a *NtPRB-1b*

```
-3000  GCAATGGGTGAATCTGGCCTAGGCACATGTTGTACCTTTTGCAGAAATCCAAAATGACCAGATCCACCGGGCCCAATATAAAGGGATAAGTGTAGACACTTAAGTATCCCTCGACATGGG  -2881
-2880  TGGTAATGGATTCATCGGGGTCAGGGATTACTATGTCCTTAACGGCCCAGTTGCAGTTTTTTCGGACAGTAGGGAGGATCTCTTCGGTGATCGAGCAGATATATCTCGAGACCTCATCAC  -2761
-2760  ACCGGCCTTCTATGGAGGAAGGCTTTTCGACCTTGAAATCGACGTTGACCGAGCATCCCCCATGGATAAACATTTTCAAAGGGAGTTCGGGTACTGGTTCATAAACGGTAGCGCGCGAAA  -2641
-2640  CGGTCTCCTCGGCCTCAGTAGCCGGTCGCGAAGTTGAAGGAGTTTCTTTCTGGAGAACGGTCTTAGAAGTCTTTGCCATTTCTTTAAAAAATGGAGAAAAGTCTGAGAAAGGTGGAAAAA  -2521
-2520  GAAAGGAAGATTGAAGGATTAGACTTGTTGTCTTGAGATGAAGATGGGTAAAAATTCTTGCAAAGGGACTCGAATAACCAGGGTAAAAGTTCTAAAGAGTATTGAAATCTTAAAGGTACG  -2401
-2400  AGGGTAGAAGGTTTGGATGTAACGTTAAAATGAACAAAGGAGGGGGTATTTATAGTTCATCGACGTTTTGCATCCAGGGACGGCCGACCGGCGGCTGACATGCATTTAATGCTATTAAGA  -2281
-2280  GTTGACTGGCGAGACGTTTCAGTTGCTTTGTCGTTTTTGTCATGGTGTATCGAAATAAGAATCGGAAGCTCATGTCGATTCTCATAGTTTAATCTCCGAAAAACGAGGGGACTATCTGTA  -2161
-2160  TACGGGTGAAATCGAGCTCATGGTGCATCCTAGCCTCCGATAAGATAAGCCAGGCTCGAGATATGATAATAAGGGACCGAAATCGAGCCAAAGTCCCACCGAGCTAGAACCCGGGGGCAT  -2041
-2040  GACGCCTGCCTTCAAGAATATCGAGGTCATGATCCCAGAATCAGTCCTAGCCTCGAACGACTTCGAAGAACGTTGTCAGACAATCGAGCATAGCCAACAAAAAGCCGAAATATCCGTGAC  -1921
-1920  CAACCGAATATTACGGCTGGAATCTCGGCATGTATCGATAAGGAACCAACAATCAGCGAATCAGAAGATTTTTTACCTTTTTATAGAGTTGTACCAAAAATAGGACTCTTCTACTATATA  -1801
-1800  AAGGGGGTCTAATCATTCATTTGACATATTGTAACACGCACTCATAAGCAATACATTATTATTTTTATCCGTCTTTTAAGTTCTTGTTCTTTTTCATCCATACCGGTCTTTGTGAGTTCG  -1681
-1680  GTTCGAGAGTGACTATTTCACTTAGGCTGAAACTATCCAACTCTTGTGGTTTAAATTTATTTGGTCTTTGTTTATTCAATAGAAACTTAATTTATTGCTTTGTATCAAGTTAATCCGCGT  -1561
-1560  ATCCTTAAAACCACTTATAAATTTAATTGTTATCCGATTTTGAGGGTAAACACCTATATCTATCATTCTATTGTAATAGTTGATAGGGTTTATTATCAATAAAACCTCCTAGTTTAATTT  -1441
-1440  AGCTGTTCCTTCTTCTCTTCCAAATATTTCACTGTTCCATTGCAGCTGCATCAGATAACTAAGGAGAACAATTTGGATGGTAGGCCCAGAGAAAGATATGATCTAAGACTAGAGAGAAAT  -1321
-1320  TCACCAAGAAAATCGTACTCCTTATTAAAATTTTGTTTAAACGGTCAAAGTAGTACTTCTCGTCATCCTAAATCCTAGTACTATTTAATGGCGGCTTTTATGTTTCTGGAAAAAAGTAGT  -1201
-1200  TGCAAGGAGAAATTAATTTATGGATGCTGCGTTTAACTATAGATTGGTGTTAAACAATATCAAAACTCAAAAAGGTTAGCTTCAAACTAAATAATATTTAGACATTAATTATTATCCTGT  -1081
-1080  AATATTTAAAATTTTCATCAGAATACTTTCCAATTTGCTAATATTATTATTAATTCTAATATATATGCTTTTTTTTTTTTGAGAAATAGAGAAATATTTATTTTCTACGAAAGATGACTT  -961
-960   TCGTCTTCTTCCGCCAAAATATAGGTGAAAAATCGAAGACGTCCATAGCAGATAAAATAGAGGGCACTCCTACTTGTAGTAATTGATCACACTTAACATGAAAGAGCTATAATGTTAGTT  -841
-840   ATTCGTTCGGACGAACTCGATAATTTTTGTTTAACTTGTATTAGAAAATTTATTAAATATATATAAATATTTTAATTACAGACTCATTAACTTAAAAGAAGATATAGACTCATTAACTTA  -721
-720   AAAGAAGATATAGATTCCAACACAAGTTCAAAATTCATAAACGTCAAATCTTGGCTAAATTTCTGAACATGAATGCATTCCTTTAAAATATAGATAATAAGTTAGGATGTTGTCACTTTC  -601
-600   TTAAAGCATATTCCGACTGAGTCTGGTAGAATCTCATAAACTTTAGGCCTTATCTCTTCAATTAGGCAATTACTTACCTCCGCTCTACTTTAAGAAAATTCAATGGAGTACACCATTATT  -481
-480   AAGTTCATATAAAAATAAAATTATATTAATTCTGTCTCTTGTTGGTTCGCTCTATCTTTTTCTGTTTTCCTGCTTCAACCATAACATATACAAGAACTACATTTTCCAAGCTAGATATAT  -361
-360   CTAACATGACTGACTTTGTAAATTTCTTTTGCCAAGTTAAAGAAAAAAAATGATGTTATCCAAATAATAAAGAGAAAGAGCCCTAATGAAAAAAATGATTTACTATTAGAGTTGTTCAGC  -241
-240   TAATCACATCAATTATGGTTTTCATCAAGTATGACTAATGGCGGCTCTTATCTCACGTGATGTGACATTGAAATTCTTTGACTTTAACACTAATGTCATATGCTTTCAAATTAATAATCC  -121
-120   GATAAAGTCTGCTAACATGTGACTTTCCAATTTTTTTCTTTTACAAATTGCAGACTTTTCAACTCTTATTCCCTATTAAAACCCATCCATACTATTCCTTGTTTCTCACCAAAACCCAAA  -1
```

b *NtPR6*

```
-3000  TATACGAATCAATTTTATACCTCGTGCATGTCTGAAGTTTCCACTATTACAACTTCTGACACATTACTTTAAACTTTAAAGTTTGTCCTACTATAACTCTATTAGTTAACTTCAGACTCA  -2881
-2880  CGGGCCTTATATAAGATCAAACAATCGAAAACTTCGTACATCCTTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAAACTAATCTTCTCCTAGAGCAAAGTGCACTAC  -2761
-2760  TTAATTATTTAATACACTCATATCCTCCTCACACAATATATGATCTCATTTAATGATTAAATGATGTGATTATATTGTTCTTCATGCTATAATATGATTTGTAATTTATTTCTTTTAAAAT  -2641
-2640  GGTGGTGACTAGCATATCCTGCCGAAATTTTGATTCATTGTCAAAACTGGAAATAAAATTTGCAAGAAGCAATTAGGCCTGTTGTAATATCCAGAAGACTAATTTCAAAGCAAACAAAAG  -2521
-2520  CCAAAATTAAAGGTTATATGTTTTTTTCCAGAGGATAACTAGCTTTTTCTTAAGATATATTTATTTGCGATTTCAACACTTGATTTCTTTTTTAATCATAGTTTGAGAGCCACTAGGATC  -2401
-2400  ATGAGACTGACCTTAATTATCACCAGACTTATTTGGCTGGCCATTATAACTATCTGAATGTGAGACTAGCCATGTGTCTTTATATGAAATTTGGGTCAACTTTTTGTGCAAGAGGAAAAT  -2281
-2280  TTAGTTGATCTAAACGAACTAATACGGTTCCCTACGCTCTCACCTTTCTCTTTTCGAATCCTTCTTTTCTCTCTCACACAAATAGTGATAAGCTTAATACTCCATTTATCTTTTTGCACA  -2161
-2160  TTGTATGTTATTTTAAGTCAGTCAAACTACTCATGAAGGAACCTTAGGGATTGATACAAACCAAAAAATTATTAATAAAGGTTACAGCCATGTTACTAATTTCATGATGTAATTACGAAC  -2041
-2040  CTTTCTTACAAAATTATATTTATGATAGATAGGAAATCAATCAGGTTAATAACCTATCTTATGCAGCTTAATTATTAGATTCTAAGAATTTTTGTCCAATGAAACTTAAGTAGTCCTTCA  -1921
-1920  TATTTCCATCATTCTTGATTACATCTTTTATATGATCATATATAGATCTCTTTATGATCAAAAGGCTCTATTTGTTAGCCTGCATCCATTTTTCATATTTAGCTTTTTCTTCGAGAGTGC  -1801
-1800  TACCAGTAAAAGTTTCAATAATATTCAATTGAGTAATCATGTTGTTAACACTTATAGGCAAATCATACAAAGCTTAGAGTAAAATCGTTCCTAAGCATTAATATATAAATCAGAAGAGTC  -1681
-1680  AAAAAAAAATCTATTGCACTGCTTTTTTGGGTAGAAAATACAATTCTCTCCCTAGTAATGAAGTCCTTTGTGATAGAGACATAAAACCTACTCTTACTACAAATTGTCCTTCTAATTTTA  -1561
-1560  TATATGTGAGAATTCAAGATTAAATTTCCTCCATTGGGTGGAGAACATAATATATCTTCTTATTAATTAATTTAACGTCACTAGTAGCAAAGCTGAATTTTCTTTAAATAGATAAACCCC  -1441
-1440  AAATACTAGCGTACACTTATCAAGGATAGTGGACATGGTAAATTGAGAAGATTTCATTGATCTAAATTTGAACTTTTTTTTTTGAAAGACTGTTCAAGAGGTAAAATTTCAATCACGGAC  -1321
-1320  TCCAGATATTTTTTCCAGATTTTTAGATTCGAAATTGACAAACGCAATTGGGTTCCAATTTTACTTCACTTTTTTAAAAATGCACAGATTTTTTATTTGTTTATGCTGAGACTAACTGGT  -1201
-1200  TTGAATCACAACGAAAACCTCTTTGATTGTGCCATCTCTTAACATCATCTGTTTTGATGGATGGTTTAGTTTAAGCCTCTGGGAAGTATAAAAACCATAAGCCAGTTACAAAACAAAAAT  -1081
-1080  TTTGCCAGTTACAAAACAAAAACTTCAGCTCTAGAGCTGATGTTCGCCAGTTACAAAACAAAAACTTCAGCTCTAGAGCTGAAGTTCGCCATTTACAGCTGAAGTTCGCCAGTTACAAAA  -961
-960   ACAAAAACTTCAGTCCCGTCTATTAGAATGCTGAAATTTTGCGTGATTGCATTTGCTACTTCAGCCCCGTATGCTGAAGTTACGGGTATAGATGCAAATGCCCCCTTGATAAATAGTTATA  -841
-840   AAAGTACCAAGCAGAAGTTTTAAGGTTGACATGCAGACATCAAAGCAAATTTTGTTGAAAAGAAAATGATCTACAACCAAACCGAAAGGTCAAACTTAGACAGCCTATATACAAATATTT  -721
-720   GATTAGAAACTAATACTGTAGGCGTAAACGTAATAATCAAATTTCAAGTCAAAGTGTTAACATTAAATAATGAAGAACATGCCAAACTTACAGAGTTTAGATAAGAGAAAGAAACACCAC  -601
-600   ACTGCCTTCCGCCGCCGTCGGCTCTTAGCGGCCAAACTTATGTCATTTATTAATTTATTTTTATTTTGAATTTAAGTCCCACTTGTACACTTCTAATTCACAAGTAACTCAACTGATGGA  -481
-480   CCTAGGGAAAGGGACGGTGTGACTAGTTAAACTATATTGGTTGTACGTGTAAGAAAATTCCATATATATATATATATATATATATATATATATTGCTATTGTAGATTTTCTTGTATCTACAA  -361
-360   TCAATATAGTCTAACCTATTATAACATATAAATATCATTTTTATCAGATTATTAATTAGGGTTCATTATAAAAATTTACCTATAAGTACCTTATGGCTGCAAGAAACCTTGGGAAGAGTT  -241
-240   AAACTTTATAATAAAGAAGCAACCATGTACCTCGCCAAACTTACACTAAGAAAATAATAGATCTATCAATTGAGGAGGCTATACATTAATCATAAACAAAAAGGTTTTAATTAGTCAATA  -121
-120   ATGAATTGATCGGACTATCTTCTTGTTCTAATTGATCACTCGTTTGCTATAAATAGATGGAGAAGGATAGACCCTCCTTACCCAAAAAAGAAAACAAAGTAACTCACGAGAAAGCGTATA  -1
```

Supplementary Fig. S3. Promoter analysis of *NtPRB-1b* and *NtPR6* genes

The genomic sequences of *NtPRB-1b* (a) and *NtPR6* (b) genes which locate within 3 kbp upstream from the start codon were obtained from the database ("Nitab v4.5 Genome Chromosomes Edwards2017" BLAST dataset) in the Sol Genomics Network (https://solgenomics.net/). Sequence ID and nucleotide position were Nt19 and 103143291-103140292 for *NtPRB-1b* and Nt17 and 10972522-10969523 for *NtPR6*, respectively. The sequences were analyzed using the New PLACE database, a database of plant cis-acting regulatory DNA elements (https://www.dna.affrc.go.jp/PLACE/?action=newplace) (Higo et al. 1999). The GCC-boxes are shown underlined.

Reference: Higo, K., Ugawa, Y., Iwamoto, M. and Korenaga, T. (1999) "Plant cis-acting regulatory DNA elements (PLACE) database: 1999" Nucleic Acids Res, 27:297-300.