

报告编号: 201800814

蛋白质高分辨分子量

此件为复印件内容与原件一致

上海中科新生命生物科技有限公司

检验检测专用章

2018-02-06

声 明

- 1、本分析报告无本公司检验检测专用章和技术负责人签字无效。
- 2、本分析报告仅对本次所检样品负责，检测结果仅反映对所检样品的评价，对于检测结果的使用、使用所产生的直接或间接损失及一切法律后果，本公司不承担任何经济和法律責任。
- 3、委托单位对测试结果如有异议并在检测前有留样者，请于分析报告完成之日十五日内向本公司书面提出复检申请，同时附上分析报告原件与并预付复检费。委托单位办理完毕以上手续后，本公司会尽快安排复检。如果复检结果与异议内容相符，本公司将退还委托单位的检测费和复检费，否则委托单位的复检费应照常交纳。不可重复性试验、不能进行复检的，不进行复检，委托单位放弃异议权利。
- 4、委托单位对样品的代表性和资料的真实性负责，本公司不承担任何相关责任。
- 5、本公司有权在分析报告发出两周后按客户委托样品处理方式处理剩余样品。
- 6、未经本公司允许，不得全部或部分复制本分析报告，私自转让、盗用、冒用、涂改或以其他任何形式篡改的均属无效，本公司将对上述行为严究其相应的法律责任。本分析报告仅用于数据参考，不具有对社会的证明作用。
- 7、除非相关政府部门、法律或法院要求，否则未经本公司书面同意，本公司无须并无义务到法院对相关结果作证。若测试结果被不当使用，本公司将保留撤回测试结果的权利，并有权要求其他适当额外赔偿。
- 8、如需要在法院审理程序或仲裁过程中使用测试结果，客户必须在向本公司提交测试样品前告知该意图，如果没有告知本公司，出现任何损失、纠纷等等，本公司概不负责，并有权要求其他适当额外赔偿。
- 9、本公司可以将全部或部分服务委派给代理人或分包方，客户授权给本公司，使本公司有权向代理人或分包方透露相关客户信息，以便更好的完成服务。
- 10、由于客户自身的错误、疏忽或违约造成服务无法完成或其它损失，本公司将不承担任何责任，并有权要求适当额外赔偿。
- 11、本公司保证检测的客观公正性，对委托单位的商业信息、技术文件、分析报告等商业秘密履行保密义务。

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: 201800814

sfe的蛋白质高分辨分子量

供试品名称: sfe

供试品批号: --

委托单位: 华侨大学

检测人员: 王广云

核验人员: 王广云

技术服务部负责人: 阮宏强

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: 201800814

目 录

1. 供试品信息（客户提供）	3
2. 实验目的	3
3. 实验仪器	3
4. 材料和试剂	3
5. 实验方法	4
6. 实验结果和分析	5
7. 结论	7

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: 201800814

1. 供试品信息(客户提供)

供试品名称:sfe

供试品批号:--

供试品状态:液体

理论相对分子质量:--

供试品纯度:--

2. 实验目的

随着现代医药工业的发展,出现了大量的蛋白质和多肽类药物分子。因此,对这些蛋白质多肽类药物分子的相对分子质量的分析成为医药工业质量控制的重要环节。本实验的目的是通过高分辨的XevoG2-XS QToF (Waters公司)质谱对供试品的相对分子质量进行分析。

3. 实验仪器

- 1) 高分辨质谱仪: XevoG2-XS QToF (Waters公司)
- 2) 超高效液相色谱:UPLC(Acquity UPLC I-Class) (Waters公司)

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: 201800814

4.材料和试剂

- 1) FA (06450,Fluka)
- 2) 乙腈(34851, Sigma)
- 3) C4柱(ACQUITY UPLC BEH300 C4 1.7um 2.1*50mm)
- 4) TCEP(646547, Sigma)
- 5) DTT (161-0611,Bio-Rad)
- 6) PNGase F (P0705,New England Biolabs)

5.实验方法

- 1) 样品处理:常规的蛋白或多肽LC-MS上机前需要酸化处理,有些样品按要求也要进行切N糖,或还原处理。切N糖:取部分供试品用PNGase F切糖12小时。还原:取部分供试品用10mM DTT或TCEP还原1小时。酸化:取部分供试品用1%FA水稀释并酸化。本实验所用方法为:酸化
- 2) 上机分析:供试品采用超高效液相色谱系统进行分离。液相A液为0.1%FA水溶液,B液为0.1%FA乙腈溶液。色谱柱以A液平衡。供试品由自动进样器上样,再经色谱柱梯度分离,流速为0.3ml/min,检测波长280nm,柱温80°C。质谱条件:供试品用XevoG2-XS QToF质谱仪进行质谱分析。分析时长:15min,检测方式:正离子,母离子扫描范围:500-4000m/z。

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: 201800814

3) 数据分析:原始数据由UNIFI(1.8.2,Waters)软件处理,参数设置如下表:

MaxEnt1 Processing

Peak width model:	TOF
TOF Resolution:	10000
Input m/z range:	800-1800
Output Resolution:	0.25 Daltons
Output range:	20000-40000
Iterations:	15

6.实验结果和分析

实验结果:测试供试品sfe的相关图谱如下。

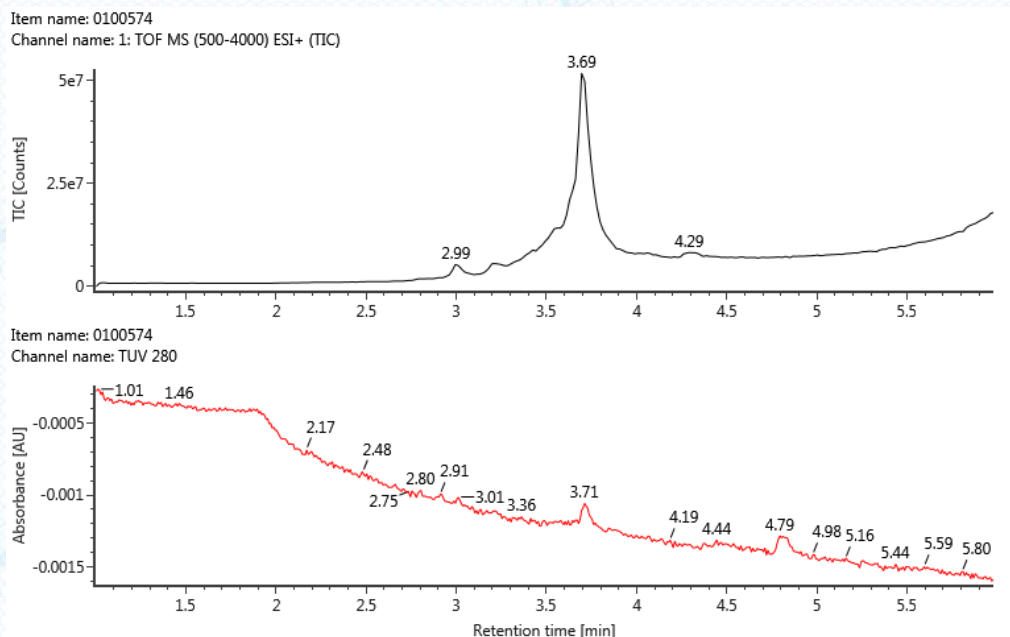


图1供试品的TIC和UV图

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: 201800814

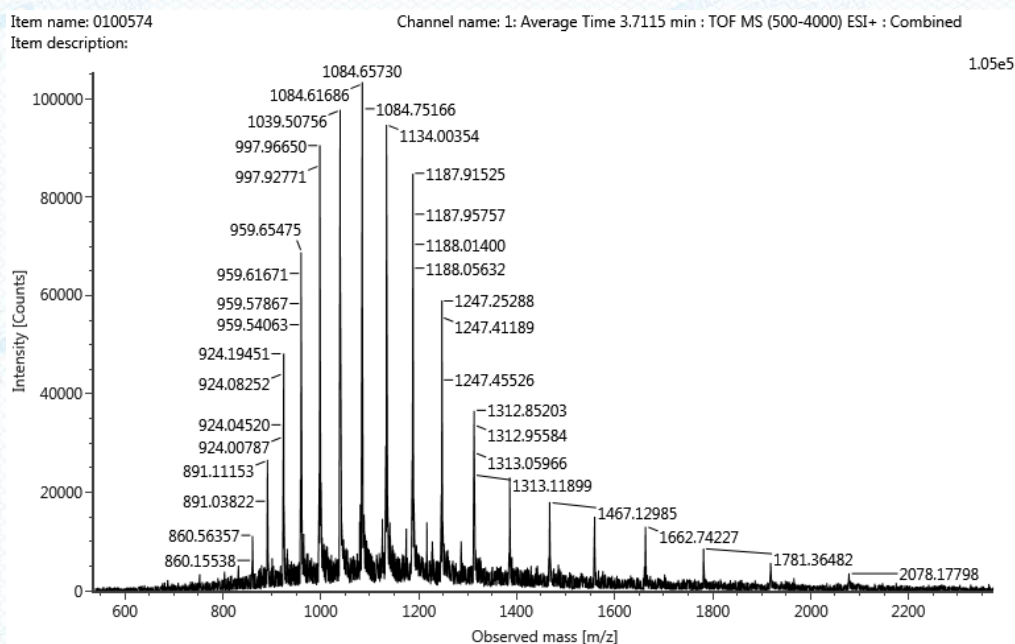


图2供试品的质谱图

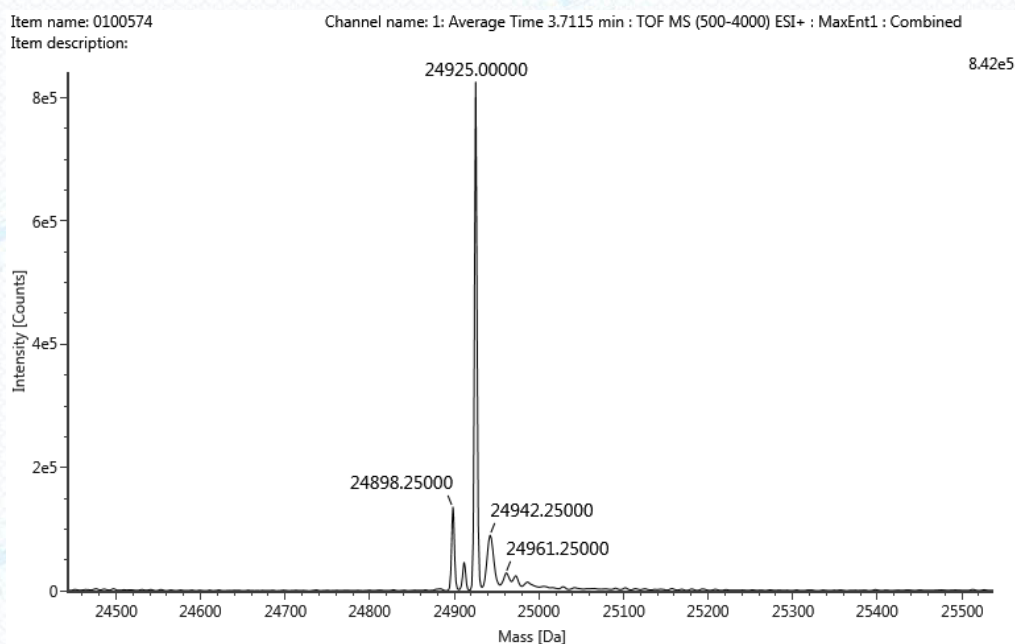


图3供试品的相对分子质量

此件为复印件内容与原件一致

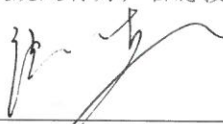
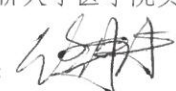
报告编号: 201800814

7. 结论

经测试供试品sfe(批:--)的相对分子质量为:24925.00等

此件为复印件内容与原件一致

华侨大学医学院实验动物管理伦理审查审批表

审批序号 (由委员会统一填写)		伦研批第 (A2021047) 号		申请日期	2021. 12. 27
项目名称	海洋抗血栓纤溶酶活性测定			项目起止时间	2022. 01. 01-2022. 04. 30
实验种类	☒ 1. 医学研究 ☐ 2. 药物疫苗类 ☒ 3. 生物类 ☐ 4. 农业研究 ☐ 5. 健康食品 ☐ 6. 其他 _____				
申请人(项目负责人)简要信息					
姓 名	唐明青	性 别	男	学 历	博士
办公电话		移动电话	18965527531	电子邮箱	tmq@hqu.edu.cn
目前主要研究方向		抗血栓			
经费来源	☒ 政府 ☐ 基金会 ☐ 公司 ☐ 国际组织 ☒ 其他				
申请人(项目负责人)承诺: 我保证所有参与本项目研究的实验人员均会遵循人道主义原则, 确保实验动物的福利, 并严格遵守《华侨大学医学院实验动物管理伦理委员章程》及相关制度, 随时接受华侨大学医学院实验动物管理伦理委员会的监督与检查, 如有违反规定行为, 自愿接受处罚。 申请人(项目负责人)签字:  日期: 2021. 12. 27					
申报所(中心)意见[如果系(中心)主任为申请者请系所(中心)副主任签字]: 我已审查本研究项目, 研究设计和方法合理, 研究者有足够的资金保障开展研究。因此我单位同意开展此项研究, 希望得到华侨大学医学院实验动物管理伦理委员会的进一步审查。 系所(中心)主任签字:  日期: 2021. 12. 28					
实验动物管理伦理委员会审批意见: 经审查符合伦理规范, 同意开展! 华侨大学医学院实验动物管理伦理委员会(签章)  主任委员(签名):  日期: 2021年12月30日					

我清楚作为该项目的负责人/执行人，有责任承诺保证所有成员在本研究工作中均会遵循人道主义原则，确保实验动物的福利伦理，并严格遵守华侨大学实验动物管理伦理委员会的相关规章制度。

项目负责人（执行人）签字：

日期：2021年12月27日

华侨大学医学院实验动物管理伦理委员会审查意见：

经审查符合伦理规范，同意开展！

主任委员签字：

2021年12月30日



2021年12月30日

华侨大学医学院实验动物管理伦理审查申请表

受理编号: 047

申请日期: 2021 年 12 月 27 日

一、申请者基本情况			
实验项目名称	海洋抗血栓纤溶酶活性测定		
经费来源	海峡纤溶酶项目	拟执行时间	2022.01.01-2022.04.30
实验种类	☐ 1. 医学研究 ☐ 2. 药物疫苗类 ☒ 3. 生物类 ☐ 4. 农业研究 ☐ 5. 健康食品 ☐ 6. 其他		
项目负责人	唐明青	电话: 18965527531	E-mail: tmq@hqu.edu.cn
联系人	唐明青	电话: 18965527531	E-mail: tmq@hqu.edu.cn
申请目的	☒ 初次申请 ☐ 延长 ☐ 修改原申请 (原批准号:)		
二、所需实验动物			
品种: BALB/c 小鼠		年龄: 4-6 周	
等级: ☒ 普通级 ☐ 清洁级 ☐ SPF 级 ☐ 无菌级 ☐ 其他			
体重: 180-220 克		雌 (只): 0	雄 (只): 40
来源	☐ 1. 本校/本院实验动物中心统一采购: ☒ 2. 国内其他正规饲养繁殖单位: 吴氏动物 ☐ 3. 国外引进: _____ ☐ 4. 其他: _____		
饲养场地	☒ 本校/本院实验动物中心 ☐ 自己实验室 ☐ 其他		
三、简述本研究的目的是和意义			
血栓性疾病久据全球疾病总死亡率的第一位,是全球性的重大健康问题,血栓类心脑血管疾病正在严重地威胁着人们的生命健康。虽然目前临床上有很多可以用于治疗血栓的药物,但大多数都伴随着一定的毒副作用,都不能很好的解决问题,目前仍然缺乏治疗效果持久、无副反应的理想溶血栓药物。因此我们有必要去发现新的能够更有效治疗血栓疾病的药物。 纤溶酶是星虫肠液提取物中的主要成分之一。将纤维蛋白原降解为小分子可溶性片段,起到降纤、降粘、改善血液循环的作用,临床上纤溶酶主要用于脑梗死、高凝状态及血栓性脉管炎等疾病。然而纤溶酶的作用机理尚未报道。因此,本研究采用纤溶酶评价其对于血栓的溶解作用,这对新药开发十分有必要。			

四、请以实验动物“3R”原则为考虑重点，说明进行动物实验的必要性（包括非动物模型不合适性及选择该动物品种的理由）。

A. 使用动物的理由

☒1. 一些生物学过程和机理不能在体外研究

☐2. 已进行体外实验，现需进行体内实验

☐3. 体外实验需要动物组织

☐4. 其他请具体说明：

B. 使用某品种动物的理由

☒1. 该品种的生理学、解剖学、身体大小等特点最适于本研究

☐2. 该品种是本实验公认的理想动物模型

☐3. 利用该品种已获得大量的相关数据，本研究进一步扩展该品种相关数据

☐4. 从其他品种动物扩展相关数据到该品种

☐5. 其他请具体说明：

C. 请说明使用动物数量的充分理由：

五、描述动物实验的设计（包括实验操作方法、给药及样本采集方案、观测指标、终结标准、死亡处理、减少动物痛苦伤害的措施等）

一、体外溶栓实验

本实验参考王雪英等的体外溶栓方法，进一步改进，其实验步骤如下：

1) 从小鼠的眼球取血置于血清管中，低温放置自然凝固，用滤纸吸干血块表面，分别称取天然小鼠全血凝血块，加入到不同试管中。

2) 实验设阴性对照生理盐水组、阳性对照尿激酶组、实验组 CYGB-PL 和实验组 PL，样品效价均按尿激酶活力单位标准曲线标定。

3) 在已加入血块的试管中分别加入对应的溶液，置于 37 °C 恒温摇床慢摇。每隔一段时间后吸取试管上层溶液涂片，显微镜下观察红细胞形态和数量并拍照记录。慢摇 3 h 后称量各试管内剩余血凝块的质量，并计算血凝块溶解率。

二、体内溶栓实验

采用角叉菜胶致小鼠尾部血栓模型。选用临床常用的注射用尿激酶作为阳性对照，阴性对照为生理盐水组，实验组为 PL 酶液与 CYGB-PL 酶液。各受试组酶活力单位统一用尿激酶标准品纤溶活力标准曲线进行标定。

(1) 雄性昆明种小鼠 32 只，鼠龄为 5 周，体重 $30\pm2\text{g}$ ，由福州大学吴氏动物中心提供。小鼠饲养环境为温度湿度相同。随机分组，即正常对照组、不同剂量 PL 给药组、尿激酶阳性对照组和血栓模型组，适应性喂养 1 周；

(2) 24 h 后腹腔注射角叉菜胶，24h 后观察尾部血栓形成情况。

(3) 角叉菜胶注射 24 h 后，给药组注射给药；血栓模型组与正常组注射生理盐水。腹腔注射一次，连续注射三天。

(4) 根据不同模型的结果评价体内溶栓效果。

三、死亡处理方法

死亡处理方法：头颈部迅速脱臼。

六. 导致疼痛的分类

- ☐A. 无疼痛
- ☐B. 一般性疼痛
- ☐C. 轻微疼痛
- ☒D. 有疼痛，但能够解除
- ☐E. 不能缓解的疼痛

七. 麻醉、镇痛

药物名称	给药剂量和频率	给药途径	维持时间
无（不涉及）			

八. 人道主义结束动物生命

A、人道主义结束动物生命标准

- ☐1、体重减轻：体重减轻达 20-25%，或是动物出现恶病质或消耗性症候时。
- ☐2、实体瘤的大小超过动物体重的 10%。
- ☐3、丧失食欲：小型啮齿类动物完全丧失食欲达 24 小时或食欲不佳（低于正常量之 50%）达 3 天时。大动物完全丧失食欲达 5 天或食欲不佳（低于正常量之 50%）达 7 天时。
- ☐4、虚弱（无法进食或饮水）：动物在没有麻醉或镇静的状态下，无法进食或饮水，长达 24 小时无法站立或极度勉强才可站立时。
- ☒5、垂死/濒死：动物在没有麻醉或镇静的状态下，表现精神抑郁伴随体温过低（低于 37℃）时。
- ☒6、感染：在抗生素治疗无效并伴随动物全身性不适症状出现时：
 - ☐a、器官：出现器官严重丧失功能的临床症状且治疗无效，或经动物中心兽医判断预后不佳。
 - ☐b、呼吸系统：呼吸困难、发绀大失血。
 - ☐c、心血管系统：大失血、已给予一次输液治疗后仍贫血（低于 20%）
 - ☐d、消化系统：严重呕吐或下痢，消化道阻塞，套迭，腹膜炎，内脏摘除术
 - ☒e、神经系统：中枢神经抑制、震颤、瘫痪（其中任一支或以上）、对镇痛剂治疗无效之疼痛。
 - ☐f、肌肉骨骼系统：肌肉受损或骨折使肢体丧失功能（实验预期发生并通过 IACUC 审核除外）
 - ☐g、皮肤：无法治愈之伤口、重复性自残或二级以上之保温垫烫伤

B、安乐死

- ☐ 1、迅速断头
- ☒ 2、头颈部迅速脱臼
- ☐ 3、在全身麻醉下放血（适合猫，反刍动物，马，猪等）
- ☐ 4、过量吸入麻醉剂（氟烷、异氟醚、甲氧氟烷等）
- ☐ 5、腹腔注射安乐死药剂
- ☐ 6、静脉注射安乐死药剂

☐ 7、二氧化碳或二氧化碳/氧气混合气体

☐ 8、其它，请具体说明：_____

C、剩余动物的最终处理

☒ 1、对动物实施安乐死

☐ 2、返回生产/育种单位

☐ 3、作其它研究

☐ 4、动物饲养在动物中心，直到其自然死亡

☐ 5、其它，具体说明：_____

D、动物尸体、组织、或体液的最终处理

☐ 1、制作标本

☒ 2、袋装后冷冻，由学校/学院实验动物中心作无公害化处理

☐ 3、其它，具体说明：_____

九、是否使用有毒（害）物质（感染、放射、化学毒、其他）

	是	否	使用物品的名称
1 放射性同位素	☐	☒	_____
2 生物物品	☐	☒	_____
3 有毒化学品、药品	☐	☒	_____
4 重组 DNA	☐	☒	_____
5 其它	☐	☒	_____

十、承诺

承诺书

我承诺该申请使用表的内容准确无误。

我同意遵守中华人民共和国国家科学技术委员会制定的《实验动物管理条例》、中华人民共和国科学技术部发布的《关于善待实验动物的指导性意见》、福建省人民政府发布的《福建省实验动物管理办法》。

我承诺包括我自己在内的该项目涉及的与实验动物有接触的人员，已经参加了华侨大学医学院实验动物学要求的相关培训，掌握了申请使用表中涉及的动物实验方法，都有能力完成动物实验，并且深知使用这些活体动物及动物组织所存在的风险。

Supplementary data 2

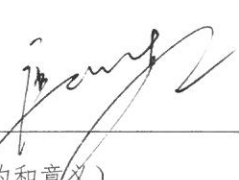
华侨大学医学院医学伦理审查审批表

审批序号 (由委员会统一填写)	伦研批第 (M22017) 号	申请日期	2021. 12. 27
项目名称	海洋抗血栓纤溶酶活性测定	项目起止时间	2022. 01. 01-2022. 04. 30
项目类别	A ☐ . 人体标本收集 B ☒ . 人源标本实验 C ☐ . 新药物临床试验 D ☐ . 新器械临床试验 E ☐ . 新技术应用 F ☐ . 其他 (请注明): _____		
申请人 (项目负责人) 简要信息			
姓 名	唐明青	性 别	男
办公电话		移动电话	18965527531
		电子邮箱	tmq@hqu.edu.cn
目前主要研究方向	抗血栓		
经费来源	☒ 政府 ☐ 基金会 ☐ 公司 ☐ 国际组织 ☐ 其他		
申请人 (项目负责人) 承诺: 我保证所有参与本项目研究的实验人员将严格遵循《华侨大学医学院医学伦理委员会章程》, 自觉遵守相关原则, 随时接受华侨大学医学院医学伦理委员会的监督与检查, 如有违反规定行为, 自愿接受处罚。			
申请人 (项目负责人) 签字:  日期: 2021.12.27			
申报系所 (中心) 意见 [如果系 (中心) 主任为申请者请系所 (中心) 副主任签字]: 我已审查本研究项目, 研究设计和方法合理, 研究者有足够的资金保障开展研究。因此我单位同意开展此项研究, 希望得到华侨大学医学院医学伦理委员会的进一步审查。			
系所 (中心) 主任签字:  日期: 2021.12.28			
医学伦理委员会审批意见:  经审查符合医学伦理规范, 同意开展!			
华侨大学医学院医学伦理委员会 (盖章)		主任委员 (签名): 	
日期: 2021 年 12 月 30 日			

Huaqiao University Medical Ethics Review and Approval Form

Approval serial number (to be filled in by the committee)	Ethical research No. (M2021017)	Application Date	2021.12.27
Project name	Determination of Marine antithromboplasmin activity	Project start and end time	2022.01.01-2022.04.30
Project Category	A ☐ . Human specimen collection B ☒ . Human specimen experiment C ☐ . New drug clinical trials D ☐ . Clinical trials of new devices E ☐ . New Technology Applications F ☐ . Others ((please specify) :		
Brief information about the applicant (project leader)			
Name	MingQing Tang	Gender	Male
Office phone		Mobile phone	18965527531
		Email address	tmq@hqu.edu.cn
Main Research Direction	Anti thrombus		
Funding Sources	☒ Government ☐ Foundation ☐ Company ☐ International organization ☒ Other		
Applicant (project leader) commitment:			
I guarantee that all investigators involved in the research of this project will strictly follow the Charter of the Medical Ethics Committee of Huaqiao University, and consciously abide by the relevant principles, accept the supervision and inspection of the Medical Ethics Committee of Huaqiao University at any time, and voluntarily accept the punishment if there is any violation of the regulations.			
Signature of the applicant (project leader):		Date: 2021.12.27	
Comments from the applicant's department (center) (if the director of the department (center) is the applicant, please sign the deputy director of the department (center)):			
I have reviewed this research project, the study design and methods and believe that they are all reasonable and that the researcher has sufficient funds to carry out the research. Therefore, the research department agrees to conduct this study and hope for receive further review from the Research Ethics Committee of Huaqiao University.			
Signature of the director of the department (center):		Date: 2021.12.28	
Ethics Committee Approval Opinion:			
Following the review, the department agreed to proceed with the study.			
Medical Ethics Committee of Huaqiao University (Signed)		Chairman (signature):	
		Date: 2021.12.30	

华侨大学医学院医学伦理审查申请表

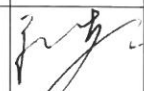
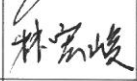
申请序号 (由委员会统一填写)	伦研批第 (M2017) 号		申请日期	2021. 12. 27	
项目名称	海洋抗血栓纤溶酶活性测定		项目起止时间	2022. 01. 01-2022. 04. 30	
项目类别	A ☐ . 人体标本收集 B ☒ . 人源标本实验 C ☐ . 新药物临床试验 D ☐ . 新器械临床试验 E ☐ . 新技术应用 F ☐ . 其他 (请注明): _____				
申请人 (项目负责人) 简要信息					
姓 名	唐明青	性 别	男	学 历	博士
办公电话		移动电话	18965527531	电子邮箱	tmq@hqu.edu.cn
目前主要研究方向	抗血栓				
经费来源	☒ 政府 ☐ 基金会 ☐ 公司 ☐ 国际组织 ☐ 其他				
申请人 (项目负责人) 承诺: 我保证所有参与本项目研究的实验人员将严格遵循《华侨大学医学院医学伦理委员会章程》, 自觉遵守相关原则, 随时接受华侨大学医学院伦理委员会的监督与检查, 如有违反规定行为, 自愿接受处罚。					
申请人 (项目负责人) 签字: 			日期: 2021. 12. 27		
研究内容摘要 (简述本研究的目的和意义) 血栓性疾病久据全球疾病总死亡率的第一位, 是全球性的重大健康问题, 血栓类心脑血管疾病正在严重地威胁着人们的生命健康。虽然目前临床上有很多可以用于治疗血栓的药物, 但大多数都伴随着一定的毒副作用, 都不能很好的解决问题, 目前仍然缺乏治疗效果持久、无副反应的理想溶血栓药物。因此我们有必要去发现新的能够更有效治疗血栓疾病的药物。 纤溶酶是星虫肠液提取物中的主要成分之一。将纤维蛋白原降解为小分子可溶性片段, 起到降纤、降粘、改善血液循环的作用, 临床上纤溶酶主要用于脑梗死、高凝状态及血栓性脉管炎等疾病。然而纤溶酶的作用机理尚未报道。因此, 本研究采用纤溶酶评价其对于血栓的溶解作用, 这对新药开发十分有必要。					

医学伦理审查申请材料目录

提交如下相关支持材料：

1. 负责人及研究团队的研究经历（能力水平）介绍
- 2 研究方案及支持性文件（检查内容应提供详情）
4. 安全措施及应急预案
5. 研究中涉及的伦理学考虑的描述
6. 同意遵循有关伦理原则的声明
7. 研究经济利益声明

负责人及研究团队的研究经历（能力水平）介绍

姓名	身份证号码	职称	职务	从事专业	项目分工	所在单位	签章
许瑞安	R043004 (7)	博导	原分子药物教育部工程研究中心主任	基因治疗	总顾问	分子药物教育部工程研究中心	
崔秀灵	410103197107072589	教授、博导	原分子药物教育部工程研究中心主任	化学药物	技术顾问	医学院	
唐明青	362127198202220016	讲师	无	分子药物	总负责	医学院	
林宏峻	350502199506290019	无	无	生物与医药	实验执行	医学院	
叶励超	350421197311270039	主任医师	神经内科行政副主任	临床医学	临床样本收集	福建医科大学附属第二医院神经内科	

研究方案及支持性文件

一、研究方案

1、新鲜血块溶解实验

取健康成年空腹静脉抽血 10 mL 于玻璃试管中, 4-5h 后待其血液凝固后, 去除血清, 将血块分装到凹形板孔中。设置生理盐水组为阴性对照组, 尿激酶为阳性对照组, 不同倍数的 snFPITE 为实验组, 每组做三个平行, 每管加同样的样品, 37℃ 恒温摇床培养。记录不同时间血块的变化。

2、陈旧血块溶解实验

取健康成年空腹静脉抽血 10 mL 于玻璃试管中, 3-4d 后待其血液凝固后, 去除血清, 将血块分装到凹形板孔中。设置生理盐水组为阴性对照组, 尿激酶为阳性对照组, 不同倍数的 snFPITE 为实验组, 每组做三个平行, 每管加同样的样品, 37℃ 恒温摇床培养。记录不同时间血块的变化。

3、脑血栓栓体溶解实验

取受试者提供的脑梗血栓栓块, 用 PBS 进行清洗后加入固定液和 snFPITE 对血栓栓块进行溶解和细胞固定, 隔一段时间后吸取试管上层溶液涂片, 显微镜下观察红细胞形态和数量并拍照记录, 观察细胞形态和特征。做好切片保存数据。

安全措施及应急预案

为保证临床用血安全，血库必需严格保证血液质量，严把安全质量关，保证足够的血液储备，如发生输血反应，输血感染等按以下方法处理。

- 1、严格执行血液检测标准，杜绝输血传染病发生；
- 2、严格执行《临床输血规范》和《全国临床检验操作规程》进行交叉配血，避免溶血性输血反应，同时推广使用白细胞过滤器，减少发热过敏反应，推广成分输血，减少因血浆引起的多种输血反应。
- 3、一旦发生严重输血反应，应首先向科主任和分管院领导汇报。
- 4、发生输血反应时，临床医生先对症处理，同时通知中心血站派员到场与患者或其家属及血库工作人员共同封存血袋及输血器送法定单位进行输血反应鉴定。同时填写输血反应报告单送输血科并上报备案。
- 5、还需要继续输血者则根据鉴定情况提供合适血液。（由临床科室主任和课题组同时制定输血方案）。

研究中涉及的伦理学考虑的描述

本项目研究计划从医院收集脑梗血栓标本用于纤溶酶溶栓研究。研究开展前,研究者在生物样本的收集、储藏和使用等需要样本捐赠者的知情同意,保证其了解并理解研究的目的和内容,并自愿同意参加研究。此外,脑梗血栓生物标本信息收集过程中包含了可识别的个人信息,因此实验过程中需要对样本进行匿名化处理,对捐赠者进行社会属性(如姓名、年龄和社会保险号等)的隐私保护。

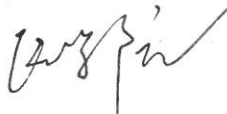
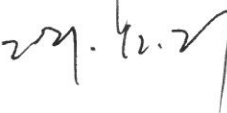
根据学术伦理的相关规定,需遵循人体医学研究的伦理准则进行伦理审查。

同意遵循有关伦理原则的声明

医学伦理委员会：

本人作为海洋抗血栓纤溶酶活性测定项目的负责人，我保证所有参与本项目研究的实验人员将严格遵循《华侨大学医学院医学伦理委员会章程》，自觉遵守医学伦理相关原则，随时接受华侨大学医学院医学伦理委员会的监督与检查，如有违反规定行为，自愿接受处罚。

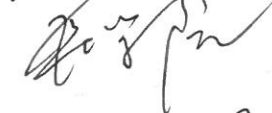
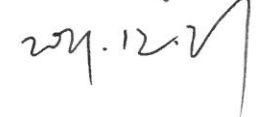
特此声明！

声明人：
单位：
日期：

研究经济利益声明

医学伦理委员会：

本人作为海洋纤溶酶抗血栓项目的负责人，我保证本实验项目不存在任何经济利益方面的冲突。我自愿随时接受华侨大学医学院-医学伦理委员会的监督与检查，如有违反规定行为，自愿接受处罚。

声明人：
单 位：
日 期：

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

陈爱连：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院进行化验后剩余血液样品进行D二聚体溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 陈爱连 联系电话：13505991162 日期：22.12.8

受试者代理人签字 _____ 联系电话： _____ 日期： _____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 康斌 联系电话：13489726001 日期 22.12.8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

郭雪真：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院进行化验后剩余血液样品进行D二聚体溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 郭雪真 联系电话：13607268137 日期：22.12.08

受试者代理人签字 _____ 联系电话： _____ 日期： _____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 康斌 联系电话：13489726001 日期 22.12.8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

王加辉：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院进行化验后剩余血液样品进行D二聚体溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 王加辉 联系电话：15985937896 日期：22.12.8

受试者代理人签字 _____ 联系电话： _____ 日期： _____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 廖斌 联系电话：13489726001 日期 22.12.8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

吴秀凤：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院进行化验后剩余血液样品进行D二聚体溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 吴秀凤 联系电话：135 77360202 日期：22.12.8

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 康斌 联系电话：13487726001 日期：22.12.8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

廖秀凤：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院进行化验后剩余血液样品进行D二聚体溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 廖秀凤 联系电话：13808526157 日期：22.12.8

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 廖斌 联系电话：13489726001 日期：22.12.8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

血凝仪ACL10P750(东街急诊)

泉州市第一医院检验报告单

第1页,共1页

姓名: 廖秀凤 性别: 女 年龄: 78岁 科室: 呼吸与危重症医学科 病区: 四病区 床号: 16 样本号: 289 条码号: 0320178439 标本类型: 静脉血浆 诊断: 肺诊断性影像异常 备注:

序号	项目名称	结果	单位	参考范围
1	凝血酶原时间(PT)	16.8 ↑	S	9--13
2	国际标准化比值(PT-INR)	1.48 ↑		0.77--1.29
3	PT正常对照	11.0	S	8.9--13.4
4	PT正常对照比率	1.53 ↑		0.82--1.18
5	部分凝血酶原时间(APTT)	34.3	S	20--40
6	APTT正常对照比率	1.23		0.67--1.33
7	APTT正常对照	28	S	24.9--37.6
8	纤维蛋白原(FIB)	2.72	g/L	2--4
9	D-二聚体测定(D-Dimer)	7.83 ↑	mg/L FEU	0--0.55
10	凝血酶时间(TT)	17.10 ↑	S	10.3--16.6

血凝仪ACLTOP750(东街急诊)

泉州市第一医院检验报告单

姓名: 吴秀凤 性别: 女 年龄: 83岁 科室: 消化内科 病区: G7病区 床号: 15 病历号: G06196 样本号: 293 条码号: 0320147603 标本类型: 静脉血浆 诊断: 腹痛 备注:

序号	项目名称	结果	单位	参考范围
1	凝血酶原时间(PT)	11.4	S	9--13
2	国际标准化比值(PT-INR)	1.02		0.77--1.29
3	PT正常对照	11.0	S	8.9--13.4
4	PT正常对照比率	1.04		0.82--1.18
5	部分凝血酶原时间(APTT)	26.0	S	20--40
6	APTT正常对照比率	0.93		0.67--1.33
7	APTT正常对照	28	S	24.9--37.6
8	纤维蛋白原(FIB)	2.89	g/L	2--4
9	D-二聚体测定(D-Dimer)	6.27	mg/L FEU	0--0.55
10	凝血酶时间(TT)	16.30	S	10.3--16.6

送检时间: 2022/12/8 12:01:46 采样时间: 2022/12/8 11:22:40 申请医生: 曾以琳 检验者: 吴聪莲 审核者: 吴聪莲
报告时间: 2022/12/8 16:55:24 此报告仅对此标本负责, 如有疑问三日内来我科咨询。 注: “*”为三级医院间互认项目。

血凝仪ACLTOP750(东街急诊)

泉州市第一医院检验报告单

第1页,共1页

姓名:王加辉 性别:男 年龄:81岁 科室:急诊病区急诊科 病历号: P6755783-0 标本类型: 静脉血浆
床号: 样本号: 305 条码号: 0320142480 诊断: 骨盆骨折
备注:

序号	项目名称	结果	单位	参考范围
1	凝血酶原时间(PT)	22.3	↑	S 9--13
2	国际标准化比值(PT-INR)	1.94	↑	0.77--1.29
3	PT正常对照	11.0		8.9--13.4
4	PT正常对照比率	2.03	↑	0.82--1.18
5	部分凝血酶原时间(APTT)	44.5	↑	20--40
6	APTT正常对照比率	1.59	↑	0.67--1.33
7	APTT正常对照	28		24.9--37.6
8	纤维蛋白原(FIB)	1.10	↑	2--4
9	D-二聚体测定 (D-Dimer)	435.50	↑	0--0.55
10	凝血酶时间(TT)	20.70	↑	10.3--16.6

送检时间: 2022/12/8 17:30:12 采样时间: 2022/12/8 17:02:00 申请医生: 谢建立 检验者: 吴聪莲 审核者: 吴聪莲
报告时间: 2022/12/8 18:11:46 此报告仅对此标本负责, 如有疑问三日内来我科咨询。 注: “*”为三级医院间互认项目。

血凝仪ACLTOP750(东街急诊)

泉州市第一医院检验报告单

第1页,共1页

姓名:郭雪真 性别:女 年龄:65岁 科室:重症医学科 病区:ICU病区 床号:u08 病历号:680023 样本号:316 条码号:0320169024 标本类型:静脉血浆 诊断:感染性休克 备注:

序号	项目名称	结果	单位	参考范围
1	凝血酶原时间(PT)	13.4	↑	S
2	国际标准化比值(PT-INR)	1.19		9--13
3	PT正常对照	11.0		0.77--1.29
4	PT正常对照比率	1.22	↑	S
5	部分凝血酶原时间(APTT)	33.1		8.9--13.4
6	APTT正常对照比率	1.18		0.82--1.18
7	APTT正常对照	28		20--40
8	纤维蛋白原(FIB)	3.52		S
9	D-二聚体测定(D-Dimer)	20.62	↑	0.67--1.33
10	凝血酶时间(TT)	14.10		24.9--37.6
11	纤维蛋白原降解产物(FDP)	63.78	↑	2--4
12	抗凝血酶III(AT-III)	49.00	↓	mμ/L FEU
			%	0--0.55
				10.3--16.6
				0--5
				71--115

送检时间:2022/12/8 18:37:25 采样时间:2022/12/8 17:23:26 申请医生:黄幼佩 检验者:吴聪莲 审核者: 报告时间:2022/12/8 19:23:47 此报告仅对此标本负责,如有疑问三日内来我科咨询。 注:“*”为三级医院间互认项目。

血凝仪ACLTOP750(东街急诊)

泉州市第一医院检验报告单

第1页,共1页

姓名: 陈爱莲
性别: 女
年龄: 74岁

科室: 急诊病区急诊科
病区: 床
号:

病历号: P6755872-0
样本号: 319
条码号: 0320146235

标本类型: 静脉血浆
诊断: 应激性溃疡
备注:

序号	项目名称	结果	单位	参考范围
1	凝血酶原时间(PT)	21.3	S	9--13
2	国际标准化比值(PT-INR)	1.85		0.77--1.29
3	PT正常对照	11.0	S	8.9--13.4
4	PT正常对照比率	1.94		0.82--1.18
5	部分凝血酶原时间(APTT)	34.4	S	20--40
6	APTT正常对照比率	1.23		0.67--1.33
7	APTT正常对照	28	S	24.9--37.6
8	纤维蛋白原(FIB)	2.80	g/L	2--4
9	D-二聚体测定(D-Dimer)	5.51	mg/L FEU	0--0.55
10	凝血酶时间(TT)	14.20	S	10.3--16.6

送检时间: 2022/12/8 19:36:21
报告时间: 2022/12/8 20:08:19

采样时间: 2022/12/8 19:19:50
申请医生: 罗求

检验者: 吴聪莲
审核者: 吴聪莲

注: 为三级医院间互认项目

北京华大蛋白检测报告



华大蛋白
Beijing Protein Innovation

检测单位名称：北京华大蛋白质研发中心有限公司检测中心

检测项目名称：N、C 端序列分析项目

检测单位地址：北京市顺义区空港工业 b-8

委托方：福建华诺 叶晓通

报告签发日期：20210603

一、实验方案

1. 实验目的

通过质谱检测，对 4 个蛋白胶条 N、C 端序列进行分析。

2. 实验原理简介

蛋白质是由多个氨基酸组成的分子。目前广泛采用串联质谱(MS/MS)对蛋白质进行测序鉴定。简而言之，首先用蛋白酶（如胰蛋白酶）对目标蛋白进行酶解以将目标蛋白切成许多序列未知的多肽片段（长度相同或不同），不同的多肽片段由于氨基酸组成和氨基酸分子量不同而具有不同的质荷比（ m/z ）。然后，将多肽片段的混合物上样到串联质谱中，形成一级质谱，且多肽片段按其质荷比分离。个体多肽片段被进一步碎裂成碎片离子并检测碎片离子的质荷比，形成二级质谱。将多肽片段的二级质谱与各种各样序列已知的多肽片段的理论质谱数据库（机器内置）进行匹配，如果某个序列未知的多肽片段的二级质谱与某个序列已知的多肽片段的二级质谱一致，则该序列未知的多肽片段的氨基酸序列即与该序列已知的多肽片段的氨基酸序列相同，由此确定该多肽片段的氨基酸序列。进一步地，用该多肽片段的氨基酸序列与理论目标蛋白序列进行匹配。

3. 实验步骤

（1）样本处理与酶切

1. 将每个样本（N1、N2、S1、S2）的三个胶条转移至新离心管。
2. 在每个离心管内加入 400 μ L 50%乙醇，清洗 10 分钟，将液体移除，重复一次至胶粒脱色。
3. 移除液体，加入乙腈脱水至胶粒完全变白，真空抽干乙腈。
4. 加 10 mM DTT，让胶粒吸收完全，放入 56 度水浴锅内，孵育 1 个小时。
5. 孵育完毕后，移除多余 DTT 液体，加入 55mM IAM，暗室室温孵育 1 小时。
6. 孵育完毕后，移除多余 IAM 液体，加入 25mM NH_4HCO_3 清洗 10 分钟，并重复清洗一次。移除 NH_4HCO_3 ，加入脱色液清洗 10 分钟，并重复一次。
7. 乙腈脱水至胶粒完全变白，真空抽干乙腈。
8. 将每个离心管内的三个胶粒分开，转移至新离心管（每管 1 个胶粒，即 4 个样本共转

移至 12 个离心管)。

9. 每个样本的三个胶粒加 50 μ L 25mM NH_4HCO_3 , 再分别加入 0.06 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ Trypsin、Chymotrypsin 和 0.12 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ ASP-N 酶, 放入 37 度水浴锅, 消化过夜。

10. 过夜后, 将液体转移至一个新离心管中。

11. 在胶粒中加入 50 μL 抽提液 (50%ACN, 50% H_2O , 0.1%FA), 将抽提液也转移至上述 (步骤 10) 离心管中。

12. 将所有的液体冻干, 用 0.1% FA 复溶后进行质谱分析。

(2) 质谱分析

将 12 个处理后样本, 分别上机检测。使用 Q-Exactive 质谱仪检测肽段信号。液相及质谱检测参数详见表 1.1 和 1.2。

表 1.1 液相参数设置

流动相	A: 98% H_2O , 2%CAN, 0.1%FA B: 98%CAN, 2% H_2O , 0.1%FA
流速	400nL/min
色谱梯度	
时间	B 相浓度 (%)
0	5
6	8
6.5	10
45	24
51	40
54	80
59	80
59.9	5
65	5

表 1.2 质谱参数设置

项目	实验参数
喷雾电压	2.0 kV
扫描时间	0-65min
毛细管加热温度	320°C
一级扫描分辨率	70000
一级质量扫描范围	m/z 350-2000
二级扫描分辨率	17500
一级 AGC Target	3e6
二级 AGC Target	1e5
一级 Maximum IT	50 ms
二级 Maximum IT	100 ms

(3) 数据处理

分析软件：BioPharma Finder 3.2 ， 添加修饰列表如下

数据库：<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/protein/AAA60113.1>

表 2 搜库参数列表

项目	实验参数
固定修饰	Carbamidomethylation(SideChain, C, x16)
可变修饰	Acetylation Oxidation(MW) Deamidation Phosphorylation

二、实验结果

1. 客户提供的理论序列

>AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

MEHKEVVLLLLLFLKSGQGEPLDDYVNTQGASLFSVTKKQLGAGSIEECA
AKCEEDEEFTCRAFQYHSKEQQCVIMAENRKSSIIIRMRDVVLFEEKVYL
SECKTGNGKNYRGTMSTKNGITCQKWSSTSPHRPRFSPATHPSEGLEEN
YCRNPDNDPQGPWCYTDDPEKRYDYCDILECEEECMHCSGENYDGKISK
MSGLECAWDSQSPHAHGYIPSKFPNKNLKKNYCRNPDRELRPWCFTTDP
NKRWELCDIPRCTTPPPSSGPTYQCLKGTGENYRGNVAVTVSGHTCQHWS
AQTPHTHNRTPENFPCKNLDENYCRNPDGKRAPWCHTTNSQVRWEYCKIP
SCDSSPVSTEQLAPTAPPELTPVVQDCYHGDGQSYRGTSSTTTTGKKCQS
WSSMTPHRHQKTPENYPNAGLTMNYCRNPDADKGPWCFTTDPVSRWEYCN
LKKCSGTEASVVAPPPVLLPNVETPSEEDCMFGNGKGYRGKRATTVTGT
PCQDWAAQEPHRHSIFTPETNPAGLEKNYCRNPDGDVGGPWCYTTNPRK
LYDYCDVPQCAAPSFDCGKPQVEPKKCPGRVVGGCVAHPHSWPWQVSLRT
RFGMHFCGGTLISPEWVLTAHCKLEKSPRPSSYKVILGAHQEVNLEPHVQ
EIEVSRLFLEPTRKDIALKLSSPAVITDKVIPACLPSPNYVVADRTECF
ITGWGETQGTFGAGLLKEAQLPVIENKVCNRYEFLNGRVQSTELCAGHLA
GGTDSCQGDSSGGLVCFEKDKYILQGVTSWGLGCARPKNKPGVYVRVSRFV
TWIEGVMRNN

2. 序列覆盖结果

样本 N1、N2、S1、S2，在 Trypsin、Chymotrypsin 和 ASP-N 酶切条件下的综合序列覆盖度如图 1-4 所示（标亮代表检测到匹配的氨基酸），单一酶切条件下的序列覆盖图见附图 1-12。

MEHKEVVLLLLLFLKSGQGEPLDDYVNTQGASLFSVTKKQLGAGSIEECA
 AKCEEDEEFTCRAFQYHSKEQQCVIMAENRKSSIIIRMRDVVLFEEKVYVL
 SECKTGNGKNYRGTMSKTKNGITCQKWSSTSPHRPRFSPATHPSEGLEEN
 YCRNPDNDPQGPWCYTTDPEKRYDYCDILECEEECMHCSEGENYDGKISKI
 MSGLECAWDSQSPHAHGYIPSKFPNKNLKKNYCRNPDRELRPWCFTTDP
 NKRWELCDIPRCTTPPPSSGPTYQCLKGTGENYRGNVAVTVSGHTCQHWS
 AQTPHHTNRTPENFPCKNLDENYCRNPDGKRAPWCHTTNSQVRWEYCKIP
 SCDSSPVSTEQLAPTAPPELTPVVQDCYHGDGQSYRGTSSTTTTGKKCQS
 WSSMTPHRHQKTPENYPNAGLTMNYCRNPDADKGPWCFTTDPSPVRWEYCN
 LKKCSGTEASVVAPPPVLLPNVETPSEEDCMFGNGKGYRGKRATTVTGT
 PCQDWAAQEPHRHSIFTPETNPRAKLEKNYCRNPDGDVGGPWCYTTNPRK
 LYDYCDVPQCAAPSFDCGKPQVEPKKCPGRVVGGCVAHPHSWPWQVSLRT
 RFGMHFCGGTLISPEWVLTAACHLEKSPRPSSYKVILGAHQEVNLEPHVQ
 EIEVSRLFLEPTRKDIALKLSSPAVITDKVIPACLPSPNYVVADRTECF
 ITGWGETQGTFGAGLLKEAQLPVIENTVCNRYEFLNGRVQSTELCAGHLA
 GGTDSCQGDSSGGLVCFEKDKYILQGVTSWGLGCARPKNKPGVYVRVSRFV
 TWIEGVMRNN

图 1 样本 N1 的三种酶切综合序列覆盖度

MEHKEVLLLLLLFLKSGQGEPLDDYVNTQGASLFSVTKKQLGAGSIEECA
AKCEEDEEFTCRAFQYHSKEQQCVIMAENRKSSIIIRMRDVVLFEEKVYL
SECKTGNGKNYRGTMSTKNGITCQKWSSTSPHRPRFSPATHPSEGLEEN
YCRNPDNDPQGPWCYTDDPEKRYDYCDILECEEECMHCSENYDYGKISK
MSGLECAWDSQSPHAHGYIPSKFPNKNLKKNYCRNPDRELRPWCFTTDP
NKRWELCDIPRCTTPPPSSGPTYQCLKGTGENYRGNVAVTVSGHTCQHWS
AQTPHTHNRTPENFPCKNLDENYCRNPDGKRAPWCHTTNSQVRWEYCKIP
SCDSSPVSTEQLAPTAPPELTPVVQDCYHGDGQSYRGTSSTTTTGKKCQS
WSSMTPHRHQKTPENYPNAGLTMNYCRNPDADKGPWCFTTDPVSRWEYCN
LKKCSGTEASVVAPPPVLLPNVETPSEEDCMFGNGKGYRGKRATTVTGT
PCQDWAAQEPHRHSIFTPETNPRAGLEKNYCRNPDGDVGGPWCYTTPNRK
LYDYCDVPQCAAPSFDCGKPQVEPKKCPGRVVGGCVAHPHWPWQVSLRT
RFGMHFCGGTLISPEWVLTAHCLKSPRPSSYKVILGAHQEVNLEPHVQ
EIEVSRLFLEPTRKDIALLLKSSPAVITDKVIPACLPSPNYVVADRTECF
ITGWGETQGTFGAGLLKEAQLPVIENTKVCNRYEFLNGRVQSTELCAGHLA
GGTDSCQGDSGGPLVCFEKDKYILQGVTSWGLGCARPKNKPGVYVRVSRFV
TWIEGVMRNN

图 2 样本 N2 的三种酶切综合序列覆盖度

MEHKEVVLLLLLFLKSGQGEPLDDYVNTQGASLFSVTKKQLGAGSIEECA
 AKCEEDEEFTCRAFQYHSKEQQCVIMAENRKSSIIIRMRDVVLFEEKVYL
 SECKTGNGKNYRGTMSTKNGITCQKWSSTSPHRPRFSPATHPSEGLEEN
 YCRNPDNDPQGPWCYTDDPEKRYDYCDILECEEECMHCSGENYDGGKISK
 MSGLECAWDSQSPHAHGYIPSKFPNKNLKKNYCRNPDRELRPWCFTTDP
 NKRWELCDIPRCTTPPPSSGPTYQCLKGTGENYRGNVAVTVSGHTCQHWS
 AQTPHTHNRTPENFPCKNLDENYCRNPDGKRAPWCHTTNSQVRWEYCKIP
 SCDSSPVSTEQLAAPTAPPELTPVVQDCYHGDGQSYRGTSSTTTTGKKCQS
 WSSMTPHRHQKTPENYPNAGLTMNYCRNPDADKGPWCFTTDPVSRWEYCN
 LKKCSGTEASVVAPPPVLLPNVETPSEEDCMFGNGKGYRGKRATTVTGT
 PCQDWAAQEPHRHSIFTPETNPRAGLEKNYCRNPDGDVGGPWCYTTPRK
 LYDYCDVPQCAAPSFDCGKPQVEPKKCPGRVVGVCVAHPHWPWQVSLRT
 RFGMHFCGGTLISPEWVLTAAHCLEKSPRPSSYKVILGAHQEVNLEPHVQ
 EIEVSRLFLEPTRKDIALLLKSSPAVITDKVIPACLPSPNYVVADRTECF
 ITGWGETQGTFGAGLLKEAQLPVIENTKVCNRYEFLNGRVQSTELCAGHLA
 GGTDSQCQDGGPLVCFEKDKYILQGVTSWGLGCARPKNKPGVYVRVSRFV
 TWIEGVMRNN

图 3 样本 S1 的三种酶切综合序列覆盖度

MEHKEVLLLLLLFLKSGQGEPLDDYVNTQGASLFSVTKKQLGAGSIEECA
 AKCEEDEEFTCRAFQYHSKEQQCVIMAENRKSSIIIRMRDVVLFEEKVYL
 SECKTGNGKNYRGTMSTKNGITCQKWSSSPHRPRFSPATHPSEGLEEN
 YCRNPDNDPQGPWCYTDDPEKRYDYCDILECEEECMHCSGENYDGGKISK
 MSGLECAWDSQSPHAHGYIPSKFPNKNLKKNYCRNPDRELRPWCFTTDP
 NKRWELCDIPRCTTPPPSSGPTYQCLKGTGENYRGNVAVTVSGHTCQHWS
 AQTPHHTNRTPENFPCKNLDENYCRNPDGKRAPWCHTTNSQVRWEYCKIP
 SCDSSPVSTEQLAPTAPPELTPVVQDCYHGDGQSYRGTSSTTTTGKKCQS
 WSSMTPHRHQKTPENYPNAGLTMNYCRNPDADKGPWCFTTDPVSRWEYCN
 LKKCSGTEASVVAPPPVLLPNVETPSEEDCMFGNGKGYRGKRATTVTGT
 PCQDWAAQEPHRHSIFTPETNPRAGLEKNYCRNPDGDVGGPWCYTTPNRK
 LYDYCDVPQCAAPSFDCGKPQVEPKKCPGRVVGGCVAHPHWPWQVSLRT
 RFGMHFCGGTLISPEWVLTAACLEKSPRPSSYKVILGAHQEVNLEPHVQ
 EIEVSRLFLEPTRKDIALLLKSSPAVITDKVIPACLPSPNYVVADRTECF
 ITGWGETQGTFGAGLLKEAQLPVIENTVCNRYEFLNGRVQSTELCAGHLA
 GGTDSQGDSSGGLVCFEKDKYILQGVTSWGLGCARPKNKPGVYVRVSRFV
 TWIEGVMRNN

图 4 样本 S2 的三种酶切综合序列覆盖度

附图

Sequence Coverage Map

Created on 05/21/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 2.048e+06
 Data File = BPI_24013_human_N1-trypsin.raw
 Protease = Trypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	465	41.4%	51.0%	100.00%
Unidentified	2385	58.6%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good		fair							poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

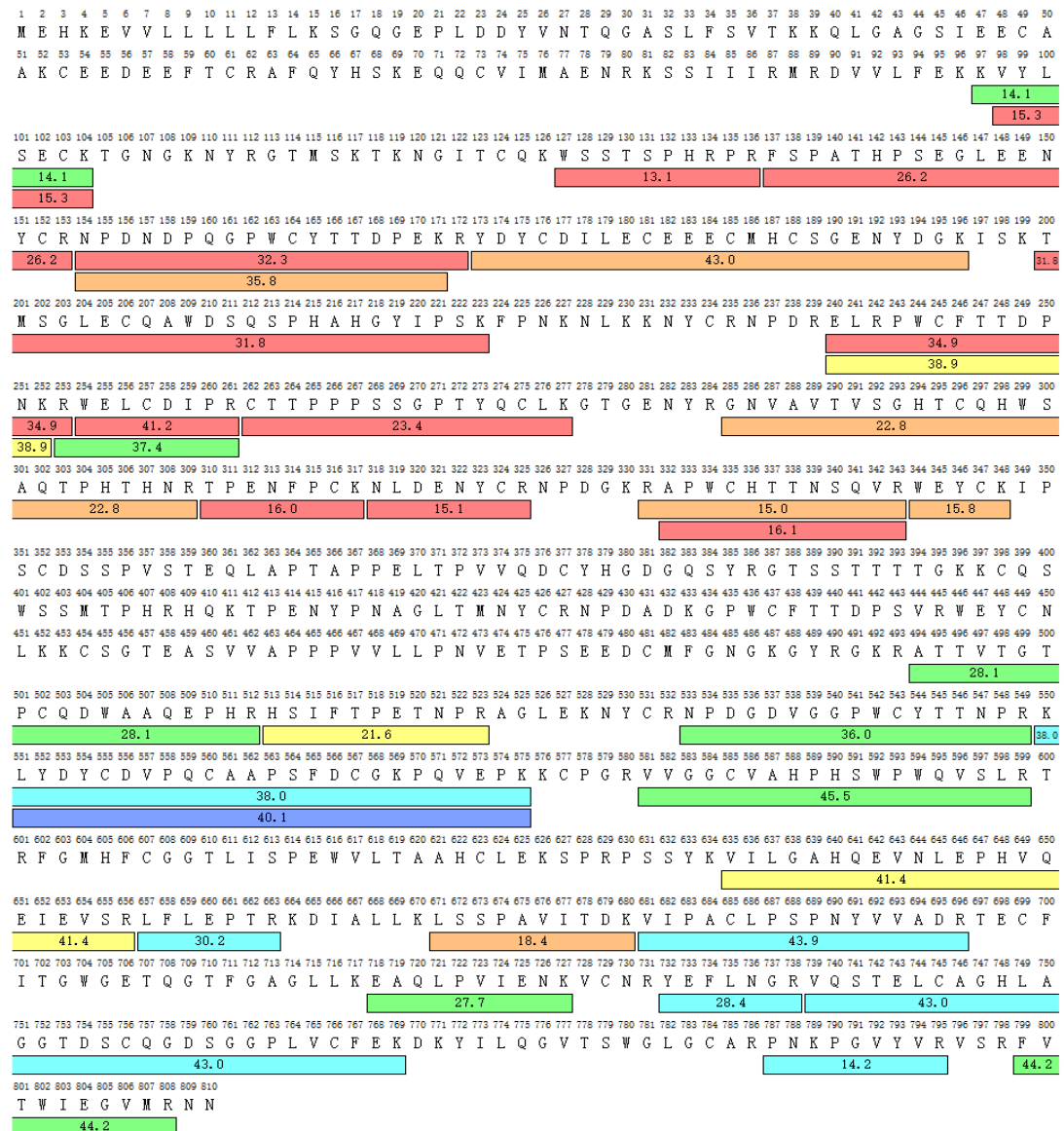


图1 样本 N1 在 Trypsin 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 05/21/21 by 86176
Data Folder = Z:\2021\05\0519\
Minimum MS Signal = 1.024e+06
Data File = BPI_24013_human_N1-chymotrypsin.raw
Protease = Chymotrypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	478	29.1%	48.6%	100.00%
Unidentified	2961	70.9%		

Minimum Recovery = 1%
Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
Minimum Confidence = 80
Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good			fair						poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

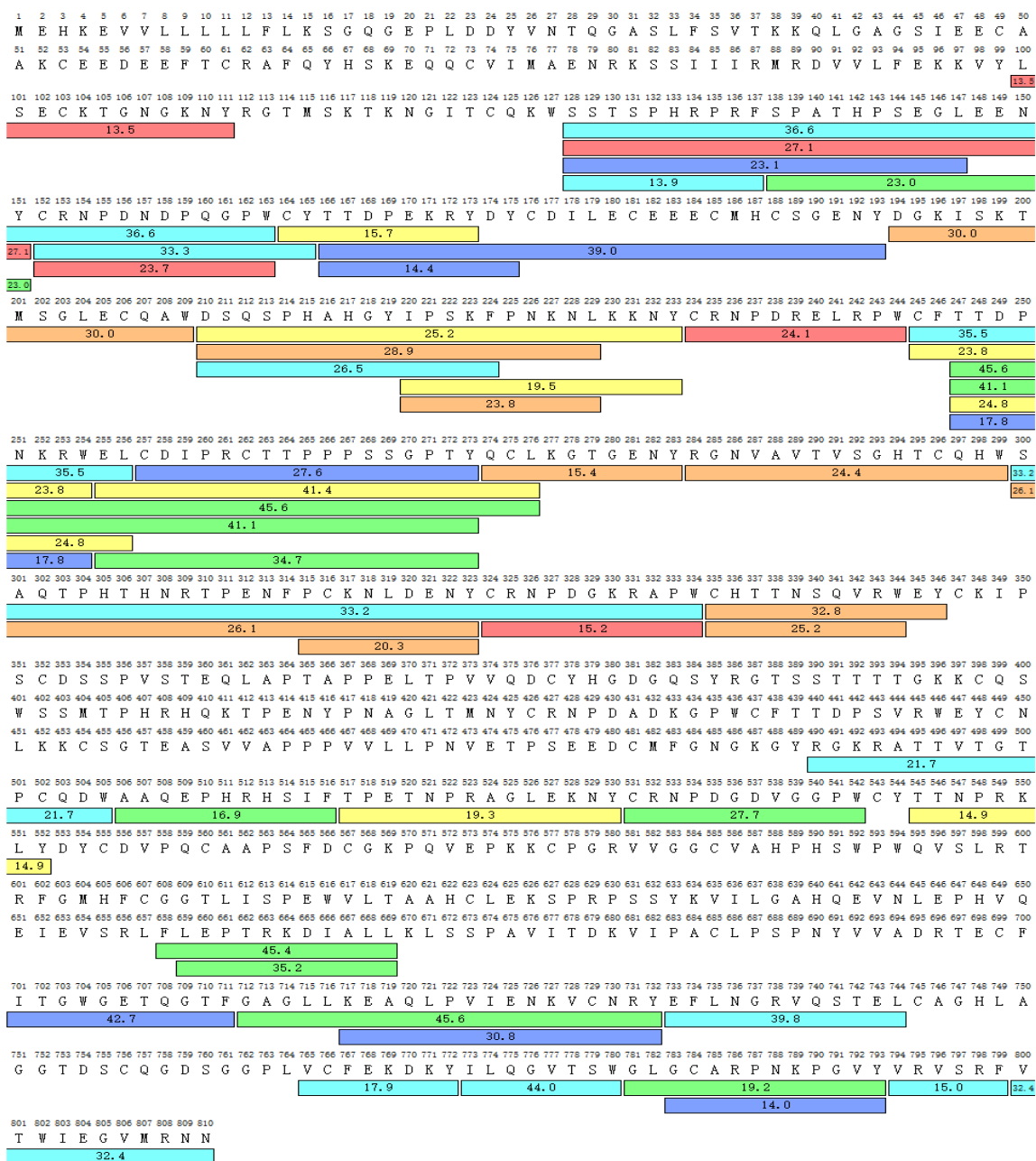


图2 样本 N1 在 Chymotrypsin 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 05/20/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 512000
 Data File = BPI_24013_human_N1-ASP-N.raw
 Protease = Asp

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	470	21.4%	45.6%	100.00%
Unidentified	4096	78.6%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good			fair						poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

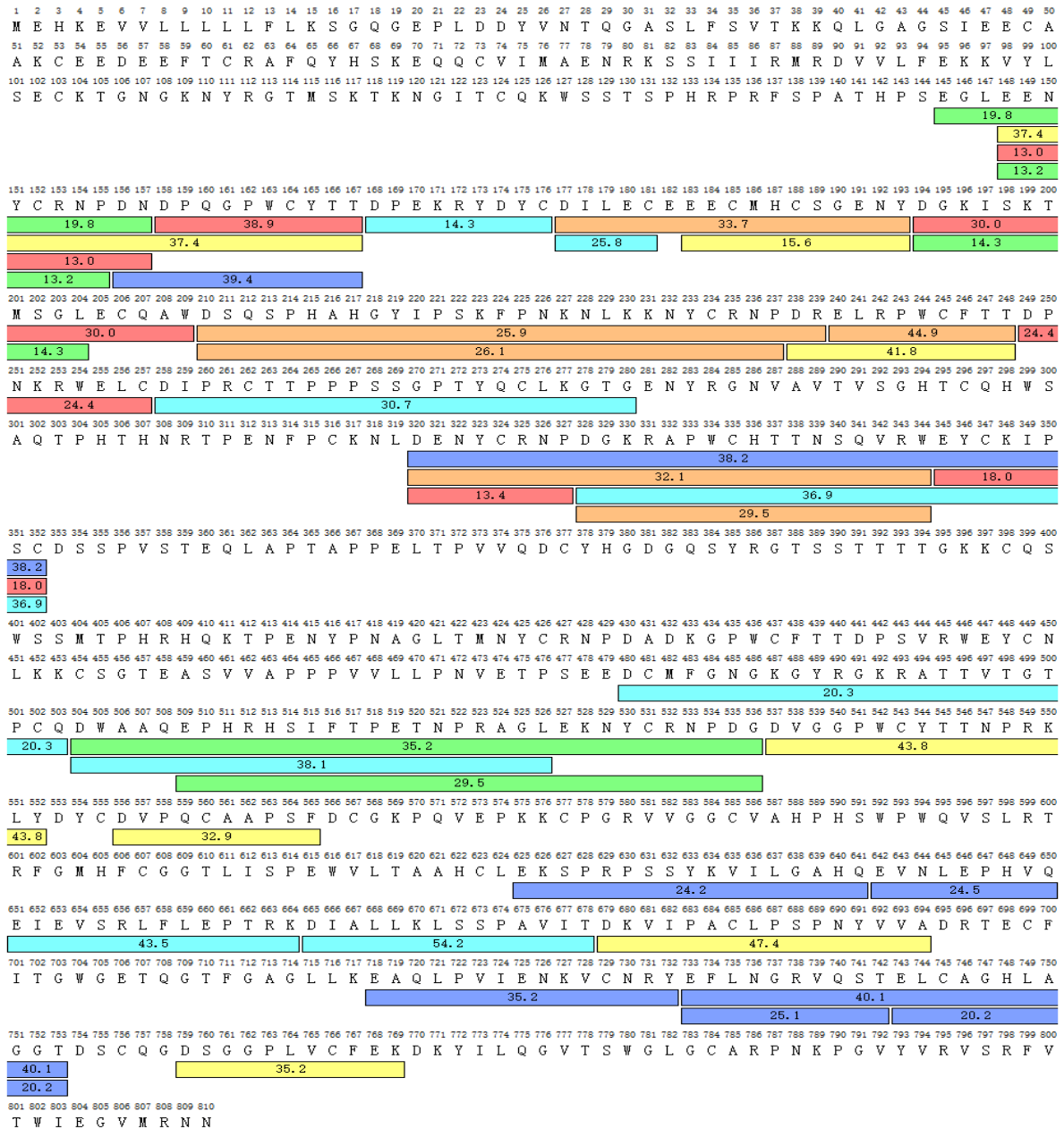


图3 样本N1在ASP-N酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 05/21/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 2.048e+06
 Data File = BPI_24013_human_N2-trypsin.raw
 Protease = Trypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	795	42.4%	61.7%	100.00%
Unidentified	3128	57.6%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good			fair						poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

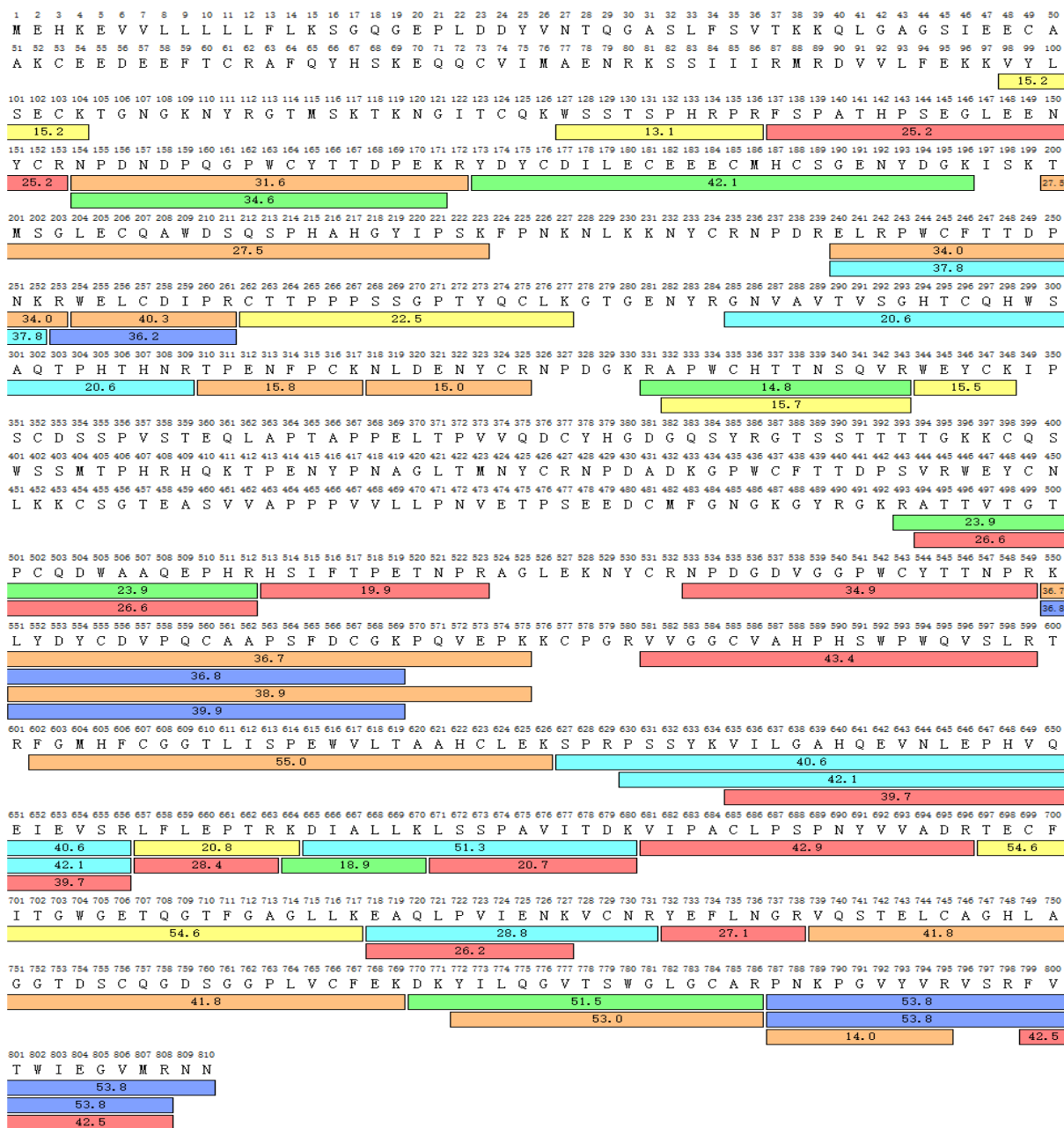


图4 样本 N2 在 Trypsin 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 05/20/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 512000
 Data File = BPI_24013_human_N2-ASP-N.raw
 Protease = Asp

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	597	36.1%	43.2%	100.00%
Unidentified	3538	63.9%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good			fair						poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

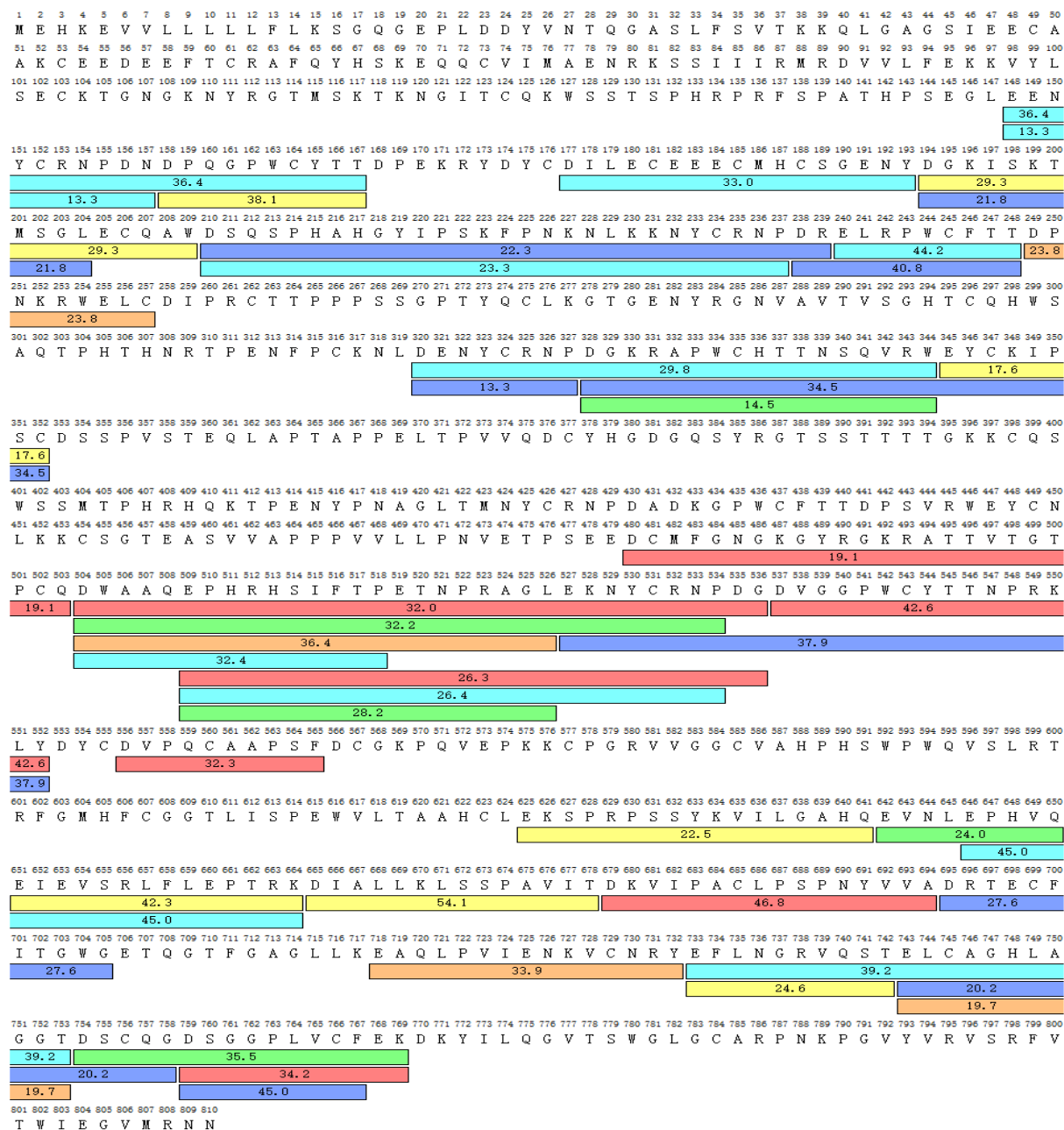


图6 样本N2在ASP-N酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 06/02/21 by 86176
Data Folder = Z:\2021\05\0519\
Minimum MS Signal = 4.096e+06
Data File = BPI_24013_human_S1-trypsin.raw
Protease = Trypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	446	36.4%	51.4%	100.00%
Unidentified	1883	63.6%		

Minimum Recovery = 1%
Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
Minimum Confidence = 80
Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good	fair	poor							

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

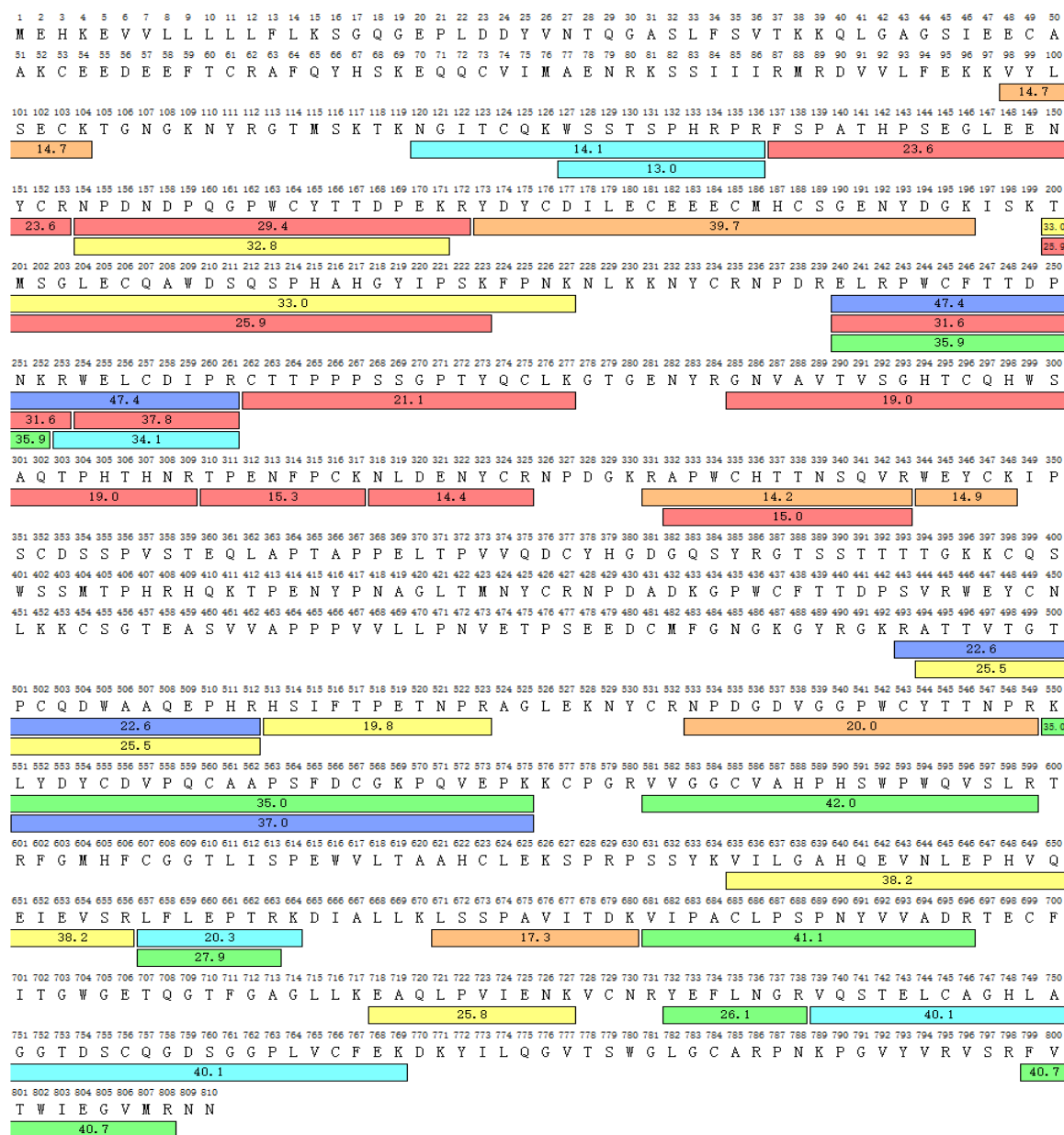


图 7 样本 S1 在 Trypsin 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 06/02/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 2.048e+06
 Data File = BPI_24013_human_S1-chymotrypsin.raw
 Protease = Chymotrypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	573	27.1%	59.1%	100.00%
Unidentified	3117	72.9%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good		fair							poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

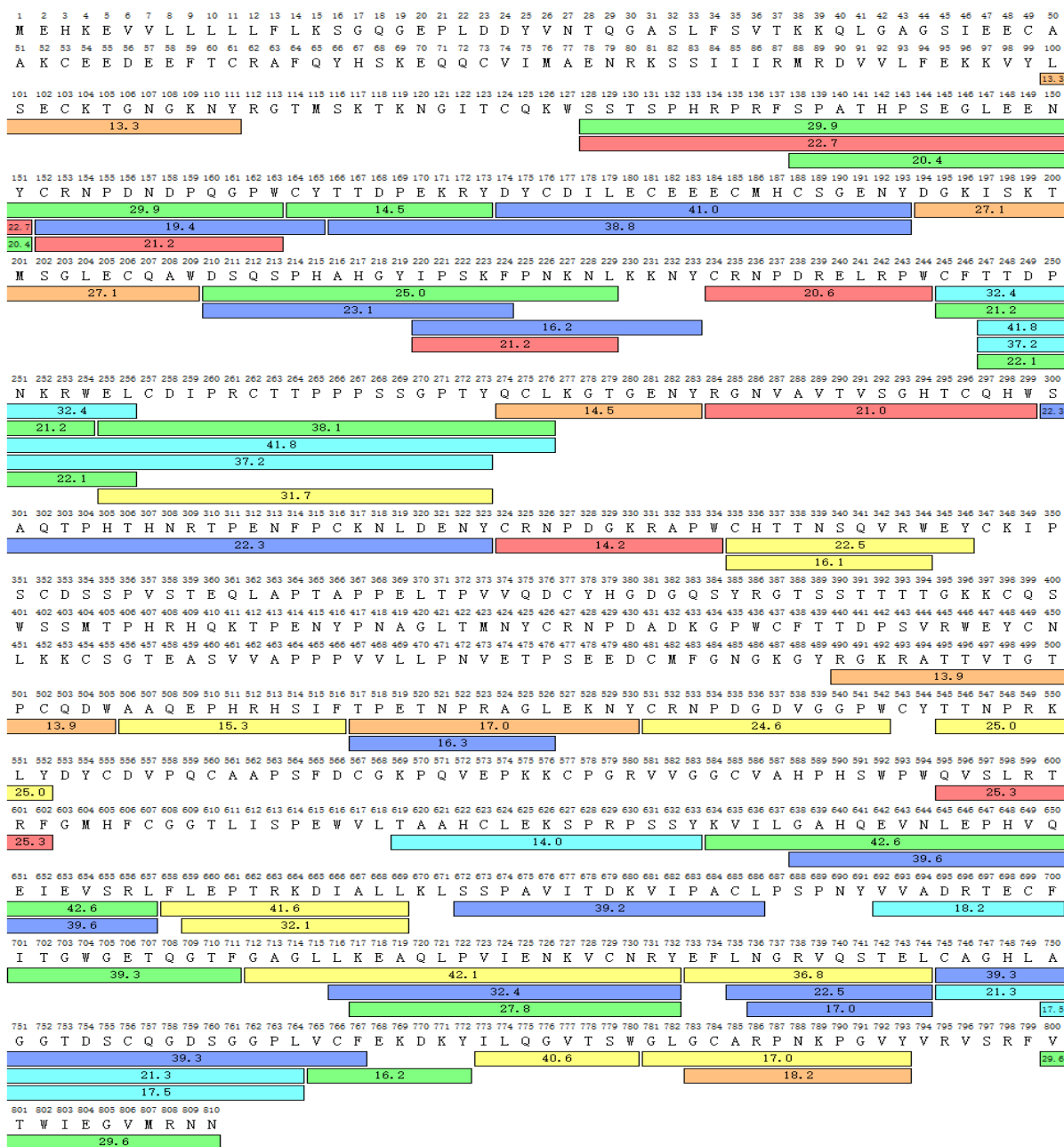


图8 样本 S1 在 Chymotrypsin 酶切时的序列覆盖率

Sequence Coverage Map

Created on 06/02/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 2.048e+06
 Data File = BPI_24013_human_S1-ASP-N.raw
 Protease = Asp

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	204	18.4%	39.4%	100.00%
Unidentified	1527	81.6%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good				fair					poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

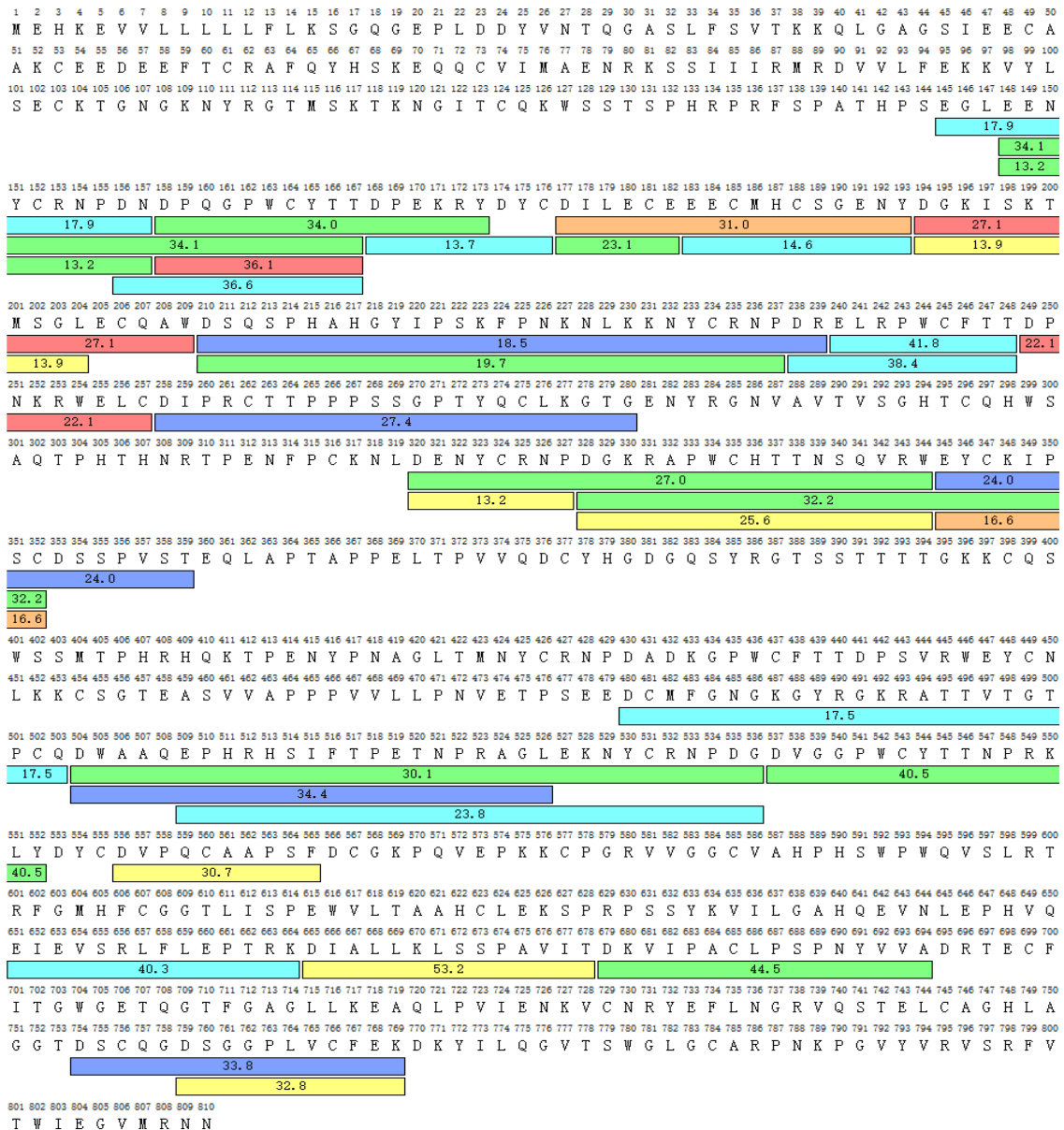


图9 样本 S1 在 ASP-N 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 06/02/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 4.096e+06
 Data File = BPI_24013_human_S2-trypsin.raw
 Protease = Trypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	199	43.7%	58.9%	100.00%
Unidentified	998	56.3%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good			fair						poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

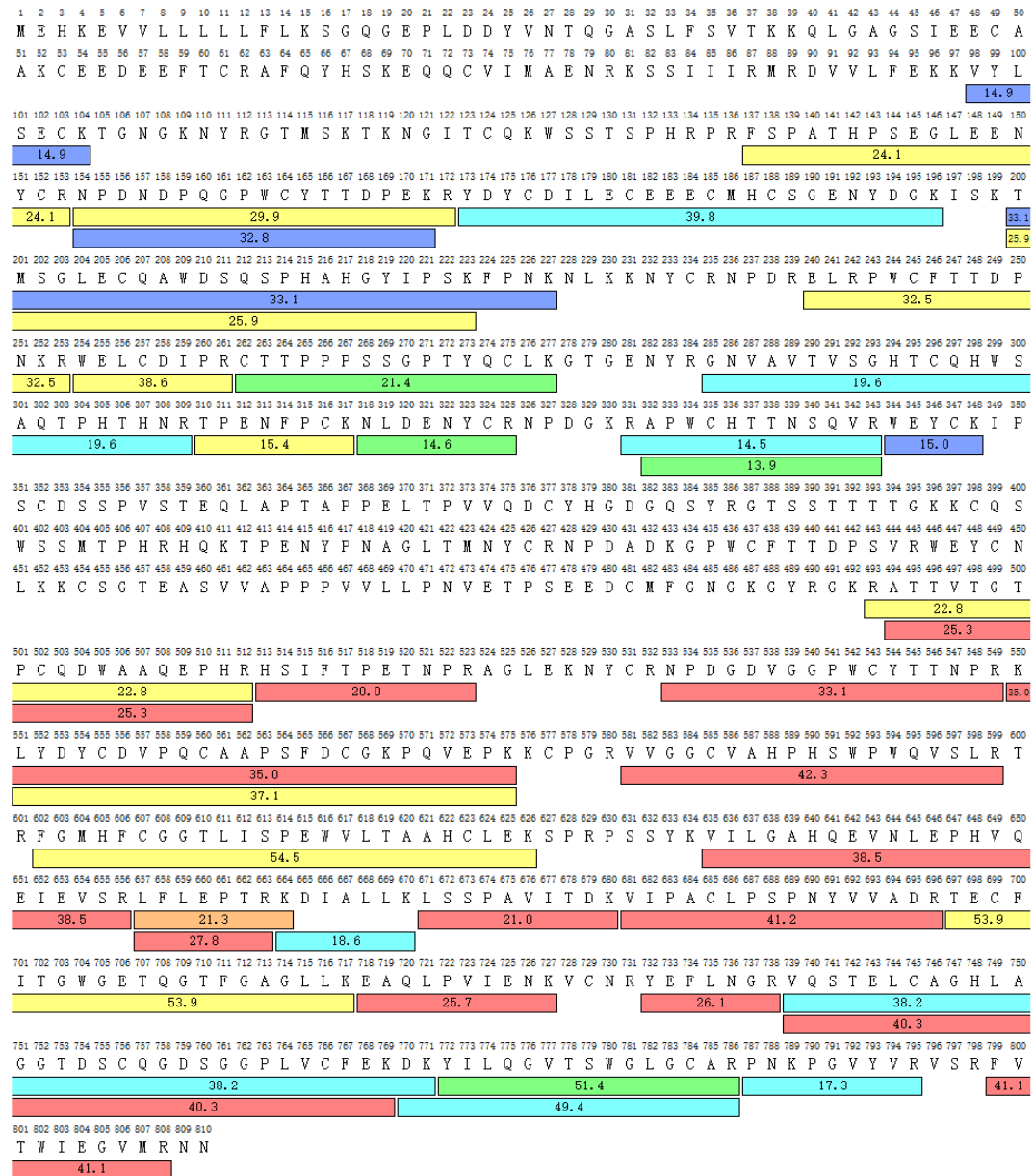


图 10 样本 S2 在 Trypsin 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 06/02/21 by 86176
Data Folder = Z:\2021\05\0519\
Minimum MS Signal = 2.048e+06
Data File = BPI_24013_human_S2-chymotrypsin.raw
Protease = Chymotrypsin

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	905	40.4%	61.7%	100.00%
Unidentified	3731	59.6%		

Minimum Recovery = 1%
Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
Minimum Confidence = 80
Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good			fair						poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

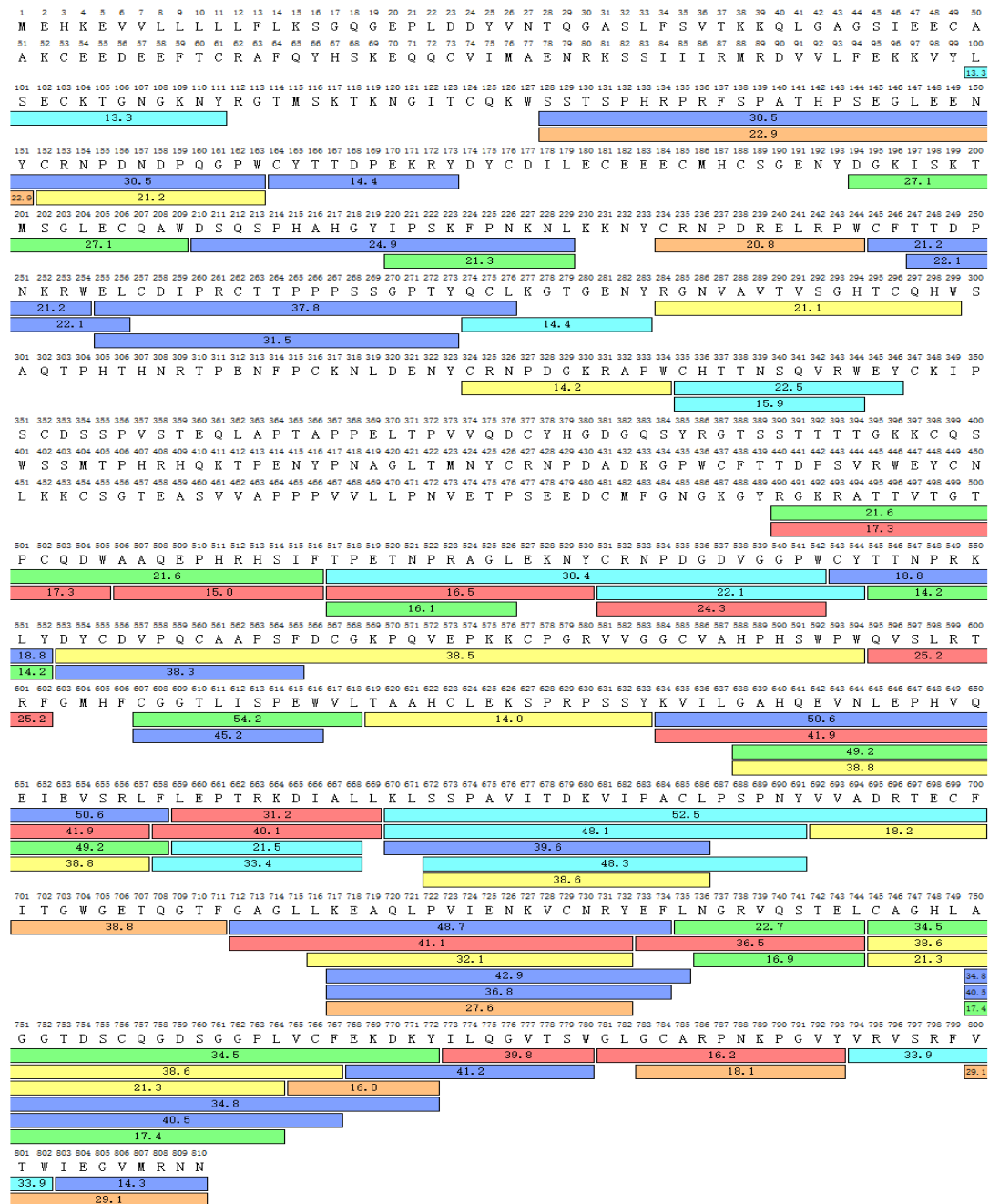


图 11 样本 S2 在 Chymotrypsin 酶切时的序列覆盖度

Sequence Coverage Map

Created on 06/02/21 by 86176
 Data Folder = Z:\2021\05\0519\
 Minimum MS Signal = 2.048e+06
 Data File = BPI_24013_human_S2-ASP-N.raw
 Protease = Asp

Proteins	Number of MS Peaks	MS Peak Area	Sequence Coverage	Abundance (mol)
1:AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]	227	20.7%	41.6%	100.00%
Unidentified	1642	79.3%		

Minimum Recovery = 1%
 Minimum Recovery of Overlapping Peptides = 0%
 Minimum Confidence = 80
 Maximum Mass = 7000

Color code for peptide recovery

>50.0%	>20.0%	>10.0%	>5.0%	>2.0%	>1.0%	>0.5%	>0.2%	>0.1%	>0.0%
good				fair					poor

AAA60113.1 plasminogen [Homo sapiens]

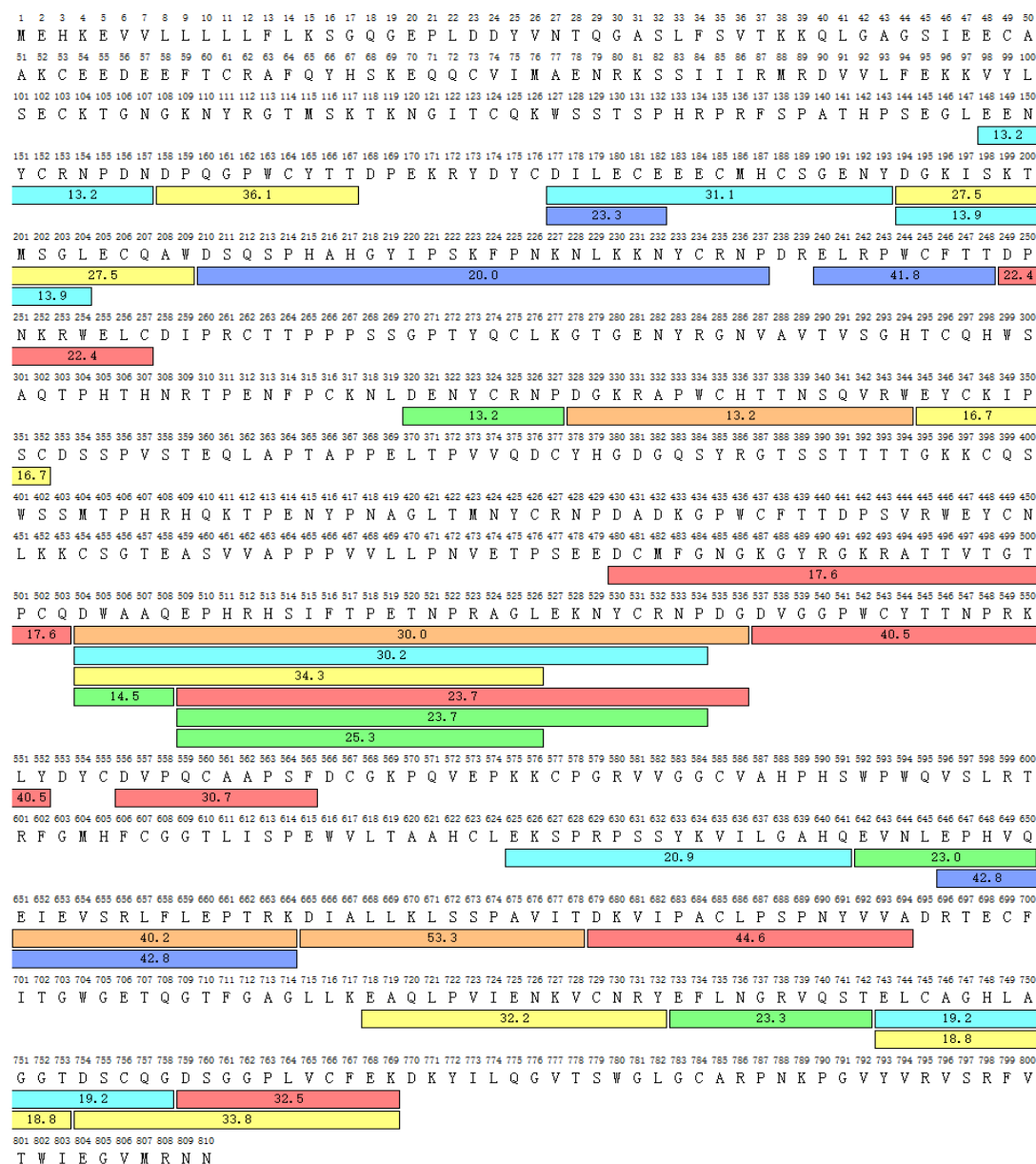


图 12 样本 S2 在 ASP-N 酶切时的序列覆盖度

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院
刘文渊：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：静脉抽血 3-5 mL，凝固后进行血块溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 刘文渊 联系电话：1737465750 日期：22.08.08

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 刘文渊 联系电话：18761527531 日期 22.08.08

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

王年锋：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：静脉抽血 3-5 mL，凝固后进行血块溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 王年锋 联系电话：13107873262 日期：22.8.8

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 王年锋 联系电话：13107873262 日期 22.8.8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

毛雨锐：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：静脉抽血 3-5 mL，凝固后进行血块溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 毛雨锐 联系电话：15880987180 日期：22.08.08

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 毛雨锐 联系电话：1876527537 日期 22.08.08

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

蒋阿文：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：静脉抽血 3-5 mL，凝固后进行血块溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 蒋阿文 联系电话：18302297042 日期：22.08.08

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 江明 联系电话：1876527531 日期 22.08.08

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

林宏峻：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：静脉抽血 3-5 mL，凝固后进行血块溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 林宏峻 联系电话：1351201679 日期：22.08.08

受试者代理人签字 _____ 联系电话：_____ 日期：_____

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 林宏峻 联系电话：1351201679 日期 22.08.08

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

李信华：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 李信华 联系电话：18090809 日期：2022.9.14

受试者代理人签字 李林 联系电话：13107615985 日期：2022.9.14

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 叶晓超 联系电话：1301582328 日期：2022.9.14

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

李宝治：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，并且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 李宝治 联系电话：18006057557 日期：2022.8.17

受试者代理人签字 陈必贤 联系电话：18006057557 日期：2022.8.17

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 叶晓超 联系电话：13015823208 日期：2022.8.17

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

魏国国：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 魏国国 联系电话：_____ 日期：_____

受试者代理人签字 李伯 联系电话：13959705870 日期：2022-8-24

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 叶庆超 联系电话：13015823208 日期：2022-8-24

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

陈章铁：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 陈章铁 联系电话：_____ 日期：_____

受试者代理人签字 陈章铁 联系电话：13459995000 日期：2022-8-8

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 陈章铁 联系电话：13015823208 日期 2022-8-8

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

王连兴：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 王连兴 联系电话：_____ 日期：_____

受试者代理人签字 王永发 联系电话：13514000658 日期：2022.8.12

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 叶晓超 联系电话：13015823208 日期：2022-8.12

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

郭孙丰：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，并且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 郭孙丰 联系电话：15819595799 日期：2022.9.16

受试者代理人签字 郭月 联系电话：17780446630 日期：2022.9.16

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 郭孙丰 联系电话：13018823208 日期：2022.9.16

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

知情同意书

项目名称：星虫纤溶酶抗血栓活性测定

研究机构：华侨大学医学院、福建医科大学附属第二医院、福建医科大学附属泉州第一医院

傅子灯：

您将被邀请参加星虫纤溶酶抗血栓活性测定项目的研究。请您仔细阅读，如有任何疑问请向负责该项研究的研究者提出，我们将给您全面的说明。您参加本项研究是完全自愿的。本次研究已通过本研究机构伦理审查委员会审查。

研究目的：测定星虫纤溶酶的抗血栓活性。

风险与不适：无。

主要内容：使用您在医院手术取下的脑血栓栓体进行血栓溶解实验。

受益：若该项目具有可行性，这对新药开发十分必要。

费用：此项目所需要的有关研究费用由课题组承担。

作为研究受试者，您需要：提供有关自身和当前身体状况的真实情况。

隐私问题：如果您决定参加本项研究，您参加试验及在试验中的个人资料均属保密。这项研究结果发表时，将不会披露您个人的任何资料。

您可随时了解与本研究有关的信息资料和研究进展，如果您有与本研究有关的问题可以通过电话与研究者的联系。

患者（受试者）同意声明

我已经阅读并完全理解了上述有关本研究的介绍，而且有机会就此项研究与医生讨论并提出问题。我提出的所有问题都得到了满意的答复。

我知道参加本研究可能产生的风险和受益。我知晓参加研究是自愿的。

患者（受试者）签字 傅子灯 联系电话：_____ 日期：_____

受试者代理人签字 傅顺福 联系电话：15886845553 日期：2022.9.12

医生（研究者）声明

我确认已向患者解释了本项研究的详细情况，包括其权力以及可能的受益和风险。

医生（研究者）签字 叶励超 联系电话：1305823208 日期：2022.9.12

（注：如果受试者不识字时尚需见证人签名，如果受试者无行为能力时则需代理人签名）

福建医科大学附属第二医院

姓名李俊华 性别男 年龄53岁 病区(科)19区神经内科 床号1923 住院号22066688

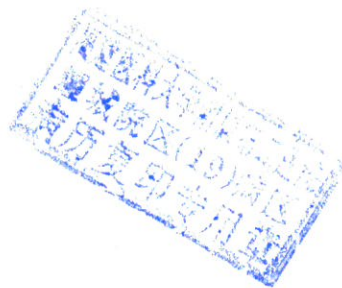
出院小结

入院诊断：急性脑梗死
右侧颈内动脉闭塞
偏瘫
高血压病3级(极高危)

入院时间：2022年09月14日12时05分

手术名称：经皮颅内动脉取栓术+经皮颈内手术时间：2022-09-14
动脉颅内段球囊扩张成形术+脑
保护伞下颈动脉支架置入术+脑
血管造影+两根血管操作

出院诊断：右侧颈动脉闭塞脑梗死并右侧出院时间：2022年10月09日11时03分
枕叶梗死后出血
大脑动脉夹层形成，未破
裂(右侧颈内动脉C1段夹层)
吸入性肺炎(铜绿假单胞菌)
肝功能检查的异常结果
高血压性心脏病
缺血性脑水肿
不完全性偏瘫
高血压病3级(极高危)
轻度贫血
肺肿物(双肺多发结节)
癌胚抗原CEA升高



入院时情况：

患者，李俊华，男，53岁，以“醒后发现左侧肢体乏力伴言语含糊7小时余”为主诉入院。入院查体：T36.4℃ P75次/分 R20次/分 BP145/78mmHg，心、肺、腹查体未见明显异常。专科检查：神清，构音含糊，双瞳孔2.5mm，对光反应灵敏，双眼向右凝视，左侧鼻唇沟浅，伸舌左偏，左侧肢体肌力2级，肌张力减弱，右侧肢体肌力5级，肌张力正常。NIHSS评分：11分。

主要化验及特殊检查结果：

(2022-09-14外院)头颅CTA提示颈内动脉闭塞(未见报告单)。

2022-09-15，(血常规)血细胞分析[全血细胞计数+六分类]：白细胞计数* $18.72 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 90%，中性粒细胞* $16.85 \times 10^9/L$ ，血红蛋白* 99g/L，血小板* $152 \times 10^9/L$ ；2022-09-15，(尿常规)尿液分析：潜血* +++，酮体* -，蛋白质(PRO)* -，红细胞(镜检) +++/Hp；2022-09-15，传染病四项：乙肝表面抗原* 0IU/ml，丙肝抗体* 0.05s/co，艾滋病毒抗体 0.46s/co，梅毒特异抗体 0.13s/co；2022-

福建医科大学附属第二医院

姓名李俊华 性别男 年龄53岁 病区(科)19区神经内科 床号1923 住院号22066688

09-15, 血浆D-二聚体测定(D-Dimer)[各种免疫学方法,凝血筛查:凝血酶原时间 12秒,活化部分凝血活酶时间 23.7秒,凝血酶时间 17.6秒,血浆D-二聚体 1.58ug/ml; 2022-09-15, 甲功三项:游离三碘甲状腺原氨酸 3.53pmol/L, 游离甲状腺素 15.1pmol/L, 促甲状腺激素 0.431mIU/L; 2022-09-15, 癌胚抗原,糖类抗原125,糖类抗原19-9,甲胎蛋白:癌胚抗原 6.49ng/ml; 2022-09-15, 总前列腺特异抗原:总前列腺特异抗原 0.458ng/ml; 2022-09-15, [新]常规生化全套检查,血同型半胱氨酸测定(检验科):谷丙转氨酶 15.5U/L, 谷草转氨酶 15.4U/L, 总蛋白* 56.3g/L, 白蛋白* 40.5g/L, 葡萄糖* 5.17mmol/L, 肌酐* 72umol/L, 尿酸* 385umol/L, 总胆固醇* 3.15mmol/L, 高密度脂蛋白 0.97mmol/L, 钾* 3.62mmol/L, 血同型半胱氨酸测定(检验科) 14.41umol/l; 2022-09-15, [新]糖化血红蛋白测定:糖化血红蛋白A1C* 4.7%; 2022-09-15, 新冠病毒核酸检测(10合1混检):新型冠状病毒核酸检测 阴性; 2022-09-15, TCD:所检颅内血管血流频谱及流速未见明显异常; 2022-09-15, 胸部及头颅CT:1.左枕叶大片低密度区及右枕叶稍低密度区,梗死?建议MR检查;2.双肺多发炎症性改变;3.双肺多发微小结节及小结节,建议随诊复查。 2022-09-18, 新冠病毒核酸检测(10合1混检):新型冠状病毒核酸检测 阴性; 2022-09-20, 粪便常规,粪便隐血试验(OB)[单克隆法]组合:隐血(OBT) 阴性(-); 2022-09-20, [新]血气分析组合:PH值 7.38, 二氧化碳分压 38.9mmHg, 氧分压 115mmHg, 实际碳酸氢根 22.6mmol/L, 标准碳酸氢根 23mmol/L, 乳酸 2.3mmol/L; 2022-09-19, 下肢静脉血管彩超(双侧):双侧髂外静脉、股总静脉、股浅静脉、大隐静脉、小隐静脉、腓静脉、胫前静脉、胫后静脉未见明显血栓; 2022-09-19, 心脏彩超:左室肥厚;轻度三尖瓣返流; 2022-09-20, CT胸部平扫:1.双侧枕叶、基底节区低密度区梗死,较前范围缩小、密度减低;2.双肺多发炎症性改变,较前进展;3.双肺多发微小结节及小结节,较前相仿。 2022-09-21, 血常规:白细胞计数* $9.5 \times 10^9/L$, 中性粒细胞* 75.7%, 淋巴细胞* 11.4%, 血红蛋白* 98g/L, 血小板* $319 \times 10^9/L$; 2022-09-21, 降钙素原:降钙素原 0.145ng/ml; 2022-09-21, 急诊生化全套:葡萄糖 4.39mmol/L, 尿素氮 4.48mmol/L, 肌酐 67.7umol/L, 尿酸 410umol/L, 钾 3.6mmol/L, 钠 147mmol/L; 2022-09-21, 肝功能检查:谷丙转氨酶 282.1U/L, 谷草转氨酶 98.7U/L, 总蛋白* 70.3g/L, 白蛋白* 44.9g/L, 碱性磷酸酶* 232U/L, r-谷氨酰转肽酶* 195U/L; 2022-09-21, C-反应蛋白: C-反应蛋白 35.53mg/L; 2022-09-21, 新冠病毒核酸检测(10合1混检):新型冠状病毒核酸检测 阴性; 2022-09-22, TCD:血流速度及频谱大致同前; 2022-09-24, 新型冠状病毒核酸检测 阴性; 2022-09-25, [新]痰液培养(培养+涂片):铜绿假单胞菌; 2022-09-26, 头颅CT平扫、胸部CT平扫:1.左侧枕叶低密度区,考虑软化灶;2.左侧基底节区及颞叶梗死,范围较前缩小;3.右侧丘脑区及枕叶混杂密度区范围较前增大,考虑出血性梗死;4.双肺多发炎症性改变,较前好转;5.双肺多发微小结节及小结节,

福建医科大学附属第二医院

姓名李俊华 性别男 年龄53岁 病区(科)19区神经内科 床号1923 住院号22066688

较前相仿。2022-09-26, 血常规: 白细胞计数* $14.4 \times 10^9/L$, 中性粒细胞* 82.2%, 淋巴细胞* 9%, 中性粒细胞* $11.87 \times 10^9/L$, 单核细胞* $0.87 \times 10^9/L$, 血红蛋白* 97g/L, 红细胞比积测定* 0.304L/L, 平均红细胞体积* 68.5fL, 平均血红蛋白* 21.9pg, 血小板* $471 \times 10^9/L$, 血小板压积* 0.439%, 未成熟中性粒细胞 $0.1 \times 10^9/L$, 红细胞分布宽度-SD 35.8fL; 2022-09-26, 急诊生化全套: 阴离子间隙 21mmol/L, 镁 1.1mmol/L, 钠 146mmol/L; 2022-09-26, C-反应蛋白: C-反应蛋白 17.09mg/L; 2022-09-26, 肝功能检查: 谷丙转氨酶 74.7U/L, 谷草转氨酶 63.8U/L, 碱性磷酸酶* 176U/L, r-谷氨酰转肽酶* 111U/L; 降钙素原未见异常;

2022-09-27, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性;

2022-09-30, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性;

2022-10-03, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性;

2022-10-06, 头颅及胸部CT平扫: 1. 左侧枕叶低密度区较前相仿, 考虑软化灶; 2. 左侧基底节区及颞叶梗死较前相仿, 新见左侧额叶梗死灶; 3. 左侧额叶、右侧丘脑区、右侧枕叶混杂密度区较前增多, 考虑出血性梗死; 4. 右侧脑室积血; 5. 扫及右侧上颌窦、左侧筛窦炎症改变; 6. 双肺炎症性改变, 较前吸收好转; 7. 双肺多发微小结节及小结节, 较前相仿。2022-10-06, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性;

2022-10-08, 血常规: 白细胞计数* $10 \times 10^9/L$, 中性粒细胞* 77%, 淋巴细胞* 11.7%, 中性粒细胞* $7.71 \times 10^9/L$, 单核细胞* $0.61 \times 10^9/L$, 红细胞计数* $4.25 \times 10^{12}/L$, 血红蛋白* 91g/L, 红细胞比积测定* 0.286L/L, 平均红细胞体积* 67.4fL, 平均血红蛋白* 21.5pg, 血小板压积* 0.296%, 红细胞分布宽度-SD 35.2fL; 2022-10-08, 急诊生化全套: 二氧化碳 34mmol/L, 镁 1.01mmol/L, 钠 146mmol/L; 2022-10-08, C-反应蛋白: C-反应蛋白 25.23mg/L; 2022-10-08, 血浆D-二聚体测定(D-Dimer)[各种免疫学方法, 凝血筛查: 血浆纤维蛋白原 5.95g/L, 血浆D-二聚体 0.71ug/ml; 2022-10-08, 肝功能检查: 谷草转氨酶 48.7U/L, 白球比例 2.58, 球蛋白 19.2g/L。

住院经过:

入院后急诊行“经皮颅内动脉取栓术+经皮颈内动脉颅内段球囊扩张成形术+脑保护伞下颈动脉支架置入术+脑血管造影+两根血管操作”, 术中诊断右侧颈内动脉夹层脑梗死。术后脑水肿明显, 予“头孢曲松→头孢他啶”抗感染, “奥氮平”镇静, “曲唑酮”抗戒断, “维生素B1”营养神经, “浓钠、白蛋白、速尿”脱水, “氯吡格雷、阿司匹林”抗板, “谷胱甘肽、易善复”保肝, 化痰、雾化等处理。现患者仍意识不清, 家属要求转当地医院继续治疗, 告知转运途中风险, 其表示知情理解, 予办理自动出院。

出院情况: (○治愈●好转○未愈○死亡○其他)

患者烦躁不安, 咳嗽、咳痰症状较前缓解, 余无不适。查体: 心、肺、腹查体未见明显异常。专科检查: 朦胧状态, 双瞳孔1.5mm, 对光反应灵敏, 左侧肢体肌力5级,

福建医科大学附属第二医院

姓名李俊华 性别男 年龄53岁 病区(科)19区神经内科 床号1923 住院号22066688

肌张力增高，右侧肢体肌力5级，肌张力增高，余神经科查体欠配合。

出院医嘱：奥氮平片(奥夫平) 5mg 口服 qn [出]

苯磺酸氨氯地平片(京新) 5mg 口服 qd [出]

氯吡格雷片(泰嘉) 75mg 口服 qd [出]

艾地苯醌片 30mg 口服 tid [出]

雷贝拉唑钠肠溶片 10mg 口服 qd [出]

曲唑酮片 50mg 口服 qn [出]

普罗布考片(畅泰) 0.5g 口服 bid [出] (早晚餐时)

1. 出院带药：如上述；

2. 外院继续康复治疗，1周后复查肝功能；

3. 心内科、内分泌科、神经内科随访，调整治疗方案，规律服药，定期复查血常规、生化全套情况；服药期间注意有无牙龈出血、黑便、皮肤出血点等情况，若出现上述症状，请立即停药并医院就诊；若出现突发的肢体乏力或麻木神经功能症状体征或加重，随时复诊；

4. 本次住院为专科诊治，不能取代常规体检，建议定期体检和随访；

叶励超主任医师门诊 周一早上(东海) 周四全天(鲤城)

陈继兴副主任医师门诊 周三、周五下午(鲤城)

上级医师：黄鸿裕

医师：

陈继兴



福建医科大学附属第二医院公众号：

福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 李俊华

性别 男

年龄 53岁

住院号 22066688

所属单位： -

住院时间：2022年09月14日—2022年10月09日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

右侧颈动脉闭塞脑梗死并右侧枕叶梗死后出血
大脑动脉夹层形成，未破裂（右侧颈内动脉C1段夹层）
吸入性肺炎（铜绿假单胞菌）
肝功能检查的异常结果
高血压性心脏病
缺血性脑水肿
不完全性偏瘫
高血压病3级（极高危）
轻度贫血
肺肿物（双肺多发结节）
癌胚抗原CEA升高
建议：



医师：黄鸿裕

2022年10月09日

（不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效）

福建医科大学附属第二医院

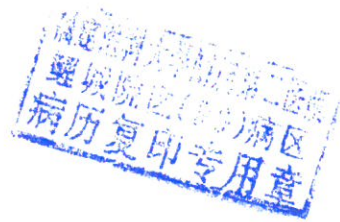
姓名李宝治 性别女 年龄51岁 病区(科)30区神经内科 床号3012 住院号 22059655

出院小结

入院诊断：急性中度脑梗死
类风湿性关节炎
瘫痪
入院时间：2022年08月19日17时07分

手术名称：经皮颅内动脉取栓术+脑血管造影手术时间：2022-08-19
影+主动脉弓造影

出院诊断：大脑动脉血栓形成引起的脑梗死
左侧大脑中动脉闭塞
缺氧缺血性脑病
脑水肿
昏迷
呼吸心跳骤停
呼吸衰竭
慢性心力衰竭
心肌损害待查：急性冠脉综合征？脑梗死？
类风湿性关节炎
出院时间：2022年08月21日18时06分



入院时情况：

患者 李宝治，女，51岁，汉族，以突发右侧肢体乏力、言语不能8小时.为主诉入院。既往史：类风湿病史10余年（具体服药不详），3年前曾行右侧趾关节手术（具体不详）。查体：T36.2℃，P79次/分，R20次/分，BP112/79mmHg。双侧脚趾畸形。专科查体：NIHSS评分：17分。神志朦胧，查体部分合作，混合性失语。双侧瞳孔等大等圆，直径2.5mm，对光反射灵敏，右侧鼻唇沟变浅，伸舌不能配合。右侧肢体肌力2级，左侧肢体肌力5级，四肢肌张力正常，右侧巴氏征阳性，左侧巴氏征阴性。颈无抵抗，布氏征阴性，双克氏征阴性。余颅神经检查患者不能配合。

主要化验及特殊检查结果：

【急诊检查检验】

2022-08-19，头颈CTA：1、左大脑中动脉 M1段 闭塞；2、动脉粥样硬化改变：左椎动脉 V1段中度狭窄。

2022-08-19，血常规：白细胞计数* $12.21 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 81.5%，淋巴细胞* 11.5%，嗜酸性粒细胞* 0.2%，中性粒细胞* $9.95 \times 10^9/L$ ，单核细胞* $0.83 \times 10^9/L$ ，红细胞计数* $4.04 \times 10^{12}/L$ ，血红蛋白* 113g/L，红细胞比积测定* 0.337L/L，红细胞分布宽度-CV 15.6(ratio)，血小板* $376 \times 10^9/L$ ，血小板压积* 0.35%，未成熟中性粒细胞 $0.2 \times 10^9/L$ ，未成熟中性粒细胞 1.6%；急诊生化全套：葡萄糖

福建医科大学附属第二医院

姓名李宝治 性别女 年龄51岁 病区(科)30区神经内科 床号3012 住院号 22059655

8.14mmol/L, 尿素氮 6.77mmol/L, 肌酐 93.8umol/L, 钠 136mmol/L; 血清肌钙蛋白 I 测定 3.69ng/mL, N端-B型钠尿肽前体 5475pg/ml; 血浆D-二聚体测定(D-Dimer)[各种免疫学方法,凝血筛查: 血浆纤维蛋白原 5.64g/L, 血浆D-二聚体 4.72ug/ml;

【检查】

2022-08-19, 头颅CT: 左大脑中动脉M1段闭塞: 取栓术后改变如上述, 请结合临床。

2022-08-20, 头颅CT: 左大脑中动脉M1段闭塞: 取栓术后改变如上述, 请结合临床。

住院经过:

入院后完善相关检查, 未见明显手术禁忌, 考虑左侧大脑中动脉动栓塞脑梗死, 于8.19行“脑血管造影+主动脉弓造影”, 造影结果提示: 左侧颈内动脉、大脑前动脉及各级分支显影清楚, 未见明显狭窄闭塞。左侧大脑中动脉近端以远未显影, AOL 0分, CBS 4分。行经颅内膜取栓术, 复查造影大脑中动脉完全再通, AOL3级, mTICI 3级, 大脑中动脉上干可见局限性狭窄, 考虑血管痉挛, 予尼莫同静脉微泵5分钟后复查造影见血管光滑。术后予“氯吡格雷”抗血小板, “多巴胺”升压, “白蛋白”脱水降颅压, 抗炎、补钾、补钙、改善循环等处理。8.21 13:50床边心电图监护示心率30次/分, SpO2、血压测不出, 即刻查体: 颈动脉未扪及搏动, 深昏迷, 双侧瞳孔散大, 直径约4mm, 对光反射消失, 遂立即予胸外心脏按压, 置入口咽通气管, 外接简易呼吸器辅助通气, 并立即请麻醉科医师床边行气管插管, 间断予“肾上腺素”强心、“阿托品”升心率、呼吸机辅助呼吸等处理, 经上述抢救措施心肺复苏30分钟以上, 抢救期间患者仍反复出现心跳呼吸骤停, 15:00床边心电图监护: P67次/分, R12次/分(有创呼吸机辅助通气), SpO2 61%, 血压测不出, 神志深昏迷, 双瞳孔散大约6mm, 对光反应消失。将病情告知家属, 家属听取医生意见, 鉴于病情危重, 预后极差, 放弃进一步抢救治疗, 签字为证, 予按自动出院办理。

出院情况: (○治愈●好转○未愈○死亡○其他) 伤口愈合: 0/0

现患者神志深昏迷, P67次/分, R12次/分(有创呼吸机辅助通气), SpO2 61%, 血压测不出, 神志深昏迷, 双瞳孔散大约6mm, 对光反应消失。

出院医嘱:

建议外院进一步诊治。

上级医师:

医师:

吴玮琦

福建医科大学附属第二医院公众号:



福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 李宝治

性别 女

年龄 51岁

住院号 22059655

所属单位：-

住院时间：2022年08月19日—2022年08月21日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

大脑动脉血栓形成引起的脑梗死

左侧大脑中动脉闭塞

缺氧缺血性脑病

脑水肿

昏迷

呼吸心跳骤停

呼吸衰竭

慢性心力衰竭

心肌损害待查：急性冠脉综合征？脑梗死？

类风湿性关节炎

建议：



医师：郭泽铭

2022年08月25日

（不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效）

福建医科大学附属第二医院

姓名魏园园 性别女 年龄33岁 病区(科)30区神经内科 床号3006 住院号 22060638

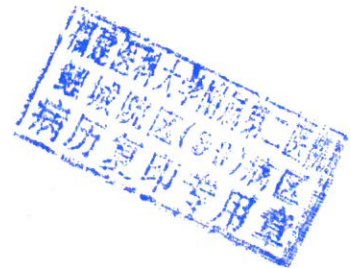
出院小结

入院诊断：基底动脉栓塞脑梗死
急性瘫痪
心房颤动
心脏瓣膜病置换术后
心功能不全
急性上消化道出血？

入院时间：2022年08月24日01时28分

手术名称：经颅动脉取栓术+脑血管造影手术时间：2022-08-24
影

出院诊断：大脑动脉栓塞引起的脑梗死 出院时间：2022年09月08日15时58分
死（基底动脉尖、左侧大脑前
动脉）
心房颤动
急性偏瘫
运动性失语
慢性心力衰竭
急性上消化道出血可能
心脏瓣膜病（二尖瓣生物瓣置换
术后）



入院时情况：

患者魏园园，女，33岁，以“突发人事不省4小时”为主诉入院。查体：T36.2℃，P86次/分，R20次/分，BP142/99mmHg，心律绝对不齐，第一心音强弱不等，神志嗜睡，无法对答，查体部分配合，双侧瞳孔等大等圆，直径2.5mm，对光反射灵敏，双侧鼻唇沟等浅，伸舌欠配合，左侧肢体肌力3-4级，右侧肢体肌力2级，右侧巴氏征阳性，左侧巴氏征阴性。颈无抵抗，布氏征阴性，双克氏征阴性。nihss评分19分。

主要化验及特殊检查结果：2022-08-24，血常规：白细胞计数 $13.95 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞 91.8%，血红蛋白 105g/L，血小板 $227 \times 10^9/L$ ；N端-B型钠尿肽前体 1257pg/ml；凝血筛查、急诊生化、肌钙蛋白未见明显异常。甲功三项、传染病四项：正常；红细胞沉降率：32mm/H；糖化血红蛋白A1C 5.7%。2022-08-24，糖化血红蛋白A1C 5.7%；抗肾小球基底膜抗体、抗磷脂综合征检测、自身抗体12项检测、抗核抗体、抗中性粒细胞胞浆抗体、抗髓过氧化物酶抗体，抗蛋白酶3抗体：正常；生化全套：谷丙转氨酶 16.7U/L，谷草转氨酶 19.2U/L，白蛋白 46.3g/L，直接胆红素 4.7umol/L，葡萄糖 7.21mmol/L，尿素氮 3.2mmol/L，肌酐 72umol/L，二氧化碳 24.6mmol/L，总胆固醇 3.89mmol/L，低密度脂蛋白 2.4mmol/L，钾 4.48mmol/L，钠 140.6mmol/L，血同型半胱氨酸测定 11.86umol/l；中性粒细胞明胶酶相关脂质运载蛋白 198.4ng/ml；

福建医科大学附属第二医院

姓名魏园园 性别女 年龄33岁 病区(科)30区神经内科 床号3006 住院号 22060638

尿常规：潜血 ++，酮体 -，蛋白质 -，白细胞 -；新型冠状病毒核酸检测 阴性。
2022-08-24，头胸CT：1、左侧额叶稍低密度区，梗死？请结合临床；2、左侧基底节低密度区，考虑软化灶；3、双肺下叶多发斑片条索，炎症？4、二尖瓣区术后改变；5、扫及胆囊密度增高。下肢静脉血管彩超：双侧髂外静脉、股总静脉、股浅静脉、大隐静脉、小隐静脉、腓静脉、胫前静脉、胫后静脉未见明显血栓。TCD：所检颅内外血管、眼血流频谱及流速未见明显异常。2022-08-26，头颅磁共振：左侧小脑半球上部分、左侧额顶叶异常信号，考虑急性脑梗死。2022-08-29，粪便常规，粪便隐血试验(OB)组合：隐血(OBT) 阴性(-)，粪便颜色 黄棕色，粪便性状 软，白细胞 未检出/HP；心脏彩超：二尖瓣生物瓣置换术后，生物瓣功能未见异常、轻度三尖瓣及肺动脉瓣返流。2022-08-29，空腹血糖：5.34mmol/L；餐后二小时血糖：6.2mmol/L；2022-08-31，新冠病毒核酸检测（10合1混检）：新型冠状病毒核酸检测 阴性。2022-09-03，口服抗凝剂检测组合：血浆凝血酶原活动度 60.9%，国际标准化比率 1.29，凝血酶原时间 15秒；2022-09-03，新冠病毒核酸检测（10合1混检）：新型冠状病毒核酸检测 阴性；2022-09-05，急诊生化全套：葡萄糖 5.75mmol/L，钾 3.7mmol/L，氯 105mmol/L，钠 148mmol/L；（血常规）血细胞分析[全血细胞计数+六分类]：白细胞计数* $5.76 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 73.1%，淋巴细胞* 17.4%，红细胞计数* $4.43 \times 10^{12}/L$ ，血红蛋白* 120g/L，血小板* $326 \times 10^9/L$ ；2022-09-05，肝功能检查：谷丙转氨酶 25.7U/L，谷草转氨酶 33.2U/L，总蛋白* 76.8g/L，白蛋白* 47.1g/L；2022-09-06，口服抗凝剂检测组合：血浆凝血酶原活动度 41.5%，国际标准化比率 1.63，凝血酶原时间 18.9秒；新冠病毒核酸检测（10合1混检）：新型冠状病毒核酸检测 阴性；2022-09-08，口服抗凝剂检测组合：血浆凝血酶原活动度 28.7%，国际标准化比率 2.31，凝血酶原时间 26.8秒；

住院经过：

患者入院后完善相关检查，急诊行“经皮颅内动脉取栓术+脑血管造影”，术顺，术后利尿、制酸保胃、营养支持等处理，08-26考虑目前暂无脑出血、消化道出血，予加用抗凝治疗，余治疗上继续改善循环、制酸保胃、营养支持等处理，目前患者病情好转，可搀扶行走，言语尚清晰，华法林剂量适中，拟今日出院，继续外院康复治疗。

出院情况：（○治愈●好转○未愈○死亡○其他）伤口愈合：0/0

生命征平稳，心律绝对不齐，第一心音强弱不等，神志清楚，部分运动性失语，构音含糊，查体配合，双侧瞳孔等大等圆，直径2.5mm，对光反射灵敏，双侧鼻唇沟等浅，右上肢肌力3级，右下肢肌力4级，左侧肢体肌力5级，右侧巴氏征阳性，左侧巴氏征阴性。颈无抵抗，布氏征阴性，双克氏征阴性。

出院医嘱：美托洛尔片(以岭) 25mg 口服 bid [出]

雷贝拉唑钠肠溶片 10mg 口服 qd [出]

阿托伐他汀钙片(美达信) 20mg 口服 qn [出]

华法林 4.5mg 口服 qd (自备) [出]

福建医科大学附属第二医院

姓名魏园园 性别女 年龄33岁 病区(科)30区神经内科 床号3006 住院号 22060638

- 1、嘱出院后神经内科、心内科门诊随访，监测血压，低盐低脂饮食，戒烟戒酒，注意休息，规则服药，适当康复活动训练，一周后神经内科门诊复诊。
- 2、出院带药：如上所述。
- 3、建议继续心胸外科行心脏生物瓣膜更换治疗。
- 4、3天后门诊复查口服抗凝剂检测。

门诊时间：叶励超主任：鲤城院区 周四上午、下午，东海院区 周一上午、下午

陈继兴主治：鲤城院区 周三下午

吴凌峰主任：鲤城院区 周一上午、下午

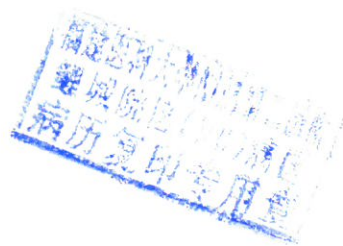
上级医师：叶励超

医师：

黄鸿裕



福建医科大学附属第二医院公众号：



福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 魏园园

性别 女

年龄 33岁

住院号 22060638

所属单位： -

住院时间：2022年08月24日—2022年09月08日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

大脑动脉栓塞引起的脑梗死（基底动脉尖、左侧大脑前动脉）

心房颤动

急性偏瘫

运动性失语

慢性心力衰竭

急性上消化道出血可能

心脏瓣膜病(二尖瓣生物瓣置换术后)

建议：



医师：黄鸿裕

2022年09月08日

(不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效)

福建医科大学附属第二医院

姓名陈章铁 性别男 年龄62岁 病区(科)19区神经内科 床号1931 住院号 22055686

出院小结

入院诊断: 急性脑梗死
急性瘫痪
高血压病3级(极高危)
右侧颈内动脉闭塞
脑梗死后遗症

入院时间: 2022年08月08日16时29分

手术名称: 脑血管造影 手术时间: 2022-08-11

脑血管造影+经皮颈动脉药物洗脱支架置入术+经皮颈内动脉颅内段球囊扩张成形术

留置导尿管的置入术 2022-08-15

鼻饲 2022-08-08

吸氧 2022-08-08

出院诊断: 左侧颈动脉闭塞脑梗死
出血性脑梗死(左侧基底节大量脑出血破入脑室)
昏迷
脑疝
运动性失语
脑梗死后遗症
高血压病2级(极高危)

出院时间: 2022年08月19日15时35分

入院时情况:

患者 陈章铁, 老年男性, 62岁, 突发起病, 症状持续, 因“突发言语含糊9小时。”入院。入院查体: T36.2℃, P66次/分, R20次/分, BP168/101mmHg, 神志清楚, 心肺腹(-), 双下肢无水肿。神经专科情况: 神志清楚, 尚可对答, 可听命令执行动作, 双侧瞳孔等大同圆, 直径2.5mm, 对光反射灵敏, 无凝视, 无眼球震颤, 额纹鼻唇沟尚对称, 伸舌尚居中, 左侧上肢肌力3级, 右侧上肢及双下肢肌力5级, 双侧巴氏征未引出。颈部无抵抗。

主要化验及特殊检查结果:

检验: 2022-08-08, 血浆D-二聚体测定(D-Dimer)[各种免疫学方法, 凝血筛查: 凝血酶原时间 12.6秒, 血浆D-二聚体 1.27ug/ml; 2022-08-08, 急诊生化全套: 葡萄糖 6.01mmol/L, 阴离子间隙 21mmol/L, 钠 146mmol/L; 2022-08-08, (血常规)血细胞分析[全血细胞计数+六分类]: 白细胞计数* $9.34 \times 10^9/L$, 血红蛋白* 150g/L, 血小板* $144 \times 10^9/L$; 2022-08-09, [新]常规生化全套检查, 血同型半胱氨酸测定(检验

福建医科大学附属第二医院

姓名陈章铁 性别男 年龄62岁 病区(科)19区神经内科 床号1931 住院号 22055686

科): 总蛋白* 60.3g/L, 白蛋白* 36.1g/L, 总胆红素* 16umol/L, 直接胆红素* 8.2umol/L, 总胆固醇* 2.81mmol/L, 载脂蛋白B 0.6g/L, 血同型半胱氨酸测定(检验科) 9.99umol/l; 化学药物用药指导的基因检测(氯吡格雷, 超过1个基因): 该患者氯吡格雷抵抗风险较小(一级), 可常规采用氯吡格雷(75mg, qd)抗血小板治疗, 若检查发现血小板抑制不足, 可加用阿司匹林100mg, qd或西洛他唑50-100mg, bid或将氯吡格雷剂量增加到150mg。2022-08-14, 粪便常规, 粪便隐血试验(OB)[单克隆法]组合: 隐血(OBT) 弱阳性; 2022-08-17, 血栓弹力试验TEG (ADP检测): ADP抑制率 84.8, MA(ADP) 14.4; 2022-08-18, 血型组合: ABO血型 B, Rh(D) 阳性; 2022-08-19, 传染病四项: 乙肝表面抗原* > 250.00IU/ml; 谷丙转氨酶、新冠病毒核酸检测、中性粒细胞明胶酶相关脂质运载蛋白测定、尿液分析、糖化血红蛋白测定、甲功三项、艾滋病毒抗体、梅毒螺旋体特异抗体测定无异常。

检查: 2022-08-08, CT: 右侧顶额颞叶、基底节区脑梗死可能, 建议MR进一步检查。2022-08-10, 磁共振: 1. 左侧基底节区、额顶叶异常信号, 考虑脑梗死; 2. 右侧额颞顶叶、右侧侧脑室后角旁多发异常信号, 考虑软化灶伴周围胶质增生; 3. 双侧侧脑室旁余异常信号, 考虑缺血性脱髓鞘病变; 4. 脑萎缩。2022-08-12, CT: 1. 右侧额颞叶软化灶; 2. 左侧大脑半球斑片状异常灌注, 考虑缺血性半暗带可能。

住院经过:

入院后予抗血小板聚集、调脂稳定斑块、抗血栓形成、改善循环、清除氧自由基、补液等处理。完善头颅磁共振诊断“急性脑梗塞”, 有血管内治疗指征, 与家属沟通后患者家属同意行血管内治疗, 于2022-08-11行全脑血管造影术, 造影结果提示: 1. 双侧颈内动脉闭塞, 右侧颈内动脉起始段未见明显残端, 左侧颈内动脉起始段可见尖样残端, 延迟造影眼动脉未开放。2. 右侧椎动脉开口轻度狭窄, 左侧椎动脉弓上起源, 基底动脉、双侧大脑后动脉未见明显狭窄闭塞, 延迟造影见双侧后交通开放, 代偿双侧大脑中动脉、大脑前动脉。术顺, 安返病房, 予醒脑、抗板、调脂、改善循环等治疗。患者言语不能加重, 造影结果提示有血管内治疗指征, 与家属沟通后患者家属同意行血管内治疗, 于2022-08-18 在介入室行左内颈脑血管造影+经皮颈动脉药物洗脱支架置入术+经皮颈内动脉颅内段球囊扩张成形术, 术顺, 术后安返病房, 予“替罗非班”抗血小板聚集, 对症等处理。08-19 02:00患者突发呕吐, 查体: 神志深昏迷, 双侧瞳孔不等大, 左侧瞳孔5.0mm, 右侧瞳孔2.5mm, 对光反应迟钝, 疼痛刺激未见肢体反应, 告知患者家属病情危重, 完善头颅CT示左侧基底节区血肿 脑疝, 予停止“替罗非班”, 予口咽通气管辅助通气, 加用“甘油果糖、甘露醇”脱水降颅压, “乌拉地尔”降压, “艾司奥美拉唑”制酸保胃, 对症等处理, 请神经外科协助诊治, 患者有手术指征, 建议手术治疗, 告知患者家属手术风险及总体预后极差, 临床医生根据患者病情进一步恶化的情况, 再次与家属进一步沟通后, 家属表示理解, 家属只能放弃治疗, 签字为证。03:55查看患者神志深昏迷, 神志呈深昏迷, 生命征不稳定, 双侧瞳孔散大固定, 直径约5.0mm, 对光反应消失, 疼痛刺激未见肢体反应。患者出现出血量极大, 脑疝形成, 病情进一步恶化, 临床医生根据患者病情进一步恶化的情况,

福建医科大学附属第二医院

姓名陈章铁 性别男 年龄62岁 病区(科)19区神经内科 床号1931 住院号 22055686

再次与家属进一步沟通，因目前病情危重，生命征不稳定，且使用抗凝、抗血小板药物，手术风险较大，手术效果及预后极不理想，随时可能出现呼吸心跳骤停等风险，家属表示理解，家属无奈只能放弃治疗，签字为证。

出院情况：（○治愈○好转●未愈○死亡○其他）伤口愈合： I / 甲

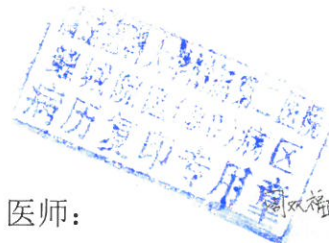
神志呈深昏迷，生命征不稳定，双侧瞳孔散大固定，直径约5.0mm，对光反应消失，疼痛刺激未见肢体反应。

出院医嘱：

继续外院治疗。

上级医师： 蔡乾昆 | 周双福

医师：



福建医科大学附属第二医院公众号：

福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 陈章铁

性别 男

年龄 62岁

住院号 22055686

所属单位： -

住院时间： 2022年08月08日—2022年08月19日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

左侧颈动脉闭塞脑梗死

出血性脑梗死（左侧基底节大量脑出血破入脑室）

昏迷

脑疝

运动性失语

脑梗死后遗症

高血压病2级（极高危）

建议：



医师： 周双福

2022年08月19日

（不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效）

福建医科大学附属第二医院

姓名王连兴 性别男 年龄80岁 病区(科)30区神经内科 床号3001 住院号 22057061

出院小结

入院诊断：急性脑梗死
右侧颈内动脉闭塞
急性偏瘫
心房颤动
高血压
前列腺肿物术后

入院时间：2022年08月12日04时13分

手术名称：经皮颅内动脉取栓术+脑血管造影手术时间：2022-08-12
影+主动脉弓造影+单根血管操作

气管内插管 2022-08-15

出院诊断：右侧颈动脉闭塞脑梗死（颈内
动脉颅内段）
肺部感染
慢性心力衰竭急性加重（失代
偿）
心房颤动
急性偏瘫
急性上消化道出血？
低渗透性和低钠血症
高血压病1级（极高危）
血小板增多
轻度贫血
前列腺肿物术后

出院时间：2022年08月29日16时26分

入院时情况：

患者王连兴，男，80岁，以“被发现左侧肢体无力4小时。”为主诉入院。查体：T36.5℃，P84次/分，R20次/分，BP144/71mmHg。神志清楚，构音含糊，头颅无畸形，双瞳孔等大等圆，约2.5mm，对光反应灵敏，双眼向右凝视，左侧鼻唇沟较右侧浅，伸舌偏左，颈软，克氏征（-）。左上肢肌力0级，左下肢肌力2级，左侧病理反射阳性。NIHSS评分：13分。

主要化验及特殊检查结果：

【检验】2022-08-12，新冠病毒核酸检测：阴性。2022-08-14，血常规：白细胞计数 $21.7 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞 88.8%，红细胞计数 $3.64 \times 10^{12}/L$ ，血红蛋白 109g/L，血小板 $488 \times 10^9/L$ ；凝血筛查：凝血酶原时间 14秒，活化部分凝血活酶时间 32.9秒，血浆纤维蛋白原 4.6g/L，凝血酶时间 14.6秒，血浆D-二聚体 5.39ug/ml；2022-

福建医科大学附属第二医院

姓名王连兴 性别男 年龄80岁 病区(科)30区神经内科 床号3001 住院号 22057061

08-14, 急诊生化: 葡萄糖 11.48mmol/L, 尿素氮 4.26mmol/L, 肌酐 56.5umol/L, 尿酸 177umol/L, 钾 3.3mmol/L, 钠 137mmol/L; 2022-08-14, 血清肌钙蛋白 I 测定: <0.01ng/mL; 2022-08-14, N端-B型钠尿肽前体: 5959pg/ml; 尿常规: 潜血 ++, 尿胆原(URO) -, 蛋白质(PRO) -, 亚硝酸(NIT) -, 白细胞(LEU) ++; 2022-08-15, 艾滋病病毒抗体, 梅毒螺旋体特异抗体测定: 艾滋病病毒抗体 0.41s/co, 梅毒特异抗体 15.02s/co。2022-08-16, 痰液培养(培养+涂片): 痰液涂片 白细胞>25/LP, 鳞状上皮细胞>25/LP, 痰液培养 需氧培养2天, 口咽部正常菌群生长; 降钙素原: 0.296ng/ml; 高敏度C反应蛋白: 79.13mg/L。2022-08-18, N端-B型钠尿肽前体 2912pg/ml; 血常规: 白细胞计数 $24.1 \times 10^9/L$, 中性粒细胞 81.6%, 红细胞计数 $3.71 \times 10^{12}/L$, 血红蛋白 108g/L, 血小板 $506 \times 10^9/L$; 痰液培养(培养+涂片): 痰液涂片 白细胞>25/LP, 鳞状上皮细胞>25/LP, 痰液培养 需氧培养2天, 口咽部正常菌群生长。急诊生化: 葡萄糖 4.94mmol/L, 尿素氮 2.74mmol/L, 肌酐 55.8umol/L, 钾 3.8mmol/L, 钠 123mmol/L; RPR+滴度: 阴性(-)。2022-08-21, 血常规: 白细胞计数 $28.17 \times 10^9/L$, 中性粒细胞 88.3%, 淋巴细胞 4.6%, 红细胞计数 $3.13 \times 10^{12}/L$, 血红蛋白 93g/L, 血小板 $371 \times 10^9/L$; N端-B型钠尿肽前体 2139pg/ml; 急诊生化: 葡萄糖 8.03mmol/L, 尿素氮 3.37mmol/L, 肌酐 59.1umol/L, 钾 3.6mmol/L, 钠 127mmol/L。

【检查】2022-08-12, 头颅CT平扫: 1、右侧基底节、侧脑室旁不均高密度灶: 钙化灶? 钙化灶、血肿? 2、左侧脑室旁略高密度灶: 小出血灶待除; 3、缺血性脱髓鞘改变可能性大; 4、脑萎缩, 不除外左侧额颞部硬膜下积液; 5、双肺炎症性改变; 6、双侧胸腔积液; 7、扫及肝内低密度灶。2022-08-14, 头颅CT: 1、右侧大脑大片状脑梗死, 较前密度明显减低, 原右侧基底节区高密度灶密度明显减低; 2、脑萎缩。2022-08-24, 头胸CT: 1、右侧大脑大片状脑梗死, 密度减低较前略减轻; 2、脑萎缩, 不除外左侧额颞部硬膜下积液, 同前; 3、缺血性脱髓鞘改变可能; 4、双肺炎症性改变, 如上述变化; 5、双侧胸腔少量积液; 6、扫及肝内低密度灶。TCD: 右侧颈内动脉取栓术后, 未见高灌或血管痉挛。动态心电图: 1. 快心室率心房颤动、部分伴室内差异性传导 2. 频发多源性室性早搏 偶见成对 3. 短阵室性心动过速 4. 部分ST-T改变。

住院经过:

入院后完善相关检查, 排除禁忌症, 于08-12急诊行“全脑血管造影术”示右侧颈内动脉末段闭塞(狭窄基础上血栓形成), 并行经皮颅内动脉取栓术, 术顺, 予抗血小板聚集、改善循环、脱水降颅压、抗感染、利尿、补钠、气管插管辅助通气等治疗, 患者一般情况改善, 气管插管已予拔除, 复查胸部CT仍有炎症, 家属要求出院, 予办理自动出院。

出院情况: (○治愈●好转○未愈○死亡○其他)

患者卧床, 未见肢体活动, 痰白稀, 量中, 无腹泻, 无发热、畏冷等。查体: 生命征平稳。双肺呼吸音粗, 可闻及少许湿罗音, 心律不齐, 心率与脉率不一致, 各瓣膜听诊区未闻及杂音, 腹部(-), 神志嗜睡, 双瞳孔等大等圆, 约2.5mm, 对光反射灵敏, 左侧鼻唇沟较右侧浅, 颈软, 克氏征(-)。左上肢肌力0级, 左下肢肌力刺激

福建医科大学附属第二医院

姓名王连兴 性别男 年龄80岁 病区(科)30区神经内科 床号3001 住院号 22057061

收缩，右侧肢体肌力5级，左侧病理反射阳性。

出院医嘱：瑞舒伐他汀钙片（京诺） 10mg 口服 qn [出]

螺内酯片（安体舒通） 20mg 口服 qd [出]

雷贝拉唑钠肠溶片 10mg 口服 qd [出]

地高辛片 0.125mg 口服 qd [出]

呋塞米片（速尿） 20mg 口服 qd [出]

美托洛尔缓释片（倍他乐克） 47.5mg 口服 qd [出]（早上）

阿司匹林肠溶片（拜阿司匹林） 100mg 口服 . [出]（餐前）

左氧氟沙星片（克君利莱） 0.5g 口服 qd [出]

1. 出院带药：如上述；

2. 外院继续康复治疗；

3. 心内科、神经内科随访，调整治疗方案，规律服药，定期复查血常规、生化全套情况；服药期间注意有无牙龈出血、黑便、皮肤出血点等情况，若出现上述症状，请立即停药并医院就诊；若出现突发的肢体乏力或麻木神经功能症状体征或加重，随时复诊；

4. TPPA阳性，RPR阴性，皮肤科门诊随访，动态复查RPR，必要时驱梅治疗。

5. 本次住院为专科诊治，不能取代常规体检，建议定期体检和随访；

叶励超主任医师门诊 周一早上（东海） 周四全天（鲤城）

陈继兴副主任医师门诊 周三、周五下午（鲤城）

上级医师：黄鸿裕

医师：

陈燕红

福建医科大学附属第二医院公众号：



福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 王连兴

性别 男

年龄 80岁

住院号 22057061

所属单位：-

住院时间：2022年08月12日—2022年08月29日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

右侧颈动脉闭塞脑梗死（颈内动脉颅内段）

肺部感染

慢性心力衰竭急性加重（失代偿）

心房颤动

急性偏瘫

急性上消化道出血？

低渗透性和低钠血症

高血压病1级（极高危）

血小板增多

轻度贫血

前列腺肿物术后

建议：



医师：陈燕红

2022年08月29日

（不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效）

福建医科大学附属第二医院

姓名郭孙本 性别男 年龄74岁 病区(科)19区神经内科 床号1912 住院号22067344

出院小结

入院诊断：脑梗死

入院时间：2022年09月16日10时14分

左侧颈内动脉闭塞

急性偏瘫

急性心肌梗死PCI术后

冠状动脉支架植入后状态

冠状动脉粥样硬化性心脏病

心力衰竭

肺部感染

手术名称：经皮颅内动脉取栓术+脑血管造影手术时间：2022-09-16

影+主动脉弓造影+单根血管操

作

出院诊断：左侧颈动脉栓塞脑梗死并出血出院时间：2022年09月17日17时51分

转化

脑疝

急性心力衰竭

吸入性肺炎

急性心肌梗死PCI术后

急性偏瘫

冠状动脉粥样硬化性心脏病

入院时情况：

患者，郭孙本，男，74岁，以“突发右侧肢体乏力3小时”为主诉入院。既往：2周前心梗病史，3天前于外院行PCI术。查体：T36℃P80次/分R20次/分BP131/80mmHg，NIHSS评分：20分。神志朦胧，混合性失语，双侧瞳孔等大等圆，直径2.5mm，对光反射灵敏，双眼向左凝视，右侧鼻唇沟浅，伸舌欠合作，右侧肢体肌力0级，左侧肢体肌力5级，右侧巴氏征阳性。

主要化验及特殊检查结果：

检验：2022-09-16，网织红细胞计数(Ret)，(血常规)血细胞分析[全血细胞计数+六分类]：白细胞计数* $11.65 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 77.2%，血小板* $359 \times 10^9/L$ ；2022-09-16，凝血筛查：凝血酶原时间 12.6秒，血浆纤维蛋白原 5.16g/L，血浆D-二聚体 1.33ug/ml；2022-09-16，[新]N端-B型钠尿肽前体，血清肌钙蛋白I测定：血清肌钙蛋白I测定 0.29ng/mL，N端-B型钠尿肽前体 8103pg/ml；2022-09-16，急诊生化全套：葡萄糖 12.71mmol/L，尿素氮 10.66mmol/L，二氧化碳 21mmol/L，阴离子间隙 23mmol/L，钾 4.9mmol/L；2022-09-16，新冠病毒核酸检测(医保住院患者)：阴性；

福建医科大学附属第二医院

姓名郭孙本 性别男 年龄74岁 病区(科)19区神经内科 床号1912 住院号22067344

2022-09-17, (尿常规)尿液分析: 潜血* +++, 白细胞(LEU)* ++, 维 C(VTC)* +mmol/L; 2022-09-17, 血清肌钙蛋白 I 测定: 血清肌钙蛋白 I 测定 0.29ng/mL; 2022-09-17, [新]N端-B型钠尿肽前体: N端-B型钠尿肽前体 8465pg/ml; 2022-09-17, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 阴性;

2022-09-1, 7, 头胸CT: 1. 左侧大脑半球异常密度灶, 考虑出血性梗死, 蛛网膜下腔积血, 脑室形成可能; 2. 双肺上叶多发肺大泡; 3. 双肺斑片灶, 初步考虑炎症, 建议复查; 4. 双侧胸腔少量积液; 5. 扫及肝内多发低密度灶, 建议进一步检查; 6. 双肾密度不均匀增高, 右肾低密度灶, 建议进一步检查。

住院经过:

入院后完善相关辅助检查。2022-09-16在介入室行急诊全脑血管造影+左侧颈内动脉取栓术, 术顺。予抗血小板、脱水降颅压、营养支等处理。2022年09月17日, 患者出现两侧瞳孔不等大, 复查头颅CT示“左侧大面积脑梗死伴出血、脑疝”, 病情危重, 预后不良, 随时可能出现呼吸、心跳停止, 抢救无效死亡等, 家属放弃进一步治疗, 要求自动出院, 并愿意承担一切相关不良后果, 签字为证, 办理自动出院。

出院情况: (○治愈○好转●未愈○死亡○其他)

患者神志昏迷, 呼之不应。查体: T36.2℃P92次/分R20次/分BP125/71mmHg, 神志浅昏迷, 右侧瞳孔直径2.0mm, 对光反射迟钝, 左侧瞳孔散大, 对光反射消失, 双眼向左凝视, 右侧鼻唇沟浅, 伸舌欠合作, 右侧肢体肌力0级, 左侧肢体肌力5级, 右侧巴氏征阳性。

出院医嘱:

院外继续治疗。

上级医师: 黄鸿裕

医师:

林海霞

福建医科大学附属第二医院公众号:



福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 郭孙本

性别 男

年龄 74岁

住院号 22067344

所属单位： -

住院时间： 2022年09月16日—2022年09月17日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

左侧颈动脉栓塞脑梗死并出血转化

脑疝

急性心力衰竭

吸入性肺炎

急性心肌梗死PCI术后

急性偏瘫

冠状动脉粥样硬化性心脏病

建议：



医师： 林海霞

2022年09月19日

(不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效)

福建医科大学附属第二医院
疾病证明书

姓名 傅子灯

性别 男

年龄 66岁

住院号 22065868

所属单位：-

住院时间：2022年09月12日—2022年09月26日

出院诊断：

中医诊断：

西医诊断：

大脑动脉栓塞引起的脑梗死（右侧大脑中动脉）

蛛网膜下出血

兴奋躁动状态

双侧胸腔积液

急性偏瘫

运动性失语

建议：



医师：叶永兴

2022年09月26日

（不得涂改，手写或自动添加打印均无效，盖章有效）

福建医科大学附属第二医院

姓名傅子灯 性别男 年龄66岁 病区(科)30区神经内科特需病房 床号3001 住院号22065868

出院小结

入院诊断: 脑梗死

入院时间: 2022年09月12日13时46分

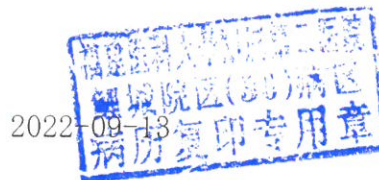
急性偏瘫

手术名称: 经皮颅内动脉取栓术+经皮颈内手术时间: 2022-09-12

动脉颅内段球囊扩张成形术+脑

血管造影

纤维支气管镜检查伴肺泡灌洗
术



出院诊断: 大脑动脉栓塞引起的脑梗 出院时间: 2022年09月26日15时11分
死(右侧大脑中动脉)

蛛网膜下出血

兴奋躁动状态

双侧胸腔积液

急性偏瘫

运动性失语

入院时情况:

患者傅子灯, 66岁, 男性, 以“突发左侧肢体乏力8小时余”为主诉入院。查体: T: 36.3℃, P: 74次/分, R: 20次/分, BP: 138/80mmHg, 双肺呼吸音粗, 未闻及干湿性啰音, 腹部无压痛及反跳痛。专科情况: 神志清楚。双侧瞳孔等大等圆, 直径2.5mm, 对光反射灵敏, 双眼向右凝视。左侧鼻唇沟等浅, 伸舌左偏, 构音含糊。左侧肢体肌力3级, 右侧肢体肌力5级, 肌张力正常。左侧巴氏征阳性, 右侧病理征未引出, 双侧深、浅感觉对称存在。颈无抵抗。

主要化验及特殊检查结果: 2022-09-12 (海都医院) 头颅MRI: 右侧大脑半球急性脑梗死。2022-09-13, 头颅+胸部CT: 1. 右侧额颞枕叶低密度区: 考虑脑梗死; 2. 蛛网膜下腔出血破入脑室; 3. 双肺叶坠积性肺炎可能; 4. 纵隔多发淋巴结; 5. 双侧胸腔少量积液; 6. 扫及甲状腺右侧叶钙化灶; 7. 扫及肝内多发低密度灶; 8. 扫及胆囊密度增高, 胆汁淤积? 2022-09-13, 支气管镜: 适才为患者行床边纤维支气管镜检查吸痰+灌洗术。患者取平卧位, 丙泊酚诱导镇静, 2%利多卡因经气管插管缓慢滴入行气道粘膜表面麻醉, 纤维支气管镜经气管插管缓慢进入, 见主气管少量黄白色粘痰, 双侧主支气管、右上肺叶后段及下叶基底段、左下肺叶支气管内见少量黄白色粘痰分泌物, 给予充分吸除, 给予生理盐水灌洗并吸净, 术闭, 退镜, 术中及术后患者SP02均维持在95%以上。嘱加强翻身拍背, 气道湿化及吸痰处理。 2022-09-13, 超声-结构化全部: 双侧髂外静脉、股总静脉、股浅静脉、大隐静脉、小隐静脉、腘静脉、胫前静脉、胫后静脉未见明显血栓(床边超声检查, 请结合临床, 建议复查)。2022-09-13, 心超-常用-结构化: 轻度二尖瓣、三尖瓣返流(床边条件受限, 建议复查)。2022-09-20, 磁共振_结

福建医科大学附属第二医院

姓名傅子灯 性别男 年龄66岁 病区(科)30区神经内科特需病房 床号3001 住院号22065868

构化：1. 右侧基底节区、右额颞顶枕叶、左侧额顶枕、脑干右侧异常信号，考虑脑梗死。2. 脑萎缩。2022-09-20，CT_结构化：1. 右侧额颞顶枕叶低密度区：考虑脑梗死，范围较前略缩小，密度较前稍增高；2. 蛛网膜下腔出血破入脑室，较前有所减少；3. 双肺叶坠积性肺炎可能，较前吸收减少；4. 纵隔多发淋巴结同前；5. 双侧胸腔少量积液，较前减少；6. 扫及甲状腺右侧叶钙化灶同前；7. 扫及肝内多发低密度灶同前。2022-09-26，头颅+胸部CT：1. 右侧额颞顶枕叶低密度区：考虑脑梗死，范围较前略缩小，密度较前稍增高；2. 蛛网膜下腔出血破入脑室，较前减少。2022-09-12，（血常规）血细胞分析[全血细胞计数+六分类]：白细胞计数* $9.83 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 93.5%，红细胞计数* $4.96 \times 10^{12}/L$ ，血红蛋白* 160g/L，红细胞比积测定* 0.452L/L，血小板* $143 \times 10^9/L$ ；2022-09-12，降钙素原：降钙素原 0.01ng/ml；2022-09-12，急诊生化全套：葡萄糖 9.44mmol/L，镁 0.62mmol/L，钙 2mmol/L；2022-09-12，[新]N端-B型钠尿肽前体：N端-B型钠尿肽前体 79pg/ml；2022-09-12，血清肌钙蛋白 I 测定：血清肌钙蛋白 I 测定 <0.01ng/mL；2022-09-12，血浆D-二聚体测定(D-Dimer)[各种免疫学方法，凝血筛查：凝血酶时间 19.1秒，血浆D-二聚体 1.15ug/ml；2022-09-13，急诊生化全套：葡萄糖 6.15mmol/L，二氧化碳 21mmol/L，阴离子间隙 19mmol/L，氯 112mmol/L，钠 148mmol/L；2022-09-13，（血常规）血细胞分析[全血细胞计数+六分类]：白细胞计数* $14.91 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 90.6%，红细胞计数* $4.77 \times 10^{12}/L$ ，血红蛋白* 154g/L，红细胞比积测定* 0.434L/L，血小板* $157 \times 10^9/L$ ；2022-09-13，[新]N端-B型钠尿肽前体：N端-B型钠尿肽前体 483pg/ml；2022-09-13，血清肌钙蛋白 I 测定：血清肌钙蛋白 I 测定 <0.01ng/mL；2022-09-13，凝血筛查：未见异常；2022-09-13，降钙素原：降钙素原 0.054ng/ml；2022-09-13，呼吸道病原体五联检：未见异常；2022-09-13，血栓弹力试验TEG(普通检测)：未见异常；2022-09-13，[新]常规生化全套检查：谷丙转氨酶 8.7U/L，直接胆红素* 10umol/L，二氧化碳 17.3mmol/L，总胆固醇* 2.99mmol/L，高密度脂蛋白 0.89mmol/L，乳酸脱氢酶 267U/L，肌酸激酶同工酶 28.7U/L，无机磷 0.7mmol/L；2022-09-13，化学药物用药指导的基因检测(静脉血栓高危基因)：静脉血栓高危基因 PAI-1 5G4G；2022-09-13，一般细菌涂片检查(痰)，真菌涂片检查(痰)，结核菌涂片检查(痰)：一般细菌涂片检查(痰) G+球菌、G-杆菌、G-球菌、G+杆菌；2022-09-13，[新]中性粒细胞明胶酶相关脂质运载蛋白测定：中性粒细胞明胶酶相关脂质运载蛋白 417ng/ml；2022-09-13，[新]人Th1/Th2/Th17亚群检测(流式荧光法)：IL-6 18.88pg/ml；2022-09-14，全血C反应蛋白，（血常规）血细胞分析[全血细胞计数+六分类]：全血C反应蛋白 33.21mg/L，白细胞计数* $11.68 \times 10^9/L$ ，中性粒细胞* 88.8%，红细胞计数* $4.8 \times 10^{12}/L$ ，血红蛋白* 156g/L，红细胞比积测定* 0.444L/L，血小板* $142 \times 10^9/L$ ；2022-09-14，[新]N端-B型钠尿肽前体：N端-B型钠尿肽前体 1024pg/ml；2022-09-14，血清肌钙蛋白 I 测定：血清肌钙蛋白 I 测定 <0.01ng/mL；2022-09-14，血浆D-二聚体测定(D-Dimer)[各种免疫学方法，凝血筛查：血浆纤维蛋白原 4.26g/L，血浆D-二聚体 2.25ug/ml；2022-09-14，急诊生化全套：葡萄糖

福建医科大学附属第二医院

姓名傅子灯 性别男 年龄66岁 病区(科)30区神经内科特需病房 床号3001 住院号22065868

6.7mmol/L, 尿酸 187umol/L, 氯 111mmol/L, 钠 146mmol/L; 2022-09-14, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性; 2022-09-15, 全血C反应蛋白, (血常规): 全血C反应蛋白 20.8mg/L, 白细胞计数* $9.71 \times 10^9/L$, 红细胞计数* $5.04 \times 10^{12}/L$, 血红蛋白* 162g/L, 红细胞比积测定* 0.466L/L, 血小板* $138 \times 10^9/L$; 血浆D-二聚体测定(D-Dimer)凝血筛查: 凝血酶原时间 11.6秒, 活化部分凝血活酶时间 29.1秒, 血浆纤维蛋白原 2.3g/L, 凝血酶时间 13.7秒, 血浆D-二聚体 2.18ug/ml; 急诊生化全套: 尿素氮 6.37mmol/L, 肌酐 50umol/L, 钙 2.3mmol/L, 钾 3.4mmol/L, 钠 141mmol/L; 血清肌钙蛋白I测定: 血清肌钙蛋白I测定 $<0.01ng/mL$; 2022-09-15, [新]N端-B型钠尿肽前体: N端-B型钠尿肽前体 1428pg/ml。2022-09-21, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性; 2022-09-22, (血常规)血细胞分析[全血细胞计数+六分类]: 白细胞计数* $7.7 \times 10^9/L$, 中性粒细胞* 65.1%, 淋巴细胞* 21.3%, 红细胞计数* $4.91 \times 10^{12}/L$, 血红蛋白* 159g/L, 血小板* $233 \times 10^9/L$; [新]N端-B型钠尿肽前体: N端-B型钠尿肽前体 64pg/ml; 2022-09-22, 降钙素原: 降钙素原 0.01ng/ml; 急诊生化全套: 葡萄糖 4.25mmol/L, 肌酐 69.4umol/L, 钙 2.2mmol/L, 钾 3.7mmol/L, 钠 139mmol/L; C-反应蛋白: C-反应蛋白 7.5mg/L; 肝功能检查: 谷丙转氨酶 21.5U/L, 谷草转氨酶 24.2U/L, 总蛋白* 69.8g/L, 白蛋白* 40.4g/L, 总胆红素* 17.3umol/L; 2022-09-24, 新冠病毒核酸检测(10合1混检): 新型冠状病毒核酸检测 阴性;

住院经过:

患者急诊入院后予溶栓处理, 溶栓后仍存在偏瘫、凝视体征, 结合外院头颅MRI提示DWI/Flair不匹配, 头颈CTA提示右侧大脑中动脉闭塞, 遂转至导管室拟行“其他经颅内动脉取栓术+经皮颈内动脉颅内段球囊扩张成形术+脑血管造影”介入治疗。术顺, 术后转入ICU, 转入后继续气管插管接呼吸机辅助呼吸, 治疗上予“尼莫地平”缓解血管痉挛、制酸保胃、祛痰平喘、补液、营养支持、利尿脱水、维持水电解质平衡等处理后于2022-09-15患者一般情况可, 转回我科继续治疗。转入我科后予“尤瑞克林”改善脑循环, “尼莫地平”控制血压, 补液等处理后, 今患者神志清楚, 四肢运动尚可, 未诉特殊不适, 结合复查头颅CT结果回报, 病灶较前吸收, 考虑目前病情稳定, 予办理出院, 院外继续康复治疗。

出院情况: (○治愈●好转○未愈○死亡○其他) 伤口愈合: 0/0

神志清楚, 四肢运动可, 无特殊不适。查体: T 36.2℃, P 87次/分, R 19次/分, BP 115/89mmHg, 神志清楚, 双肺呼吸音粗, 未闻及干湿性啰音, 腹部无压痛及反跳痛。双侧瞳孔等大等圆, 直径2.5mm, 对光反射灵敏, 双眼向右凝视。左侧鼻唇沟变浅, 伸舌左偏, 构音含糊。左上肢肌力4+级, 左下肢肌力4+级, 右侧肢体肌力5级, 肌张力正常。左侧巴氏征阳性, 右侧病理征未引出, 双侧深、浅感觉对称存在。颈无抵抗。

出院医嘱: 阿托伐他汀钙片(美达信) 20mg 口服 qn [出]

雷贝拉唑钠肠溶片 10mg 口服 qd [出]

利伐沙班片(麦畅) 15mg 口服 qd [出]

福建医科大学附属第二医院

姓名傅子灯 性别男 年龄66岁 病区(科)30区神经内科特需病房 床号3001 住院号22065868

艾地苯醌片 30mg 口服 tid [出]

奥氮平口崩片(喜奥宁) 2.5mg 口服 qn [出]

1、嘱出院后神经内科、心内科门诊随访,监测血压,低盐低脂饮食,戒烟戒酒,注意休息,规则服药,适当康复活动训练,一周后神经内科门诊复诊。

2、出院带药:如上所述。

门诊时间:叶励超主任:鲤城院区 周四上午、下午,东海院区 周一上午、下午

陈继兴主治:鲤城院区 周三下午

吴凌峰主任:鲤城院区 周一上午、下午

上级医师: 叶励兴

医师:

黄鸿裕



福建医科大学附属第二医院公众号:



Full wwPDB X-ray Structure Validation Report ⓘ

Jan 27, 2023 – 03:46 PM IST

PDB ID : 8HZP
 Title : Crystal structure of snFPITE-n1
 Deposited on : 2023-01-09
 Resolution : 1.99 Å(reported)

This wwPDB validation report is for manuscript review

This is a Full wwPDB X-ray Structure Validation Report.

This report is produced by the wwPDB curation pipeline after annotation of the structure.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/XrayValidationReportHelp>

with specific info available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity	:	4.02b-467
Mogul	:	1.8.5 (274361), CSD as541be (2020)
Xtriage (Phenix)	:	1.13
EDS	:	2.31.3
buster-report	:	1.1.7 (2018)
Percentile statistics	:	20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
Refmac	:	5.8.0158
CCP4	:	7.0.044 (Gargrove)
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)

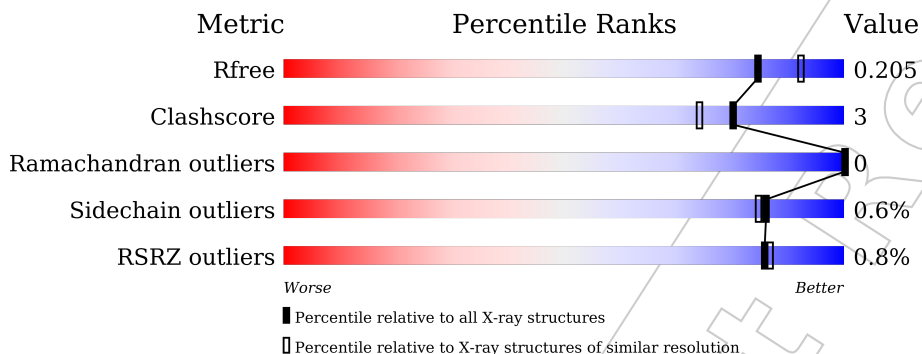
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

X-RAY DIFFRACTION

The reported resolution of this entry is 1.99 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	Similar resolution (#Entries, resolution range(Å))
R_{free}	130704	11647 (2.00-1.96)
Clashscore	141614	1014 (1.98-1.98)
Ramachandran outliers	138981	1006 (1.98-1.98)
Sidechain outliers	138945	1006 (1.98-1.98)
RSRZ outliers	127900	11410 (2.00-1.96)

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the electron density. The red, orange, yellow and green segments of the lower bar indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the electron density. The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	239	92% 8%

2 Entry composition [i](#)

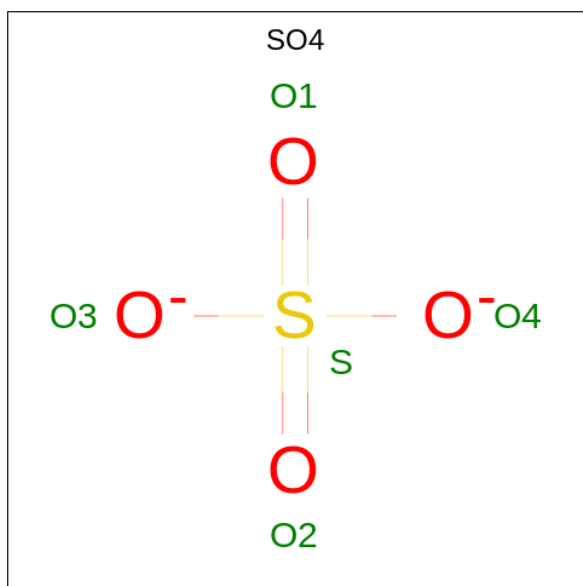
There are 4 unique types of molecules in this entry. The entry contains 2002 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the ZeroOcc column contains the number of atoms modelled with zero occupancy, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

- Molecule 1 is a protein called snFPITE-n1.

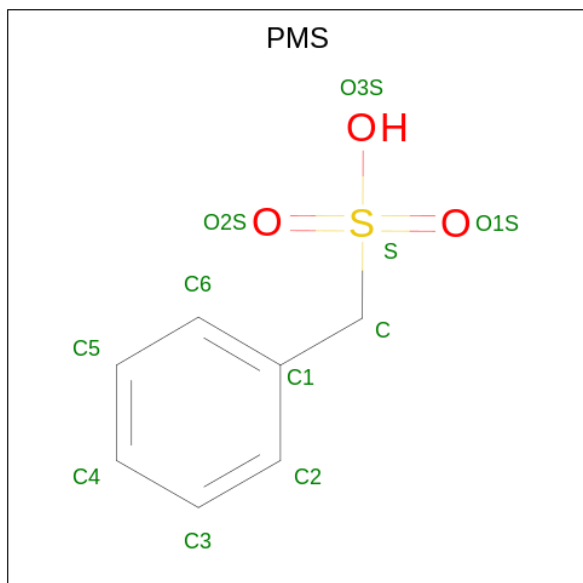
Mol	Chain	Residues	Atoms					ZeroOcc	AltConf	Trace
			Total	C	N	O	S			
1	A	239	1749	1078	313	346	12	0	0	0

- Molecule 2 is SULFATE ION (three-letter code: SO4) (formula: O₄S) (labeled as "Ligand of Interest" by depositor).



Mol	Chain	Residues	Atoms			ZeroOcc	AltConf
			Total	O	S		
2	A	1	5	4	1	0	0

- Molecule 3 is phenylmethanesulfonic acid (three-letter code: PMS) (formula: C₇H₈O₃S) (labeled as "Ligand of Interest" by depositor).



Mol	Chain	Residues	Atoms				ZeroOcc	AltConf
3	A	1	Total	C	O	S	0	0
			10	7	2	1		

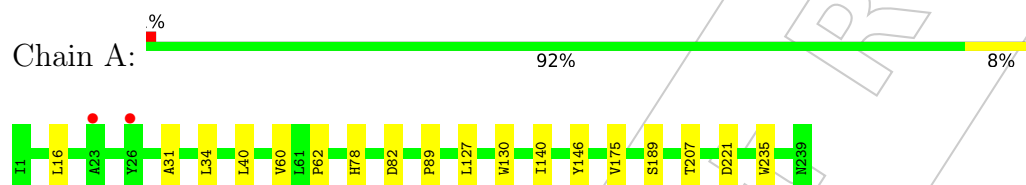
- Molecule 4 is water.

Mol	Chain	Residues	Atoms		ZeroOcc	AltConf
4	A	238	Total	O	0	0
			238	238		

3 Residue-property plots

These plots are drawn for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic for a chain summarises the proportions of the various outlier classes displayed in the second graphic. The second graphic shows the sequence view annotated by issues in geometry and electron density. Residues are color-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. A red dot above a residue indicates a poor fit to the electron density ($RSRZ > 2$). Stretches of 2 or more consecutive residues without any outlier are shown as a green connector. Residues present in the sample, but not in the model, are shown in grey.

- Molecule 1: snFPITE-n1



4 Data and refinement statistics

Property	Value	Source
Space group	P 21 2 21	Depositor
Cell constants a, b, c, α , β , γ	40.31Å 43.73Å 121.59Å 90.00° 90.00° 90.00°	Depositor
Resolution (Å)	38.27 – 1.99 38.27 – 1.99	Depositor EDS
% Data completeness (in resolution range)	99.0 (38.27-1.99) 99.0 (38.27-1.99)	Depositor EDS
R_{merge}	0.02	Depositor
R_{sym}	(Not available)	Depositor
$\langle I/\sigma(I) \rangle$ ¹	14.94 (at 1.98Å)	Xtriage
Refinement program	PHENIX 1.14_3260	Depositor
R, R_{free}	0.156 , 0.205 0.157 , 0.205	Depositor DCC
R_{free} test set	727 reflections (4.75%)	wwPDB-VP
Wilson B-factor (Å ²)	24.4	Xtriage
Anisotropy	0.082	Xtriage
Bulk solvent k_{sol} (e/Å ³), B_{sol} (Å ²)	0.36 , 45.4	EDS
L-test for twinning ²	$\langle L \rangle = 0.48$, $\langle L^2 \rangle = 0.31$	Xtriage
Estimated twinning fraction	No twinning to report.	Xtriage
F_o, F_c correlation	0.96	EDS
Total number of atoms	2002	wwPDB-VP
Average B, all atoms (Å ²)	24.0	wwPDB-VP

Xtriage's analysis on translational NCS is as follows: *The largest off-origin peak in the Patterson function is 6.75% of the height of the origin peak. No significant pseudotranslation is detected.*

¹Intensities estimated from amplitudes.

²Theoretical values of $\langle |L| \rangle$, $\langle L^2 \rangle$ for acentric reflections are 0.5, 0.333 respectively for untwinned datasets, and 0.375, 0.2 for perfectly twinned datasets.

5 Model quality [i](#)

5.1 Standard geometry [i](#)

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section: SO4, PMS

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	# $ Z > 5$	RMSZ	# $ Z > 5$
1	A	0.25	0/1790	0.46	0/2443

There are no bond length outliers.

There are no bond angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

5.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	A	1749	0	1631	9	0
2	A	5	0	0	0	0
3	A	10	0	7	0	0
4	A	238	0	0	0	0
All	All	2002	0	1638	9	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 3.

All (9) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:189:SER:HA	1:A:207:THR:HB	1.83	0.60
1:A:16:LEU:HB2	1:A:31:ALA:HB3	1.92	0.50
1:A:82:ASP:HB3	1:A:89:PRO:HD2	1.94	0.48
1:A:60:VAL:HG12	1:A:62:PRO:HD2	1.95	0.47
1:A:130:TRP:O	1:A:140:ILE:HB	2.19	0.42
1:A:34:LEU:HD11	1:A:40:LEU:HB2	2.01	0.41
1:A:78:HIS:HA	1:A:235:TRP:CZ2	2.56	0.41
1:A:127:LEU:HD21	1:A:175:VAL:HG21	2.02	0.41
1:A:127:LEU:O	1:A:146:TYR:HA	2.20	0.41

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles [i](#)

5.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all X-ray entries followed by that with respect to entries of similar resolution.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	237/239 (99%)	230 (97%)	7 (3%)	0	100	100

There are no Ramachandran outliers to report.

5.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all X-ray entries followed by that with respect to entries of similar resolution.

The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	177/177 (100%)	176 (99%)	1 (1%)	86	85

All (1) residues with a non-rotameric sidechain are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A	221	ASP

Sometimes sidechains can be flipped to improve hydrogen bonding and reduce clashes. There are no such sidechains identified.

5.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [i](#)

2 ligands are modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds (or angles) for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds (or angles) that are observed in the model and the number of bonds (or angles) that are defined in the Chemical Component Dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	$\# Z > 2$	Counts	RMSZ	$\# Z > 2$
3	PMS	A	302	1	7,10,11	0.73	0	11,12,15	1.92	2 (18%)
2	SO4	A	301	-	4,4,4	0.14	0	6,6,6	0.06	0

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the Chemical Component Dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
3	PMS	A	302	1	-	0/4/4/5	0/1/1/1

There are no bond length outliers.

All (2) bond angle outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
3	A	302	PMS	O1S-S-C	4.70	113.18	105.56
3	A	302	PMS	O2S-S-C	4.00	112.04	105.56

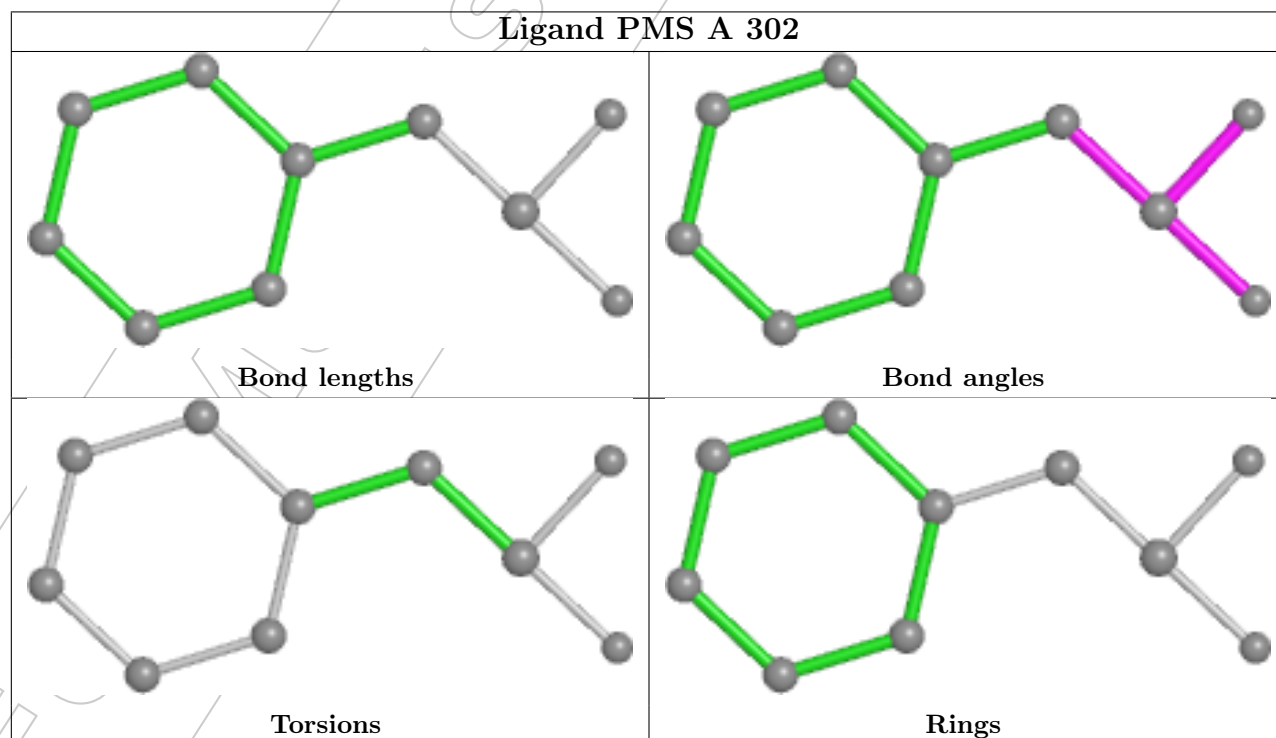
There are no chirality outliers.

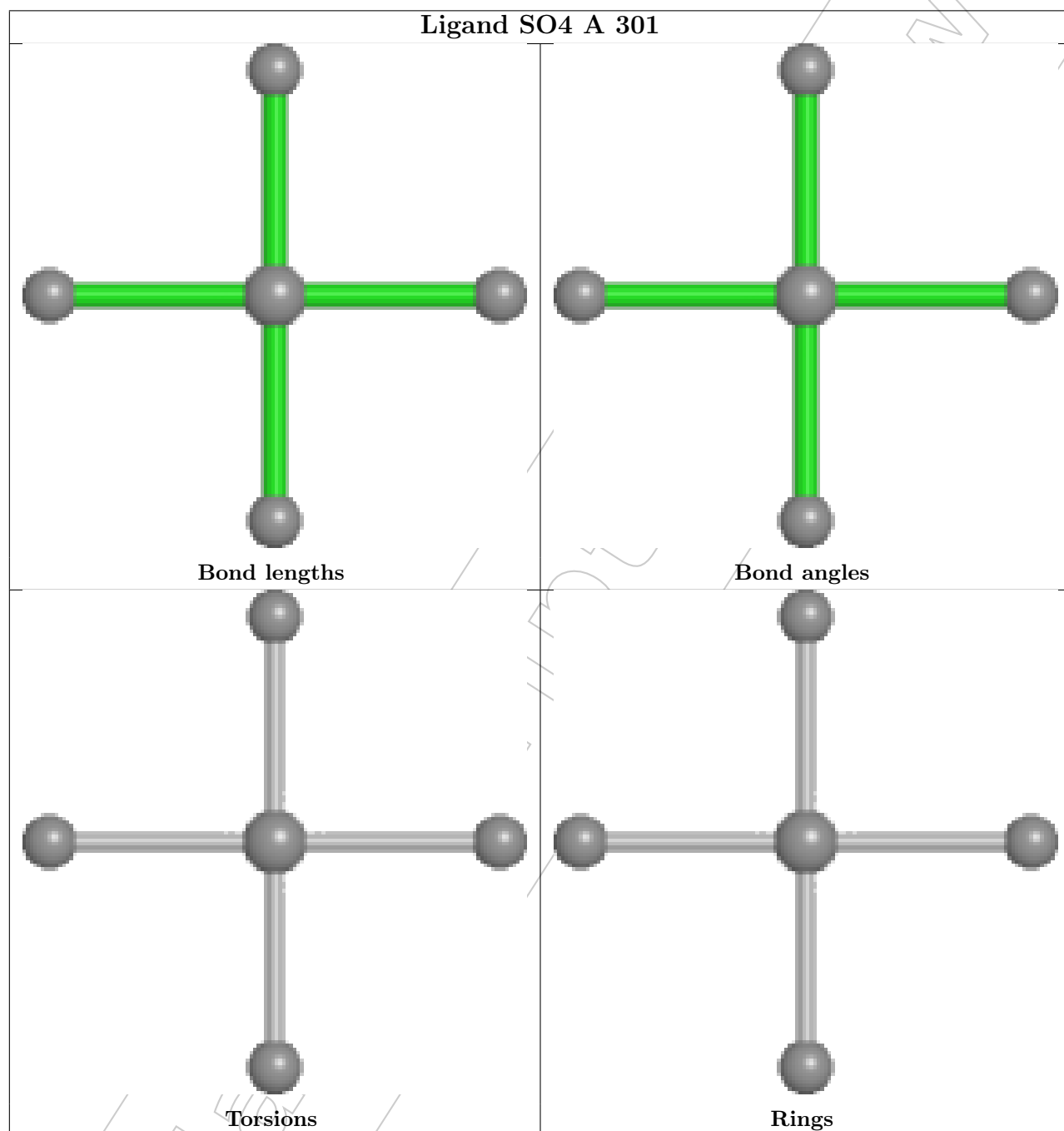
There are no torsion outliers.

There are no ring outliers.

No monomer is involved in short contacts.

The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less than 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.





5.7 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

6 Fit of model and data [i](#)

6.1 Protein, DNA and RNA chains [i](#)

In the following table, the column labelled ‘#RSRZ> 2’ contains the number (and percentage) of RSRZ outliers, followed by percent RSRZ outliers for the chain as percentile scores relative to all X-ray entries and entries of similar resolution. The OWAB column contains the minimum, median, 95th percentile and maximum values of the occupancy-weighted average B-factor per residue. The column labelled ‘Q< 0.9’ lists the number of (and percentage) of residues with an average occupancy less than 0.9.

Mol	Chain	Analysed	<RSRZ>	#RSRZ>2	OWAB(Å ²)	Q<0.9
1	A	239/239 (100%)	-0.10	2 (0%) 86 87	17, 22, 30, 44	0

All (2) RSRZ outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	RSRZ
1	A	23	ALA	2.5
1	A	26	TYR	2.3

6.2 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.3 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

6.4 Ligands [i](#)

In the following table, the Atoms column lists the number of modelled atoms in the group and the number defined in the chemical component dictionary. The B-factors column lists the minimum, median, 95th percentile and maximum values of B factors of atoms in the group. The column labelled ‘Q< 0.9’ lists the number of atoms with occupancy less than 0.9.

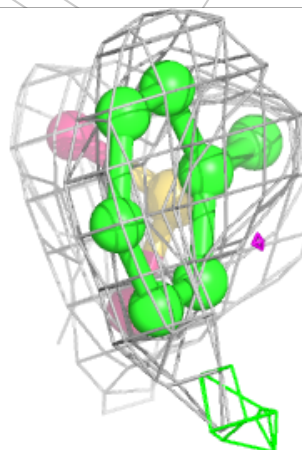
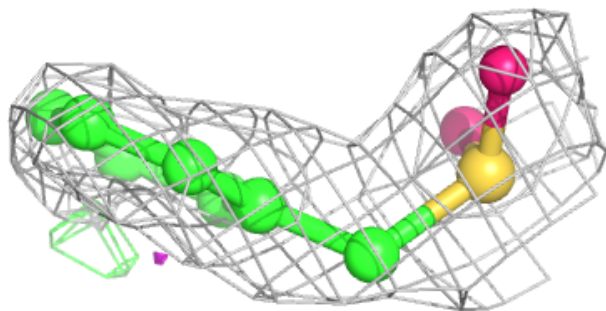
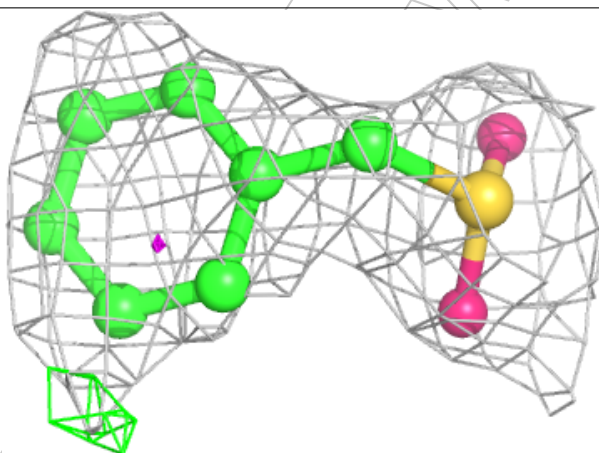
Mol	Type	Chain	Res	Atoms	RSCC	RSR	B-factors(Å ²)	Q<0.9
3	PMS	A	302	10/11	0.95	0.12	40,45,52,53	0
2	SO4	A	301	5/5	0.98	0.10	32,36,38,41	0

The following is a graphical depiction of the model fit to experimental electron density of all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the geometry validation Tables will also be included. Each fit is shown from different

orientation to approximate a three-dimensional view.

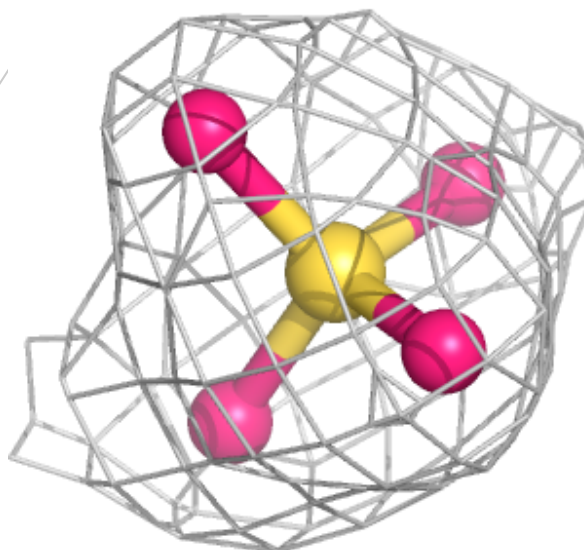
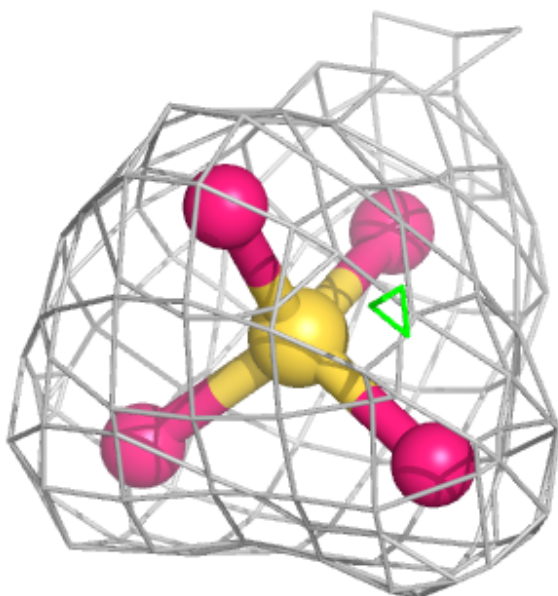
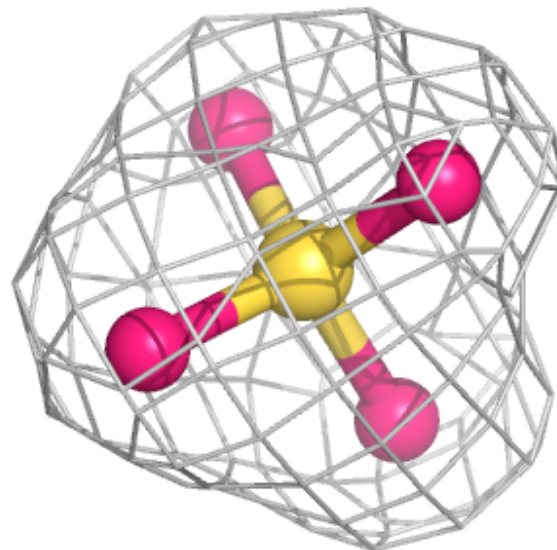
Electron density around PMS A 302:

$2mF_o - DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 $mF_o - DF_c$ (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



Electron density around SO4 A 301:

2mF_o-DF_c (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



6.5 Other polymers ⓘ

There are no such residues in this entry.

报告编号: R201901676

QE鉴定分析-溶液

此件为复印件内容与原件一致

上海中科新生命生物科技有限公司



2020-01-02

声 明

- 1、本分析报告无本公司检验检测专用章和技术负责人签字无效。
- 2、本分析报告仅对本次所检样品负责，检测结果仅反映对所检样品的评价，对于检测结果的使用、使用所产生的直接或间接损失及一切法律后果，本公司不承担任何经济和法律責任。
- 3、委托单位对测试结果如有异议并在检测前有留样者，请于分析报告完成之日十五日内向本公司书面提出复检申请，同时附上分析报告原件与并预付复检费。委托单位办理完毕以上手续后，本公司会尽快安排复检。如果复检结果与异议内容相符，本公司将退还委托单位的检测费和复检费，否则委托单位的复检费应照常交纳。不可重复性试验、不能进行复检的，不进行复检，委托单位放弃异议权利。
- 4、委托单位对样品的代表性和资料的真实性负责，本公司不承担任何相关责任。
- 5、本公司有权在分析报告发出两周后按客户委托样品处理方式处理剩余样品。
- 6、未经本公司允许，不得全部或部分复制本分析报告，私自转让、盗用、冒用、涂改或以其他任何形式篡改的均属无效，本公司将对上述行为严究其相应的法律责任。本分析报告仅用于数据参考，不具有对社会的证明作用。
- 7、除非相关政府部门、法律或法院要求，否则未经本公司书面同意，本公司无须并无义务到法院对相关结果作证。若测试结果被不当使用，本公司将保留撤回测试结果的权利，并有权要求其他适当额外赔偿。
- 8、如需要在法院审理程序或仲裁过程中使用测试结果，客户必须在向本公司提交测试样品前告知该意图，如果没有告知本公司，出现任何损失、纠纷等等，本公司概不负责，并有权要求其他适当额外赔偿。
- 9、本公司可以将全部或部分服务委派给代理人或分包方，客户授权给本公司，使本公司有权向代理人或分包方透露相关客户信息，以便更好的完成服务。
- 10、由于客户自身的错误、疏忽或违约造成服务无法完成或其它损失，本公司将不承担任何责任，并有权要求适当额外赔偿。
- 11、本公司保证检测的客观公正性，对委托单位的商业信息、技术文件、分析报告等商业秘密履行保密义务。

报告编号: R201901676

SFEpeak4的QE鉴定分析-溶液

供试品名称: SFEpeak4

供试品批号: -

委托单位: 西北大学

检测人员: 濮武康

核验人员: 杨超

技术负责人: 王瑞

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: R201901676

目 录

1. 供试品信息（客户提供）	3
2. 实验目的	3
3. 实验仪器	4
4. 材料和试剂	4
5. 实验原理和方法	4
5.1 实验原理	4
5.2 实验方法	5
6. 附件（电子版）	6
7. 结论	6

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: R201901676

1.供试品信息(客户提供)

供试品名称:SFEpeak4

供试品批号:-

供试品状态:液体

物种信息:自建库

理论序列:-

2.实验目的

在生物医药领域,作为药物的蛋白质多肽分子首先要进行定性的分析工作。鉴定工作有两种思路,其一是使用免疫学的方法进行定性分析,第二种就是使用质谱技术进行定性分析。质谱技术定性鉴定分析,拥有开发周期短,精确度高,信息完整等优点。但是由于技术和方法的局限,在生物医药领域的应用在最近几年才进入高速发展阶段。

最近十几年来,基于生物质谱技术的蛋白质多肽分子鉴定技术有了长足的进步。其中尤其是 orbitrap 原理的质谱设备的逐渐成熟,使鉴定分析变得更迅速和准确。本实验使用的 QE 质谱仪,使用串联质谱技术对蛋白质多肽分子进行鉴定分析工作。串联质谱法是近些年发展起来的一种多肽序列分析手段,它主要指生物质谱通过碰撞诱导解离(collision2induced dissociation , CID) 或源后衰变(post source decay , PSD)等过程产生一系列碎片离子(如酰胺键断裂产生的 b 离子和 y 离子等),并通过对这些碎片离子的解析,得到待测多肽分子的氨基酸序列信息。得到的质谱数据既可以通过仪器提供的软件解析,也可以进行手工解析,这种方法尤其适用于肽混合物和 N 末端封闭的多肽序列分析,具有灵敏度高(pmol 级甚至更低)、结果准确、易于操作和分析快速等优点。本实验中使用的 QE 质谱仪,使用 HCD(Higher-energy collisional dissociation)原理获得串联质谱图,效率高、图谱质量好,能够更容易的使用软件进行解析。

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: R201901676

在本实验中,采用的方法是,使用蛋白质内切酶(一般是Trypsin)对蛋白质多肽样品进行酶解,然后使用LCMSMS(nanoLC-QE)对酶解后的样品进行分析。最后使用MASCOT等质谱匹配软件对LCMSMS数据进行分析,获得目标蛋白质多肽分子的定性鉴定信息。

3.实验仪器

- 1) Q Exactive (Thermo Fisher)
- 2) Easy-nLC 1000(Thermo Fisher)

4.材料和试剂

- 1) Guanidine (Sigma)
- 2) Urea (Bio-Rad)
- 3) Tris-base (Bio-Rad)
- 4) DTT (Bio-Rad)
- 5) IAA (Sigma)
- 6) Zeba Spin column (Pierce)
- 7) Trypsin(Promega)
- 8) Chymotrypsin(Sigma)
- 9) Glu-C(Wako)
- 10) LysC(Wako)

5.实验原理和方法

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: R201901676

a)实验原理

- 1) 电喷雾质谱(ESI)是利用高电场使质谱进样端的毛细管柱流出的液滴带电,在氮气气流的作用下,液滴溶剂蒸发,表面积缩小,表面电荷密度不断增加,直至产生的库仑力与液滴表面张力达到雷利极限,液滴爆裂为带电的子液滴,这一过程不断重复使最终的液滴非常细小呈喷雾状,这时液滴表面的电场非常强大,使分析物离子化并以带单电荷或多电荷的离子形式进入质量分析器。

b)实验方法

- 1) 供试品酶解:

供试品经过还原和烷基化处理后,加入Trypsin(质量比1:50),在37°C条件下酶解20小时。酶解产物脱盐后冻干,复溶于0.1%FA溶液中,-20°C保存待用。

- 2) 质谱分析:

A液为0.1%甲酸的水溶液,B液为0.1%甲酸的乙腈水溶液(乙腈为84%)。色谱柱以95%的A液平衡后,样品由自动进样器上样至Trap柱。0.5H梯度

- 3) 质谱数据采集:

多肽和多肽的碎片的质量电荷比按照下列方法采集:每次全扫描(full scan)后采集20个碎片图谱(MS2 scan)。

- 4) 数据分析:

质谱测试原始文件(raw file)用Mascot2.2软件检索相应的数据库,最后得到鉴定的蛋白质结

此件为复印件内容与原件一致

报告编号: R201901676

果。搜库参数如下:

表1 数据库检索参数表

Enzyme :	Trypsin
Database:	zjk_89_20191226.fasta
Fixed modifications:	Carbamidomethyl (C)
Variable modifications:	Oxidation (M)
Missed Cleavage:	2
Peptide Mass Tolerance:	20ppm
Fragment Mass Tolerance:	0.1 Da
Filter by score >=20	

6.附件(电子版)

附件1 :供试品的basepeak图(.PDF)

附件2 :供试品蛋白质鉴定列表 (.Excel)

7.结论

综上所述,供试品SFEpeak4(批号:-)鉴定的结果如下:2sequence等。



Full wwPDB X-ray Structure Validation Report ⓘ

Jan 27, 2023 – 04:18 PM IST

PDB ID : 8HZO
Title : Crystal structure of snFPITE-n2
Deposited on : 2023-01-09
Resolution : 1.50 Å(reported)

This wwPDB validation report is for manuscript review

This is a Full wwPDB X-ray Structure Validation Report.

This report is produced by the wwPDB curation pipeline after annotation of the structure.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/XrayValidationReportHelp>

with specific info available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity	:	4.02b-467
Mogul	:	1.8.5 (274361), CSD as541be (2020)
Xtriage (Phenix)	:	1.13
EDS	:	2.31.3
buster-report	:	1.1.7 (2018)
Percentile statistics	:	20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
Refmac	:	5.8.0158
CCP4	:	7.0.044 (Gargrove)
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)

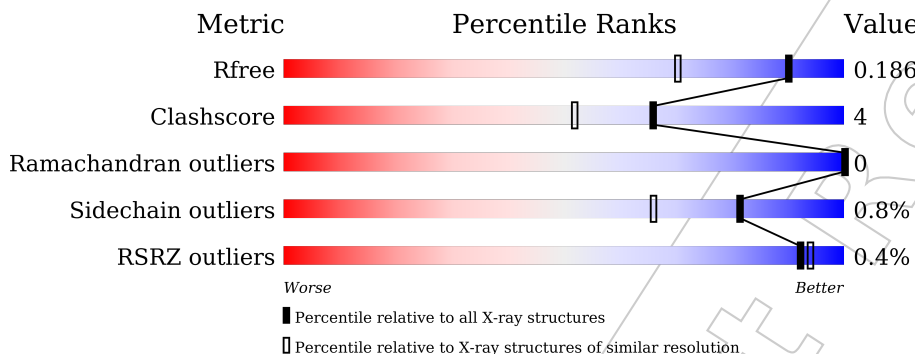
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

X-RAY DIFFRACTION

The reported resolution of this entry is 1.50 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	Similar resolution (#Entries, resolution range(Å))
R_{free}	130704	2936 (1.50-1.50)
Clashscore	141614	3144 (1.50-1.50)
Ramachandran outliers	138981	3066 (1.50-1.50)
Sidechain outliers	138945	3064 (1.50-1.50)
RSRZ outliers	127900	2884 (1.50-1.50)

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the electron density. The red, orange, yellow and green segments of the lower bar indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the electron density. The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	239	 92% 8%
2	B	239	 96% .

2 Entry composition [i](#)

There are 7 unique types of molecules in this entry. The entry contains 4045 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the ZeroOcc column contains the number of atoms modelled with zero occupancy, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

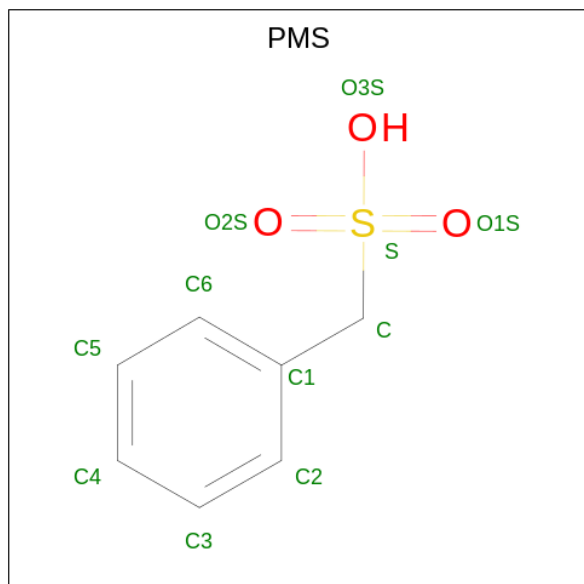
- Molecule 1 is a protein called snFPITE-n2 molecule A.

Mol	Chain	Residues	Atoms					ZeroOcc	AltConf	Trace
1	A	239	Total	C	N	O	S	0	2	0
			1768	1100	309	345	14			

- Molecule 2 is a protein called snFPITE-n2 molecule B.

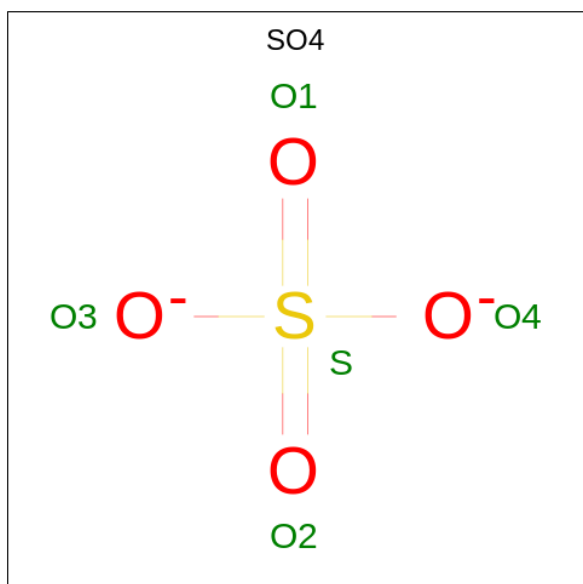
Mol	Chain	Residues	Atoms					ZeroOcc	AltConf	Trace
2	B	239	Total	C	N	O	S	0	1	0
			1752	1080	313	346	13			

- Molecule 3 is phenylmethanesulfonic acid (three-letter code: PMS) (formula: C₇H₈O₃S) (labeled as "Ligand of Interest" by depositor).



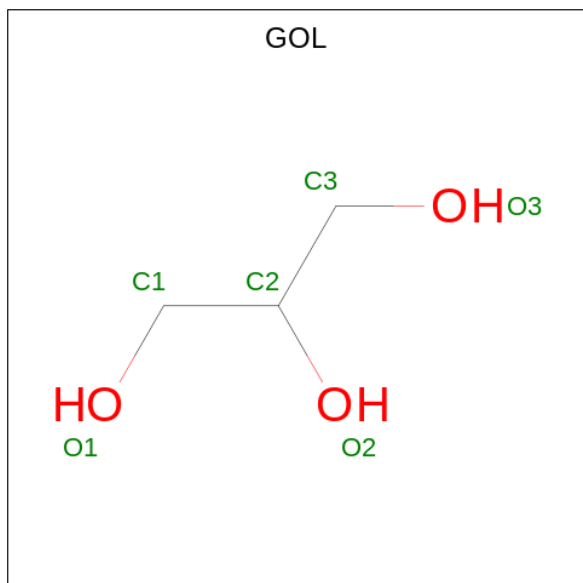
Mol	Chain	Residues	Atoms				ZeroOcc	AltConf
3	A	1	Total	C	O	S	0	0
			10	7	2	1		
3	B	1	Total	C	O	S	0	0
			10	7	2	1		

- Molecule 4 is SULFATE ION (three-letter code: SO4) (formula: O_4S) (labeled as "Ligand of Interest" by depositor).



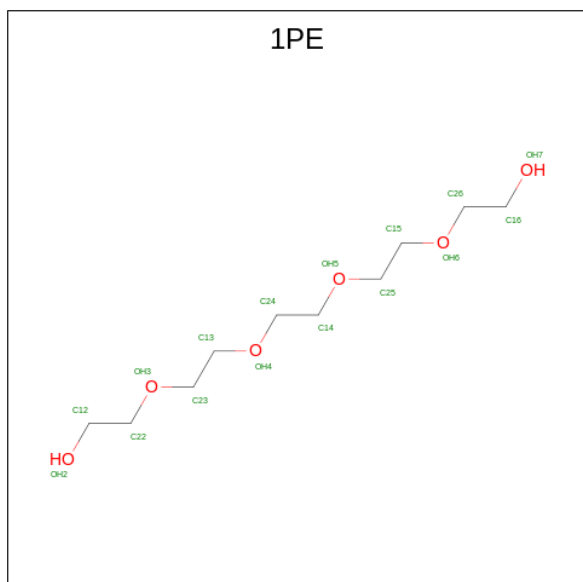
Mol	Chain	Residues	Atoms			ZeroOcc	AltConf
4	A	1	Total	O	S	0	0
			5	4	1		
4	A	1	Total	O	S	0	0
			5	4	1		
4	B	1	Total	O	S	0	0
			5	4	1		
4	B	1	Total	O	S	0	0
			5	4	1		

- Molecule 5 is GLYCEROL (three-letter code: GOL) (formula: $C_3H_8O_3$) (labeled as "Ligand of Interest" by depositor).



Mol	Chain	Residues	Atoms			ZeroOcc	AltConf
5	A	1	Total	C	O	0	0
			6	3	3		
5	A	1	Total	C	O	0	0
			6	3	3		
5	A	1	Total	C	O	0	0
			6	3	3		
5	B	1	Total	C	O	0	0
			6	3	3		

- Molecule 6 is PENTAETHYLENE GLYCOL (three-letter code: 1PE) (formula: $C_{10}H_{22}O_6$) (labeled as "Ligand of Interest" by depositor).



Mol	Chain	Residues	Atoms			ZeroOcc	AltConf
6	B	1	Total	C	O	0	0
			16	10	6		

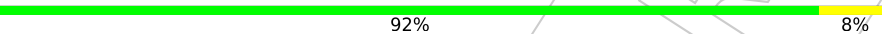
- Molecule 7 is water.

Mol	Chain	Residues	Atoms		ZeroOcc	AltConf
7	A	257	Total	O	0	0
			257	257		
7	B	188	Total	O	0	0
			188	188		

3 Residue-property plots [i](#)

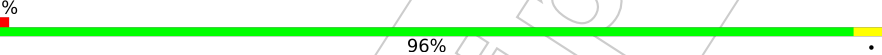
These plots are drawn for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic for a chain summarises the proportions of the various outlier classes displayed in the second graphic. The second graphic shows the sequence view annotated by issues in geometry and electron density. Residues are color-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. A red dot above a residue indicates a poor fit to the electron density ($RSRZ > 2$). Stretches of 2 or more consecutive residues without any outlier are shown as a green connector. Residues present in the sample, but not in the model, are shown in grey.

- Molecule 1: snFPITE-n2 molecule A

Chain A:  92% 8%



- Molecule 2: snFPITE-n2 molecule B

Chain B:  96% 4%



4 Data and refinement statistics

Property	Value	Source
Space group	P 21 21 21	Depositor
Cell constants a, b, c, α , β , γ	39.26Å 59.74Å 193.70Å 90.00° 90.00° 90.00°	Depositor
Resolution (Å)	96.85 – 1.50 96.85 – 1.50	Depositor EDS
% Data completeness (in resolution range)	96.0 (96.85-1.50) 96.0 (96.85-1.50)	Depositor EDS
R_{merge}	0.08	Depositor
R_{sym}	(Not available)	Depositor
$\langle I/\sigma(I) \rangle$ ¹	2.66 (at 1.50Å)	Xtriage
Refinement program	PHENIX 1.16_3549	Depositor
R, R_{free}	0.163 , 0.186 0.163 , 0.186	Depositor DCC
R_{free} test set	3435 reflections (4.82%)	wwPDB-VP
Wilson B-factor (Å ²)	15.1	Xtriage
Anisotropy	0.577	Xtriage
Bulk solvent k_{sol} (e/Å ³), B_{sol} (Å ²)	0.39 , 48.4	EDS
L-test for twinning ²	$\langle L \rangle = 0.47$, $\langle L^2 \rangle = 0.30$	Xtriage
Estimated twinning fraction	No twinning to report.	Xtriage
F_o, F_c correlation	0.97	EDS
Total number of atoms	4045	wwPDB-VP
Average B, all atoms (Å ²)	20.0	wwPDB-VP

Xtriage's analysis on translational NCS is as follows: *The largest off-origin peak in the Patterson function is 5.52% of the height of the origin peak. No significant pseudotranslation is detected.*

¹Intensities estimated from amplitudes.

²Theoretical values of $\langle |L| \rangle$, $\langle L^2 \rangle$ for acentric reflections are 0.5, 0.333 respectively for untwinned datasets, and 0.375, 0.2 for perfectly twinned datasets.

5 Model quality [i](#)

5.1 Standard geometry [i](#)

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section: SO4, IPE, PMS, GOL

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	# Z >5	RMSZ	# Z >5
1	A	0.64	0/1810	0.77	0/2466
2	B	0.51	0/1796	0.67	0/2451
All	All	0.58	0/3606	0.73	0/4917

There are no bond length outliers.

There are no bond angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

5.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	A	1768	0	1672	21	0
2	B	1752	0	1635	6	0
3	A	10	0	7	0	0
3	B	10	0	7	0	0
4	A	10	0	0	1	0
4	B	10	0	0	0	0
5	A	18	0	23	1	0
5	B	6	0	8	1	0
6	B	16	0	22	3	0
7	A	257	0	0	3	0
7	B	188	0	0	0	0
All	All	4045	0	3374	28	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 4.

All (28) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:134:LEU:HD23	1:A:136:ALA:H	1.08	1.10
1:A:11:MET:HE2	7:A:469:HOH:O	1.84	0.77
1:A:134:LEU:HD23	1:A:136:ALA:N	1.94	0.73
2:B:96:ALA:HB2	5:B:304:GOL:H2	1.74	0.69
1:A:134:LEU:CD2	1:A:136:ALA:H	1.96	0.67
1:A:105:GLY:N	4:A:303:SO4:O2	2.22	0.66
1:A:86:LEU:HD13	1:A:167:PHE:CE1	2.34	0.62
1:A:73:VAL:HG22	1:A:98:GLU:OE1	2.01	0.61
1:A:73:VAL:HG22	1:A:98:GLU:CD	2.21	0.60
1:A:134:LEU:HD11	7:A:505:HOH:O	2.09	0.52
1:A:157[B]:CYS:SG	1:A:168:VAL:HG21	2.49	0.52
2:B:217:SER:HB3	6:B:305:1PE:H121	1.91	0.52
1:A:86:LEU:HD22	1:A:167:PHE:CZ	2.49	0.48
1:A:189:SER:HA	1:A:207:THR:HB	1.96	0.47
2:B:189:SER:HA	2:B:207:THR:HB	1.96	0.47
1:A:75:VAL:HG12	1:A:95:MET:HG2	1.98	0.44
1:A:162:PRO:HD3	1:A:222:TYR:CD1	2.53	0.43
1:A:114:VAL:H	1:A:114:VAL:HG22	1.50	0.43
1:A:134:LEU:HD22	1:A:136:ALA:HB3	2.00	0.43
1:A:75:VAL:HG22	7:A:477:HOH:O	2.19	0.42
1:A:73:VAL:HG12	1:A:74:THR:HG23	2.01	0.42
1:A:73:VAL:HG22	1:A:98:GLU:HG2	2.02	0.42
1:A:73:VAL:HG22	1:A:98:GLU:CG	2.50	0.41
2:B:88:ILE:HD11	6:B:305:1PE:H161	2.03	0.41
2:B:130:TRP:O	2:B:140:ILE:HB	2.21	0.41
2:B:218:CYS:SG	2:B:218:CYS:O	2.79	0.41
1:A:150:THR:OG1	5:A:304:GOL:H32	2.22	0.40
6:B:305:1PE:H242	6:B:305:1PE:H231	1.79	0.40

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles [i](#)

5.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all X-ray entries followed by that with respect to entries

of similar resolution.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	239/239 (100%)	234 (98%)	5 (2%)	0	100	100
2	B	238/239 (100%)	231 (97%)	7 (3%)	0	100	100
All	All	477/478 (100%)	465 (98%)	12 (2%)	0	100	100

There are no Ramachandran outliers to report.

5.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all X-ray entries followed by that with respect to entries of similar resolution.

The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	182/180 (101%)	179 (98%)	3 (2%)	62	36
2	B	178/177 (101%)	177 (99%)	1 (1%)	86	74
All	All	360/357 (101%)	356 (99%)	4 (1%)	81	53

All (4) residues with a non-rotameric sidechain are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A	134	LEU
1	A	174[A]	CYS
1	A	174[B]	CYS
2	B	174	CYS

Sometimes sidechains can be flipped to improve hydrogen bonding and reduce clashes. There are no such sidechains identified.

5.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [i](#)

11 ligands are modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds (or angles) for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds (or angles) that are observed in the model and the number of bonds (or angles) that are defined in the Chemical Component Dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z > 2	Counts	RMSZ	# Z > 2
3	PMS	B	301	2	7,10,11	1.06	1 (14%)	11,12,15	1.74	2 (18%)
5	GOL	A	305	-	5,5,5	0.75	0	5,5,5	1.05	1 (20%)
4	SO4	A	302	-	4,4,4	0.13	0	6,6,6	0.21	0
4	SO4	B	303	-	4,4,4	0.12	0	6,6,6	0.14	0
5	GOL	B	304	-	5,5,5	0.95	0	5,5,5	1.24	0
5	GOL	A	304	-	5,5,5	2.32	1 (20%)	5,5,5	0.50	0
4	SO4	A	303	-	4,4,4	0.15	0	6,6,6	0.15	0
4	SO4	B	302	-	4,4,4	0.19	0	6,6,6	0.42	0
5	GOL	A	306	-	5,5,5	0.76	0	5,5,5	1.08	0
6	1PE	B	305	-	15,15,15	0.50	0	14,14,14	0.55	0
3	PMS	A	301	1	7,10,11	0.84	1 (14%)	11,12,15	2.69	4 (36%)

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the Chemical Component Dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
3	PMS	B	301	2	-	0/4/4/5	0/1/1/1
5	GOL	A	305	-	-	0/4/4/4	-
5	GOL	B	304	-	-	2/4/4/4	-

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
5	GOL	A	304	-	-	0/4/4/4	-
6	1PE	B	305	-	-	3/13/13/13	-
5	GOL	A	306	-	-	0/4/4/4	-
3	PMS	A	301	1	-	0/4/4/5	0/1/1/1

All (3) bond length outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
5	A	304	GOL	O2-C2	-4.85	1.28	1.43
3	B	301	PMS	C-C1	2.46	1.54	1.50
3	A	301	PMS	C-C1	2.05	1.53	1.50

All (7) bond angle outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
3	A	301	PMS	O1S-S-C	6.83	116.63	105.56
3	B	301	PMS	O2S-S-C	4.84	113.40	105.56
3	A	301	PMS	O2S-S-C	4.24	112.44	105.56
3	A	301	PMS	C1-C-S	2.72	117.68	110.60
3	B	301	PMS	O1S-S-C	2.54	109.69	105.56
5	A	305	GOL	C3-C2-C1	-2.06	103.68	111.70
3	A	301	PMS	C-C1-C6	-2.00	118.37	120.57

There are no chirality outliers.

All (5) torsion outliers are listed below:

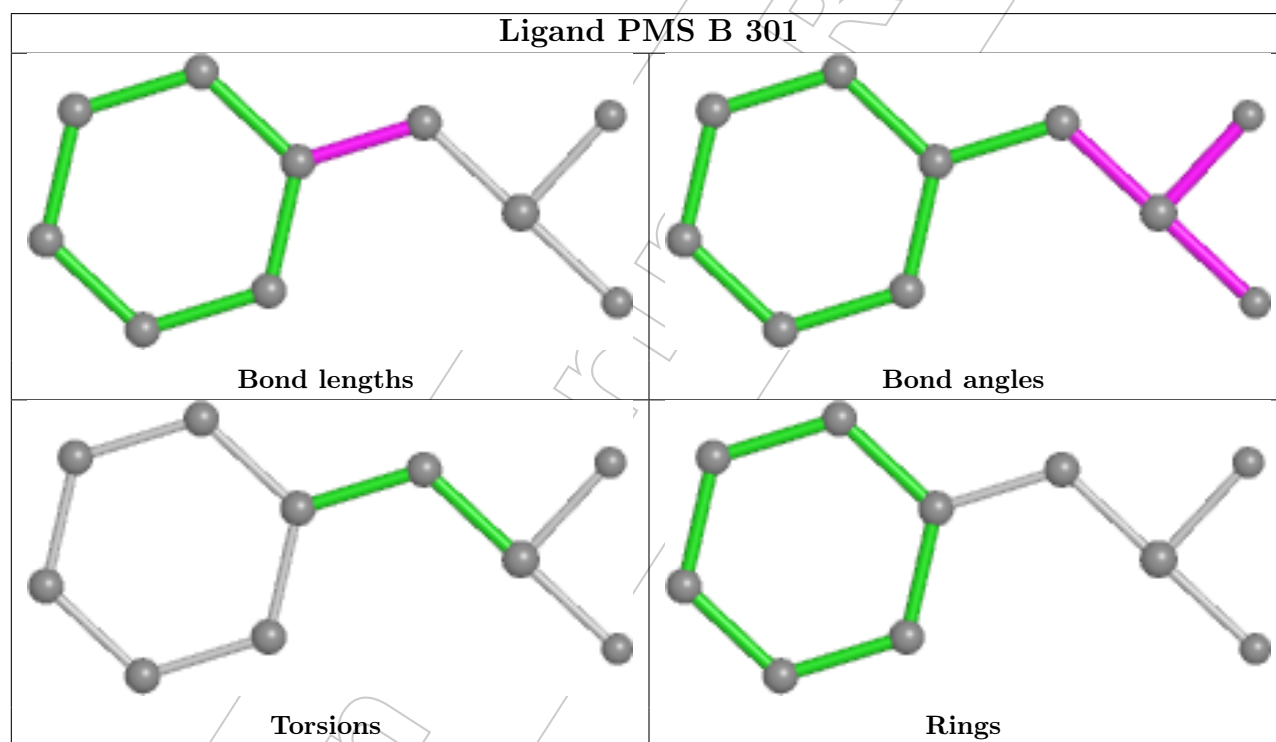
Mol	Chain	Res	Type	Atoms
5	B	304	GOL	O1-C1-C2-O2
5	B	304	GOL	O2-C2-C3-O3
6	B	305	1PE	C25-C15-OH6-C26
6	B	305	1PE	OH6-C15-C25-OH5
6	B	305	1PE	OH4-C13-C23-OH3

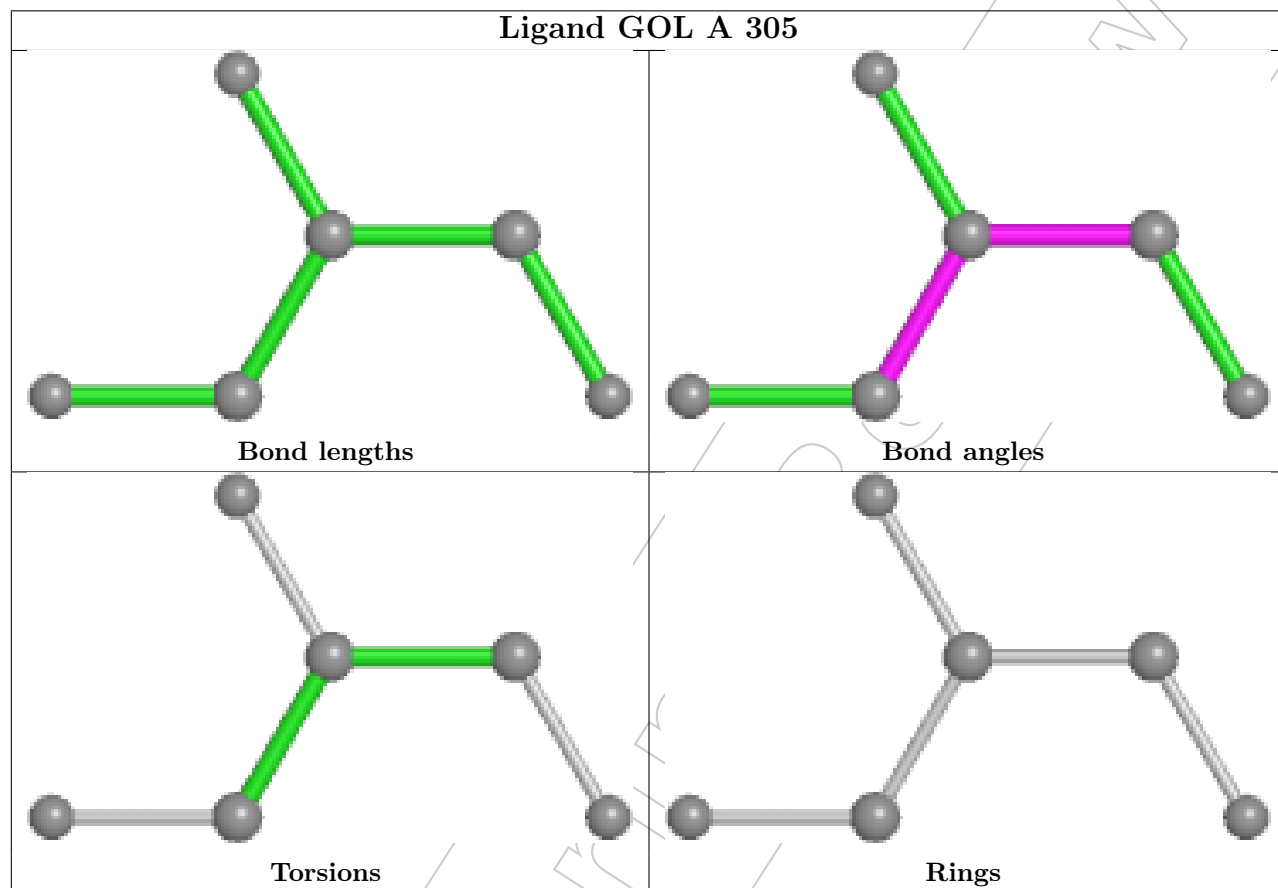
There are no ring outliers.

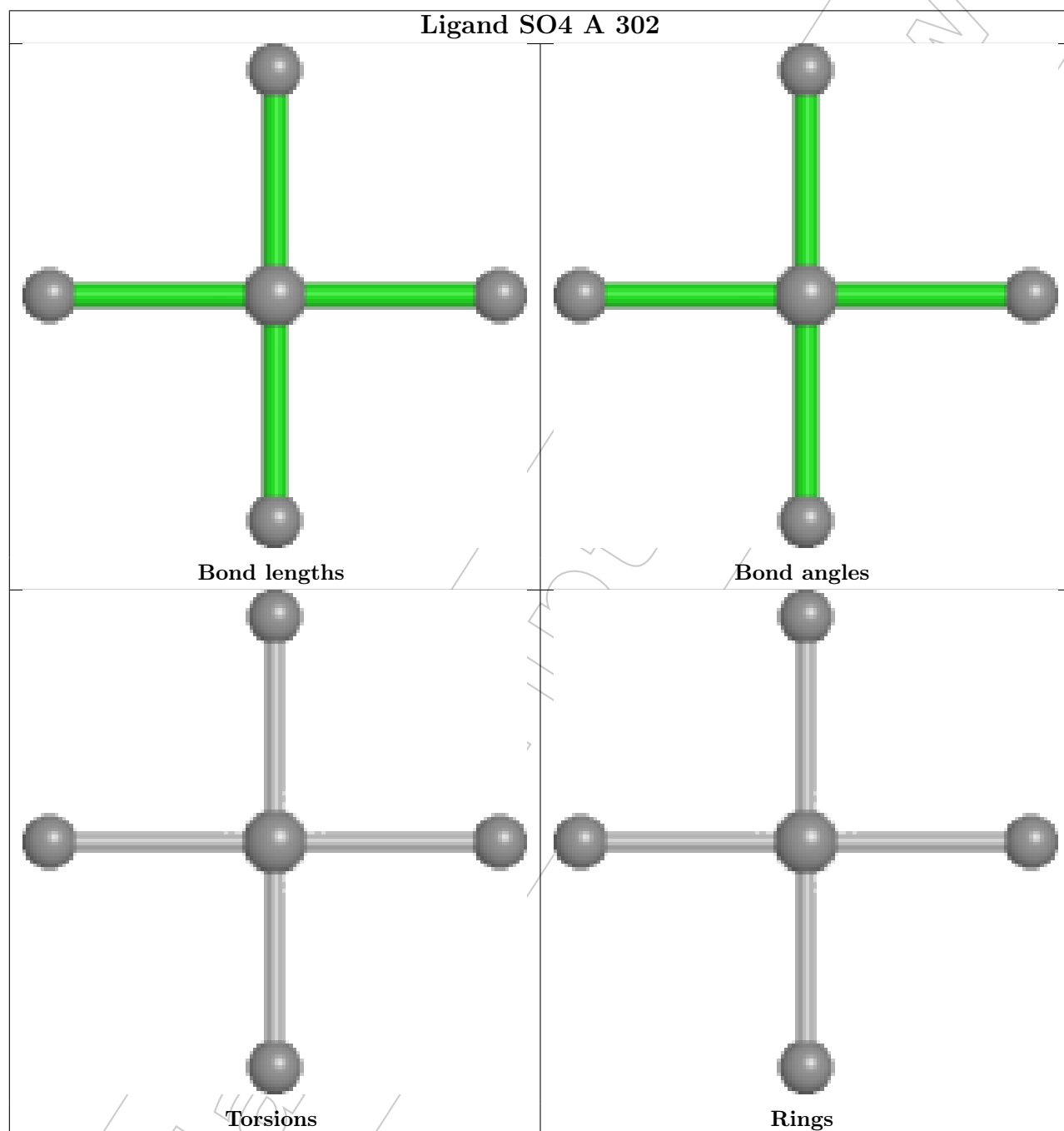
4 monomers are involved in 6 short contacts:

Mol	Chain	Res	Type	Clashes	Symm-Clashes
5	B	304	GOL	1	0
5	A	304	GOL	1	0
4	A	303	SO4	1	0
6	B	305	1PE	3	0

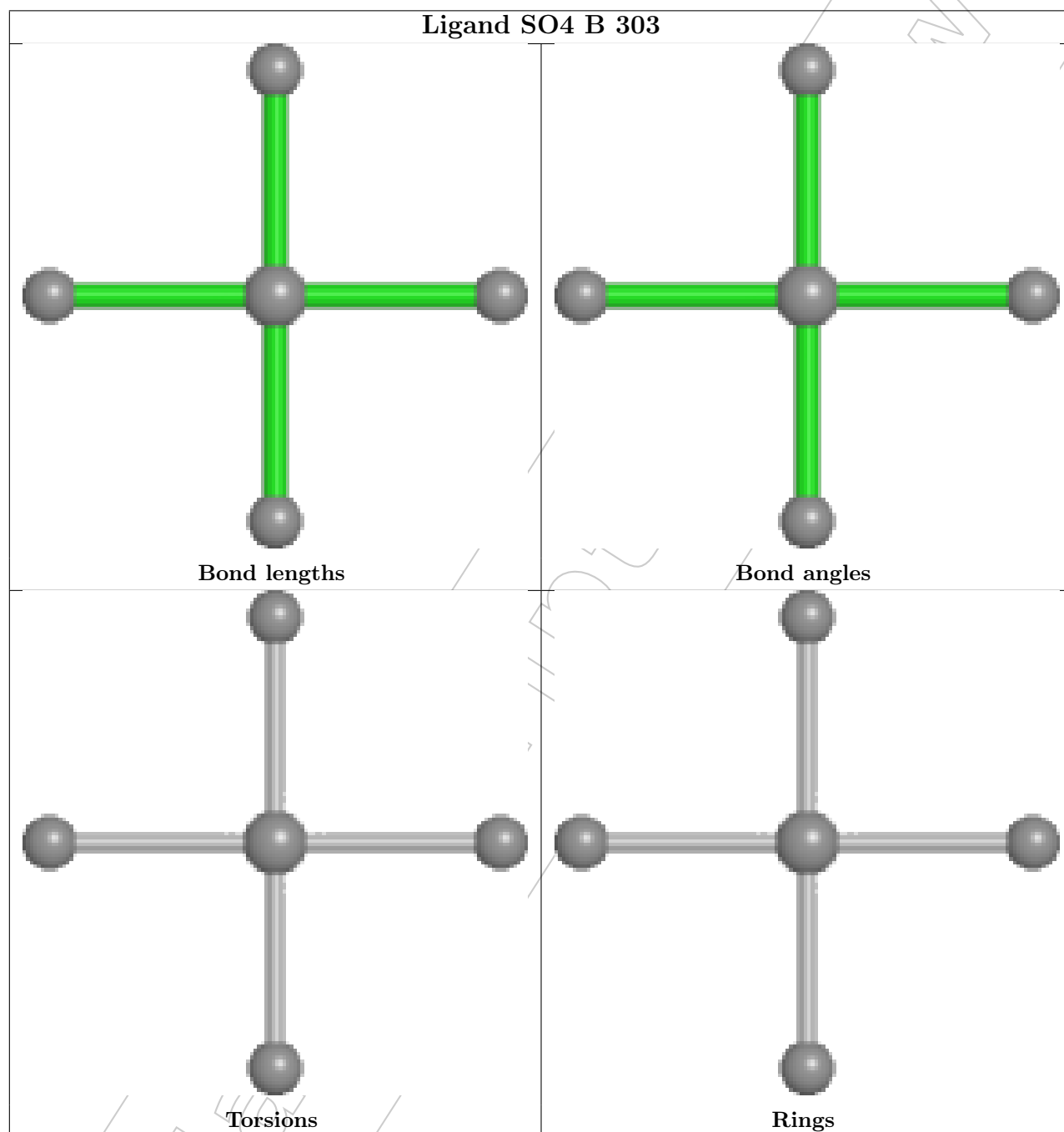
The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less than 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.

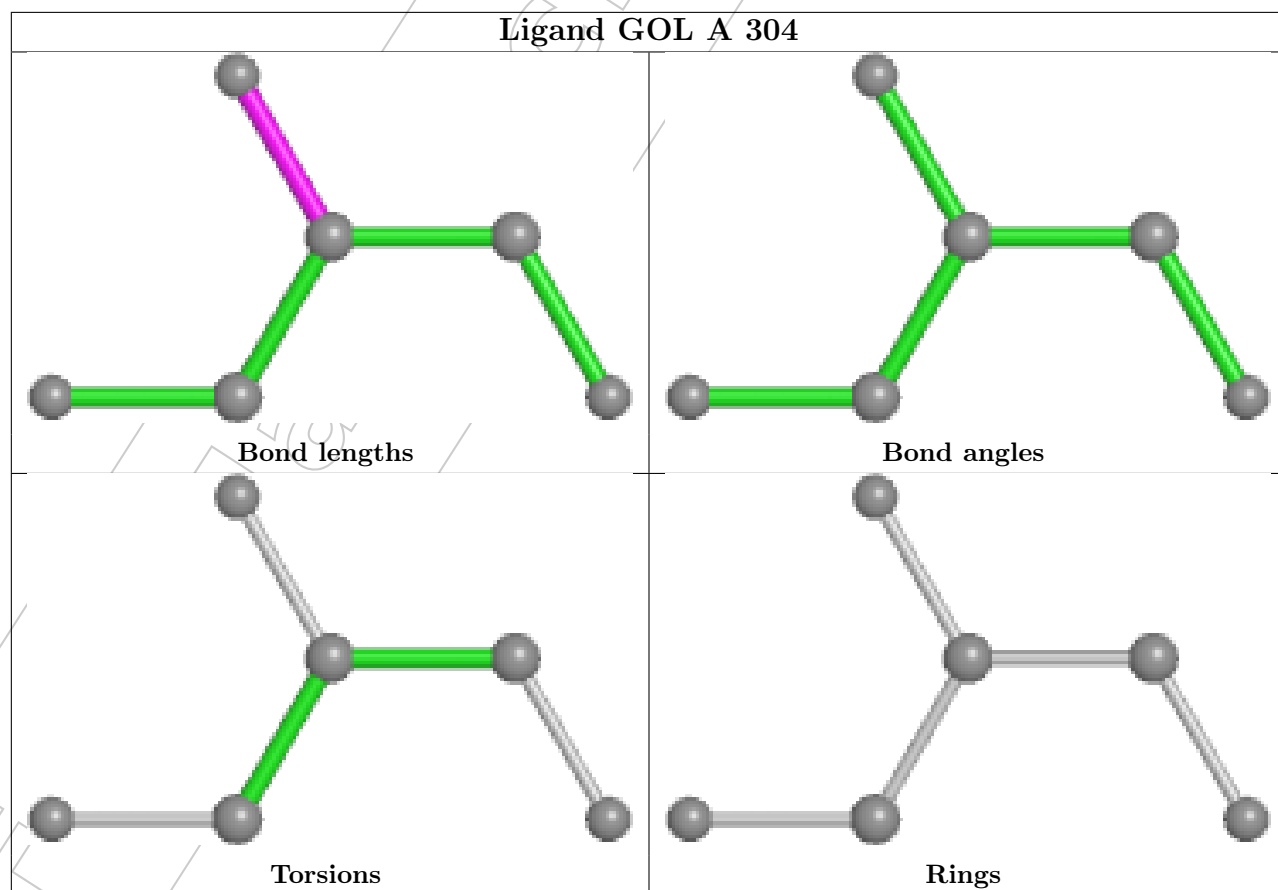
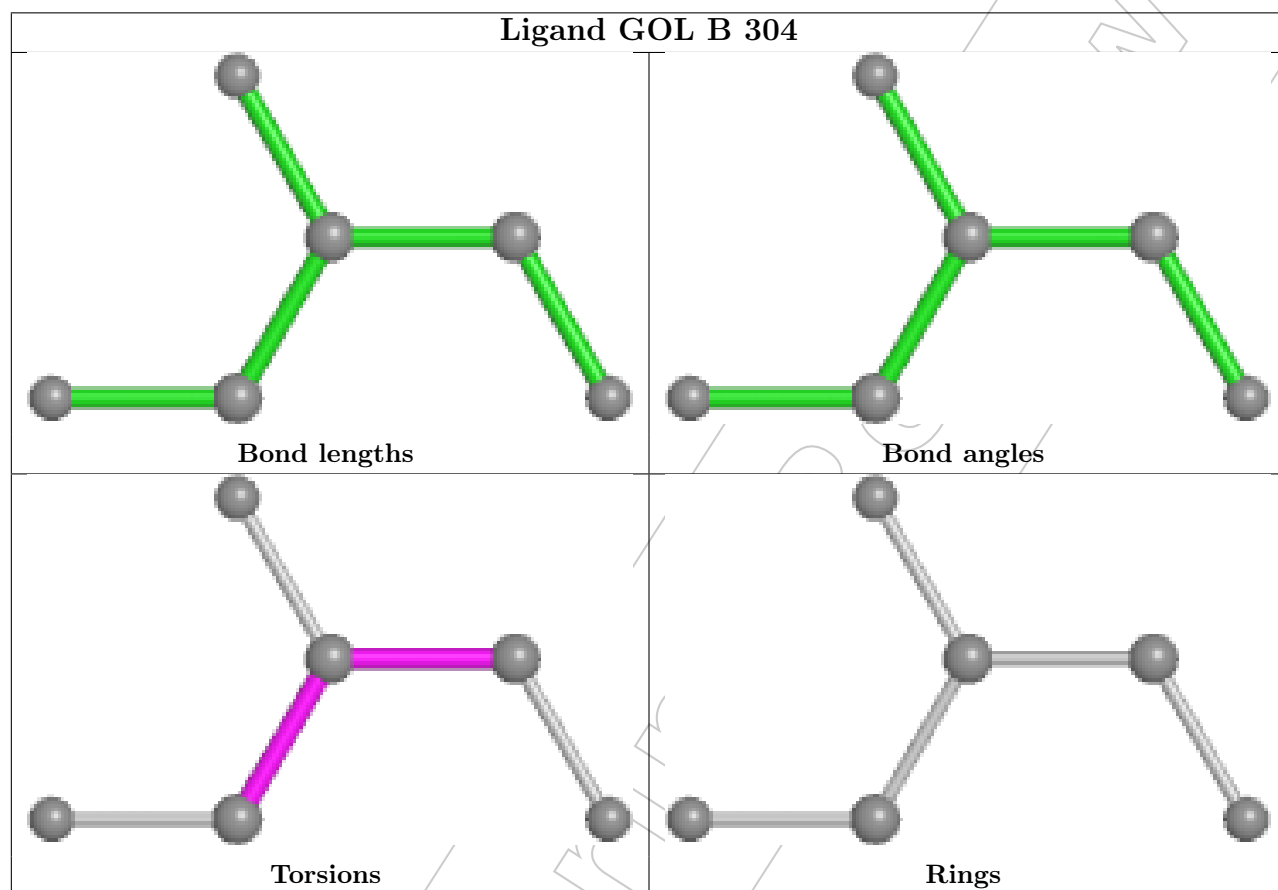


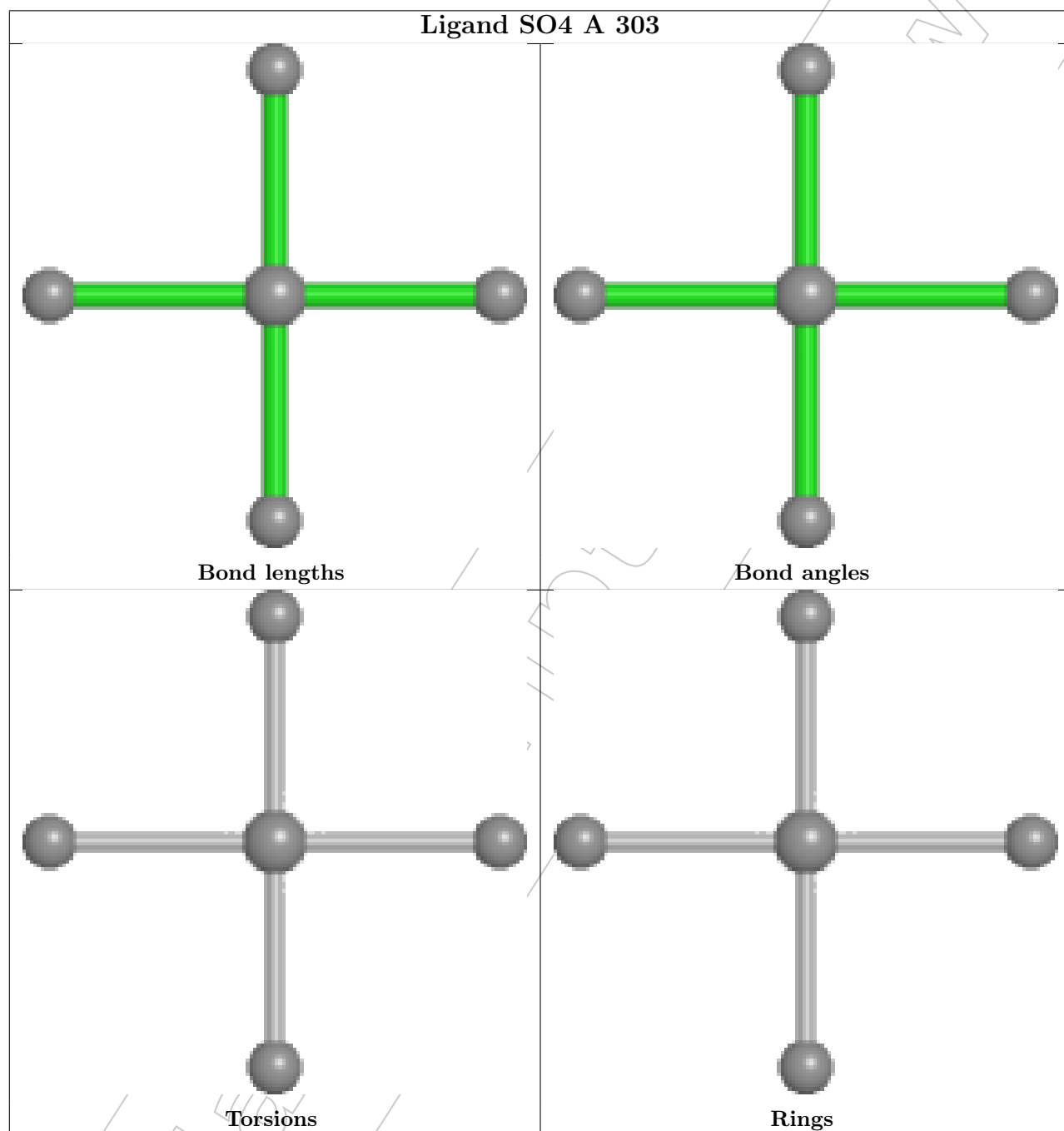


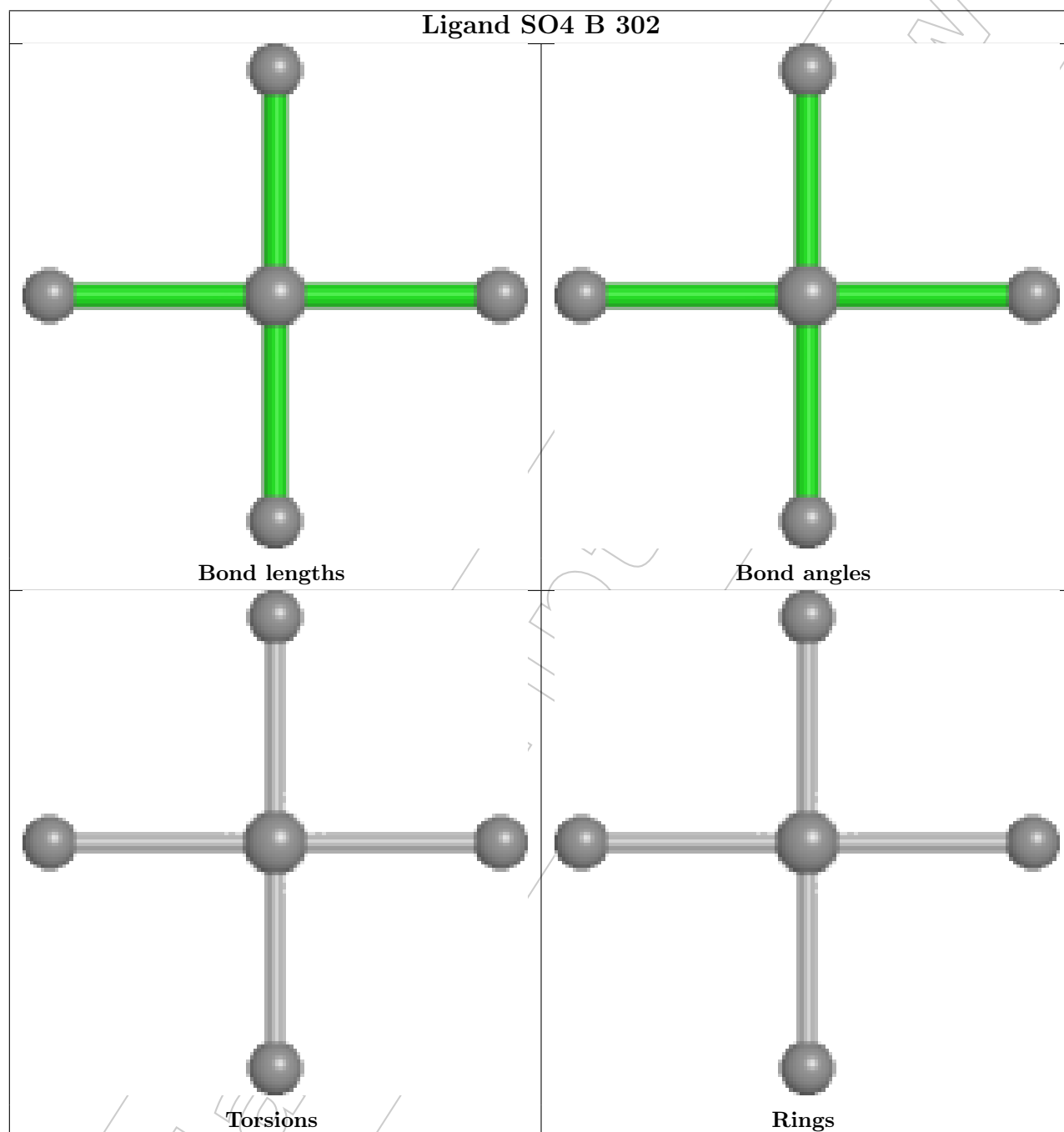


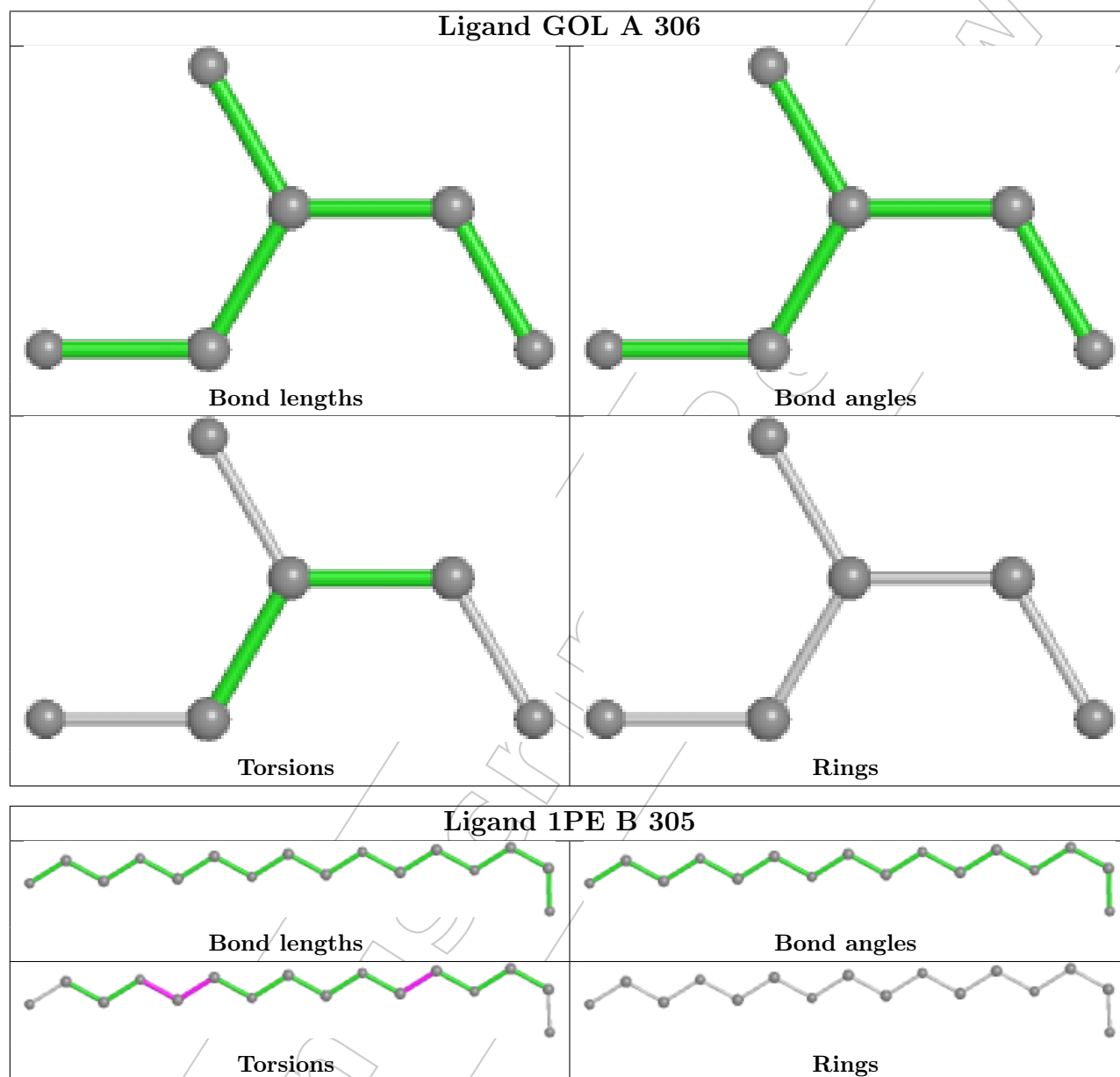
For Manuscript Review

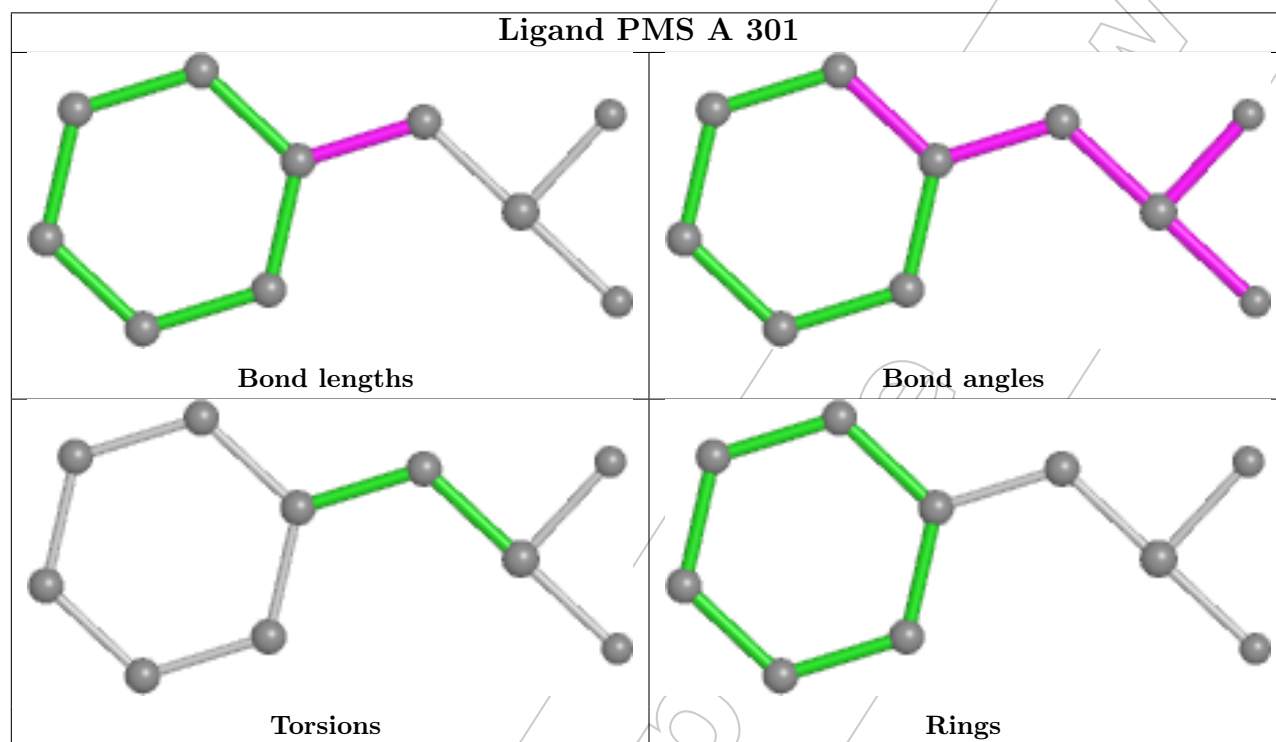












5.7 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

6 Fit of model and data [i](#)

6.1 Protein, DNA and RNA chains [i](#)

In the following table, the column labelled '#RSRZ > 2' contains the number (and percentage) of RSRZ outliers, followed by percent RSRZ outliers for the chain as percentile scores relative to all X-ray entries and entries of similar resolution. The OWAB column contains the minimum, median, 95th percentile and maximum values of the occupancy-weighted average B-factor per residue. The column labelled 'Q < 0.9' lists the number of (and percentage) of residues with an average occupancy less than 0.9.

Mol	Chain	Analysed	<RSRZ>	#RSRZ>2	OWAB(Å ²)	Q<0.9
1	A	239/239 (100%)	-0.18	0 100 100	10, 15, 24, 45	0
2	B	239/239 (100%)	-0.15	2 (0%) 86 89	13, 19, 34, 55	0
All	All	478/478 (100%)	-0.16	2 (0%) 92 94	10, 16, 31, 55	0

All (2) RSRZ outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	RSRZ
2	B	23	ALA	5.0
2	B	99	THR	2.2

6.2 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.3 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

6.4 Ligands [i](#)

In the following table, the Atoms column lists the number of modelled atoms in the group and the number defined in the chemical component dictionary. The B-factors column lists the minimum, median, 95th percentile and maximum values of B factors of atoms in the group. The column labelled 'Q < 0.9' lists the number of atoms with occupancy less than 0.9.

Mol	Type	Chain	Res	Atoms	RSCC	RSR	B-factors(Å ²)	Q<0.9
4	SO4	A	302	5/5	0.64	0.28	66,73,76,79	0
5	GOL	A	304	6/6	0.82	0.17	32,36,38,40	0
4	SO4	B	303	5/5	0.84	0.24	83,84,86,87	0

Continued on next page...

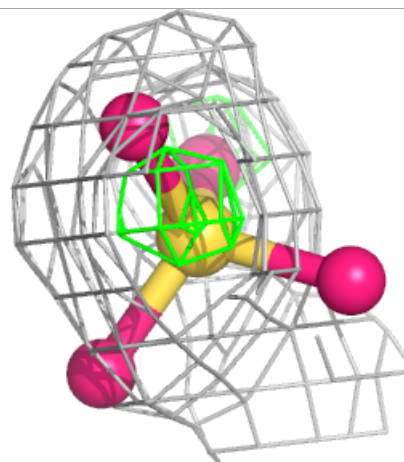
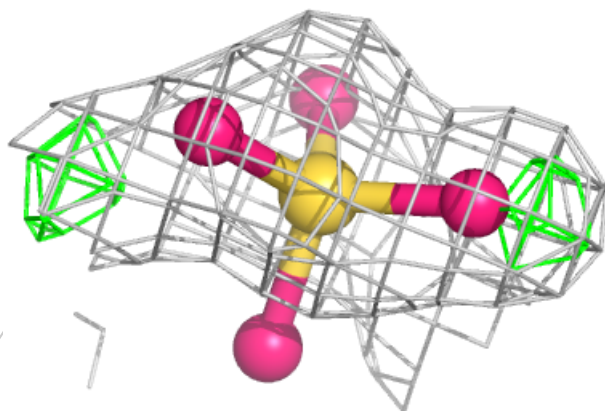
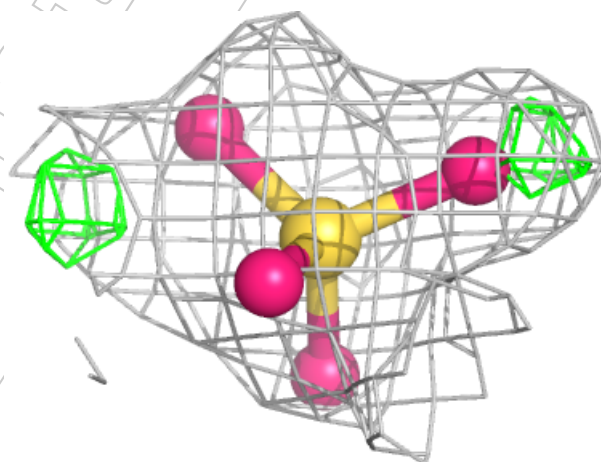
Continued from previous page...

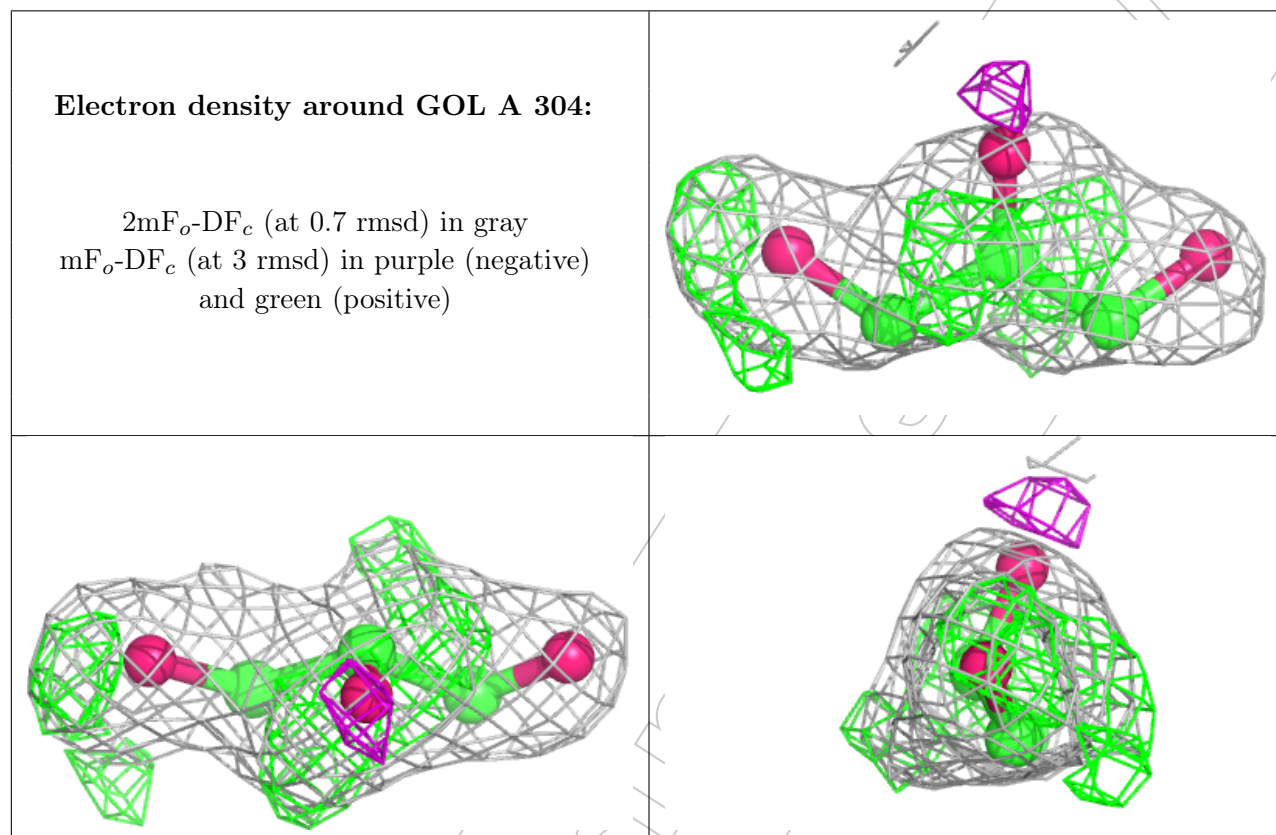
Mol	Type	Chain	Res	Atoms	RSCC	RSR	B-factors($\text{\AA}^2$)	Q<0.9
5	GOL	B	304	6/6	0.84	0.15	31,36,37,37	0
6	1PE	B	305	16/16	0.84	0.12	16,33,38,42	0
4	SO4	A	303	5/5	0.87	0.20	65,67,71,74	0
5	GOL	A	306	6/6	0.88	0.12	21,28,34,40	0
3	PMS	B	301	10/11	0.92	0.17	24,31,35,35	0
3	PMS	A	301	10/11	0.93	0.15	23,29,38,40	0
4	SO4	B	302	5/5	0.94	0.19	45,47,51,56	0
5	GOL	A	305	6/6	0.95	0.08	22,23,25,26	0

The following is a graphical depiction of the model fit to experimental electron density of all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the geometry validation Tables will also be included. Each fit is shown from different orientation to approximate a three-dimensional view.

Electron density around SO4 A 302:

$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
and green (positive)

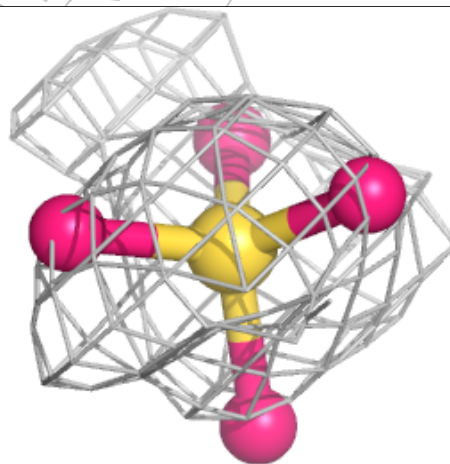
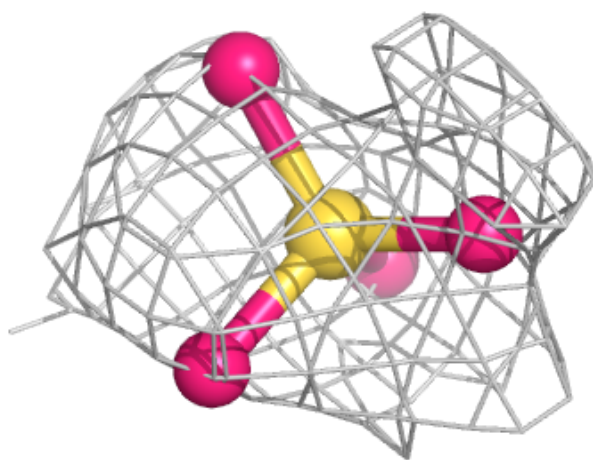
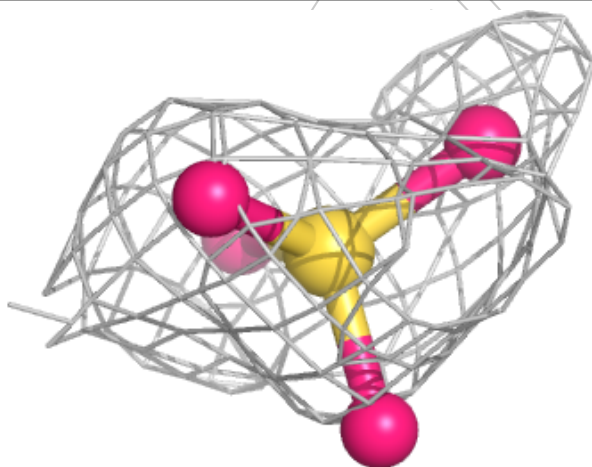




For Manuscript

Electron density around SO4 B 303:

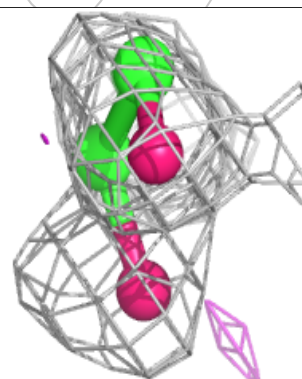
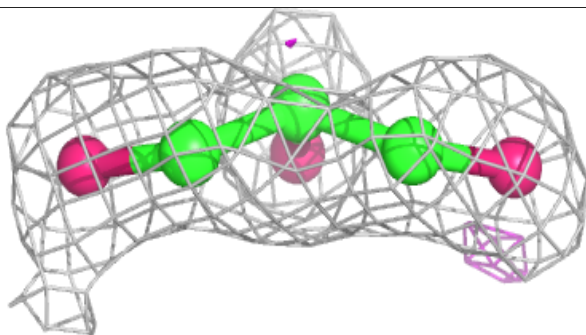
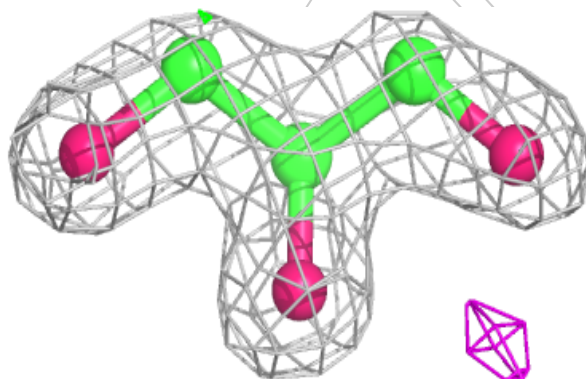
$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



For Manuscript

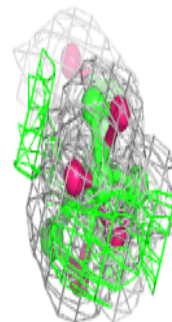
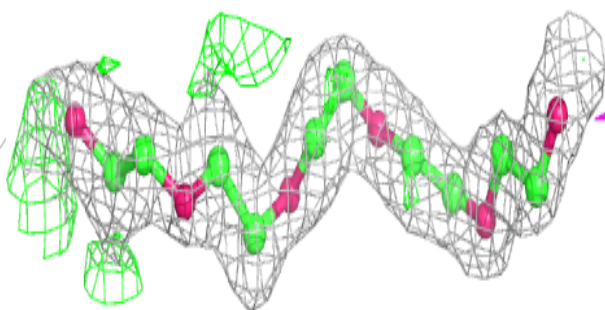
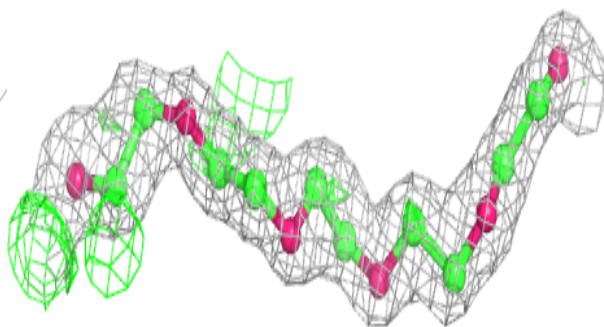
Electron density around GOL B 304:

$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



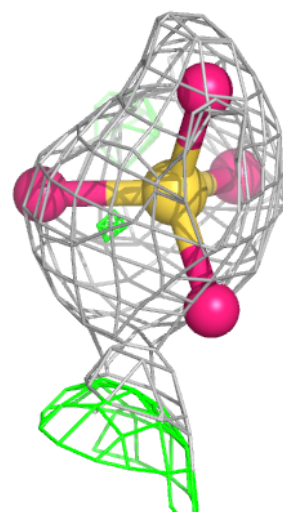
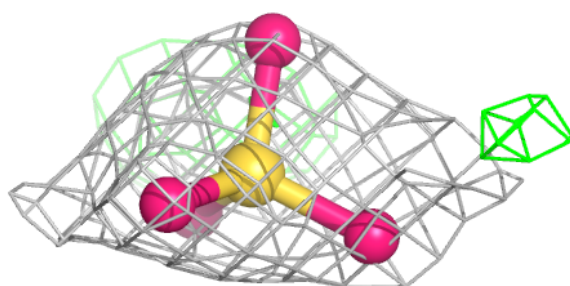
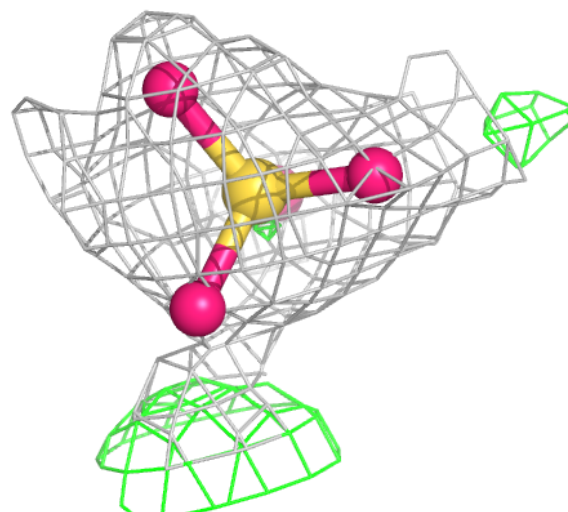
Electron density around 1PE B 305:

$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



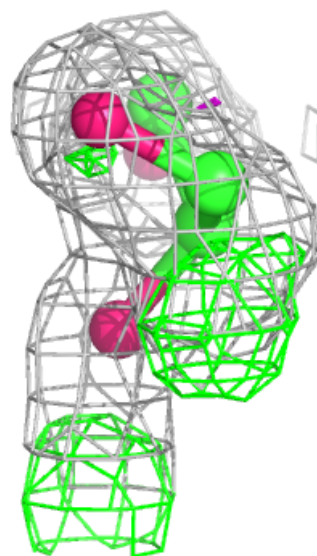
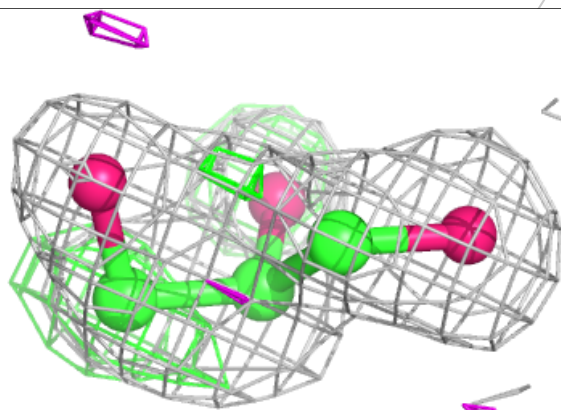
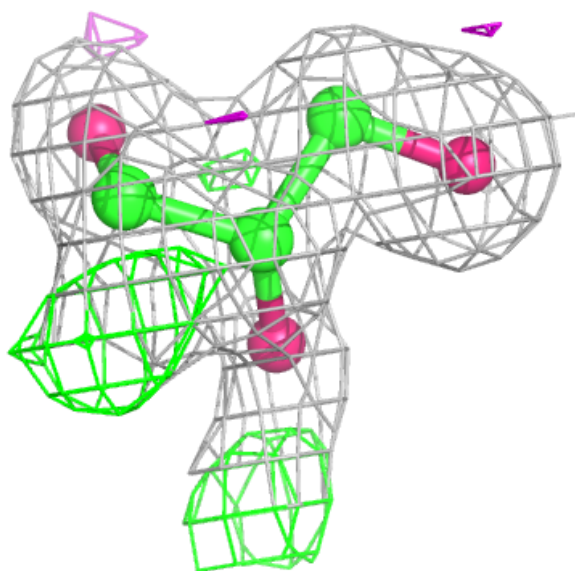
Electron density around SO4 A 303:

2mF_o-DF_c (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



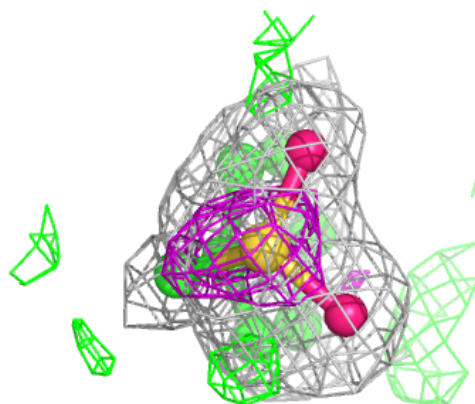
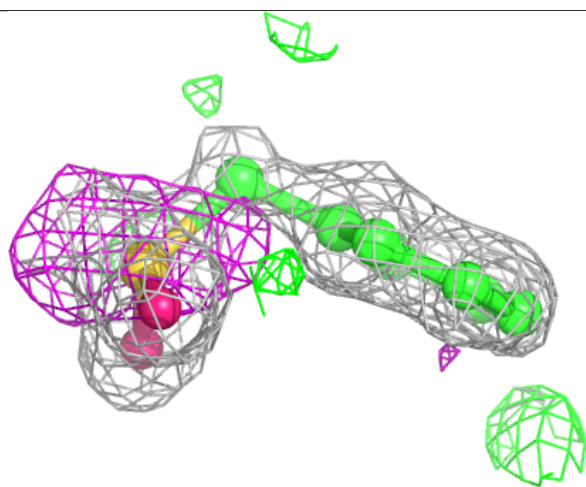
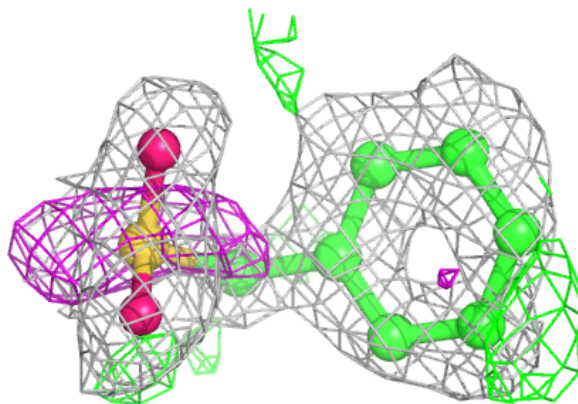
Electron density around GOL A 306:

$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



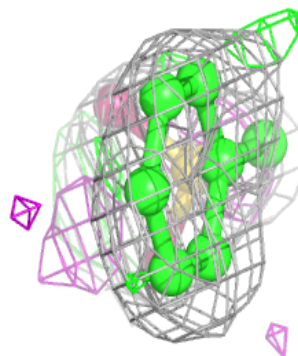
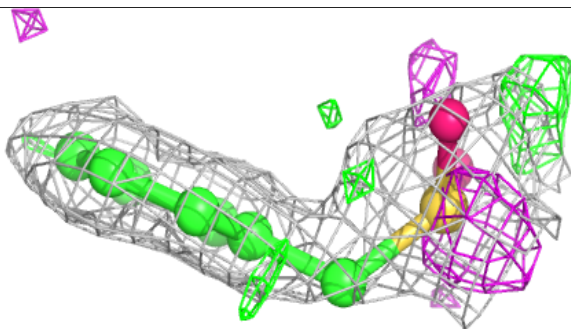
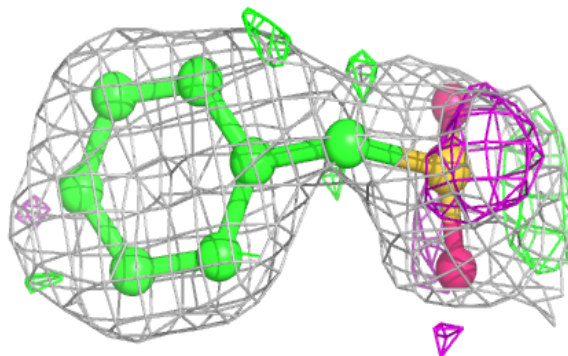
Electron density around PMS B 301:

$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



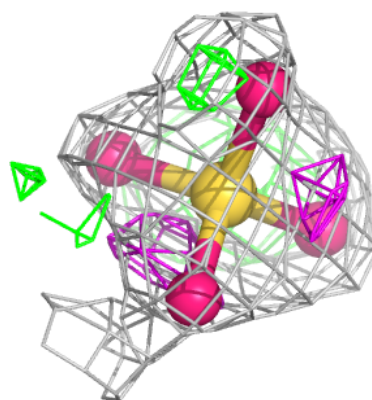
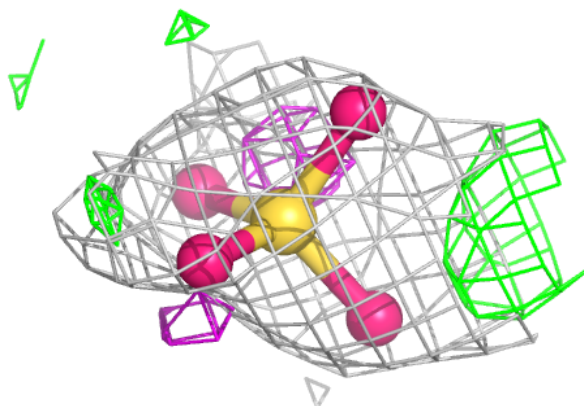
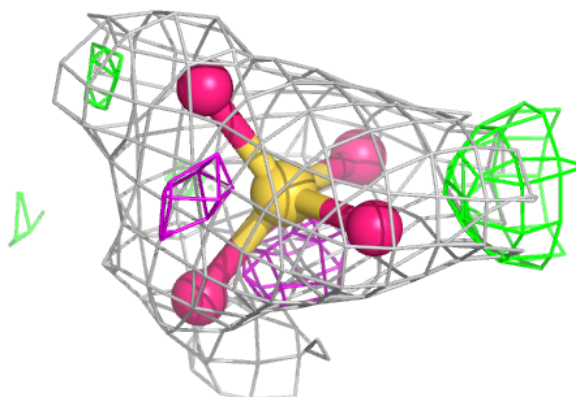
Electron density around PMS A 301:

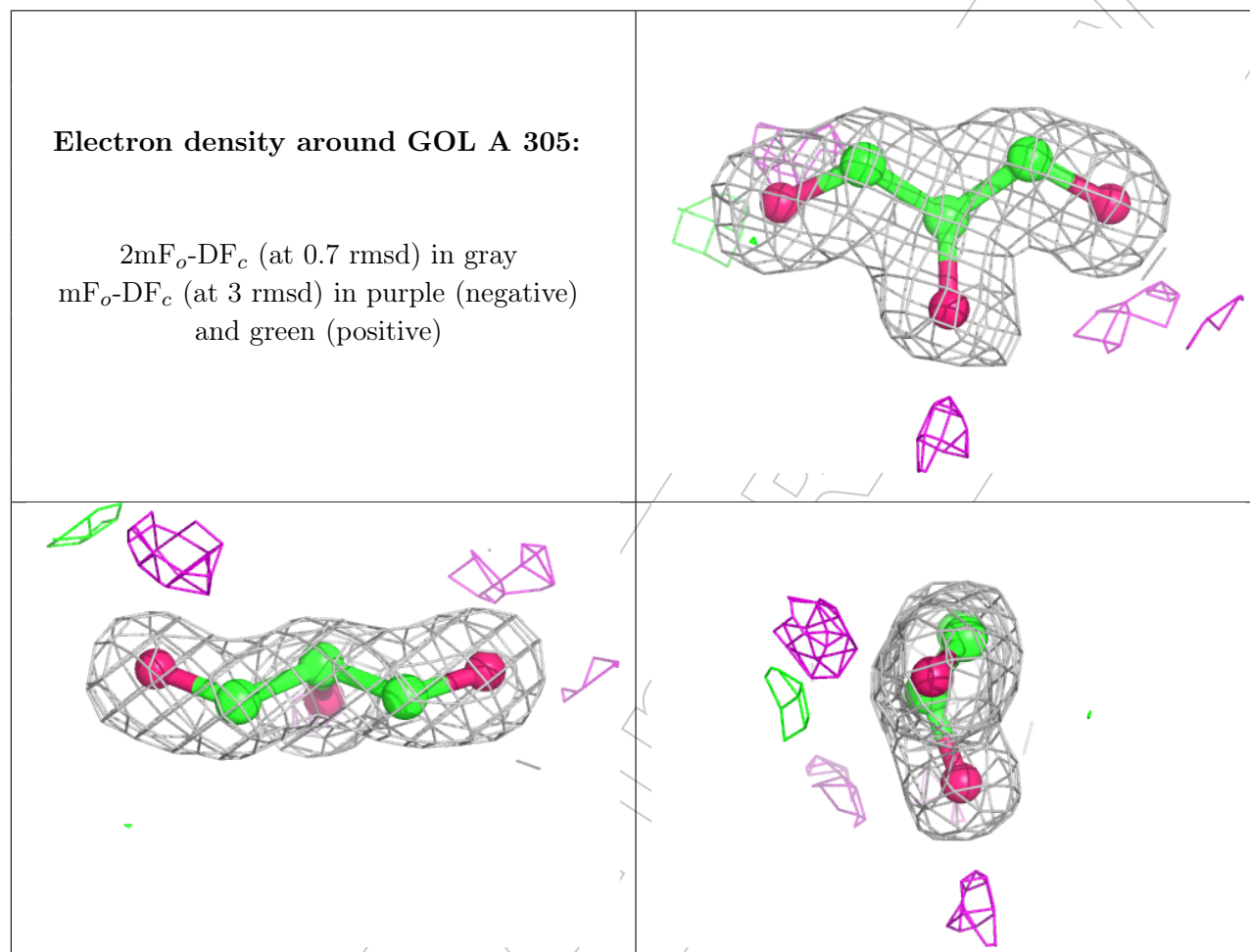
$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)



Electron density around SO4 B 302:

$2mF_o-DF_c$ (at 0.7 rmsd) in gray
 mF_o-DF_c (at 3 rmsd) in purple (negative)
 and green (positive)





6.5 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

Supplementary data 13

	ReferenceFile	PepCountSequence	UniquePepMH+	CoverPercDiff (MH+)	MWCharge	PIRank	Score	DeltaScor
\$1-1	15	182	7	25.39%	27176.84	5.02		
\$1-2	2	182	7	25.00%	27403.11	4.99		
\$1-3	3	182	7	24.44%	28054.65	4.99		
	R20210200R.K.LHGADDG	2144.098	-0.00608		3	1	41.74	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.0176		2	1	30.88	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.0011		3	1	42.92	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.00102		2	1	53.96	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.00149		3	1	44.24	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.0024		2	1	55.21	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	0.00226		3	1	42.77	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	0.00187		3	1	27.23	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.0086		2	1	40.11	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.00173		3	1	44.33	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	0		2	1	67.54	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	0.00046		3	1	42.87	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.00074		3	1	21.02	0
	R20210200R.ALTAABC	1186.563	-0.002		3	1	30.32	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00024		2	1	31.27	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00058		2	1	28.39	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.0002		2	1	40.21	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00034		2	1	30.92	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00016		2	1	21.9	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00026		2	1	30.61	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00036		2	1	30.74	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00002		2	1	40.03	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00044		2	1	40.02	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.0001		2	1	31.11	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.00028		2	1	23.01	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.00014		2	1	35.19	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00098		2	1	31.05	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.00002		2	1	28.98	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.00052		2	1	40.11	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.00048		2	1	31.13	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00058		2	1	31.09	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00078		2	1	40.23	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.0001		2	1	39.99	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00054		2	1	35.13	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.0001		2	1	30.75	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00036		2	1	22.58	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00038		2	1	21.19	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.00002		2	1	23.4	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00016		2	1	20.06	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00102		2	1	21.15	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	0.00034		2	1	23.77	0
	R20210200R.AWIDAN.	689.3253	-0.0013		1	1	40.72	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	-0.00135		2	1	59.73	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	-0.00205		2	1	75.91	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	0.00003		2	1	60.63	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	0.00069		2	1	62.28	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	0.00055		2	1	58.13	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	0.00059		2	1	59.02	0
	R20210200R.IVGGQDA	916.4847	0.00075		2	1	60.11	0

R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00055	2	1	60.12	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00043	2	1	45.15	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00051	2	1	51.59	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00153	2	1	29.48	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00043	2	1	59.97	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00071	2	1	59.97	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00097	2	1	59.76	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00069	2	1	42.38	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00085	2	1	36.67	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00087	2	1	47.58	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00021	2	1	39.74	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00039	2	1	60.11	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00019	2	1	59.94	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00149	2	1	59.78	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00065	2	1	49.86	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00005	2	1	61.12	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00103	2	1	46.84	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00073	2	1	50.11	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	51.5	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00007	2	1	37.63	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00063	2	1	47.16	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00169	2	1	27.44	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00055	2	1	42.94	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	34.19	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00007	2	1	38.45	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00061	2	1	32.81	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00039	2	1	42.87	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00007	2	1	28.39	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00013	2	1	30.18	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	43.37	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00021	2	1	40.88	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	30.76	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00015	2	1	29.24	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00019	2	1	37.04	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00013	2	1	34.99	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	26	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00125	2	1	34.83	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00045	2	1	53.18	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00111	2	1	35.58	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00105	2	1	33.52	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00095	2	1	27.17	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00005	2	1	40.67	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	31.39	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	46.77	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00155	2	1	31.48	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00055	2	1	41.37	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	59.46	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00205	2	1	59.7	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00137	2	1	59.99	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00005	2	1	44.66	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00023	2	1	63.22	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00003	2	1	47.38	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00065	2	1	60.1	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00001	2	1	47.62	0

R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00015	2	1	20. 34	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00061	2	1	44. 87	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00123	3	1	35. 16	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00081	2	1	71. 03	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00045	2	1	55. 88	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00105	2	1	60. 16	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00137	2	1	60. 3	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00021	2	1	60. 83	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00113	2	1	65. 17	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00061	2	1	61. 55	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00109	2	1	60. 19	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00045	2	1	53. 34	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00227	2	1	60. 07	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00163	2	1	59. 9	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00025	2	1	60. 02	0
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00101	2	1	59. 95	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	-0. 00051	2	1	38. 24	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00041	2	1	38. 11	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	37. 97	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00051	2	1	37. 31	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00029	2	1	37. 86	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	-0. 00137	2	1	23. 96	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00085	2	1	23. 3	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00021	2	1	23. 16	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00037	2	1	20. 02	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	37. 37	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	25. 36	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00653	2	1	42. 29	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	58. 85	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	41. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	29. 41	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	25. 08	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00213	2	1	37. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	58. 74	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00019	2	1	58. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	41. 44	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00013	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00085	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00005	2	1	47. 22	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	41. 51	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	44. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00027	2	1	39. 47	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00029	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00001	2	1	44. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 31	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00003	2	1	42. 38	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00111	2	1	42. 65	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	34. 32	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00039	2	1	32. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00019	2	1	43. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00015	2	1	41. 37	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00017	2	1	42. 25	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	45. 01	0

	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00077	2	1	44. 8	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00009	2	1	46. 57	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00013	2	1	36. 88	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	44. 84	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00051	2	1	41. 99	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00037	2	1	41. 85	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 34	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00055	2	1	44. 94	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	44. 84	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00021	2	1	42. 6	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00011	2	1	39. 76	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	41. 56	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00059	2	1	42. 04	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00057	2	1	39. 48	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	36. 15	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	23. 6	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00193	2	1	28. 36	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00029	2	1	41. 54	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00017	2	1	24. 64	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	41. 92	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	24. 16	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00027	2	1	20. 17	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00025	2	1	41. 97	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	41. 78	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	24. 27	0
\$2-1	19	99	7	24. 25%	28294. 23	5. 21
	R20210200K. LHGADDG 2144. 098	-0. 00608	3	1	41. 74	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 0176	2	1	30. 88	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 0011	3	1	42. 92	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 00102	2	1	53. 96	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 00149	3	1	44. 24	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 0024	2	1	55. 21	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	0. 00226	3	1	42. 77	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	0. 00187	3	1	27. 23	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 0086	2	1	40. 11	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 00173	3	1	44. 33	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	0	2	1	67. 54	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	0. 00046	3	1	42. 87	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 00074	3	1	21. 02	0
	R20210200R. ALTAABC 1186. 563	-0. 002	3	1	30. 32	0
	R20210200R. IVGGQEA 916. 4847	0. 00036	2	1	22. 52	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	-0. 00051	2	1	38. 24	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00041	2	1	38. 11	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	37. 97	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00051	2	1	37. 31	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00029	2	1	37. 86	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	-0. 00137	2	1	23. 96	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00085	2	1	23. 3	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00021	2	1	23. 16	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00037	2	1	20. 02	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	37. 37	0
	R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	25. 36	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00653	2	1	42. 29	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	58. 85	0

R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	41. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	29. 41	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	25. 08	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00213	2	1	37. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	58. 74	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00019	2	1	58. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	41. 44	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00013	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00085	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00005	2	1	47. 22	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	41. 51	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	44. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00027	2	1	39. 47	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00029	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00001	2	1	44. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 31	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00003	2	1	42. 38	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00111	2	1	42. 65	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	34. 32	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00039	2	1	32. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00019	2	1	43. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00015	2	1	41. 37	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00017	2	1	42. 25	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	45. 01	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00077	2	1	44. 8	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00009	2	1	46. 57	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00013	2	1	36. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	44. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00051	2	1	41. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00037	2	1	41. 85	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 34	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00055	2	1	44. 94	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	44. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00021	2	1	42. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00011	2	1	39. 76	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	41. 56	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00059	2	1	42. 04	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00057	2	1	39. 48	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	36. 15	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	23. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00193	2	1	28. 36	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00048	1	1	33. 99	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00018	2	1	20. 9	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00055	2	1	22. 94	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00045	2	1	22. 17	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00027	2	1	26. 71	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00102	1	1	30. 88	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00122	1	1	27. 66	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00026	2	1	27. 31	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00036	2	1	22. 34	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00027	2	1	22. 43	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00019	2	1	26. 66	0
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 0003	2	1	26. 77	0

R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00022	2	1	29. 26	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00102	1	1	41. 79	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00002	1	1	33. 91	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00038	1	1	33. 82	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00128	1	1	33. 9	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00152	1	1	41. 96	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00018	1	1	41. 86	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00092	1	1	41. 97	0	
R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00092	1	1	34. 4	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00029	2	1	41. 54	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00017	2	1	24. 64	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	41. 92	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	24. 16	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00027	2	1	20. 17	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00025	2	1	41. 97	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	41. 78	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	24. 27	0	
\$3-1	92	143	5	14. 50%	28350. 27	5. 32
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	-0. 00124	2	1	56. 78	0	
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	0. 00115	3	1	35. 37	0	
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	0. 00028	3	1	23. 16	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00135	2	1	59. 73	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00205	2	1	75. 91	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00003	2	1	60. 63	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00069	2	1	62. 28	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00055	2	1	58. 13	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00059	2	1	59. 02	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00075	2	1	60. 11	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00055	2	1	60. 12	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00043	2	1	45. 15	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00051	2	1	51. 59	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00153	2	1	29. 48	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00043	2	1	59. 97	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00071	2	1	59. 97	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00097	2	1	59. 76	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00069	2	1	42. 38	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00085	2	1	36. 67	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00087	2	1	47. 58	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00021	2	1	39. 74	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00039	2	1	60. 11	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00019	2	1	59. 94	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00149	2	1	59. 78	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00065	2	1	49. 86	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00005	2	1	61. 12	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00103	2	1	46. 84	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00073	2	1	50. 11	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00075	2	1	51. 5	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00007	2	1	37. 63	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00063	2	1	47. 16	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00169	2	1	27. 44	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00055	2	1	42. 94	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00035	2	1	34. 19	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	-0. 00007	2	1	38. 45	0	
R20210200R. IVGGQDA 916. 4847	0. 00061	2	1	32. 81	0	

R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00039	2	1	42.87	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00007	2	1	28.39	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00013	2	1	30.18	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	43.37	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00021	2	1	40.88	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	30.76	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00015	2	1	29.24	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00019	2	1	37.04	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00013	2	1	34.99	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	26	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00125	2	1	34.83	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00045	2	1	53.18	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00111	2	1	35.58	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00105	2	1	33.52	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00095	2	1	27.17	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00005	2	1	40.67	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	31.39	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00075	2	1	46.77	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00155	2	1	31.48	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00055	2	1	41.37	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00035	2	1	59.46	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00205	2	1	59.7	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00137	2	1	59.99	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00005	2	1	44.66	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00023	2	1	63.22	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00003	2	1	47.38	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00065	2	1	60.1	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00001	2	1	47.62	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00015	2	1	20.34	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00061	2	1	44.87	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00123	3	1	35.16	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00081	2	1	71.03	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00045	2	1	55.88	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00105	2	1	60.16	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00137	2	1	60.3	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	0.00021	2	1	60.83	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00113	2	1	65.17	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00061	2	1	61.55	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00109	2	1	60.19	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00045	2	1	53.34	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00227	2	1	60.07	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00163	2	1	59.9	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00025	2	1	60.02	0
R20210200R. IVGGQDA 916.4847	-0.00101	2	1	59.95	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	-0.00051	2	1	38.24	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00041	2	1	38.11	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00019	2	1	37.97	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00051	2	1	37.31	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00029	2	1	37.86	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	-0.00137	2	1	23.96	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00085	2	1	23.3	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00021	2	1	23.16	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00037	2	1	20.02	0
R20210200R. LSGWGK. 647.3511	0.00019	2	1	37.37	0

R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	25. 36	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00653	2	1	42. 29	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	58. 85	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	41. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	29. 41	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	25. 08	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00213	2	1	37. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	58. 74	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00019	2	1	58. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	41. 44	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00013	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00085	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00005	2	1	47. 22	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	41. 51	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	44. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00027	2	1	39. 47	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00029	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00001	2	1	44. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 31	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00003	2	1	42. 38	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00111	2	1	42. 65	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	34. 32	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00039	2	1	32. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00019	2	1	43. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00015	2	1	41. 37	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00017	2	1	42. 25	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	45. 01	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00077	2	1	44. 8	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00009	2	1	46. 57	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00013	2	1	36. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	44. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00051	2	1	41. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00037	2	1	41. 85	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 34	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00055	2	1	44. 94	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	44. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00021	2	1	42. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00011	2	1	39. 76	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	41. 56	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00059	2	1	42. 04	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00057	2	1	39. 48	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	36. 15	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	23. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00193	2	1	28. 36	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00029	2	1	41. 54	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00017	2	1	24. 64	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	41. 92	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	24. 16	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00027	2	1	20. 17	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00025	2	1	41. 97	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	41. 78	0
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	24. 27	0

R20210200K. ALTAHC 1172. 548	-0. 00124	2	1	56. 78	0
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	0. 00115	3	1	35. 37	0
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	0. 00028	3	1	23. 16	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	-0. 00051	2	1	38. 24	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00041	2	1	38. 11	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	37. 97	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00051	2	1	37. 31	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00029	2	1	37. 86	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	-0. 00137	2	1	23. 96	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00085	2	1	23. 3	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00021	2	1	23. 16	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00037	2	1	20. 02	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	37. 37	0
R20210200R. LSGWGK. 647. 3511	0. 00019	2	1	25. 36	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00653	2	1	42. 29	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	58. 85	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	41. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	29. 41	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	25. 08	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00213	2	1	37. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	58. 74	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00019	2	1	58. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00005	2	1	41. 44	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00013	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00085	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00005	2	1	47. 22	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	41. 51	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	44. 28	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00027	2	1	39. 47	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00029	2	1	42. 27	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00001	2	1	44. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 31	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00003	2	1	42. 38	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00111	2	1	42. 65	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00033	2	1	34. 32	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00037	2	1	42. 2	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00039	2	1	32. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00019	2	1	43. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00015	2	1	41. 37	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00017	2	1	42. 25	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	45. 01	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00077	2	1	44. 8	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00009	2	1	46. 57	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00013	2	1	36. 88	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00003	2	1	44. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00051	2	1	41. 99	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00037	2	1	41. 85	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00033	2	1	42. 34	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00055	2	1	44. 94	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	0. 00007	2	1	44. 84	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00021	2	1	42. 6	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00011	2	1	39. 76	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00035	2	1	41. 56	0
R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00059	2	1	42. 04	0

	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00057	2	1	39. 48	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	36. 15	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00053	2	1	23. 6	0
	R20210200R. STADCNA 894. 3734	-0. 00193	2	1	28. 36	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00048	1	1	33. 99	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00018	2	1	20. 9	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00055	2	1	22. 94	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00045	2	1	22. 17	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00027	2	1	26. 71	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00102	1	1	30. 88	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00122	1	1	27. 66	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00026	2	1	27. 31	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00036	2	1	22. 34	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00027	2	1	22. 43	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00019	2	1	26. 66	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 0003	2	1	26. 77	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00022	2	1	29. 26	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00102	1	1	41. 79	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00002	1	1	33. 91	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00038	1	1	33. 82	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00128	1	1	33. 9	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00152	1	1	41. 96	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	-0. 00018	1	1	41. 86	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00092	1	1	41. 97	0
	R20210200R. SWIDAN. 705. 3202	0. 00092	1	1	34. 4	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00029	2	1	41. 54	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00017	2	1	24. 64	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	41. 92	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	24. 16	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00027	2	1	20. 17	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00025	2	1	41. 97	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	41. 78	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	24. 27	0
\$5-1	14 15 5 18. 02%	29038. 81	5. 74			
	R20210200K. ALTAHC 1185. 579	-0. 00021	3	1	32. 79	0
	R20210200K. TDGASDG 1589. 751	-0. 00046	3	1	61. 93	0
	R20210200R. IVGGSPA 815. 4621	0. 00014	2	1	34. 08	0
	R20210200R. IVGGSPA 815. 4621	-0. 00278	2	1	38. 46	0
	R20210200R. IVGGSPA 815. 4621	-0. 00018	2	1	46. 77	0
	R20210200R. TTVISES 1167. 531	-0. 00511	2	1	21. 82	0
	R20210200R. TTVISES 1167. 531	0. 00023	2	1	64. 89	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00029	2	1	41. 54	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00017	2	1	24. 64	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	41. 92	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	24. 16	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00027	2	1	20. 17	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00025	2	1	41. 97	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	41. 78	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	24. 27	0
\$6-1	51 8 4 15. 94%	27601. 38	4. 8			
	R20210200-. IVGGQIS 888. 5149	0. 00008	2	1	42. 24	0
	R20210200-. IVGGQIS 888. 5149	0. 00258	2	1	49. 03	0
	R20210200R. DRVPDV. 700. 3624	0. 00112	2	1	21. 52	0
	R20210200R. DRVPDV. 700. 3624	0. 00078	2	1	36. 45	0

	R20210200R. ESDDASP	1088. 522	0. 00071	2	1	65. 87	0
	R20210200R. ESDDASP	1088. 522	0. 00005	2	1	23. 22	0
	R20210200R. ESDDASP	1088. 522	-0. 00095	2	1	80. 34	0
	R20210200R. ISLPAEG	1505. 759	-0. 00328	2	1	69. 06	0
\$7-1	91	91	3	7. 43%	28237. 11	5. 55	
\$7-2	28	91	3	7. 22%	29190. 87	5. 42	
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00024	2	1	31. 27	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00058	2	1	28. 39	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 0002	2	1	40. 21	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00034	2	1	30. 92	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00016	2	1	21. 9	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00026	2	1	30. 61	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00036	2	1	30. 74	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00002	2	1	40. 03	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00044	2	1	40. 02	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 0001	2	1	31. 11	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 00028	2	1	23. 01	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 00014	2	1	35. 19	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00098	2	1	31. 05	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 00002	2	1	28. 98	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 00052	2	1	40. 11	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 00048	2	1	31. 13	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00058	2	1	31. 09	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00078	2	1	40. 23	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 0001	2	1	39. 99	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00054	2	1	35. 13	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 0001	2	1	30. 75	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00036	2	1	22. 58	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00038	2	1	21. 19	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 00002	2	1	23. 4	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00016	2	1	20. 06	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00102	2	1	21. 15	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	0. 00034	2	1	23. 77	0
	R20210200R. AWIDAN.	689. 3253	-0. 0013	1	1	40. 72	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	-0. 00051	2	1	38. 24	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00041	2	1	38. 11	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00019	2	1	37. 97	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00051	2	1	37. 31	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00029	2	1	37. 86	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	-0. 00137	2	1	23. 96	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00085	2	1	23. 3	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00021	2	1	23. 16	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00037	2	1	20. 02	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00019	2	1	37. 37	0
	R20210200R. LSGWGK.	647. 3511	0. 00019	2	1	25. 36	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	0. 00213	2	1	42. 14	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	-0. 00035	2	1	41. 3	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	-0. 00033	2	1	42. 24	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	-0. 00349	2	1	39	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	-0. 00041	2	1	42. 04	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	-0. 00027	2	1	44. 37	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	0. 00031	2	1	59. 03	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	0. 00009	2	1	42. 42	0
	R20210200R. STADCNS	910. 3683	-0. 00103	2	1	42. 46	0

R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00017	2	1	39. 93	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00099	2	1	42. 6	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00029	2	1	43. 25	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00021	2	1	46. 13	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00013	2	1	46. 79	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00013	2	1	44. 41	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00025	2	1	43	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00001	2	1	43. 3	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00201	2	1	42. 3	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00031	2	1	42. 64	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00121	2	1	42. 38	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00025	2	1	43. 02	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00043	2	1	44. 19	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00013	2	1	46. 36	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00025	2	1	44. 23	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00053	2	1	42. 77	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00011	2	1	43. 31	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00051	2	1	48. 1	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00023	2	1	42. 23	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00077	2	1	43. 42	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00031	2	1	42. 52	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00033	2	1	40. 69	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00085	2	1	39. 56	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00109	2	1	39. 44	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00007	2	1	43. 05	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00027	2	1	42. 28	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00025	2	1	41. 97	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00013	2	1	59. 07	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00001	2	1	38. 5	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00031	2	1	36. 79	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00075	2	1	45. 17	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00033	2	1	23. 06	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00169	2	1	36. 92	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00019	2	1	24. 76	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	0. 00039	2	1	52. 81	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00061	2	1	36. 45	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00041	2	1	20. 42	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00015	2	1	22. 79	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00077	2	1	22. 08	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00021	2	1	24. 93	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00101	2	1	29. 23	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00121	2	1	22. 94	0	
R20210200R. STADCNS 910. 3683	-0. 00041	2	1	32. 4	0	
\$8-1	13	14	3	8. 83%	29049. 81	6. 69
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	-0. 00124	2	1	56. 78	0	
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	0. 00115	3	1	35. 37	0	
R20210200K. ALTAHC 1172. 548	0. 00028	3	1	23. 16	0	
R20210200R. IVGGSPA 815. 4621	0. 00014	2	1	34. 08	0	
R20210200R. IVGGSPA 815. 4621	-0. 00278	2	1	38. 46	0	
R20210200R. IVGGSPA 815. 4621	-0. 00018	2	1	46. 77	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00029	2	1	41. 54	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00017	2	1	24. 64	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	41. 92	0	
R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00045	2	1	24. 16	0	

	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	0. 00027	2	1	20. 17	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00025	2	1	41. 97	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	41. 78	0
	R20210200R. VSYFR. A 671. 3511	-0. 00023	2	1	24. 27	0
\$9-1	52 14 3	14. 46%	26913. 02	5. 68		
\$9-2	95 14 3	12. 20%	31471. 21	5. 31		
\$9-3	4 14 3	13. 51%	29111. 58	6. 13		
\$9-4	6 14 3	13. 16%	29434. 79	5. 84		
\$9-5	5 14 3	12. 73%	30573. 02	6. 32		
	R20210200R. DSCQGDS 1408. 583	0. 00183	2	1	30. 13	0
	R20210200R. DSCQGDS 1408. 583	-0. 00043	2	1	69. 33	0
	R20210200R. VSQYNDW 1353. 643	-0. 00043	2	1	60. 11	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	-0. 00092	2	1	25. 85	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	0. 00028	2	1	53. 34	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	0. 00108	2	1	27. 36	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	-0. 00252	2	1	60. 17	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	-0. 00252	2	1	30. 22	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	0. 00008	2	1	32. 76	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	-0. 00004	2	1	31. 14	0
	R20210200R. VTENM*I 1152. 514	-0. 00132	2	1	50. 7	0
	R20210200R. VTENMIC 1136. 519	-0. 00017	2	1	64. 54	0
	R20210200R. VTENMIC 1136. 519	0. 00039	2	1	56. 19	0
	R20210200R. VTENMIC 1136. 519	-0. 00081	2	1	56. 22	0
\$10-1	103 7 3	14. 39%	28565. 57	4. 95		
	R20210200R. DAFPGQI 1756. 778	-0. 00408	3	1	46. 12	0
	R20210200R. DAFPGQI 1756. 778	-0. 00118	2	1	71. 19	0
	R20210200R. GCAGDTP 1223. 547	0. 00038	2	1	49. 82	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00815	2	1	36. 67	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00425	2	1	39	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00017	2	1	47. 4	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00063	3	1	49. 62	0
\$11-1	49 6 3	13. 54%	24093. 44	8. 48		
	R20210200-. IVGGAAA 714. 4257	0. 00038	2	1	31. 66	0
	R20210200-. IVGGAAA 714. 4257	0. 001	2	1	25. 71	0
	R20210200-. IVGGAAA 714. 4257	0. 00014	2	1	47. 1	0
	R20210200K. DSCQGDS 1390. 627	-0. 00055	2	1	86. 57	0
	R20210200K. DSCQGDS 1390. 627	-0. 00121	2	1	88. 54	0
	R20210200K. SWVDGYV 1089. 489	-0. 00173	1	1	22. 35	0
\$12-1	11 11 2	8. 81%	27127. 79	5. 54		
\$12-2	7 11 2	9. 24%	26411. 1	5. 71		
\$12-3	10 11 2	8. 85%	27041. 66	5. 38		
\$12-4	9 11 2	8. 88%	27351. 92	5. 34		
\$12-5	8 11 2	9. 20%	26311. 96	5. 38		
\$12-6	12 11 2	9. 79%	24546. 96	5. 35		
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	-0. 00079	3	1	24. 29	0
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	-0. 00234	2	1	68. 05	0
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	0. 0001	2	1	67. 35	0
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	-0. 00076	2	1	63. 56	0
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	0. 00504	2	1	23. 4	0
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	-0. 00132	2	1	68. 65	0
	R20210200R. GCASETP 1267. 574	0. 00113	3	1	60. 64	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00815	2	1	36. 67	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00425	2	1	39	0
	R20210200R. QGEYPYQ 1339. 664	0. 00017	2	1	47. 4	0

	R20210200R. QGEYPYQ	1339.664	0.00063	3	1	49.62	0
\$13-1	58	3	2	6.01%	25064.74	5.02	
\$13-2	99	3	2	5.19%	29038.38	5.17	
	R20210200K. EQVSR. L	618.3206	0.00001	2	1	20.48	0
	R20210200K. EQVSR. L	618.3206	0.00007	2	1	20.27	0
	R20210200R. ISDTTTP	977.4898	0.0011	2	1	34.17	0
\$14-1	94	34	1	2.99%	28732.44	5.74	
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00589	2	1	49.54	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00011	2	1	53.69	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00075	2	1	55.91	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00079	2	1	50.61	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00093	2	1	50.47	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00153	2	1	54.39	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00097	2	1	51.64	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00165	2	1	47.07	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00163	2	1	61.32	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00129	2	1	53.44	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00155	2	1	58.12	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00055	2	1	53.45	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00043	2	1	59.69	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00079	2	1	49.67	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00137	2	1	39.08	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00103	2	1	40.56	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00171	2	1	28.29	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00069	2	1	57.66	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00051	2	1	55.11	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00003	2	1	63.83	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00003	2	1	64.05	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00047	2	1	56.59	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00095	2	1	36.88	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00001	2	1	55.79	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00033	2	1	50.2	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00005	2	1	57.63	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00011	2	1	52.92	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00017	2	1	52.96	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00051	2	1	57.46	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00049	2	1	52.8	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00059	2	1	47.25	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00017	2	1	44.09	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	-0.00035	2	1	52.36	0
	R20210200R. SDDTEPS	878.3738	0.00005	2	1	33.17	0
\$15-1	68	1	1	7.73%	21003.06	4.57	
	R20210200R. ILPDSA	1700.87	-0.00203	2	1	73.05	0
\$16-1	69	1	1	9.49%	17456.48	4.79	
\$16-2	44	1	1	6.02%	27439.66	5.59	
\$16-3	42	1	1	6.02%	27381.76	6.05	
	R20210200K. LAAQDNF	1643.802	0.00224	2	1	117.85	0

----- summary -----

Total prc: 31

Total prc: 16

UniPepCou	ProteinGr	Percent	ProteinCc	Percent
1	3	18.75%	5	16.13%
2	2	12.50%	8	25.81%

3	5	31.25%	10	32.26%
4	1	6.25%	1	3.23%
5	3	18.75%	3	9.68%
7	2	12.50%	4	12.90%

ExpectValIons	ReferenceDIFF_MODIPI	MissCleavModificat	MatchedTINum	Protea
1.34E-05 0 0	2/3/15/19	4.41	0	2
2.86E-04 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.79E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.41E-06 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.32E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.05E-06 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.85E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
6.62E-04 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
3.41E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.29E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
6.17E-08 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.81E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
2.77E-03 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
3.25E-04 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6.78	0	2
1.87E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
3.62E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.38E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.02E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.61E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.17E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.11E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.48E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.49E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.94E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.25E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
7.57E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.96E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
3.16E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.44E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.93E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.95E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.37E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.51E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
7.67E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.10E-04 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.38E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.90E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.14E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.47E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.92E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
1.05E-03 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
2.12E-05 0 0	2/3/15/28/91	3.8	0	2
3.19E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2
7.69E-09 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2
2.59E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2
1.77E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2
4.61E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2
3.76E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2
2.92E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	2

2.92E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9.16E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.08E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.38E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.02E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.02E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.17E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.73E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6.46E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.24E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.19E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.92E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.04E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.16E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.10E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.32E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6.21E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.92E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.12E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.18E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.77E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.41E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.52E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.14E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
4.29E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.57E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.55E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
4.35E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.88E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.38E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.45E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.52E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.57E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.93E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9.51E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
7.54E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9.87E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.44E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
8.30E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.33E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.76E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.57E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.18E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6.31E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.13E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.19E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.40E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.21E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.01E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.03E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.43E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.48E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.93E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5.19E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2

2.77E-03 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9.78E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9.14E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.37E-08 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
7.75E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.89E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.80E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.48E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9.12E-08 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.10E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.87E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1.39E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.95E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.07E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2.99E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3.03E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6.75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
6.95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
7.18E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
8.36E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
7.37E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
1.81E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
2.10E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
2.17E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
4.48E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
8.25E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
1.31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
1.77E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3.91E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3.44E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9.31E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
5.61E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
4.01E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3.92E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2.15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
5.69E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2.12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3.39E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.04E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.76E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.73E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.63E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.11E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.51E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.20E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2.19E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.79E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9.47E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2

9. 93E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
6. 61E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
6. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 90E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 96E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 62E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 65E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 17E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
2. 09E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 88E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 38E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
7. 28E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
4. 38E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
6. 31E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
3. 09E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
5. 78E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
3. 45E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
8. 65E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
5. 72E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
5. 97E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
3. 37E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
1. 34E-05 0 0	2/3/15/19	4. 41	0	0	2
2. 86E-04 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 79E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 41E-06 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 32E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 05E-06 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 85E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
6. 62E-04 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
3. 41E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 29E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
6. 17E-08 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 81E-05 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
2. 77E-03 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
3. 25E-04 0 0	1/18/33 ! 2/3/15 !	6. 78	0	0	2
1. 68E-03 0 0	19	6	0	0	2
6. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
6. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
7. 18E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
8. 36E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
7. 37E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 81E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
2. 10E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
2. 17E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
4. 48E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
8. 25E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 77E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 91E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2

1. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 44E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 31E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
5. 61E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
4. 01E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 92E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
5. 69E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 39E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 04E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 76E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 73E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 63E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 11E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 51E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 20E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 19E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 79E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 47E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 93E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
6. 61E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
6. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 90E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 96E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 62E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 65E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 17E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 09E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 88E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 38E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
7. 28E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
4. 38E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 99E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
8. 13E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
5. 08E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6. 07E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
2. 13E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
8. 17E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
1. 71E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
1. 86E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
5. 83E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
5. 71E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
2. 16E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
2. 10E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2

1. 19E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6. 62E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
4. 06E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
4. 15E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
4. 07E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6. 37E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6. 52E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6. 35E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
3. 63E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6. 31E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3. 09E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 78E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3. 45E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
8. 65E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 72E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 97E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3. 37E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 25E-07 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6.78	0	0	2
7. 26E-05 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6.78	0	0	2
1. 21E-03 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6.78	0	0	2
3. 19E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
7. 69E-09 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 59E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 77E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
4. 61E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 76E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 92E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 92E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9. 16E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 08E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 38E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 02E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 02E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 17E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 73E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6. 46E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 24E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 19E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 92E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 04E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 16E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 10E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 32E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6. 21E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 92E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 12E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 18E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 77E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 41E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 52E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 14E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
4. 29E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 57E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2

1. 55E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
4. 35E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 88E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 38E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 45E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 52E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 57E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 93E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9. 51E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
7. 54E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9. 87E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 44E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
8. 30E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 33E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 76E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 57E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 18E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6. 31E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 13E-04 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 19E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 40E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 21E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 01E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 03E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 43E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 48E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 93E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
5. 19E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 77E-03 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9. 78E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9. 14E-05 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 37E-08 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
7. 75E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 89E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 80E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 48E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
9. 12E-08 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 10E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 87E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
1. 39E-06 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 95E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 07E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
2. 99E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
3. 03E-07 0 0	2/3/15/92/93	5.84	0	0	2
6. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
6. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
7. 18E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
8. 36E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
7. 37E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
1. 81E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
2. 10E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
2. 17E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
4. 48E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
8. 25E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2

1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8.75	0	0	2
1. 77E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 91E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 44E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 31E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
5. 61E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
4. 01E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 92E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
5. 69E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 39E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 04E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 76E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 73E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 63E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 11E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 51E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 20E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 19E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 79E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 47E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 93E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
6. 61E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
6. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 90E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 96E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 62E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 65E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 17E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
2. 09E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 88E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3. 38E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
7. 28E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
4. 38E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
6. 31E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3. 09E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 78E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3. 45E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
8. 65E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 72E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5. 97E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3. 37E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2

5. 25E-07 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6. 78	0	0	2
7. 26E-05 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6. 78	0	0	2
1. 21E-03 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6. 78	0	0	2
6. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
6. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
7. 18E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
8. 36E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
7. 37E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 81E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
2. 10E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
2. 17E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
4. 48E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
8. 25E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 77E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 91E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 44E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 31E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
5. 61E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
4. 01E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 92E-07 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
2. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
5. 69E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
2. 12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 12E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 39E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 78E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 04E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 76E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 73E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 63E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 11E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 81E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 51E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 20E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
2. 19E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 79E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 47E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 93E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
6. 61E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
6. 15E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 90E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 96E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 62E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
9. 84E-06 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 65E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
3. 17E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
2. 09E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2
1. 88E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5. 55	0	0	2

3.38E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
7.28E-05 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
1.31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
4.38E-04 0 0	2/3/15/19/20/92	5.55	0	0	2
3.99E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
8.13E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
5.08E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6.07E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
2.13E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
8.17E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
1.71E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
1.86E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
5.83E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
5.71E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
2.16E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
2.10E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
1.19E-04 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6.62E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
4.06E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
4.15E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
4.07E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6.37E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6.52E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6.35E-06 0 0	19/20	3.8	0	0	2
3.63E-05 0 0	19/20	3.8	0	0	2
6.31E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.09E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.78E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.45E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
8.65E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.72E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.97E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.37E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
1.05E-04 0 0	14/16 ! 22/97	8.3	0	0	2
6.41E-08 0 0	14/16	4.21	0	0	2
9.77E-05 0 0	13/14/22/97/98	8.75	0	0	2
3.56E-05 0 0	13/14/22/97/98	8.75	0	0	2
5.26E-06 0 0	13/14/22/97/98	8.75	0	0	2
6.58E-04 0 0	14/16	4.37	0	0	2
3.24E-08 0 0	14/16	4.37	0	0	2
6.31E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.09E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.78E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.45E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
8.65E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.72E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.97E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.37E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
2.99E-06 0 0	51	8.75	0	0	2
6.25E-07 0 0	51	8.75	0	0	2
3.52E-04 0 0	51	4.21	1	0	2
1.13E-05 0 0	51	4.21	1	0	2

1. 29E-08 0 0	51	4. 03	0	0	2
2. 38E-04 0 0	51	4. 03	0	0	2
4. 62E-10 0 0	51	4. 03	0	0	2
6. 21E-09 0 0	51	4. 53	0	0	2

1. 87E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
3. 62E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 38E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 02E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 61E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 17E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 11E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 48E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 49E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 94E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 25E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
7. 57E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 96E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
3. 16E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 44E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 93E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 95E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 37E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 51E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
7. 67E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 10E-04 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 38E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 90E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 14E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 47E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 92E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
1. 05E-03 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
2. 12E-05 0 0	2/3/15/28/91	3. 8	0	0	2
6. 75E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
6. 95E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
7. 18E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
8. 36E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
7. 37E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 81E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
2. 10E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
2. 17E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
4. 48E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
8. 25E-05 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
1. 31E-03 0 0	2/3/15/19/20/92/93	8. 75	0	0	2
6. 11E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
7. 41E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 97E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 26E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
6. 25E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 66E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 25E-07 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 73E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 68E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2

1. 02E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 50E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 73E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
2. 44E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
2. 09E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 62E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 01E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 68E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 89E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 45E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 78E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 99E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 81E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
2. 31E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 78E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 28E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 67E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 55E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 98E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 55E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 60E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
8. 53E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 11E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 14E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 95E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 92E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
6. 35E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 24E-07 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 41E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
2. 09E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 04E-06 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
4. 94E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
2. 03E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 34E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 24E-07 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
2. 26E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
9. 08E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 26E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
6. 19E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
3. 21E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
1. 19E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 08E-04 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 75E-05 0 0	28/91	5. 55	0	0	2
5. 25E-07 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6. 78	0	0	2
7. 26E-05 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6. 78	0	0	2
1. 21E-03 0 0	13 ! 20/24/92 ! 30	6. 78	0	0	2
9. 77E-05 0 0	13/14/22/97/98	8. 75	0	0	2
3. 56E-05 0 0	13/14/22/97/98	8. 75	0	0	2
5. 26E-06 0 0	13/14/22/97/98	8. 75	0	0	2
6. 31E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
3. 09E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
5. 78E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2
3. 45E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8. 72	0	0	2

8.65E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.72E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
5.97E-05 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2
3.37E-03 0 0	2/3/15 ! 13/14/19/	8.72	0	0	2

2.43E-04 0 0	4/5/6/52/95	4.21	0	0	2
2.92E-08 0 0	4/5/6/52/95	4.21	0	0	2
2.44E-07 0 0	4/5/6/52/95	5.81	0	0	2
6.50E-04 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
1.16E-06 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
4.59E-04 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
2.40E-07 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
2.38E-04 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
1.32E-04 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
1.92E-04 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
2.13E-06 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0 15.994919	0	2
8.79E-08 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0	0	2
6.01E-07 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0	0	2
5.97E-07 0 0	4/5/6/52/95	5.97	0	0	2

7.33E-06 0 0	103	4.21	0	0	2
2.28E-08 0 0	103	4.21	0	0	2
5.21E-07 0 0	103	5.83	0	0	2
9.69E-05 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2
5.67E-05 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2
8.19E-06 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2
4.91E-06 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2

3.41E-05 0 0	49	9.75	0	0	2
1.34E-04 0 0	49	9.75	0	0	2
9.75E-07 0 0	49	9.75	0	0	2
2.20E-10 0 0	49	4.21	0	0	2
1.40E-10 0 0	49	4.21	0	0	2
5.82E-04 0 0	49	3.8	0	0	2

1.12E-03 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
4.70E-08 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
5.52E-08 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
1.32E-07 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
1.37E-03 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
4.09E-08 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
2.59E-07 0 0	7/8/9/10/11/12	5.99	0	0	2
9.69E-05 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2
5.67E-05 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2
8.19E-06 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2

4.91E-06 0 0	7/8/9/10/11/12/102	6	0	0	2
8.95E-04 0 0	58/99	6.1	0	0	2
9.40E-04 0 0	58/99	6.1	0	0	2
5.74E-05 0 0	58/99	5.84	0	0	2
5.56E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
2.14E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
1.28E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
4.34E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
4.49E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
1.82E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
3.43E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
9.82E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
3.69E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
2.26E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
7.71E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
2.26E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
5.37E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
5.39E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
6.18E-06 0 0	94	4.03	0	0	2
4.40E-06 0 0	94	4.03	0	0	2
7.41E-05 0 0	94	4.03	0	0	2
8.57E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
1.54E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
2.07E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
1.97E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
1.10E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
1.03E-05 0 0	94	4.03	0	0	2
1.32E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
4.77E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
8.63E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
2.55E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
2.53E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
8.97E-08 0 0	94	4.03	0	0	2
2.62E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
9.42E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
1.95E-06 0 0	94	4.03	0	0	2
2.90E-07 0 0	94	4.03	0	0	2
2.41E-05 0 0	94	4.03	0	0	2
2.48E-09 0 0	68	3.92	0	0	2
2.46E-13 0 0	42/44/69	4.03	0	0	2

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible][illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T

[illegible]

MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T

[illegible][illegible]

MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T

[illegible]

MASCOT T

MASCOT	T
MASCOT	T
MASCOT	T

[illegible]

MASCOT T

MASCOT T