	2.42	2.85	2.95	1.353333333	2.74	1.017659	9.35E-07	3.73E-06	Shcbp1l
1494	4.35	4.43	3.52	1.6	1.34	1.39	4.1	1.443333333	-1.50622	9.48E-07	3.78E-06	Cenpm
1495	1.67	1.17	1.22	2.71	2.52	2.92	1.353333333	2.716666667	1.00532	9.58E-07	3.81E-06	Cnn3
1496	0.01	0	0.01	0.08	0.08	0.1	0.006666667	0.086666667	3.70044	9.94E-07	3.95E-06	Dnah10
1497	0.04	0.04	0.03	0.22	0.3	0.28	0.036666667	0.266666667	2.862496	1.09E-06	4.34E-06	Nrxn2
1498	0.68	0.98	1.04	2.35	2.84	2.16	0.9	2.45	1.444785	1.13E-06	4.49E-06	Grtp1
1499	0.25	0.39	0.33	1.35	0.97	0.97	0.323333333	1.096666667	1.762031	1.16E-06	4.61E-06	Camk2a
1500	0	0	0	0.4	0.59	0.43	0.001	0.473333333	8.886713	1.17E-06	4.62E-06	Serpinb9c
1501	0.08	0.09	0.05	0.36	0.38	0.35	0.073333333	0.363333333	2.308753	1.19E-06	4.69E-06	Brdt
1502	0	0	0	0.55	0.8	0.39	0.001	0.58	9.179909	1.33E-06	5.25E-06	Fkbp6
1503	0.37	0.41	0.61	1.24	1.08	1	0.463333333	1.106666667	1.256098	1.34E-06	5.26E-06	St18
1504	0.2	0.02	0.01	0.74	0.57	0.69	0.076666667	0.666666667	3.120294	1.41E-06	5.52E-06	Map2
1505	0.21	0.2	0.07	1.1	1.2	0.77	0.16	1.023333333	2.677132	1.47E-06	5.76E-06	Car6
1506	0.88	0.78	0.47	1.56	1.46	2.14	0.71	1.72	1.276518	1.50E-06	5.86E-06	Spsb1
1507	0.91	0.89	0.75	1.59	1.75	2.04	0.85	1.793333333	1.077109	1.52E-06	5.93E-06	Hspa1a
1508	1.23	1.82	0.99	0.43	0.54	0.34	1.346666667	0.436666667	-1.62479	1.53E-06	5.96E-06	Pycr1
1509	1.89	2.08	1.56	4.27	3.72	3.75	1.843333333	3.913333333	1.086081	1.54E-06	6.01E-06	4930404N11Rik
1510	0	0	0	0.16	0.19	0.18	0.001	0.176666667	7.464886	1.62E-06	6.33E-06	Mov10l1
1511	0.33	0.29	0.31	0.1	0.04	0.05	0.31	0.063333333	-2.29123	1.76E-06	6.85E-06	Ptpu
1512	3.61	3.25	2.99	1.37	1	1.66	3.283333333	1.343333333	-1.28934	1.78E-06	6.93E-06	2610318N02Rik
1513	0.13	0.26	0.13	1.01	1.24	1.11	0.173333333	1.12	2.691878	1.78E-06	6.93E-06	Folr2
1514	0.21	0.02	0.07	0.32	0.37	0.25	0.1	0.313333333	1.647698	1.79E-06	6.96E-06	Abcc8
1515	1.08	0.93	0.55	2.14	1.72	2.07	0.853333333	1.976666667	1.211888	1.93E-06	7.49E-06	Spib
1516	4.09	5.74	5.57	2.18	1.62	3.29	5.133333333	2.363333333	-1.11907	1.98E-06	7.67E-06	Tm7sf2
1517	1.67	1.18	1.74	2.94	2.98	3.52	1.53	3.146666667	1.040293	2.02E-06	7.81E-06	Trem14
1518	0.06	0	0	0.71	0.93	0.92	0.02	0.853333333	5.415037	2.15E-06	8.30E-06	Arhgap8
1519	0.08	0.09	0.07	0.41	0.49	0.54	0.08	0.48	2.584963	2.17E-06	8.38E-06	Il9r

1520	0.22	0.12	0.44	0.68	0.71	0.71	0.26	0.7	1.428843	2.25E-06	8.66E-06	Smyd1
1521	0	0	0	0.24	0.13	0.1	0.001	0.156666667	7.291554	2.25E-06	8.68E-06	Epha10
1522	0	0	0	0.21	0.17	0.16	0.001	0.18	7.491853	2.30E-06	8.84E-06	Epn3
1523	0	0	0	0.2	0.17	0.15	0.001	0.173333333	7.437405	2.30E-06	8.84E-06	Kctd4
1524	0.17	0.19	0.12	0.62	0.51	0.65	0.16	0.593333333	1.890771	2.31E-06	8.88E-06	Cyp2j6
1525	2.15	1.57	1.23	4.15	3.83	3.28	1.65	3.753333333	1.185706	2.33E-06	8.94E-06	Id3
1526	0.41	0.65	0.5	0.12	0.11	0.11	0.52	0.113333333	-2.19794	2.60E-06	9.95E-06	B4galnt4
1527	0	0	0	0.17	0.15	0.15	0.001	0.156666667	7.291554	2.61E-06	1.00E-05	Arhgef15
1528	0.04	0.04	0.03	0.17	0.22	0.28	0.036666667	0.223333333	2.606658	2.69E-06	1.03E-05	Mn1
1529	0.21	0.22	0.06	0.39	0.51	0.68	0.163333333	0.526666667	1.689071	2.70E-06	1.03E-05	Septin3
1530	3.22	2.63	3.46	1.53	1.63	1.44	3.103333333	1.533333333	-1.01715	2.80E-06	1.07E-05	Abhd8
1531	0	0	0.02	0.22	0.27	0.27	0.006666667	0.253333333	5.247928	2.81E-06	1.07E-05	Dnase1l3
1532	0.11	0.17	0.14	0.89	0.51	0.87	0.14	0.756666667	2.434231	2.81E-06	1.07E-05	Tnfsf18
1533	0.03	0.07	0.03	0.46	0.2	0.35	0.043333333	0.336666667	2.957772	2.96E-06	1.13E-05	Irf6
1534	1	0.56	0.94	1.61	2.43	1.7	0.833333333	1.913333333	1.199123	3.02E-06	1.15E-05	Zmynd15
1535	0.01	0	0	0.26	0.15	0.22	0.003333333	0.21	5.97728	3.08E-06	1.17E-05	Efcab6
1536	0.23	0.05	0.2	1.62	0.91	1.55	0.16	1.36	3.087463	3.13E-06	1.19E-05	Rbp4
1537	0.51	0.42	0.69	0	0	0	0.54	0.001	-9.07682	3.29E-06	1.25E-05	Mrgpra2a
1538	0.35	0.42	0.34	0.7	0.79	0.77	0.37	0.753333333	1.025763	3.30E-06	1.25E-05	Sfmbt2
1539	0	0.04	0.03	0.28	0.46	0.44	0.023333333	0.393333333	4.075288	3.31E-06	1.26E-05	Unc93a
1540	0.59	0.76	0.28	1.7	1.29	1.49	0.543333333	1.493333333	1.458627	3.52E-06	1.33E-05	Carmil1
1541	0.83	0.86	0.76	2.19	2.2	2.41	0.816666667	2.266666667	1.472753	3.57E-06	1.35E-05	Tmem202
1542	1.05	0.94	0.56	1.78	1.95	1.84	0.85	1.856666667	1.12718	3.58E-06	1.36E-05	Plxdc1
1543	0.76	0.73	0.98	1.88	1.54	1.79	0.823333333	1.736666667	1.076772	3.65E-06	1.38E-05	Snn
1544	0	0	0.06	0.29	0.3	0.29	0.02	0.293333333	3.874469	3.74E-06	1.42E-05	Elovl2
1545	0.52	0.5	0.57	0.23	0.04	0.08	0.53	0.116666667	-2.1836	3.82E-06	1.45E-05	Ccm2l
1546	0.05	0	0	1.33	0.81	1.11	0.016666667	1.083333333	6.022368	3.83E-06	1.45E-05	Gstt4
1547	0.02	0.09	0.02	0.61	0.51	0.39	0.043333333	0.503333333	3.537965	3.91E-06	1.48E-05	Spire2
1548	0.44	0.84	0.51	0.1	0.06	0	0.596666667	0.053333333	-3.48382	4.08E-06	1.54E-05	Kcnk12
1549	0.06	0.11	0.03	0.85	0.66	1.09	0.066666667	0.866666667	3.70044	4.09E-06	1.54E-05	Spic
1550	2.1	2.35	2.61	1.16	1.1	0.75	2.353333333	1.003333333	-1.2299	4.13E-06	1.55E-05	Ccno
1551	1.68	1.02	1.17	0.37	0.52	0.28	1.29	0.39	-1.72583	4.15E-06	1.56E-05	Frat2
1552	0.02	0.03	0	0.24	0.27	0.35	0.016666667	0.286666667	4.104337	4.16E-06	1.56E-05	Npnt
1553	0	0	0	0.39	0.12	0.2	0.001	0.236666667	7.886713	4.32E-06	1.62E-05	Hpcal4
1554	0.29	0.42	0.35	0.62	0.78	0.85	0.353333333	0.75	1.085861	4.33E-06	1.62E-05	Satb2
1555	0.01	0	0	0.22	0.24	0.27	0.003333333	0.243333333	6.189825	4.34E-06	1.63E-05	Dcaf8l
1556	0.36	0.18	0.12	0.75	0.95	0.89	0.22	0.863333333	1.972414	4.41E-06	1.65E-05	Rgs9
1557	1.33	1.09	0.79	2.24	2.8	2.89	1.07	2.643333333	1.304748	4.51E-06	1.69E-05	Maged2

1558	3.64	2.73	2.22	1.29	0.98	0.76	2.863333333	1.01	-1.50334	4.59E-06	1.72E-05	Gm10282
1559	0.02	0	0.14	0.45	0.82	0.46	0.053333333	0.576666667	3.434628	4.95E-06	1.85E-05	Misp
1560	0.63	0.68	0.89	1.62	2.37	2.28	0.733333333	2.09	1.510962	5.26E-06	1.96E-05	Asb11
1561	0.39	0.25	0.47	1.04	1.02	1.49	0.37	1.183333333	1.677259	5.32E-06	1.98E-05	Fndc10
1562	0.04	0.05	0.08	1.11	0.97	0.69	0.056666667	0.923333333	4.026279	5.34E-06	1.99E-05	Klra3
1563	1.2	1.67	1.54	3.46	3.43	2.99	1.47	3.293333333	1.163732	5.47E-06	2.03E-05	Ramp3
1564	0.5	0.59	0.38	1.16	1.43	1.47	0.49	1.353333333	1.465664	5.66E-06	2.10E-05	Rilpl1
1565	0.07	0	0.02	0.29	0.19	0.46	0.03	0.313333333	3.384664	5.69E-06	2.11E-05	Ccn4
1566	0.47	0.48	0.45	1.04	0.91	0.95	0.466666667	0.966666667	1.050626	5.77E-06	2.14E-05	Sall2
1567	0.45	0.59	0.5	1.24	1.31	1.18	0.513333333	1.243333333	1.276245	5.79E-06	2.15E-05	Pheta2
1568	0.29	0.3	0.31	0.79	0.96	1.38	0.3	1.043333333	1.798166	5.91E-06	2.19E-05	Trim72
1569	0.04	0.02	0.07	0.49	0.49	0.47	0.043333333	0.483333333	3.479469	5.97E-06	2.21E-05	Omp
1570	2.33	1.45	2.34	0.36	0.47	0.66	2.04	0.496666667	-2.03822	6.04E-06	2.23E-05	Egfl7
1571	0.08	0.06	0.14	0.58	0.52	0.49	0.093333333	0.53	2.505528	6.33E-06	2.34E-05	Sec14l2
1572	0	0	0	0.31	0.31	0.14	0.001	0.253333333	7.984893	6.38E-06	2.35E-05	Sec1
1573	0.35	0.3	0.21	0.77	0.86	0.83	0.286666667	0.82	1.51625	6.43E-06	2.37E-05	Baiap2l1
1574	0.01	0.02	0.01	0.08	0.14	0.14	0.013333333	0.12	3.169925	6.69E-06	2.46E-05	Tfcp2l1
1575	0	0	0.01	0.32	0.17	0.14	0.003333333	0.21	5.97728	7.00E-06	2.57E-05	Shoc1
1576	0.03	0.05	0.02	0.23	0.32	0.31	0.033333333	0.286666667	3.104337	7.34E-06	2.69E-05	Gabra4
1577	0.45	0.45	0.42	0.82	0.86	1.05	0.44	0.91	1.048363	7.50E-06	2.75E-05	Edil3
1578	0.33	0.48	0.33	1.23	1.5	1.08	0.38	1.27	1.740757	8.06E-06	2.95E-05	Irak1bp1
1579	1.08	1.05	1.17	0.61	0.44	0.48	1.1	0.51	-1.10893	8.15E-06	2.98E-05	Lzts3
1580	0.02	0	0.03	0.44	0.63	0.64	0.016666667	0.57	5.095924	8.54E-06	3.12E-05	Cldn23
1581	1.45	1.35	1.67	3.5	3.09	2.97	1.49	3.186666667	1.096736	8.65E-06	3.15E-05	Plpp1
1582	0.18	0.19	0.19	0.4	0.54	0.47	0.186666667	0.47	1.332196	9.34E-06	3.40E-05	Adarb1
1583	0.07	0.11	0.05	0.41	0.38	0.47	0.076666667	0.42	2.453718	9.59E-06	3.48E-05	Stox2
1584	0.88	0.71	0.98	0.32	0.3	0.37	0.856666667	0.33	-1.37627	9.89E-06	3.59E-05	Plod2
1585	1.39	1.58	1.33	3.71	2.93	3.6	1.433333333	3.413333333	1.251807	9.92E-06	3.59E-05	Hmgn3
1586	0.03	0.04	0.09	0.34	0.45	0.46	0.053333333	0.416666667	2.965784	1.01E-05	3.64E-05	Slc39a12
1587	0.39	0.42	0.49	0.94	0.88	0.96	0.433333333	0.926666667	1.096573	1.15E-05	4.15E-05	Figl12
1588	0.22	0.52	0.27	0.69	0.97	1.39	0.336666667	1.016666667	1.594454	1.16E-05	4.17E-05	Dnaja4
1589	0.67	0.9	1.01	0.31	0.12	0	0.86	0.143333333	-2.58496	1.18E-05	4.23E-05	Gcat
1590	0.22	0.13	0.22	0.04	0.07	0.16	0.19	0.09	-1.078	1.20E-05	4.30E-05	Cacna1e
1591	0	0	0	0.47	0.62	0.8	0.001	0.63	9.299208	1.22E-05	4.38E-05	Gm52955
1592	0.01	0.04	0	0.25	0.27	0.26	0.016666667	0.26	3.963474	1.24E-05	4.44E-05	Ripk4
1593	0	0	0	0.46	0.44	0.45	0.001	0.45	8.813781	1.24E-05	4.44E-05	Car5a
1594	2.32	2.27	1.63	4.45	4.21	3.8	2.073333333	4.153333333	1.002318	1.26E-05	4.50E-05	Igflr1
1595	0.93	0.62	0.74	1.56	1.6	1.6	0.763333333	1.586666667	1.055614	1.30E-05	4.67E-05	Otud1

1596	1.03	1.14	1.22	0.49	0.39	0.41	1.13	0.43	-1.39391	1.33E-05	4.77E-05	Ccdc85a
1597	0.63	0.53	0.58	1.35	1.73	1.37	0.58	1.483333333	1.354718	1.37E-05	4.88E-05	Cd5
1598	0.57	0.71	0.52	1.41	1.27	1.51	0.6	1.396666667	1.218953	1.38E-05	4.92E-05	Bend6
1599	0.96	1.6	0.77	0	0.04	0.04	1.11	0.026666667	-5.37938	1.43E-05	5.08E-05	Ppp1r42
1600	0.85	1.23	1.07	2.59	2.64	2.42	1.05	2.55	1.280108	1.47E-05	5.23E-05	Nkain1
1601	0.97	0.47	0.69	0.16	0.18	0.09	0.71	0.143333333	-2.30844	1.47E-05	5.23E-05	Plekhs1
1602	1.08	0.91	0.61	1.95	2.09	1.89	0.866666667	1.976666667	1.18952	1.50E-05	5.34E-05	Fam161a
1603	0	0.01	0	0.23	0.19	0.23	0.003333333	0.216666667	6.022368	1.52E-05	5.39E-05	Pou3f1
1604	0.52	0.1	0.31	0.56	1.07	0.8	0.31	0.81	1.385654	1.55E-05	5.49E-05	Eno2
1605	0.38	0.58	0.33	1.18	1.09	1.12	0.43	1.13	1.393914	1.57E-05	5.55E-05	Cracdl
1606	0.03	0	0	0.34	0.28	0.39	0.01	0.336666667	5.073249	1.59E-05	5.63E-05	Cxcl9
1607	0.01	0	0.01	0.17	0.16	0.17	0.006666667	0.166666667	4.643856	1.59E-05	5.63E-05	Grid1
1608	0.2	0.13	0.13	0.38	0.48	0.42	0.153333333	0.426666667	1.476438	1.62E-05	5.74E-05	Neb
1609	0	0.03	0	0.2	0.15	0.21	0.01	0.186666667	4.222392	1.63E-05	5.74E-05	Grhl2
1610	0	0.03	0.06	0.71	0.46	0.47	0.03	0.546666667	4.187627	1.65E-05	5.81E-05	Tspan10
1611	0.14	0.1	0.16	0.35	0.47	0.45	0.133333333	0.423333333	1.666757	1.66E-05	5.84E-05	Dclk2
1612	0	0	0	0.06	0.1	0.33	0.001	0.163333333	7.351675	1.66E-05	5.84E-05	Vmn1r234
1613	0.2	0.08	0.27	0.89	0.63	0.88	0.183333333	0.8	2.125531	1.68E-05	5.90E-05	Tspan7
1614	0.15	0.12	0.1	0.54	0.62	0.46	0.123333333	0.54	2.130397	1.70E-05	5.97E-05	Gbp2b
1615	0.08	0.11	0.11	0.33	0.32	0.44	0.1	0.363333333	1.861294	1.70E-05	6.00E-05	Eya4
1616	0.04	0	0.05	0.34	0.28	0.33	0.03	0.316666667	3.399931	1.73E-05	6.08E-05	Btbd18
1617	1.23	0.33	0.26	0.06	0.05	0.03	0.606666667	0.046666667	-3.70044	1.75E-05	6.16E-05	Col1a1
1618	0.68	0.44	0.51	1.21	1.57	1.22	0.543333333	1.333333333	1.295128	1.75E-05	6.16E-05	Slc36a2
1619	0.7	0.43	0.35	1.5	1.66	1.26	0.493333333	1.473333333	1.578449	1.84E-05	6.44E-05	Mmp27
1620	1.06	1.21	1.29	2.85	2.02	2.66	1.186666667	2.51	1.080773	1.85E-05	6.48E-05	Slc46a3
1621	0	0.03	0.03	0.27	0.22	0.24	0.02	0.243333333	3.604862	1.86E-05	6.51E-05	Nutn1
1622	0	0	0	0.13	0.29	0.34	0.001	0.253333333	7.984893	1.90E-05	6.65E-05	Arl14epl
1623	0.12	0.13	0.22	0.46	0.41	0.53	0.156666667	0.466666667	1.574694	1.91E-05	6.69E-05	Nipal1
1624	0.72	0.84	0.82	1.68	1.81	1.5	0.793333333	1.663333333	1.068078	1.92E-05	6.73E-05	Ccdc112
1625	0.44	0.61	0.67	1.48	1.63	2.05	0.573333333	1.72	1.584963	1.97E-05	6.90E-05	Serpinb1b
1626	0.16	0.11	0.14	0.43	0.53	0.37	0.136666667	0.443333333	1.69773	2.00E-05	6.99E-05	Adamts1
1627	0.23	0.15	0.09	1.2	0.81	0.86	0.156666667	0.956666667	2.610318	2.01E-05	7.02E-05	Cbr2
1628	0.21	0.23	0.32	0.88	0.94	0.8	0.253333333	0.873333333	1.785495	2.05E-05	7.13E-05	Ptgis
1629	0	0	0	0.07	0.1	0.11	0.001	0.093333333	6.544321	2.06E-05	7.18E-05	Ntn1
1630	0.03	0.04	0.03	0.25	0.19	0.28	0.033333333	0.24	2.847997	2.07E-05	7.22E-05	PlekHg4
1631	3.92	2.85	4.3	1.82	1.63	1.78	3.69	1.743333333	-1.08177	2.16E-05	7.50E-05	Enkd1
1632	0	0	0	0.15	0.16	0.23	0.001	0.18	7.491853	2.22E-05	7.70E-05	Sybu
1633	0.12	0.05	0.03	0.19	0.17	0.22	0.066666667	0.193333333	1.536053	2.24E-05	7.76E-05	Sptbn2

1634	0.17	0.26	0.17	0.65	0.68	0.65	0.2	0.66	1.722466	2.27E-05	7.88E-05	Asb16
1635	0.05	0.03	0	0.38	0.21	0.17	0.026666667	0.2533333333	3.247928	2.37E-05	8.18E-05	Atp13a4
1636	0.33	0.27	0.34	0.07	0.03	0.08	0.3133333333	0.06	-2.38466	2.38E-05	8.21E-05	Acox2
1637	0	0	0	0.11	0.11	0.11	0.001	0.11	6.78136	2.40E-05	8.28E-05	Mrgprx2
1638	0.02	0.01	0.04	0.17	0.22	0.16	0.0233333333	0.1833333333	2.974005	2.43E-05	8.38E-05	Gabbr2
1639	0.04	0.11	0.07	0.38	0.36	0.64	0.0733333333	0.46	2.649093	2.47E-05	8.52E-05	Enpp2
1640	0.22	0.28	0.4	0.72	0.87	0.81	0.3	0.8	1.415037	2.56E-05	8.83E-05	Fam149a
1641	4.57	3.71	4.52	1.63	1.76	1.85	4.266666667	1.746666667	-1.28851	2.62E-05	9.02E-05	H4c9
1642	0.08	0.1	0.11	0.57	0.78	0.44	0.096666667	0.596666667	2.625835	2.69E-05	9.26E-05	Actr3b
1643	1.59	1.34	1.66	0.59	0.62	0.67	1.53	0.626666667	-1.28776	2.70E-05	9.29E-05	Rgs11
1644	0.16	0.01	0.06	0.82	1.1	0.98	0.076666667	0.966666667	3.656347	2.72E-05	9.37E-05	Akap12
1645	0	0	0	0.23	0.54	0.18	0.001	0.316666667	8.306821	2.76E-05	9.50E-05	Dpep1
1646	0.18	0.1	0.32	1.08	0.74	0.69	0.2	0.836666667	2.064653	2.78E-05	9.56E-05	Pdcd1
1647	0.94	1.08	1.05	2.47	2.01	1.97	1.0233333333	2.15	1.071061	2.80E-05	9.60E-05	H3c14
1648	0.16	0.1	0.2	0.44	0.56	0.59	0.1533333333	0.53	1.789321	2.83E-05	9.72E-05	Kcnq1
1649	0.73	0.72	0.65	1.77	1.39	1.97	0.7	1.71	1.288569	2.90E-05	9.96E-05	Ctsf
1650	0.41	0.6	0.7	1.3	1.61	1.64	0.57	1.516666667	1.41187	2.91E-05	9.97E-05	Cd59a
1651	0.07	0.03	0.05	0.23	0.26	0.66	0.05	0.3833333333	2.938599	2.91E-05	9.98E-05	Plagl1
1652	0.51	0.76	0.33	1.55	1.29	1.28	0.5333333333	1.3733333333	1.364572	3.00E-05	0.000103	Msl3l2
1653	0	0	0	0.14	0.36	0.25	0.001	0.25	7.965784	3.01E-05	0.000103	Tex19.2
1654	0.29	0.42	0.31	1.12	0.66	0.74	0.34	0.84	1.304855	3.22E-05	0.00011	Tns2
1655	0.17	0.17	0.13	0.42	0.65	0.53	0.156666667	0.5333333333	1.767339	3.24E-05	0.000111	Scarf2
1656	0	0	0.05	0.98	0.52	1.04	0.016666667	0.846666667	5.666757	3.29E-05	0.000112	Tex12
1657	0.7	0.87	0.32	1.47	2.07	1.49	0.63	1.676666667	1.412172	3.38E-05	0.000115	Morn4
1658	0.81	0.73	0.41	2.88	2.12	1.8	0.65	2.266666667	1.802061	3.62E-05	0.000123	Smim40
1659	0	0	0	0.11	0.1	0.09	0.001	0.1	6.643856	3.83E-05	0.00013	Fam83g
1660	0	0.01	0	0.11	0.09	0.11	0.0033333333	0.1033333333	4.954196	3.87E-05	0.000131	Pla2r1
1661	0.25	0.05	0.21	0.77	0.75	0.45	0.17	0.656666667	1.949626	4.03E-05	0.000136	Hap1
1662	0	0	0	0.47	0.58	0.2	0.001	0.416666667	8.70275	4.08E-05	0.000138	Olf1054
1663	0.36	0.48	0.37	1.21	1.64	1.13	0.4033333333	1.326666667	1.717761	4.09E-05	0.000138	Azin2
1664	0.46	0.52	0.34	0.02	0.02	0	0.44	0.0133333333	-5.04439	4.13E-05	0.000139	Plin5
1665	2.41	2.92	2.42	1.22	1.36	1.28	2.5833333333	1.286666667	-1.0056	4.29E-05	0.000144	Slain1
1666	0	0	0	0.08	0.33	0.1	0.001	0.17	7.409391	4.38E-05	0.000147	Dmbt1
1667	0	0	0	0.8	0.4	0.66	0.001	0.62	9.276124	4.51E-05	0.000151	Crygn
1668	0.02	0	0	0.49	0.5	0.35	0.006666667	0.446666667	6.066089	4.54E-05	0.000152	Apod
1669	0	0	0.01	0.15	0.09	0.12	0.0033333333	0.12	5.169925	4.65E-05	0.000156	Lama3
1670	0	0	0	0.38	0.18	0.31	0.001	0.29	8.179909	4.80E-05	0.000161	Asz1
1671	0.47	0.42	0.43	0.03	0.04	0.03	0.44	0.0333333333	-3.72247	4.83E-05	0.000161	Muc3a

1672	1.16	1.12	1.12	0.5	0.55	0.46	1.133333333	0.503333333	-1.17099	4.83E-05	0.000162	Camkk1
1673	0.19	0.39	0.19	0.06	0.05	0.12	0.256666667	0.076666667	-1.74322	4.85E-05	0.000162	Kcnq5
1674	0.5	0.28	0.6	0	0	0	0.46	0.001	-8.84549	5.08E-05	0.00017	Chil5
1675	0.25	0.17	0.17	0.04	0.03	0.03	0.196666667	0.033333333	-2.56071	5.30E-05	0.000177	Glp1r
1676	5.24	7.62	5.1	1.45	2.18	2.57	5.986666667	2.066666667	-1.53445	5.46E-05	0.000182	Fcor
1677	0	0	0	0.12	0.14	0.04	0.001	0.1	6.643856	5.53E-05	0.000184	Adgrd1
1678	0.45	0.16	0.18	0.52	0.61	0.55	0.263333333	0.56	1.088537	5.58E-05	0.000186	Eda2r
1679	0.49	0.4	0.49	1	1.05	0.92	0.46	0.99	1.105795	5.61E-05	0.000186	Olfr509
1680	0.25	0.16	0.19	0.65	0.74	0.53	0.2	0.64	1.678072	5.67E-05	0.000188	Hhat
1681	0.13	0.08	0.07	0.3	0.33	0.33	0.093333333	0.32	1.777608	5.69E-05	0.000189	Ehd2
1682	0.19	0.17	0.3	0.77	0.69	0.93	0.22	0.796666667	1.856473	5.79E-05	0.000192	Htra1
1683	0.25	0.17	0.13	0.39	0.38	0.46	0.183333333	0.41	1.161155	6.12E-05	0.000202	Nynrin
1684	3.13	3.14	2.42	1.28	1.1	1.66	2.896666667	1.346666667	-1.105	6.27E-05	0.000207	Dnmt3l
1685	0.2	0.17	0.32	0.67	0.93	0.56	0.23	0.72	1.646363	6.29E-05	0.000208	Ccnb1ip1
1686	0.11	0.07	0.07	0.32	0.2	0.33	0.083333333	0.283333333	1.765535	6.32E-05	0.000208	Chst3
1687	0.26	0.26	0.06	0.84	0.67	0.6	0.193333333	0.703333333	1.863118	6.39E-05	0.00021	Gpr82
1688	0.43	0.58	0.31	0.09	0.04	0.11	0.44	0.08	-2.45943	6.54E-05	0.000215	Foxj1
1689	0.01	0	0.05	0.18	0.2	0.43	0.02	0.27	3.754888	6.60E-05	0.000217	Mpzl2
1690	0.28	0.18	0.16	0.42	0.47	0.53	0.206666667	0.473333333	1.195551	6.62E-05	0.000218	2700081O15Rik
1691	0.62	0.35	0.38	0.78	1.13	0.98	0.45	0.963333333	1.09811	6.82E-05	0.000224	Exoc3l4
1692	0.07	0.05	0.06	0.21	0.21	0.19	0.06	0.203333333	1.760812	7.01E-05	0.00023	St8sia6
1693	0.42	0.42	0.39	0.17	0.1	0.08	0.41	0.116666667	-1.81323	7.25E-05	0.000237	Carmil2
1694	0.35	0.25	0.31	0.04	0.06	0	0.303333333	0.033333333	-3.18587	7.57E-05	0.000247	Smtnl2
1695	0.52	0.69	0.49	1.12	1.2	1.15	0.566666667	1.156666667	1.029401	7.63E-05	0.000249	Ccr3
1696	1.13	0.76	1.6	0	0	0	1.163333333	0.001	-10.184	7.83E-05	0.000255	Cstdc6
1697	0.02	0.03	0.03	0.21	0.22	0.27	0.026666667	0.233333333	3.129283	7.93E-05	0.000258	Fam124a
1698	0.02	0.04	0.04	0.16	0.24	0.1	0.033333333	0.166666667	2.321928	8.01E-05	0.000261	Srgap1
1699	0.03	0.05	0.05	0.22	0.28	0.28	0.043333333	0.26	2.584963	8.13E-05	0.000265	Adgrf1
1700	0.26	0.21	0.22	0.03	0.04	0.05	0.23	0.04	-2.52356	8.17E-05	0.000266	Prr36
1701	0.2	0.1	0.13	0.32	0.28	0.32	0.143333333	0.306666667	1.097297	8.36E-05	0.000272	Ptprf
1702	0.06	0.05	0.14	0.38	0.41	0.39	0.083333333	0.393333333	2.238787	8.37E-05	0.000272	Gpd1
1703	1.96	1.1	1.93	3.46	2.98	4.59	1.663333333	3.676666667	1.144321	8.56E-05	0.000278	Dsndd2
1704	0.07	0.15	0.19	0.5	0.36	0.46	0.136666667	0.44	1.686842	8.84E-05	0.000287	Ust
1705	0.08	0.03	0.04	0.15	0.12	0.14	0.05	0.136666667	1.450661	8.86E-05	0.000287	Dchs1
1706	0	0	0	0.29	0.67	0.19	0.001	0.383333333	8.582456	8.92E-05	0.000289	Gm14444
1707	3.58	2.78	3.89	2.42	1.26	1.38	3.416666667	1.686666667	-1.01841	9.24E-05	0.000299	Cmss1
1708	0.04	0.03	0	0.24	0.3	0.27	0.023333333	0.27	3.532495	9.48E-05	0.000306	Mylk2
1709	1.01	1.16	0.72	2.15	2.24	2.09	0.963333333	2.16	1.164924	9.51E-05	0.000307	Cdkn2b

1710	0	0	0	0.2	0.26	0.31	0.001	0.256666667	8.003752	9.82E-05	0.000316	Cyp2c69
1711	0.19	0.14	0.14	1.42	1.16	1.03	0.156666667	1.203333333	2.941266	9.85E-05	0.000317	Hbb-bt
1712	0.19	0.07	0.1	0.5	0.3	0.53	0.12	0.443333333	1.885357	0.0001	0.000322	Hmga2
1713	0.23	0.15	0.28	0.57	0.62	0.88	0.22	0.69	1.649093	0.000107	0.000344	Acsbg3
1714	0.31	0.32	0.31	0.9	0.63	0.8	0.313333333	0.776666667	1.309597	0.000107	0.000344	Plscr4
1715	0.71	0.82	0.55	1.42	1.39	1.37	0.693333333	1.393333333	1.006919	0.000109	0.000348	Ryk
1716	0.41	0.44	0.41	0.84	0.99	0.74	0.42	0.856666667	1.028345	0.000112	0.000357	Rsad1
1717	0	0	0	0.07	0.05	0.13	0.001	0.083333333	6.380822	0.000112	0.000359	Hhipl1
1718	0	0	0	0.08	0.06	0.16	0.001	0.1	6.643856	0.000113	0.00036	Olfr1328
1719	0.16	0.1	0.16	0.43	0.37	0.47	0.14	0.423333333	1.596367	0.000113	0.000361	Zfp365
1720	0.13	0.37	0.25	0.65	0.69	0.72	0.25	0.686666667	1.457682	0.000113	0.000361	Zfp820
1721	0.16	0.3	0.18	0.82	0.67	0.68	0.213333333	0.723333333	1.761551	0.000117	0.000372	Efna2
1722	0	0	0	0.14	0.08	0.06	0.001	0.093333333	6.544321	0.000119	0.000379	Wnt9b
1723	0.6	0.46	0.4	0.89	1.17	0.92	0.486666667	0.993333333	1.029344	0.00012	0.000384	Armxc2
1724	0.02	0.02	0	0.25	0.34	0.37	0.013333333	0.32	4.584963	0.000124	0.000395	Mixl1
1725	0.07	0.05	0.03	0.25	0.3	0.18	0.05	0.243333333	2.282934	0.000128	0.000405	Plb1
1726	0.23	0.16	0.16	0.93	0.73	1.26	0.183333333	0.973333333	2.408465	0.000128	0.000406	Tspan8
1727	0	0.02	0	0.23	0.26	0.37	0.006666667	0.286666667	5.426265	0.000129	0.000409	Pgbd5
1728	0	0	0	0.38	0.49	0.51	0.001	0.46	8.84549	0.000131	0.000415	Otud6a
1729	4.15	4.58	5.58	2.18	2.15	1.95	4.77	2.093333333	-1.18819	0.000132	0.000418	Spink2
1730	1.15	1.19	0.78	2.31	2.04	2.08	1.04	2.143333333	1.043273	0.000134	0.000424	E130311K13Rik
1731	0	0	0	0.48	0.54	0.38	0.001	0.466666667	8.866249	0.000141	0.000447	Gm21731
1732	0.3	0.34	0.39	0.09	0.04	0.1	0.343333333	0.076666667	-2.16294	0.000144	0.000455	Slc22a3
1733	3.5	2.45	3.79	1.92	1.6	1.2	3.246666667	1.573333333	-1.04513	0.000146	0.00046	Gimap9
1734	0.01	0.02	0.02	0.08	0.12	0.07	0.016666667	0.09	2.432959	0.000153	0.000481	Igsf9b
1735	0.35	0.34	0.38	1.63	1.48	1.16	0.356666667	1.423333333	1.996625	0.000154	0.000485	Cdkn2a
1736	0.22	0.11	0.14	0.52	0.42	0.67	0.156666667	0.536666667	1.776328	0.000156	0.00049	Lad1
1737	0.01	0.01	0	0.17	0.2	0.45	0.006666667	0.273333333	5.357552	0.000159	0.0005	Dll1
1738	3.01	3.3	1.99	1.39	0.7	0.71	2.766666667	0.933333333	-1.56768	0.00016	0.000503	Mutyh
1739	0.05	0.09	0.11	0.43	0.45	0.31	0.083333333	0.396666667	2.250962	0.00016	0.000503	Gpr162
1740	0.02	0.02	0.01	0.13	0.13	0.08	0.016666667	0.113333333	2.765535	0.00016	0.000504	Greb1
1741	2.73	1.33	1.8	0.43	0.43	1.13	1.953333333	0.663333333	-1.55813	0.000163	0.000512	Ambp
1742	4.01	3.66	3.45	1.82	1.95	1.55	3.706666667	1.773333333	-1.06366	0.000165	0.000516	Phpt1
1743	0	0	0	0.15	0.2	0.11	0.001	0.153333333	7.260528	0.00017	0.000532	Efhc2
1744	0.08	0.12	0.17	0.39	0.35	0.41	0.123333333	0.383333333	1.636037	0.000172	0.000539	Col27a1
1745	0	0.02	0	0.16	0.31	0.2	0.006666667	0.223333333	5.066089	0.000172	0.000539	Mycbpap
1746	0.01	0	0.01	0.2	0.18	0.13	0.006666667	0.17	4.672425	0.000178	0.000556	Pzp
1747	0.46	0.57	0.45	0.08	0.07	0.09	0.493333333	0.08	-2.62449	0.000181	0.000565	P2rx3

1748	0	0	0	0.1	0.11	0.09	0.001	0.1	6.643856	0.000184	0.000574	Gm5128
1749	0.2	0.18	0.19	0.41	0.35	0.39	0.19	0.383333333	1.0126	0.000186	0.000578	Igf2bp1
1750	0.42	0.48	0.56	1.22	1.16	1.67	0.486666667	1.35	1.471954	0.000189	0.000588	Cgref1
1751	0.48	0.76	0.55	0.13	0.22	0.21	0.596666667	0.186666667	-1.67646	0.00019	0.000591	Gm35315
1752	0.13	0.13	0.09	0.63	0.33	0.25	0.116666667	0.403333333	1.78958	0.00019	0.000592	Abca5
1753	0.55	0.83	0.84	2.08	1.9	1.6	0.74	1.86	1.329705	0.000195	0.000604	Klra17
1754	0	0	0	0.13	0.26	0.12	0.001	0.17	7.409391	0.000202	0.000625	Taf7l2
1755	0.25	0.2	0.11	0.35	0.42	0.44	0.186666667	0.403333333	1.111508	0.000204	0.000633	Lhx2
1756	1.27	1.37	1.76	0.66	0.57	0.29	1.466666667	0.506666667	-1.53343	0.000207	0.00064	Ager
1757	0.5	0.34	0.25	1.36	1	1.25	0.363333333	1.203333333	1.727671	0.000207	0.000641	Tpm2
1758	0.12	0.12	0.07	0.4	0.46	0.29	0.103333333	0.383333333	1.891294	0.000208	0.000643	Hid1
1759	0.4	0.4	0.47	1.32	1.14	0.97	0.423333333	1.143333333	1.43338	0.000209	0.000647	Nrn1
1760	0.05	0.07	0.05	0.49	0.18	0.32	0.056666667	0.33	2.541894	0.000218	0.000673	Itga3
1761	0.53	0.92	0.96	1.81	1.77	1.88	0.803333333	1.82	1.179868	0.000221	0.000681	Rilp
1762	0.67	0.89	0.81	0.41	0.4	0.37	0.79	0.393333333	-1.0061	0.000223	0.000687	Glyctk
1763	0.42	0.31	0.33	0.09	0.06	0.09	0.353333333	0.08	-2.14296	0.000223	0.000687	Apln
1764	0.06	0.06	0.1	0.48	0.35	0.35	0.073333333	0.393333333	2.423211	0.000226	0.000696	Nxf2
1765	0.77	0.84	0.78	1.11	1.89	2.01	0.796666667	1.67	1.0678	0.000228	0.000701	Glccl1
1766	0.52	0.32	0.46	0.08	0.14	0.1	0.433333333	0.106666667	-2.02237	0.00023	0.000708	Mboat2
1767	0.13	0.12	0.01	0.34	0.33	0.28	0.086666667	0.316666667	1.869416	0.000231	0.000712	Fam171a1
1768	0	0.08	0	0.43	0.88	0.38	0.026666667	0.563333333	4.400879	0.000233	0.000716	Aspa
1769	0.03	0.02	0.05	0.16	0.31	0.3	0.033333333	0.256666667	2.944858	0.000235	0.000722	Aloxe3
1770	0	0	0.05	0.38	0.29	0.38	0.016666667	0.35	4.392317	0.000236	0.000725	Slc25a21
1771	0.08	0.01	0.03	0.13	0.25	0.27	0.04	0.216666667	2.437405	0.000238	0.00073	Armc2
1772	0.01	0	0.01	0.14	0.13	0.11	0.006666667	0.126666667	4.247928	0.000238	0.000732	Adamts14
1773	0.12	0.21	0.17	0.02	0.01	0	0.166666667	0.01	-4.05889	0.000245	0.000751	Chrm1
1774	1.15	1.12	1.27	0.62	0.62	0.34	1.18	0.526666667	-1.16382	0.000246	0.000752	Frat1
1775	0	0	0	0.51	0.46	0.32	0.001	0.43	8.748193	0.000248	0.00076	Gsta2
1776	0.45	0.57	0.42	0.05	0.12	0	0.48	0.056666667	-3.08246	0.000252	0.000771	Fbxo27
1777	0	0	0	0.16	0.16	0.31	0.001	0.21	7.714246	0.000255	0.000779	Mmel1
1778	0.29	0.25	0.28	0.62	0.62	0.48	0.273333333	0.573333333	1.068713	0.000259	0.000791	Adam11
1779	0.01	0	0	0.11	0.18	0.13	0.003333333	0.14	5.392317	0.00026	0.000794	Elfn1
1780	0.03	0.05	0.01	0.72	0.42	0.31	0.03	0.483333333	4.009984	0.000261	0.000797	Gm973
1781	0	0	0	0.3	0.31	0.17	0.001	0.26	8.022368	0.000263	0.000802	Slc9b1
1782	0.06	0.14	0.09	0.4	0.33	0.32	0.096666667	0.35	1.856265	0.000264	0.000804	Abcb4
1783	0.03	0.04	0.04	0.47	0.36	0.71	0.036666667	0.513333333	3.807355	0.000264	0.000804	Rtn4rl2
1784	1.52	1.23	2.02	3.04	3.42	3.59	1.59	3.35	1.075134	0.000267	0.000812	Gng11
1785	0	0	0.01	0.04	0.1	0.17	0.003333333	0.103333333	4.954196	0.00027	0.000822	Olf1258

1786	0.02	0.03	0.08	0.23	0.24	0.2	0.043333333	0.223333333	2.365649	0.000275	0.000836	Camsap3
1787	0.34	0.39	0.43	0.82	0.67	0.87	0.386666667	0.786666667	1.024662	0.000275	0.000837	Nlgn2
1788	0	0.03	0	0.16	0.21	0.15	0.01	0.173333333	4.115477	0.000278	0.000845	Clic6
1789	0	0	0	0.51	0.15	0.44	0.001	0.366666667	8.518325	0.000279	0.000848	Ndufb11b
1790	0.04	0.01	0.06	0.21	0.13	0.18	0.036666667	0.173333333	2.241008	0.000286	0.000866	Edaradd
1791	0.29	0.34	0.23	0.63	0.72	0.5	0.286666667	0.616666667	1.105117	0.000293	0.000887	Scml4
1792	2.39	2.55	2.52	1.31	1.01	1.18	2.486666667	1.166666667	-1.09182	0.000311	0.000938	Dnph1
1793	0.02	0.02	0.02	0.25	0.2	0.32	0.02	0.256666667	3.681824	0.000321	0.000967	Slc27a6
1794	0.03	0	0	0.27	0.2	0.14	0.01	0.203333333	4.345775	0.000325	0.000979	Gpc6
1795	0.61	0.64	0.72	0.12	0.33	0.13	0.656666667	0.193333333	-1.76407	0.000336	0.001008	Pygm
1796	0.03	0.02	0.04	0.19	0.15	0.18	0.03	0.173333333	2.530515	0.000339	0.001019	Slc9a2
1797	0.11	0.1	0.09	0.21	0.4	0.35	0.1	0.32	1.678072	0.000345	0.001037	Pou4f1
1798	2.89	3.55	2.96	1.35	1.43	1.71	3.133333333	1.496666667	-1.06595	0.000351	0.001051	Paxx
1799	0.31	0.5	0.2	1.22	1.04	0.66	0.336666667	0.973333333	1.531613	0.000363	0.001086	Il12b
1800	0	0	0	0.23	0.14	0.18	0.001	0.183333333	7.518325	0.000366	0.001096	Cyp2b13
1801	0.72	0.71	0.78	1.89	1.45	1.97	0.736666667	1.77	1.264665	0.000378	0.00113	Rrad
1802	0.07	0.04	0.01	0.31	0.18	0.18	0.04	0.223333333	2.481127	0.000385	0.00115	Slc6a19
1803	0.28	0.33	0.25	0.75	0.74	0.75	0.286666667	0.746666667	1.38109	0.000386	0.001153	Tcf7
1804	0.42	0.05	0.06	0.66	0.66	1.11	0.176666667	0.81	2.196892	0.000387	0.001155	Col4a1
1805	0.83	0.66	0.88	1.77	1.39	1.59	0.79	1.583333333	1.00304	0.00039	0.001162	Gem
1806	0.08	0.04	0.13	0.32	0.29	0.29	0.083333333	0.3	1.847997	0.000403	0.0012	Ctnnd2
1807	0.01	0	0	0.11	0.05	0.06	0.003333333	0.073333333	4.459432	0.000405	0.001203	Nyap2
1808	0.03	0.01	0.03	0.15	0.17	0.17	0.023333333	0.163333333	2.807355	0.000415	0.001232	Sel1l3
1809	1	0.5	1.02	1.87	1.59	1.67	0.84	1.71	1.025535	0.000437	0.001293	Anxa8
1810	0	0	0.01	0.16	0.08	0.1	0.003333333	0.113333333	5.087463	0.00044	0.001301	Mrph
1811	0.98	0.95	0.9	2.14	1.93	1.79	0.943333333	1.953333333	1.050099	0.000441	0.001305	Rhod
1812	0.27	0.45	0.34	0.93	0.63	0.77	0.353333333	0.776666667	1.136266	0.00045	0.001329	Pard6b
1813	0.08	0.05	0.18	0.38	0.36	0.42	0.103333333	0.386666667	1.903785	0.000458	0.001354	Pla2g5
1814	0.04	0.19	0	0.37	0.5	0.49	0.076666667	0.453333333	2.563901	0.000462	0.001363	Cd5l
1815	0.8	1.06	0.83	0.49	0.29	0.13	0.896666667	0.303333333	-1.56367	0.000463	0.001366	Reep6
1816	0.51	0.14	0.4	0.72	1.15	0.81	0.35	0.893333333	1.351844	0.000473	0.001392	Fndc5
1817	0.98	0.45	0.51	0.18	0.12	0.65	0.646666667	0.316666667	-1.03006	0.000493	0.001448	Cyp39a1
1818	0.07	0.08	0.13	0.34	0.37	0.67	0.093333333	0.46	2.30117	0.000501	0.001468	Plekha4
1819	0.08	0.33	0.13	0.36	0.28	0.56	0.18	0.4	1.152003	0.000506	0.001482	Slc4a3
1820	0.01	0	0.02	0.07	0.08	0.04	0.01	0.063333333	2.662965	0.000507	0.001484	Sdk2
1821	0.53	0.5	0.42	1.49	1.02	1.16	0.483333333	1.223333333	1.339727	0.000514	0.001503	Lgi4
1822	0.35	0.25	0.29	0.08	0.08	0.11	0.296666667	0.09	-1.72085	0.000532	0.001553	Dixdc1
1823	2.48	2.08	2.11	0.81	0.81	0.71	2.223333333	0.776666667	-1.51736	0.000538	0.00157	Spata24

1824	1.62	1.75	1.99	0.59	0.42	0.43	1.786666667	0.48	-1.89616	0.000546	0.001592	Gchfr
1825	0	0	0	0.08	0.21	0.1	0.001	0.13	7.022368	0.000554	0.001614	Pnma5
1826	0.02	0	0	0.2	0.13	0.29	0.006666667	0.206666667	4.954196	0.000555	0.001615	Cygb
1827	0.01	0	0	0.07	0.05	0.09	0.003333333	0.07	4.392317	0.000561	0.001632	Pi15
1828	0	0	0	0.54	0.64	0.29	0.001	0.49	8.936638	0.000567	0.001648	Gm10800
1829	0.77	1.09	1.08	2.62	1.89	2.72	0.98	2.41	1.298179	0.000581	0.001689	Acy3
1830	0	0	0.04	0.38	0.24	0.34	0.013333333	0.32	4.584963	0.000584	0.001696	Cend1
1831	0.09	0.17	0.17	0.35	0.36	0.43	0.143333333	0.38	1.406625	0.000586	0.001702	Scn2b
1832	0.26	0	0.14	0.91	1.37	0.82	0.133333333	1.033333333	2.954196	0.000586	0.001703	Cox6a2
1833	0.1	0.09	0.05	0.22	0.45	0.35	0.08	0.34	2.087463	0.0006	0.001741	Olfr975
1834	0.26	0.27	0.23	0.56	0.47	0.57	0.253333333	0.533333333	1.074001	0.000603	0.001748	Diras2
1835	0	0.02	0	0.16	0.17	0.11	0.006666667	0.146666667	4.459432	0.000611	0.001772	Gng4
1836	0.3	0.69	0.48	1.26	1.23	1.07	0.49	1.186666667	1.276061	0.000621	0.001798	Tha1
1837	0.16	0.2	0.33	0.61	0.59	0.72	0.23	0.64	1.476438	0.000625	0.001809	Il23r
1838	0.19	0.21	0.21	1.25	0.85	0.8	0.203333333	0.966666667	2.249172	0.00063	0.001823	Fam167b
1839	0.07	0	0.03	0.24	0.21	0.25	0.033333333	0.233333333	2.807355	0.000642	0.001856	Cd4
1840	0	0	0	0.09	0.08	0.1	0.001	0.09	6.491853	0.000645	0.001864	Drd1
1841	0.01	0.03	0.03	0.15	0.18	0.28	0.023333333	0.203333333	3.123382	0.000645	0.001864	Eps8l2
1842	0.06	0.15	0	0.92	0.82	0.78	0.07	0.84	3.584963	0.000656	0.001894	Pgpep1l
1843	0.03	0.03	0.01	0.16	0.19	0.13	0.023333333	0.16	2.777608	0.000666	0.001921	Aox1
1844	0	0	0	0.22	0.42	0.09	0.001	0.243333333	7.92679	0.000678	0.001956	Sh2d6
1845	0.21	0.07	0.21	0.28	0.66	0.58	0.163333333	0.506666667	1.633218	0.000682	0.001965	Syngap1
1846	0	0	0	0.45	0.31	0.35	0.001	0.37	8.531381	0.000686	0.001975	Klra5
1847	0	0	0	0.04	0.03	0.03	0.001	0.033333333	5.058894	0.000686	0.001975	Pappa2
1848	0	0.03	0.01	0.26	0.25	0.45	0.013333333	0.32	4.584963	0.000691	0.001988	Dact2
1849	0.04	0.04	0.04	0.47	0.54	0.37	0.04	0.46	3.523562	0.000753	0.00216	Nt5c1a
1850	0.17	0.19	0.14	0.68	0.74	0.96	0.166666667	0.793333333	2.250962	0.000756	0.002167	Prss37
1851	2.44	1.93	2.36	1.25	1.01	0.87	2.243333333	1.043333333	-1.10444	0.000757	0.002169	Tmem38a
1852	0.05	0	0	0.41	0.44	0.09	0.016666667	0.313333333	4.232661	0.000765	0.002191	Hapln3
1853	0	0	0	0.06	0.03	0.02	0.001	0.036666667	5.196397	0.000772	0.002209	Lrp1b
1854	0.61	0.75	0.77	0.16	0.24	0.32	0.71	0.24	-1.56478	0.000776	0.002221	Lmntd2
1855	0.02	0	0	0.08	0.14	0.19	0.006666667	0.136666667	4.357552	0.000789	0.002252	Scn3b
1856	1.12	1.14	0.9	0.33	0.6	0.56	1.053333333	0.496666667	-1.08461	0.000789	0.002253	Avpr2
1857	0.03	0.03	0	0.16	0.16	0.22	0.02	0.18	3.169925	0.000804	0.002293	Sox7
1858	0.02	0.1	0.02	0.42	0.4	0.23	0.046666667	0.35	2.906891	0.000817	0.002329	Tmem102
1859	0.25	0.53	0.55	1.16	0.78	0.86	0.443333333	0.933333333	1.074001	0.00082	0.002337	Scd4
1860	0.1	0.07	0.12	0.39	0.33	0.55	0.096666667	0.423333333	2.130704	0.000827	0.002354	Coro6
1861	1.01	1.24	1.1	0.63	0.3	0.43	1.116666667	0.453333333	-1.30055	0.000832	0.002368	Rasl11b

1862	0.01	0.02	0.02	0.18	0.21	0.17	0.016666667	0.186666667	3.485427	0.000844	0.002398	Arsi
1863	0	0	0	0.05	0.04	0.06	0.001	0.05	5.643856	0.000878	0.002491	Trank1
1864	1.58	1.57	1.74	0.72	0.96	0.66	1.63	0.78	-1.06333	0.000878	0.002491	Eno1b
1865	0	0	0	0.12	0.04	0.04	0.001	0.066666667	6.058894	0.000893	0.00253	A2ml1
1866	0	0	0.02	0.06	0.19	0.14	0.006666667	0.13	4.285402	0.000893	0.002531	Gbp10
1867	0.35	0.09	0.13	0.26	0.84	0.47	0.19	0.523333333	1.461731	0.000901	0.002551	Ms4a4b
1868	0.41	0.33	0.48	0.08	0.07	0.06	0.406666667	0.07	-2.53842	0.000905	0.002562	Cyp26a1
1869	0.41	0.5	0.42	1.03	1.07	0.84	0.443333333	0.98	1.14439	0.000918	0.002596	Bfsp1
1870	0.13	0.13	0.15	0.31	0.37	0.43	0.136666667	0.37	1.436864	0.00092	0.0026	Bicd1
1871	0	0.02	0.06	0.19	0.21	0.24	0.026666667	0.213333333	3	0.000924	0.002612	Kctd19
1872	0.24	0.22	0.25	0.48	0.46	0.53	0.236666667	0.49	1.049925	0.000936	0.002641	Sobp
1873	0.05	0.04	0.05	0.09	0.11	0.18	0.046666667	0.126666667	1.440573	0.000945	0.002666	Frem2
1874	0.03	0.01	0.03	0.21	0.1	0.24	0.023333333	0.183333333	2.974005	0.001007	0.002833	Sox5
1875	0.21	0.22	0.38	0.02	0.03	0.07	0.27	0.04	-2.75489	0.001014	0.002852	Il22ra2
1876	0.31	0.49	0.65	1.47	1.01	1.29	0.483333333	1.256666667	1.378512	0.001015	0.002856	Ceacam15
1877	0.12	0.32	0.13	0.69	1.38	0.96	0.19	1.01	2.410284	0.00102	0.002869	Rnase2b
1878	0	0.02	0.03	0.13	0.44	0.28	0.016666667	0.283333333	4.087463	0.001024	0.002879	Abca8a
1879	0.17	0.16	0.07	0.51	0.48	0.38	0.133333333	0.456666667	1.776104	0.001039	0.002917	Zbtb32
1880	0	0	0.03	0.41	0.2	0.32	0.01	0.31	4.954196	0.001051	0.00295	Gpr33
1881	0.07	0.05	0.01	0.2	0.23	0.26	0.043333333	0.23	2.408085	0.001075	0.003012	Kcnab1
1882	0.04	0.22	0.33	0.84	0.82	0.88	0.196666667	0.846666667	2.106042	0.00108	0.003026	Sycp3
1883	1.73	2.01	1.68	3.42	4.5	3.09	1.806666667	3.67	1.02245	0.001088	0.003049	Selenom
1884	0.01	0.01	0.01	0.06	0.08	0.14	0.01	0.093333333	3.222392	0.001131	0.003161	Fzd8
1885	0.31	0.09	0.11	0.52	0.42	0.53	0.17	0.49	1.527247	0.001138	0.003178	Tgfb3
1886	0	0.03	0.03	0.27	0.27	0.26	0.02	0.266666667	3.736966	0.001142	0.00319	Sfrp5
1887	0	0	0	0.07	0.1	0.14	0.001	0.103333333	6.691162	0.001155	0.003224	Cnga3
1888	0	0	0	0.05	0.34	0.09	0.001	0.16	7.321928	0.001176	0.00328	Krt8
1889	0.02	0.02	0.03	0.07	0.11	0.09	0.023333333	0.09	1.947533	0.001181	0.003293	D630045J12Rik
1890	0.3	0.26	0.13	0	0.02	0	0.23	0.006666667	-5.10852	0.001184	0.0033	Slc22a20
1891	0.22	0.02	0.14	0.66	0.29	0.66	0.126666667	0.536666667	2.082989	0.001203	0.003349	Armxc6
1892	0.07	0.09	0.08	0.3	0.31	0.21	0.08	0.273333333	1.77259	0.001205	0.003353	Hcn3
1893	0.01	0.02	0	0.07	0.11	0.06	0.01	0.08	3	0.001209	0.003365	Slco2a1
1894	0	0	0	0.2	0.13	0.17	0.001	0.166666667	7.380822	0.001214	0.003378	Gm28047
1895	0.56	0.34	0.36	0.13	0.19	0.2	0.42	0.173333333	-1.27684	0.001215	0.003379	Amot
1896	0	0.01	0.05	0.15	0.24	0.17	0.02	0.186666667	3.222392	0.001219	0.00339	Camk2b
1897	0	0	0	0.01	0.02	0.03	0.001	0.02	4.321928	0.001221	0.003394	Fat2
1898	0.07	0.08	0	0.49	0.67	0.24	0.05	0.466666667	3.222392	0.001226	0.003407	Clcnkb
1899	0.03	0.02	0.05	0.19	0.18	0.36	0.033333333	0.243333333	2.867896	0.001232	0.003421	Rhbdf1

1900	0.1	0.1	0.12	0.34	0.52	0.6	0.106666667	0.486666667	2.189825	0.00127	0.003517	Rnf183
1901	0.65	0.61	0.89	1.83	1.98	1.81	0.716666667	1.873333333	1.386233	0.001271	0.003518	Fabp7
1902	1.09	0.91	0.83	0.31	0.48	0.39	0.943333333	0.393333333	-1.26202	0.001277	0.003534	Fbxo17
1903	0.09	0.06	0.07	0.3	0.31	0.21	0.073333333	0.273333333	1.89812	0.001296	0.003583	Flvcr2
1904	0.01	0	0	0.12	0.16	0.1	0.003333333	0.126666667	5.247928	0.001327	0.003666	Stab2
1905	0.02	0	0	0.08	0.06	0.13	0.006666667	0.09	3.754888	0.001331	0.003675	Pdgfra
1906	1.96	1.65	0.62	4.42	3.16	3.19	1.41	3.59	1.348289	0.001332	0.003676	Mt3
1907	1.84	2.17	1.97	1.13	0.73	1.09	1.993333333	0.983333333	-1.01943	0.001353	0.00373	Fv1
1908	0.03	0.03	0.03	0.17	0.1	0.14	0.03	0.136666667	2.187627	0.001359	0.003747	Abca6
1909	2.27	2.05	1.88	0.64	0.97	1.09	2.066666667	0.9	-1.19931	0.001363	0.003757	Smad3
1910	0.07	0.07	0.09	0.18	0.16	0.25	0.076666667	0.196666667	1.359081	0.001376	0.00379	Zfp334
1911	0.15	0.17	0.13	0.01	0.06	0.03	0.15	0.033333333	-2.16993	0.001402	0.003859	Adgrl4
1912	0	0	0	0.19	0.21	0.15	0.001	0.183333333	7.518325	0.001415	0.003892	Ms4a4d
1913	0.08	0.13	0.11	0.27	0.28	0.3	0.106666667	0.283333333	1.409391	0.001435	0.003945	Chmp4c
1914	0.22	0.12	0.16	0.6	0.54	0.4	0.166666667	0.513333333	1.62293	0.001454	0.003993	Wdr86
1915	0.05	0.08	0.01	0.3	0.21	0.13	0.046666667	0.213333333	2.192645	0.001458	0.004004	Pak6
1916	0.01	0.01	0	0.06	0.18	0.17	0.006666667	0.136666667	4.357552	0.001462	0.004013	Cdr2l
1917	0.06	0.1	0.07	0.23	0.22	0.31	0.076666667	0.253333333	1.724366	0.001481	0.004063	Tafa3
1918	0.08	0.11	0	0.28	0.47	0.42	0.063333333	0.39	2.622437	0.001514	0.004148	B4galnt2
1919	0	0	0	0.07	0.06	0.12	0.001	0.083333333	6.380822	0.001519	0.00416	Hcar1
1920	0.02	0	0.03	0.37	0.21	0.17	0.016666667	0.25	3.906891	0.001561	0.004271	Havcr1
1921	0.32	0.4	0.3	1.08	1.03	1.02	0.34	1.043333333	1.617594	0.001564	0.004277	Calhm6
1922	0.01	0	0.01	0.08	0.1	0.14	0.006666667	0.106666667	4	0.001566	0.00428	Npc1l1
1923	0.01	0.02	0	0.2	0.17	0.11	0.01	0.16	4	0.001571	0.004293	Enox1
1924	0.02	0	0.02	0.11	0.17	0.14	0.013333333	0.14	3.392317	0.001575	0.004302	Osbp2
1925	0	0.01	0.01	0.04	0.05	0.05	0.006666667	0.046666667	2.807355	0.001578	0.004309	Tnxb
1926	0	0	0	0.11	0.04	0.09	0.001	0.08	6.321928	0.001614	0.004401	Gm7903
1927	0.02	0.03	0.04	0.18	0.58	0.4	0.03	0.386666667	3.688056	0.001657	0.004509	Thrb
1928	0	0.01	0.01	0.04	0.06	0.04	0.006666667	0.046666667	2.807355	0.001657	0.004509	Vmn1r43
1929	0.06	0.06	0.03	0.29	0.21	0.16	0.05	0.22	2.137504	0.001664	0.004528	En2
1930	1.23	1.31	1.09	0	0.53	0.17	1.21	0.233333333	-2.37454	0.001725	0.004684	Rnase12
1931	0.47	0.76	0.76	0.38	0.26	0.14	0.663333333	0.26	-1.35122	0.001727	0.004689	Rps6kl1
1932	0.26	0.34	0.16	0.08	0.04	0.06	0.253333333	0.06	-2.078	0.001736	0.004712	Apold1
1933	0.05	0.07	0.11	0.28	0.24	0.21	0.076666667	0.243333333	1.666263	0.001756	0.004763	Celf4
1934	0.34	0.27	0.21	0	0.01	0.01	0.273333333	0.006666667	-5.35755	0.001759	0.004771	Aldh3b3
1935	0	0	0	0.23	0.16	0.15	0.001	0.18	7.491853	0.001785	0.004839	Gm6268
1936	0	0.01	0	0.08	0.06	0.05	0.003333333	0.063333333	4.247928	0.001821	0.004931	Cacna1s
1937	0.2	0.25	0.36	0.08	0	0.07	0.27	0.05	-2.43296	0.00183	0.004954	Gm37240

1938	0	0.01	0.02	0.14	0.17	0.07	0.01	0.126666667	3.662965	0.001845	0.004994	Ppargc1a
1939	0	0	0	0.28	0.26	0.16	0.001	0.233333333	7.866249	0.00185	0.005006	Olfr1330
1940	0.1	0.04	0.18	0	0	0	0.106666667	0.001	-6.73697	0.001862	0.005037	Xkr7
1941	0.04	0	0	0.2	0.18	0.14	0.013333333	0.173333333	3.70044	0.001864	0.005043	Tmod1
1942	1.56	0.96	0.64	0.68	0.49	0.24	1.053333333	0.47	-1.16423	0.001876	0.005074	P4ha2
1943	0.06	0.06	0.08	0.55	0.3	0.22	0.066666667	0.356666667	2.419539	0.001888	0.005103	Eya1
1944	0	0	0	0.18	0.29	0.26	0.001	0.243333333	7.92679	0.001901	0.005136	Tex101
1945	0.28	0.09	0.12	0.39	0.44	0.41	0.163333333	0.413333333	1.339486	0.001908	0.005153	Kif19a
1946	0.03	0.03	0.27	0.4	0.73	0.55	0.11	0.56	2.347923	0.001912	0.005161	Gzmb
1947	0.39	0.22	0.28	0.05	0	0.08	0.296666667	0.043333333	-2.77529	0.001938	0.005227	Ces1d
1948	0.18	0.16	0.12	0.38	0.44	0.43	0.153333333	0.416666667	1.442222	0.00195	0.005252	Slc13a3
1949	0.09	0.11	0.08	0.03	0.01	0.02	0.093333333	0.02	-2.22239	0.001988	0.005352	Atp2b2
1950	0.17	0.32	0.36	0.75	0.62	0.95	0.283333333	0.773333333	1.44859	0.002033	0.005466	Cxcl14
1951	1.69	1.35	2.86	0.53	0.84	0.96	1.966666667	0.776666667	-1.34038	0.002051	0.005513	Vsig10l
1952	0.11	0	0.03	0.22	0.26	0.13	0.046666667	0.203333333	2.123382	0.002056	0.005525	Cadm1
1953	0	0	0	0.26	0.25	0.63	0.001	0.38	8.569856	0.002086	0.0056	Gm10719
1954	0.01	0.01	0.01	0.08	0.06	0.03	0.01	0.056666667	2.5025	0.002124	0.005699	Zfp462
1955	0.3	0.43	0.41	0.15	0.19	0.13	0.38	0.156666667	-1.2783	0.002129	0.005712	Prx
1956	0.06	0.24	0.05	0.33	0.43	0.34	0.116666667	0.366666667	1.652077	0.00213	0.005712	Scml2
1957	0	0	0	0.08	0.09	0.05	0.001	0.073333333	6.196397	0.002149	0.005761	Naa11
1958	1.21	1.16	0.89	0.73	0.46	0.36	1.086666667	0.516666667	-1.0726	0.002154	0.005773	Trim45
1959	0	0	0	0.03	0.07	0.03	0.001	0.043333333	5.437405	0.002184	0.005843	Ryr2
1960	1.72	0.91	1.24	0.55	0.58	0.42	1.29	0.516666667	-1.32007	0.002184	0.005843	Adtrp
1961	0.12	0.03	0.14	0.28	0.28	0.4	0.096666667	0.32	1.726982	0.00219	0.005856	Gipc3
1962	0	0.05	0.04	0.53	0.28	0.46	0.03	0.423333333	3.81876	0.00221	0.005903	Cmtm2a
1963	0.04	0.02	0.02	0.19	0.16	0.15	0.026666667	0.166666667	2.643856	0.002216	0.005916	Dgki
1964	0.19	0.17	0.19	0	0	0.03	0.183333333	0.01	-4.1964	0.002229	0.005947	Krt86
1965	0.08	0.04	0.06	0.12	0.14	0.16	0.06	0.14	1.222392	0.002251	0.006002	Dnah2
1966	0.01	0	0.01	0.13	0.12	0.13	0.006666667	0.126666667	4.247928	0.002311	0.00615	Bmp2
1967	0	0	0	0.05	0.05	0.06	0.001	0.053333333	5.736966	0.002316	0.006162	Pcdhga11
1968	0.22	0.2	0.22	0.51	0.82	0.57	0.213333333	0.633333333	1.569856	0.002353	0.006255	Fgfbp3
1969	0.21	0.19	0.19	0.48	0.57	0.46	0.196666667	0.503333333	1.355762	0.002414	0.006401	Espn
1970	0.31	0.14	0.55	0.05	0.08	0.03	0.333333333	0.053333333	-2.64386	0.002439	0.006467	Nrg2
1971	0.31	0.38	0.19	0.12	0.1	0.1	0.293333333	0.106666667	-1.45943	0.002458	0.006512	Notch4
1972	0.25	0.21	0.39	0.03	0.04	0.12	0.283333333	0.063333333	-2.16146	0.002465	0.006529	Nap1l3
1973	0.1	0.09	0.09	0.03	0.02	0.03	0.093333333	0.026666667	-1.80735	0.002469	0.006536	Dsp
1974	0	0	0	0.43	0.4	0.14	0.001	0.323333333	8.336878	0.002486	0.006577	Wfdc12
1975	0.18	0.27	0.26	0.77	0.7	0.57	0.236666667	0.68	1.522678	0.002537	0.0067	Rem1

1976	0.02	0	0.01	0.13	0.11	0.16	0.01	0.133333333	3.736966	0.002552	0.006734	Unc45b
1977	0.07	0.08	0.03	0.18	0.16	0.29	0.06	0.21	1.807355	0.002587	0.006823	Ccdc40
1978	0.02	0.08	0.05	0.26	0.15	0.24	0.05	0.216666667	2.115477	0.00262	0.006904	Epn2
1979	0.18	0.11	0.3	0.05	0.04	0.18	0.196666667	0.09	-1.12776	0.002652	0.006986	Tet1
1980	0.07	0.03	0.05	0.3	0.24	0.44	0.05	0.326666667	2.707819	0.002677	0.007045	Shisa4
1981	0.15	0.19	0.48	0.6	0.93	0.43	0.273333333	0.653333333	1.257158	0.002678	0.007045	Tbc1d30
1982	0.01	0.01	0.01	0.11	0.13	0.12	0.01	0.12	3.584963	0.002686	0.007067	Gldc
1983	0.03	0.05	0.02	0.12	0.18	0.12	0.033333333	0.14	2.070389	0.002697	0.007092	Slc8a2
1984	0	0.04	0	0.09	0.16	0.28	0.013333333	0.176666667	3.72792	0.00271	0.007121	Dlx3
1985	0.63	0.39	0.3	0.94	1.03	0.85	0.44	0.94	1.095157	0.002731	0.007173	Tubb2b
1986	0.32	0.24	0.34	0.61	0.69	0.69	0.3	0.663333333	1.144772	0.002752	0.007225	Crppa
1987	0	0.01	0	0.13	0.04	0.02	0.003333333	0.063333333	4.247928	0.002761	0.007247	Dnah7c
1988	0.69	0.35	1.1	2.26	1.92	2.07	0.713333333	2.083333333	1.546245	0.002788	0.007315	Gm16181
1989	0.11	0	0.02	0.07	0.17	0.04	0.043333333	0.093333333	1.106915	0.002789	0.007316	Tenm4
1990	0	0	0	0.06	0.1	0.07	0.001	0.076666667	6.260528	0.002806	0.007358	Foxl2
1991	0.06	0.01	0.03	0	0	0	0.033333333	0.001	-5.05889	0.002816	0.007383	Adamts5
1992	0.78	0.75	0.75	0.39	0.29	0.32	0.76	0.333333333	-1.18903	0.002858	0.00749	Fndc9
1993	1	0.83	0.7	0.34	0.52	0.37	0.843333333	0.41	-1.04048	0.002981	0.007791	Cacnb2
1994	0.36	0.38	0.26	0.66	0.56	0.82	0.333333333	0.68	1.028569	0.003004	0.007845	Rtn1
1995	0.09	0.2	0.06	0.16	0.27	0.32	0.116666667	0.25	1.099536	0.003005	0.007847	Stum
1996	0	0.12	0.09	0.49	0.19	0.51	0.07	0.396666667	2.5025	0.003032	0.00791	Ttll2
1997	0.07	0.03	0.03	0.11	0.11	0.15	0.043333333	0.123333333	1.509014	0.003069	0.007998	Ttc28
1998	0.08	0	0.03	0.15	0.31	0.23	0.036666667	0.23	2.649093	0.003115	0.008114	Unc93a2
1999	0	0	0	0.14	0.11	0.16	0.001	0.136666667	7.094518	0.003117	0.008119	Mageb16
2000	0.23	0.13	0.35	0	0.03	0	0.236666667	0.01	-4.56478	0.003127	0.00814	Fbxw24
2001	0	0	0.03	0.1	0.18	0.07	0.01	0.116666667	3.544321	0.003158	0.008208	Tdrd5
2002	0	0	0.03	0.11	0.08	0.12	0.01	0.103333333	3.369234	0.003176	0.008244	Zfp804a
2003	0	0	0.01	0.08	0.1	0.07	0.003333333	0.083333333	4.643856	0.003299	0.008539	Dlgap1
2004	2.39	2.01	1.89	0.95	0.96	1.19	2.096666667	1.033333333	-1.02079	0.003299	0.008539	Kdm8
2005	4.36	0.45	1.28	0.33	0.35	0.12	2.03	0.266666667	-2.92837	0.003311	0.008566	Pagr1a
2006	0.17	0.28	0.07	0	0.02	0	0.173333333	0.006666667	-4.70044	0.003343	0.008643	Lrrc6
2007	0.13	0.05	0	1.18	0.36	0.51	0.06	0.683333333	3.509555	0.003378	0.008727	Folr1
2008	0	0.01	0.02	0.08	0.17	0.33	0.01	0.193333333	4.273018	0.003387	0.008749	Adgrf5
2009	0	0.03	0.03	0.31	0.25	0.26	0.02	0.273333333	3.77259	0.00345	0.008903	Ripply3
2010	0.02	0.22	0.02	0.32	0.23	0.3	0.086666667	0.283333333	1.708951	0.003483	0.008977	Kcng2
2011	0.01	0	0.01	0.09	0.09	0.09	0.006666667	0.09	3.754888	0.003497	0.009007	Wwc1
2012	0.12	0.26	0.35	0.67	0.7	0.63	0.243333333	0.666666667	1.454032	0.003522	0.009068	Crhbp
2013	0.16	0.26	0.25	0.53	0.38	0.53	0.223333333	0.48	1.103836	0.003556	0.00914	Arhgap28

2014	0	0.09	0.14	0.54	0.48	0.48	0.076666667	0.5	2.705257	0.003567	0.009163	Dnajb3
2015	0.01	0	0	0.11	0.05	0.1	0.003333333	0.086666667	4.70044	0.003604	0.009253	Zfyve28
2016	0.09	0.05	0.05	0.52	0.27	0.21	0.063333333	0.333333333	2.395929	0.003654	0.009379	Ccdc65
2017	0.32	0.33	0.34	0.96	0.65	1.02	0.33	0.876666667	1.409562	0.003765	0.009638	Dusp13
2018	0.23	0.41	0.4	0.86	0.46	1.19	0.346666667	0.836666667	1.271104	0.003818	0.009765	Cap2
2019	0.14	0.11	0.13	0.28	0.25	0.4	0.126666667	0.31	1.291231	0.003838	0.009811	Spry4
2020	0.05	0.07	0	0.16	0.3	0.21	0.04	0.223333333	2.481127	0.003862	0.009862	Mfsd4b1
2021	0.15	0.34	0.21	0.91	0.48	0.51	0.233333333	0.633333333	1.440573	0.003869	0.009881	Pfn2
2022	0	0	0.02	0.16	0.12	0.06	0.006666667	0.113333333	4.087463	0.003901	0.009952	Sec14l4
2023	0.77	0.67	0.62	0.3	0.43	0.24	0.686666667	0.323333333	-1.08659	0.003908	0.009967	Fyb2
2024	0.07	0.17	0.13	0.21	0.35	0.34	0.123333333	0.3	1.2824	0.003959	0.010089	lqcg
2025	0.06	0.02	0.07	0.39	0.19	0.27	0.05	0.283333333	2.5025	0.00401	0.010207	Ush1c
2026	0.45	0.58	0.58	0.3	0.2	0.22	0.536666667	0.24	-1.16099	0.004075	0.010362	Rfx2
2027	0.02	0	0.01	0.13	0.09	0.06	0.01	0.093333333	3.222392	0.00411	0.010447	Mst1r
2028	0	0.01	0.01	0.07	0.07	0.05	0.006666667	0.063333333	3.247928	0.004116	0.010462	Pcnx2
2029	0.27	0.24	0.2	0.78	0.75	0.54	0.236666667	0.69	1.54374	0.004119	0.010466	Dnd1
2030	0.52	0.86	0.74	1.45	1.51	1.51	0.706666667	1.49	1.076211	0.004167	0.010576	Cideb
2031	0	0	0	0.11	0.04	0.19	0.001	0.113333333	6.824428	0.00417	0.010583	Tchhl1
2032	0	0	0	0.08	0.03	0.1	0.001	0.07	6.129283	0.004174	0.010591	Trpm1
2033	0.03	0.04	0.02	0.15	0.08	0.1	0.03	0.11	1.874469	0.004194	0.01064	Plekhh1
2034	0.02	0.02	0	0.25	0.15	0.09	0.013333333	0.163333333	3.61471	0.004218	0.010696	Sstr5
2035	0	0	0	0.13	0.34	0.37	0.001	0.28	8.129283	0.004218	0.010696	Stra8
2036	0.02	0.04	0.07	0.52	0.16	0.23	0.043333333	0.303333333	2.807355	0.004231	0.010726	Olfr1417
2037	0	0	0	0.14	0.06	0.14	0.001	0.113333333	6.824428	0.004277	0.010836	Usp17ld
2038	0	0	0	0.38	0.1	0.45	0.001	0.31	8.276124	0.004285	0.010854	Ifnb1
2039	0	0	0	0.08	0.06	0.03	0.001	0.056666667	5.824428	0.004291	0.010869	Slc44a5
2040	0	0.05	0	0.21	0.19	0.28	0.016666667	0.226666667	3.765535	0.004336	0.010973	Oscar
2041	0.19	0.22	0.09	0.73	0.5	0.46	0.166666667	0.563333333	1.757023	0.004344	0.010992	Tmem17
2042	0.21	0.29	0.35	0.07	0.09	0.06	0.283333333	0.073333333	-1.94996	0.004379	0.011074	Adgrg7
2043	0.37	0.02	0.06	0	0.02	0	0.15	0.006666667	-4.49185	0.004387	0.011092	Ogn
2044	0.26	0.16	0.2	0.04	0	0.03	0.206666667	0.023333333	-3.14684	0.004405	0.011132	Psg23
2045	0.24	0.11	0.34	1.01	0.33	0.31	0.23	0.55	1.257798	0.004407	0.011136	Epha4
2046	0.24	0.2	0.23	0.05	0.06	0.03	0.223333333	0.046666667	-2.25873	0.004445	0.011223	Glt28d2
2047	0	0.02	0	0.02	0.03	0.08	0.006666667	0.043333333	2.70044	0.004622	0.011638	Lrguk
2048	0.07	0.03	0.02	0.17	0.09	0.2	0.04	0.153333333	1.938599	0.004641	0.011682	Aif1l
2049	0.09	0.06	0.07	0.16	0.28	0.21	0.073333333	0.216666667	1.562936	0.004652	0.011707	Ccdc9b
2050	0.07	0.01	0.09	0.17	0.32	0.23	0.056666667	0.24	2.082462	0.004655	0.011713	Fzd6
2051	0.03	0.1	0.07	0.49	0.22	0.43	0.066666667	0.38	2.510962	0.004667	0.011741	Chrm4

2052	0.34	0.33	0.51	0.05	0	0.05	0.393333333	0.033333333	-3.56071	0.004671	0.01175	Erp27
2053	0	0	0	0.14	0.29	0.58	0.001	0.336666667	8.395177	0.004698	0.011813	Qrfprl
2054	0.37	0.11	0.41	0.54	2.25	1.34	0.296666667	1.376666667	2.214265	0.004715	0.011855	Syt8
2055	0.04	0.01	0.01	0.12	0.15	0.14	0.02	0.136666667	2.77259	0.004716	0.011855	Syt12
2056	0.48	0.11	0.17	0.6	0.62	0.4	0.253333333	0.54	1.091922	0.004787	0.012018	Fap
2057	0.01	0.04	0.01	0.06	0.25	0.1	0.02	0.136666667	2.77259	0.004819	0.012096	Cspg4b
2058	0.23	0.23	0.16	0.42	0.48	0.37	0.206666667	0.423333333	1.034488	0.00487	0.012214	Cd163
2059	0	0	0	0.03	0.07	0.1	0.001	0.066666667	6.058894	0.005035	0.012598	Npffr1
2060	0.05	0.01	0.05	0.11	0.2	0.24	0.036666667	0.183333333	2.321928	0.005043	0.012617	Tmem74
2061	0.04	0.03	0.04	0.1	0.22	0.15	0.036666667	0.156666667	2.095157	0.005077	0.012698	Usp29
2062	1.21	0.75	1.07	0.34	0.48	0.06	1.01	0.293333333	-1.78374	0.005107	0.012766	Smim6
2063	0	0.05	0.07	0.18	0.3	0.24	0.04	0.24	2.584963	0.005156	0.012875	Nxph3
2064	1.69	1.59	1.46	0.87	0.51	0.85	1.58	0.743333333	-1.08784	0.005207	0.012999	Smpd5
2065	0.42	0.56	0.49	1.03	1.18	0.83	0.49	1.013333333	1.048255	0.005313	0.013249	Cd200r2
2066	0.09	0.15	0.07	0.25	0.45	0.28	0.103333333	0.326666667	1.660514	0.005373	0.013393	Col9a3
2067	0.24	0.12	0.13	0.94	0.52	0.46	0.163333333	0.64	1.970253	0.005412	0.013473	Fam3b
2068	0.83	0.78	1.06	0.08	0.25	0.18	0.89	0.17	-2.38827	0.005434	0.013522	H3c3
2069	1.33	0.81	1.04	0.45	0.47	0.24	1.06	0.386666667	-1.4549	0.005462	0.013587	Gdpd3
2070	0.58	0.64	0.44	0.92	1.06	1.92	0.553333333	1.3	1.232291	0.005473	0.013609	Ppef1
2071	0.19	0.08	0.16	0.03	0.01	0	0.143333333	0.013333333	-3.42626	0.00548	0.013624	Ackr3
2072	0.1	0.1	0.06	0	0	0	0.086666667	0.001	-6.43741	0.005541	0.013768	Gas2l2
2073	0.01	0	0	0.07	0.12	0.08	0.003333333	0.09	4.754888	0.005546	0.013776	Nefm
2074	0.19	0.18	0.05	0.58	0.48	0.36	0.14	0.473333333	1.75743	0.005627	0.013954	Serinc2
2075	0.12	0.15	0.12	0.2	0.46	0.3	0.13	0.32	1.29956	0.005707	0.014138	Sez6l2
2076	0.57	0.32	0.42	0.24	0.17	0.23	0.436666667	0.213333333	-1.03342	0.00572	0.01417	Gpr137c
2077	0.04	0	0.01	0.13	0.11	0.12	0.016666667	0.12	2.847997	0.005764	0.014271	Sod3
2078	0.09	0.08	0	0.2	0.39	0.29	0.056666667	0.293333333	2.371969	0.005785	0.01432	Hsf2bp
2079	0.92	0.97	0.75	0.61	0.29	0.18	0.88	0.36	-1.28951	0.005823	0.014409	Ap1m2
2080	0.85	0.59	0.72	0.26	0.21	0.43	0.72	0.3	-1.26303	0.005845	0.014457	Rad51b
2081	0.17	0.13	0.15	0.48	0.39	0.34	0.15	0.403333333	1.42701	0.005854	0.014476	Zfp791
2082	0.44	0.21	0.21	0.54	0.79	0.65	0.286666667	0.66	1.203092	0.005899	0.014581	1700030J22Rik
2083	0.07	0.04	0.17	0.34	0.35	0.41	0.093333333	0.366666667	1.974005	0.005902	0.014587	Kctd14
2084	0	0	0	0.12	0.1	0.05	0.001	0.09	6.491853	0.005936	0.014663	Gdpd2
2085	0.01	0.01	0	0.08	0.08	0.03	0.006666667	0.063333333	3.247928	0.006	0.014801	Scube3
2086	0.42	0.43	0.57	1	1.05	0.83	0.473333333	0.96	1.020178	0.006005	0.014809	Ndrp4
2087	0.33	1	0.21	1.96	2.19	1.21	0.513333333	1.786666667	1.799303	0.006085	0.01499	Sbsn
2088	0.05	0.03	0.1	0	0	0	0.06	0.001	-5.90689	0.006096	0.015013	Ugt8a
2089	0.33	0.37	0.27	0.62	0.75	0.62	0.323333333	0.663333333	1.036712	0.006456	0.015845	Oaf

2090	0.06	0.03	0.03	0.11	0.09	0.1	0.04	0.1	1.321928	0.006553	0.016061	Sptbn5
2091	0	0.06	0	0.21	0.23	0.28	0.02	0.24	3.584963	0.006638	0.016258	Gm19684
2092	0.08	0	0	0.18	0.09	0.08	0.026666667	0.116666667	2.129283	0.00668	0.016349	Slco2b1
2093	0.27	0.39	0.2	0.54	1.16	0.95	0.286666667	0.883333333	1.623584	0.006793	0.016598	Spef1l
2094	0.97	0.82	1.04	0.38	0.37	0.27	0.943333333	0.34	-1.47223	0.006803	0.016616	Ly6g5b
2095	0	0	0	0.09	0.13	0.05	0.001	0.09	6.491853	0.006901	0.016832	Olf1331
2096	0	0	0.03	0.18	0.22	0.14	0.01	0.18	4.169925	0.006923	0.016879	Dnajc22
2097	0	0.06	0	0.25	0.11	0.1	0.02	0.153333333	2.938599	0.006938	0.016913	Igsf11
2098	0.41	0.1	0.25	0.94	0.9	0.7	0.253333333	0.846666667	1.740757	0.007126	0.017336	Cxcl1
2099	0.26	0.01	0.03	0.01	0.01	0	0.1	0.006666667	-3.90689	0.007145	0.017377	Hs6st2
2100	0.01	0.01	0.01	0.06	0.04	0.06	0.01	0.053333333	2.415037	0.007242	0.017596	Spta1
2101	0.64	0.48	0.5	0.15	0.17	0.18	0.54	0.166666667	-1.69599	0.007275	0.017661	Tfpi2
2102	0.1	0.04	0.21	0.32	0.27	0.58	0.116666667	0.39	1.741082	0.007297	0.017708	Dock3
2103	0.15	0.17	0.23	0.77	0.73	0.51	0.183333333	0.67	1.869692	0.00746	0.018075	Olf99
2104	0.47	0.49	0.54	0.22	0.23	0.2	0.5	0.216666667	-1.20645	0.007577	0.018337	Ttc41
2105	0.12	0.09	0.15	0.26	0.6	0.37	0.12	0.41	1.77259	0.007589	0.018362	Sbk2
2106	0.3	0.43	0.28	0.69	0.87	0.54	0.336666667	0.7	1.056034	0.007606	0.0184	Dpys
2107	0.13	0.75	0.51	0	0.06	0	0.463333333	0.02	-4.53398	0.007661	0.018523	Foxl3
2108	0.03	0	0	0.16	0.08	0.14	0.01	0.126666667	3.662965	0.007786	0.018802	Tmeff2
2109	0.05	0	0	0.17	0.26	0.1	0.016666667	0.176666667	3.405992	0.007845	0.018928	Cnrip1
2110	0.02	0	0.07	0.33	0.13	0.2	0.03	0.22	2.874469	0.00787	0.018984	Ephx2
2111	0.81	0.63	0.54	0.07	0.11	0.16	0.66	0.113333333	-2.54189	0.007909	0.019068	Scrg1
2112	0	0.06	0	0.48	0.23	0.25	0.02	0.32	4	0.007958	0.019173	Rec114
2113	0.17	0.1	0.12	0	0	0	0.13	0.001	-7.02237	0.007974	0.019206	Sftpb
2114	0	0	0.09	0.86	0.55	0.2	0.03	0.536666667	4.160992	0.007985	0.019221	Gm15056
2115	0.15	0.19	0.04	0	0	0.02	0.126666667	0.006666667	-4.24793	0.008014	0.019288	Erich5
2116	0	0.01	0	0.01	0.01	0.01	0.003333333	0.01	1.584963	0.008024	0.019309	Ttn
2117	0.04	0	0.02	0.21	0.17	0.09	0.02	0.156666667	2.969626	0.008027	0.019314	Mapk11
2118	0.01	0	0	0.04	0.08	0.09	0.003333333	0.07	4.392317	0.008045	0.019349	Card14
2119	0.01	0.02	0.03	0.08	0.06	0.13	0.02	0.09	2.169925	0.008047	0.019352	Olfml2a
2120	0	0.02	0	0.08	0.15	0.06	0.006666667	0.096666667	3.857981	0.008273	0.019836	Fbln7
2121	0.18	0.12	0.15	0.38	0.25	0.56	0.15	0.396666667	1.402965	0.008299	0.019891	Clstn3
2122	0.06	0.09	0.24	0	0	0	0.13	0.001	-7.02237	0.008366	0.020042	6330403K07Rik
2123	0.21	0.21	0.15	0.45	0.59	0.47	0.19	0.503333333	1.405515	0.008424	0.020167	Cxcr6
2124	0.02	0	0	0.12	0.15	0.09	0.006666667	0.12	4.169925	0.008476	0.020281	Ccdc154
2125	0	0.03	0.03	0.1	0.12	0.23	0.02	0.15	2.906891	0.008547	0.020433	Adrb1
2126	0.76	0.58	0.72	0.31	0.08	0.12	0.686666667	0.17	-2.01408	0.008603	0.020547	Trgc1
2127	0.28	0.12	0.27	0.49	0.5	0.62	0.223333333	0.536666667	1.264828	0.008895	0.021182	Osbpl10

2128	0.05	0	0	0.17	0.11	0.14	0.016666667	0.14	3.070389	0.008943	0.021285	Tnni3k
2129	0	0.08	0.06	0.2	0.17	0.26	0.046666667	0.21	2.169925	0.008955	0.021308	1110032F04Rik
2130	0.16	0.09	0.09	0.4	0.53	0.56	0.113333333	0.496666667	2.131706	0.009016	0.021443	Eqtn
2131	0.03	0.03	0.08	0.34	0.23	0.23	0.046666667	0.266666667	2.514573	0.009041	0.021496	Tmem178
2132	0.02	0	0	0.08	0.06	0.12	0.006666667	0.086666667	3.70044	0.009046	0.021506	Pcdh1
2133	0.05	0.05	0.07	0.25	0.23	0.14	0.056666667	0.206666667	1.866733	0.009049	0.02151	Atp2c2
2134	0	0	0	0.22	0.09	0.16	0.001	0.156666667	7.291554	0.009135	0.021688	Tph1
2135	0.06	0.12	0.06	0.38	0.2	0.28	0.08	0.286666667	1.841302	0.009232	0.021904	Pnma1
2136	0.5	0.27	0.25	0.85	0.92	1.18	0.34	0.983333333	1.532146	0.009293	0.022036	Cfap126
2137	0.1	0.09	0.09	0.36	0.49	0.11	0.093333333	0.32	1.777608	0.009357	0.022182	Celf5
2138	0	0.02	0.03	0.13	0.05	0.14	0.016666667	0.106666667	2.678072	0.009398	0.022276	Ccdc39
2139	0.02	0.07	0.05	0.08	0.13	0.2	0.046666667	0.136666667	1.550197	0.009409	0.022295	Pax5
2140	0.31	0.21	0.39	0.68	0.56	0.78	0.303333333	0.673333333	1.150417	0.009522	0.022535	Gprc5a
2141	0.17	0.06	0.06	0.26	0.31	0.29	0.096666667	0.286666667	1.568284	0.009621	0.022753	Ptpn5
2142	0.05	0.13	0.22	0.42	0.44	0.38	0.133333333	0.413333333	1.632268	0.009731	0.022984	F830045P16Rik
2143	0	0	0	0.48	0.24	0.08	0.001	0.266666667	8.058894	0.009733	0.022986	Dppa3
2144	0.04	0.05	0.01	0.14	0.18	0.11	0.033333333	0.143333333	2.104337	0.009819	0.023162	Fsd2
2145	0.01	0	0	0.05	0.07	0.09	0.003333333	0.07	4.392317	0.009851	0.023232	Sowahb
2146	0.11	0.05	0.05	0.21	0.33	0.31	0.07	0.283333333	2.017074	0.010049	0.02366	Matn1
2147	0.14	0.21	0.05	0.28	0.35	0.32	0.133333333	0.316666667	1.247928	0.01008	0.023722	Lynx1
2148	0.01	0	0	0.09	0.06	0.06	0.003333333	0.07	4.392317	0.010112	0.023787	Dkk2
2149	0	0	0	0.01	0.04	0.11	0.001	0.053333333	5.736966	0.010138	0.023836	Hkdc1
2150	0.42	0.32	0.43	0.99	0.68	0.85	0.39	0.84	1.106915	0.010142	0.023841	Rin1
2151	0.06	0	0.1	0.23	0.16	0.3	0.053333333	0.23	2.108524	0.010165	0.023888	Plcd3
2152	0.19	0.16	0.13	0.5	0.47	0.36	0.16	0.443333333	1.47032	0.010182	0.023917	Ly6m
2153	0.05	0	0.06	0.26	0.25	0.14	0.036666667	0.216666667	2.562936	0.010203	0.023958	Catsperd
2154	0.09	0.11	0.06	0.23	0.34	0.2	0.086666667	0.256666667	1.566347	0.010419	0.024431	Ms4a1
2155	0.12	0.18	0.21	0.04	0.03	0	0.17	0.023333333	-2.86507	0.010633	0.024885	Pglyrp4
2156	0	0	0.11	0.62	0.61	0.15	0.036666667	0.46	3.649093	0.010774	0.025183	Gm20441
2157	0.35	0.19	0.29	0.15	0.11	0.14	0.276666667	0.133333333	-1.05311	0.010813	0.025263	Grb10
2158	0.14	0.14	0.19	0.01	0.04	0.03	0.156666667	0.026666667	-2.55459	0.010851	0.025333	Slc26a8
2159	0	0.17	0.08	0.56	0.21	0.32	0.083333333	0.363333333	2.124328	0.010987	0.02561	Cdkn1c
2160	0.05	0.03	0.01	0.21	0.16	0.11	0.03	0.16	2.415037	0.01099	0.025611	Tlr12
2161	0.1	0	0.05	0.09	0.43	0.37	0.05	0.296666667	2.568843	0.011066	0.025762	Il17rc
2162	0	0	0	0.05	0.08	0.06	0.001	0.063333333	5.984893	0.011081	0.025795	Golga7b
2163	0.11	0.14	0.08	0	0.02	0	0.11	0.006666667	-4.04439	0.011209	0.026071	Mei4
2164	0.07	0.1	0.02	0.19	0.28	0.24	0.063333333	0.236666667	1.90182	0.011289	0.026249	Klh41
2165	0.1	0.06	0.06	0.28	0.46	0.2	0.073333333	0.313333333	2.095157	0.011342	0.026361	Oas1h

2166	0	0	0	0.01	0.14	0.07	0.001	0.073333333	6.196397	0.011588	0.026892	Olfr213
2167	0.13	0.05	0.15	0	0	0	0.11	0.001	-6.78136	0.011677	0.027093	Gm7324
2168	0.08	0.05	0.11	0.21	0.14	0.22	0.08	0.19	1.247928	0.01168	0.027095	Spon1
2169	0.13	0.09	0.1	0.39	0.49	0.59	0.106666667	0.49	2.199672	0.011703	0.027141	Enpp6
2170	0.03	0.15	0.04	0.21	0.19	0.3	0.073333333	0.233333333	1.669851	0.011795	0.027331	Piwil4
2171	0	0	0	0.01	0.04	0.07	0.001	0.04	5.321928	0.01182	0.027382	Grip2
2172	2.01	0.67	0.78	0.61	0.37	0.53	1.153333333	0.503333333	-1.19622	0.011881	0.027519	Rcor2
2173	0.05	0	0	0.11	0.1	0.18	0.016666667	0.13	2.963474	0.011965	0.027691	Slc38a4
2174	0.06	0.05	0.12	0.18	0.21	0.3	0.076666667	0.23	1.584963	0.012	0.027761	Scara3
2175	0	0	0	0.08	0.07	0.03	0.001	0.06	5.906891	0.012005	0.027765	Spag16
2176	0.04	0	0.08	0.32	0.32	0.42	0.04	0.353333333	3.142958	0.012046	0.027852	Gm8369
2177	0.04	0.09	0.04	0.52	0.36	0.17	0.056666667	0.35	2.626783	0.012175	0.02813	Gsg1
2178	0.14	0.2	0.14	0.06	0.06	0.05	0.16	0.056666667	-1.4975	0.012232	0.028239	Drp2
2179	0.5	0.23	0.04	0.64	0.92	0.57	0.256666667	0.71	1.467923	0.012351	0.028491	Ggact
2180	1.07	1.07	0.56	1.69	2.57	1.57	0.9	1.943333333	1.110536	0.012444	0.02868	Ube2e2
2181	0.03	0.03	0.06	0.13	0.11	0.24	0.04	0.16	2	0.012445	0.02868	Trpc4
2182	0	0	0	0.02	0.05	0.03	0.001	0.033333333	5.058894	0.012531	0.02886	Foxd1
2183	0.41	0.23	0.22	0.94	0.84	0.33	0.286666667	0.703333333	1.294834	0.012532	0.02886	Tmem158
2184	0	0	0.03	0.22	0.13	0.15	0.01	0.166666667	4.058894	0.012538	0.028871	Cd207
2185	0	0	0	0.02	0.06	0.01	0.001	0.03	4.906891	0.012657	0.029106	Vmn2r92
2186	0.03	0.02	0.05	0.17	0.13	0.16	0.033333333	0.153333333	2.201634	0.012801	0.029408	Sh2d4a
2187	0.02	0	0	0.22	0.06	0.11	0.006666667	0.13	4.285402	0.012925	0.029661	Cyp8b1
2188	0.11	0.13	0.09	0.49	0.24	0.38	0.11	0.37	1.750022	0.012963	0.029742	Tmem150c
2189	0.13	0.06	0.1	0.2	0.2	0.46	0.096666667	0.286666667	1.568284	0.013327	0.030513	Ttc9
2190	0.03	0	0.02	0.09	0.16	0.22	0.016666667	0.156666667	3.232661	0.013348	0.030552	Ggt7
2191	0	0.01	0.01	0.05	0.06	0.03	0.006666667	0.046666667	2.807355	0.01335	0.030554	Otof
2192	0	0	0	0.19	0.21	0.31	0.001	0.236666667	7.886713	0.013436	0.030736	Gm7579
2193	0.07	0.14	0.18	0.8	0.57	0.27	0.13	0.546666667	2.07215	0.013546	0.03096	H3c15
2194	0.1	0	0.08	0.31	0.82	0.41	0.06	0.513333333	3.096862	0.013893	0.031672	Klk8
2195	0.01	0	0	0.03	0.06	0.06	0.003333333	0.05	3.906891	0.01403	0.031957	Lamc2
2196	0.74	0.36	0.47	0.15	0.14	0.18	0.523333333	0.156666667	-1.74003	0.014134	0.032169	Khdc3
2197	0.03	0.03	0	0.19	0.1	0.1	0.02	0.13	2.70044	0.014336	0.032579	Unc5a
2198	0.03	0	0	0.09	0.08	0.08	0.01	0.083333333	3.058894	0.014348	0.032604	Grem1
2199	0.01	0.01	0.01	0.09	0.05	0.05	0.01	0.063333333	2.662965	0.014402	0.032713	Tshz3
2200	0.01	0.01	0	0.04	0.05	0.08	0.006666667	0.056666667	3.087463	0.014417	0.032742	Arhgef38
2201	0.29	0.31	0.2	0.12	0.12	0.14	0.266666667	0.126666667	-1.074	0.014459	0.032825	Car12
2202	0.18	0.07	0.1	0.37	0.27	0.26	0.116666667	0.3	1.36257	0.01472	0.033386	Rab39
2203	0.1	0.12	0.19	0.24	0.26	0.33	0.136666667	0.276666667	1.017487	0.014757	0.033459	Ppp1r26

2204	0.2	0.08	0.38	0.7	0.46	0.39	0.22	0.516666667	1.23173	0.015054	0.034084	Ablim2
2205	0.06	0.12	0.07	0	0	0	0.083333333	0.001	-6.38082	0.015234	0.03444	Esm1
2206	0.05	0.08	0.28	0	0.04	0	0.136666667	0.013333333	-3.35755	0.015278	0.03453	Gm43064
2207	0.29	0.12	0.39	0.07	0.08	0.03	0.266666667	0.06	-2.152	0.015309	0.034591	Ceacam18
2208	0.15	0.1	0.1	0.24	0.34	0.22	0.116666667	0.266666667	1.192645	0.015371	0.034718	Prickle1
2209	0.34	0.62	0.56	0.07	0.15	0.22	0.506666667	0.146666667	-1.7885	0.015458	0.034901	Il12a
2210	0	0	0	0.37	0.09	0.12	0.001	0.193333333	7.594947	0.015577	0.035144	Mzb1
2211	0.12	0.13	0.08	0.18	0.44	0.43	0.11	0.35	1.669851	0.015599	0.035181	Clcn2
2212	0.05	0.02	0.07	0.14	0.18	0.11	0.046666667	0.143333333	1.61891	0.015621	0.035224	Plppr4
2213	0.35	0.07	0.19	1.02	0.68	0.59	0.203333333	0.763333333	1.908466	0.015856	0.035717	Cryba4
2214	0	0.03	0	0.13	0.13	0.06	0.01	0.106666667	3.415037	0.016122	0.036273	Lrfn3
2215	0.15	0.1	0.1	0	0	0	0.116666667	0.001	-6.86625	0.016147	0.03632	Rskr
2216	0.03	0.04	0.01	0.14	0.08	0.13	0.026666667	0.116666667	2.129283	0.016196	0.03641	Adgra2
2217	0	0	0.11	0.52	0.21	0.13	0.036666667	0.286666667	2.966833	0.01624	0.036498	Gm8773
2218	0.11	0.1	0.05	0	0.01	0.02	0.086666667	0.01	-3.11548	0.016259	0.036532	Pcsk9
2219	0	0	0	0.45	0.46	0.27	0.001	0.393333333	8.619609	0.016304	0.036614	Hamp2
2220	0.01	0	0.01	0.14	0.05	0.04	0.006666667	0.076666667	3.523562	0.016395	0.036808	Dusp27
2221	0.17	0.19	0.18	0.84	1.26	0.32	0.18	0.806666667	2.163976	0.016581	0.037185	Cxcr5
2222	0	0	0	0.04	0.22	0.07	0.001	0.11	6.78136	0.016814	0.037659	Serpinb5
2223	0.11	0.14	0.16	0.24	0.45	0.28	0.136666667	0.323333333	1.242361	0.016911	0.03786	Zfp786
2224	0.07	0.1	0.12	0	0	0.03	0.096666667	0.01	-3.27302	0.017076	0.038189	Cnga4
2225	0.05	0.06	0.07	0	0	0.01	0.06	0.003333333	-4.16993	0.017076	0.038189	Olfir91
2226	0.64	0.51	0.49	0.17	0.39	0.22	0.546666667	0.26	-1.07215	0.01741	0.038905	Slc32a1
2227	0.25	0.12	0.24	0.45	0.47	0.71	0.203333333	0.543333333	1.417991	0.017434	0.038953	Cxcl5
2228	0	0.11	0.22	1.43	0.36	0.65	0.11	0.813333333	2.886343	0.017468	0.039014	Apoc1
2229	0.17	0.29	0.34	0.02	0.03	0.13	0.266666667	0.06	-2.152	0.017742	0.03959	9530077C05Rik
2230	0.1	0.14	0.09	0.04	0.02	0.02	0.11	0.026666667	-2.04439	0.017855	0.03979	Crybg2
2231	0.02	0.01	0	0.03	0.09	0.03	0.01	0.05	2.321928	0.01788	0.03984	Trpm3
2232	0.25	0.13	0.1	0	0.08	0	0.16	0.026666667	-2.58496	0.017883	0.039842	Lax1
2233	0.05	0.05	0.13	0.02	0.02	0.02	0.076666667	0.02	-1.9386	0.017906	0.039883	Plin4
2234	0.08	0.04	0	0.12	0.2	0.22	0.04	0.18	2.169925	0.018019	0.040101	Aifm3
2235	0.12	0.11	0.07	0.22	0.22	0.25	0.1	0.23	1.201634	0.018083	0.040222	Boc
2236	0	0	0.03	0.17	0.19	0.12	0.01	0.16	4	0.018156	0.040365	Trim54
2237	0	0.03	0.08	0.08	0.18	0.16	0.036666667	0.14	1.932886	0.018437	0.04094	Il2rb
2238	0.06	0.04	0.05	0.57	0.13	0.1	0.05	0.266666667	2.415037	0.018513	0.041102	Efna5
2239	0.01	0.04	0.04	0.06	0.1	0.1	0.03	0.086666667	1.530515	0.018515	0.041102	Apc2
2240	0.08	0.05	0.02	0.18	0.17	0.31	0.05	0.22	2.137504	0.018588	0.041239	Zfp13
2241	0	0.01	0	0.03	0.07	0.05	0.003333333	0.05	3.906891	0.018634	0.04133	Zic5

2242	0	0.03	0	0.2	0.16	0.18	0.01	0.18	4.169925	0.018772	0.041619	Nxf7
2243	0	0	0	0.02	0.04	0.03	0.001	0.03	4.906891	0.018775	0.041619	Nos1
2244	0	0	0	0.04	0.05	0.11	0.001	0.066666667	6.058894	0.018791	0.04165	Adamdec1
2245	0.11	0.1	0.1	0.2	0.3	0.27	0.103333333	0.256666667	1.31259	0.018919	0.041906	Ccr9
2246	0.02	0.02	0.02	0.04	0.11	0.27	0.02	0.14	2.807355	0.018959	0.041985	Spata21
2247	0	0.01	0	0.03	0.06	0.04	0.003333333	0.043333333	3.70044	0.019191	0.042458	Megf10
2248	0.04	0.04	0.04	0.3	0.21	0.08	0.04	0.196666667	2.297681	0.019249	0.042569	Gm6583
2249	0.05	0	0.09	0.33	0.6	0.24	0.046666667	0.39	3.06301	0.019276	0.042612	Klk15
2250	0.02	0	0.01	0.16	0.11	0	0.01	0.09	3.169925	0.019605	0.043284	Gm15023
2251	0	0	0	0.23	0.08	0.17	0.001	0.16	7.321928	0.019695	0.043471	E030018B13Rik
2252	0.65	0.51	0.63	0.26	0.25	0.34	0.596666667	0.283333333	-1.07442	0.019708	0.043495	Gm45716
2253	0	0.02	0.02	0.12	0.05	0.21	0.013333333	0.126666667	3.247928	0.019722	0.043519	Ido2
2254	0.19	0.16	0.09	0.62	0.26	0.31	0.146666667	0.396666667	1.435386	0.019764	0.043605	Mdfi
2255	0	0	0	0.16	0.1	0.14	0.001	0.133333333	7.058894	0.019773	0.04362	Nme9
2256	0.01	0.02	0.01	0.06	0.08	0.05	0.013333333	0.063333333	2.247928	0.019903	0.043878	Dscaml1
2257	0.18	0.18	0.22	0.63	0.46	0.42	0.193333333	0.503333333	1.380424	0.02006	0.044202	Shf
2258	0	0	0	0.02	0.04	0.11	0.001	0.056666667	5.824428	0.020069	0.044209	C130074G19Rik
2259	0.17	0.16	0.31	0.67	0.59	0.67	0.213333333	0.643333333	1.592457	0.020074	0.044211	Cyp2r1
2260	0.01	0.03	0	0.08	0.04	0.1	0.013333333	0.073333333	2.459432	0.020075	0.044211	Adprhl1
2261	0.26	0.16	0.28	0.61	0.55	0.45	0.233333333	0.536666667	1.201634	0.020107	0.044259	Echdc3
2262	0.04	0.01	0	0.1	0.08	0.04	0.016666667	0.073333333	2.137504	0.020122	0.044274	Gdap1
2263	0	0	0	0.1	0.13	0.03	0.001	0.086666667	6.437405	0.020288	0.044621	Olfm2
2264	0.12	0.03	0.03	0.21	0.19	0.15	0.06	0.183333333	1.611435	0.020326	0.044693	Ntn4
2265	0.11	0.66	0.69	0	0.09	0	0.486666667	0.03	-4.0199	0.020395	0.044823	H2ac24
2266	0	0.06	0.06	0.28	0.23	0.13	0.04	0.213333333	2.415037	0.020467	0.044962	Btbd17
2267	0.33	0.42	0.41	0.07	0.21	0.11	0.386666667	0.13	-1.57258	0.020474	0.044972	Tcp11
2268	0.18	0.07	0.1	0.49	0.45	0.31	0.116666667	0.416666667	1.836501	0.020503	0.045023	Dusp14
2269	0	0.09	0	0.09	0.31	0.24	0.03	0.213333333	2.830075	0.020514	0.045042	Trnp1
2270	0.05	0.09	0.02	0.16	0.13	0.15	0.053333333	0.146666667	1.459432	0.020574	0.045162	Podxl
2271	0.41	0.21	0.37	0.05	0.13	0.05	0.33	0.076666667	-2.10579	0.02065	0.045313	Prdm5
2272	0.3	0.29	0.52	0.34	0.03	0.06	0.37	0.143333333	-1.36815	0.020667	0.045343	Khdrbs3
2273	0.42	0.9	0.26	0.22	0.04	0.12	0.526666667	0.126666667	-2.05585	0.020716	0.045433	Bcl2l15
2274	0.05	0.03	0.05	0.01	0.01	0	0.043333333	0.006666667	-2.70044	0.020896	0.045805	Adamtsl3
2275	1.98	1.16	1.92	0.18	0.62	0	1.686666667	0.266666667	-2.66107	0.020901	0.04581	Sap25
2276	0.01	0.01	0.01	0.03	0.08	0.05	0.01	0.053333333	2.415037	0.021141	0.046269	Chic1
2277	0.14	0.19	0.11	0.26	0.68	0.49	0.146666667	0.476666667	1.70044	0.021473	0.046947	Art2a
2278	0.11	0.2	0.14	0.3	0.26	0.4	0.15	0.32	1.093109	0.021637	0.047269	Atp9a
2279	0.01	0.01	0.01	0.06	0.05	0.03	0.01	0.046666667	2.222392	0.021702	0.047379	Itgb8

2280	0	0	0	0.17	0.07	0.06	0.001	0.1	6.643856	0.021726	0.047421	Cldn10
2281	0	0.15	0.09	0.45	0.34	0.18	0.08	0.323333333	2.01495	0.021773	0.047499	Tmem88
2282	0	0.06	0	0.07	0.09	0.16	0.02	0.106666667	2.415037	0.02188	0.047696	Shroom1
2283	0	0	0	0.05	0.1	0.02	0.001	0.056666667	5.824428	0.022055	0.048052	Gm4841
2284	0.02	0.02	0	0.1	0.16	0.17	0.013333333	0.143333333	3.426265	0.022246	0.04843	Ces2c
2285	0.26	0.3	0.17	0.11	0.02	0	0.243333333	0.043333333	-2.48938	0.022417	0.048752	Gm3550
2286	0	0	0	0.26	0.13	0.03	0.001	0.14	7.129283	0.022479	0.048867	Masp2
2287	0	0	0	0.03	0.03	0.02	0.001	0.026666667	4.736966	0.022479	0.048867	Srcin1
2288	0	0.05	0.05	0.47	0.21	0.25	0.033333333	0.31	3.217231	0.02252	0.048923	Timm8a2
2289	0.05	0.05	0.11	0.29	0.18	0.31	0.07	0.26	1.893085	0.022566	0.049007	Tnfrsf13c
2290	0.04	0.07	0.08	0.01	0.01	0	0.063333333	0.006666667	-3.24793	0.022672	0.049217	Faim2
2291	0.01	0.03	0.01	0.09	0.04	0.07	0.016666667	0.066666667	2	0.022678	0.049224	Dennd5b
2292	0.21	0.11	0.14	0.27	0.42	0.31	0.153333333	0.333333333	1.120294	0.022688	0.049239	Cdh17
2293	0.07	0.01	0.02	0.08	0.09	0.14	0.033333333	0.103333333	1.632268	0.022781	0.049397	Myo5b

Supplementary table 2:

Caption of the table 2.

777 Genes continuously upregulated from 12h to 48h after Decitabine treatment.

Nu	Dec-12h	Dec-24h	Dec-48h	Symbol
1	0.026667	0.076667	0.213333	Btbd17
2	29.45	102.8067	269.5133	Slfn4
3	0.576667	2.456667	5.793333	Clec2g
4	25.39	39.35	68.08333	Scpep1
5	0.1	0.203333	0.68	Rem1
6	20.14667	45.14	78.91333	Mx1
7	0.703333	1.106667	1.54	Loxl3
8	0.61	1.123333	3.31	Dlg3
9	0.106667	0.146667	0.313333	Oas1h
10	0.39	0.94	1.303333	Rnd2
11	6.333333	10.32667	28.39667	Acp5
12	0.026667	0.073333	0.176667	Dlx3
13	5.38	12.32667	19.76667	Gstt1
14	21.99	31.62	54.13	Rin2
15	0.053333	0.103333	0.153333	Aif1l
16	0.01	0.09	0.293333	Hsf2bp
17	4.6	10.43333	20.97667	Mov10
18	0.823333	1.16	2.413333	Ppm1j
19	11.03	22.58333	54.08667	Rhoc
20	20.34333	32.23333	58.66333	Daxx
21	0.866667	1.086667	1.793333	Pla1a
22	43.10333	136.29	330.12	Cd36
23	0.15	0.48	2.023333	Bcam
24	0.006667	0.026667	0.083333	Dlgap1
25	53.00333	89.79333	164.0167	Pld3
26	12.42333	24.90333	72.57667	Il7r
27	0.07	0.11	0.22	Col5a3
28	0.346667	0.45	0.81	Eno2
29	2.446667	3.213333	5.27	Large1
30	15.32667	19.63333	36.46	Ly9
31	0.843333	3.98	12.67667	Nes
32	7.096667	15.85333	31.47	Rasa4
33	0.146667	0.296667	0.823333	Chd5
34	0.353333	0.45	0.796667	Htra1
35	6.32	11.85333	25.17667	Fblim1
36	0.04	0.246667	1.506667	Hspb7
37	0.153333	0.306667	0.456667	Zbtb32

38	0.68	0.916667	1.48	Crip2
39	0.76	1.466667	3.093333	Nectin4
40	0.22	0.3	0.556667	Neur1a
41	0.193333	0.343333	0.5	Aplp1
42	12.83333	17.86	28.51333	Sulf2
43	0.1	0.263333	0.656667	Hap1
44	4.073333	7.666667	32.39	Cav1
45	1298.62	1882.077	3141.86	Ctsd
46	0.206667	0.583333	1.083333	Gstt4
47	0.07	0.233333	0.53	Kcnq1
48	0.516667	0.973333	2.823333	Oit3
49	0.066667	0.163333	0.393333	Nxf2
50	0	0.02	0.18	Epn3
51	0.366667	1.113333	3.42	Slc47a1
52	0.146667	0.363333	0.786667	Tex14
53	0.023333	0.11	0.363333	Eya4
54	0.276667	1.166667	11.44667	Dazl
55	15.76667	21.72333	32.16667	MIkl
56	11.72333	15.88667	32.97333	Mertk
57	0.676667	1.156667	3.083333	Kif1a
58	0.463333	0.91	2.02	Npdc1
59	4.443333	6.166667	13.22	Sash1
60	2.323333	3.143333	5.473333	Slamf6
61	0.41	0.56	1.18	Gata3
62	0.116667	0.356667	0.763333	Arnt2
63	0.043333	0.146667	0.453333	Cd5l
64	69.85667	99.12333	159.74	Fcgr1
65	0.876667	1.9	2.696667	Cacna1d
66	9.803333	12.89333	20.83	H2-M3
67	8.19	12.07	21.62667	H2-M2
68	0.23	0.856667	7.763333	Eef1a2
69	53.54	74.40333	114.3133	Cd274
70	0.14	0.236667	0.46	Cacnb4
71	0.753333	1.046667	1.856667	Plxdc1
72	11.64667	29.33333	45.69	Dhx58
73	0.033333	0.153333	0.873333	Ptgis
74	4.576667	7.273333	14.11667	Kif3a
75	11.21667	15.26333	30.78	Septin8

76	1.383333	1.82	2.786667	Myo1b
77	0.086667	0.236667	0.416667	Slc13a3
78	0.003333	0.036667	0.093333	Wnt9b
79	0.003333	0.023333	0.133333	Unc45b
80	0.026667	0.043333	0.09	Wwc1
81	3.6	7.5	21.32333	Slc6a8
82	0.183333	0.25	0.383333	Plagl1
83	0.18	0.473333	1.873333	Fabp7
84	0.046667	0.126667	0.636667	Slc17a8
85	0.373333	0.633333	1.656667	Kitl
86	0.913333	3.22	7.243333	Pde7b
87	6.556667	11.11333	35.06333	Igf1
88	0.193333	0.323333	0.846667	Sycp3
89	1.723333	3.156667	5.086667	Slc1a4
90	0.116667	0.23	0.846667	Flt4
91	0.676667	1.066667	2.626667	Pdlim4
92	2.553333	3.726667	9.58	Havcr2
93	0.003333	0.01	0.106667	Npc1l1
94	0.376667	0.59	0.863333	Rgs9
95	0.166667	0.226667	0.396667	Abca8b
96	11.42	22.19333	38.59	Cmpk2
97	7.353333	28.15	76.37667	Rsad2
98	0.466667	0.75	2.073333	Adcy3
99	0.496667	1.593333	4.023333	Efr3b
100	18.64667	27.06	51.64667	Dnmt3a
101	0.323333	0.526667	1.273333	Ace
102	5.276667	8.196667	16.43	Adap2
103	0.333333	0.706667	2.15	Nos2
104	0.013333	0.043333	0.093333	Ntn1
105	0.01	0.04	0.32	Myh3
106	0.063333	0.143333	0.23	Plcd3
107	4.296667	8.26	10.78667	Ston2
108	0.896667	1.223333	2.396667	Rab15
109	57.02333	101.9933	264.4967	Lgmn
110	3.263333	4.71	7.996667	Abcd4
111	99.45667	154.8567	286.93	Npc2
112	38.89667	55.74333	112.7367	Evl
113	21.47	28.50333	50.31667	Gpr137b

114	0.71	0.913333	1.493333	Carmil1
115	2.076667	6.213333	13.03333	Edn1
116	10.05333	16.32	28.01	Ly86
117	164.46	293.2	569.3	Ctsl
118	0.153333	0.273333	0.773333	Cxcl14
119	0.04	0.123333	0.223333	Slc6a19
120	25.76667	47.69	75.89667	Cd180
121	0.31	0.643333	1.986667	Naip1
122	0.76	1.24	2.746667	Pde8b
123	22.11333	34.04667	77.14667	Plk2
124	2.416667	3.56	8.036667	Rnf180
125	0.023333	0.133333	0.586667	Ddx4
126	1.53	2.216667	3.186667	Plpp1
127	0.02	0.036667	0.136667	Cspg4b
128	36.61333	72.50333	142.7667	Plau
129	0.21	0.313333	0.606667	Ogdhl
130	314.27	521.8567	1030.08	Ctsb
131	0.07	0.17	1.71	Anxa8
132	20.12333	38.85333	64.69333	Epsti1
133	0.193333	0.343333	0.82	Sorbs3
134	11.59667	19.16	24.66	Scel
135	0.153333	0.39	0.926667	Cpne6
136	0.69	1.086667	1.49	Cideb
137	0.086667	0.183333	0.65	Adcy4
138	0.066667	0.103333	0.186667	Grhl2
139	45.12667	101.34	198.7433	Dcstamp
140	0.253333	0.44	0.7	Dpys
141	0.156667	0.296667	1.366667	Fbxo32
142	0.163333	0.26	0.46	Enpp2
143	0.96	1.973333	4.66	Gtsf1
144	4.553333	7.556667	12.47	Emp2
145	0.066667	0.18	0.446667	Apod
146	22.24667	52.25	93.02667	Ly6i
147	7.266667	14.66667	48.82	Ccdc80
148	0.033333	0.056667	0.153333	Igsf11
149	0.553333	1.013333	4.783333	Fstl1
150	19.02333	34.43333	50.82667	Parp9
151	5.13	7	13.69333	Pros1

152	0.16	0.406667	0.64	Fam3b
153	0.09	0.126667	0.273333	Ripply3
154	0.02	0.086667	0.173333	Clic6
155	5.913333	8.536667	13.07	Itsn1
156	1.053333	1.713333	2.526667	Map3k12
157	0.15	0.226667	0.473333	Serinc2
158	1.45	4.4	9.113333	Mx2
159	0	0.063333	0.363333	Stk31
160	7.95	15.07667	27.01	Igf2r
161	0.406667	0.85	1.693333	Flywch2
162	48.8	69.42667	119.19	Trem2
163	8.55	11.35667	21.90667	Dusp1
164	0.273333	0.363333	0.69	Acsbg3
165	5.03	7.276667	12.76	Map4k3
166	0.1	0.176667	0.266667	Tmem178
167	5.413333	7.23	13.89333	Pkdcc
168	0.066667	0.29	3.686667	C2
169	0.12	0.306667	1.266667	Lims2
170	9.88	12.93667	22.29	Aif1
171	0.016667	0.053333	0.12	Lama3
172	5.866667	8.65	17.21333	Hbegf
173	0.33	0.563333	1.096667	Camk2a
174	2.226667	4.076667	8.566667	Cd6
175	2.11	4.36	15.15333	Ms4a7
176	5.86	17.19	54.60667	Ms4a4c
177	2.92	10.96	24.94667	Ms4a6b
178	0	0.023333	0.183333	Ms4a4d
179	82.41667	121.6567	191.9267	Ms4a6d
180	5.603333	9.196667	11.47333	Tmem132a
181	73.61	111.65	176.7767	Slc15a3
182	0.693333	2.013333	10.6	Syt7
183	1.406667	2.48	7.53	Lipn
184	0.23	0.97	9.62	Il33
185	0.006667	0.02	0.12	Gldc
186	0.943333	2.076667	2.876667	Ltbp3
187	0.06	0.203333	1.36	Rbp4
188	0.053333	0.123333	0.253333	Dnase1l3
189	0.02	0.03	0.046667	Itgb8

190	1.6	3.21	4.246667	Crisp1
191	16.36	51.5	174.2433	Irf7
192	0.023333	0.106667	0.203333	Eps8l2
193	0.373333	0.693333	2.656667	Cpeb1
194	48.3	87.66333	161.89	Sdc3
195	0.02	0.046667	0.073333	Gdap1
196	12.67667	18.14	33.59	Nrp1
197	0.513333	1.17	2.713333	Prkar1b
198	3.366667	8.55	16.38667	Pdgfa
199	0.023333	0.043333	0.103333	Myo5b
200	0.23	1.233333	4.696667	Slc9a4
201	0.116667	0.236667	0.54	Npas2
202	0.29	0.556667	1.13	Cracdl
203	63.94	107.7367	186.1367	Stat1
204	0.79	1.406667	2.063333	Sema4c
205	1.116667	1.753333	3.633333	Cyp27a1
206	0.14	0.306667	1.39	Ptpn
207	5.59	8.983333	20.99	Speg
208	0.34	0.453333	0.836667	Pdcd1
209	2.576667	3.65	5.286667	Tnfrsf11a
210	9.87	23.59	60.17	Rgs1
211	0.29	0.536667	1.423333	Slc45a3
212	0.76	1.183333	1.64	Ppfia4
213	19.09333	24.98	41.98	Rgl1
214	0.006667	0.073333	0.32	Mixl1
215	19.04667	62.06333	163.98	Ifi211
216	0.013333	0.04	0.076667	Dusp27
217	8.693333	11.75	18.98333	Pacc1
218	39.64667	65.11	127.62	Atf3
219	0.076667	0.11	0.253333	Plxna2
220	9.076667	11.51667	21.38	Frmd4a
221	4.033333	9.206667	17.63333	Tnfsf4
222	71.93	98.16667	169.3067	Mrc1
223	0.22	0.526667	0.84	Kif5c
224	1.026667	1.93	2.813333	Ak1
225	4.673333	6.943333	12.12	Gbgt1
226	12.28333	24.18333	42.83	Ifih1
227	0.566667	1.073333	2.916667	Fcna

228	11.07667	26.47667	50.54	Dhrs9
229	11.14333	27.20333	56.12	Ube2l6
230	0.623333	1.083333	2.1	Chst1
231	2.036667	3.18	8.416667	Jag1
232	0.556667	0.936667	2.01	Tyro3
233	0.066667	0.21	1.41	Adam33
234	1.67	7.126667	40.99	Siglec1
235	0.033333	0.07	0.126667	Bmp2
236	0.253333	0.446667	0.98	Bfsp1
237	0	0.02	0.27	Mylk2
238	36.18667	76.83667	129.6967	Zbp1
239	130.23	189.6	359.48	Fabp5
240	0.13	0.193333	0.32	Atp9a
241	8.89	14.99667	22.94667	Car13
242	13.78	25.31	35.82333	Helz2
243	0.056667	0.11	0.156667	Ggt7
244	13.55	23.61	39.25333	Procr
245	2.13	2.843333	5.25	Epb41l1
246	1.38	6.103333	21.99333	Ocstamp
247	0.003333	0.016667	0.106667	Ccdc39
248	20.11	26.96333	45.71667	Nceh1
249	0.003333	0.016667	0.16	Trpc4
250	0.996667	1.55	2.333333	Schip1
251	0.436667	0.696667	1.81	Cd2
252	3.21	5.636667	8.82	Gask1b
253	1.45	1.986667	3.73	Tmem144
254	0.306667	0.6	2.226667	Pdgfc
255	0.006667	0.016667	0.07	Dkk2
256	1.016667	6.683333	34.36333	Ifi44
257	18.63333	23.79333	43.19	Lmna
258	0.09	0.55	1.226667	Hormad1
259	5.29	23.19	188.9167	Ctsk
260	0.06	0.376667	1.08	Col24a1
261	22.66667	46.37667	165.43	Atp6v0d2
262	7.906667	16.13	31.83	Gbp3
263	21.86	41.41333	62.78333	Gbp2
264	0.463333	1.043333	4.81	Stra6l
265	8.563333	15.44	28.35667	Tnfsf8

266	0.336667	0.943333	1.793333	Tnc
267	2.273333	4.493333	10.37667	Cd72
268	0.146667	0.376667	1.203333	Tpm2
269	19.50333	32.95	73.86667	Pdpn
270	1.66	3.58	10.56667	Fabp3
271	0.316667	0.526667	1.326667	Azin2
272	0.03	0.07	0.156667	Epha10
273	0.2	0.88	2.953333	Sema3a
274	2.76	4.603333	8.023333	Cdk14
275	0.036667	0.236667	1.023333	Car6
276	0.063333	0.11	0.14	Masp2
277	11.56333	23.09	44.16333	Mthfr
278	0.133333	0.256667	0.516667	Ablim2
279	1.003333	1.623333	2.993333	Mapre3
280	0.003333	0.03	0.126667	Ppargc1a
281	0.25	0.423333	0.8	Dpysl5
282	2.083333	3.8	7.673333	Apbb2
283	0.01	0.04	0.286667	Gabra4
284	0.036667	0.046667	0.09	Pdgfra
285	0.136667	0.27	0.363333	Brdt
286	5.133333	15.27333	24.02333	Gbp9
287	2.11	2.926667	4.306667	Cds1
288	0.01	0.036667	1.236667	Prkg2
289	48.84667	65.24	109.7367	P2rx4
290	22.57667	91.47667	198.71	Oasl2
291	0.64	1.1	1.67	Glcci1
292	2.783333	6.393333	17.90333	Flt1
293	3.016667	5.83	12.55333	Akr1b8
294	6.93	16.39667	30.03333	Herc6
295	142.3267	324.6233	894.9167	Gpnmb
296	1.01	3.383333	12.53667	Npy
297	0	0.016667	0.28	Stra8
298	0.086667	0.163333	0.793333	Prss37
299	1.793333	3.273333	5.753333	Hpgds
300	0.066667	0.193333	0.486667	Prickle2
301	0	0.04	0.496667	Bmp10
302	3.99	8.08	17.76	Frmd4b
303	0.013333	0.113333	0.533333	Cntn3

304	1.436667	2.673333	5.116667	Aldh1l1
305	0.013333	0.026667	0.04	Grip2
306	11.90667	36.61	81.89333	Usp18
307	10.14333	20.01	44.21333	Emp1
308	5.753333	9.816667	22.88333	Rassf8
309	0.056667	0.11	0.296667	Il17rc
310	0.076667	0.2	1.63	Pianp
311	0.03	0.12	0.41	Sbk2
312	0.753333	0.996667	1.563333	Tjp1
313	2.966667	3.99	7.723333	Mtmr10
314	3.766667	5.42	14.12667	Cd22
315	0.013333	0.05	0.313333	Hapln3
316	149.96	218.9767	378.9233	Itgax
317	0.06	0.126667	0.286667	Ptpn5
318	42.78	84.27333	121.9567	Trim30a
319	3.206667	6.686667	16.05	Ctnn
320	0.356667	0.786667	1.376667	Syt8
321	14.16	24.12667	39.53333	Gla
322	0.243333	0.463333	2.09	Asb11
323	0	0.016667	0.18	Nxf7
324	19.91	25.61667	50.48667	Rnf128
325	1.616667	3.476667	9.146667	Gas6
326	0.096667	0.18	0.543333	Angpt2
327	0.326667	0.546667	0.81	Col4a1
328	2.31	5.546667	10.10333	Tlr3
329	2.243333	4.256667	9.693333	Gpt2
330	2.043333	3.556667	5.73	Il15
331	3.096667	5.076667	9.786667	B3gnt3
332	6.966667	10.66	23.21333	Slc27a1
333	0.236667	0.443333	0.66	1700030J22Rik
334	0.06	0.12	0.733333	Cdh5
335	1.07	1.953333	4.32	Maml2
336	0.57	0.846667	1.39	Trpc6
337	0.17	0.47	2.816667	Trim29
338	0.036667	0.256667	0.846667	Tex12
339	0.416667	0.713333	1.593333	Bco2
340	0.093333	0.136667	0.203333	Cadm1
341	13.82	20.62667	37.55333	Slc37a2

342	0.436667	0.626667	0.96	Kank2
343	33.88667	47.24333	82.85667	Myo1e
344	2.303333	4.043333	5.71	Bckdhb
345	0.2	0.426667	0.953333	Neo1
346	0.006667	0.026667	0.08	Slco2a1
347	13.97	21.73667	30.52667	Uba7
348	14.28333	43.14333	85.00667	Oas3
349	0.676667	0.93	1.516667	Cd59a
350	16.99333	35.66333	48.62667	Oas2
351	0.023333	0.24	1.12	Folr2
352	3.98	6.003333	13.89667	Prr5l
353	0.256667	0.983333	4.243333	Clec1a
354	0.27	0.48	0.88	Antxr1
355	0.576667	0.99	2.216667	Cysltr2
356	4.04	8.283333	22.10667	Igf2bp2
357	0.066667	0.096667	0.266667	Nrxn2
358	1.046667	1.496667	2.49	Asb13
359	71.21333	160.1133	370.9	Lgals3bp
360	0.003333	0.056667	0.206667	Atp2c2
361	0.466667	0.593333	0.973333	Tspan8
362	32.76667	66.37333	86.11333	Parp14
363	2.26	6.173333	13.38667	Gbp8
364	7.366667	29.13667	72.25667	Ifit1
365	0.14	0.53	0.91	Edil3
366	0.053333	0.15	0.383333	Hid1
367	22.07	34	56.83	Cd300ld
368	64.97333	95.62333	165.4967	Gns
369	0.106667	0.296667	0.556667	Adgrb1
370	0.233333	0.436667	0.66	Asb16
371	1.683333	2.87	4.376667	Ano8
372	0.873333	1.7	2.29	Rtkn
373	28.85667	44.31333	85.19333	Tmem106a
374	31.81667	46.41333	78.05	Ccl5
375	0.01	0.07	0.31	Gpr33
376	0.026667	0.053333	0.233333	Fam124a
377	13.76667	33.45333	62.95	Slfn8
378	0.033333	0.1	0.343333	Ssc5d
379	0.003333	0.026667	0.15	Adrb1

380	1.803333	2.586667	3.906667	Mid1
381	7.926667	17.89333	33.85667	Ccl12
382	35.21	108.7233	213.9633	Ccl7
383	132.85	324.6967	480.1	Ccl2
384	7.85	10.04333	17.91	Dennd1a
385	0.003333	0.016667	0.126667	Stab2
386	4.043333	6.023333	8.693333	Rcbtb1
387	0.013333	0.096667	0.35	Slc25a21
388	3.496667	4.953333	10.44333	Aldh1b1
389	0.093333	0.21	0.44	Ky
390	15.70667	58.92333	157.9533	Isg15
391	0.913333	1.21	2.293333	Dagla
392	0.046667	0.1	0.576667	Misp
393	1.673333	2.353333	4.676667	Cd276
394	18.39333	28.15333	53.62333	H2-Q4
395	0.526667	0.78	1.196667	Tmtc2
396	4.446667	12.48	42.56333	Zranb3
397	0.556667	0.983333	4.37	Colec12
398	0.66	5.073333	12.44667	Gramd1c
399	0.68	1.183333	2.38	Slc18a1
400	0.196667	0.39	1.223333	Lgi4
401	12.17	17.9	31.35	Plxnb2
402	8.196667	11.48333	16.46	Eepd1
403	0.433333	0.62	1.143333	Etl4
404	1.26	2.32	4.153333	Igflr1
405	1.823333	3.163333	9.94	Mcoln3
406	0.053333	0.096667	0.136667	Dchs1
407	71.97	94.96667	170.3933	C1qc
408	0.053333	0.12	0.233333	Piwil4
409	0.013333	0.043333	0.106667	Lrfn3
410	0.02	0.036667	0.126667	Frem2
411	0.046667	0.116667	0.453333	Myom3
412	0.186667	0.346667	0.446667	Mgarp
413	0.016667	0.036667	0.086667	Zfyve28
414	2.58	5.596667	20.87333	Pomk
415	25.04667	41.24333	92.74667	Hgsnat
416	30.9	48.65333	76.35	Tap1
417	1.756667	2.54	3.516667	Slc9a7

418	0.953333	1.683333	5.34	Enpp1
419	0.17	0.27	0.64	Hhat
420	0.296667	0.733333	3.193333	Htra4
421	0.25	0.446667	0.693333	Serpine1
422	0.616667	1.156667	3.23	Esy3
423	31.59	45.80667	76.11	Themis2
424	0.08	0.203333	0.4	Slc16a9
425	1.95	13.49333	57.64667	Ifi206
426	3.053333	8.93	21.82333	Ddx60
427	0.143333	0.5	0.926667	Wnk2
428	8.403333	11.03	16.87667	Parp11
429	0.03	0.066667	0.18	Dnajc22
430	0.013333	0.03	0.086667	Dnah10
431	0.01	0.053333	0.253333	Atp13a4
432	0.046667	0.113333	0.62	Crygn
433	0.07	0.21	0.42	Stox2
434	97.61667	126.7033	209.6467	Cd84
435	2.453333	4.093333	6.413333	Gstp2
436	0.053333	0.176667	0.49	Enpp6
437	12.45333	18.7	49.75	Slamf7
438	0.116667	0.193333	0.396667	Gpr162
439	0.5	0.823333	2.783333	Pmepa1
440	20.93	39.7	63.9	Parp12
441	1.16	1.42	2.45	Grtp1
442	0.226667	0.35	0.966667	Akap12
443	0.036667	0.086667	0.21	Shoc1
444	770.9433	1202.55	2362.117	Ctss
445	0.186667	0.376667	1.303333	Lpar1
446	0.37	1.083333	1.77	Angptl6
447	0.22	0.493333	0.82	Baiap2l1
448	49.34	73.63	174.23	Anpep
449	0.09	0.143333	0.22	En2
450	0.023333	0.08	0.223333	Mycbpap
451	0.196667	0.316667	1.143333	Nrn1
452	0.666667	1.446667	1.996667	Atf7ip2
453	29.86	39.24667	70.15	Metrl
454	2.433333	4.946667	6.746667	Il18
455	0.576667	1.58	2.463333	Tnfsf10

456	0.073333	0.16	0.25	Tex19.2
457	0	0.016667	0.056667	C130074G19Rik
458	2.723333	4.903333	17.3	Wfs1
459	27.62667	53.86333	115.2633	Znfx1
460	13.54	19.90333	27.15667	Zup1
461	2.036667	3.776667	5.626667	Batf2
462	0.67	1.2	1.72	Spsb1
463	0.013333	0.19	2.556667	Mrap
464	30.45667	69.89667	110.01	Ifi203
465	19.20667	43.48333	82.55	Stat2
466	0.003333	0.02	0.14	Tnni3k
467	0.203333	0.523333	1.806667	Gpr176
468	0.703333	1.066667	1.58	Ttc12
469	24.66	39.85333	54.19667	Gbp7
470	0.16	0.336667	0.54	Gbp2b
471	0.75	1.4	3.206667	Pacsin1
472	28.42333	54.73	79.4	Ddx58
473	0.166667	0.676667	1.55	Olfir56
474	0.036667	0.113333	0.253333	Sec1
475	11.99	32.21	58.27667	Xaf1
476	21.22667	29.80333	55.21333	Tlr8
477	24.30333	46.25667	119.9667	C3ar1
478	3.71	5.44	7.593333	Gstm2
479	12.09	22.10667	46.41333	Apobec1
480	3.75	6.096667	9.356667	Scamp5
481	0.043333	0.096667	0.216667	Catsperd
482	0.643333	1.136667	1.91	Reps2
483	0.253333	0.376667	0.536667	Osbpl10
484	0.063333	0.27	1.036667	Mill2
485	0.013333	0.053333	0.286667	Npnt
486	0.003333	0.013333	0.166667	Grid1
487	0.016667	0.056667	0.56	Pla2g2d
488	5.983333	8.113333	13.3	Arhgap12
489	24.24667	33.69333	57.52333	Mdfic
490	2.036667	3.47	6.87	Meis3
491	0.006667	0.013333	0.063333	Sdk2
492	0.33	0.563333	0.71	Ggact
493	0.31	0.756667	2.13	Abca9

494	3.34	14.36333	52.42667	Oasl1
495	0.016667	0.036667	0.283333	Abca8a
496	2.2	4.483333	7.58	Agrn
497	0.32	0.846667	2.613333	Pkp2
498	0.13	0.223333	0.433333	Igsf3
499	0.366667	0.61	1.396667	Bend6
500	0.21	0.546667	1.83	Sgsm1
501	0.853333	1.36	2.02	Zfp532
502	0.09	0.206667	0.35	Abcb4
503	0.02	0.036667	0.063333	Golga7b
504	1.36	1.736667	2.74	Shcbp1l
505	38.34667	66.34667	90.63667	Trafd1
506	0.253333	0.556667	0.906667	Sgtb
507	0.173333	0.37	1.043333	Trim72
508	4.833333	7.516667	11.46	Serpinb6b
509	0.043333	0.08	0.323333	Wfdc12
510	26.52667	82.71667	177.66	Ifi209
511	0.726667	1.196667	2.396667	Mdga1
512	0.68	0.976667	1.866667	Tmem221
513	0.053333	0.136667	0.413333	F830045P16Rik
514	0.023333	0.04	0.166667	Zfp469
515	0.016667	0.036667	0.1	Adgrd1
516	1.79	3.203333	6.506667	Fmn1
517	0.103333	0.333333	1.04	Lmod3
518	2.113333	2.976667	5.13	Il20rb
519	0.293333	0.65	1.423333	Cdkn2a
520	0.616667	0.986667	2.763333	Mab21l3
521	0.65	1.306667	1.826667	Snhg11
522	12.66333	25.30667	41.69667	Tlr7
523	0.153333	0.256667	0.693333	Liph
524	0.06	0.08	0.143333	Plppr4
525	2.37	6.563333	17.57	Phf11a
526	0.213333	0.5	0.8	Kcnj10
527	0.246667	0.8	3.84	Dok7
528	0.243333	0.366667	0.616667	Scml4
529	39.84667	57.27333	95.35	Cd300c2
530	0.076667	0.413333	1.833333	Ankrd45
531	0.246667	0.47	1.006667	Gm4779

532	0.71	1.026667	2.69	S1pr1
533	13.23333	22.97	57.04333	Lhfp12
534	3.453333	4.513333	7.02	Tlr9
535	0.64	0.876667	1.29	Pigz
536	0.176667	0.256667	0.383333	Col27a1
537	0.506667	1.07	1.983333	Nlrp4e
538	7.16	11.87667	21.51333	Serpib9
539	46.05667	90.28333	135.1433	Gvin1
540	0.323333	0.73	1.576667	Npas4
541	9.296667	30.01667	110.2267	Ifit2
542	0.456667	0.726667	1.043333	Calhm6
543	0.733333	1.12	3.296667	Clec9a
544	0.273333	0.496667	1.25	Cd109
545	0.303333	0.473333	1.23	Ccbe1
546	48.96667	111.2567	218.3533	Bst2
547	0.053333	0.13	0.24	Nxph3
548	25.91333	56.83	100.5033	Irgm1
549	0	0.016667	0.136667	Mageb16
550	0.026667	0.393333	1.1	Cdh19
551	0.733333	1.96	13.49667	Rnase2a
552	0	0.006667	0.066667	A2ml1
553	0	0.046667	0.483333	Gm973
554	2.406667	8.213333	20.73	Flrt2
555	0.2	0.343333	0.633333	Fgfbp3
556	0.186667	0.31	0.44	Ust
557	0.233333	0.34	0.533333	Diras2
558	0.613333	0.913333	1.756667	A4galt
559	1.296667	1.876667	2.873333	Rgmb
560	2.343333	3.366667	5.903333	Cracr2b
561	1.243333	2.256667	4.07	Amigo2
562	44.97	77.95333	142.7233	Myof
563	0.12	0.266667	0.933333	Prss50
564	0.24	0.48	0.93	Gm12185
565	0.033333	0.066667	0.266667	Efna5
566	0.456667	0.696667	2.14	Mrgpre
567	0.006667	0.02	0.14	Elfn1
568	0.006667	0.013333	0.083333	Hcar1
569	0	0.003333	0.036667	Lrp1b

570	0.03	0.073333	0.16	Krt8
571	1.166667	2.353333	4.386667	Tmem67
572	19.68667	33.38	49.69	Dtx3l
573	0.983333	1.453333	2.266667	Tmem202
574	0.123333	0.626667	1.82	Vsig8
575	0.486667	0.766667	1.676667	Morn4
576	0.013333	0.05	1.13	Prss46
577	1912.69	3568.88	7593.517	Mmp12
578	29.42667	50.54	79.50333	Trex1
579	0.276667	0.93	1.75	Ceacam19
580	0.683333	1.03	2.256667	Nlrc3
581	0.19	0.406667	1.006667	Il31ra
582	0.243333	0.37	0.536667	Armcx6
583	0	0.01	0.076667	Foxl2
584	0.026667	0.07	0.13	Cyp8b1
585	0.09	0.276667	0.966667	Fam167b
586	34.57667	50.79667	74.31667	Tor1aip2
587	17.45	61.93	279.9233	Mmp13
588	0.06	0.086667	0.163333	Arhgap42
589	2.536667	3.93	10.39	Tmem37
590	0.086667	0.24	0.513333	Rtn4rl2
591	0.013333	0.053333	0.136667	Cdr2l
592	4.946667	7.673333	13.45	Insl6
593	0.136667	0.586667	1.72	Serpinb1b
594	0.233333	0.403333	0.786667	Nlgn2
595	0.446667	0.946667	1.576667	Tlr11
596	2.226667	4.453333	7.26	Tmem171
597	0	0.05	0.243333	Sh2d6
598	19.04667	33.32667	53.92667	Rab7b
599	0.14	0.23	0.34	Map1b
600	38.78667	79.67667	126.7133	Oas1a
601	0.036667	0.136667	0.273333	Dnah6
602	0.156667	0.233333	0.593333	Cyp2j6
603	0.03	0.05	0.156667	Arhgef15
604	6.973333	16.87	32.92333	Slamf8
605	0.76	1.91	2.71	Smagp
606	14.24	28.83333	38.83	H2-T24
607	0.356667	1.33	6.116667	ligp1

608	0.583333	1.083333	3.166667	Ffar4
609	3.69	12.31333	33.83667	Ifi205
610	31.46333	95.01333	172.8133	Slfn5
611	0.09	0.13	0.183333	Tmem74
612	0.01	0.03	0.103333	Pla2r1
613	0.41	0.756667	2.976667	Xlr
614	3.09	3.743333	6.183333	Ankrd24
615	0	0.006667	0.073333	Nyap2
616	0.13	0.223333	0.7	Smyd1
617	5.493333	7.64	12.72667	Tns1
618	3.79	7.903333	14.88333	Maf
619	0.126667	0.233333	0.3	Hmcn2
620	0.07	0.13	0.253333	Tafa3
621	0.06	0.226667	0.57	Cldn23
622	23.03667	40.43667	82.97	H2-T22
623	0.093333	0.146667	0.23	Unc93a2
624	10.94	20.15667	28.40333	Trim34a
625	0.256667	0.36	0.596667	Actr3b
626	30.01667	44.87	75.14667	Scimp
627	2.946667	4.753333	9.72	Tmem140
628	0.13	0.426667	2.7	Apol9a
629	27.22	41.72	71.38	Lgals8
630	20.31667	50.44667	82.24667	Trim30d
631	0.52	1.16	2.46	4933430I17Rik
632	3.446667	5.403333	8.346667	Palld
633	0.01	0.04	0.34	Sez6l
634	6.1	16.79	33.94333	Gm5431
635	0.003333	0.096667	0.613333	Kcnh1
636	0.27	0.463333	0.8	Tspan7
637	17.27	24.99	37.19333	Wdr91
638	0.023333	0.073333	0.203333	Gpc6
639	0.166667	1.196667	8.07	Actg2
640	0.016667	0.036667	0.126667	Adamts14
641	15.2	22.56667	49.47333	Serpnb6a
642	0.016667	0.03	0.056667	Zfp462
643	32.89	49.64333	77.6	Tor3a
644	0.473333	1.156667	3.18	Fam78b
645	3.01	4.386667	9.556667	Layn

646	1.436667	2.363333	3.176667	Plaat3
647	0.03	0.046667	0.11	Plekhh1
648	1237.317	1840.453	3067.02	B2m
649	0.106667	0.366667	0.95	Cyp4f39
650	3.446667	7.56	19.1	Blk
651	26.5	34.87	61.93	Fnip2
652	0.08	0.236667	0.453333	Akap6
653	2.776667	3.96	9.216667	Sphk1
654	0.293333	0.44	0.67	Olf99
655	0	0.02	0.16	Trim54
656	6.41	9.56	17.54333	Cttnbp2nl
657	0.016667	0.07	1.086667	Dgkk
658	1.33	5.123333	15.20333	Ifit3b
659	2.806667	9.023333	32.07667	Fabp4
660	1.266667	3.366667	10.78333	Kdr
661	0.006667	0.06	0.18	Sox7
662	0.036667	0.053333	0.09	D630045J12Rik
663	0.063333	0.09	0.16	Aox1
664	0.123333	0.446667	0.963333	Tnfrsf11b
665	0.22	0.273333	0.486667	Rnf183
666	0.006667	0.043333	0.113333	Nlgn1
667	1.156667	4.82	19.15333	Ifi208
668	0.053333	0.126667	0.756667	Tnfsf18
669	9.98	28.49333	59.20333	Oas1g
670	0.006667	0.02	0.11	Serpnb5
671	63.43667	107.1833	186.2167	H2-T23
672	0.083333	0.18	0.923333	Klra3
673	0.03	0.066667	0.14	Il2rb
674	5.15	16.28333	61.82667	Phf11d
675	0.306667	0.996667	8.62	Apol9b
676	0.29	0.493333	1.086667	Shroom4
677	0.136667	0.503333	0.896667	Slc4a5
678	1.09	1.6	2.236667	Zfp467
679	0.083333	0.18	0.37	Cgn
680	1.016667	5.523333	43.94667	Lyz1
681	2.786667	6.726667	16.05667	Cd300ld3
682	13.45333	25.64333	35.72	Irgm2
683	0.36	0.723333	1.473333	Mmp27

684	45.31	114.5333	201.8267	Rnf213
685	14.80333	31.96667	55.93333	Ccnd1
686	5.11	9.09	17.93	Il18bp
687	0.213333	1.273333	6.356667	Ifi214
688	0.02	0.076667	0.223333	Mn1
689	0.63	1.43	5.02	Lilra5
690	0.073333	0.17	0.31	Timm8a2
691	0.06	0.223333	0.72	Ccnb1ip1
692	5.543333	7.726667	16.69333	Slc39a2
693	0.02	0.073333	0.12	Sod3
694	0.236667	0.47	2.073333	C4b
695	37.53	101.58	218.4133	Ifi204
696	33.03667	68.88667	101.6533	Ifi207
697	1.633333	11.36667	51.58	Ifi213
698	0.656667	3.266667	11.78	Gm4951
699	0.01	0.06	0.233333	Olfir1330
700	0.16	0.28	0.883333	Spef1l
701	1.04	1.473333	2.16	Cdkn2b
702	10.49667	13.78333	23.94667	Il11ra1
703	0.576667	0.986667	1.203333	Hbb-bt
704	0.05	0.186667	0.483333	Omp
705	0	0.023333	0.423333	Cmtm2a
706	9.3	17.94333	28.89667	Nlrc5
707	0.176667	0.233333	0.403333	Zfp791
708	0.046667	0.153333	0.32	Rec114
709	0.02	0.08	0.46	Fat3
710	0.183333	0.346667	1.333333	Kif5a
711	0	0.083333	0.61	Foxs1
712	0.74	1.33	2.043333	Thbd
713	6.803333	28.99667	112.3933	Ifit3
714	0.01	0.153333	0.416667	Olfir1054
715	0.03	0.056667	0.236667	Klhl41
716	0.11	0.17	0.41	Nynrin
717	56.43667	132.42	304.25	Ly6a
718	0	0.006667	0.033333	Foxd1
719	4.173333	8.366667	23.34333	Plekhn1
720	0.72	1.656667	5.406667	Perm1
721	0.766667	1.206667	2.55	Nkain1

722	0.29	0.393333	0.61	Cyp4a12b
723	52.06667	110.48	170.1733	Gvin2
724	6.47	12.69	17.36	Trim30c
725	75.04333	123.2533	182.5267	Slfn1
726	13.58667	25.17667	39.71	Igtp
727	1.836667	2.693333	3.816667	Gm14308
728	0	0.043333	0.383333	Gm14444
729	17.40333	36.7	68	Ifi47
730	2.53	6.09	16.48333	Tgtp2
731	0.11	0.223333	0.853333	Arhgap8
732	51.26	147.6233	313.76	Ifi27l2a
733	9.206667	13.69333	21.82	Cyp4v3
734	0.176667	0.513333	0.846667	Trim43b
735	0	0.006667	0.1	Zan
736	387.0133	555.4433	1134.263	Clec7a
737	4.253333	11.75667	34.41	Ifit1bl1
738	3.273333	11.13667	19.03667	Gbp4
739	21.45333	43.47	72.28333	Ms4a6c
740	0.003333	0.01	0.09	Gm15023
741	0.056667	0.253333	1.586667	Gm7609
742	0.69	1.363333	3.39	Phyhd1
743	1.496667	2.256667	4.2	H2-T10
744	0.556667	2.88	7.746667	Tm4sf19
745	0.53	0.98	1.71	Ctsf
746	0.073333	0.163333	0.316667	Btbd18
747	0.05	0.156667	0.35	Tmem102
748	0.376667	0.52	1.013333	Cd200r2
749	14.39667	31.97333	73.3	Cfb
750	42.62333	81.03667	129.1267	Mndal
751	1.32	3.24	5.183333	Olf111
752	0.103333	0.533333	3.106667	F830016B08Rik
753	0.463333	0.93	1.506667	Gcnt4
754	11.38667	29.92	57.85333	Phf11b
755	0.166667	0.303333	1.456667	Gbp11
756	0.06	0.163333	0.24	Gm19684
757	0.69	0.996667	2.266667	Smim40
758	0.126667	0.283333	0.46	Gm20441
759	0.743333	1.106667	2.15	H3c14

760	0.803333	2.046667	4.213333	BC147527
761	0.59	1.596667	2.8	Gm36079
762	0.076667	0.1	0.173333	Edaradd
763	0.33	0.46	0.926667	Figl2
764	0	0.053333	0.38	Gm10719
765	15.04	26.69667	43.89667	Gm21188
766	0.14	0.473333	1.173333	Samd11
767	0.07	0.14	0.396667	Tpbgl
768	6.586667	10.06667	21.99	Tnfsf12
769	0.196667	0.386667	1.843333	Ms4a14
770	6.273333	12.68333	27.19	Ms4a4a
771	0.03	0.786667	2.626667	Wdr49
772	2.946667	10.75	35.28	Gbp6
773	8.433333	16.07667	25.09667	Gbp5
774	7.28	10.89333	23.73333	Gm49369
775	0.596667	0.956667	1.223333	Gm49358
776	0	0.093333	0.63	Gm52955
777	0.9	1.913333	6.98	Ahnak2

Supplementary table 3:

Caption of the table 3.

152 differently upregulated expressed genes at 12, 24 and 48 h after Decitabine stimulation.

Nu	C1-12h	C2-12h	C3-12h	C1-24h	C2-24h	C3-24h	C1-48h	C2-48h	C3-48h	D1-12h	D2-12h	D3-12h	D1-24h	D2-24h	D3-24h	D1-48h	D2-48h	D3-48h	Symbol
1	11.11	11.12	12.56	15.74	12.84	15.85	35.06	25.39	30.8	27.59	29.74	31.02	104.39	95.88	108.15	271.82	268.49	268.23	Slfn4
2	0	0	0.05	0.04	0.02	0.02	0.06	0	0	0.25	0.57	0.91	2.55	2.5	2.32	5.69	6.14	5.55	Clec2g
3	9.03	8.91	10.65	12.54	9.97	10.79	12.59	11.69	10.83	18.97	20.9	20.57	43.77	42.99	48.66	74.89	81.36	80.49	Mx1
4	2.41	1.7	1.98	2.35	3.83	3.1	2.19	3.82	3.66	5.16	5.15	5.83	12.05	12.73	12.2	19.83	19.09	20.38	Gstt1
5	4.13	4.86	5.2	5.51	5.3	6.44	5.68	4.63	6.38	9.55	10.17	9.11	16.35	16.59	16.87	13.02	12.57	13.08	Gstt3
6	0.93	1.4	1.14	1.57	1.69	1.96	1.65	1.41	1.46	2.61	3.47	2.36	7.13	8.1	7.99	9.62	8.2	10.58	Cp
7	1.82	2.71	2.6	2.12	1.98	1.75	1.08	0.51	0.47	3.83	5.61	4.84	4.94	5.09	4.49	5.01	5.66	5.03	Ccl24
8	0	0	0	0.02	0	0	0	0	0	0.99	0.69	1.1	2.73	3.23	2.95	1.34	1.12	1.25	Cyp2a5
9	0.2	0.26	0.08	0.37	0.43	0.27	0.15	0.17	0.17	0.73	0.74	0.57	0.82	1.15	0.78	1.46	1.5	1.48	Crip2
10	0.03	0	0.02	0	0.04	0.02	0.07	0.02	0.02	0.35	0.46	0.29	1.29	0.97	1.08	3.44	3.77	3.05	Slc47a1
11	0.28	0.49	0.29	0.42	0.32	0.32	0.28	0.34	0.37	0.63	0.67	1.05	0.99	0.87	0.93	0.84	0.86	1.07	Amotl1
12	0.04	0	0.07	0.05	0.02	0.01	0.03	0.04	0.03	0.18	0.2	0.2	0.18	0.12	0.13	0.25	0.19	0.28	Plekhg4
13	0.17	0.11	0.14	0.25	0.28	0.28	0.22	0.23	0.27	0.43	0.46	0.34	0.53	0.51	0.64	1.09	1.04	1.41	Gata3
14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.53	0.38	0.92	0.23	0.44	0.77	0.23	0.54	0.18	Dpep1
15	0.03	0.02	0.03	0	0.02	0.02	0	0	0	0.31	0.48	0.59	0.23	0.31	0.12	0.12	0.1	0.05	Gdpd2
16	0	0	0	0.01	0	0.01	0	0	0.02	0.22	0.42	0.54	0.63	0.38	0.38	0.16	0.12	0.06	Sec14l4
17	0.73	0.71	0.58	0.7	0.64	0.58	0.62	0.6	0.72	1.49	1.71	1.97	3	3.22	3.25	4.51	5.26	5.49	Slc1a4
18	3.81	3.77	3.83	3.88	3.83	3.81	3.26	3.3	3.33	7.82	7.63	8.29	53.78	54.22	51.73	36.94	39.69	38.36	D10Wsu102e
19	0.41	0.25	0.35	0.11	0.14	0.16	0.68	0.44	0.51	0.66	0.68	0.83	0.44	0.75	0.76	1.21	1.57	1.22	Slc36a2
20	0.14	0	0.08	0.22	0.22	0.11	0.36	0.18	0.12	0.33	0.51	0.29	0.56	0.63	0.58	0.75	0.95	0.89	Rgs9
21	1.93	1.31	2.07	3.89	2.6	3.26	6.27	3.45	4.71	6.75	7.82	7.49	26.44	27.96	30.05	72.9	76.38	79.85	Rsad2
22	0.11	0.22	0.12	0.18	0.28	0.19	0.52	0.3	0.53	0.45	0.5	0.45	0.68	0.83	0.74	1.96	2.02	2.24	Adcy3
23	0.14	0.16	0.17	0.2	0.2	0.24	0.31	0.09	0.11	0.37	0.36	0.41	0.49	0.33	0.68	0.52	0.42	0.53	Tgfb3
24	0	0.02	0.01	0	0.02	0	0	0	0	0.22	0.61	0.5	0.14	0.16	0.24	0.03	0.07	0.03	Ryr2
25	1.03	1	0.91	2.35	1.63	2.69	3.21	3.16	3.45	2	2.42	1.81	5.77	5.46	7.41	14.49	11.64	12.97	Edn1
26	25.58	27.71	28.99	38.81	38.05	40.99	46.33	42.31	44.77	59.67	62.34	53.66	97.68	93.94	107.29	116.56	92.79	112.67	Acod1
27	0	0	0	0	0	0.01	0	0.03	0	0.07	0.06	0.07	0.1	0.1	0.11	0.2	0.15	0.21	Grhl2
28	0.08	0.13	0.11	0	0	0	0.06	0	0.07	1.21	0.85	0.82	1.63	1.94	2.35	4.14	5.29	4.55	Gtsf1
29	0.07	0.03	0.09	0.1	0.16	0.06	0.06	0.05	0.07	0.35	0.48	0.23	1.24	1	1.24	1.18	0.97	1.2	Serpind1
30	52.98	49.08	48.05	52.29	52.02	52.38	55.45	53.18	51.58	108.37	110.99	111.58	650.83	643.31	672.28	471.78	537.62	480.93	Noct
31	0.33	0.25	0.48	1.05	0.79	0.83	1.51	0.79	1.1	1.08	1.66	1.61	4.41	4.4	4.39	9.49	8.96	8.89	Mx2
32	4.2	0.96	2.32	4.29	3.83	4.44	3.4	3.64	3.04	6.9	5.95	4.73	17.51	15.61	18.45	52.7	53.17	57.95	Ms4a4c
33	0.21	0	0.16	0.28	0.38	0.13	0.28	0.27	0.34	0.53	0.39	0.57	2.76	2.88	2.81	4.47	4.97	4.53	Sectm1a
34	6.33	5.86	7.83	11.19	7.14	10.48	17.72	12.77	14.39	14.84	16.52	17.72	50.48	48.85	55.17	173.24	172.94	176.55	lrf7
35	0.19	0.11	0.05	0.35	0.27	0.33	0.52	0.34	0.43	0.39	0.54	0.61	0.99	1.09	1.43	2.64	2.34	3.16	Prkar1b
36	0.07	0.1	0.03	0.07	0.02	0.13	0.21	0.12	0.11	0.24	0.24	0.21	1.27	1.36	1.07	4.96	4.36	4.77	Slc9a4
37	0	0	0.12	0	0.03	0.01	0	0	0	0.24	0.2	0.3	0.37	0.26	0.34	0.07	0.1	0.14	Cnga3
38	7.02	7.11	10.15	13.37	10.78	14.44	22.1	15.25	18.83	16.2	22.53	18.41	61.28	59.89	65.02	162.05	162.26	167.63	lfi211
39	0.36	0.57	0.56	0.38	0.49	0.56	1.74	0.79	0.76	1.17	0.83	1.08	1.8	2.07	1.92	2.91	2.79	2.74	Ak1
40	1.13	0.77	0.74	0.85	0.57	0.85	0.82	0.78	0.53	2.16	1.95	2	2.54	2.41	2.11	1.86	2.33	2.05	Prrg4
41	0.78	0.84	0.87	1.9	1.15	1.4	3.23	2.74	3.12	1.41	1.85	1.75	6.98	6.82	7.58	40.65	38.8	43.52	Siglec1

42	16.3	13.14	15.84	25.12	22.32	26.27	33.08	30.45	35.38	35.92	37.18	35.46	73.08	72.94	84.49	128.31	130.72	130.06	Zbp1
43	0.25	0.32	0.38	0.68	0.28	0.71	1.34	0.76	0.92	0.78	1.19	1.08	6.69	6.14	7.22	34.09	32.98	36.02	Ifi44
44	1.99	1.67	1.71	1.88	1.58	1.9	3.38	3.34	3.24	4.8	4.98	6.09	22.42	24.2	22.95	196.9	177.02	192.83	Ctsk
45	0.81	0.73	0.55	0.71	1.04	0.78	0.74	0.3	0.75	2.02	1.41	1.55	3.58	2.91	4.25	10.31	10.85	10.54	Fabp3
46	0.06	0.11	0.01	0.09	0.08	0.08	0.51	0.18	0.24	0.21	0.19	0.2	0.77	1.06	0.81	2.68	3.91	2.27	Sema3a
47	0	0.02	0.02	0	0	0.03	0.03	0	0	0.21	0.26	0.24	0.29	0.32	0.16	0.34	0.28	0.39	Cxcl9
48	0.09	0.02	0.2	0.05	0.05	0.05	0.11	0.02	0.05	0.38	0.43	0.25	0.52	0.33	0.56	0.42	0.49	0.3	Wdr66
49	8.3	6.32	10.15	16.48	10.52	16.32	28.3	19.16	21.6	20.99	21.99	24.75	93.69	84.1	96.64	202.5	192.43	201.2	Oasl2
50	1.12	0.86	1.11	2.47	2.32	2.58	5.27	4.74	5.03	3.01	2.61	2.73	5.81	7.03	6.34	17.78	16.84	19.09	Flt1
51	3.85	3.3	4.6	7.24	5.04	6.88	8.95	7.04	7.74	11.84	13.06	10.82	35.76	34.89	39.18	83.32	79.25	83.11	Usp18
52	0	0	0	0	0.03	0	0.06	0.02	0.07	0.2	0.04	0.15	0.8	0.69	0.83	0.39	0.19	0.27	Ush1c
53	0.1	0.05	0.01	0.07	0.1	0.04	0.07	0.05	0.01	0.14	0.19	0.27	0.45	0.41	0.42	1.07	0.88	0.91	Neo1
54	5.58	5.84	6.57	12.45	8.14	11.97	21.4	15.59	18.45	13.46	14.58	14.81	43.64	39.46	46.33	80.99	85.8	88.23	Oas3
55	7.73	6.39	7.41	11.53	7.24	9.59	15.79	11.99	14.47	14.91	19.08	16.99	37.33	33.73	35.93	45.88	48.49	51.51	Oas2
56	0.26	0.12	0.18	0.3	0.13	0.08	0.07	0.05	0.04	0.44	0.41	0.43	0.53	0.78	0.48	0.64	0.48	0.53	Rims3
57	3	2.82	2.39	3.69	3.06	3.03	4.21	3.78	3.21	5.74	5.5	5.53	7.6	6.97	7.67	8.43	9.06	9.02	Gstt2
58	4.96	4.84	8.09	12.9	7.7	12.91	18.87	12.93	17.33	19.12	23.23	21.01	68.5	64.12	72.69	103.26	98.3	100.12	Rtp4
59	0.08	0.05	0.08	0.15	0.04	0.05	0.09	0.06	0.07	0.24	0.21	0.32	0.31	0.26	0.35	0.3	0.31	0.21	Flvcr2
60	0.01	0.03	0.02	0.01	0.03	0.02	0.01	0.02	0.02	0.04	0.05	0.05	0.08	0.11	0.09	0.08	0.12	0.07	Igsf9b
61	1.94	1.23	2.07	4.08	2.25	3.37	4.88	2.95	4.48	6.85	7.45	7.8	26.79	30.29	30.33	70.36	68.36	78.05	Ifit1
62	4.75	4.02	5.49	7.67	6.46	6.76	4.87	2.81	5.31	17.56	21.2	18.97	31.15	36.85	34.82	31.05	30.84	31.94	Cxcl10
63	5.56	4.92	6.79	9.1	7.8	9.38	12.7	10.21	11.83	13.22	14.13	13.95	32.76	33.26	34.34	63.64	60.47	64.74	Slfn8
64	0.15	0.22	0.41	0.42	0.37	0.45	0.27	0.29	0.34	0.8	0.67	0.58	0.92	0.86	0.83	1.08	0.9	1.02	Cdcp1
65	3.62	3.44	4.96	10.71	6.8	9.72	14.85	8.92	12.52	12.18	17.87	17.07	58.85	53.43	64.49	168.74	157.99	147.13	Isg15
66	0.02	0.02	0	0.05	0.04	0.05	0.01	0.06	0	0.09	0.19	0.11	0.28	0.61	0.83	0.6	0.65	0.43	Olfrr11
67	0.55	0.36	0.85	1.64	1.14	1.62	3.45	1.83	2.23	1.6	2.19	2.06	13.29	12.96	14.23	57.75	56.47	58.72	Ifi206
68	0.11	0.13	0.11	0.19	0.18	0.15	0.16	0.1	0.16	0.77	0.67	0.65	0.45	0.52	0.46	0.43	0.37	0.47	Zfp365
69	0.24	0.26	0.31	0.25	0.3	0.31	0.23	0.23	0.14	0.71	0.93	0.52	0.64	0.58	0.62	0.65	0.61	0.64	Ptpdc1
70	0.3	0.08	0.09	0.23	0.34	0.06	0.13	0.1	0.07	1.97	2.52	2.87	3.81	4.39	4.08	5.68	7.86	5.7	Gstp2
71	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.82	0.81	0.5	1.89	2.35	1.71	0.99	0.96	0.75	Serpib9f
72	1.04	1.2	0.62	0.94	0.78	0.63	1.15	1.5	0.83	2.13	2.29	2.55	2.22	1.49	1.93	3.05	3.15	2.8	Gdf15
73	0.02	0.09	0.17	0.17	0.17	0.09	0.16	0.01	0.06	0.16	0.21	0.31	0.33	0.35	0.37	0.82	1.1	0.98	Akap12
74	0.51	0.63	0.87	0.28	0.85	0.58	0.42	0.21	0.38	1.99	1.42	0.97	1.24	1.11	1.27	1.3	1.44	1.4	Pakap
75	0.3	0.09	0.12	0.18	0.24	0.17	0.24	0.33	0.14	0.85	0.59	0.56	1.46	1.52	1.36	2.25	1.58	2.16	Atf7ip2
76	0.48	0.46	0.56	0.58	0.47	0.48	0.32	0.33	0.28	2.47	1.96	1.8	2.15	2.32	2.41	1.54	1.47	1.38	Zfp750
77	0.04	0	0	0	0	0	0	0	0	0.48	0.49	0.72	1.85	1.51	1.87	2.29	2.49	2.4	Tex19.1
78	0.82	0.91	0.65	1.46	0.72	1.08	0.85	0.95	1.3	2.01	1.99	2.11	3.54	3.64	4.15	5.08	6.09	5.71	Batf2
79	6.57	6.31	6.32	6.33	5.04	6.1	6.19	5.58	3.14	13.27	15.65	13.56	13.06	14.5	12.28	11.52	11.78	11.3	Kyat3
80	4.88	3.38	6.47	8.94	6.43	8.63	14.05	10.48	9.44	9.51	13.04	13.42	31.08	29.47	36.08	59.44	61	54.39	Xaf1
81	23.7	23.88	23.73	24.98	22.64	25.82	11.41	11.38	11.47	59.97	60.25	55.38	54.47	54.38	55.12	28.95	29.43	29.28	Serpina3g
82	0.63	0.6	1.13	1.75	0.72	1.42	2.32	1.33	1.59	3.27	3.19	3.56	13.9	13.37	15.82	51.62	51.58	54.08	Oasl1
83	12.51	12.13	12.4	21.11	17.13	23.37	32.24	23.33	25.84	23.86	28.79	26.93	80.61	81.73	85.81	175.12	180.89	176.97	Ifi209

84	0.04	0.27	0.16	0.29	0.39	0.19	0.46	0.67	0.5	0.85	0.47	0.72	0.88	1.04	1.01	1.89	1.69	2.02	Tmem221
85	0.35	0.21	0.29	0.54	0.42	0.36	0.94	0.81	0.86	0.57	0.68	0.6	1.01	0.77	1.18	3.18	2.58	2.53	Mab21l3
86	0.3	0.3	0.32	0.41	0.37	0.37	0.48	0.39	0.38	0.65	0.64	0.66	1.51	1.19	1.22	2.01	1.76	1.71	Snhg11
87	0.94	0.57	1.19	1.48	0.85	1.26	1.27	1.65	1.34	2.48	2.18	2.45	6.49	6.06	7.14	17.76	17.93	17.02	Phf11a
88	61.28	61.01	61	69.06	69.31	69.08	67.86	67.42	66.08	190.53	198.05	202.94	1705.3	1736.8	1689.6	1227.7	1350.5	1254.3	Slc38a6
89	0.8	0.96	0.89	0.68	0.89	1.1	0.5	0.49	0.67	2.57	2.28	2.5	3.02	3.51	3.73	2.21	1.96	1.75	D630023F18Rik
90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.39	0.18	0.17	0.54	0.44	0.43	1.3	0.8	0.92	Gm4779
91	0.46	0.47	0.44	0.36	0.08	0.42	0.2	0.14	0.14	1.77	1.25	1.04	1.82	2	2.01	0.81	1.42	1.28	Epcam
92	0	0	0	0	0	0	0.01	0	0	0.47	0.55	0.5	1.26	1.1	0.85	2.38	1.77	1.8	Nlrp4e
93	0	0	0	0.02	0	0	0.03	0.03	0.06	2.84	2.69	2.44	2.81	3.03	3.94	3.2	3.26	3.2	Magea13
94	0.16	0.13	0.08	0.17	0.14	0.09	0.24	0.18	0.2	0.18	0.33	0.31	0.55	0.5	0.44	1.33	1.29	1.13	Cd109
95	0.19	0.45	0.23	0.24	0.28	0.24	0.26	0.26	0.3	0.81	0.48	0.58	0.76	0.67	0.72	1.01	0.89	1.14	Fam83h
96	10.93	12.16	13.28	18.19	15.97	19.59	22.44	16.83	21.43	23.82	26.6	27.32	56.72	55.61	58.16	101.46	98.38	101.67	Irgm1
97	0.83	1.04	1.07	1.18	1.42	1.36	1.19	1.01	0.93	2.04	2.26	2.56	2.7	3.01	3.09	3.29	3.31	2.96	Inka2
98	0.14	0.18	0.15	0.29	0.15	0.31	0.47	0.48	0.45	0.31	0.49	0.62	0.6	0.49	0.46	1.04	0.91	0.95	Sall2
99	0.39	0.28	0.35	0.3	0.22	0.27	0.4	0.44	0.37	0.75	0.7	0.6	1.01	0.98	1.1	2.31	2.21	2.25	Nlrc3
100	0.24	0.13	0.23	0.27	0.22	0.27	0.25	0.53	0.55	0.63	0.47	0.52	0.91	1.16	1.05	1.16	0.78	0.86	Scd4
101	0	0	0	0	0	0	0	0.04	0	1.56	1.85	1.94	3.32	2.53	2.61	3.7	2.64	3.04	Trap1a
102	0.06	0.02	0.09	0.1	0.06	0.04	0.04	0.04	0.04	0.21	0.32	0.29	0.38	0.29	0.3	0.3	0.21	0.08	Gm6583
103	0	0	0	0	0.02	0	0	0.02	0.06	0.2	0.12	0.1	0.08	0.19	0.09	0.19	0.21	0.24	Kctd19
104	0.07	0.04	0.04	0.07	0.08	0.05	0.13	0.12	0.11	0.12	0.17	0.13	0.2	0.27	0.22	0.35	0.27	0.4	Map1b
105	7.31	6.28	6.91	9.97	7.79	10.94	13.82	9.39	12.23	12.46	15.09	15.17	27.48	28.39	30.63	38.84	38.23	39.42	H2-T24
106	6.56	5.74	5.91	6.52	6.3	5.84	6.34	6.11	4.54	25.48	27.11	29.19	321.52	332.08	318.51	241.23	257.93	239.75	Sirt5
107	0.11	0.04	0.07	0.2	0.15	0.11	0.33	0.05	0.28	0.26	0.27	0.54	1.42	1.04	1.53	6.24	6.43	5.68	Ilgp1
108	1.42	0.71	1.28	2.64	1.86	2.55	2.17	1.5	1.97	2.63	4.77	3.67	12.34	12.32	12.28	35.91	32.66	32.94	Ifi205
109	10.44	8.66	14.18	20.17	12.8	19.73	27.13	21.69	24.87	26.92	32.41	35.06	95	91.41	98.63	169.11	172.28	177.05	Slfn5
110	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.03	Fat2
111	1.01	1.22	0.65	1.03	0.72	0.74	1.36	0.8	0.62	1.45	2.85	2.02	2.1	1.78	2.52	5.89	5.14	4.82	H2-Q5
112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.36	0.34	0.26	0.23	0.22	0.31	0.14	0.06	0.14	Usp17ld
113	0.14	0.3	0.16	0.17	0.16	0.19	0.18	0.11	0.09	6.13	7.01	6.89	5.55	5.29	5.33	2.27	2.39	2.28	Olfr1459
114	9.33	9.12	11.3	13.57	11.63	14.04	22.25	17.27	19.34	16.91	22.25	21.79	51.1	46.78	53.46	82.34	81.58	82.82	Trim30d
115	0.1	0	0.13	0.26	0.25	0.27	0.18	0.13	0.17	22.36	22.63	23.95	71.52	69.15	64.65	53.74	52.04	50.84	Serpinc9g
116	0	0	0	0.25	0.2	0.1	0.25	0.4	0.29	0.14	0.1	0.26	1.35	1.1	1.14	7.43	7.95	8.83	Actg2
117	4.36	4.55	4.78	3.91	2.95	3.13	3.34	3.07	2.6	10.47	10.09	10.09	9.11	9.74	10.27	25.05	21.31	20.6	H2-Q7
118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0.17	0.38	0.33	0.64	0.62	0.51	0.15	0.44	Ndufb11b
119	0	0	0	0.04	0.02	0.02	0	0	0.07	2.54	2.09	1.89	4.53	5.3	4.75	1.73	1.5	1.51	Serpinc9e
120	0	0	0	0	0	0	0	0.01	0.01	0.05	0.05	0.02	0.08	0.02	0.12	0.05	0.06	0.03	Otof
121	0.04	0.12	0.1	0.1	0.05	0.06	0.19	0.23	0.08	0.6	0.21	0.33	0.36	0.21	0.38	1.01	1.04	1.02	Tubb3
122	0.07	0.14	0.33	0.44	0.14	0.32	0.69	0.23	0.51	1.03	1.29	1.67	4.7	5.02	5.65	15.47	15.09	15.05	Ifit3b
123	0.67	0.63	0.59	0.71	0.65	0.82	1.16	0.97	0.98	1.2	1.26	1.34	3.34	2.93	3.83	11.27	10.15	10.93	Kdr
124	0.83	0.76	0.78	1.03	1.06	1.21	0.26	0.38	0.59	3.56	4.44	3.82	3.9	3.51	3.73	1.62	1.21	1.39	Serpina3f
125	0.38	0.29	0.37	0.7	0.6	0.6	1.2	0.65	0.76	1.03	1.3	1.14	4.96	4.54	4.96	19.45	19.54	18.47	Ifi208

126	0.08	0.06	0.07	0.17	0.07	0.03	0.1	0.11	0.12	0.28	0.7	0.44	1.53	1.83	2.69	1.53	2.42	1.12	Zfp575
127	3.39	3.85	5.47	7.49	5.15	6.63	11.68	10.53	12.05	9.77	10.63	9.54	28.24	26.77	30.47	57.46	59.43	60.72	Oas1g
128	0	0	0	0	0	0	0.02	0.03	0	0.17	0.18	0.2	1.53	1.92	1.85	2.3	2.65	1.86	Tuba3b
129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0.12	0.21	0.49	0.64	0.45	0.72	1	0.56	Tuba3a
130	0.01	0	0.01	0.02	0	0.01	0	0.01	0.01	0.09	0.09	0.1	0.1	0.13	0.14	0.04	0.06	0.04	Vmn1r43
131	2.59	1.91	1.93	3.64	2.42	3.23	4.26	3.41	3.46	5.25	5.61	4.59	15.13	15.18	18.54	59.91	63.55	62.02	Phf11d
132	0.07	0.13	0.12	0.08	0.09	0.15	0.09	0.17	0.17	0.36	0.2	0.28	0.53	0.68	0.71	0.35	0.36	0.43	Scn2b
133	16.82	15.95	20.17	26.85	21.12	28.38	41.07	32.76	36.72	33.88	39.3	39.41	101.81	96.74	106.19	215.04	214.4	225.8	Ifi204
134	14.22	14.17	17.37	23.84	18.83	23.1	24.06	20.53	21.67	33.16	32.64	33.31	67.16	67.99	71.51	100.93	102.62	101.41	Ifi207
135	0.17	0.24	0.31	1.02	0.66	1.04	2.16	1.43	1.82	1.52	2.03	1.35	10.85	11.69	11.56	52	49.27	53.47	Ifi213
136	0.25	0.15	0.2	0.58	0.38	0.55	1.25	0.85	1.19	0.61	0.67	0.69	3.21	2.9	3.69	11.49	11.86	11.99	Gm4951
137	0.15	0.22	0	0.04	0.08	0.02	0.13	0.06	0.16	5	6.1	5.23	6.84	7.52	6.53	11.5	10.08	10.4	Cyp2a4
138	0	0.05	0.09	0	0.02	0.05	0.05	0.05	0.02	3.63	3.77	3.25	6.08	5.7	5.63	2.39	2.05	1.9	Bglap3
139	1.49	1.26	1.21	3.16	2.35	2.69	4.94	2.52	3.12	5.3	8.04	7.07	26.59	28.83	31.57	111.92	109.99	115.27	Ifit3
140	0	0	0	0.01	0	0.02	0.01	0.02	0.04	0.26	0.25	0.23	1.01	0.99	1.36	1.59	1.73	1.81	Pde11a
141	1.1	0.76	1	1.3	0.98	1.36	1.58	1.01	1.22	2.23	2.54	2.82	6.17	5.89	6.21	16.05	15.85	17.55	Tgtp2
142	0	0.03	0	0	0	0.02	0	0.03	0	0.5	0.48	0.59	1.92	1.72	1.58	1.73	1.66	1.43	CN725425
143	0.4	0.63	0.5	1.17	0.72	1.45	1.77	0.78	1.3	3.68	4.82	4.26	11.5	10.74	13.03	34.58	33.16	35.49	Ifit1bl1
144	0.95	1.08	0.93	2.19	2.16	2.33	2.19	2.92	2.82	3.42	2.47	3.93	10.68	10.11	12.62	17.75	18.97	20.39	Gbp4
145	0.39	1	0.46	0.99	0.45	0.76	1.45	0.78	1.29	1.3	1.32	1.87	2.34	1.92	2.51	4.17	4.27	4.16	H2-T10
146	0.39	0.69	0.43	0.66	0.79	0.35	0.78	0.73	0.78	1.4	2.45	1.43	3.7	5.35	6.92	3.59	7.29	4.43	Gm11127
147	0.06	0.2	0.03	0.11	0.11	0.2	0.14	0.11	0.42	1.54	1.63	1.54	4.38	4.63	4.2	2.79	3.66	3.35	Tm9sf5
148	0.22	0.15	0.09	0.15	0.13	0.23	0.14	0.07	0.16	0.42	0.31	0.45	0.8	0.74	0.57	0.67	0.82	0.63	Klhl33
149	0.27	0.3	0.26	0.36	0.41	0.32	0.42	0.35	0.4	2.02	2.02	2.01	2.61	2.55	2.79	1.6	1.55	1.64	Vmn2r97
150	0.01	0	0	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02	0.01	0.15	0.08	0.05	0.44	0.33	0.44	0.3	0.29	0.45	Vmn2r96
151	2.48	2.46	2.01	2.33	2.76	2.2	2.44	2.1	2.4	6.88	7.17	7.77	70.07	73.38	80.44	51.1	62	54.65	Olfir784
152	0.95	0.95	1.09	2.65	1.94	2.65	4.83	3.25	3.91	2.42	3.83	2.59	10.77	10.22	11.26	36.86	32.74	36.24	Gbp6

Supplementary table 4:

Caption of the table 4.

75 continuously upregulated differentially expressed genes during 12-48h after Decitabine stimulation.

Nu	C1-12h	C2-12h	C3-12h	C1-24h	C2-24h	C3-24h	C1-48h	C2-48h	C3-48h	D1-12h	D2-12h	D3-12h	D1-24h	D2-24h	D3-24h	D1-48h	D2-48h	D3-48h	Symbol
1	11.11	11.12	12.56	15.74	12.84	15.85	35.06	25.39	30.8	27.59	29.74	31.02	104.39	95.88	108.15	271.82	268.49	268.23	Slfn4
2	0	0	0.05	0.04	0.02	0.02	0.06	0	0	0.25	0.57	0.91	2.55	2.5	2.32	5.69	6.14	5.55	Clec2g
3	9.03	8.91	10.65	12.54	9.97	10.79	12.59	11.69	10.83	18.97	20.9	20.57	43.77	42.99	48.66	74.89	81.36	80.49	Mx1
4	2.41	1.7	1.98	2.35	3.83	3.1	2.19	3.82	3.66	5.16	5.15	5.83	12.05	12.73	12.2	19.83	19.09	20.38	Gstt1
5	0.2	0.26	0.08	0.37	0.43	0.27	0.15	0.17	0.17	0.73	0.74	0.57	0.82	1.15	0.78	1.46	1.5	1.48	Crip2
6	0.03	0	0.02	0	0.04	0.02	0.07	0.02	0.02	0.35	0.46	0.29	1.29	0.97	1.08	3.44	3.77	3.05	Slc47a1
7	0.17	0.11	0.14	0.25	0.28	0.28	0.22	0.23	0.27	0.43	0.46	0.34	0.53	0.51	0.64	1.09	1.04	1.41	Gata3
8	0.73	0.71	0.58	0.7	0.64	0.58	0.62	0.6	0.72	1.49	1.71	1.97	3	3.22	3.25	4.51	5.26	5.49	Slc1a4
9	0.14	0	0.08	0.22	0.22	0.11	0.36	0.18	0.12	0.33	0.51	0.29	0.56	0.63	0.58	0.75	0.95	0.89	Rgs9
10	1.93	1.31	2.07	3.89	2.6	3.26	6.27	3.45	4.71	6.75	7.82	7.49	26.44	27.96	30.05	72.9	76.38	79.85	Rsad2
11	0.11	0.22	0.12	0.18	0.28	0.19	0.52	0.3	0.53	0.45	0.5	0.45	0.68	0.83	0.74	1.96	2.02	2.24	Adcy3
12	1.03	1	0.91	2.35	1.63	2.69	3.21	3.16	3.45	2	2.42	1.81	5.77	5.46	7.41	14.49	11.64	12.97	Edn1
13	0	0	0	0	0	0.01	0	0.03	0	0.07	0.06	0.07	0.1	0.1	0.11	0.2	0.15	0.21	Grhl2
14	0.08	0.13	0.11	0	0	0	0.06	0	0.07	1.21	0.85	0.82	1.63	1.94	2.35	4.14	5.29	4.55	Gtsf1
15	0.33	0.25	0.48	1.05	0.79	0.83	1.51	0.79	1.1	1.08	1.66	1.61	4.41	4.4	4.39	9.49	8.96	8.89	Mx2
16	4.2	0.96	2.32	4.29	3.83	4.44	3.4	3.64	3.04	6.9	5.95	4.73	17.51	15.61	18.45	52.7	53.17	57.95	Ms4a4c
17	6.33	5.86	7.83	11.19	7.14	10.48	17.72	12.77	14.39	14.84	16.52	17.72	50.48	48.85	55.17	173.24	172.94	176.55	lrf7
18	0.19	0.11	0.05	0.35	0.27	0.33	0.52	0.34	0.43	0.39	0.54	0.61	0.99	1.09	1.43	2.64	2.34	3.16	Prkar1b
19	0.07	0.1	0.03	0.07	0.02	0.13	0.21	0.12	0.11	0.24	0.24	0.21	1.27	1.36	1.07	4.96	4.36	4.77	Slc9a4
20	7.02	7.11	10.15	13.37	10.78	14.44	22.1	15.25	18.83	16.2	22.53	18.41	61.28	59.89	65.02	162.05	162.26	167.63	Ifi211
21	0.36	0.57	0.56	0.38	0.49	0.56	1.74	0.79	0.76	1.17	0.83	1.08	1.8	2.07	1.92	2.91	2.79	2.74	Ak1
22	0.78	0.84	0.87	1.9	1.15	1.4	3.23	2.74	3.12	1.41	1.85	1.75	6.98	6.82	7.58	40.65	38.8	43.52	Siglec1
23	16.3	13.14	15.84	25.12	22.32	26.27	33.08	30.45	35.38	35.92	37.18	35.46	73.08	72.94	84.49	128.31	130.72	130.06	Zbp1
24	0.25	0.32	0.38	0.68	0.28	0.71	1.34	0.76	0.92	0.78	1.19	1.08	6.69	6.14	7.22	34.09	32.98	36.02	Ifi44
25	1.99	1.67	1.71	1.88	1.58	1.9	3.38	3.34	3.24	4.8	4.98	6.09	22.42	24.2	22.95	196.9	177.02	192.83	Ctsk
26	0.81	0.73	0.55	0.71	1.04	0.78	0.74	0.3	0.75	2.02	1.41	1.55	3.58	2.91	4.25	10.31	10.85	10.54	Fabp3
27	0.06	0.11	0.01	0.09	0.08	0.08	0.51	0.18	0.24	0.21	0.19	0.2	0.77	1.06	0.81	2.68	3.91	2.27	Sema3a
28	8.3	6.32	10.15	16.48	10.52	16.32	28.3	19.16	21.6	20.99	21.99	24.75	93.69	84.1	96.64	202.5	192.43	201.2	Oasl2
29	1.12	0.86	1.11	2.47	2.32	2.58	5.27	4.74	5.03	3.01	2.61	2.73	5.81	7.03	6.34	17.78	16.84	19.09	Flt1
30	3.85	3.3	4.6	7.24	5.04	6.88	8.95	7.04	7.74	11.84	13.06	10.82	35.76	34.89	39.18	83.32	79.25	83.11	Usp18
31	0.1	0.05	0.01	0.07	0.1	0.04	0.07	0.05	0.01	0.14	0.19	0.27	0.45	0.41	0.42	1.07	0.88	0.91	Neo1
32	5.58	5.84	6.57	12.45	8.14	11.97	21.4	15.59	18.45	13.46	14.58	14.81	43.64	39.46	46.33	80.99	85.8	88.23	Oas3
33	7.73	6.39	7.41	11.53	7.24	9.59	15.79	11.99	14.47	14.91	19.08	16.99	37.33	33.73	35.93	45.88	48.49	51.51	Oas2
34	1.94	1.23	2.07	4.08	2.25	3.37	4.88	2.95	4.48	6.85	7.45	7.8	26.79	30.29	30.33	70.36	68.36	78.05	Ifit1
35	5.56	4.92	6.79	9.1	7.8	9.38	12.7	10.21	11.83	13.22	14.13	13.95	32.76	33.26	34.34	63.64	60.47	64.74	Slfn8
36	3.62	3.44	4.96	10.71	6.8	9.72	14.85	8.92	12.52	12.18	17.87	17.07	58.85	53.43	64.49	168.74	157.99	147.13	Isg15
37	0.55	0.36	0.85	1.64	1.14	1.62	3.45	1.83	2.23	1.6	2.19	2.06	13.29	12.96	14.23	57.75	56.47	58.72	Ifi206
38	0.3	0.08	0.09	0.23	0.34	0.06	0.13	0.1	0.07	1.97	2.52	2.87	3.81	4.39	4.08	5.68	7.86	5.7	Gstp2
39	0.02	0.09	0.17	0.17	0.17	0.09	0.16	0.01	0.06	0.16	0.21	0.31	0.33	0.35	0.37	0.82	1.1	0.98	Akap12
40	0.3	0.09	0.12	0.18	0.24	0.17	0.24	0.33	0.14	0.85	0.59	0.56	1.46	1.52	1.36	2.25	1.58	2.16	Atf7ip2
41	0.82	0.91	0.65	1.46	0.72	1.08	0.85	0.95	1.3	2.01	1.99	2.11	3.54	3.64	4.15	5.08	6.09	5.71	Batf2

42	4.88	3.38	6.47	8.94	6.43	8.63	14.05	10.48	9.44	9.51	13.04	13.42	31.08	29.47	36.08	59.44	61	54.39	Xaf1
43	0.63	0.6	1.13	1.75	0.72	1.42	2.32	1.33	1.59	3.27	3.19	3.56	13.9	13.37	15.82	51.62	51.58	54.08	Oasl1
44	12.51	12.13	12.4	21.11	17.13	23.37	32.24	23.33	25.84	23.86	28.79	26.93	80.61	81.73	85.81	175.12	180.89	176.97	Ifi209
45	0.04	0.27	0.16	0.29	0.39	0.19	0.46	0.67	0.5	0.85	0.47	0.72	0.88	1.04	1.01	1.89	1.69	2.02	Tmem221
46	0.35	0.21	0.29	0.54	0.42	0.36	0.94	0.81	0.86	0.57	0.68	0.6	1.01	0.77	1.18	3.18	2.58	2.53	Mab21l3
47	0.3	0.3	0.32	0.41	0.37	0.37	0.48	0.39	0.38	0.65	0.64	0.66	1.51	1.19	1.22	2.01	1.76	1.71	Snhg11
48	0.94	0.57	1.19	1.48	0.85	1.26	1.27	1.65	1.34	2.48	2.18	2.45	6.49	6.06	7.14	17.76	17.93	17.02	Phf11a
49	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.39	0.18	0.17	0.54	0.44	0.43	1.3	0.8	0.92	Gm4779
50	0	0	0	0	0	0	0.01	0	0	0.47	0.55	0.5	1.26	1.1	0.85	2.38	1.77	1.8	Nlrp4e
51	0.16	0.13	0.08	0.17	0.14	0.09	0.24	0.18	0.2	0.18	0.33	0.31	0.55	0.5	0.44	1.33	1.29	1.13	Cd109
52	10.93	12.16	13.28	18.19	15.97	19.59	22.44	16.83	21.43	23.82	26.6	27.32	56.72	55.61	58.16	101.46	98.38	101.67	Irgm1
53	0.39	0.28	0.35	0.3	0.22	0.27	0.4	0.44	0.37	0.75	0.7	0.6	1.01	0.98	1.1	2.31	2.21	2.25	Nlrc3
54	0.07	0.04	0.04	0.07	0.08	0.05	0.13	0.12	0.11	0.12	0.17	0.13	0.2	0.27	0.22	0.35	0.27	0.4	Map1b
55	7.31	6.28	6.91	9.97	7.79	10.94	13.82	9.39	12.23	12.46	15.09	15.17	27.48	28.39	30.63	38.84	38.23	39.42	H2-T24
56	0.11	0.04	0.07	0.2	0.15	0.11	0.33	0.05	0.28	0.26	0.27	0.54	1.42	1.04	1.53	6.24	6.43	5.68	Iigp1
57	1.42	0.71	1.28	2.64	1.86	2.55	2.17	1.5	1.97	2.63	4.77	3.67	12.34	12.32	12.28	35.91	32.66	32.94	Ifi205
58	10.44	8.66	14.18	20.17	12.8	19.73	27.13	21.69	24.87	26.92	32.41	35.06	95	91.41	98.63	169.11	172.28	177.05	Slfn5
59	9.33	9.12	11.3	13.57	11.63	14.04	22.25	17.27	19.34	16.91	22.25	21.79	51.1	46.78	53.46	82.34	81.58	82.82	Trim30d
60	0	0	0	0.25	0.2	0.1	0.25	0.4	0.29	0.14	0.1	0.26	1.35	1.1	1.14	7.43	7.95	8.83	Actg2
61	0.07	0.14	0.33	0.44	0.14	0.32	0.69	0.23	0.51	1.03	1.29	1.67	4.7	5.02	5.65	15.47	15.09	15.05	Ifit3b
62	0.67	0.63	0.59	0.71	0.65	0.82	1.16	0.97	0.98	1.2	1.26	1.34	3.34	2.93	3.83	11.27	10.15	10.93	Kdr
63	0.38	0.29	0.37	0.7	0.6	0.6	1.2	0.65	0.76	1.03	1.3	1.14	4.96	4.54	4.96	19.45	19.54	18.47	Ifi208
64	3.39	3.85	5.47	7.49	5.15	6.63	11.68	10.53	12.05	9.77	10.63	9.54	28.24	26.77	30.47	57.46	59.43	60.72	Oas1g
65	2.59	1.91	1.93	3.64	2.42	3.23	4.26	3.41	3.46	5.25	5.61	4.59	15.13	15.18	18.54	59.91	63.55	62.02	Phf11d
66	16.82	15.95	20.17	26.85	21.12	28.38	41.07	32.76	36.72	33.88	39.3	39.41	101.81	96.74	106.19	215.04	214.4	225.8	Ifi204
67	14.22	14.17	17.37	23.84	18.83	23.1	24.06	20.53	21.67	33.16	32.64	33.31	67.16	67.99	71.51	100.93	102.62	101.41	Ifi207
68	0.17	0.24	0.31	1.02	0.66	1.04	2.16	1.43	1.82	1.52	2.03	1.35	10.85	11.69	11.56	52	49.27	53.47	Ifi213
69	0.25	0.15	0.2	0.58	0.38	0.55	1.25	0.85	1.19	0.61	0.67	0.69	3.21	2.9	3.69	11.49	11.86	11.99	Gm4951
70	1.49	1.26	1.21	3.16	2.35	2.69	4.94	2.52	3.12	5.3	8.04	7.07	26.59	28.83	31.57	111.92	109.99	115.27	Ifit3
71	1.1	0.76	1	1.3	0.98	1.36	1.58	1.01	1.22	2.23	2.54	2.82	6.17	5.89	6.21	16.05	15.85	17.55	Tgtp2
72	0.4	0.63	0.5	1.17	0.72	1.45	1.77	0.78	1.3	3.68	4.82	4.26	11.5	10.74	13.03	34.58	33.16	35.49	Ifit1bl1
73	0.95	1.08	0.93	2.19	2.16	2.33	2.19	2.92	2.82	3.42	2.47	3.93	10.68	10.11	12.62	17.75	18.97	20.39	Gbp4
74	0.39	1	0.46	0.99	0.45	0.76	1.45	0.78	1.29	1.3	1.32	1.87	2.34	1.92	2.51	4.17	4.27	4.16	H2-T10
75	0.95	0.95	1.09	2.65	1.94	2.65	4.83	3.25	3.91	2.42	3.83	2.59	10.77	10.22	11.26	36.86	32.74	36.24	Gbp6