

Supplementary Table 9. Differentially methylated probes. Columns are: ‘’, ‘pos’, probes’ genomic position(hg19); ‘Name’, probe name; ‘T2_VS_T0_beta’, ‘T3_VS_T0_beta’, and ‘T3_VS_T2_beta’, coefficients of pair-wise comparisons between time points; ‘F’, ‘P.Value’, and ‘FDR’, moderated F-statistic, raw P value and FDR adjusted P value; ‘Mean_Methy’, ‘Mean_Methy_T0’, ‘Mean_Methy_T2’, and ‘Mean_Methy_T3’, mean methylation beta value over time, at T0, T2 and T3. ‘T2_VS_T0_P’, ‘T2_VS_T0_FDR’, ‘T3_VS_T0_P’, ‘T3_VS_T0_FDR’, ‘T3_VS_T2_P’, ‘T3_VS_T2_FDR’, raw P value and FDR-adjusted P value of comparisons between two time points; ‘Pattern’, pattern indicator of probes.

chr	pos	Name	T2_	T3_	T3_	F	P.Value	FDR	Mea				T2_VS_T	T2_VS_T	T3_VS_T	T3_VS_T	T3_VS_T	T3_VS_T	Pattern
			VS_	VS_	VS_				Mea	Mea	Mea								
			T0_	T0_	T2_				n_M	n_M	n_M								
			beta	beta	beta				ethy	ethy	ethy								
1	155290641	cg01032200	-0.1	3.4	3.4	562.6	2.2E-07	1.0E-01	0.5	0.4	0.4	0.9	5.0E-01	1.0E+00	8.0E-07	8.2E-02	8.0E-07	8.2E-02	PatternII
9	990692	cg13663644	3.0	3.1	0.1	332.4	1.0E-06	1.0E-01	1.3	0.4	0.8	0.8	8.0E-07	8.2E-02	8.4E-07	8.2E-02	5.4E-01	1.0E+00	PatternIV
7	52341810	cg03689146	-4.5	-4.4	0.1	308.8	1.2E-06	1.0E-01	3.4	1.0	0.8	0.8	8.4E-07	8.2E-02	1.6E-06	8.2E-02	5.8E-01	1.0E+00	
17	80010313	cg20462759	2.1	2.3	0.2	288.6	1.5E-06	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.3	1.6E-06	8.2E-02	1.1E-06	8.2E-02	5.2E-02	1.0E+00	PatternIV
18	60985636	cg14889643	2.1	1.9	-0.2	264.9	1.9E-06	1.0E-01	-2.3	0.1	0.3	0.2	1.1E-06	8.2E-02	2.6E-06	8.2E-02	8.1E-02	1.0E+00	PatternIV
19	590409	cg21578640	2.0	2.0	0.0	234.7	2.7E-06	1.0E-01	-1.4	0.1	0.4	0.4	2.1E-06	8.2E-02	2.1E-06	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	PatternIV
1	228270405	cg07663280	1.7	-0.1	-1.8	207.9	3.9E-06	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	3.6E-06	8.2E-02	1.8E-01	1.0E+00	8.4E-07	8.2E-02	PatternI
12	72233552	cg00716604	-3.0	-3.0	-0.1	202.4	4.2E-06	1.0E-01	-2.8	0.4	0.1	0.1	3.2E-06	8.2E-02	3.5E-06	8.2E-02	7.5E-01	1.0E+00	
4	55991824	cg18177533	-0.4	-1.8	-1.5	187.4	5.2E-06	1.0E-01	-2.5	0.2	0.2	0.1	9.7E-03	1.0E+00	3.0E-06	8.2E-02	8.7E-06	8.2E-02	PatternIII
8	140715735	cg02505749	2.2	2.0	-0.2	187.3	5.2E-06	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.3	3.0E-06	8.2E-02	5.2E-06	8.2E-02	1.8E-01	1.0E+00	PatternIV
5	6583601	cg19748424	1.7	1.9	0.2	184.4	5.5E-06	1.0E-01	-2.1	0.1	0.2	0.3	6.1E-06	8.2E-02	3.2E-06	8.2E-02	6.5E-02	1.0E+00	PatternIV
17	57287309	cg05734494	1.7	0.0	-1.7	184.1	5.5E-06	1.0E-01	-3.7	0.0	0.1	0.0	4.0E-06	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	2.1E-06	8.2E-02	PatternI
12	57146137	cg23267966	2.1	2.0	-0.1	183.9	5.5E-06	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.3	3.5E-06	8.2E-02	5.1E-06	8.2E-02	4.5E-01	1.0E+00	PatternIV
6	31620229	cg10628782	1.7	2.0	0.2	183.6	5.6E-06	1.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	6.0E-06	8.2E-02	3.6E-06	8.2E-02	8.0E-02	1.0E+00	PatternIV
12	3068051	cg11612470	2.1	2.1	0.0	181.5	5.7E-06	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.3	4.1E-06	8.2E-02	4.1E-06	8.2E-02	9.7E-01	1.0E+00	PatternIV
6	159421029	cg03360920	1.7	-0.1	-1.8	178.3	6.0E-06	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	5.2E-06	8.2E-02	3.5E-01	1.0E+00	1.6E-06	8.2E-02	PatternI
19	58739778	cg21994576	1.9	1.5	-0.4	178.2	6.0E-06	1.0E-01	-1.1	0.2	0.4	0.4	2.6E-06	8.2E-02	8.5E-06	8.2E-02	9.6E-03	1.0E+00	PatternIV
12	96794311	cg05610740	1.6	0.0	-1.6	172.3	6.6E-06	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	4.6E-06	8.2E-02	7.4E-01	1.0E+00	4.0E-06	8.2E-02	PatternI
8	9009105	cg04227985	1.7	0.0	-1.7	171.6	6.7E-06	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	5.1E-06	8.2E-02	8.5E-01	1.0E+00	2.6E-06	8.2E-02	PatternI
18	48405353	cg20227886	2.0	0.0	-2.0	169.2	7.0E-06	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.1E-06	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	3.5E-06	8.2E-02	PatternI
1	67390935	cg07195508	1.8	0.0	-1.8	166.7	7.3E-06	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.8E-06	8.2E-02	6.6E-01	1.0E+00	3.0E-06	8.2E-02	PatternI
20	31349752	cg25803642	1.6	0.0	-1.7	166.6	7.3E-06	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.7E-06	8.2E-02	6.8E-01	1.0E+00	3.2E-06	8.2E-02	PatternI
11	69633313	cg24773676	1.7	0.1	-1.6	165.3	7.5E-06	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	4.5E-06	8.2E-02	2.6E-01	1.0E+00	6.3E-06	8.2E-02	PatternI
11	74022742	cg10819260	1.7	0.1	-1.6	164.6	7.6E-06	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	4.7E-06	8.2E-02	3.6E-01	1.0E+00	6.1E-06	8.2E-02	PatternI

16	86599745	cg10448808	1.5	0.0	-1.6	163.9	7.7E-06	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.1E-06	8.2E-02	6.2E-01	1.0E+00	3.6E-06	8.2E-02	PatternI
7	100487659	cg18013408	1.8	0.0	-1.9	160.2	8.2E-06	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	6.4E-06	8.2E-02	6.7E-01	1.0E+00	4.5E-06	8.2E-02	PatternI
11	64126431	cg03074984	1.7	0.0	-1.7	160.2	8.2E-06	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	6.1E-06	8.2E-02	9.0E-01	1.0E+00	5.1E-06	8.2E-02	PatternI
15	74988445	cg24527973	1.2	1.8	0.6	155.9	8.9E-06	1.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	3.7E-05	8.8E-02	4.0E-06	8.2E-02	7.6E-04	4.7E-01	PatternIV
10	47654171	cg08205460	1.5	0.0	-1.5	155.4	8.9E-06	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	6.3E-06	8.2E-02	8.4E-01	1.0E+00	6.1E-06	8.2E-02	PatternI
10	102883165	cg18668780	1.6	0.0	-1.6	155.2	9.0E-06	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	6.3E-06	8.2E-02	8.4E-01	1.0E+00	6.2E-06	8.2E-02	PatternI
5	158636444	cg09093783	0.1	-1.9	-2.0	154.8	9.0E-06	1.0E-01	-1.1	0.4	0.4	0.2	6.7E-01	1.0E+00	6.1E-06	8.2E-02	5.1E-06	8.2E-02	PatternIII
7	5635953	cg24239690	1.5	-0.1	-1.6	154.6	9.1E-06	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	7.5E-06	8.2E-02	4.8E-01	1.0E+00	4.7E-06	8.2E-02	PatternI
11	66035147	cg10498476	1.5	0.0	-1.5	153.6	9.2E-06	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	7.1E-06	8.2E-02	7.4E-01	1.0E+00	5.2E-06	8.2E-02	PatternI
2	3622594	cg14240768	1.5	1.8	0.3	153.3	9.3E-06	1.0E-01	-0.8	0.2	0.4	0.5	1.1E-05	8.2E-02	4.7E-06	8.2E-02	5.4E-02	1.0E+00	PatternIV
16	49315812	cg06099276	-0.1	-2.0	-1.8	153.0	9.3E-06	1.0E-01	-2.0	0.3	0.3	0.1	3.4E-01	1.0E+00	6.0E-06	8.2E-02	8.5E-06	8.2E-02	PatternIII
8	48100410	cg05746795	1.0	-0.8	-1.9	152.4	9.4E-06	1.0E-01	-1.1	0.3	0.5	0.2	8.3E-05	1.1E-01	2.2E-05	8.2E-02	1.1E-06	8.2E-02	
17	41476044	cg01065373	1.5	1.6	0.0	152.0	9.5E-06	1.0E-01	-0.9	0.2	0.4	0.4	7.3E-06	8.2E-02	6.1E-06	8.2E-02	7.7E-01	1.0E+00	PatternIV
19	58220818	cg01268824	1.5	-0.1	-1.6	151.6	9.6E-06	1.0E-01	-1.5	0.2	0.4	0.2	8.6E-06	8.2E-02	3.1E-01	1.0E+00	4.6E-06	8.2E-02	PatternI
15	75165338	cg26769250	-0.2	-1.9	-1.8	151.0	9.7E-06	1.0E-01	-1.9	0.3	0.3	0.1	2.2E-01	1.0E+00	5.8E-06	8.2E-02	9.2E-06	8.2E-02	PatternIII
12	4383724	cg16994506	1.6	0.0	-1.6	150.9	9.7E-06	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	7.0E-06	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	6.4E-06	8.2E-02	PatternI
10	70231996	cg27570978	1.4	1.7	0.3	150.9	9.7E-06	1.0E-01	-0.3	0.3	0.5	0.6	1.4E-05	8.2E-02	4.5E-06	8.2E-02	2.7E-02	1.0E+00	PatternIV
2	43454929	cg23465910	-0.3	-1.8	-1.5	150.7	9.8E-06	1.0E-01	-2.1	0.3	0.2	0.1	5.7E-02	1.0E+00	5.1E-06	8.2E-02	1.0E-05	8.2E-02	PatternIII
1	936229	cg25066040	1.5	-0.1	-1.6	150.6	9.8E-06	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	8.0E-06	8.2E-02	5.6E-01	1.0E+00	5.7E-06	8.2E-02	PatternI
6	26056674	cg16481032	2.1	2.0	-0.1	149.2	1.0E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	6.2E-06	8.2E-02	7.3E-06	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	PatternIV
16	20911881	cg01626569	1.8	-0.1	-1.8	149.1	1.0E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	8.1E-06	8.2E-02	6.1E-01	1.0E+00	6.1E-06	8.2E-02	PatternI
9	131710161	cg08109873	1.5	-0.1	-1.6	148.9	1.0E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	8.5E-06	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	5.8E-06	8.2E-02	PatternI
11	9025502	cg03323636	2.1	2.1	0.0	148.5	1.0E-05	1.0E-01	-2.0	0.1	0.3	0.3	7.5E-06	8.2E-02	6.1E-06	8.2E-02	9.4E-01	1.0E+00	PatternIV
8	119123707	cg02905663	1.6	-0.1	-1.7	145.6	1.1E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	9.5E-06	8.2E-02	3.3E-01	1.0E+00	6.0E-06	8.2E-02	PatternI
13	25860865	cg04024499	1.3	-0.3	-1.6	145.6	1.1E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	3.4E-02	1.0E+00	4.1E-06	8.2E-02	PatternI
1	46769564	cg10592690	1.5	0.0	-1.5	143.5	1.1E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	8.8E-06	8.2E-02	6.8E-01	1.0E+00	7.5E-06	8.2E-02	PatternI
17	73900573	cg20715365	1.5	0.0	-1.5	142.2	1.2E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	8.3E-06	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	8.6E-06	8.2E-02	PatternI
12	122125276	cg26011210	1.5	-0.1	-1.6	141.8	1.2E-05	1.0E-01	-2.0	0.2	0.3	0.1	9.9E-06	8.2E-02	4.2E-01	1.0E+00	7.0E-06	8.2E-02	PatternI
12	6665370	cg23737737	1.4	1.8	0.4	141.6	1.2E-05	1.0E-01	-2.1	0.1	0.2	0.3	1.9E-05	8.2E-02	5.7E-06	8.2E-02	1.6E-02	1.0E+00	PatternIV
9	129676623	cg13568343	1.5	-0.1	-1.6	140.6	1.2E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.9E-06	8.2E-02	5.1E-01	1.0E+00	7.5E-06	8.2E-02	PatternI
17	17206559	cg12923933	1.5	0.0	-1.5	139.6	1.2E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	9.0E-06	8.2E-02	9.0E-01	1.0E+00	8.7E-06	8.2E-02	PatternI
17	7297863	cg19488133	1.5	0.0	-1.5	139.4	1.2E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	8.7E-06	8.2E-02	9.5E-01	1.0E+00	9.1E-06	8.2E-02	PatternI
6	134210307	cg24157171	1.4	-0.1	-1.5	138.9	1.2E-05	1.0E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	1.0E-05	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	8.0E-06	8.2E-02	PatternI
1	31191561	cg22123309	1.5	0.0	-1.5	138.2	1.2E-05	1.0E-01	-2.0	0.1	0.3	0.1	8.9E-06	8.2E-02	9.4E-01	1.0E+00	9.1E-06	8.2E-02	PatternI
19	12978611	cg08305551	1.5	-0.1	-1.7	137.3	1.3E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.2E-05	8.2E-02	2.1E-01	1.0E+00	7.1E-06	8.2E-02	PatternI
6	132128965	cg21975007	1.7	0.0	-1.7	137.3	1.3E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	9.9E-06	8.2E-02	7.3E-01	1.0E+00	8.8E-06	8.2E-02	PatternI
16	87799740	cg18665648	1.6	0.0	-1.6	137.1	1.3E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	9.2E-06	8.2E-02	9.7E-01	1.0E+00	9.2E-06	8.2E-02	PatternI
10	71211301	cg11279933	1.4	0.0	-1.5	136.9	1.3E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.0E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	9.0E-06	8.2E-02	PatternI

7	155164995	cg16476975	1.4	-0.1	-1.5	136.9	1.3E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.1E-05	8.2E-02	4.4E-01	1.0E+00	8.3E-06	8.2E-02	PatternI
9	4300181	cg09002832	1.2	1.8	0.6	136.5	1.3E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.1	0.2	4.8E-05	8.9E-02	4.6E-06	8.2E-02	1.3E-03	6.8E-01	PatternIV
17	57287384	cg05069934	1.4	-0.1	-1.5	136.3	1.3E-05	1.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	1.1E-05	8.2E-02	3.8E-01	1.0E+00	8.1E-06	8.2E-02	PatternI
2	219858271	cg15490781	1.4	-0.2	-1.6	135.2	1.3E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.5E-05	8.2E-02	9.6E-02	1.0E+00	6.3E-06	8.2E-02	PatternI
5	76382975	cg25523087	1.6	0.0	-1.5	134.9	1.3E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	9.2E-06	8.2E-02	7.9E-01	1.0E+00	9.5E-06	8.2E-02	PatternI
14	53162623	cg04318602	1.6	0.0	-1.5	134.5	1.3E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	9.1E-06	8.2E-02	7.0E-01	1.0E+00	9.6E-06	8.2E-02	PatternI
3	170746207	cg07139301	1.7	1.8	0.1	133.4	1.4E-05	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.3	1.1E-05	8.2E-02	7.5E-06	8.2E-02	5.5E-01	1.0E+00	PatternIV
3	143692006	cg23069822	1.6	1.5	-0.1	132.6	1.4E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.2	0.2	9.1E-06	8.2E-02	8.8E-06	8.2E-02	6.0E-01	1.0E+00	PatternIV
14	93581567	cg22988483	1.8	0.1	-1.7	132.1	1.4E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	9.5E-06	8.2E-02	6.7E-01	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	PatternI
11	62476544	cg14638988	1.5	0.1	-1.4	131.9	1.4E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	8.7E-06	8.2E-02	3.9E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
3	49045151	cg06212498	1.4	0.0	-1.4	131.8	1.4E-05	1.0E-01	-4.0	0.0	0.1	0.0	9.6E-06	8.2E-02	6.8E-01	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	PatternI
12	115135027	cg00661970	1.8	1.9	0.0	131.6	1.4E-05	1.0E-01	-1.7	0.1	0.3	0.3	1.1E-05	8.2E-02	8.3E-06	8.2E-02	7.7E-01	1.0E+00	PatternIV
11	67070913	cg25753024	1.9	1.8	-0.1	131.3	1.4E-05	1.0E-01	-1.6	0.1	0.3	0.3	9.0E-06	8.2E-02	9.0E-06	8.2E-02	4.8E-01	1.0E+00	PatternIV
5	170740673	cg06008926	-0.2	-1.6	-1.4	130.9	1.5E-05	1.0E-01	-1.3	0.4	0.4	0.2	2.0E-01	1.0E+00	6.3E-06	8.2E-02	1.4E-05	8.2E-02	PatternIII
5	82770440	cg25660010	1.5	0.1	-1.4	130.7	1.5E-05	1.0E-01	-3.8	0.0	0.1	0.0	9.3E-06	8.2E-02	4.9E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
17	4699393	cg23899285	1.4	0.0	-1.4	130.6	1.5E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.1E-05	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	9.7E-06	8.2E-02	PatternI
5	56205094	cg12654349	1.4	-0.1	-1.5	129.8	1.5E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	2.5E-01	1.0E+00	8.9E-06	8.2E-02	PatternI
6	33589061	cg22065976	1.5	0.1	-1.4	129.7	1.5E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	9.7E-06	8.2E-02	5.8E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
1	211307839	cg00787537	1.5	1.7	0.2	129.1	1.5E-05	1.0E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	1.8E-05	8.2E-02	6.3E-06	8.2E-02	8.8E-02	1.0E+00	PatternIV
1	197744519	cg25634004	1.4	-0.1	-1.5	127.7	1.6E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.5E-05	8.2E-02	2.1E-01	1.0E+00	9.0E-06	8.2E-02	PatternI
2	207630025	cg01399068	1.5	-0.1	-1.6	127.4	1.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	9.3E-06	8.2E-02	PatternI
16	68345214	cg06092312	1.8	1.7	0.0	127.0	1.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.2	1.1E-05	8.2E-02	9.0E-06	8.2E-02	8.4E-01	1.0E+00	PatternIV
2	24232884	cg13259296	-0.2	-1.7	-1.6	127.0	1.6E-05	1.0E-01	-2.3	0.2	0.2	0.1	2.3E-01	1.0E+00	8.0E-06	8.2E-02	1.5E-05	8.2E-02	PatternIII
21	34143261	cg19543471	1.5	0.1	-1.4	126.5	1.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.0E-05	8.2E-02	4.4E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	PatternI
7	77045539	cg22610194	1.7	0.1	-1.6	126.5	1.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.0E-05	8.2E-02	5.2E-01	1.0E+00	1.2E-05	8.2E-02	PatternI
13	37005566	cg00282249	1.3	-0.1	-1.4	126.2	1.6E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	9.5E-06	8.2E-02	PatternI
11	82905101	cg22664986	1.4	0.1	-1.3	125.8	1.6E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.0E-05	8.2E-02	4.4E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
4	6271501	cg02884346	1.4	-0.1	-1.4	125.5	1.6E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	4.9E-01	1.0E+00	9.5E-06	8.2E-02	PatternI
15	68522236	cg17827166	1.7	0.1	-1.6	125.5	1.6E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.0E-05	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
12	50297793	cg06947913	1.6	1.9	0.4	125.3	1.7E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	2.5E-05	8.2E-02	6.2E-06	8.2E-02	2.5E-02	1.0E+00	PatternIV
10	16478910	cg06028533	1.3	-0.3	-1.6	125.2	1.7E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	2.0E-02	1.0E+00	7.3E-06	8.2E-02	PatternI
16	88717571	cg14752986	1.4	0.0	-1.4	124.0	1.7E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.3E-05	8.2E-02	9.3E-01	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	PatternI
10	124639260	cg10241347	1.6	1.8	0.1	123.9	1.7E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.1	0.2	1.5E-05	8.2E-02	8.6E-06	8.2E-02	3.9E-01	1.0E+00	PatternIV
5	111753754	cg21606957	-0.3	-1.9	-1.7	123.8	1.7E-05	1.0E-01	-1.4	0.4	0.3	0.1	8.2E-02	1.0E+00	7.1E-06	8.2E-02	2.0E-05	8.2E-02	PatternIII
9	34989696	cg00976036	1.5	0.2	-1.3	123.4	1.7E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	9.5E-06	8.2E-02	1.7E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
11	107880372	cg14844619	1.7	2.0	0.3	122.9	1.7E-05	1.0E-01	-2.1	0.1	0.2	0.3	2.0E-05	8.2E-02	7.5E-06	8.2E-02	8.8E-02	1.0E+00	PatternIV
1	156897441	cg02237987	1.4	0.0	-1.4	122.5	1.8E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.2E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
17	19551890	cg15646911	1.6	0.0	-1.7	122.1	1.8E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	PatternI

7	86781741	cg11667683	1.4	-0.1	-1.5	121.4	1.8E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.6E-05	8.2E-02	4.4E-01	1.0E+00	9.9E-06	8.2E-02	PatternI
11	119613061	cg15407505	1.6	0.0	-1.6	121.3	1.8E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.3	0.1	1.3E-05	8.2E-02	9.1E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	PatternI
15	45695817	cg05785653	1.6	1.6	0.0	121.0	1.8E-05	1.0E-01	-1.7	0.1	0.3	0.3	1.3E-05	8.2E-02	9.1E-06	8.2E-02	9.3E-01	1.0E+00	PatternIV
9	77111779	cg14421548	-1.9	-1.8	0.0	120.1	1.9E-05	1.0E-01	-2.7	0.3	0.1	0.1	1.3E-05	8.2E-02	9.3E-06	8.2E-02	7.5E-01	1.0E+00	
19	35225315	cg08333703	1.4	-0.1	-1.6	120.0	1.9E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	2.7E-01	1.0E+00	9.9E-06	8.2E-02	PatternI
9	34958139	cg20741293	0.0	-1.8	-1.8	119.7	1.9E-05	1.0E-01	-1.8	0.3	0.3	0.1	1.0E+00	1.0E+00	9.2E-06	8.2E-02	1.3E-05	8.2E-02	PatternIII
15	96887560	cg10186131	1.8	1.9	0.1	119.5	1.9E-05	1.0E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	1.6E-05	8.2E-02	8.9E-06	8.2E-02	4.6E-01	1.0E+00	PatternIV
8	144660590	cg00713939	1.8	0.0	-1.8	119.1	1.9E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.3	0.1	1.5E-05	8.2E-02	7.7E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
12	50561527	cg22479546	1.3	0.0	-1.4	119.1	1.9E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.5E-05	8.2E-02	7.4E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
13	52026804	cg17143642	1.5	-0.1	-1.5	119.1	1.9E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.5E-05	8.2E-02	6.1E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
6	144606480	cg15380588	1.4	0.0	-1.4	118.9	1.9E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.3E-05	8.2E-02	8.4E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
15	65067668	cg22159557	1.8	0.1	-1.7	118.9	1.9E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	1.3E-05	8.2E-02	6.5E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
8	126442434	cg00184235	1.5	0.1	-1.3	118.5	1.9E-05	1.0E-01	-2.0	0.1	0.3	0.2	1.1E-05	8.2E-02	3.3E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
2	242448061	cg12903924	1.9	1.9	0.0	117.9	2.0E-05	1.0E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	1.5E-05	8.2E-02	9.2E-06	8.2E-02	8.0E-01	1.0E+00	PatternIV
1	149982714	cg16555184	1.3	0.0	-1.4	117.3	2.0E-05	1.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	1.6E-05	8.2E-02	7.0E-01	1.0E+00	1.2E-05	8.2E-02	PatternI
2	70995527	cg25631352	1.5	-0.1	-1.5	117.2	2.0E-05	1.0E-01	-1.8	0.2	0.4	0.2	1.6E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	1.2E-05	8.2E-02	PatternI
20	46130592	cg14774045	1.5	1.6	0.1	117.1	2.0E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	1.7E-05	8.2E-02	9.1E-06	8.2E-02	5.6E-01	1.0E+00	PatternIV
6	130339608	cg18798995	1.3	-0.1	-1.4	116.5	2.0E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.6E-05	8.2E-02	6.0E-01	1.0E+00	1.2E-05	8.2E-02	PatternI
20	30865478	cg00260888	1.4	0.0	-1.5	116.1	2.0E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.6E-05	8.2E-02	6.6E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	PatternI
3	48884614	cg22934568	1.2	-0.2	-1.4	116.0	2.1E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.1E-05	8.2E-02	1.6E-01	1.0E+00	9.9E-06	8.2E-02	PatternI
12	50135093	cg20607710	1.3	0.0	-1.4	115.9	2.1E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.7E-05	8.2E-02	6.3E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	PatternI
15	76628999	cg13117891	1.6	0.0	-1.5	115.7	2.1E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	1.5E-05	8.2E-02	9.1E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
14	93673657	cg14347643	1.4	0.1	-1.4	115.4	2.1E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	5.9E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
6	32632992	cg27196273	1.3	-0.1	-1.4	114.7	2.1E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	2.1E-05	8.2E-02	2.1E-01	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	PatternI
9	72287250	cg03890659	1.5	0.2	-1.4	114.7	2.1E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.2E-05	8.2E-02	1.8E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
6	128841561	cg12742468	1.4	-0.1	-1.6	114.4	2.1E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.1E-05	8.2E-02	2.4E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
14	104096390	cg08142571	1.3	-0.1	-1.4	114.4	2.1E-05	1.0E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	2.0E-05	8.2E-02	3.2E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
11	107461044	cg18204760	1.4	0.0	-1.4	114.2	2.1E-05	1.0E-01	-1.1	0.3	0.5	0.2	1.7E-05	8.2E-02	6.5E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
22	30752758	cg06494227	1.3	0.0	-1.3	114.0	2.2E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	6.9E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
15	35261784	cg18459189	1.4	0.0	-1.4	113.9	2.2E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.5E-05	8.2E-02	8.9E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
12	80084523	cg00677986	1.4	0.0	-1.5	113.7	2.2E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.7E-05	8.2E-02	7.4E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
14	38064849	cg16581536	1.6	0.0	-1.6	113.1	2.2E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.6E-05	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
4	140201433	cg18065318	1.6	0.0	-1.6	112.9	2.2E-05	1.0E-01	-1.1	0.2	0.5	0.2	1.6E-05	8.2E-02	8.9E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
1	206680618	cg15057150	1.4	0.0	-1.4	112.7	2.2E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.6E-05	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
2	216176813	cg21512817	1.3	-0.1	-1.4	112.7	2.2E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.9E-05	8.2E-02	4.5E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	PatternI
17	77916043	cg11523661	2.2	0.0	-2.3	112.3	2.2E-05	1.0E-01	0.1	0.4	0.8	0.4	1.7E-05	8.2E-02	8.0E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
22	50609012	cg02486929	1.5	0.1	-1.4	112.2	2.3E-05	1.0E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	1.3E-05	8.2E-02	2.8E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
19	5690316	cg21575584	1.3	0.0	-1.3	112.0	2.3E-05	1.0E-01	-4.0	0.0	0.1	0.0	1.6E-05	8.2E-02	9.3E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI

22	51021304	cg08760073	1.1	1.7	0.5	112.0	2.3E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.2	0.2	7.1E-05	1.0E-01	6.4E-06	8.2E-02	3.2E-03	1.0E+00	PatternIV
11	77531896	cg20895389	1.3	-0.1	-1.5	111.8	2.3E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.2E-05	8.2E-02	2.5E-01	1.0E+00	1.2E-05	8.2E-02	PatternI
20	44650380	cg23720732	-0.1	-1.6	-1.6	111.8	2.3E-05	1.0E-01	-2.6	0.2	0.2	0.1	6.7E-01	1.0E+00	9.5E-06	8.2E-02	1.7E-05	8.2E-02	PatternIII
18	51795886	cg06807593	1.6	0.1	-1.5	111.6	2.3E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.4E-05	8.2E-02	4.9E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
2	105488932	cg03414474	1.3	0.0	-1.4	111.5	2.3E-05	1.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	1.8E-05	8.2E-02	6.9E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
21	38339120	cg22794549	1.7	1.5	-0.2	111.5	2.3E-05	1.0E-01	-1.4	0.2	0.4	0.3	1.2E-05	8.2E-02	1.0E-05	8.2E-02	1.5E-01	1.0E+00	PatternIV
9	79635912	cg13661740	1.4	0.0	-1.4	111.5	2.3E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.8E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
10	72218306	cg01125366	1.3	-0.2	-1.4	111.2	2.3E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	1.4E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	PatternI
12	49208544	cg22517087	1.5	0.2	-1.3	110.9	2.3E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.1E-05	8.2E-02	6.0E-02	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
17	74722764	cg04510639	1.6	0.0	-1.5	110.8	2.3E-05	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.1	1.6E-05	8.2E-02	7.0E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
21	43374218	cg12145552	1.6	0.0	-1.6	110.7	2.3E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	8.3E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
10	104179494	cg18505495	1.6	-0.1	-1.7	110.6	2.4E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.1E-05	8.2E-02	3.8E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
2	11810173	cg17916490	1.2	1.8	0.6	110.1	2.4E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	8.7E-05	1.1E-01	7.0E-06	8.2E-02	2.2E-03	8.8E-01	PatternIV
10	104153930	cg26894311	1.3	0.0	-1.3	109.9	2.4E-05	1.0E-01	-0.6	0.3	0.5	0.3	1.6E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
7	56119358	cg08962625	1.7	0.0	-1.7	109.8	2.4E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	9.0E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
12	95942790	cg10431993	1.6	2.3	0.7	109.7	2.4E-05	1.0E-01	-0.7	0.2	0.4	0.5	6.4E-05	9.6E-02	8.1E-06	8.2E-02	5.0E-03	1.0E+00	PatternIV
5	6583380	cg22135752	1.4	0.1	-1.3	109.6	2.4E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.5E-05	8.2E-02	4.8E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
2	30144651	cg18022777	1.3	-0.1	-1.4	109.6	2.4E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.0E-05	8.2E-02	5.2E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
17	46178346	cg20440414	1.3	0.0	-1.4	109.1	2.4E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.0E-05	8.2E-02	6.3E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
11	14913752	cg23792245	1.4	-0.1	-1.4	108.7	2.5E-05	1.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	2.0E-05	8.2E-02	6.1E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
10	72647938	cg25757740	1.3	1.6	0.3	108.6	2.5E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.1	0.2	4.0E-05	8.8E-02	8.7E-06	8.2E-02	2.6E-02	1.0E+00	PatternIV
7	156932163	cg11230343	1.4	0.2	-1.2	108.5	2.5E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.2E-05	8.2E-02	7.3E-02	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
8	142139938	cg24476153	1.4	1.7	0.3	108.5	2.5E-05	1.0E-01	-1.3	0.2	0.3	0.4	3.5E-05	8.6E-02	8.7E-06	8.2E-02	4.3E-02	1.0E+00	PatternIV
9	86536523	cg18079208	1.3	-0.1	-1.4	108.4	2.5E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.4E-05	8.2E-02	2.4E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
7	99214508	cg18231159	1.4	0.0	-1.4	108.4	2.5E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.9E-05	8.2E-02	8.6E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
12	68042445	cg09516963	1.5	0.1	-1.4	108.1	2.5E-05	1.0E-01	-0.9	0.3	0.5	0.3	1.6E-05	8.2E-02	6.2E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
17	26971994	cg26930529	1.2	-0.1	-1.4	108.1	2.5E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	1.7E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	PatternI
18	45687771	cg05794042	1.3	-0.1	-1.4	108.1	2.5E-05	1.0E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	2.5E-05	8.2E-02	2.3E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
2	191208625	cg02090437	1.6	0.1	-1.5	107.2	2.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.7E-05	8.2E-02	6.2E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
20	61051341	cg16714055	1.4	0.0	-1.4	106.4	2.6E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.9E-05	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
1	65613297	cg02619167	1.3	-0.1	-1.3	106.2	2.6E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.2E-05	8.2E-02	5.6E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
14	69262103	cg16094511	1.5	-0.2	-1.6	106.1	2.6E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	2.3E-01	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	PatternI
16	28875018	cg06100790	1.4	0.0	-1.4	106.1	2.6E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	8.4E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
2	121199920	cg23561934	1.5	-0.1	-1.6	105.9	2.7E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.3E-05	8.2E-02	4.4E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
17	34948054	cg19847411	-1.7	-1.7	0.0	105.7	2.7E-05	1.0E-01	-3.3	0.2	0.1	0.1	2.1E-05	8.2E-02	9.5E-06	8.2E-02	7.6E-01	1.0E+00	
1	201368791	cg21964551	1.4	0.1	-1.3	105.5	2.7E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.6E-05	8.2E-02	3.6E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
15	74422282	cg23152885	1.2	-0.1	-1.3	105.3	2.7E-05	1.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	2.3E-05	8.2E-02	4.5E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
16	778351	cg07664667	1.3	0.0	-1.3	105.2	2.7E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.0E-05	8.2E-02	9.1E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI

16	30905407	cg27609508	1.3	0.0	-1.3	105.1	2.7E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.0E-05	8.2E-02	8.8E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
13	98795021	cg01941219	1.4	-0.1	-1.4	104.6	2.8E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.3E-05	8.2E-02	5.6E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
3	126398161	cg02711849	1.3	0.0	-1.3	104.6	2.8E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	2.0E-05	8.2E-02	9.5E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
10	18948698	cg08692130	1.4	0.1	-1.3	104.6	2.8E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.7E-05	8.2E-02	4.6E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
6	8435968	cg01815076	1.4	0.1	-1.3	104.5	2.8E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.8E-05	8.2E-02	5.6E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
4	85419975	cg111114873	1.3	0.1	-1.2	104.5	2.8E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.6E-05	8.2E-02	2.5E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
7	2354198	cg23357685	1.6	1.6	0.0	104.4	2.8E-05	1.0E-01	-1.6	0.1	0.3	0.3	2.0E-05	8.2E-02	9.7E-06	8.2E-02	9.2E-01	1.0E+00	PatternIV
1	40254184	cg15728256	0.0	-1.8	-1.8	104.3	2.8E-05	1.0E-01	-2.0	0.3	0.3	0.1	8.3E-01	1.0E+00	9.9E-06	8.2E-02	1.8E-05	8.2E-02	PatternIII
16	19535587	cg11698816	1.6	0.1	-1.4	103.8	2.8E-05	1.0E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	1.6E-05	8.2E-02	2.5E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
11	76777619	cg27249581	1.2	-0.1	-1.3	103.6	2.8E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.4E-05	8.2E-02	5.1E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
11	111637044	cg27370461	1.6	0.0	-1.5	103.5	2.8E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.9E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
19	30866365	cg23642130	1.3	0.1	-1.2	103.4	2.8E-05	1.0E-01	-1.4	0.2	0.4	0.2	1.6E-05	8.2E-02	2.0E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
15	83736134	cg22805152	1.5	-0.1	-1.6	103.4	2.8E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	4.3E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
17	48351646	cg13497650	1.3	0.0	-1.3	103.4	2.8E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.1E-05	8.2E-02	8.9E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
22	20849595	cg13813874	1.2	-0.1	-1.3	103.4	2.8E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	3.1E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
17	79269242	cg15523177	1.3	0.0	-1.3	103.0	2.9E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	2.1E-05	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
15	35837878	cg00332155	1.5	-0.1	-1.5	102.9	2.9E-05	1.0E-01	-2.0	0.2	0.3	0.1	2.4E-05	8.2E-02	5.5E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
14	50052901	cg25953012	1.7	0.1	-1.6	102.9	2.9E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	1.9E-05	8.2E-02	6.3E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
14	101121140	cg14500250	1.6	0.0	-1.6	102.5	2.9E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.2	0.1	2.1E-05	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
1	93913477	cg05797295	1.3	0.1	-1.2	101.7	3.0E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
10	8096319	cg05356738	1.4	0.0	-1.4	101.7	3.0E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.2E-05	8.2E-02	8.6E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
7	156931944	cg13699657	1.2	-0.1	-1.3	101.7	3.0E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.7E-05	8.2E-02	3.6E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
6	52441809	cg06953601	1.5	0.1	-1.4	101.7	3.0E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
3	171758366	cg20494418	1.7	0.1	-1.6	101.6	3.0E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.8E-05	8.2E-02	3.7E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
17	71640353	cg12465643	1.2	0.0	-1.3	101.5	3.0E-05	1.0E-01	-0.6	0.3	0.5	0.3	2.3E-05	8.2E-02	7.5E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
10	130010309	cg17974053	1.2	-0.1	-1.4	101.2	3.0E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	2.2E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	PatternI
15	90039871	cg06052802	1.3	-0.1	-1.3	101.0	3.0E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	5.4E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
16	54962385	cg04338281	1.2	0.0	-1.2	100.8	3.1E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	2.2E-05	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
11	63448941	cg13972394	1.2	0.0	-1.2	100.7	3.1E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.4E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
12	112820238	cg10330149	1.9	1.9	0.0	100.7	3.1E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.2	2.2E-05	8.2E-02	9.9E-06	8.2E-02	9.3E-01	1.0E+00	PatternIV
19	18263815	cg16572859	1.3	-0.1	-1.4	100.6	3.1E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
11	45307938	cg08680146	1.4	0.0	-1.4	100.5	3.1E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.2E-05	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
10	47656205	cg20589815	1.3	0.1	-1.2	100.5	3.1E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.9E-05	8.2E-02	4.9E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
8	99439685	cg11964564	1.3	0.1	-1.3	100.4	3.1E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.9E-05	8.2E-02	5.0E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
5	78809348	cg07417708	1.4	0.2	-1.3	100.4	3.1E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.6E-05	8.2E-02	1.2E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.6E-02	PatternI
1	161008462	cg00329300	1.4	0.2	-1.2	100.2	3.1E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.6E-05	8.2E-02	9.5E-02	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
11	65819389	cg04321378	2.2	0.4	-1.8	100.2	3.1E-05	1.0E-01	-1.4	0.2	0.5	0.2	1.4E-05	8.2E-02	3.2E-02	1.0E+00	5.2E-05	9.1E-02	PatternI
10	7860274	cg26867151	1.3	-0.1	-1.4	100.1	3.1E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	5.4E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI

4	1107512	cg04686953	1.2	-0.3	-1.5	99.9	3.1E-05	1.0E-01	-2.2	0.2	0.3	0.1	4.6E-05	8.9E-02	3.4E-02	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	PatternI
6	34216944	cg21352296	1.2	-0.1	-1.3	99.6	3.2E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.7E-05	8.2E-02	5.0E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
16	3054327	cg09935998	1.2	-0.1	-1.3	99.3	3.2E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	3.9E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
7	38671144	cg11417985	1.4	-0.1	-1.5	99.3	3.2E-05	1.0E-01	-1.7	0.2	0.4	0.2	3.0E-05	8.2E-02	2.8E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
11	111957298	cg01440016	1.6	-0.1	-1.6	99.2	3.2E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
15	35047189	cg10386483	1.2	-0.1	-1.2	98.9	3.2E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	2.6E-05	8.2E-02	6.0E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
12	124118326	cg26494424	1.2	-0.1	-1.3	98.8	3.2E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.8E-05	8.2E-02	4.3E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
19	11039163	cg01284702	1.5	-0.1	-1.6	98.7	3.2E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	3.8E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
3	42642604	cg10283155	1.5	-0.1	-1.6	98.4	3.3E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	4.2E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
4	1340990	cg01208515	1.4	0.0	-1.4	98.2	3.3E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	2.6E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
1	180882276	cg26280553	1.3	0.1	-1.3	98.2	3.3E-05	1.0E-01	-1.5	0.2	0.4	0.2	2.1E-05	8.2E-02	5.6E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
4	47839619	cg04127233	1.8	0.0	-1.8	98.2	3.3E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.2	0.1	2.3E-05	8.2E-02	8.8E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
14	99739699	cg11206032	1.4	-0.1	-1.5	98.1	3.3E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	3.9E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	PatternI
6	166797387	cg16434372	1.5	-0.1	-1.5	97.9	3.3E-05	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.1	2.7E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
2	42396274	cg14452650	1.3	-0.1	-1.4	97.8	3.3E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	2.7E-05	8.2E-02	6.5E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
6	52535675	cg14923289	1.5	0.0	-1.6	97.8	3.3E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
1	47973715	cg14287868	1.3	0.0	-1.3	97.7	3.3E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.3E-05	8.2E-02	8.4E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
3	45430545	cg03621566	1.4	-0.1	-1.5	97.6	3.4E-05	1.0E-01	-1.4	0.2	0.4	0.2	3.0E-05	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
6	88182602	cg04137380	1.1	-0.1	-1.3	97.5	3.4E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	3.5E-05	8.6E-02	1.9E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
2	208395069	cg08862564	1.2	-0.1	-1.3	97.4	3.4E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
17	79372254	cg22230229	1.2	0.0	-1.3	97.4	3.4E-05	1.0E-01	-1.0	0.3	0.5	0.3	2.7E-05	8.2E-02	6.6E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
6	30524987	cg24322638	1.3	0.0	-1.2	97.4	3.4E-05	1.0E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	2.4E-05	8.2E-02	8.9E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
5	43121458	cg05922971	1.2	0.0	-1.2	97.3	3.4E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	8.3E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
2	120189242	cg24769499	1.3	0.1	-1.1	97.3	3.4E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.9E-05	8.2E-02	2.1E-01	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	PatternI
19	2720847	cg05228284	1.4	0.0	-1.3	97.1	3.4E-05	1.0E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	2.4E-05	8.2E-02	8.5E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
13	48877766	cg10452585	1.2	-0.1	-1.3	97.1	3.4E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.9E-05	8.2E-02	5.1E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
2	72375612	cg15392489	1.2	0.0	-1.3	97.0	3.4E-05	1.0E-01	-1.3	0.2	0.4	0.2	2.6E-05	8.2E-02	8.2E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
9	21995327	cg21004841	1.5	0.0	-1.4	96.9	3.4E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.3E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
3	16555101	cg14435474	1.5	-0.1	-1.7	96.8	3.4E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	3.1E-05	8.2E-02	3.7E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
10	1102461	cg06725760	1.3	0.0	-1.4	96.7	3.4E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	2.7E-05	8.2E-02	6.9E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
19	54704426	cg15680557	1.5	0.1	-1.4	96.7	3.4E-05	1.0E-01	-1.4	0.2	0.4	0.2	1.9E-05	8.2E-02	2.6E-01	1.0E+00	3.3E-05	8.4E-02	PatternI
15	65669811	cg03028236	1.6	0.0	-1.7	96.6	3.5E-05	1.0E-01	-1.8	0.2	0.4	0.2	2.7E-05	8.2E-02	7.9E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
13	111364860	cg01990216	1.4	0.1	-1.3	96.5	3.5E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	2.1E-05	8.2E-02	4.9E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
22	39151089	cg05293930	1.3	0.0	-1.3	96.5	3.5E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	2.4E-05	8.2E-02	9.1E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
15	100107129	cg17731981	1.2	0.0	-1.2	96.3	3.5E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.7E-05	8.2E-02	8.0E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
18	43678029	cg17048356	1.3	-0.1	-1.4	96.2	3.5E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	3.2E-05	8.3E-02	3.5E-01	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
2	196521756	cg22653717	1.5	0.0	-1.4	96.1	3.5E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	2.3E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
17	12920709	cg15865771	1.4	0.0	-1.4	96.0	3.5E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	2.6E-05	8.2E-02	8.9E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI

14	21100888	cg18415585	1.6	-0.3	-1.9	95.8	3.5E-05	1.0E-01	-2.0	0.2	0.4	0.1	4.1E-05	8.8E-02	1.1E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	PatternI
8	28351603	cg10015914	1.6	0.3	-1.3	95.8	3.5E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.7E-05	8.2E-02	6.4E-02	1.0E+00	5.1E-05	9.0E-02	PatternI
11	61129696	cg05179487	1.2	-0.1	-1.3	95.5	3.6E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	3.5E-05	8.6E-02	2.5E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
1	45957053	cg15605315	0.1	-1.7	-1.9	95.5	3.6E-05	1.0E-01	-1.9	0.3	0.3	0.1	4.2E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	2.1E-05	8.2E-02	PatternIII
6	28956268	cg08377819	1.5	0.2	-1.3	95.4	3.6E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	1.8E-05	8.2E-02	1.0E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
1	45671665	cg17852594	1.2	-0.1	-1.3	95.3	3.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	3.1E-05	8.2E-02	4.6E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
2	33824596	cg21901985	-0.2	-1.7	-1.6	95.2	3.6E-05	1.0E-01	-1.6	0.3	0.3	0.1	2.8E-01	1.0E+00	9.9E-06	8.2E-02	3.7E-05	8.8E-02	PatternIII
12	113573577	cg09017173	1.3	-0.1	-1.4	95.1	3.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	6.1E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
11	61659326	cg07747515	1.5	0.1	-1.5	95.1	3.6E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.2E-05	8.2E-02	5.0E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
19	45004795	cg23048660	1.5	0.1	-1.5	95.1	3.6E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.4E-05	8.2E-02	6.6E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
20	57465599	cg10144604	1.3	0.1	-1.2	95.0	3.6E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.0E-05	8.2E-02	2.3E-01	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	PatternI
7	134896411	cg10276302	1.4	0.1	-1.3	95.0	3.6E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.3E-05	8.2E-02	6.2E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
12	68726120	cg10835308	1.2	0.0	-1.2	94.6	3.7E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.8E-05	8.2E-02	7.7E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
5	65440515	cg05902997	1.5	0.0	-1.5	94.6	3.7E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	2.9E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
3	39195102	cg25323186	1.3	0.0	-1.3	94.5	3.7E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	7.6E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
17	1953305	cg12255698	1.4	0.1	-1.4	94.1	3.7E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.4E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
6	13328662	cg22907165	1.8	-0.1	-1.8	93.9	3.7E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	6.6E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
2	230136146	cg21949333	1.5	0.1	-1.3	93.9	3.7E-05	1.0E-01	-1.4	0.2	0.4	0.2	2.2E-05	8.2E-02	3.5E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.6E-02	PatternI
11	13299070	cg16259330	1.5	-0.1	-1.6	93.9	3.7E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	3.6E-05	8.6E-02	2.9E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
13	25254963	cg05719720	1.2	0.1	-1.2	93.6	3.8E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.2E-05	8.2E-02	3.9E-01	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	PatternI
19	54618653	cg17892871	1.3	-0.1	-1.4	93.5	3.8E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	3.3E-05	8.4E-02	4.6E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
12	53472882	cg21845580	1.4	0.0	-1.4	93.4	3.8E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	8.3E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
1	207224331	cg12796440	1.4	0.1	-1.3	93.4	3.8E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.1E-05	8.2E-02	2.6E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
1	40157253	cg19320564	1.4	0.2	-1.2	93.3	3.8E-05	1.0E-01	-1.7	0.2	0.4	0.2	1.9E-05	8.2E-02	1.0E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
21	38070994	cg03241388	1.7	0.2	-1.5	93.2	3.8E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.3	0.1	2.1E-05	8.2E-02	1.9E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
16	50875204	cg04294437	1.4	1.5	0.1	93.1	3.8E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.2	3.5E-05	8.6E-02	1.0E-05	8.2E-02	4.2E-01	1.0E+00	PatternIV
15	67814090	cg26825559	1.2	0.0	-1.2	93.0	3.8E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.8E-05	8.2E-02	9.6E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
11	69455671	cg12825880	1.8	0.1	-1.7	93.0	3.8E-05	1.0E-01	-1.1	0.2	0.5	0.2	2.4E-05	8.2E-02	4.7E-01	1.0E+00	3.3E-05	8.4E-02	PatternI
20	4573300	cg22815056	1.3	0.0	-1.3	92.9	3.8E-05	1.0E-01	-1.0	0.3	0.5	0.3	2.8E-05	8.2E-02	9.8E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
1	116916465	cg25062542	1.3	0.0	-1.3	92.8	3.9E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	8.7E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
2	96971451	cg12224898	1.4	-0.2	-1.6	92.3	3.9E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	4.5E-05	8.8E-02	1.2E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	PatternI
16	49316883	cg07571509	1.2	-0.1	-1.3	92.2	3.9E-05	1.0E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	3.4E-05	8.6E-02	4.5E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
3	171758196	cg15916349	1.3	0.2	-1.1	92.2	3.9E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	2.0E-05	8.2E-02	1.0E-01	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	PatternI
15	40575645	cg03848381	1.3	0.0	-1.3	92.2	3.9E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	8.9E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
6	31276504	cg06414921	1.3	0.0	-1.3	92.1	3.9E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.1E-05	8.2E-02	7.2E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
3	33759875	cg15988693	1.2	0.1	-1.1	92.1	3.9E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.2E-05	8.2E-02	2.2E-01	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	PatternI
14	76618409	cg22837406	1.6	0.0	-1.6	92.0	4.0E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	9.7E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
2	219232590	cg01506492	1.4	0.0	-1.4	91.9	4.0E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	9.2E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI

14	105864753	cg19264245	1.5	0.3	-1.2	91.7	4.0E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.8E-05	8.2E-02	4.7E-02	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
17	25621084	cg15710971	1.2	-0.1	-1.3	91.6	4.0E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	3.6E-05	8.7E-02	4.0E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
2	166810428	cg08466051	1.2	0.1	-1.1	91.5	4.0E-05	1.0E-01	-1.0	0.3	0.5	0.3	2.5E-05	8.2E-02	4.6E-01	1.0E+00	3.7E-05	8.8E-02	PatternI
11	20229517	cg16543094	1.3	1.3	-0.1	91.4	4.0E-05	1.0E-01	-1.9	0.1	0.3	0.3	2.6E-05	8.2E-02	1.1E-05	8.2E-02	6.3E-01	1.0E+00	PatternIV
3	135969053	cg26010175	1.3	-0.1	-1.4	91.2	4.1E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.3E-05	8.4E-02	6.0E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
1	39325620	cg09938328	1.1	-0.1	-1.2	91.1	4.1E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.5E-05	8.6E-02	4.8E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
14	62161878	cg04948941	1.7	0.0	-1.7	90.6	4.1E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	9.5E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
22	46731267	cg19443189	1.2	0.0	-1.2	90.5	4.1E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	3.2E-05	8.3E-02	7.7E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
1	113247613	cg17175958	1.2	-0.1	-1.3	90.5	4.2E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	4.0E-05	8.8E-02	2.8E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
5	107009036	cg21815550	1.2	0.0	-1.2	90.4	4.2E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	3.1E-05	8.2E-02	9.1E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
1	29240631	cg08139234	1.5	0.2	-1.3	90.2	4.2E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	2.1E-05	8.2E-02	8.9E-02	1.0E+00	5.8E-05	9.4E-02	PatternI
8	74206757	cg07360839	1.6	-0.2	-1.8	90.1	4.2E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.3	0.1	4.5E-05	8.8E-02	1.6E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
17	5342595	cg06345277	1.4	0.0	-1.4	90.0	4.2E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	3.1E-05	8.2E-02	9.2E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
17	31547	cg19910399	1.4	0.2	-1.2	90.0	4.2E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.3E-05	8.2E-02	1.9E-01	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
10	130008585	cg07377985	1.8	0.0	-1.8	89.9	4.2E-05	1.0E-01	-1.1	0.2	0.5	0.2	3.1E-05	8.2E-02	9.3E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
14	103852292	cg15649561	1.1	-0.1	-1.2	89.6	4.3E-05	1.0E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	3.6E-05	8.6E-02	5.6E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
7	39663043	cg19104112	1.2	-0.1	-1.3	89.6	4.3E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.8E-05	8.8E-02	4.0E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
16	85833520	cg16506072	1.3	-0.1	-1.5	89.2	4.3E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	4.2E-05	8.8E-02	2.7E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
5	140262304	cg11268983	1.1	-0.1	-1.2	89.2	4.3E-05	1.0E-01	-1.6	0.2	0.4	0.2	4.4E-05	8.8E-02	2.1E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	PatternI
14	96342719	cg22149224	1.2	0.1	-1.1	89.0	4.3E-05	1.0E-01	-2.1	0.1	0.3	0.2	2.5E-05	8.2E-02	3.4E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	PatternI
10	131767387	cg27628784	1.1	1.8	0.7	89.0	4.3E-05	1.0E-01	-1.8	0.1	0.2	0.3	2.1E-04	1.8E-01	9.5E-06	8.2E-02	2.2E-03	8.8E-01	PatternIV
18	57026567	cg05598816	1.1	-0.2	-1.3	88.9	4.4E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	7.1E-02	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	PatternI
2	217559207	cg00590670	1.5	0.0	-1.4	88.9	4.4E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	8.7E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	PatternI
17	42083264	cg05951576	1.2	0.0	-1.2	88.8	4.4E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	3.3E-05	8.4E-02	8.3E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
7	28893613	cg23166656	1.1	-0.1	-1.3	88.8	4.4E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	4.1E-05	8.8E-02	3.2E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
6	72596297	cg27558107	1.5	0.0	-1.5	88.7	4.4E-05	1.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	3.2E-05	8.3E-02	9.2E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
19	58545285	cg02344833	1.4	0.0	-1.4	88.7	4.4E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.2E-05	8.3E-02	9.4E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
10	72432461	cg18968090	1.5	0.1	-1.4	88.5	4.4E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.6E-05	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
2	120125096	cg11066750	1.3	-0.1	-1.4	88.4	4.4E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.8E-05	8.8E-02	5.0E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
6	140305011	cg03404550	1.5	0.4	-1.1	88.3	4.4E-05	1.0E-01	3.1	0.8	0.9	0.9	1.7E-05	8.2E-02	9.0E-03	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
17	47307956	cg02871680	1.4	0.1	-1.3	88.3	4.4E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.5E-05	8.2E-02	3.1E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
19	13134771	cg03347722	1.2	0.0	-1.2	88.3	4.4E-05	1.0E-01	-0.7	0.3	0.5	0.3	3.0E-05	8.2E-02	7.4E-01	1.0E+00	3.7E-05	8.8E-02	PatternI
1	145610795	cg14278893	1.5	0.1	-1.4	88.1	4.5E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.8E-05	8.2E-02	5.8E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
2	10220599	cg26941949	1.4	0.0	-1.3	88.1	4.5E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.9E-05	8.2E-02	6.8E-01	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
14	106004434	cg10024437	1.1	-0.1	-1.2	88.0	4.5E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.2E-05	8.8E-02	3.4E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
12	103889789	cg13702005	1.2	-0.1	-1.3	88.0	4.5E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	4.1E-05	8.8E-02	3.8E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
20	24450361	cg19654195	1.4	0.1	-1.3	87.9	4.5E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.9E-05	8.2E-02	6.1E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
11	66104153	cg15082918	1.2	-0.1	-1.3	87.6	4.5E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.0E-05	8.8E-02	4.4E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI

16	28222985	cg08495403	1.6	0.0	-1.5	87.6	4.6E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	3.0E-05	8.2E-02	7.3E-01	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
2	27718181	cg04015759	2.4	2.3	-0.1	87.4	4.6E-05	1.0E-01	-1.9	0.1	0.3	0.3	2.9E-05	8.2E-02	1.2E-05	8.2E-02	6.5E-01	1.0E+00	PatternIV
6	41862737	cg01289140	1.8	0.1	-1.7	87.4	4.6E-05	1.0E-01	-1.6	0.2	0.4	0.2	2.8E-05	8.2E-02	4.8E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
5	33441070	cg25448382	1.3	0.0	-1.3	87.4	4.6E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	3.5E-05	8.6E-02	8.0E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
5	133863570	cg14808329	1.1	0.0	-1.2	87.4	4.6E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.7E-05	8.8E-02	6.3E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
12	49932857	cg07923666	1.5	0.1	-1.4	87.3	4.6E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.7E-05	8.2E-02	3.3E-01	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
13	28551524	cg03956053	1.4	-0.3	-1.7	87.2	4.6E-05	1.0E-01	-1.9	0.2	0.4	0.1	6.2E-05	9.4E-02	6.2E-02	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
19	17439208	cg12526923	1.4	0.0	-1.4	87.1	4.6E-05	1.0E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	3.1E-05	8.2E-02	7.3E-01	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	PatternI
5	3602413	cg06585708	1.4	0.1	-1.4	86.7	4.7E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	5.9E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
16	68057165	cg24654547	1.6	0.1	-1.4	86.6	4.7E-05	1.0E-01	-3.7	0.0	0.1	0.1	2.7E-05	8.2E-02	3.2E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
17	6541594	cg21696827	1.4	1.6	0.2	86.6	4.7E-05	1.0E-01	-0.5	0.3	0.5	0.5	5.8E-05	9.4E-02	1.0E-05	8.2E-02	1.0E-01	1.0E+00	PatternIV
8	55047791	cg19897251	1.3	0.0	-1.4	86.5	4.7E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	3.7E-05	8.8E-02	7.2E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
6	30139880	cg23623622	1.2	-0.1	-1.3	86.5	4.7E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.3E-05	8.8E-02	3.6E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
6	1378868	cg08368654	1.2	-0.1	-1.3	86.5	4.7E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	4.6E-05	8.9E-02	2.7E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
16	30546198	cg16947339	1.1	-0.1	-1.2	86.3	4.7E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.4E-05	8.8E-02	3.4E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
11	62473871	cg03922588	1.9	1.7	-0.3	85.9	4.8E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	2.4E-05	8.2E-02	1.4E-05	8.2E-02	1.5E-01	1.0E+00	PatternIV
9	132083258	cg09011026	1.2	-0.1	-1.4	85.8	4.8E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	4.7E-05	8.9E-02	2.7E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
19	4639397	cg13357752	1.4	-0.2	-1.6	85.8	4.8E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	5.3E-05	9.2E-02	1.5E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
2	27545909	cg14715961	0.2	-1.1	-1.2	85.7	4.8E-05	1.0E-01	-2.5	0.2	0.2	0.1	1.7E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	2.4E-05	8.2E-02	PatternIII
1	154947060	cg25017976	1.1	-0.1	-1.2	85.7	4.8E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	3.3E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
6	32939525	cg11348335	1.5	-0.1	-1.6	85.7	4.8E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	4.2E-05	8.8E-02	4.7E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
6	34856927	cg07156929	1.1	-0.1	-1.2	85.7	4.8E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.1E-05	8.8E-02	5.3E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
17	48228521	cg25244778	1.5	0.1	-1.5	85.6	4.8E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	3.1E-05	8.2E-02	6.0E-01	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	PatternI
14	24899306	cg23951198	1.2	0.0	-1.2	85.5	4.9E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.7E-05	8.7E-02	8.5E-01	1.0E+00	3.4E-05	8.6E-02	PatternI
1	54518742	cg12759997	1.2	-0.1	-1.3	85.5	4.9E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	3.7E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
2	86426474	cg19130836	-0.1	-1.2	-1.1	85.4	4.9E-05	1.0E-01	-1.2	0.4	0.4	0.2	5.2E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	4.5E-05	8.8E-02	PatternIII
8	82192408	cg00696973	1.3	-0.1	-1.4	85.4	4.9E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	4.2E-05	8.8E-02	5.0E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
16	58283784	cg12469332	1.4	-0.1	-1.5	85.4	4.9E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.5E-05	8.8E-02	3.5E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
2	122043034	cg27359308	1.2	-0.3	-1.5	85.4	4.9E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	7.6E-05	1.0E-01	3.4E-02	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	PatternI
17	48639239	cg18454685	1.4	0.1	-1.3	85.4	4.9E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	3.1E-05	8.2E-02	6.1E-01	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	PatternI
6	124124875	cg13426829	1.1	-0.2	-1.3	85.2	4.9E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	1.3E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
6	28603033	cg27658416	1.1	-0.2	-1.3	85.2	4.9E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.5E-05	9.7E-02	6.8E-02	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	PatternI
3	156893021	cg09250741	1.1	-0.1	-1.2	85.2	4.9E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	4.8E-05	8.9E-02	2.7E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
6	73331405	cg00852573	1.1	-0.1	-1.2	85.1	4.9E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	3.7E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
12	6420041	cg09056845	1.1	-0.1	-1.2	85.1	4.9E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.3E-05	8.8E-02	4.6E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
12	112035516	cg22735612	1.7	1.6	-0.1	85.1	4.9E-05	1.0E-01	-2.2	0.1	0.2	0.2	3.2E-05	8.3E-02	1.2E-05	8.2E-02	6.6E-01	1.0E+00	PatternIV
17	36904473	cg24204940	1.2	0.1	-1.1	85.0	4.9E-05	1.0E-01	-1.3	0.2	0.4	0.2	3.1E-05	8.2E-02	5.5E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
10	135050004	cg23105839	1.2	0.0	-1.2	84.9	5.0E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	3.9E-05	8.8E-02	7.1E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	PatternI

4	154681197	cg02647878	1.1	-0.2	-1.2	84.7	5.0E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	1.4E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
3	5163878	cg13297988	1.1	-0.2	-1.2	84.7	5.0E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	5.7E-05	9.3E-02	1.4E-01	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
2	190648605	cg26258631	1.2	-0.1	-1.3	84.6	5.0E-05	1.0E-01	-3.8	0.1	0.1	0.0	4.2E-05	8.8E-02	5.9E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
1	32254595	cg24691844	1.2	0.0	-1.2	84.6	5.0E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.9E-05	8.8E-02	7.5E-01	1.0E+00	3.4E-05	8.6E-02	PatternI
8	33424894	cg25230571	-0.2	-1.6	-1.4	84.6	5.0E-05	1.0E-01	-2.6	0.2	0.2	0.1	1.2E-01	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	6.4E-05	9.6E-02	PatternIII
4	128886524	cg03883519	1.2	0.1	-1.1	84.5	5.0E-05	1.0E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	2.8E-05	8.2E-02	2.6E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
2	220083865	cg26544277	1.7	0.0	-1.6	84.4	5.0E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.4E-05	8.6E-02	8.2E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
17	58218781	cg19816930	1.5	0.0	-1.5	84.4	5.0E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	3.6E-05	8.7E-02	1.0E+00	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	PatternI
6	32940489	cg14560317	1.2	0.0	-1.2	84.3	5.1E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.1E-05	8.8E-02	6.6E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	PatternI
16	14013923	cg17545094	1.1	-0.1	-1.2	84.3	5.1E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	4.3E-05	8.8E-02	5.4E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
12	52345074	cg01259359	1.7	0.2	-1.5	84.2	5.1E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.7E-05	8.2E-02	2.1E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
11	107461798	cg15648026	1.1	-0.1	-1.2	84.2	5.1E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	4.5E-05	8.8E-02	4.4E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
12	104850524	cg07994320	1.7	0.0	-1.7	84.0	5.1E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	3.8E-05	8.8E-02	8.7E-01	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
22	50468633	cg11875773	1.1	0.0	-1.1	83.9	5.1E-05	1.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	4.2E-05	8.8E-02	6.4E-01	1.0E+00	3.3E-05	8.4E-02	PatternI
18	32870200	cg26141063	1.7	-0.1	-1.8	83.8	5.2E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.4E-05	8.8E-02	5.1E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
2	219922998	cg25297849	1.2	-0.2	-1.3	83.7	5.2E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	5.9E-05	9.4E-02	1.3E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
7	116166170	cg17040713	1.1	-0.1	-1.3	83.6	5.2E-05	1.0E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	5.5E-05	9.3E-02	1.9E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	PatternI
1	153630961	cg01164015	1.1	-0.2	-1.3	83.6	5.2E-05	1.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	6.4E-05	9.6E-02	9.4E-02	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	PatternI
18	12271697	cg05702778	1.3	0.1	-1.2	83.5	5.2E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	3.0E-05	8.2E-02	3.7E-01	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
6	32164151	cg06099048	1.1	-0.2	-1.3	83.5	5.2E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	6.1E-05	9.4E-02	1.2E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	PatternI
6	111279694	cg12072757	1.2	0.0	-1.2	83.5	5.2E-05	1.0E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	3.4E-05	8.6E-02	7.0E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	PatternI
3	71633286	cg07532542	1.2	-0.1	-1.3	83.5	5.2E-05	1.0E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	4.3E-05	8.8E-02	5.8E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	PatternI
11	111749763	cg18313530	1.4	0.0	-1.4	83.5	5.2E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	3.9E-05	8.8E-02	9.0E-01	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	PatternI
3	193852938	cg27331225	1.4	0.0	-1.4	83.5	5.2E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	3.8E-05	8.8E-02	9.6E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
3	158362309	cg10926047	1.1	-0.2	-1.3	83.4	5.2E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	5.8E-05	9.4E-02	1.6E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
7	105925814	cg20557534	1.1	0.0	-1.2	83.3	5.2E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.0E-05	8.8E-02	8.0E-01	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
3	186285208	cg26646903	1.4	0.1	-1.4	83.3	5.2E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.3E-05	8.4E-02	6.1E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
2	70520884	cg25336731	1.2	-0.2	-1.4	83.3	5.2E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	5.9E-05	9.4E-02	1.5E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	PatternI
17	1957154	cg14294250	1.2	0.0	-1.2	82.9	5.3E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	3.8E-05	8.8E-02	9.4E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
5	101632310	cg19788741	1.2	-0.1	-1.3	82.8	5.3E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	5.4E-01	1.0E+00	3.3E-05	8.4E-02	PatternI
12	123848917	cg21131339	1.3	-0.1	-1.5	82.7	5.3E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	5.1E-05	9.0E-02	3.2E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
22	18894280	cg02207496	1.3	-0.1	-1.4	82.7	5.3E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.0E-05	9.0E-02	3.5E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
13	112759355	cg15415452	1.4	-0.1	-1.5	82.7	5.3E-05	1.0E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	4.7E-05	8.9E-02	4.7E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	PatternI
12	679287	cg22669566	1.4	-0.1	-1.5	82.6	5.4E-05	1.0E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	4.4E-05	8.8E-02	5.9E-01	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	PatternI
7	98741665	cg19989222	1.1	-0.1	-1.2	82.6	5.4E-05	1.0E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.1E-05	9.1E-02	3.2E-01	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
9	127533554	cg08758850	1.1	0.0	-1.1	82.5	5.4E-05	1.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	3.9E-05	8.8E-02	9.9E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
1	21617006	cg17196364	1.1	-0.1	-1.3	82.5	5.4E-05	1.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	2.2E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	PatternI
2	139259770	cg19936585	-0.3	-1.6	-1.3	82.3	5.4E-05	1.0E-01	-0.9	0.5	0.4	0.2	9.9E-02	1.0E+00	1.0E-05	8.2E-02	7.2E-05	1.0E-01	PatternIII

19	15311666	cg13404054	1.3	-0.1	-1.4	82.3	5.4E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	4.5E-05	8.8E-02	5.7E-01	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	PatternI
2	27440151	cg25258016	1.5	-0.1	-1.5	82.2	5.4E-05	1.0E-01	-1.1	0.3	0.5	0.2	4.5E-05	8.8E-02	6.1E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.7E-02	PatternI
11	118443311	cg14762010	1.1	0.0	-1.1	82.1	5.4E-05	1.0E-01	-3.9	0.0	0.1	0.0	4.0E-05	8.8E-02	9.5E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
1	110198568	cg01564068	1.1	0.0	-1.2	81.9	5.5E-05	1.0E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	4.2E-05	8.8E-02	8.4E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
1	232766496	cg15472210	1.5	0.1	-1.5	81.8	5.5E-05	1.0E-01	-2.0	0.1	0.3	0.2	3.6E-05	8.7E-02	6.9E-01	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	PatternI
3	9885602	cg10683958	1.2	0.0	-1.1	81.8	5.5E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	3.6E-05	8.6E-02	6.5E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
17	1394479	cg12604982	1.3	-0.1	-1.3	81.7	5.5E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	6.6E-01	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
1	26437414	cg27547812	1.7	0.1	-1.6	81.7	5.5E-05	1.0E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	3.3E-05	8.4E-02	4.4E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
14	36295590	cg01857342	1.2	0.0	-1.2	81.7	5.5E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	4.1E-05	8.8E-02	9.3E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
7	149195092	cg12857488	1.5	0.1	-1.5	81.4	5.6E-05	1.0E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.6E-05	8.6E-02	6.1E-01	1.0E+00	5.1E-05	9.1E-02	PatternI
2	177005611	cg06617341	1.1	0.1	-1.1	81.3	5.6E-05	1.0E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	3.3E-05	8.4E-02	4.1E-01	1.0E+00	5.7E-05	9.3E-02	PatternI
4	90758221	cg04957214	1.3	0.0	-1.3	81.3	5.6E-05	1.0E-01	-3.8	0.0	0.1	0.0	3.9E-05	8.8E-02	9.0E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
6	35310441	cg18353713	1.6	-0.1	-1.7	81.2	5.6E-05	1.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.7E-05	8.9E-02	5.8E-01	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
5	140700638	cg18145047	1.5	-0.1	-1.6	81.1	5.6E-05	1.0E-01	-1.8	0.2	0.4	0.2	4.8E-05	8.9E-02	5.1E-01	1.0E+00	3.7E-05	8.7E-02	PatternI
10	101190559	cg27070385	1.2	-0.1	-1.3	81.1	5.6E-05	1.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.9E-05	8.9E-02	4.9E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.6E-02	PatternI
12	7038009	cg11831988	1.6	0.0	-1.6	80.9	5.7E-05	1.0E-01	-1.2	0.2	0.5	0.2	4.4E-05	8.8E-02	7.5E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
19	18548964	cg09374949	1.2	0.0	-1.3	80.6	5.7E-05	1.1E-01	-4.0	0.0	0.1	0.0	4.6E-05	8.9E-02	7.0E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
19	8509784	cg16906204	1.1	-0.1	-1.2	80.5	5.8E-05	1.1E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	5.3E-05	9.2E-02	3.8E-01	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	PatternI
5	148930628	cg02716123	1.4	-0.1	-1.5	80.4	5.8E-05	1.1E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	5.2E-05	9.1E-02	4.2E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.6E-02	PatternI
9	95858482	cg07525971	1.1	-0.3	-1.4	80.3	5.8E-05	1.1E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	2.6E-02	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	PatternI
10	135049999	cg04652645	1.2	0.0	-1.2	80.1	5.8E-05	1.1E-01	-3.9	0.0	0.1	0.0	4.0E-05	8.8E-02	8.6E-01	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	PatternI
4	2471043	cg23927271	1.3	0.0	-1.3	79.8	5.9E-05	1.1E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.3E-05	8.8E-02	9.9E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
10	79789178	cg15068520	1.4	-0.1	-1.6	79.8	5.9E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	5.4E-05	9.3E-02	4.0E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.7E-02	PatternI
8	22422816	cg04394254	1.4	0.0	-1.4	79.7	5.9E-05	1.1E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	4.0E-05	8.8E-02	8.2E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
1	212873244	cg26381322	1.6	2.0	0.4	79.6	5.9E-05	1.1E-01	-1.3	0.2	0.4	0.4	9.7E-05	1.1E-01	1.0E-05	8.2E-02	4.1E-02	1.0E+00	PatternIV
18	12377388	cg25964954	1.2	0.0	-1.2	79.6	5.9E-05	1.1E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	4.0E-05	8.8E-02	7.7E-01	1.0E+00	5.1E-05	9.1E-02	PatternI
17	79197229	cg17917959	1.2	0.0	-1.3	79.5	6.0E-05	1.1E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	4.6E-05	8.9E-02	7.7E-01	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	PatternI
16	10275934	cg05406943	1.0	-0.1	-1.2	79.4	6.0E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.1E-05	9.4E-02	2.4E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	PatternI
3	66024556	cg25701418	1.3	0.0	-1.3	79.3	6.0E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.8E-05	8.9E-02	7.0E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
15	83953068	cg08939095	1.1	-0.1	-1.2	79.3	6.0E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	5.0E-05	8.9E-02	6.1E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
1	202679728	cg01548178	1.4	0.0	-1.3	79.2	6.0E-05	1.1E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	4.2E-05	8.8E-02	8.9E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
9	121929811	cg13603112	-0.7	-1.4	-0.7	79.2	6.0E-05	1.1E-01	5.0	1.0	1.0	1.0	8.4E-04	5.0E-01	9.6E-06	8.2E-02	7.3E-04	4.5E-01	
10	6962378	cg27222274	1.1	-0.1	-1.2	79.2	6.0E-05	1.1E-01	-0.9	0.3	0.5	0.3	5.9E-05	9.4E-02	2.9E-01	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	PatternI
17	73127468	cg05145649	1.1	0.0	-1.1	79.1	6.1E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	4.0E-05	8.8E-02	7.6E-01	1.0E+00	5.4E-05	9.3E-02	PatternI
7	44621958	cg10045804	-0.4	-1.7	-1.3	79.0	6.1E-05	1.1E-01	-2.0	0.3	0.2	0.1	4.1E-02	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	1.1E-04	1.2E-01	PatternIII
5	87971950	cg11525941	1.5	-0.2	-1.8	78.8	6.1E-05	1.1E-01	-1.8	0.2	0.4	0.2	6.6E-05	9.7E-02	1.8E-01	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
13	100982862	cg13133297	1.5	0.2	-1.3	78.8	6.1E-05	1.1E-01	3.8	0.9	1.0	0.9	3.0E-05	8.2E-02	1.1E-01	1.0E+00	7.9E-05	1.1E-01	PatternI
5	32174494	cg15959319	1.2	0.0	-1.2	78.8	6.1E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	4.3E-05	8.8E-02	8.9E-01	1.0E+00	5.0E-05	8.9E-02	PatternI

11	406829	cg24440302	1.4	0.3	-1.1	78.7	6.1E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.7E-05	8.2E-02	4.7E-02	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
6	33422290	cg23011817	1.6	0.1	-1.5	78.7	6.1E-05	1.1E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	4.0E-05	8.8E-02	6.9E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
2	191878861	cg11065262	1.4	0.1	-1.4	78.7	6.2E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	3.9E-05	8.8E-02	6.2E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
1	156052196	cg00472324	1.7	0.0	-1.7	78.6	6.2E-05	1.1E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	4.8E-05	8.9E-02	7.5E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	PatternI
3	46735338	cg21379004	1.1	-0.1	-1.2	78.6	6.2E-05	1.1E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	5.2E-05	9.1E-02	5.6E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
1	12079277	cg19602920	1.2	-0.1	-1.3	78.5	6.2E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.0E-05	9.4E-02	3.0E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.7E-02	PatternI
1	40157436	cg21011110	1.3	-0.1	-1.4	78.2	6.2E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	5.7E-05	9.4E-02	3.9E-01	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	PatternI
19	18722595	cg11610754	1.1	-0.1	-1.2	78.1	6.3E-05	1.1E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	4.5E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
12	77157695	cg11264102	1.3	-0.2	-1.4	78.1	6.3E-05	1.1E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	6.7E-05	9.7E-02	1.9E-01	1.0E+00	3.3E-05	8.4E-02	PatternI
17	48638594	cg23614229	1.7	0.1	-1.6	78.1	6.3E-05	1.1E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	3.6E-05	8.7E-02	3.7E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
21	36261057	cg07961283	1.2	0.0	-1.2	78.0	6.3E-05	1.1E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	4.6E-05	8.9E-02	9.4E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
6	16761906	cg21996137	1.2	0.0	-1.2	77.9	6.3E-05	1.1E-01	-3.9	0.0	0.1	0.0	4.7E-05	8.9E-02	8.8E-01	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	PatternI
6	167275778	cg18949300	1.9	1.6	-0.3	77.7	6.4E-05	1.1E-01	-2.3	0.1	0.3	0.2	3.1E-05	8.2E-02	1.6E-05	8.2E-02	1.2E-01	1.0E+00	PatternIV
1	241520904	cg03613077	1.2	0.0	-1.2	77.6	6.4E-05	1.1E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	4.8E-05	8.9E-02	8.9E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
18	44702766	cg12735025	1.2	-0.2	-1.3	77.6	6.4E-05	1.1E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	7.1E-05	1.0E-01	1.6E-01	1.0E+00	3.3E-05	8.4E-02	PatternI
19	13991187	cg07462848	1.1	0.0	-1.1	77.5	6.4E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	4.9E-05	8.9E-02	8.2E-01	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
19	3585609	cg26797585	1.0	-0.1	-1.1	77.5	6.4E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	5.5E-05	9.3E-02	5.1E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
1	185014391	cg02430413	1.1	0.0	-1.2	77.4	6.4E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	5.1E-05	9.1E-02	6.9E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
8	131028232	cg21450008	1.2	0.0	-1.3	77.4	6.4E-05	1.1E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	5.1E-05	9.0E-02	7.3E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
5	139555533	cg12588763	1.1	0.0	-1.1	77.4	6.4E-05	1.1E-01	-1.6	0.2	0.4	0.2	5.0E-05	8.9E-02	7.9E-01	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
10	106028543	cg16071118	1.2	0.0	-1.1	77.4	6.4E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	8.8E-01	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
19	45349316	cg07251576	1.1	-0.1	-1.2	77.3	6.5E-05	1.1E-01	-1.7	0.2	0.3	0.2	5.5E-05	9.3E-02	5.5E-01	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	PatternI
15	65809620	cg14179433	1.3	0.1	-1.3	77.1	6.5E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	4.2E-05	8.8E-02	6.3E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
17	20224345	cg13158894	1.2	0.2	-1.0	77.1	6.5E-05	1.1E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	3.2E-05	8.3E-02	1.3E-01	1.0E+00	8.1E-05	1.1E-01	PatternI
6	33377795	cg06618123	1.2	-0.1	-1.2	77.0	6.5E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	5.4E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	PatternI
2	85839182	cg15317609	1.1	-0.2	-1.3	76.8	6.6E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	7.5E-05	1.0E-01	1.5E-01	1.0E+00	3.4E-05	8.6E-02	PatternI
1	109289127	cg21947298	1.5	1.7	0.2	76.8	6.6E-05	1.1E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	7.3E-05	1.0E-01	1.1E-05	8.2E-02	1.9E-01	1.0E+00	PatternIV
4	106395307	cg25223851	1.2	0.0	-1.2	76.8	6.6E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.8E-05	8.9E-02	9.4E-01	1.0E+00	5.2E-05	9.1E-02	PatternI
6	24358308	cg07791578	1.2	-0.1	-1.3	76.7	6.6E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	6.3E-05	9.5E-02	3.4E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	PatternI
17	4613604	cg11475493	-0.2	-1.7	-1.5	76.4	6.7E-05	1.1E-01	-2.8	0.2	0.2	0.1	1.9E-01	1.0E+00	1.2E-05	8.2E-02	7.8E-05	1.1E-01	PatternIII
2	12858298	cg13776499	1.1	0.0	-1.2	76.3	6.7E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	5.3E-05	9.2E-02	7.0E-01	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
17	1733433	cg22295628	1.1	-0.1	-1.2	76.2	6.7E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.7E-05	9.3E-02	5.4E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
3	25825136	cg05218902	1.0	-0.2	-1.2	76.1	6.7E-05	1.1E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	4.4E-02	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	PatternI
4	140099401	cg23924007	1.2	0.0	-1.2	76.1	6.7E-05	1.1E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	4.8E-05	8.9E-02	1.0E+00	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
8	11058770	cg15301489	1.4	-0.1	-1.5	76.1	6.8E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	5.6E-05	9.3E-02	6.2E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
21	34398199	cg08870743	1.1	0.0	-1.1	76.0	6.8E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.1E-05	9.0E-02	8.8E-01	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	PatternI
16	2034455	cg06526921	1.2	0.0	-1.2	76.0	6.8E-05	1.1E-01	-3.9	0.0	0.1	0.0	5.2E-05	9.1E-02	8.0E-01	1.0E+00	5.1E-05	9.0E-02	PatternI
9	140446233	cg14788802	1.2	0.0	-1.1	75.9	6.8E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	4.5E-05	8.8E-02	7.1E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI

1	160068471	cg26146390	1.3	0.0	-1.4	75.9	6.8E-05	1.1E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	5.3E-05	9.2E-02	7.8E-01	1.0E+00	5.0E-05	9.0E-02	PatternI
5	134824531	cg15028653	1.9	2.0	0.1	75.7	6.8E-05	1.1E-01	-0.4	0.2	0.5	0.6	6.0E-05	9.4E-02	1.3E-05	8.2E-02	5.2E-01	1.0E+00	PatternIV
1	206832043	cg08128274	1.1	0.0	-1.1	75.7	6.8E-05	1.1E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	4.5E-05	8.8E-02	7.5E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
17	60704641	cg19557518	1.4	0.0	-1.4	75.7	6.8E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	4.7E-05	8.9E-02	8.8E-01	1.0E+00	5.7E-05	9.4E-02	PatternI
16	71929079	cg16503601	1.0	-0.2	-1.2	75.5	6.9E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	8.0E-05	1.1E-01	1.4E-01	1.0E+00	3.6E-05	8.7E-02	PatternI
6	170189779	cg01645806	-0.6	0.7	1.4	75.4	6.9E-05	1.1E-01	2.4	0.8	0.7	0.9	1.3E-03	6.7E-01	3.6E-05	8.7E-02	2.2E-05	8.2E-02	PatternII
9	130830463	cg21260583	1.2	0.0	-1.1	75.4	6.9E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	4.5E-05	8.8E-02	6.6E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
12	123921306	cg21618040	1.1	0.0	-1.1	75.3	6.9E-05	1.1E-01	-0.9	0.3	0.5	0.3	5.6E-05	9.3E-02	6.6E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
14	33403952	cg12474182	-0.3	-1.7	-1.4	75.2	7.0E-05	1.1E-01	-3.0	0.2	0.1	0.1	1.3E-01	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	9.1E-05	1.1E-01	PatternIII
19	36036576	cg05815685	1.6	0.1	-1.6	74.9	7.0E-05	1.1E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.6E-05	8.9E-02	7.3E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
17	1394841	cg14381348	1.0	-0.1	-1.1	74.8	7.1E-05	1.1E-01	-2.1	0.2	0.3	0.1	8.0E-05	1.1E-01	1.6E-01	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	PatternI
19	10543010	cg19355182	1.2	0.0	-1.2	74.8	7.1E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	5.6E-05	9.3E-02	7.5E-01	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	PatternI
2	216946392	cg17346426	1.2	0.0	-1.2	74.8	7.1E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	4.9E-05	8.9E-02	8.9E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
6	138188545	cg15380607	1.3	-0.1	-1.3	74.7	7.1E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	5.7E-05	9.4E-02	6.7E-01	1.0E+00	5.1E-05	9.1E-02	PatternI
17	72733163	cg05100739	1.0	-0.1	-1.1	74.6	7.1E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	7.3E-05	1.0E-01	2.4E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	PatternI
3	119041955	cg27607338	1.1	-0.1	-1.2	74.5	7.2E-05	1.1E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	6.0E-05	9.4E-02	5.7E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
2	101436412	cg10529075	1.2	0.0	-1.3	74.5	7.2E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	5.5E-05	9.3E-02	7.9E-01	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
8	143419545	cg21185031	-1.3	-0.9	0.4	74.4	7.2E-05	1.1E-01	3.9	1.0	0.9	0.9	2.8E-05	8.2E-02	1.9E-05	8.2E-02	1.5E-02	1.0E+00	
3	126113640	cg23816347	1.3	-0.1	-1.4	74.3	7.2E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	6.2E-05	9.4E-02	5.3E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
2	201936351	cg13235654	1.2	-0.3	-1.6	74.2	7.2E-05	1.1E-01	-1.9	0.2	0.3	0.1	1.2E-04	1.3E-01	3.5E-02	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	PatternI
7	19158721	cg12307484	1.3	0.0	-1.3	74.2	7.2E-05	1.1E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	4.9E-05	8.9E-02	8.2E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
13	36705606	cg25012919	1.6	0.1	-1.5	74.1	7.3E-05	1.1E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	4.7E-05	8.9E-02	6.5E-01	1.0E+00	6.3E-05	9.5E-02	PatternI
5	140346106	cg26882009	1.1	0.1	-1.1	74.0	7.3E-05	1.1E-01	-0.9	0.3	0.5	0.3	4.6E-05	8.9E-02	6.0E-01	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	PatternI
4	53455270	cg04845060	1.0	-0.1	-1.1	74.0	7.3E-05	1.1E-01	-1.5	0.2	0.4	0.2	6.4E-05	9.6E-02	4.8E-01	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	PatternI
9	140063617	cg13696351	1.4	0.1	-1.2	74.0	7.3E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.1E-05	8.8E-02	3.2E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
13	45563580	cg13717880	1.6	-0.1	-1.7	74.0	7.3E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	6.0E-05	9.4E-02	6.1E-01	1.0E+00	5.2E-05	9.1E-02	PatternI
7	141618525	cg06896984	0.8	-0.5	-1.3	74.0	7.3E-05	1.1E-01	2.9	0.9	0.9	0.8	3.8E-04	2.8E-01	5.8E-04	3.8E-01	2.4E-05	8.2E-02	
6	27841665	cg12408601	1.5	1.6	0.1	74.0	7.3E-05	1.1E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	6.6E-05	9.7E-02	1.3E-05	8.2E-02	4.6E-01	1.0E+00	PatternIV
16	68002044	cg03498383	1.2	-0.1	-1.3	74.0	7.3E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	7.6E-05	1.0E-01	2.3E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
14	24605279	cg23603076	1.2	0.0	-1.2	73.9	7.3E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	5.5E-05	9.3E-02	8.7E-01	1.0E+00	5.7E-05	9.3E-02	PatternI
11	61595377	cg15454066	1.4	0.0	-1.4	73.6	7.4E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	4.9E-05	8.9E-02	7.1E-01	1.0E+00	6.3E-05	9.5E-02	PatternI
6	33245467	cg04263436	1.1	-0.1	-1.2	73.5	7.4E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	6.2E-05	9.4E-02	5.9E-01	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	PatternI
2	197036434	cg27452117	1.5	-0.1	-1.6	73.4	7.5E-05	1.1E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	6.7E-05	9.7E-02	4.5E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
3	125239198	cg16711083	1.4	0.1	-1.2	73.3	7.5E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	4.3E-05	8.8E-02	3.8E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
1	92764349	cg16010723	1.1	-0.1	-1.2	73.2	7.5E-05	1.1E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	7.1E-05	1.0E-01	3.5E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
15	52405000	cg12067522	1.2	-0.1	-1.3	73.2	7.5E-05	1.1E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	6.3E-05	9.5E-02	5.7E-01	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	PatternI
10	115613921	cg23715505	1.0	-0.1	-1.2	73.2	7.5E-05	1.1E-01	-1.8	0.2	0.3	0.2	8.0E-05	1.1E-01	2.1E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	PatternI
4	57396749	cg08074138	1.1	-0.1	-1.2	73.2	7.5E-05	1.1E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	6.3E-05	9.5E-02	5.8E-01	1.0E+00	5.4E-05	9.3E-02	PatternI

7	23508189	cg12935170	1.2	-0.2	-1.4	73.1	7.6E-05	1.1E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	9.8E-05	1.2E-01	9.0E-02	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	PatternI
4	111119917	cg23200970	1.0	-0.1	-1.1	72.8	7.6E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.1	0.1	7.1E-05	1.0E-01	3.8E-01	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	PatternI
12	25348258	cg26397265	1.6	1.7	0.1	72.8	7.6E-05	1.1E-01	-2.5	0.1	0.2	0.2	6.3E-05	9.5E-02	1.4E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	PatternIV
5	171881833	cg12938520	1.2	-0.1	-1.3	72.6	7.7E-05	1.1E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	7.8E-05	1.1E-01	2.6E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
6	56820052	cg27378522	1.1	-0.1	-1.3	72.3	7.8E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	8.2E-05	1.1E-01	2.2E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	PatternI
22	29137963	cg04776735	1.0	0.0	-1.1	72.3	7.8E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.1	0.1	6.0E-05	9.4E-02	8.1E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
20	31331105	cg08728520	1.3	-0.1	-1.4	72.3	7.8E-05	1.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.4E-05	9.6E-02	6.4E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
1	3816695	cg12133393	1.0	0.0	-1.1	72.2	7.8E-05	1.1E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	5.8E-05	9.4E-02	9.1E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
6	72596288	cg07675986	1.1	-0.1	-1.2	72.2	7.8E-05	1.1E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	7.1E-05	1.0E-01	4.2E-01	1.0E+00	5.1E-05	9.0E-02	PatternI
22	21058570	cg22258863	1.4	-0.1	-1.5	72.2	7.8E-05	1.1E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	7.3E-05	1.0E-01	3.8E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
19	55677760	cg27482605	1.5	1.6	0.1	72.1	7.8E-05	1.1E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	7.2E-05	1.0E-01	1.4E-05	8.2E-02	4.4E-01	1.0E+00	PatternIV
17	3572559	cg20866375	1.2	-0.1	-1.4	72.1	7.9E-05	1.1E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	7.8E-05	1.1E-01	2.9E-01	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
1	241587550	cg12474159	1.4	0.1	-1.3	72.1	7.9E-05	1.1E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	4.8E-05	8.9E-02	5.1E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
1	1490216	cg09073059	-1.6	-1.2	0.4	72.0	7.9E-05	1.1E-01	4.6	1.0	0.9	1.0	3.1E-05	8.2E-02	1.9E-05	8.2E-02	1.9E-02	1.0E+00	
5	110074930	cg07312116	1.2	0.0	-1.2	71.9	7.9E-05	1.2E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	5.6E-05	9.3E-02	9.4E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
11	10829708	cg03884400	-0.3	1.5	1.7	71.7	8.0E-05	1.2E-01	-2.4	0.1	0.1	0.3	1.6E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	4.2E-05	8.8E-02	PatternII
1	94703340	cg14185291	-0.4	-1.7	-1.3	71.7	8.0E-05	1.2E-01	-2.5	0.2	0.2	0.1	5.1E-02	1.0E+00	1.1E-05	8.2E-02	1.4E-04	1.4E-01	PatternIII
22	46731261	cg08227926	1.2	0.0	-1.2	71.6	8.0E-05	1.2E-01	-1.1	0.3	0.4	0.3	5.5E-05	9.3E-02	8.9E-01	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	PatternI
13	96742905	cg24974423	1.5	0.1	-1.4	71.5	8.0E-05	1.2E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	5.3E-05	9.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
16	85496275	cg05959229	1.1	0.0	-1.1	71.4	8.1E-05	1.2E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	6.0E-05	9.4E-02	9.2E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
2	97535892	cg17609600	1.2	0.1	-1.1	71.3	8.1E-05	1.2E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.6E-05	8.9E-02	3.6E-01	1.0E+00	8.1E-05	1.1E-01	PatternI
6	30313077	cg21636096	1.1	0.0	-1.2	71.3	8.1E-05	1.2E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	6.1E-05	9.4E-02	8.8E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
6	28757569	cg08926828	1.1	-0.1	-1.2	71.3	8.1E-05	1.2E-01	-1.7	0.2	0.3	0.2	7.8E-05	1.1E-01	3.3E-01	1.0E+00	5.0E-05	9.0E-02	PatternI
10	135090367	cg24382527	1.1	-0.1	-1.2	71.3	8.1E-05	1.2E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	7.9E-05	1.1E-01	3.1E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
6	34759890	cg27374423	1.7	-0.2	-1.9	71.1	8.2E-05	1.2E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	9.0E-05	1.1E-01	1.8E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI
3	39148675	cg10495947	1.2	0.0	-1.2	71.0	8.2E-05	1.2E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	6.6E-05	9.7E-02	6.8E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
8	23082822	cg20460852	1.3	0.0	-1.3	71.0	8.2E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	6.0E-05	9.4E-02	9.5E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
17	63053327	cg03182819	1.1	0.0	-1.1	71.0	8.2E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	6.6E-05	9.7E-02	6.7E-01	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
1	59281922	cg13093249	1.2	-0.1	-1.3	71.0	8.2E-05	1.2E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	7.1E-05	1.0E-01	5.1E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
4	126236816	cg12828819	1.1	-0.1	-1.2	71.0	8.2E-05	1.2E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	8.2E-05	1.1E-01	2.7E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
12	63025771	cg26386409	1.2	0.1	-1.1	70.8	8.3E-05	1.2E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	4.4E-05	8.8E-02	2.3E-01	1.0E+00	9.2E-05	1.1E-01	PatternI
14	75470024	cg10836986	1.2	0.0	-1.2	70.7	8.3E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.4E-05	9.6E-02	7.8E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
6	30457827	cg01365762	1.2	0.0	-1.2	70.7	8.3E-05	1.2E-01	-4.0	0.0	0.1	0.0	6.6E-05	9.7E-02	7.0E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
19	13617012	cg17509220	1.1	0.0	-1.2	70.6	8.3E-05	1.2E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	6.4E-05	9.6E-02	7.7E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
19	45844176	cg18304472	1.4	0.1	-1.4	70.6	8.3E-05	1.2E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	5.1E-05	9.1E-02	5.5E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
4	185941601	cg10463150	1.0	-0.1	-1.1	70.6	8.3E-05	1.2E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	8.8E-05	1.1E-01	2.2E-01	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	PatternI
12	103351443	cg26866482	1.2	-0.1	-1.3	70.5	8.4E-05	1.2E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	8.6E-05	1.1E-01	2.5E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
8	121457196	cg14863489	1.1	-0.2	-1.3	70.5	8.4E-05	1.2E-01	-2.1	0.2	0.3	0.1	9.7E-05	1.2E-01	1.5E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	PatternI

17	46894684	cg12027420	1.0	0.0	-1.0	70.4	8.4E-05	1.2E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	6.6E-05	9.7E-02	7.3E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
5	115152431	cg14470895	1.1	0.0	-1.2	70.3	8.4E-05	1.2E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	6.3E-05	9.5E-02	8.8E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
11	129243219	cg12439439	1.3	0.0	-1.3	70.3	8.4E-05	1.2E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	5.5E-05	9.3E-02	7.1E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
19	59070391	cg02955050	1.1	-0.1	-1.2	70.2	8.5E-05	1.2E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	7.6E-05	1.0E-01	4.5E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
4	71570323	cg22674793	1.0	-0.2	-1.2	70.1	8.5E-05	1.2E-01	-1.5	0.2	0.4	0.2	1.1E-04	1.2E-01	9.6E-02	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	PatternI
11	115531001	cg02256049	1.3	1.5	0.3	70.1	8.5E-05	1.2E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	1.1E-04	1.2E-01	1.2E-05	8.2E-02	1.2E-01	1.0E+00	PatternIV
16	89283922	cg16567770	1.3	-0.2	-1.5	70.1	8.5E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.3E-05	1.1E-01	1.9E-01	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	PatternI
17	17598080	cg15724937	1.2	0.0	-1.1	70.1	8.5E-05	1.2E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	5.9E-05	9.4E-02	9.1E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
11	68039514	cg01087832	-0.1	-1.5	-1.4	70.0	8.5E-05	1.2E-01	-2.6	0.2	0.2	0.1	3.9E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	8.6E-05	1.1E-01	PatternIII
22	29702411	cg07391456	1.1	0.0	-1.2	69.9	8.6E-05	1.2E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	6.7E-05	9.7E-02	7.7E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
5	10353571	cg25042577	1.0	-0.2	-1.2	69.8	8.6E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	1.1E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	PatternI
6	26569043	cg27215578	1.2	0.0	-1.2	69.8	8.6E-05	1.2E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	5.9E-05	9.4E-02	8.4E-01	1.0E+00	6.7E-05	9.7E-02	PatternI
17	59482319	cg12999453	1.2	0.0	-1.2	69.7	8.6E-05	1.2E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	5.9E-05	9.4E-02	8.4E-01	1.0E+00	6.7E-05	9.7E-02	PatternI
2	207024197	cg13582873	1.1	0.1	-1.1	69.7	8.6E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	5.3E-05	9.2E-02	5.3E-01	1.0E+00	7.8E-05	1.1E-01	PatternI
1	38274245	cg09148975	1.2	-0.2	-1.3	69.7	8.6E-05	1.2E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	9.4E-05	1.1E-01	2.0E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	PatternI
7	960707	cg02363875	1.0	-0.2	-1.2	69.7	8.6E-05	1.2E-01	4.0	0.9	1.0	0.9	1.2E-04	1.3E-01	8.0E-02	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	
2	236840187	cg06722870	-0.8	-1.4	-0.6	69.6	8.6E-05	1.2E-01	4.3	1.0	0.9	0.9	5.0E-04	3.4E-01	1.1E-05	8.2E-02	2.8E-03	9.8E-01	
7	17338378	cg07793849	1.1	-0.1	-1.2	69.6	8.6E-05	1.2E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	7.9E-05	1.1E-01	4.3E-01	1.0E+00	5.7E-05	9.4E-02	PatternI
15	41786692	cg07381778	1.0	-0.1	-1.1	69.6	8.7E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	8.5E-05	1.1E-01	3.1E-01	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
2	11820565	cg01974656	1.3	0.8	-0.5	69.5	8.7E-05	1.2E-01	3.6	0.9	0.9	0.9	2.9E-05	8.2E-02	2.6E-05	8.2E-02	3.6E-03	1.0E+00	PatternI
16	86320489	cg08501426	1.3	0.1	-1.3	69.5	8.7E-05	1.2E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	5.4E-05	9.3E-02	5.8E-01	1.0E+00	7.8E-05	1.1E-01	PatternI
16	56702038	cg27367960	1.5	0.0	-1.5	69.5	8.7E-05	1.2E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	6.1E-05	9.4E-02	9.2E-01	1.0E+00	6.7E-05	9.7E-02	PatternI
22	45405768	cg20525183	1.3	0.0	-1.3	69.4	8.7E-05	1.2E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	6.2E-05	9.4E-02	9.6E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
17	1163345	cg19411008	1.1	0.0	-1.1	69.2	8.8E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	7.1E-05	1.0E-01	6.7E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	PatternI
14	70233797	cg07490276	1.3	-0.1	-1.5	69.2	8.8E-05	1.2E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	8.4E-05	1.1E-01	3.5E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
4	56916051	cg07521483	1.6	0.1	-1.5	69.2	8.8E-05	1.2E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	5.7E-05	9.3E-02	6.6E-01	1.0E+00	7.5E-05	1.0E-01	PatternI
10	77160907	cg15437133	1.5	2.0	0.5	69.2	8.8E-05	1.2E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	1.9E-04	1.7E-01	1.2E-05	8.2E-02	2.1E-02	1.0E+00	PatternIV
17	7621118	cg20347916	1.1	-0.1	-1.2	69.1	8.8E-05	1.2E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	8.1E-05	1.1E-01	4.1E-01	1.0E+00	5.8E-05	9.4E-02	PatternI
10	102587110	cg26439963	1.0	-0.1	-1.1	69.0	8.9E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.6E-05	1.1E-01	2.1E-01	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	PatternI
11	18813477	cg06671842	1.1	0.0	-1.1	68.9	8.9E-05	1.2E-01	-1.2	0.3	0.4	0.3	6.2E-05	9.4E-02	9.0E-01	1.0E+00	6.8E-05	9.8E-02	PatternI
17	41561072	cg04496106	1.1	0.0	-1.1	68.9	8.9E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.0E-05	9.4E-02	8.0E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
22	43411083	cg24407859	1.1	0.0	-1.1	68.9	8.9E-05	1.2E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	6.8E-05	9.8E-02	8.2E-01	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	PatternI
22	19701734	cg19940065	1.2	-0.1	-1.2	68.8	9.0E-05	1.2E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	7.3E-05	1.0E-01	6.6E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
3	129034220	cg08867370	1.7	0.3	-1.4	68.8	9.0E-05	1.2E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	4.0E-05	8.8E-02	6.3E-02	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
9	130495533	cg00995988	1.1	0.0	-1.1	68.5	9.0E-05	1.2E-01	3.5	0.9	1.0	0.9	6.5E-05	9.7E-02	9.8E-01	1.0E+00	6.7E-05	9.7E-02	PatternI
12	133065912	cg05617413	-0.3	-1.8	-1.6	68.5	9.1E-05	1.2E-01	-2.7	0.2	0.2	0.1	1.8E-01	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	1.1E-04	1.2E-01	PatternIII
9	136243245	cg15900773	2.0	1.9	0.0	68.5	9.1E-05	1.2E-01	-2.2	0.1	0.3	0.3	6.2E-05	9.4E-02	1.5E-05	8.2E-02	8.7E-01	1.0E+00	PatternIV
18	46461202	cg11909137	1.1	1.1	0.0	68.4	9.1E-05	1.2E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	7.3E-05	1.0E-01	1.5E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	PatternIV

19	33183187	cg21518056	1.3	0.0	-1.3	68.3	9.1E-05	1.2E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	6.1E-05	9.4E-02	7.6E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
17	5185735	cg14640386	1.3	0.0	-1.4	68.3	9.1E-05	1.2E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	6.9E-05	9.9E-02	8.6E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
17	16492455	cg08165592	0.9	-0.1	-1.1	68.1	9.2E-05	1.2E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	1.9E-01	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
5	53606416	cg17844160	1.0	-0.2	-1.2	67.9	9.3E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	8.7E-02	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	PatternI
4	175138785	cg08852245	1.0	0.0	-1.0	67.9	9.3E-05	1.2E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	6.9E-05	9.9E-02	8.9E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
19	7069707	cg02301978	1.3	0.0	-1.2	67.9	9.3E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	6.2E-05	9.4E-02	7.9E-01	1.0E+00	7.6E-05	1.0E-01	PatternI
12	124068991	cg16097051	1.2	0.0	-1.2	67.8	9.3E-05	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	7.3E-05	1.0E-01	7.6E-01	1.0E+00	6.5E-05	9.7E-02	PatternI
13	28542287	cg02550231	1.3	0.1	-1.2	67.7	9.4E-05	1.2E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	5.0E-05	9.0E-02	2.5E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
6	44237955	cg20275500	1.2	-0.1	-1.3	67.7	9.4E-05	1.2E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	9.6E-05	1.1E-01	2.6E-01	1.0E+00	5.7E-05	9.3E-02	PatternI
17	80675120	cg05255149	1.1	-0.1	-1.2	67.5	9.4E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	8.8E-05	1.1E-01	3.9E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
3	149939210	cg04424605	1.2	0.1	-1.1	67.4	9.5E-05	1.2E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	5.3E-05	9.2E-02	3.5E-01	1.0E+00	9.4E-05	1.1E-01	PatternI
8	144312920	cg22401835	-1.1	-0.1	1.0	67.4	9.5E-05	1.2E-01	4.6	1.0	0.9	1.0	5.9E-05	9.4E-02	5.8E-01	1.0E+00	8.5E-05	1.1E-01	
6	28303923	cg15743358	1.2	0.2	-1.0	67.1	9.6E-05	1.2E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	4.9E-05	8.9E-02	1.8E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
3	45267960	cg08483723	1.6	0.1	-1.5	67.1	9.6E-05	1.2E-01	-2.5	0.1	0.3	0.1	5.8E-05	9.4E-02	5.2E-01	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	PatternI
2	238777587	cg04011338	1.1	1.2	0.1	67.0	9.6E-05	1.2E-01	-1.0	0.2	0.4	0.4	8.9E-05	1.1E-01	1.4E-05	8.2E-02	4.5E-01	1.0E+00	PatternIV
12	133464603	cg22202031	-0.3	-1.7	-1.5	66.9	9.7E-05	1.2E-01	-2.7	0.2	0.2	0.1	1.4E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	1.3E-04	1.4E-01	PatternIII
6	166721759	cg24078451	1.5	1.9	0.4	66.9	9.7E-05	1.2E-01	-2.3	0.1	0.2	0.3	1.5E-04	1.5E-01	1.3E-05	8.2E-02	5.9E-02	1.0E+00	PatternIV
12	91349725	cg05963410	1.1	0.8	-0.3	66.9	9.7E-05	1.2E-01	2.9	0.8	0.9	0.9	3.8E-05	8.8E-02	2.0E-05	8.2E-02	2.6E-02	1.0E+00	PatternIV
5	113698140	cg12373617	1.2	-0.2	-1.4	66.8	9.7E-05	1.2E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.1E-04	1.2E-01	1.7E-01	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
19	45349207	cg18075720	1.0	-0.1	-1.1	66.8	9.7E-05	1.2E-01	-1.8	0.2	0.3	0.2	8.7E-05	1.1E-01	4.6E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	PatternI
1	15546187	cg06349717	-1.5	-1.3	0.1	66.7	9.7E-05	1.2E-01	4.1	1.0	0.9	0.9	5.6E-05	9.3E-02	1.6E-05	8.2E-02	4.1E-01	1.0E+00	
7	1408818	cg09754845	1.2	0.0	-1.2	66.6	9.8E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	7.0E-05	1.0E-01	9.9E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
17	1303796	cg03190986	1.5	-0.1	-1.6	66.5	9.8E-05	1.2E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	8.5E-05	1.1E-01	5.2E-01	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	PatternI
12	122516220	cg00871673	1.1	0.0	-1.1	66.3	9.9E-05	1.2E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	6.7E-05	9.7E-02	8.0E-01	1.0E+00	8.1E-05	1.1E-01	PatternI
15	60288082	cg22724998	1.4	1.5	0.1	66.2	9.9E-05	1.2E-01	-0.7	0.2	0.5	0.5	8.3E-05	1.1E-01	1.5E-05	8.2E-02	6.3E-01	1.0E+00	PatternIV
17	42976850	cg14559369	1.1	-0.2	-1.3	66.2	1.0E-04	1.2E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	2.1E-01	1.0E+00	5.8E-05	9.4E-02	PatternI
6	20402092	cg26080798	1.9	0.0	-1.9	66.2	1.0E-04	1.2E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	7.1E-05	1.0E-01	9.9E-01	1.0E+00	7.6E-05	1.0E-01	PatternI
19	47249219	cg09120986	1.0	0.0	-1.0	66.1	1.0E-04	1.2E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	6.6E-05	9.7E-02	7.7E-01	1.0E+00	8.2E-05	1.1E-01	PatternI
1	220219430	cg20796294	1.0	-0.2	-1.3	66.1	1.0E-04	1.2E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	7.1E-02	1.0E+00	5.0E-05	8.9E-02	PatternI
16	4364052	cg06206471	1.0	-0.1	-1.1	66.1	1.0E-04	1.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	8.7E-05	1.1E-01	5.1E-01	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	PatternI
7	155260474	cg01914621	-1.1	-0.3	0.8	65.7	1.0E-04	1.3E-01	-1.4	0.4	0.2	0.3	3.8E-05	8.8E-02	1.1E-02	1.0E+00	2.2E-04	1.9E-01	
7	73223852	cg23460250	0.2	1.6	1.4	65.7	1.0E-04	1.3E-01	4.0	0.9	0.9	1.0	1.9E-01	1.0E+00	1.4E-05	8.2E-02	1.2E-04	1.3E-01	PatternII
12	3600216	cg04235126	1.3	0.1	-1.2	65.6	1.0E-04	1.3E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	5.9E-05	9.4E-02	4.1E-01	1.0E+00	9.7E-05	1.2E-01	PatternI
17	6617192	cg13545212	1.0	0.0	-1.0	65.6	1.0E-04	1.3E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	8.2E-05	1.1E-01	7.0E-01	1.0E+00	6.8E-05	9.8E-02	PatternI
1	155057442	cg11750116	1.1	0.1	-1.1	65.6	1.0E-04	1.3E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	6.0E-05	9.4E-02	4.6E-01	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
8	101170031	cg21536042	1.5	1.8	0.4	65.6	1.0E-04	1.3E-01	-1.0	0.2	0.4	0.5	1.5E-04	1.5E-01	1.3E-05	8.2E-02	7.1E-02	1.0E+00	PatternIV
8	56685835	cg03004552	1.1	-0.1	-1.2	65.5	1.0E-04	1.3E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	8.8E-05	1.1E-01	5.4E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
14	103011332	cg16082877	1.0	-0.1	-1.1	65.5	1.0E-04	1.3E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	2.4E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI

10	11866910	cg22819767	-0.7	-1.2	-0.5	65.5	1.0E-04	1.3E-01	2.1	0.9	0.8	0.7	6.7E-04	4.2E-01	1.1E-05	8.2E-02	2.7E-03	9.5E-01	PatternIII
15	78730523	cg12654502	1.2	0.0	-1.2	65.3	1.0E-04	1.3E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	7.2E-05	1.0E-01	9.0E-01	1.0E+00	8.1E-05	1.1E-01	PatternI
9	131084770	cg01475855	1.1	-0.1	-1.3	65.3	1.0E-04	1.3E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	2.4E-01	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	PatternI
7	37960873	cg10876076	1.1	0.0	-1.2	65.3	1.0E-04	1.3E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	8.4E-05	1.1E-01	6.7E-01	1.0E+00	6.9E-05	9.9E-02	PatternI
12	124457669	cg09593767	1.1	0.0	-1.1	65.1	1.0E-04	1.3E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	6.7E-05	9.7E-02	6.9E-01	1.0E+00	8.9E-05	1.1E-01	PatternI
1	145438435	cg22690212	0.9	-0.2	-1.1	65.1	1.0E-04	1.3E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	8.9E-02	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
15	101178468	cg03896944	1.6	-0.8	-2.4	64.9	1.1E-04	1.3E-01	1.6	0.7	0.9	0.6	3.4E-04	2.5E-01	6.5E-03	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	
8	38854579	cg00687766	1.1	0.1	-1.1	64.9	1.1E-04	1.3E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	6.7E-05	9.7E-02	6.5E-01	1.0E+00	9.0E-05	1.1E-01	PatternI
5	36876863	cg12739682	1.2	0.0	-1.1	64.6	1.1E-04	1.3E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	7.1E-05	1.0E-01	8.0E-01	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	PatternI
11	33757569	cg15892658	1.0	-0.1	-1.1	64.6	1.1E-04	1.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	2.9E-01	1.0E+00	6.3E-05	9.5E-02	PatternI
10	13142097	cg15600211	1.3	-0.3	-1.6	64.2	1.1E-04	1.3E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	8.7E-02	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	PatternI
8	99439710	cg12638724	1.1	0.0	-1.2	64.2	1.1E-04	1.3E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	8.8E-05	1.1E-01	6.7E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
12	42632129	cg15773090	1.3	-0.1	-1.3	64.2	1.1E-04	1.3E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	9.1E-05	1.1E-01	6.0E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
6	42952166	cg06876672	1.0	0.0	-1.0	64.1	1.1E-04	1.3E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	8.6E-05	1.1E-01	7.4E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
18	47721899	cg26557404	-0.4	-1.6	-1.2	64.1	1.1E-04	1.3E-01	-1.1	0.4	0.4	0.2	5.0E-02	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	1.8E-04	1.7E-01	PatternIII
1	154971922	cg10445911	1.1	-0.1	-1.2	64.1	1.1E-04	1.3E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	9.0E-05	1.1E-01	6.3E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
2	20189711	cg13836422	1.3	0.1	-1.3	64.1	1.1E-04	1.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	6.8E-05	9.8E-02	5.9E-01	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
20	442822	cg06041985	1.1	-0.1	-1.2	64.0	1.1E-04	1.3E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.3E-01	2.5E-01	1.0E+00	6.3E-05	9.5E-02	PatternI
5	93954434	cg11339965	1.3	0.0	-1.3	64.0	1.1E-04	1.3E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	8.2E-05	1.1E-01	8.8E-01	1.0E+00	7.9E-05	1.1E-01	PatternI
4	48492196	cg07522516	1.6	0.0	-1.6	63.8	1.1E-04	1.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	8.2E-05	1.1E-01	9.0E-01	1.0E+00	8.1E-05	1.1E-01	PatternI
4	122301963	cg27129172	1.1	-0.1	-1.2	63.8	1.1E-04	1.3E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.8E-05	1.2E-01	4.9E-01	1.0E+00	6.7E-05	9.7E-02	PatternI
17	7554666	cg02705837	1.5	0.0	-1.5	63.7	1.1E-04	1.3E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	8.1E-05	1.1E-01	9.6E-01	1.0E+00	8.2E-05	1.1E-01	PatternI
11	108093451	cg18391757	1.1	-0.1	-1.2	63.7	1.1E-04	1.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	3.5E-01	1.0E+00	6.5E-05	9.7E-02	PatternI
19	4535315	cg07071609	1.2	0.0	-1.2	63.6	1.1E-04	1.3E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	8.1E-05	1.1E-01	9.5E-01	1.0E+00	8.3E-05	1.1E-01	PatternI
5	17670475	cg08472341	0.8	-0.3	-1.1	63.5	1.1E-04	1.3E-01	4.2	0.9	1.0	0.9	2.5E-04	2.0E-01	1.7E-02	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	
15	77858130	cg23337068	-1.0	-1.1	0.0	63.5	1.1E-04	1.3E-01	3.5	0.9	0.9	0.9	8.1E-05	1.1E-01	1.6E-05	8.2E-02	9.6E-01	1.0E+00	
9	38069321	cg05037166	1.1	0.2	-0.9	63.2	1.1E-04	1.3E-01	-1.5	0.2	0.4	0.2	5.6E-05	9.3E-02	1.5E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
14	24780404	cg20007021	0.9	-0.1	-1.0	63.2	1.1E-04	1.3E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.5E-05	1.1E-01	5.9E-01	1.0E+00	7.2E-05	1.0E-01	PatternI
13	102068530	cg25201811	1.3	-0.1	-1.3	63.0	1.1E-04	1.3E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	9.6E-05	1.1E-01	5.9E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
15	65689152	cg18650670	1.4	1.7	0.3	63.0	1.1E-04	1.3E-01	-1.1	0.2	0.4	0.4	1.6E-04	1.5E-01	1.4E-05	8.2E-02	9.6E-02	1.0E+00	PatternIV
4	106629853	cg10346535	0.9	-0.2	-1.1	63.0	1.1E-04	1.3E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.6E-01	7.6E-02	1.0E+00	5.8E-05	9.4E-02	PatternI
2	85361052	cg04593571	1.6	1.6	0.0	63.0	1.1E-04	1.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	8.2E-05	1.1E-01	1.6E-05	8.2E-02	9.9E-01	1.0E+00	PatternIV
17	68165497	cg22707957	1.2	-0.1	-1.3	62.9	1.1E-04	1.3E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	9.9E-05	1.2E-01	5.5E-01	1.0E+00	7.2E-05	1.0E-01	PatternI
14	57274763	cg27122213	0.9	-0.3	-1.2	62.8	1.2E-04	1.3E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	2.1E-04	1.8E-01	3.3E-02	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	PatternI
12	6420052	cg03237324	1.4	0.1	-1.3	62.8	1.2E-04	1.3E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	7.1E-05	1.0E-01	5.7E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
13	112727160	cg01477985	1.2	-0.1	-1.3	62.7	1.2E-04	1.3E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	1.2E-04	1.3E-01	2.8E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
8	21966736	cg09951048	1.2	0.1	-1.2	62.6	1.2E-04	1.3E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	7.3E-05	1.0E-01	6.4E-01	1.0E+00	9.9E-05	1.2E-01	PatternI
6	30523692	cg23168870	1.1	-0.1	-1.2	62.6	1.2E-04	1.3E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	9.6E-05	1.1E-01	6.3E-01	1.0E+00	7.6E-05	1.0E-01	PatternI

17	73452251	cg05865679	1.3	-0.1	-1.4	62.5	1.2E-04	1.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	3.9E-01	1.0E+00	6.9E-05	9.9E-02	PatternI
18	61637441	cg00050590	1.0	-0.2	-1.2	62.5	1.2E-04	1.3E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	7.6E-02	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	PatternI
20	48099323	cg11131532	1.1	-0.1	-1.1	62.4	1.2E-04	1.4E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.0E-04	1.2E-01	5.4E-01	1.0E+00	7.4E-05	1.0E-01	PatternI
12	125621409	cg25124228	1.2	0.7	-0.4	62.4	1.2E-04	1.4E-01	4.3	0.9	1.0	1.0	4.0E-05	8.8E-02	3.0E-05	8.2E-02	4.8E-03	1.0E+00	
4	88141915	cg16646539	0.8	-0.3	-1.1	62.3	1.2E-04	1.4E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.5E-04	2.0E-01	2.2E-02	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	
19	10047209	cg07742633	1.5	0.0	-1.6	62.3	1.2E-04	1.4E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	8.8E-05	1.1E-01	8.8E-01	1.0E+00	8.7E-05	1.1E-01	PatternI
11	65668074	cg19626726	1.5	0.1	-1.4	62.3	1.2E-04	1.4E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	7.2E-05	1.0E-01	5.6E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
15	56035476	cg18132228	1.3	0.2	-1.2	62.2	1.2E-04	1.4E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	6.1E-05	9.4E-02	2.1E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
7	5595804	cg23432654	1.3	0.1	-1.2	62.1	1.2E-04	1.4E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	7.0E-05	1.0E-01	4.6E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
16	57279645	cg27524972	1.4	-0.1	-1.5	62.1	1.2E-04	1.4E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.3E-01	3.6E-01	1.0E+00	7.0E-05	1.0E-01	PatternI
19	12886379	cg25818882	1.3	-0.1	-1.4	62.1	1.2E-04	1.4E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	5.1E-01	1.0E+00	7.4E-05	1.0E-01	PatternI
12	56101716	cg23965561	1.4	0.0	-1.3	62.0	1.2E-04	1.4E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	7.8E-05	1.1E-01	7.4E-01	1.0E+00	9.8E-05	1.2E-01	PatternI
17	49230756	cg25180585	1.6	1.9	0.3	61.9	1.2E-04	1.4E-01	-1.0	0.2	0.4	0.5	1.4E-04	1.4E-01	1.5E-05	8.2E-02	1.7E-01	1.0E+00	PatternIV
20	306281	cg13224729	1.0	0.0	-1.1	61.9	1.2E-04	1.4E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	9.3E-05	1.1E-01	7.9E-01	1.0E+00	8.6E-05	1.1E-01	PatternI
4	41753712	cg25950325	1.5	1.6	0.1	61.9	1.2E-04	1.4E-01	-1.6	0.1	0.3	0.3	1.1E-04	1.3E-01	1.5E-05	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	PatternIV
1	159751259	cg10021668	0.9	0.0	-1.0	61.9	1.2E-04	1.4E-01	-1.8	0.2	0.3	0.2	9.9E-05	1.2E-01	6.5E-01	1.0E+00	8.0E-05	1.1E-01	PatternI
14	74960113	cg08201755	-0.6	-1.7	-1.2	61.8	1.2E-04	1.4E-01	-2.4	0.2	0.2	0.1	1.3E-02	1.0E+00	1.3E-05	8.2E-02	2.9E-04	2.2E-01	PatternIII
5	131992018	cg05970164	1.2	0.0	-1.2	61.7	1.2E-04	1.4E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	8.9E-05	1.1E-01	9.1E-01	1.0E+00	8.9E-05	1.1E-01	PatternI
17	45771936	cg08457495	1.3	0.0	-1.3	61.6	1.2E-04	1.4E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	8.9E-05	1.1E-01	9.5E-01	1.0E+00	9.0E-05	1.1E-01	PatternI
1	70819839	cg26220061	0.9	-0.1	-1.1	61.6	1.2E-04	1.4E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.4E-01	2.1E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	PatternI
10	1102354	cg18221121	1.2	0.0	-1.2	61.3	1.2E-04	1.4E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	9.7E-05	1.1E-01	7.5E-01	1.0E+00	8.7E-05	1.1E-01	PatternI
3	32148175	cg23221915	1.2	0.0	-1.2	61.3	1.2E-04	1.4E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	8.7E-05	1.1E-01	9.5E-01	1.0E+00	9.4E-05	1.1E-01	PatternI
16	71918263	cg17823100	1.0	-0.2	-1.3	61.2	1.2E-04	1.4E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	1.1E-01	1.0E+00	6.3E-05	9.5E-02	PatternI
1	156830080	cg03055346	1.5	0.2	-1.2	61.2	1.2E-04	1.4E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	6.1E-05	9.4E-02	1.6E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
16	88914674	cg06757180	1.2	0.3	-0.9	61.2	1.2E-04	1.4E-01	3.6	0.9	1.0	0.9	4.9E-05	8.9E-02	2.4E-02	1.0E+00	2.2E-04	1.8E-01	PatternI
4	16228633	cg04764131	1.0	-0.1	-1.1	61.1	1.2E-04	1.4E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	3.8E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
20	5953349	cg02773657	0.5	-0.6	-1.1	61.1	1.2E-04	1.4E-01	3.7	0.9	0.9	0.9	2.2E-03	8.8E-01	5.6E-05	9.3E-02	4.3E-05	8.8E-02	
17	30771470	cg09460159	1.1	-0.1	-1.2	60.9	1.3E-04	1.4E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.1E-04	1.2E-01	4.8E-01	1.0E+00	7.8E-05	1.1E-01	PatternI
17	4642944	cg24751717	1.3	0.0	-1.3	60.9	1.3E-04	1.4E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	9.4E-05	1.1E-01	8.9E-01	1.0E+00	9.1E-05	1.1E-01	PatternI
19	40719835	cg22735953	1.2	0.8	-0.3	60.8	1.3E-04	1.4E-01	4.8	0.9	1.0	1.0	4.9E-05	8.9E-02	2.2E-05	8.2E-02	2.7E-02	1.0E+00	
5	156692823	cg19482537	1.2	0.0	-1.2	60.8	1.3E-04	1.4E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	9.6E-05	1.1E-01	8.4E-01	1.0E+00	9.0E-05	1.1E-01	PatternI
12	50017283	cg12020201	1.8	-0.1	-1.9	60.8	1.3E-04	1.4E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	5.1E-01	1.0E+00	8.0E-05	1.1E-01	PatternI
12	56320915	cg05173382	1.4	0.0	-1.4	60.7	1.3E-04	1.4E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	9.3E-05	1.1E-01	9.2E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
17	79367844	cg20140052	1.1	0.0	-1.1	60.6	1.3E-04	1.4E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.6E-05	1.1E-01	8.7E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
11	57283212	cg02037518	-1.1	-0.4	0.7	60.6	1.3E-04	1.4E-01	-2.3	0.2	0.1	0.2	4.3E-05	8.8E-02	3.1E-03	1.0E+00	4.8E-04	3.3E-01	
6	29895059	cg01336390	1.0	-0.1	-1.1	60.5	1.3E-04	1.4E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	5.6E-01	1.0E+00	8.4E-05	1.1E-01	PatternI
2	96782111	cg10816249	1.2	0.0	-1.2	60.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	9.2E-05	1.1E-01	1.0E+00	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
18	48556386	cg27092705	1.4	-0.1	-1.5	60.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	5.9E-01	1.0E+00	8.5E-05	1.1E-01	PatternI

6	28891728	cg27219662	1.3	0.0	-1.3	60.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	9.1E-05	1.1E-01	9.6E-01	1.0E+00	9.7E-05	1.1E-01	PatternI
2	88991205	cg02988254	1.6	0.0	-1.6	60.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	8.9E-05	1.1E-01	9.1E-01	1.0E+00	9.9E-05	1.2E-01	PatternI
12	120315015	cg24643801	1.1	-0.1	-1.3	60.4	1.3E-04	1.4E-01	-2.1	0.2	0.3	0.1	1.3E-04	1.4E-01	3.1E-01	1.0E+00	7.2E-05	1.0E-01	PatternI
14	37125292	cg01672943	1.0	-0.1	-1.1	60.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.1E-04	1.2E-01	5.5E-01	1.0E+00	8.3E-05	1.1E-01	PatternI
1	63833137	cg14800796	1.0	0.1	-0.9	60.3	1.3E-04	1.4E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	8.1E-05	1.1E-01	6.2E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI
19	3029152	cg19244855	1.6	-0.2	-1.7	60.2	1.3E-04	1.4E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.3E-04	1.4E-01	3.0E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	PatternI
20	30697524	cg05938437	1.0	0.0	-1.0	60.1	1.3E-04	1.4E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	1.0E-04	1.2E-01	8.0E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
17	3540328	cg17199681	1.0	-0.1	-1.1	60.1	1.3E-04	1.4E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	2.2E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
17	80358829	cg11252953	1.0	0.0	-1.0	60.1	1.3E-04	1.4E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	9.0E-05	1.1E-01	9.0E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
7	96643508	cg25430192	1.0	0.0	-1.0	59.9	1.3E-04	1.4E-01	-1.0	0.3	0.5	0.3	9.4E-05	1.1E-01	9.9E-01	1.0E+00	9.8E-05	1.2E-01	PatternI
7	27209270	cg05250768	1.1	0.0	-1.0	59.8	1.3E-04	1.4E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	8.6E-05	1.1E-01	7.2E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
15	72523813	cg08714754	1.2	0.1	-1.2	59.8	1.3E-04	1.4E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	8.4E-05	1.1E-01	6.8E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
10	83608473	cg19392754	1.0	-0.1	-1.1	59.8	1.3E-04	1.4E-01	-1.3	0.2	0.4	0.2	1.1E-04	1.3E-01	5.5E-01	1.0E+00	8.6E-05	1.1E-01	PatternI
14	76044828	cg14881284	1.3	-0.1	-1.4	59.7	1.3E-04	1.4E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	4.6E-01	1.0E+00	8.2E-05	1.1E-01	PatternI
15	32162823	cg21224834	0.9	-0.1	-1.0	59.6	1.3E-04	1.4E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.3E-01	5.5E-01	1.0E+00	8.7E-05	1.1E-01	PatternI
6	17706856	cg02930078	1.0	0.0	-1.0	59.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	9.3E-05	1.1E-01	9.1E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
16	29757565	cg15853475	1.0	0.0	-1.0	59.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	8.4E-01	1.0E+00	9.5E-05	1.1E-01	PatternI
19	48775228	cg22219225	1.0	0.0	-1.0	59.4	1.3E-04	1.4E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	1.1E-04	1.2E-01	6.4E-01	1.0E+00	8.9E-05	1.1E-01	
2	206950423	cg04647948	1.4	1.6	0.1	59.3	1.4E-04	1.4E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	1.3E-04	1.4E-01	1.6E-05	8.2E-02	4.0E-01	1.0E+00	PatternIV
14	94640490	cg16313891	1.3	0.0	-1.3	59.3	1.4E-04	1.4E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	8.7E-01	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
8	60032246	cg27496650	1.9	-0.2	-2.1	59.3	1.4E-04	1.4E-01	-0.8	0.3	0.6	0.3	1.3E-04	1.4E-01	3.6E-01	1.0E+00	8.0E-05	1.1E-01	PatternI
18	53447594	cg22232327	1.0	-0.1	-1.1	59.0	1.4E-04	1.5E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.3E-01	4.4E-01	1.0E+00	8.4E-05	1.1E-01	PatternI
19	45644563	cg04571944	1.5	1.3	-0.2	59.0	1.4E-04	1.5E-01	4.3	0.9	1.0	1.0	7.3E-05	1.0E-01	1.8E-05	8.2E-02	3.0E-01	1.0E+00	PatternIV
18	11751497	cg27362302	1.3	-0.1	-1.4	59.0	1.4E-04	1.5E-01	-1.7	0.2	0.4	0.2	1.2E-04	1.3E-01	5.7E-01	1.0E+00	8.9E-05	1.1E-01	PatternI
5	112257968	cg09835486	1.4	0.0	-1.4	58.9	1.4E-04	1.5E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	9.3E-05	1.1E-01	8.2E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
2	85665051	cg24504864	1.0	0.0	-1.0	58.7	1.4E-04	1.5E-01	-2.3	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	7.6E-01	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
17	80416629	cg24975666	1.1	0.0	-1.1	58.4	1.4E-04	1.5E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	9.6E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
2	107159385	cg07586193	1.1	1.2	0.0	58.4	1.4E-04	1.5E-01	-2.0	0.1	0.2	0.3	1.1E-04	1.2E-01	1.6E-05	8.2E-02	7.6E-01	1.0E+00	PatternIV
5	139423324	cg03317235	1.1	-0.1	-1.2	58.3	1.4E-04	1.5E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	5.9E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
2	204103311	cg17681313	1.6	0.0	-1.6	58.2	1.4E-04	1.5E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	9.3E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
1	68298816	cg23251970	1.4	-0.1	-1.4	58.1	1.4E-04	1.5E-01	-1.1	0.3	0.5	0.3	1.2E-04	1.3E-01	6.2E-01	1.0E+00	9.4E-05	1.1E-01	PatternI
19	11473142	cg27548644	-0.9	-1.2	-0.3	58.1	1.4E-04	1.5E-01	4.1	1.0	0.9	0.9	2.7E-04	2.1E-01	1.4E-05	8.2E-02	4.1E-02	1.0E+00	
20	33872414	cg00783946	1.2	0.1	-1.1	58.0	1.4E-04	1.5E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	8.8E-05	1.1E-01	5.6E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
15	52043967	cg14354380	1.3	-0.1	-1.3	57.9	1.4E-04	1.5E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	6.5E-01	1.0E+00	9.5E-05	1.1E-01	PatternI
4	153456716	cg25618513	1.2	-0.1	-1.3	57.8	1.5E-04	1.5E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	6.4E-01	1.0E+00	9.5E-05	1.1E-01	PatternI
21	33650974	cg19168326	1.2	0.0	-1.3	57.7	1.5E-04	1.5E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.1E-04	1.2E-01	9.3E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
1	244998489	cg07257234	1.3	0.1	-1.3	57.7	1.5E-04	1.5E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	9.3E-05	1.1E-01	6.9E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
2	114647312	cg14373499	1.1	0.0	-1.0	57.7	1.5E-04	1.5E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	8.7E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI

1	27960788	cg26040332	1.0	0.0	-1.1	57.6	1.5E-04	1.5E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.1E-04	1.3E-01	7.7E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
1	229762093	cg12048310	1.0	0.0	-1.1	57.6	1.5E-04	1.5E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	6.6E-01	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	PatternI
6	56708725	cg12152867	1.6	0.1	-1.6	57.6	1.5E-04	1.5E-01	-3.5	0.1	0.2	0.1	9.4E-05	1.1E-01	6.8E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
6	42421084	cg10260072	1.1	-0.2	-1.3	57.6	1.5E-04	1.5E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.9E-04	1.7E-01	1.2E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
12	25404321	cg09908986	1.0	0.0	-1.0	57.6	1.5E-04	1.5E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	9.7E-05	1.1E-01	7.6E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
7	104654746	cg18029778	1.4	-0.2	-1.6	57.5	1.5E-04	1.5E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	3.6E-01	1.0E+00	8.7E-05	1.1E-01	PatternI
7	105516985	cg17331461	1.2	0.0	-1.2	57.5	1.5E-04	1.5E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	9.4E-05	1.1E-01	7.0E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
11	61659090	cg17517598	1.7	1.6	-0.1	57.5	1.5E-04	1.5E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	8.6E-05	1.1E-01	1.8E-05	8.2E-02	5.0E-01	1.0E+00	PatternIV
19	56092040	cg11781339	1.1	-0.1	-1.1	57.5	1.5E-04	1.5E-01	-2.1	0.2	0.3	0.1	1.3E-04	1.4E-01	5.0E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
11	6817449	cg07224992	0.8	1.0	0.3	57.5	1.5E-04	1.5E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	3.0E-04	2.3E-01	1.5E-05	8.2E-02	3.5E-02	1.0E+00	PatternII
15	63569529	cg03624661	1.0	0.0	-0.9	57.3	1.5E-04	1.5E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	9.3E-05	1.1E-01	6.3E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
3	52090762	cg09166903	1.2	-0.1	-1.2	57.3	1.5E-04	1.5E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	6.5E-01	1.0E+00	9.7E-05	1.1E-01	PatternI
19	3985464	cg14710040	1.9	0.1	-1.8	57.3	1.5E-04	1.5E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	9.9E-05	1.2E-01	7.9E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
6	36651994	cg04806553	-0.3	-1.2	-0.9	57.2	1.5E-04	1.5E-01	4.7	1.0	1.0	0.9	6.6E-02	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	2.2E-04	1.8E-01	
11	69632655	cg04602060	1.1	0.1	-1.0	57.2	1.5E-04	1.5E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	8.8E-05	1.1E-01	4.7E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
22	26986286	cg09243400	1.1	-0.1	-1.2	57.1	1.5E-04	1.5E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	3.3E-01	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	PatternI
2	171569132	cg02227919	1.3	-0.2	-1.5	57.1	1.5E-04	1.5E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.6E-04	1.5E-01	2.8E-01	1.0E+00	8.6E-05	1.1E-01	PatternI
2	20425000	cg09050541	1.1	-0.1	-1.2	57.1	1.5E-04	1.5E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	4.5E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
1	8384484	cg14038482	-0.9	-1.0	-0.1	57.1	1.5E-04	1.5E-01	3.9	1.0	0.9	0.9	1.7E-04	1.6E-01	1.6E-05	8.2E-02	2.2E-01	1.0E+00	
11	2292691	cg07333715	1.0	-0.1	-1.0	56.9	1.5E-04	1.5E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	4.2E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
18	24129764	cg02173326	1.0	0.0	-1.0	56.9	1.5E-04	1.5E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.1E-04	1.3E-01	8.7E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
18	77155145	cg27121095	0.9	-0.2	-1.1	56.9	1.5E-04	1.5E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	9.7E-02	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	PatternI
3	156392089	cg15362595	1.1	-0.1	-1.2	56.8	1.5E-04	1.5E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	4.9E-01	1.0E+00	9.4E-05	1.1E-01	PatternI
1	205012349	cg03142956	0.1	-0.9	-1.0	56.7	1.5E-04	1.5E-01	-2.1	0.2	0.2	0.1	3.5E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	8.8E-05	1.1E-01	PatternIII
10	485205	cg18558744	0.5	-0.6	-1.1	56.5	1.5E-04	1.6E-01	4.2	0.9	1.0	0.9	2.5E-03	9.3E-01	8.4E-05	1.1E-01	5.6E-05	9.3E-02	
6	169653905	cg08470742	1.0	-0.1	-1.1	56.5	1.5E-04	1.6E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	1.6E-04	1.5E-01	2.7E-01	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	PatternI
17	1132945	cg09313665	1.1	0.2	-1.0	56.4	1.6E-04	1.6E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	7.4E-05	1.0E-01	1.4E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.7E-01	PatternI
14	100680334	cg13185188	0.8	-0.2	-1.1	56.2	1.6E-04	1.6E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.6E-04	2.1E-01	5.6E-02	1.0E+00	7.0E-05	1.0E-01	
1	119531122	cg14415885	1.1	-0.2	-1.3	56.2	1.6E-04	1.6E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	2.5E-01	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	PatternI
10	88855347	cg11648286	1.3	0.1	-1.2	55.9	1.6E-04	1.6E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	9.9E-05	1.2E-01	6.2E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
3	49761211	cg16905586	1.3	0.1	-1.1	55.9	1.6E-04	1.6E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	8.8E-05	1.1E-01	3.4E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
2	105473969	cg07644196	1.3	-0.1	-1.4	55.8	1.6E-04	1.6E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	5.6E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
13	48877473	cg08644711	1.4	1.7	0.4	55.8	1.6E-04	1.6E-01	-2.5	0.1	0.2	0.2	2.5E-04	2.0E-01	1.5E-05	8.2E-02	7.4E-02	1.0E+00	PatternII
20	9819789	cg18815779	2.0	2.0	0.0	55.7	1.6E-04	1.6E-01	-2.5	0.1	0.2	0.2	1.1E-04	1.2E-01	1.7E-05	8.2E-02	8.3E-01	1.0E+00	PatternIV
5	168728081	cg07136998	1.1	-0.2	-1.3	55.7	1.6E-04	1.6E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.8E-01	1.4E-01	1.0E+00	8.2E-05	1.1E-01	PatternI
16	27561132	cg10290107	1.1	-0.1	-1.1	55.6	1.6E-04	1.6E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.3E-04	1.4E-01	6.6E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
22	34316655	cg03779258	1.2	0.0	-1.2	55.4	1.6E-04	1.6E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	9.0E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
1	1710158	cg04407228	1.7	0.1	-1.6	55.3	1.6E-04	1.6E-01	-2.1	0.1	0.3	0.1	9.5E-05	1.1E-01	4.4E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI

2	10830636	cg11972401	1.2	-0.1	-1.3	55.3	1.6E-04	1.6E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	6.2E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
1	202114072	cg26808417	1.1	-0.1	-1.2	55.3	1.6E-04	1.6E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	5.6E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
2	233415248	cg14084144	1.2	0.0	-1.2	55.2	1.7E-04	1.6E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	8.6E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
6	32820976	cg01170201	1.0	-0.2	-1.1	55.2	1.7E-04	1.6E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.9E-04	1.7E-01	2.0E-01	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	PatternI
18	9474995	cg16647169	1.6	0.1	-1.6	55.1	1.7E-04	1.6E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	6.4E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
5	176107427	cg02460251	1.0	0.0	-1.0	54.9	1.7E-04	1.6E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	9.6E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
10	50887616	cg14526047	1.0	0.0	-1.0	54.7	1.7E-04	1.7E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.3E-04	1.4E-01	7.3E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI
16	30773975	cg00352195	1.1	-0.2	-1.3	54.5	1.7E-04	1.7E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.8E-04	1.7E-01	2.6E-01	1.0E+00	9.4E-05	1.1E-01	PatternI
6	32157454	cg13964363	1.1	1.0	0.0	54.5	1.7E-04	1.7E-01	-1.3	0.2	0.3	0.3	1.1E-04	1.2E-01	1.8E-05	8.2E-02	7.0E-01	1.0E+00	PatternIV
5	57878853	cg22023952	1.4	0.2	-1.2	54.5	1.7E-04	1.7E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	8.6E-05	1.1E-01	1.9E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
16	29874120	cg04603809	1.1	-0.1	-1.2	54.4	1.7E-04	1.7E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.5E-04	1.5E-01	4.9E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
17	1531717	cg21041608	0.9	-0.2	-1.2	54.4	1.7E-04	1.7E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.3E-04	1.9E-01	1.1E-01	1.0E+00	8.4E-05	1.1E-01	PatternI
13	79980081	cg05605149	1.1	-0.1	-1.1	54.3	1.7E-04	1.7E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.5E-04	1.5E-01	5.0E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
22	22307395	cg07644571	1.3	-0.1	-1.4	54.0	1.8E-04	1.7E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	4.5E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
1	87597566	cg04579203	1.1	-0.1	-1.1	53.9	1.8E-04	1.7E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	1.6E-04	1.5E-01	5.2E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
15	41786019	cg25933094	0.9	-0.1	-1.0	53.8	1.8E-04	1.7E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.8E-01	2.0E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
11	6411382	cg17121955	1.1	-0.1	-1.1	53.8	1.8E-04	1.7E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	1.5E-04	1.4E-01	6.4E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
6	90142888	cg18640564	1.2	0.0	-1.3	53.8	1.8E-04	1.7E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.4E-01	8.9E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
6	30313174	cg26161170	1.2	0.0	-1.2	53.8	1.8E-04	1.7E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.4E-01	8.4E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
11	45940039	cg03487637	1.1	-0.1	-1.2	53.8	1.8E-04	1.7E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.6E-01	3.2E-01	1.0E+00	9.9E-05	1.2E-01	PatternI
10	119302050	cg25987923	1.4	0.1	-1.3	53.8	1.8E-04	1.7E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.0E-04	1.2E-01	4.4E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
16	57481519	cg06080402	1.0	0.0	-1.0	53.7	1.8E-04	1.7E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	6.8E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
2	101034270	cg19283506	2.0	1.8	-0.2	53.7	1.8E-04	1.7E-01	-0.2	0.3	0.6	0.6	9.5E-05	1.1E-01	2.0E-05	8.2E-02	3.4E-01	1.0E+00	PatternIV
12	862659	cg02286376	-0.1	-1.5	-1.4	53.7	1.8E-04	1.7E-01	-2.5	0.2	0.2	0.1	5.2E-01	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	1.6E-04	1.5E-01	PatternIII
12	111872727	cg07939214	0.9	-0.2	-1.1	53.6	1.8E-04	1.7E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	2.1E-04	1.8E-01	1.8E-01	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	PatternI
4	3735986	cg03469578	0.5	1.0	0.5	53.6	1.8E-04	1.7E-01	3.5	0.9	0.9	0.9	2.8E-03	9.8E-01	1.4E-05	8.2E-02	1.5E-03	7.4E-01	PatternII
1	32479490	cg25192948	1.1	-0.1	-1.2	53.5	1.8E-04	1.7E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	5.5E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI
16	725532	cg06525293	0.9	-0.1	-0.9	53.5	1.8E-04	1.7E-01	-2.3	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	5.8E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI
16	51184379	cg04698114	1.2	-0.2	-1.4	53.4	1.8E-04	1.7E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	3.0E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	PatternI
1	23751195	cg09896346	0.9	0.0	-1.0	53.4	1.8E-04	1.7E-01	-3.2	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	7.7E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
19	1748825	cg07492258	1.0	0.0	-1.0	53.4	1.8E-04	1.7E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.3E-04	1.4E-01	9.5E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
17	48206884	cg14929100	1.0	-0.1	-1.1	53.3	1.8E-04	1.7E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.7E-04	1.6E-01	4.1E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
1	113257872	cg12687922	0.1	-1.6	-1.7	53.3	1.8E-04	1.7E-01	-1.6	0.3	0.3	0.1	5.5E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	1.1E-04	1.3E-01	PatternIII
18	26628451	cg14332866	-0.4	0.8	1.1	53.2	1.8E-04	1.7E-01	2.2	0.8	0.8	0.9	1.7E-02	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	6.7E-05	9.7E-02	PatternII
19	23299889	cg25267072	1.0	-0.1	-1.1	53.1	1.8E-04	1.7E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	1.7E-04	1.6E-01	4.4E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
4	85504048	cg24644049	1.0	-0.1	-1.1	53.1	1.8E-04	1.7E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	5.5E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI
16	28962783	cg02215815	1.5	-0.2	-1.7	53.1	1.8E-04	1.7E-01	-2.3	0.1	0.3	0.1	1.8E-04	1.6E-01	3.7E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
2	216867894	cg12495983	1.0	-0.1	-1.1	53.0	1.8E-04	1.7E-01	3.6	0.9	1.0	0.9	1.8E-04	1.6E-01	3.7E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	

7	5465465	cg11896795	1.5	0.1	-1.5	53.0	1.8E-04	1.7E-01	-1.8	0.2	0.4	0.2	1.1E-04	1.3E-01	6.1E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
10	1219405	cg24150032	1.0	0.1	-0.9	53.0	1.8E-04	1.7E-01	3.6	0.9	0.9	0.9	9.6E-05	1.1E-01	2.6E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	
1	151032068	cg07367563	1.1	0.0	-1.2	52.9	1.9E-04	1.7E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	8.3E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
2	26987492	cg01166564	1.3	-0.1	-1.4	52.9	1.9E-04	1.7E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	7.3E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.3E-01	PatternI
2	74881167	cg15270558	1.1	-0.2	-1.3	52.8	1.9E-04	1.7E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	2.3E-01	1.0E+00	9.9E-05	1.2E-01	PatternI
10	134476628	cg17496877	1.1	0.8	-0.3	52.8	1.9E-04	1.7E-01	4.5	0.9	1.0	1.0	7.4E-05	1.0E-01	2.5E-05	8.2E-02	4.0E-02	1.0E+00	
12	113903210	cg10229294	1.2	0.0	-1.2	52.8	1.9E-04	1.7E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	9.3E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
13	21714709	cg25808926	1.2	0.0	-1.2	52.7	1.9E-04	1.7E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.5E-04	1.5E-01	7.1E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.3E-01	PatternI
20	48429238	cg20786061	1.2	0.0	-1.2	52.7	1.9E-04	1.7E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	8.2E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
12	133338725	cg16618634	0.9	0.0	-0.9	52.7	1.9E-04	1.8E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.4E-01	9.8E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
8	130994109	cg00308361	1.1	1.2	0.1	52.6	1.9E-04	1.8E-01	3.2	0.8	0.9	0.9	1.9E-04	1.7E-01	1.6E-05	8.2E-02	3.6E-01	1.0E+00	PatternIV
19	1132372	cg16238993	0.9	0.0	-1.0	52.6	1.9E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	7.6E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
4	111539352	cg20291436	1.3	-0.1	-1.3	52.5	1.9E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	7.1E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
8	651449	cg22153345	-0.3	1.0	1.3	52.5	1.9E-04	1.8E-01	3.9	0.9	0.9	1.0	5.5E-02	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	8.2E-05	1.1E-01	
17	77134303	cg21130463	-1.0	-0.7	0.3	52.4	1.9E-04	1.8E-01	3.9	1.0	0.9	0.9	7.2E-05	1.0E-01	2.7E-05	8.2E-02	2.6E-02	1.0E+00	
12	117537370	cg03298726	1.3	0.0	-1.3	52.4	1.9E-04	1.8E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	1.0E+00	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
13	113834082	cg06801994	-1.2	-0.4	0.7	52.3	1.9E-04	1.8E-01	4.2	1.0	0.9	1.0	6.6E-05	9.7E-02	5.8E-03	1.0E+00	6.9E-04	4.3E-01	
10	90750381	cg14538439	1.3	0.0	-1.3	52.2	1.9E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	8.1E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
17	76210520	cg17515702	1.1	-0.1	-1.2	52.2	1.9E-04	1.8E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.6E-01	4.6E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
19	59025570	cg25458175	1.0	-0.1	-1.1	52.1	1.9E-04	1.8E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.6E-01	4.3E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI
4	48833130	cg22803211	1.4	-0.2	-1.6	52.1	1.9E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.8E-01	2.7E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
7	149535717	cg11490987	1.3	0.0	-1.3	52.1	1.9E-04	1.8E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	9.4E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.4E-01	PatternI
14	21571844	cg23576507	1.1	0.0	-1.1	52.0	1.9E-04	1.8E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	6.9E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
3	52017385	cg18509826	1.0	0.0	-1.0	52.0	1.9E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	9.9E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
5	145724482	cg24799909	1.5	0.0	-1.5	52.0	1.9E-04	1.8E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.4E-01	8.8E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
22	50913571	cg14274482	-0.6	-1.9	-1.3	52.0	1.9E-04	1.8E-01	-2.2	0.3	0.2	0.1	2.2E-02	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	4.5E-04	3.1E-01	PatternIII
1	43833945	cg18540614	1.1	0.0	-1.1	52.0	1.9E-04	1.8E-01	-3.3	0.1	0.1	0.1	1.5E-04	1.4E-01	8.9E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
4	185394988	cg03973167	1.3	0.1	-1.2	51.9	2.0E-04	1.8E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	5.0E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
17	1162810	cg23372936	1.3	-0.1	-1.4	51.8	2.0E-04	1.8E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	1.7E-04	1.6E-01	5.9E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
11	1770181	cg16328251	1.1	-0.1	-1.1	51.7	2.0E-04	1.8E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.6E-01	4.8E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
10	7708997	cg11674373	0.9	-0.1	-1.0	51.7	2.0E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.6E-01	4.8E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
7	155252701	cg09134794	1.3	1.5	0.1	51.7	2.0E-04	1.8E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	1.8E-04	1.7E-01	1.7E-05	8.2E-02	4.8E-01	1.0E+00	PatternIV
1	52831958	cg13984393	1.7	0.1	-1.6	51.7	2.0E-04	1.8E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	5.1E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
2	128433309	cg09131629	1.0	0.0	-1.0	51.6	2.0E-04	1.8E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	8.8E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
13	100258753	cg10972431	1.2	-0.1	-1.3	51.6	2.0E-04	1.8E-01	-2.1	0.2	0.3	0.2	1.6E-04	1.5E-01	7.0E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
6	29974319	cg08879910	1.5	1.6	0.0	51.5	2.0E-04	1.8E-01	-1.5	0.2	0.3	0.3	1.5E-04	1.5E-01	1.8E-05	8.2E-02	8.2E-01	1.0E+00	PatternIV
16	86588494	cg16540921	1.0	-0.1	-1.2	51.5	2.0E-04	1.8E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	2.2E-04	1.8E-01	2.6E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	PatternI
20	49308210	cg01840850	0.9	-0.1	-1.0	51.4	2.0E-04	1.8E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	2.0E-04	1.7E-01	3.6E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.3E-01	PatternI

12	54567248	cg11426224	1.2	0.0	-1.2	51.3	2.0E-04	1.8E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	1.5E-04	1.5E-01	9.0E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.4E-01	PatternI
6	30688013	cg23897356	1.3	0.1	-1.2	51.1	2.0E-04	1.8E-01	-3.9	0.0	0.1	0.0	1.3E-04	1.4E-01	7.2E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
19	3761708	cg16260977	1.3	0.1	-1.2	51.0	2.0E-04	1.8E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.2E-04	1.3E-01	4.5E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
1	92546470	cg10096873	1.3	-0.1	-1.4	50.9	2.1E-04	1.9E-01	-0.9	0.3	0.5	0.3	1.8E-04	1.6E-01	6.0E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
7	96654782	cg01448276	1.7	1.7	0.0	50.9	2.1E-04	1.9E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	1.4E-04	1.4E-01	1.9E-05	8.2E-02	8.5E-01	1.0E+00	PatternIV
5	612382	cg24904904	1.2	0.0	-1.2	50.7	2.1E-04	1.9E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	9.4E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
1	41827425	cg13784898	1.2	0.0	-1.1	50.7	2.1E-04	1.9E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	8.9E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
6	30782272	cg19579005	1.2	1.2	0.0	50.6	2.1E-04	1.9E-01	-1.2	0.2	0.4	0.4	1.4E-04	1.4E-01	1.9E-05	8.2E-02	8.1E-01	1.0E+00	PatternIV
16	30411736	cg03466485	1.3	0.0	-1.2	50.6	2.1E-04	1.9E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.4E-04	1.4E-01	8.4E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
11	67888949	cg11454606	1.5	0.0	-1.5	50.6	2.1E-04	1.9E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	8.2E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.4E-01	PatternI
11	70282745	cg04410987	-0.9	0.1	0.9	50.5	2.1E-04	1.9E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	1.9E-04	1.7E-01	5.0E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	
22	51020991	cg04705716	1.5	-0.2	-1.7	50.5	2.1E-04	1.9E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	3.5E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
2	11295383	cg09566392	1.5	0.1	-1.4	50.5	2.1E-04	1.9E-01	-2.4	0.1	0.3	0.1	1.3E-04	1.3E-01	5.3E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
1	156561431	cg14892118	-0.2	1.1	1.3	50.4	2.1E-04	1.9E-01	-1.6	0.2	0.2	0.4	1.5E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	1.0E-04	1.2E-01	PatternII
2	230724180	cg12900732	0.5	1.1	0.6	50.4	2.1E-04	1.9E-01	3.8	0.9	0.9	1.0	3.1E-03	1.0E+00	1.5E-05	8.2E-02	1.8E-03	8.1E-01	
7	157619282	cg21232767	0.8	-0.3	-1.1	50.3	2.1E-04	1.9E-01	4.4	1.0	1.0	0.9	4.7E-04	3.3E-01	2.7E-02	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	
14	60982016	cg03540606	1.4	-0.1	-1.5	50.3	2.1E-04	1.9E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	5.3E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
1	111991376	cg25847024	1.3	0.1	-1.3	50.3	2.1E-04	1.9E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.4E-01	5.8E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
7	100943468	cg09267051	1.0	0.1	-0.9	50.3	2.1E-04	1.9E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	1.3E-04	1.4E-01	6.4E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
5	118604540	cg04720635	1.3	1.6	0.3	50.2	2.1E-04	1.9E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	2.9E-04	2.3E-01	1.6E-05	8.2E-02	1.3E-01	1.0E+00	PatternII
18	43678291	cg07881863	1.0	-0.1	-1.1	50.2	2.1E-04	1.9E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.7E-01	5.9E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
11	67797913	cg14943827	0.9	-0.3	-1.1	50.2	2.1E-04	1.9E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	3.8E-04	2.7E-01	5.3E-02	1.0E+00	9.4E-05	1.1E-01	
4	62068995	cg24689019	1.0	-0.1	-1.1	50.1	2.1E-04	1.9E-01	-1.8	0.2	0.3	0.2	1.8E-04	1.6E-01	6.3E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
4	174450408	cg19178853	1.2	0.0	-1.2	50.1	2.2E-04	1.9E-01	-0.8	0.3	0.5	0.3	1.4E-04	1.4E-01	8.0E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
14	21852154	cg19983597	1.3	-0.1	-1.4	50.1	2.2E-04	1.9E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.7E-01	6.0E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
11	13690194	cg24412501	1.3	0.0	-1.2	50.0	2.2E-04	1.9E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.4E-04	1.4E-01	7.4E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
3	50273549	cg25534033	1.0	-0.1	-1.1	50.0	2.2E-04	1.9E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	2.1E-04	1.8E-01	4.0E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
16	23160906	cg03379367	1.4	-0.1	-1.5	50.0	2.2E-04	1.9E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.6E-01	6.9E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
1	18968000	cg11218625	1.0	-0.1	-1.2	50.0	2.2E-04	1.9E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	2.3E-04	1.9E-01	2.8E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	PatternI
4	139937227	cg09038155	1.1	-0.1	-1.2	49.9	2.2E-04	1.9E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.7E-01	6.3E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
20	2821472	cg02852436	1.4	-0.1	-1.5	49.9	2.2E-04	1.9E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	5.9E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
17	39992602	cg13092355	1.5	-0.2	-1.6	49.8	2.2E-04	1.9E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	2.1E-04	1.8E-01	4.0E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
11	126165567	cg07530048	0.7	1.1	0.4	49.8	2.2E-04	1.9E-01	3.1	0.8	0.9	0.9	8.7E-04	5.1E-01	1.6E-05	8.2E-02	1.0E-02	1.0E+00	PatternII
6	28762125	cg25474372	-0.1	-1.2	-1.1	49.7	2.2E-04	1.9E-01	-1.4	0.3	0.3	0.2	5.4E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	1.8E-04	1.7E-01	PatternIII
19	19051482	cg23264278	1.0	-0.1	-1.1	49.6	2.2E-04	1.9E-01	-1.3	0.2	0.4	0.2	2.1E-04	1.8E-01	4.3E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
20	41817903	cg25649000	1.1	-0.1	-1.2	49.6	2.2E-04	1.9E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	5.6E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
11	111749878	cg22381774	1.4	0.0	-1.5	49.6	2.2E-04	1.9E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	8.9E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
11	64533623	cg18479798	-0.9	-1.1	-0.2	49.5	2.2E-04	1.9E-01	3.7	1.0	0.9	0.9	2.7E-04	2.1E-01	1.6E-05	8.2E-02	2.1E-01	1.0E+00	

2	233285607	cg24996179	1.4	0.0	-1.4	49.5	2.2E-04	1.9E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.4E-01	7.7E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
14	88934340	cg05349646	-0.7	0.4	1.1	49.5	2.2E-04	1.9E-01	3.9	0.9	0.9	1.0	8.0E-04	4.8E-01	9.1E-03	1.0E+00	8.2E-05	1.1E-01	
16	70380888	cg03564166	1.0	-0.1	-1.1	49.4	2.2E-04	1.9E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	2.0E-04	1.8E-01	4.8E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
2	128615801	cg00906167	1.3	-0.1	-1.4	49.3	2.2E-04	1.9E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.8E-01	3.7E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	PatternI
11	33061158	cg12246353	1.3	0.2	-1.1	49.3	2.2E-04	1.9E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	1.2E-04	1.3E-01	2.5E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
12	50898744	cg10699967	1.1	-0.2	-1.3	49.3	2.2E-04	1.9E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.5E-04	2.0E-01	2.4E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	
13	112710823	cg11437784	0.7	-0.4	-1.1	48.9	2.3E-04	2.0E-01	-1.7	0.2	0.3	0.2	8.9E-04	5.2E-01	8.0E-03	1.0E+00	8.6E-05	1.1E-01	
22	18560646	cg16901519	1.6	-0.1	-1.7	48.9	2.3E-04	2.0E-01	-3.6	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	5.1E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
11	77908054	cg18207410	-1.6	-1.3	0.3	48.8	2.3E-04	2.0E-01	5.2	1.0	1.0	1.0	1.0E-04	1.2E-01	2.3E-05	8.2E-02	1.3E-01	1.0E+00	
12	132281827	cg01854803	-0.2	0.7	1.0	48.8	2.3E-04	2.0E-01	3.9	0.9	0.9	1.0	8.7E-02	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	1.0E-04	1.2E-01	
2	61108895	cg11349992	1.1	-0.1	-1.2	48.8	2.3E-04	2.0E-01	-2.0	0.2	0.3	0.2	2.1E-04	1.8E-01	4.7E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
18	43651686	cg22038796	1.1	0.0	-1.1	48.8	2.3E-04	2.0E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	1.8E-04	1.7E-01	7.5E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
1	47882739	cg22796507	1.0	-0.1	-1.1	48.8	2.3E-04	2.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	4.8E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
6	131642853	cg05332565	-0.8	-1.0	-0.2	48.8	2.3E-04	2.0E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	3.8E-04	2.8E-01	1.6E-05	8.2E-02	7.8E-02	1.0E+00	PatternIII
9	96792955	cg26786723	1.1	0.0	-1.1	48.7	2.3E-04	2.0E-01	-3.4	0.1	0.1	0.1	1.7E-04	1.6E-01	8.7E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
7	28997781	cg19499748	1.5	0.0	-1.5	48.7	2.3E-04	2.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	8.4E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
11	65383542	cg23430644	0.9	-0.1	-1.0	48.6	2.3E-04	2.0E-01	-2.7	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	5.3E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	PatternI
16	30825733	cg10277268	1.0	-0.1	-1.1	48.6	2.3E-04	2.0E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	2.0E-04	1.7E-01	6.4E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
12	113796432	cg25946869	1.5	1.6	0.2	48.5	2.4E-04	2.0E-01	-2.4	0.1	0.2	0.2	2.4E-04	2.0E-01	1.7E-05	8.2E-02	3.5E-01	1.0E+00	PatternIV
15	73345666	cg07898632	1.6	0.0	-1.5	48.5	2.4E-04	2.0E-01	-2.0	0.1	0.3	0.1	1.6E-04	1.5E-01	8.8E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
16	85968919	cg01132020	-0.8	-1.3	-0.5	48.4	2.4E-04	2.0E-01	3.8	1.0	0.9	0.9	9.0E-04	5.2E-01	1.6E-05	8.2E-02	1.2E-02	1.0E+00	PatternIII
19	10602587	cg00522555	1.0	0.3	-0.8	48.4	2.4E-04	2.0E-01	4.4	0.9	1.0	0.9	9.4E-05	1.1E-01	3.6E-02	1.0E+00	4.1E-04	2.9E-01	
7	2094628	cg14108894	0.5	1.3	0.8	48.4	2.4E-04	2.0E-01	4.0	0.9	0.9	1.0	7.3E-03	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	1.1E-03	5.9E-01	
12	102455902	cg11144990	1.1	-0.1	-1.1	48.4	2.4E-04	2.0E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.7E-01	6.3E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
9	132331664	cg13460467	1.1	0.0	-1.1	48.3	2.4E-04	2.0E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.7E-01	8.0E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
5	94289328	cg21977465	0.9	-0.1	-1.0	48.3	2.4E-04	2.0E-01	3.7	0.9	1.0	0.9	2.1E-04	1.8E-01	5.7E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	
7	1570155	cg01587709	1.3	0.0	-1.3	48.1	2.4E-04	2.0E-01	-1.4	0.2	0.4	0.2	1.8E-04	1.6E-01	8.8E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
15	77712490	cg05493495	1.4	0.4	-1.0	48.0	2.4E-04	2.0E-01	-2.3	0.1	0.3	0.2	9.3E-05	1.1E-01	2.8E-02	1.0E+00	4.5E-04	3.2E-01	PatternI
10	13481846	cg12390516	0.9	0.0	-0.9	47.9	2.4E-04	2.0E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	9.9E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
17	4853363	cg19506535	1.2	-0.1	-1.2	47.7	2.5E-04	2.1E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	5.8E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
15	48470205	cg03297593	1.1	-0.1	-1.1	47.6	2.5E-04	2.1E-01	-1.8	0.2	0.3	0.2	2.2E-04	1.8E-01	5.5E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
17	37213172	cg15393197	1.0	0.0	-1.0	47.4	2.5E-04	2.1E-01	-1.4	0.2	0.4	0.2	1.8E-04	1.6E-01	9.7E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
10	30722502	cg09639837	1.4	-0.1	-1.5	47.4	2.5E-04	2.1E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	6.7E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
11	124823775	cg24050671	1.3	-0.1	-1.4	47.3	2.5E-04	2.1E-01	-2.1	0.1	0.3	0.1	2.1E-04	1.8E-01	6.3E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
19	46498091	cg24836072	0.9	-0.1	-1.0	47.2	2.5E-04	2.1E-01	-1.5	0.2	0.3	0.2	2.3E-04	1.9E-01	4.7E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	PatternI
17	38296698	cg06307169	1.3	0.1	-1.1	47.2	2.5E-04	2.1E-01	-2.1	0.1	0.3	0.2	1.4E-04	1.4E-01	4.4E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
17	46680006	cg21816532	0.9	-0.1	-1.0	47.0	2.6E-04	2.1E-01	-2.3	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.9E-01	5.6E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	PatternI
1	155145882	cg06193775	1.0	-0.1	-1.0	46.7	2.6E-04	2.1E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	6.7E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI

2	192543810	cg15454486	1.4	0.0	-1.5	46.7	2.6E-04	2.2E-01	-1.9	0.2	0.3	0.2	2.0E-04	1.8E-01	7.9E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
11	65265134	cg15574972	1.2	-0.1	-1.3	46.5	2.6E-04	2.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.8E-01	6.9E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
7	105925837	cg11124980	1.4	-0.1	-1.4	46.5	2.6E-04	2.2E-01	-3.5	0.1	0.1	0.1	2.2E-04	1.8E-01	6.6E-01	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	PatternI
4	15779999	cg02183671	1.1	0.0	-1.1	46.5	2.6E-04	2.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.7E-01	9.4E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.7E-01	PatternI
2	220144208	cg22980611	-0.4	-1.8	-1.3	46.4	2.7E-04	2.2E-01	-1.6	0.3	0.3	0.1	6.5E-02	1.0E+00	1.6E-05	8.2E-02	4.2E-04	3.0E-01	PatternIII
2	240323491	cg15929228	1.2	0.0	-1.2	46.4	2.7E-04	2.2E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.8E-01	8.3E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
3	32443031	cg20168479	1.1	0.1	-1.0	46.2	2.7E-04	2.2E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	1.5E-04	1.5E-01	4.5E-01	1.0E+00	2.2E-04	1.8E-01	PatternI
7	128828599	cg21913630	1.7	0.1	-1.6	46.1	2.7E-04	2.2E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	7.0E-01	1.0E+00	2.0E-04	1.8E-01	PatternI
1	160039909	cg04975598	1.2	0.0	-1.3	46.0	2.7E-04	2.2E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	2.0E-04	1.8E-01	9.1E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
18	78005477	cg23281729	-0.2	-1.5	-1.3	45.7	2.8E-04	2.2E-01	-2.3	0.2	0.2	0.1	2.4E-01	1.0E+00	1.8E-05	8.2E-02	2.7E-04	2.1E-01	PatternIII
15	53083135	cg26158897	1.1	0.0	-1.1	45.7	2.8E-04	2.3E-01	-3.6	0.1	0.1	0.1	2.2E-04	1.8E-01	7.8E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	PatternI
19	6739680	cg18732869	-0.4	-1.9	-1.5	45.6	2.8E-04	2.3E-01	-1.5	0.4	0.3	0.1	1.3E-01	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	3.1E-04	2.3E-01	PatternIII
4	24473977	cg18161100	1.4	0.1	-1.3	45.5	2.8E-04	2.3E-01	-0.7	0.3	0.5	0.3	1.8E-04	1.6E-01	6.9E-01	1.0E+00	2.0E-04	1.8E-01	PatternI
17	3539754	cg09904774	1.0	0.0	-1.0	45.5	2.8E-04	2.3E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.8E-01	9.6E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
11	62391084	cg06558326	0.9	0.0	-0.9	45.4	2.8E-04	2.3E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	2.1E-04	1.8E-01	9.5E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
2	224821947	cg05059613	1.3	0.1	-1.2	45.3	2.8E-04	2.3E-01	-0.9	0.3	0.5	0.3	1.6E-04	1.5E-01	4.0E-01	1.0E+00	2.3E-04	1.9E-01	PatternI
8	67873799	cg14353137	1.5	0.0	-1.5	45.2	2.9E-04	2.3E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	8.5E-01	1.0E+00	2.0E-04	1.7E-01	PatternI
1	243398577	cg11822088	1.6	0.8	-0.8	45.2	2.9E-04	2.3E-01	3.8	0.9	1.0	0.9	9.3E-05	1.1E-01	7.8E-04	4.8E-01	2.6E-03	9.4E-01	PatternI
3	124303564	cg02754399	1.6	0.0	-1.6	45.1	2.9E-04	2.3E-01	-3.0	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	9.6E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
9	115819108	cg09665391	1.1	0.0	-1.0	45.1	2.9E-04	2.3E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	7.5E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
2	239335411	cg12701571	1.3	0.0	-1.3	45.0	2.9E-04	2.3E-01	-3.2	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	1.0E+00	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
13	114831404	cg16476991	0.9	0.1	-0.8	45.0	2.9E-04	2.3E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	5.7E-01	1.0E+00	2.2E-04	1.8E-01	PatternI
11	128556865	cg11161828	1.0	0.0	-1.1	45.0	2.9E-04	2.3E-01	-2.6	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.9E-01	7.9E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.7E-01	PatternI
2	27851887	cg23039201	1.0	1.1	0.1	45.0	2.9E-04	2.3E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	2.4E-04	2.0E-01	2.0E-05	8.2E-02	6.8E-01	1.0E+00	PatternIV
16	11836713	cg04913934	1.5	0.1	-1.3	44.9	2.9E-04	2.3E-01	-2.8	0.1	0.2	0.1	1.6E-04	1.5E-01	4.1E-01	1.0E+00	2.5E-04	2.0E-01	PatternI
9	133814378	cg19203369	1.2	0.0	-1.2	44.7	2.9E-04	2.3E-01	-1.1	0.3	0.5	0.3	2.0E-04	1.8E-01	9.0E-01	1.0E+00	2.0E-04	1.8E-01	PatternI
22	24114971	cg13361393	1.4	0.0	-1.3	44.6	3.0E-04	2.4E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.8E-01	8.6E-01	1.0E+00	2.0E-04	1.8E-01	PatternI
1	6845214	cg12644588	1.2	0.0	-1.2	44.5	3.0E-04	2.4E-01	-3.8	0.1	0.1	0.1	2.3E-04	1.9E-01	8.5E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
19	9546029	cg01329093	1.3	1.5	0.2	44.4	3.0E-04	2.4E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	3.8E-04	2.7E-01	1.8E-05	8.2E-02	2.0E-01	1.0E+00	PatternII
21	46414569	cg16400350	-0.8	-1.1	-0.2	44.4	3.0E-04	2.4E-01	3.4	0.9	0.9	0.9	4.7E-04	3.3E-01	1.8E-05	8.2E-02	1.0E-01	1.0E+00	PatternIII
16	3314045	cg00064051	1.4	0.3	-1.2	44.3	3.0E-04	2.4E-01	-1.6	0.2	0.4	0.2	1.4E-04	1.4E-01	1.2E-01	1.0E+00	3.3E-04	2.5E-01	PatternI
5	80256738	cg12631351	1.4	0.1	-1.3	44.3	3.0E-04	2.4E-01	-3.3	0.1	0.2	0.1	1.8E-04	1.7E-01	6.0E-01	1.0E+00	2.2E-04	1.8E-01	PatternI
6	34112818	cg04014576	1.6	0.0	-1.7	44.3	3.0E-04	2.4E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.9E-01	9.1E-01	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	PatternI
11	6624877	cg13301069	0.0	-1.7	-1.6	43.8	3.1E-04	2.4E-01	-2.7	0.2	0.2	0.1	8.8E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	2.1E-04	1.8E-01	PatternIII
6	31509762	cg00124488	1.7	0.0	-1.7	43.5	3.2E-04	2.5E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.8E-01	9.5E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
11	31818791	cg24332783	1.3	1.5	0.1	43.5	3.2E-04	2.5E-01	-0.2	0.3	0.5	0.5	2.9E-04	2.2E-01	2.0E-05	8.2E-02	5.3E-01	1.0E+00	PatternII
11	126225373	cg14123737	1.6	0.1	-1.5	43.4	3.2E-04	2.5E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.0E-04	1.7E-01	6.6E-01	1.0E+00	2.3E-04	1.9E-01	PatternI
17	76374542	cg05112574	1.1	1.7	0.7	43.3	3.2E-04	2.5E-01	-2.8	0.1	0.1	0.2	1.4E-03	7.1E-01	1.7E-05	8.2E-02	1.1E-02	1.0E+00	PatternII

1	160681615	cg08992717	1.0	1.1	0.1	42.9	3.3E-04	2.5E-01	-1.7	0.2	0.3	0.3	3.2E-04	2.4E-01	2.0E-05	8.2E-02	4.5E-01	1.0E+00	PatternII
7	148036601	cg26820118	0.9	0.1	-0.8	42.9	3.3E-04	2.5E-01	-2.1	0.2	0.2	0.2	1.7E-04	1.6E-01	3.0E-01	1.0E+00	2.8E-04	2.2E-01	PatternI
11	113346176	cg06778429	1.5	0.0	-1.5	42.8	3.3E-04	2.5E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.3E-04	1.9E-01	9.5E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
7	27128046	cg23894086	1.7	0.0	-1.7	42.8	3.3E-04	2.5E-01	-1.5	0.2	0.4	0.2	2.3E-04	1.9E-01	9.3E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
8	145825518	cg13490753	1.2	0.9	-0.3	42.5	3.4E-04	2.6E-01	4.0	0.9	1.0	0.9	1.4E-04	1.4E-01	3.0E-05	8.2E-02	8.7E-02	1.0E+00	PatternI
2	105460263	cg00001747	1.4	0.0	-1.5	42.5	3.4E-04	2.6E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.4E-04	2.0E-01	9.6E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
11	61348278	cg25994096	1.3	0.0	-1.3	42.3	3.4E-04	2.6E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	2.4E-04	1.9E-01	9.3E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	PatternI
14	101359903	cg06830724	1.3	0.1	-1.1	42.3	3.4E-04	2.6E-01	3.0	0.9	0.9	0.9	1.8E-04	1.7E-01	3.5E-01	1.0E+00	2.8E-04	2.2E-01	PatternI
2	39664969	cg01893669	0.3	0.9	0.6	42.2	3.4E-04	2.6E-01	-1.6	0.2	0.2	0.3	2.8E-02	1.0E+00	1.7E-05	8.2E-02	8.3E-04	5.0E-01	PatternII
9	115142236	cg21699537	1.4	0.1	-1.3	42.2	3.4E-04	2.6E-01	-3.4	0.1	0.2	0.1	2.2E-04	1.8E-01	7.0E-01	1.0E+00	2.4E-04	2.0E-01	PatternI
22	31741883	cg14948714	0.0	-1.4	-1.4	42.0	3.5E-04	2.6E-01	-2.2	0.2	0.2	0.1	8.5E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	2.1E-04	1.8E-01	PatternIII
3	63849764	cg25137613	1.4	0.2	-1.2	41.8	3.5E-04	2.6E-01	-2.5	0.1	0.2	0.1	1.7E-04	1.6E-01	2.1E-01	1.0E+00	3.2E-04	2.4E-01	PatternI
5	130500466	cg08523029	1.6	0.2	-1.4	41.7	3.6E-04	2.7E-01	-3.1	0.1	0.2	0.1	1.9E-04	1.7E-01	3.5E-01	1.0E+00	2.9E-04	2.2E-01	PatternI
7	148679906	cg16174274	1.1	0.1	-1.0	41.6	3.6E-04	2.7E-01	-2.4	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	5.5E-01	1.0E+00	2.7E-04	2.1E-01	PatternI
19	11531469	cg07812877	1.3	1.6	0.4	41.5	3.6E-04	2.7E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	6.2E-04	4.0E-01	1.8E-05	8.2E-02	8.4E-02	1.0E+00	PatternII
11	60928923	cg13973351	1.0	0.0	-1.0	41.4	3.6E-04	2.7E-01	-3.7	0.1	0.1	0.1	2.3E-04	1.9E-01	7.0E-01	1.0E+00	2.6E-04	2.1E-01	PatternI
12	102513805	cg06192289	1.2	1.4	0.2	41.3	3.6E-04	2.7E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	4.3E-04	3.0E-01	2.0E-05	8.2E-02	2.5E-01	1.0E+00	PatternII
9	132023756	cg14315334	1.0	1.0	0.1	41.1	3.7E-04	2.7E-01	-1.1	0.2	0.4	0.4	3.0E-04	2.3E-01	2.1E-05	8.2E-02	7.1E-01	1.0E+00	PatternII
17	77796831	cg09680719	1.2	0.9	-0.4	40.8	3.8E-04	2.8E-01	3.8	0.9	1.0	0.9	1.4E-04	1.4E-01	4.2E-05	8.8E-02	4.4E-02	1.0E+00	PatternI
12	49689463	cg14029489	1.4	1.6	0.2	40.8	3.8E-04	2.8E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	4.5E-04	3.1E-01	2.0E-05	8.2E-02	2.5E-01	1.0E+00	PatternII
12	50677498	cg21150049	1.2	1.1	-0.1	40.7	3.8E-04	2.8E-01	-2.9	0.1	0.2	0.1	2.1E-04	1.8E-01	2.4E-05	8.2E-02	5.0E-01	1.0E+00	PatternIV
12	126168486	cg00384210	1.5	0.2	-1.3	40.7	3.8E-04	2.8E-01	-2.2	0.1	0.3	0.1	1.9E-04	1.7E-01	2.6E-01	1.0E+00	3.4E-04	2.5E-01	PatternI
6	31870245	cg11046887	-0.4	-1.7	-1.3	40.5	3.9E-04	2.8E-01	-2.5	0.2	0.2	0.1	1.0E-01	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	5.3E-04	3.6E-01	PatternIII
6	111408581	cg20690128	-1.5	-2.1	-0.6	39.6	4.1E-04	2.9E-01	-0.6	0.6	0.3	0.3	8.4E-04	5.0E-01	1.9E-05	8.2E-02	5.8E-02	1.0E+00	PatternIII
7	100807505	cg11364468	-0.5	-2.0	-1.5	39.4	4.2E-04	3.0E-01	-2.1	0.3	0.2	0.1	8.6E-02	1.0E+00	1.9E-05	8.2E-02	6.2E-04	4.0E-01	PatternIII
11	122073934	cg04883609	0.9	0.9	0.0	39.3	4.2E-04	3.0E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	2.8E-04	2.2E-01	2.3E-05	8.2E-02	8.5E-01	1.0E+00	PatternII
6	168594959	cg03836994	0.9	0.2	-0.7	39.3	4.2E-04	3.0E-01	3.2	0.9	0.9	0.9	1.7E-04	1.6E-01	6.0E-02	1.0E+00	6.7E-04	4.2E-01	PatternI
1	87411867	cg10715099	0.9	0.7	-0.2	39.2	4.2E-04	3.0E-01	2.9	0.8	0.9	0.9	1.8E-04	1.6E-01	3.4E-05	8.6E-02	1.1E-01	1.0E+00	PatternIV
22	37823517	cg12942139	-0.1	-1.8	-1.8	38.3	4.5E-04	3.2E-01	-1.4	0.4	0.4	0.1	8.3E-01	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	2.8E-04	2.2E-01	PatternIII
5	14871469	cg06444178	1.2	1.9	0.7	38.3	4.5E-04	3.2E-01	-2.4	0.1	0.2	0.3	1.7E-03	7.9E-01	1.9E-05	8.2E-02	1.8E-02	1.0E+00	PatternII
17	38973067	cg09852679	1.1	0.4	-0.6	38.2	4.5E-04	3.2E-01	2.5	0.8	0.9	0.8	1.5E-04	1.5E-01	7.4E-03	1.0E+00	2.0E-03	8.4E-01	PatternI
8	1894814	cg10119564	0.4	-0.7	-1.1	38.0	4.6E-04	3.2E-01	2.7	0.9	0.9	0.8	2.3E-02	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	1.6E-04	1.5E-01	PatternIII
2	111851682	cg19048327	0.9	0.1	-0.7	37.9	4.6E-04	3.2E-01	2.4	0.8	0.9	0.8	2.3E-04	1.9E-01	2.7E-01	1.0E+00	4.3E-04	3.0E-01	PatternI
4	78074683	cg00611818	-0.9	-0.9	0.0	37.9	4.6E-04	3.2E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	3.4E-04	2.5E-01	2.3E-05	8.2E-02	9.1E-01	1.0E+00	PatternIII
6	163922286	cg00139234	-1.0	-1.0	0.1	37.8	4.6E-04	3.2E-01	2.5	0.9	0.8	0.8	2.6E-04	2.1E-01	2.6E-05	8.2E-02	5.3E-01	1.0E+00	PatternIII
10	134683495	cg22887949	0.3	1.3	1.0	37.4	4.8E-04	3.3E-01	3.8	0.9	0.9	1.0	1.5E-01	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	5.8E-04	3.8E-01	PatternII
15	65321629	cg10599479	1.6	1.5	-0.1	37.4	4.8E-04	3.3E-01	-2.2	0.1	0.2	0.2	2.9E-04	2.3E-01	2.6E-05	8.2E-02	7.0E-01	1.0E+00	PatternII
7	99534075	cg11874899	1.0	0.6	-0.4	37.3	4.8E-04	3.3E-01	2.2	0.8	0.9	0.8	1.6E-04	1.5E-01	1.8E-04	1.6E-01	1.3E-02	1.0E+00	PatternIV

16	66785861	cg00323316	1.2	1.6	0.4	36.9	5.0E-04	3.4E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	9.6E-04	5.5E-01	2.0E-05	8.2E-02	7.2E-02	1.0E+00	PatternII
20	60912101	cg06026331	0.9	0.5	-0.4	36.2	5.2E-04	3.5E-01	3.4	0.9	0.9	0.9	1.8E-04	1.6E-01	1.8E-04	1.6E-01	1.5E-02	1.0E+00	PatternI
10	75647445	cg03221819	0.0	-0.8	-0.8	36.1	5.2E-04	3.6E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	8.6E-01	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	3.1E-04	2.3E-01	PatternIII
19	19462266	cg02860168	1.4	0.7	-0.7	36.1	5.3E-04	3.6E-01	2.9	0.8	0.9	0.9	1.7E-04	1.6E-01	1.8E-03	8.0E-01	6.0E-03	1.0E+00	PatternI
7	19600886	cg10003623	-0.5	-0.9	-0.4	35.3	5.6E-04	3.7E-01	3.2	0.9	0.9	0.9	3.5E-03	1.0E+00	2.0E-05	8.2E-02	9.9E-03	1.0E+00	PatternIII
7	137483128	cg16237063	1.0	0.3	-0.8	34.8	5.8E-04	3.8E-01	1.9	0.7	0.9	0.8	2.3E-04	1.9E-01	6.5E-02	1.0E+00	9.1E-04	5.3E-01	PatternI
1	247083607	cg04565340	0.9	0.4	-0.4	34.6	5.9E-04	3.9E-01	3.2	0.9	0.9	0.9	1.9E-04	1.7E-01	3.7E-03	1.0E+00	4.8E-03	1.0E+00	PatternI
16	84995633	cg16856260	1.2	0.4	-0.8	34.0	6.2E-04	4.0E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	2.3E-04	1.9E-01	3.6E-02	1.0E+00	1.3E-03	6.7E-01	PatternI
1	12603854	cg20059492	1.0	1.1	0.1	33.7	6.3E-04	4.1E-01	3.7	0.9	0.9	0.9	5.8E-04	3.8E-01	2.4E-05	8.2E-02	5.5E-01	1.0E+00	PatternII
9	140314220	cg14095044	-0.1	-0.8	-0.7	33.7	6.3E-04	4.1E-01	2.6	0.9	0.9	0.8	3.8E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	5.5E-04	3.7E-01	PatternIII
6	30710766	cg12478978	-0.9	-0.6	0.2	33.3	6.5E-04	4.2E-01	-2.6	0.2	0.1	0.1	2.6E-04	2.1E-01	5.9E-05	9.4E-02	8.3E-02	1.0E+00	PatternIII
5	176788169	cg11302624	0.8	1.5	0.7	33.3	6.5E-04	4.2E-01	2.6	0.8	0.9	0.9	5.3E-03	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	8.0E-03	1.0E+00	PatternII
17	75495698	cg21209457	0.9	1.0	0.1	33.2	6.6E-04	4.2E-01	3.6	0.9	0.9	0.9	5.7E-04	3.8E-01	2.5E-05	8.2E-02	6.4E-01	1.0E+00	PatternII
20	44600942	cg12145550	0.7	0.7	0.1	33.1	6.6E-04	4.3E-01	-1.5	0.2	0.3	0.3	6.3E-04	4.1E-01	2.5E-05	8.2E-02	5.1E-01	1.0E+00	PatternII
6	33585071	cg12770425	1.2	0.9	-0.3	33.0	6.7E-04	4.3E-01	1.9	0.7	0.8	0.8	2.7E-04	2.2E-01	5.5E-05	9.3E-02	1.0E-01	1.0E+00	PatternII
2	162928426	cg17714581	0.9	0.5	-0.4	32.9	6.7E-04	4.3E-01	2.4	0.8	0.9	0.8	2.2E-04	1.8E-01	3.2E-03	1.0E+00	6.7E-03	1.0E+00	PatternI
10	3036102	cg15329115	1.1	1.0	0.0	31.8	7.4E-04	4.6E-01	3.1	0.8	0.9	0.9	4.9E-04	3.3E-01	3.0E-05	8.2E-02	8.6E-01	1.0E+00	PatternII
7	5834372	cg08740107	0.2	0.8	0.7	31.6	7.5E-04	4.7E-01	2.3	0.8	0.8	0.9	1.5E-01	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	9.4E-04	5.4E-01	PatternII
8	56875088	cg09068653	-0.5	-0.8	-0.3	31.4	7.6E-04	4.8E-01	3.0	0.9	0.9	0.9	3.1E-03	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	2.3E-02	1.0E+00	PatternIII
6	32122779	cg27070869	1.5	1.4	-0.2	31.3	7.7E-04	4.8E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	4.2E-04	3.0E-01	3.7E-05	8.8E-02	5.1E-01	1.0E+00	PatternII
12	498630	cg25716786	-0.4	-0.9	-0.5	31.1	7.8E-04	4.8E-01	-2.0	0.3	0.2	0.2	9.7E-03	1.0E+00	2.1E-05	8.2E-02	5.9E-03	1.0E+00	PatternIII
8	61429424	cg25118831	-0.1	-1.5	-1.4	30.7	8.1E-04	5.0E-01	-2.2	0.2	0.2	0.1	6.4E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	5.9E-04	3.9E-01	PatternIII
2	73430374	cg08430329	1.6	2.0	0.4	30.6	8.2E-04	5.0E-01	-1.9	0.1	0.3	0.3	1.1E-03	6.1E-01	2.4E-05	8.2E-02	2.0E-01	1.0E+00	PatternII
1	201845539	cg26835417	-0.7	-1.0	-0.2	30.1	8.6E-04	5.2E-01	3.4	0.9	0.9	0.9	1.5E-03	7.4E-01	2.4E-05	8.2E-02	1.1E-01	1.0E+00	PatternIII
5	176660615	cg07286681	0.8	1.3	0.5	30.1	8.6E-04	5.2E-01	3.7	0.9	0.9	0.9	3.7E-03	1.0E+00	2.2E-05	8.2E-02	2.2E-02	1.0E+00	PatternII
16	75213284	cg27394731	0.6	0.8	0.2	29.9	8.7E-04	5.2E-01	2.1	0.8	0.8	0.8	1.6E-03	7.7E-01	2.4E-05	8.2E-02	9.9E-02	1.0E+00	PatternII
1	247352073	cg23746283	0.2	0.8	0.6	29.6	8.9E-04	5.3E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	2.2E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	9.6E-04	5.5E-01	PatternII
1	24073129	cg25880573	-0.5	-0.9	-0.4	29.6	8.9E-04	5.3E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	6.1E-03	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	1.2E-02	1.0E+00	PatternIII
21	45431138	cg21887544	-1.2	-1.5	-0.3	29.4	9.1E-04	5.4E-01	3.9	1.0	0.9	0.9	1.4E-03	7.0E-01	2.5E-05	8.2E-02	1.6E-01	1.0E+00	PatternIII
6	30041081	cg01209655	-1.0	-1.0	0.0	29.3	9.2E-04	5.4E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	6.7E-04	4.3E-01	3.1E-05	8.2E-02	9.2E-01	1.0E+00	PatternIII
5	1009091	cg24133591	-0.2	-1.6	-1.4	29.1	9.3E-04	5.5E-01	-2.6	0.2	0.2	0.1	4.5E-01	1.0E+00	2.8E-05	8.2E-02	7.9E-04	4.8E-01	PatternIII
14	91592793	cg12167284	0.6	0.7	0.2	29.1	9.4E-04	5.5E-01	2.0	0.8	0.8	0.8	1.6E-03	7.7E-01	2.5E-05	8.2E-02	1.2E-01	1.0E+00	PatternII
2	176032603	cg19758054	1.4	1.7	0.3	29.1	9.4E-04	5.5E-01	-2.8	0.1	0.2	0.2	1.2E-03	6.5E-01	2.6E-05	8.2E-02	2.3E-01	1.0E+00	PatternII
11	31458270	cg03175849	0.2	0.9	0.7	28.9	9.5E-04	5.6E-01	3.1	0.9	0.9	0.9	1.5E-01	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	1.3E-03	6.7E-01	PatternII
8	1140682	cg20860124	0.8	0.6	-0.1	28.7	9.7E-04	5.6E-01	2.7	0.8	0.9	0.9	4.5E-04	3.2E-01	5.6E-05	9.3E-02	2.7E-01	1.0E+00	PatternII
10	112440394	cg21770758	0.3	0.8	0.5	28.6	9.8E-04	5.7E-01	2.6	0.8	0.9	0.9	4.8E-02	1.0E+00	2.4E-05	8.2E-02	2.4E-03	9.0E-01	PatternII
15	57181938	cg00395929	-0.2	0.6	0.8	28.5	9.9E-04	5.7E-01	1.7	0.8	0.7	0.8	1.1E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	3.0E-04	2.3E-01	PatternII
10	131637200	cg26729372	-1.1	-1.3	-0.2	28.4	1.0E-03	5.7E-01	3.8	1.0	0.9	0.9	1.1E-03	6.0E-01	2.8E-05	8.2E-02	3.5E-01	1.0E+00	PatternIII

7	4747216	cg01275887	0.9	0.9	0.0	28.3	1.0E-03	5.8E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	7.6E-04	4.7E-01	3.3E-05	8.4E-02	8.6E-01	1.0E+00	PatternII
7	5115365	cg00730085	0.4	0.8	0.3	28.3	1.0E-03	5.8E-01	2.3	0.8	0.8	0.9	5.0E-03	1.0E+00	2.3E-05	8.2E-02	2.0E-02	1.0E+00	PatternII
1	26014468	cg08948442	0.2	0.9	0.7	28.2	1.0E-03	5.8E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	2.2E-01	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	1.1E-03	6.1E-01	PatternII
20	3388460	cg09000165	1.6	1.8	0.2	27.9	1.0E-03	5.9E-01	-2.7	0.1	0.2	0.2	9.6E-04	5.5E-01	3.1E-05	8.2E-02	5.7E-01	1.0E+00	PatternII
8	95487352	cg11474778	1.3	1.6	0.3	27.9	1.0E-03	6.0E-01	-2.2	0.1	0.2	0.3	1.3E-03	6.5E-01	2.9E-05	8.2E-02	3.1E-01	1.0E+00	PatternII
10	101088811	cg20255874	-1.2	-1.8	-0.6	27.8	1.1E-03	6.0E-01	-1.5	0.4	0.2	0.2	3.3E-03	1.0E+00	2.5E-05	8.2E-02	4.1E-02	1.0E+00	PatternIII
21	46323812	cg12094974	0.7	0.8	0.0	27.7	1.1E-03	6.0E-01	3.0	0.9	0.9	0.9	8.2E-04	4.9E-01	3.5E-05	8.6E-02	8.4E-01	1.0E+00	PatternII
12	100661456	cg04924415	1.4	1.6	0.2	27.6	1.1E-03	6.1E-01	-2.2	0.1	0.2	0.2	1.1E-03	5.8E-01	3.0E-05	8.2E-02	4.8E-01	1.0E+00	PatternII
3	138479044	cg09785766	0.4	1.2	0.8	27.3	1.1E-03	6.2E-01	2.5	0.8	0.8	0.9	6.9E-02	1.0E+00	2.6E-05	8.2E-02	2.2E-03	8.8E-01	PatternII
7	44112411	cg10410146	0.0	0.7	0.8	27.0	1.1E-03	6.3E-01	2.7	0.8	0.8	0.9	8.3E-01	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	6.1E-04	4.0E-01	PatternII
22	38082335	cg18443229	-0.6	-0.9	-0.2	26.9	1.1E-03	6.4E-01	-2.5	0.2	0.1	0.1	2.1E-03	8.6E-01	2.7E-05	8.2E-02	1.2E-01	1.0E+00	PatternIII
11	122177231	cg08181212	0.1	1.0	0.9	26.8	1.2E-03	6.4E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	5.5E-01	1.0E+00	3.2E-05	8.3E-02	8.9E-04	5.2E-01	PatternII
22	29602004	cg11408359	-1.4	-1.4	0.0	26.7	1.2E-03	6.4E-01	-3.1	0.2	0.1	0.1	8.2E-04	4.9E-01	4.1E-05	8.8E-02	9.9E-01	1.0E+00	PatternIII
1	239187042	cg15508377	-0.7	-0.7	0.0	26.7	1.2E-03	6.4E-01	2.1	0.9	0.8	0.8	8.3E-04	5.0E-01	4.1E-05	8.8E-02	9.8E-01	1.0E+00	PatternIII
4	142558015	cg16770213	-0.2	-1.9	-1.7	25.9	1.3E-03	6.8E-01	-1.6	0.4	0.3	0.1	4.9E-01	1.0E+00	3.4E-05	8.6E-02	9.9E-04	5.6E-01	PatternIII
9	100395756	cg18117502	0.5	1.7	1.2	25.7	1.3E-03	6.9E-01	-2.8	0.1	0.1	0.2	1.1E-01	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	2.1E-03	8.7E-01	PatternII
8	57070217	cg22682682	-0.1	0.6	0.7	25.6	1.3E-03	6.9E-01	-1.2	0.3	0.3	0.4	4.0E-01	1.0E+00	6.9E-05	9.9E-02	5.4E-04	3.6E-01	PatternII
5	179105290	cg10832470	-0.5	-0.8	-0.3	25.4	1.3E-03	7.0E-01	0.1	0.6	0.5	0.5	4.6E-03	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	3.9E-02	1.0E+00	PatternIII
7	139001241	cg20316986	0.0	0.9	0.8	25.4	1.3E-03	7.0E-01	3.0	0.9	0.9	0.9	7.8E-01	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	8.8E-04	5.2E-01	PatternII
13	113974988	cg10997500	0.7	1.4	0.6	25.3	1.4E-03	7.1E-01	3.7	0.9	0.9	1.0	1.0E-02	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	1.4E-02	1.0E+00	PatternII
12	95942907	cg13879483	1.6	1.6	0.0	25.2	1.4E-03	7.1E-01	-1.1	0.2	0.4	0.4	9.2E-04	5.3E-01	4.7E-05	8.9E-02	9.2E-01	1.0E+00	PatternII
2	12858555	cg13921956	1.5	1.7	0.2	25.0	1.4E-03	7.2E-01	-2.5	0.1	0.2	0.2	1.4E-03	7.1E-01	3.7E-05	8.7E-02	4.7E-01	1.0E+00	PatternII
7	128550623	cg07293445	1.7	1.7	0.0	24.9	1.4E-03	7.2E-01	-1.5	0.1	0.3	0.4	1.0E-03	5.8E-01	4.5E-05	8.8E-02	8.9E-01	1.0E+00	PatternII
12	26146815	cg19647370	0.4	0.7	0.3	24.9	1.4E-03	7.2E-01	2.9	0.9	0.9	0.9	8.2E-03	1.0E+00	2.7E-05	8.2E-02	2.0E-02	1.0E+00	PatternII
18	12377377	cg16868190	1.4	1.6	0.2	24.9	1.4E-03	7.2E-01	-2.0	0.1	0.2	0.3	1.5E-03	7.2E-01	3.6E-05	8.7E-02	4.5E-01	1.0E+00	PatternII
9	128559331	cg13360540	0.0	-0.6	-0.6	24.9	1.4E-03	7.3E-01	2.9	0.9	0.9	0.8	7.5E-01	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	9.1E-04	5.3E-01	PatternIII
3	47646780	cg08206271	0.7	0.6	-0.1	24.7	1.4E-03	7.3E-01	2.7	0.8	0.9	0.9	7.1E-04	4.5E-01	8.1E-05	1.1E-01	3.9E-01	1.0E+00	PatternII
15	41963816	cg17051178	0.3	1.0	0.7	24.6	1.4E-03	7.4E-01	2.3	0.8	0.8	0.9	8.0E-02	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	2.9E-03	9.9E-01	PatternII
8	37707692	cg19904653	0.1	-0.7	-0.8	24.4	1.5E-03	7.6E-01	-1.1	0.4	0.4	0.2	4.4E-01	1.0E+00	7.9E-05	1.1E-01	6.6E-04	4.2E-01	PatternIII
4	119676722	cg20852788	-0.7	-0.7	0.0	24.2	1.5E-03	7.6E-01	2.5	0.9	0.8	0.8	9.3E-04	5.3E-01	5.6E-05	9.3E-02	7.8E-01	1.0E+00	PatternIII
17	14110542	cg15611993	0.1	1.0	0.9	24.2	1.5E-03	7.7E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	6.8E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	1.0E-03	5.7E-01	PatternII
11	77532772	cg16516888	-0.7	-0.6	0.1	24.0	1.5E-03	7.8E-01	-1.0	0.4	0.3	0.3	7.6E-04	4.7E-01	9.5E-05	1.1E-01	3.8E-01	1.0E+00	PatternIII
11	56310844	cg15435143	0.6	0.8	0.1	23.7	1.6E-03	7.9E-01	1.9	0.7	0.8	0.8	1.9E-03	8.1E-01	3.9E-05	8.8E-02	3.5E-01	1.0E+00	PatternII
21	30191751	cg21277945	0.4	0.7	0.4	23.7	1.6E-03	8.0E-01	2.9	0.9	0.9	0.9	1.5E-02	1.0E+00	2.9E-05	8.2E-02	1.2E-02	1.0E+00	PatternII
4	159957750	cg19441342	-0.5	-1.0	-0.5	23.5	1.6E-03	8.1E-01	2.4	0.9	0.8	0.8	1.4E-02	1.0E+00	3.0E-05	8.2E-02	1.4E-02	1.0E+00	PatternIII
6	33244752	cg19156220	-0.7	-0.5	0.2	23.3	1.7E-03	8.2E-01	-1.0	0.4	0.3	0.3	6.9E-04	4.4E-01	2.3E-04	1.9E-01	1.7E-01	1.0E+00	PatternIII
11	65337913	cg10105999	-0.3	-1.7	-1.5	23.3	1.7E-03	8.2E-01	-2.2	0.3	0.2	0.1	3.4E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	1.6E-03	7.7E-01	PatternIII
6	3222140	cg12529922	0.6	0.8	0.2	23.3	1.7E-03	8.2E-01	2.9	0.8	0.9	0.9	2.6E-03	9.4E-01	3.6E-05	8.6E-02	1.9E-01	1.0E+00	PatternII

1	93811744	cg16394260	-0.3	-1.5	-1.3	23.3	1.7E-03	8.2E-01	-1.1	0.4	0.4	0.2	3.2E-01	1.0E+00	4.0E-05	8.8E-02	1.7E-03	7.8E-01	PatternIII
2	233412831	cg18346402	0.3	0.8	0.5	23.2	1.7E-03	8.3E-01	0.9	0.6	0.6	0.7	5.2E-02	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	4.7E-03	1.0E+00	PatternII
17	72732946	cg23838375	0.9	0.8	-0.1	22.9	1.8E-03	8.5E-01	-1.9	0.1	0.2	0.2	9.0E-04	5.2E-01	9.9E-05	1.2E-01	4.6E-01	1.0E+00	PatternII
15	27597471	cg12250645	-0.1	-0.7	-0.6	22.8	1.8E-03	8.5E-01	2.2	0.8	0.8	0.8	4.4E-01	1.0E+00	4.4E-05	8.8E-02	1.5E-03	7.4E-01	PatternIII
10	134803718	cg03897392	0.6	1.3	0.7	22.6	1.8E-03	8.6E-01	3.7	0.9	0.9	1.0	2.5E-02	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	9.3E-03	1.0E+00	PatternII
10	33623762	cg13779055	2.1	1.8	-0.4	22.4	1.9E-03	8.8E-01	-2.6	0.1	0.2	0.2	8.8E-04	5.2E-01	1.5E-04	1.5E-01	3.4E-01	1.0E+00	PatternII
1	240031322	cg09760634	0.5	0.9	0.4	22.2	1.9E-03	8.9E-01	2.4	0.8	0.8	0.9	1.3E-02	1.0E+00	3.1E-05	8.2E-02	2.0E-02	1.0E+00	PatternII
1	236159467	cg01789743	-0.2	-0.7	-0.4	22.0	1.9E-03	9.0E-01	2.2	0.8	0.8	0.8	5.3E-02	1.0E+00	3.5E-05	8.6E-02	5.6E-03	1.0E+00	PatternIII
6	48415237	cg09215818	0.9	0.9	0.0	21.9	2.0E-03	9.1E-01	2.5	0.8	0.9	0.9	1.2E-03	6.4E-01	8.2E-05	1.1E-01	7.8E-01	1.0E+00	PatternII
9	118915867	cg08662074	0.0	1.2	1.2	21.8	2.0E-03	9.1E-01	-0.3	0.4	0.4	0.6	9.2E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	1.1E-03	5.8E-01	PatternII
6	20826763	cg10115986	0.5	0.8	0.3	21.8	2.0E-03	9.1E-01	2.7	0.8	0.9	0.9	6.0E-03	1.0E+00	3.6E-05	8.6E-02	5.8E-02	1.0E+00	PatternII
15	20768083	cg06030689	-0.5	-0.8	-0.3	21.8	2.0E-03	9.1E-01	2.2	0.9	0.8	0.8	6.6E-03	1.0E+00	3.6E-05	8.6E-02	5.0E-02	1.0E+00	PatternIII
5	102201664	cg05587118	-0.5	-1.8	-1.3	21.8	2.0E-03	9.1E-01	-2.9	0.2	0.1	0.1	1.2E-01	1.0E+00	3.9E-05	8.8E-02	3.4E-03	1.0E+00	PatternIII
1	233749643	cg20947082	1.4	1.4	0.0	21.7	2.0E-03	9.2E-01	-2.3	0.1	0.2	0.2	1.3E-03	6.7E-01	7.3E-05	1.0E-01	8.8E-01	1.0E+00	PatternII
22	41940355	cg04809988	1.2	1.6	0.3	21.6	2.0E-03	9.3E-01	-2.0	0.1	0.2	0.3	3.0E-03	1.0E+00	4.3E-05	8.8E-02	2.2E-01	1.0E+00	PatternII
3	185271385	cg04513882	0.1	-0.6	-0.7	21.5	2.1E-03	9.3E-01	2.7	0.9	0.9	0.8	2.8E-01	1.0E+00	2.3E-04	1.9E-01	7.8E-04	4.8E-01	PatternIII
3	71779135	cg01228342	0.1	0.7	0.6	21.4	2.1E-03	9.4E-01	-2.6	0.1	0.1	0.2	5.0E-01	1.0E+00	5.0E-05	8.9E-02	1.7E-03	7.9E-01	PatternII
17	80709563	cg05921834	0.0	-1.7	-1.7	21.2	2.1E-03	9.5E-01	-1.0	0.4	0.4	0.2	9.8E-01	1.0E+00	7.2E-05	1.0E-01	1.2E-03	6.5E-01	PatternIII
1	39464086	cg17784876	0.5	0.8	0.3	21.1	2.2E-03	9.6E-01	2.7	0.8	0.9	0.9	8.1E-03	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	4.3E-02	1.0E+00	PatternII
10	74952899	cg14931764	-0.4	-0.9	-0.5	20.9	2.2E-03	9.7E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	3.7E-02	1.0E+00	3.8E-05	8.8E-02	8.9E-03	1.0E+00	PatternIII
1	248710638	cg18411883	-0.1	-0.7	-0.6	20.9	2.2E-03	9.7E-01	2.0	0.8	0.8	0.8	3.6E-01	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	2.2E-03	8.7E-01	PatternIII
19	50836391	cg13861524	-0.7	-0.6	0.0	20.8	2.2E-03	9.8E-01	-1.9	0.3	0.2	0.2	1.4E-03	6.9E-01	9.7E-05	1.1E-01	7.9E-01	1.0E+00	PatternIII
7	139256352	cg04962027	-1.1	-1.1	-0.1	20.5	2.3E-03	9.9E-01	3.3	0.9	0.9	0.9	1.9E-03	8.2E-01	6.6E-05	9.7E-02	7.6E-01	1.0E+00	PatternIII
20	19679959	cg04046124	0.1	0.8	0.7	20.5	2.3E-03	9.9E-01	3.0	0.9	0.9	0.9	6.9E-01	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	1.7E-03	7.7E-01	PatternII
14	37980809	cg09025601	0.0	-0.6	-0.6	20.3	2.4E-03	1.0E+00	1.5	0.8	0.8	0.7	9.1E-01	1.0E+00	9.5E-05	1.1E-01	1.3E-03	6.7E-01	PatternIII
8	114420947	cg23773384	0.7	0.7	0.0	20.3	2.4E-03	1.0E+00	2.7	0.8	0.9	0.9	1.5E-03	7.2E-01	1.0E-04	1.2E-01	8.1E-01	1.0E+00	PatternII
17	76310516	cg16249355	0.2	-1.6	-1.8	20.3	2.4E-03	1.0E+00	-1.5	0.3	0.4	0.1	5.8E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.4E-01	1.0E-03	5.8E-01	PatternIII
2	121554926	cg23681112	-0.7	-1.0	-0.4	20.3	2.4E-03	1.0E+00	2.9	0.9	0.9	0.8	8.1E-03	1.0E+00	4.1E-05	8.8E-02	5.3E-02	1.0E+00	PatternIII
6	122720929	cg12657853	0.2	0.7	0.5	20.1	2.4E-03	1.0E+00	-2.4	0.1	0.1	0.2	1.2E-01	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	4.4E-03	1.0E+00	PatternII
17	46595118	cg05526642	-0.7	-0.9	-0.2	20.1	2.4E-03	1.0E+00	-0.5	0.5	0.4	0.4	3.8E-03	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	2.1E-01	1.0E+00	PatternIII
10	3109041	cg23782734	-0.6	-1.5	-0.9	19.9	2.5E-03	1.0E+00	-1.9	0.3	0.2	0.1	4.2E-02	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	9.6E-03	1.0E+00	PatternIII
10	101990787	cg26482199	0.9	0.8	-0.1	19.9	2.5E-03	1.0E+00	3.0	0.8	0.9	0.9	1.3E-03	6.8E-01	1.8E-04	1.6E-01	5.5E-01	1.0E+00	PatternII
12	104618451	cg20282533	-0.1	0.5	0.6	19.9	2.5E-03	1.0E+00	1.0	0.6	0.6	0.7	4.7E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	1.0E-03	5.7E-01	PatternII
4	16598089	cg09190466	-0.6	-1.1	-0.5	19.8	2.5E-03	1.0E+00	3.0	0.9	0.9	0.9	1.4E-02	1.0E+00	4.2E-05	8.8E-02	2.7E-02	1.0E+00	PatternIII
19	10562169	cg09700868	-0.7	-1.0	-0.3	19.8	2.5E-03	1.0E+00	2.9	0.9	0.9	0.8	5.0E-03	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	1.3E-01	1.0E+00	PatternIII
12	133147971	cg08082792	0.1	1.1	1.0	19.8	2.5E-03	1.0E+00	3.4	0.9	0.9	0.9	6.4E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	1.9E-03	8.1E-01	PatternII
6	152547148	cg02364518	0.5	0.8	0.3	19.5	2.6E-03	1.0E+00	3.1	0.9	0.9	0.9	7.2E-03	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	7.7E-02	1.0E+00	PatternII
10	112403448	cg03871549	0.5	0.7	0.2	19.4	2.7E-03	1.0E+00	-2.7	0.1	0.1	0.2	4.6E-03	1.0E+00	4.9E-05	8.9E-02	1.7E-01	1.0E+00	PatternII

6	167649539	cg25048100	0.1	-0.6	-0.7	19.4	2.7E-03	1.0E+00	2.4	0.9	0.9	0.8	6.7E-01	1.0E+00	1.6E-04	1.5E-01	1.3E-03	6.5E-01	PatternIII
10	60494185	cg19795556	0.2	1.1	1.0	19.4	2.7E-03	1.0E+00	3.2	0.9	0.9	0.9	4.3E-01	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	2.4E-03	9.0E-01	PatternII
20	58179996	cg11414560	-0.1	-1.5	-1.3	19.4	2.7E-03	1.0E+00	-1.8	0.3	0.3	0.1	6.6E-01	1.0E+00	7.8E-05	1.1E-01	1.9E-03	8.2E-01	PatternIII
17	32907636	cg21745612	0.5	0.6	0.1	19.3	2.7E-03	1.0E+00	0.1	0.4	0.5	0.6	3.2E-03	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	3.7E-01	1.0E+00	PatternII
3	194394313	cg23618124	0.4	0.7	0.3	19.3	2.7E-03	1.0E+00	2.6	0.8	0.9	0.9	1.2E-02	1.0E+00	4.5E-05	8.8E-02	3.8E-02	1.0E+00	PatternII
12	133464419	cg23653008	-0.8	-0.7	0.0	19.3	2.7E-03	1.0E+00	-1.1	0.4	0.3	0.3	1.7E-03	7.9E-01	1.2E-04	1.3E-01	8.8E-01	1.0E+00	PatternIII
8	52320263	cg00046623	0.1	0.6	0.5	19.3	2.7E-03	1.0E+00	1.9	0.8	0.8	0.8	5.1E-01	1.0E+00	6.7E-05	9.7E-02	2.2E-03	8.8E-01	PatternII
10	6977771	cg22999536	0.1	1.0	1.0	19.2	2.7E-03	1.0E+00	2.8	0.8	0.9	0.9	6.4E-01	1.0E+00	7.8E-05	1.1E-01	2.0E-03	8.5E-01	PatternII
17	38337188	cg12041100	0.0	1.0	1.0	19.2	2.7E-03	1.0E+00	2.2	0.8	0.8	0.9	9.9E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	1.6E-03	7.6E-01	PatternII
6	71419788	cg12290615	0.1	0.7	0.5	19.0	2.8E-03	1.0E+00	0.8	0.6	0.6	0.7	2.7E-01	1.0E+00	5.8E-05	9.4E-02	3.2E-03	1.0E+00	PatternII
3	188495102	cg17392043	-0.5	-0.7	-0.3	18.9	2.8E-03	1.0E+00	2.7	0.9	0.9	0.8	9.6E-03	1.0E+00	4.6E-05	8.9E-02	5.7E-02	1.0E+00	PatternIII
16	28632419	cg09351569	0.2	0.6	0.5	18.9	2.9E-03	1.0E+00	2.4	0.8	0.8	0.9	2.1E-01	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	3.8E-03	1.0E+00	PatternII
3	99338999	cg07866371	-0.7	-0.7	0.1	18.9	2.9E-03	1.0E+00	2.7	0.9	0.8	0.8	1.7E-03	7.7E-01	1.8E-04	1.6E-01	7.2E-01	1.0E+00	PatternIII
20	33064396	cg24253482	-0.6	-0.6	0.0	18.8	2.9E-03	1.0E+00	0.2	0.6	0.5	0.5	2.1E-03	8.6E-01	1.1E-04	1.2E-01	9.4E-01	1.0E+00	PatternIII
11	134122771	cg11332441	1.2	1.6	0.4	18.7	2.9E-03	1.0E+00	-1.7	0.1	0.3	0.3	4.8E-03	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	2.0E-01	1.0E+00	PatternII
6	159188159	cg12218099	0.3	0.7	0.5	18.7	2.9E-03	1.0E+00	1.8	0.7	0.8	0.8	7.6E-02	1.0E+00	4.8E-05	8.9E-02	7.6E-03	1.0E+00	PatternII
6	132834340	cg01043910	-0.5	-0.6	0.0	18.7	2.9E-03	1.0E+00	-2.5	0.2	0.1	0.1	2.2E-03	8.7E-01	1.1E-04	1.2E-01	9.0E-01	1.0E+00	PatternIII
2	192542487	cg26178446	-1.0	-1.5	-0.4	18.6	3.0E-03	1.0E+00	-2.2	0.3	0.2	0.1	5.9E-03	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	1.3E-01	1.0E+00	PatternIII
6	161353323	cg02647866	-0.4	-0.8	-0.3	18.5	3.0E-03	1.0E+00	2.9	0.9	0.9	0.9	1.6E-02	1.0E+00	4.7E-05	8.9E-02	3.3E-02	1.0E+00	PatternIII
16	2820366	cg09080030	0.6	0.6	0.0	18.4	3.1E-03	1.0E+00	2.6	0.8	0.9	0.9	2.1E-03	8.6E-01	1.4E-04	1.4E-01	1.0E+00	1.0E+00	PatternII
7	2243467	cg16222367	0.1	0.7	0.6	18.2	3.1E-03	1.0E+00	2.8	0.9	0.9	0.9	3.7E-01	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	3.1E-03	1.0E+00	PatternII
13	27282625	cg01312412	0.6	0.8	0.1	18.2	3.1E-03	1.0E+00	3.0	0.9	0.9	0.9	4.0E-03	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	3.3E-01	1.0E+00	PatternII
6	70841516	cg11039804	-0.5	-0.7	-0.2	18.2	3.1E-03	1.0E+00	2.6	0.9	0.9	0.8	6.9E-03	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	1.2E-01	1.0E+00	PatternIII
6	27521267	cg14913178	-1.0	-1.0	0.0	18.0	3.2E-03	1.0E+00	-0.5	0.5	0.4	0.4	2.1E-03	8.6E-01	1.8E-04	1.6E-01	8.9E-01	1.0E+00	PatternIII
20	18039663	cg22736850	1.0	1.0	0.0	17.9	3.3E-03	1.0E+00	-1.1	0.2	0.4	0.4	2.3E-03	8.9E-01	1.5E-04	1.5E-01	9.9E-01	1.0E+00	PatternII
10	64120814	cg13381235	0.5	0.8	0.2	17.9	3.3E-03	1.0E+00	0.6	0.5	0.6	0.7	7.3E-03	1.0E+00	5.7E-05	9.3E-02	1.2E-01	1.0E+00	PatternII
7	101650989	cg05005422	-0.4	-0.7	-0.4	17.8	3.3E-03	1.0E+00	2.8	0.9	0.9	0.8	2.3E-02	1.0E+00	5.1E-05	9.0E-02	2.5E-02	1.0E+00	PatternIII
15	77090039	cg18112451	0.2	0.9	0.7	17.7	3.3E-03	1.0E+00	2.7	0.8	0.9	0.9	2.2E-01	1.0E+00	6.6E-05	9.7E-02	4.6E-03	1.0E+00	PatternII
7	2908816	cg19102293	0.1	1.3	1.2	17.7	3.4E-03	1.0E+00	3.6	0.9	0.9	0.9	7.4E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	2.3E-03	8.9E-01	PatternII
5	175007306	cg11251255	-0.4	-0.6	-0.2	17.7	3.4E-03	1.0E+00	2.5	0.9	0.8	0.8	8.8E-03	1.0E+00	5.8E-05	9.4E-02	9.2E-02	1.0E+00	PatternIII
3	151160047	cg26591958	0.9	1.0	0.1	17.6	3.4E-03	1.0E+00	3.6	0.9	0.9	0.9	3.1E-03	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	6.1E-01	1.0E+00	PatternII
11	85566340	cg14728969	-0.5	-0.5	0.0	17.6	3.4E-03	1.0E+00	0.8	0.7	0.6	0.6	2.1E-03	8.7E-01	2.1E-04	1.8E-01	8.5E-01	1.0E+00	PatternIII
7	21510481	cg17777998	-0.5	-1.0	-0.4	17.6	3.4E-03	1.0E+00	3.0	0.9	0.9	0.9	2.0E-02	1.0E+00	5.3E-05	9.2E-02	3.2E-02	1.0E+00	PatternIII
4	25823590	cg01793416	-0.2	-0.7	-0.4	17.5	3.5E-03	1.0E+00	2.7	0.9	0.9	0.8	9.1E-02	1.0E+00	5.9E-05	9.4E-02	8.3E-03	1.0E+00	PatternIII
10	98610861	cg09345397	-0.4	-0.6	-0.2	17.5	3.5E-03	1.0E+00	2.5	0.9	0.8	0.8	1.0E-02	1.0E+00	5.7E-05	9.3E-02	7.5E-02	1.0E+00	PatternIII
12	96880473	cg23414180	0.8	1.0	0.2	17.4	3.5E-03	1.0E+00	3.1	0.8	0.9	0.9	5.4E-03	1.0E+00	7.2E-05	1.0E-01	2.3E-01	1.0E+00	PatternII
8	63984459	cg23906935	0.4	0.8	0.4	17.4	3.5E-03	1.0E+00	3.0	0.9	0.9	0.9	3.2E-02	1.0E+00	5.5E-05	9.3E-02	2.0E-02	1.0E+00	PatternII
7	27180888	cg08143349	0.3	1.0	0.7	17.4	3.5E-03	1.0E+00	3.4	0.9	0.9	0.9	1.8E-01	1.0E+00	6.8E-05	9.8E-02	5.4E-03	1.0E+00	PatternII

9	82186683	cg13356342	-1.1	-1.7	-0.6	17.2	3.6E-03	1.0E+00	-2.4	0.3	0.2	0.1	1.0E-02	1.0E+00	6.0E-05	9.4E-02	7.9E-02	1.0E+00	PatternIII
1	85135713	cg11053414	-0.2	-0.6	-0.4	17.2	3.6E-03	1.0E+00	0.4	0.6	0.6	0.5	1.8E-01	1.0E+00	7.1E-05	1.0E-01	5.6E-03	1.0E+00	PatternIII
11	104828083	cg27315287	0.4	0.7	0.3	17.2	3.6E-03	1.0E+00	2.9	0.9	0.9	0.9	2.1E-02	1.0E+00	5.6E-05	9.3E-02	3.2E-02	1.0E+00	PatternII
13	37680829	cg22717525	0.3	0.6	0.3	17.1	3.7E-03	1.0E+00	2.5	0.8	0.9	0.9	2.2E-02	1.0E+00	5.7E-05	9.3E-02	3.1E-02	1.0E+00	PatternII
4	15684672	cg04408998	0.7	1.0	0.4	17.0	3.7E-03	1.0E+00	2.6	0.8	0.9	0.9	1.0E-02	1.0E+00	6.2E-05	9.4E-02	8.9E-02	1.0E+00	PatternII
14	52455814	cg09669049	-0.4	-0.6	-0.2	17.0	3.7E-03	1.0E+00	-2.5	0.2	0.1	0.1	9.4E-03	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	9.9E-02	1.0E+00	PatternIII
7	150216872	cg17806882	0.5	0.6	0.1	16.9	3.8E-03	1.0E+00	1.9	0.7	0.8	0.8	3.8E-03	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	5.2E-01	1.0E+00	PatternII
10	20236233	cg18116804	0.5	0.6	0.1	16.9	3.8E-03	1.0E+00	1.8	0.7	0.8	0.8	3.9E-03	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	4.8E-01	1.0E+00	PatternII
3	52872820	cg00455242	0.1	0.5	0.5	16.8	3.8E-03	1.0E+00	1.7	0.7	0.7	0.8	5.9E-01	1.0E+00	1.3E-04	1.3E-01	3.0E-03	9.9E-01	PatternII
15	53080933	cg12421755	-0.4	-0.8	-0.5	16.8	3.8E-03	1.0E+00	-0.5	0.5	0.4	0.3	4.6E-02	1.0E+00	6.1E-05	9.4E-02	1.6E-02	1.0E+00	PatternIII
2	30006577	cg11495753	-0.6	-0.7	-0.1	16.6	4.0E-03	1.0E+00	2.1	0.9	0.8	0.8	3.9E-03	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	5.5E-01	1.0E+00	PatternIII
6	168121243	cg25930662	0.4	1.0	0.5	16.5	4.0E-03	1.0E+00	3.5	0.9	0.9	0.9	4.4E-02	1.0E+00	6.3E-05	9.5E-02	1.8E-02	1.0E+00	PatternII
7	128603393	cg09776122	0.3	0.8	0.4	16.5	4.0E-03	1.0E+00	2.4	0.8	0.8	0.9	4.9E-02	1.0E+00	6.4E-05	9.6E-02	1.6E-02	1.0E+00	PatternII
16	66461075	cg26480675	0.6	0.6	0.0	16.4	4.0E-03	1.0E+00	0.8	0.6	0.7	0.7	3.0E-03	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	8.8E-01	1.0E+00	PatternII
14	73704078	cg15079605	-0.1	-0.5	-0.5	16.3	4.1E-03	1.0E+00	0.4	0.6	0.6	0.5	5.7E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	3.3E-03	1.0E+00	PatternIII
4	57773953	cg04360458	-0.7	-1.8	-1.1	16.3	4.1E-03	1.0E+00	-1.2	0.4	0.3	0.2	8.6E-02	1.0E+00	7.3E-05	1.0E-01	1.1E-02	1.0E+00	PatternIII
10	127748305	cg27630209	-0.5	-0.5	-0.1	16.3	4.1E-03	1.0E+00	2.2	0.9	0.8	0.8	3.8E-03	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	6.0E-01	1.0E+00	PatternIII
1	35332106	cg15837382	0.1	0.6	0.6	16.1	4.2E-03	1.0E+00	-2.5	0.1	0.1	0.2	6.7E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	3.1E-03	1.0E+00	PatternII
5	55457410	cg15431103	1.4	1.8	0.4	16.1	4.3E-03	1.0E+00	-2.2	0.1	0.2	0.3	6.2E-03	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	2.6E-01	1.0E+00	PatternII
5	173384132	cg06928134	-0.3	-0.9	-0.6	16.1	4.3E-03	1.0E+00	3.4	0.9	0.9	0.9	1.2E-01	1.0E+00	8.3E-05	1.1E-01	8.9E-03	1.0E+00	PatternIII
10	134218408	cg26450254	-0.4	-1.3	-0.8	15.9	4.4E-03	1.0E+00	4.0	1.0	0.9	0.9	1.1E-01	1.0E+00	8.6E-05	1.1E-01	9.7E-03	1.0E+00	PatternIII
6	40361439	cg21531126	-0.1	-0.6	-0.5	15.9	4.4E-03	1.0E+00	2.0	0.8	0.8	0.8	3.6E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	4.6E-03	1.0E+00	PatternIII
10	112896689	cg26691305	-0.1	-0.6	-0.4	15.7	4.5E-03	1.0E+00	2.6	0.9	0.9	0.8	2.1E-01	1.0E+00	1.0E-04	1.2E-01	6.6E-03	1.0E+00	PatternIII
15	99780127	cg10850293	-0.3	-0.6	-0.3	15.6	4.6E-03	1.0E+00	2.0	0.8	0.8	0.8	4.4E-02	1.0E+00	8.0E-05	1.1E-01	2.2E-02	1.0E+00	PatternIII
7	64362326	cg24495177	-0.8	-1.2	-0.4	15.6	4.6E-03	1.0E+00	3.4	0.9	0.9	0.9	1.2E-02	1.0E+00	8.9E-05	1.1E-01	9.6E-02	1.0E+00	PatternIII
8	12808805	cg25039594	-0.3	-0.6	-0.3	15.6	4.6E-03	1.0E+00	-0.5	0.5	0.4	0.4	4.1E-02	1.0E+00	7.9E-05	1.1E-01	2.3E-02	1.0E+00	PatternIII
11	119612475	cg09194364	1.0	1.3	0.3	15.5	4.6E-03	1.0E+00	-1.2	0.2	0.3	0.4	6.8E-03	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	2.7E-01	1.0E+00	PatternII
17	76044050	cg07093496	0.1	0.8	0.7	15.5	4.7E-03	1.0E+00	3.1	0.9	0.9	0.9	3.9E-01	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	4.7E-03	1.0E+00	PatternII
3	148804535	cg13328459	-0.8	-1.8	-1.0	15.5	4.7E-03	1.0E+00	-2.7	0.2	0.1	0.1	4.9E-02	1.0E+00	8.4E-05	1.1E-01	2.0E-02	1.0E+00	PatternIII
5	110702850	cg05797914	0.3	0.6	0.3	15.5	4.7E-03	1.0E+00	0.9	0.6	0.7	0.7	2.9E-02	1.0E+00	8.3E-05	1.1E-01	3.4E-02	1.0E+00	PatternII
14	67878938	cg25172676	0.0	-0.6	-0.5	15.4	4.7E-03	1.0E+00	0.3	0.6	0.6	0.5	6.9E-01	1.0E+00	2.2E-04	1.8E-01	3.4E-03	1.0E+00	PatternIII
9	86933053	cg00772935	0.4	1.2	0.9	15.4	4.8E-03	1.0E+00	3.1	0.9	0.9	0.9	1.8E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	7.8E-03	1.0E+00	PatternII
4	174281798	cg21505251	0.2	0.6	0.4	15.3	4.8E-03	1.0E+00	2.6	0.8	0.9	0.9	9.0E-02	1.0E+00	9.3E-05	1.1E-01	1.3E-02	1.0E+00	PatternII
11	5154140	cg02929350	-0.3	-0.6	-0.3	15.3	4.8E-03	1.0E+00	2.3	0.9	0.8	0.8	3.4E-02	1.0E+00	8.8E-05	1.1E-01	3.0E-02	1.0E+00	PatternIII
7	27289552	cg09842331	0.1	0.6	0.4	15.1	5.0E-03	1.0E+00	-1.3	0.3	0.3	0.3	2.3E-01	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	7.0E-03	1.0E+00	PatternII
10	63017479	cg02852210	-0.2	-0.6	-0.4	15.0	5.1E-03	1.0E+00	2.0	0.8	0.8	0.8	1.4E-01	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	9.9E-03	1.0E+00	PatternIII
17	56833197	cg19401340	-0.9	-1.6	-0.7	14.9	5.1E-03	1.0E+00	-2.6	0.2	0.1	0.1	2.1E-02	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	5.5E-02	1.0E+00	PatternIII
9	124051703	cg13569051	-0.3	-0.5	-0.3	14.8	5.2E-03	1.0E+00	0.9	0.7	0.7	0.6	3.2E-02	1.0E+00	9.6E-05	1.1E-01	3.6E-02	1.0E+00	PatternIII

1	220312424	cg22535327	0.5	1.2	0.7	14.8	5.2E-03	1.0E+00	3.8	0.9	0.9	1.0	5.1E-02	1.0E+00	9.7E-05	1.1E-01	2.3E-02	1.0E+00	PatternII
15	66816280	cg25690905	0.8	1.0	0.2	14.7	5.3E-03	1.0E+00	3.0	0.8	0.9	0.9	7.0E-03	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	3.3E-01	1.0E+00	PatternII
18	65398512	cg22506586	-0.6	-0.8	-0.2	14.6	5.4E-03	1.0E+00	2.9	0.9	0.9	0.9	1.0E-02	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	1.8E-01	1.0E+00	PatternIII
6	15630603	cg03156064	0.4	0.5	0.1	14.6	5.4E-03	1.0E+00	2.0	0.8	0.8	0.8	6.3E-03	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	4.2E-01	1.0E+00	PatternII
9	131445676	cg03529440	0.5	1.2	0.7	14.5	5.5E-03	1.0E+00	-1.4	0.2	0.3	0.4	5.9E-02	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	2.1E-02	1.0E+00	PatternII
8	42396768	cg07588263	0.4	0.8	0.4	14.4	5.6E-03	1.0E+00	-2.7	0.1	0.1	0.2	3.7E-02	1.0E+00	1.1E-04	1.2E-01	3.4E-02	1.0E+00	PatternII
12	132973200	cg05855733	-0.3	-0.6	-0.3	14.2	5.8E-03	1.0E+00	-1.8	0.3	0.2	0.2	2.7E-02	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	5.0E-02	1.0E+00	PatternIII
1	152481862	cg27204614	0.4	0.7	0.3	14.2	5.8E-03	1.0E+00	2.7	0.8	0.9	0.9	2.2E-02	1.0E+00	1.2E-04	1.3E-01	6.7E-02	1.0E+00	PatternII
3	138760221	cg17724331	-0.3	-0.6	-0.2	14.1	5.8E-03	1.0E+00	2.2	0.8	0.8	0.8	1.8E-02	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	8.8E-02	1.0E+00	PatternIII
1	70609315	cg03215537	-0.3	-0.7	-0.3	14.0	6.0E-03	1.0E+00	2.7	0.9	0.9	0.8	3.7E-02	1.0E+00	1.3E-04	1.4E-01	3.8E-02	1.0E+00	PatternIII
12	28657738	cg20263570	0.3	0.9	0.6	13.9	6.1E-03	1.0E+00	3.4	0.9	0.9	0.9	1.3E-01	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	1.3E-02	1.0E+00	PatternII
1	2704354	cg02328713	0.3	0.6	0.3	13.9	6.1E-03	1.0E+00	2.4	0.8	0.8	0.9	6.1E-02	1.0E+00	1.4E-04	1.4E-01	2.4E-02	1.0E+00	PatternII
12	63202908	cg04739272	0.1	0.6	0.4	13.9	6.1E-03	1.0E+00	1.5	0.7	0.7	0.8	2.9E-01	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	7.7E-03	1.0E+00	PatternII
15	45725215	cg08436772	-0.5	-0.7	-0.2	13.8	6.1E-03	1.0E+00	2.9	0.9	0.9	0.9	1.2E-02	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	1.7E-01	1.0E+00	PatternIII
9	5996654	cg13930177	0.5	0.8	0.3	13.7	6.2E-03	1.0E+00	2.7	0.8	0.9	0.9	2.1E-02	1.0E+00	1.5E-04	1.5E-01	8.0E-02	1.0E+00	PatternII
8	11660209	cg22870256	0.4	0.6	0.2	13.6	6.4E-03	1.0E+00	-2.1	0.2	0.2	0.2	1.7E-02	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	1.1E-01	1.0E+00	PatternII
7	48016735	cg23633700	-0.2	-1.0	-0.8	13.6	6.4E-03	1.0E+00	3.0	0.9	0.9	0.8	3.0E-01	1.0E+00	2.4E-04	2.0E-01	8.1E-03	1.0E+00	PatternIII
6	53514587	cg01143222	0.6	1.0	0.4	13.5	6.5E-03	1.0E+00	3.6	0.9	0.9	0.9	1.7E-02	1.0E+00	1.8E-04	1.6E-01	1.1E-01	1.0E+00	PatternII
14	60637976	cg26068585	0.4	0.6	0.2	13.5	6.5E-03	1.0E+00	2.3	0.8	0.8	0.9	1.4E-02	1.0E+00	2.0E-04	1.7E-01	1.6E-01	1.0E+00	PatternII
2	127640322	cg25501666	0.4	0.7	0.3	13.5	6.6E-03	1.0E+00	1.3	0.7	0.7	0.8	2.1E-02	1.0E+00	1.7E-04	1.6E-01	8.9E-02	1.0E+00	PatternII
7	101603359	cg06216309	-0.2	-0.7	-0.4	13.4	6.7E-03	1.0E+00	2.8	0.9	0.9	0.8	1.2E-01	1.0E+00	1.8E-04	1.7E-01	1.6E-02	1.0E+00	PatternIII
7	150453731	cg06842319	0.2	0.5	0.3	13.1	7.1E-03	1.0E+00	1.9	0.8	0.8	0.8	9.5E-02	1.0E+00	2.0E-04	1.7E-01	2.0E-02	1.0E+00	PatternII
7	35301188	cg05809668	1.1	1.5	0.5	13.1	7.1E-03	1.0E+00	-1.8	0.2	0.3	0.3	1.3E-02	1.0E+00	2.4E-04	2.0E-01	1.9E-01	1.0E+00	PatternII
2	221712289	cg24475598	-0.3	-0.5	-0.3	13.0	7.1E-03	1.0E+00	2.0	0.8	0.8	0.8	4.0E-02	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	4.5E-02	1.0E+00	PatternIII
14	101408566	cg24861413	-0.4	-0.7	-0.3	13.0	7.2E-03	1.0E+00	2.7	0.9	0.9	0.8	2.9E-02	1.0E+00	1.9E-04	1.7E-01	6.6E-02	1.0E+00	PatternIII
6	13680301	cg18677330	0.3	0.9	0.6	12.7	7.5E-03	1.0E+00	3.2	0.9	0.9	0.9	1.3E-01	1.0E+00	2.4E-04	2.0E-01	1.7E-02	1.0E+00	PatternII
8	75896720	cg15953602	-1.1	-1.8	-0.8	12.7	7.5E-03	1.0E+00	-3.1	0.2	0.1	0.1	2.8E-02	1.0E+00	2.1E-04	1.8E-01	7.5E-02	1.0E+00	PatternIII
6	46713411	cg09101258	-0.2	-0.5	-0.3	12.5	7.8E-03	1.0E+00	2.1	0.8	0.8	0.8	9.3E-02	1.0E+00	2.4E-04	1.9E-01	2.3E-02	1.0E+00	PatternIII
##	#####	cg03659519	0.8	1.9	1.0	12.5	7.8E-03	1.0E+00	-2.9	0.1	0.1	0.2	7.0E-02	1.0E+00	2.3E-04	1.9E-01	3.0E-02	1.0E+00	PatternII