

Additional file 11: Table S8. GO term enrichment for 72h modules. These four modules (blue, yellow, tan red) are significantly correlated with *M.tb* generation times (see Additional file 9: Table S6). Results are from <http://www.webgestalt.org/>.

Module	geneSet	description	link	size	overlap	expect	enrichmer	pValue	FDR	overlapId	userid
Blue	R-HSA-8953854	Metabolism of RNA	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-8953854">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-8953854</a>	674	54	27.90771	1.934949	1.87E-06	0.00323	3,8563;8741;8780;88745;9337;9652	CNOT8;RPL35A;PPP2CA;RPL8;TPRKB;TRIT1;PSMD1;THO5;RPS21;EXOSC8;RPL39;PAIP1;UBA52;ETF1;RBM28;RAN;TTC37;PSMB8;WDR33;SNRPA;WDR36;RIOK3;CNOT4;T10073;10250;10605;10907;11017;11097;11157;11218;11340;134430;2071;2107;23283;25904;26168;27292;3190;4850;50628;51002;5441;54802;55006;55039;55131;5515;55339;55644;56902;56915;5696;5707;5901;6132;6147;6165;6170;6227;6232;6233;6434;6626;677;7311;7884;80145;81605;8344
Yellow	R-HSA-72203	Processing of Capped Intron-Containing Pre-mRNA	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-72203">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-72203</a>	243	22	7.989483	2.75362	1.63E-05	0.02811	29;9589;9688;988	10084;10283;10421;220988;23165;2521;3181;3184;3188;4904;51362;5356;6430;7536;7919;84248;8480;9092;91DC40
Yellow	R-HSA-8953854	Metabolism of RNA	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-8953854">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-8953854</a>	674	42	22.16013	1.895296	4.36E-05	0.03769	129;9491;9589;9688;9861;988	FYTTD1;RAE1;MTO1;FUS;TRMT61A;SART1;SF1;NUP205;YBX1;NCL;EIF4B;DDX52;HNRNPA3;WTAP;UTP15;CD2BP2;PQB1;HNRNPA2B1;RPS15;10084;10283;10419;10421;11056;11224;115708;1975;220988;23165;2521;25821;3181;3184;3188;4691;4904;51121;51362;5356;5682;5689;5717;6138;6208;6209;6230;6430;7536;7919;80153;83732;84135;84248;8480;9092;93;RPL35;CDC40;RPS14;PSMB1;PSMF1
Tan	R-HSA-170834	Signaling by TGF-beta Receptor Complex	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-170834">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-170834</a>	73	6	0.615596	9.746652	3.28E-05	0.03144	387;4089;4221;54778;5494;9110	PPM1A;RHOA;MTMR4;SMA4;MEN1;RNF111
Tan	R-HSA-5696398	Nucleotide Excision Repair	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-5696398">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-5696398</a>	111	7	0.936043	7.478287	3.99E-05	0.03144	10401;10714;1642;29844;54778;6117;8178	POLD3;PIAS3;RPA1;TFPT;ELL;RNF111;DDB1
Tan	R-HSA-73894	DNA Repair Global Genome Nucleotide	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-73894">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-73894</a>	316	11	2.664772	4.127933	6.63E-05	0.03144	0;54778;6117;7374;79184;8178	UNG;BRCC3;UIMC1;POLD3;PIAS3;RPA1;ASCC3;TFPT;ELL;RNF111;DDB1
Tan	R-HSA-5696399	Excision Repair (GG-NER)	<a href="http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-5696399">http://reactome.org/PathwayBrowser/#/R-HSA-5696399</a>	84	6	0.708357	8.470305	7.28E-05	0.03144	10401;10714;1642;29844;54778;6117	POLD3;PIAS3;RPA1;TFPT;RNF111;DDB1