

Additional file 7: Table S5A. Variably expressed genes (VE genes) .

RNAs displaying the most variable expression between AMs based on variance and entropy in AM controls and *M.tb*-treated cells.

All of the most variably expressed genes (VE Genes) were also significant DE genes (VE/DE genes), hence ordered in decreasing DE Expr Log2 Ratios (column C).

All samples at all-time points were subjected to Levene's test (using ratios of variances as a test statistic) (60) to find RNAs that are differentially variable between control samples and *M.tb* stimulated AMs, yielding RNAs with highest variance in cases that are induced (or inhibited) by *M.tb* stimulation only in a subset of individuals (encoded by VE genes). A second analysis asked whether the entropy of RNA expression in the *M.tb*-treated group is higher than

expected given the total entropy over all AM samples (61), using a permutation test to yield p-values for significance of the entropy computations. tau ratios are ratios of standard deviations (non-treated/treated). FDR Levene and FDR entropy are the respective adjusted p values.

Columns I, J, and K present correlation values (r, red positive, blue negative) for each VE/DE gene with generation time over 48-72h (as in Additional file 3: Table S3), using RPM expression values for each gene at 2, 24, and 72h in infected AMs.

Symbol	Average RPM across all samples	DE Expr Log2 Ratio	DE Expr p-value	Time point (hrs)	FDR Levene	tau ratio	FDR entropy	Cor to generation time - 2hr	Cor to generation time - 24hr	Cor to generation time - 72hr
IFI6	1,165.2	7.1	1.73E-10	72	0.03	0.88	0.00	-0.14	0.16	0.27
IL1B	780.3	6.9	7.26E-12	24	0.00	1.57	0.00	-0.20	-0.15	-0.11
TNFAIP6	611.9	4.8	1E-10	72	0.11	0.91	0.00	-0.07	0.08	0.03
TYMP	552.2	6.6	0.00022	72	0.05	0.86	0.00	0.14	0.30	0.26
CCL4	474.2	4.9	1.16E-10	72	0.02	1.33	0.00	-0.19	0.15	0.01
LAP3	462.5	6.3	1.13E-10	72	0.00	0.55	0.00	-0.07	0.17	-0.02
CCL20	380.7	2.8	3.73E-11	72	0.02	1.80	0.00	-0.36	-0.06	-0.07
CCL3	355.0	6.0	7.74E-12	24	0.01	1.41	0.00	-0.11	0.08	-0.08
IL7R	333.3	4.2	1.4E-09	72	0.04	1.01	0.00	-0.06	-0.03	-0.08
SLAMF7	309.5	5.6	2.37E-08	72	0.00	0.95	0.00	-0.06	0.05	-0.05
MX1	307.5	5.8	5.64E-11	72	0.00	0.69	0.00			
GBP1	298.7	5.5	4.12E-11	72	0.00	0.40	0.00	-0.22	-0.03	-0.09
TAP1	194.1	5.3	4.39E-09	72	0.00	0.56	0.00	-0.17	-0.03	0.05
PARP14	158.4	5.3	1.07E-11	72	0.00	0.67	0.00	0.03	-0.05	0.17
NPL	151.5	5.2	2.78E-06	72	0.00	1.51	0.00	-0.11	-0.25	-0.26
STAT2	140.4	5.2	3.4E-09	72	0.00	0.55	0.00	-0.34	-0.03	-0.08
ISG15	136.3	4.8	4.69E-11	72	0.00	0.65	0.00	-0.29	0.20	0.28
PSMB9	134.1	4.9	9.61E-08	72	0.00	0.56	0.00	-0.24	0.00	-0.07
CD274	118.9	4.9	6.47E-10	24	0.00	0.91	0.00	0.05	0.11	0.09
OAS3	118.4	4.8	5.71E-11	72	0.00	0.65	0.00	-0.01	0.13	0.36
RIPK2	110.2	4.5	1.62E-07	72	0.01	0.89	0.00	-0.06	0.08	0.05
IFI35	106.3	4.7	6.35E-08	72	0.00	0.58	0.00	-0.20	-0.05	-0.05
APOL1	106.0	4.5	8.44E-08	72	0.05	0.68	0.00	-0.18	-0.07	-0.05
ZNFX1	98.4	4.6	2.04E-09	72	0.04	0.87	0.00			
GBP5	93.2	3.9	1.55E-07	72	0.07	0.92	0.00	-0.12	0.03	0.02
IDO1	89.4	1.9	1.46E-08	72	0.14	1.83	0.00		-0.06	-0.12
IFITM3	84.0	4.4	8.52E-10	72	0.00	0.78	0.00	-0.05	0.18	0.28
VDR	81.1	4.4	3.04E-08	24	0.08	1.09	0.00	0.36	-0.05	0.23
DYNLT1	79.3	4.6	6.38E-06	72	0.00	0.70	0.00	-0.24	0.30	0.21
C1RL	78.0	4.5	0.0000065	72	0.03	0.88	0.00	0.20	0.30	0.24
IFITM1	75.7	4.3	8.5E-10	72	0.00	0.79	0.00	-0.03	0.15	0.29
EPSTI1	55.5	4.0	2.41E-06	72	0.00	0.81	0.00	-0.30	-0.15	-0.24
IFIH1	45.2	4.0	2.61E-08	72	0.00	0.73	0.00	-0.39	-0.25	-0.22
SAMD9L	43.7	3.8	3.5E-10	72	0.00	0.80	0.00	-0.35	-0.19	-0.23
DDX60	38.6	3.8	1.3E-11	72	0.00	0.62	0.00			
TAGAP	34.1	3.7	4.93E-08	72	0.00	0.62	0.00	-0.21	-0.01	-0.05
DCUN1D3	33.5	3.6	2.42E-12	24	0.00	1.03	0.00	-0.25	-0.33	-0.25
CXCL1	31.5	3.4	2.59E-11	24	0.00	1.44	0.00			
PARP9	29.5	3.5	1.21E-11	72	0.00	0.66	0.00	0.00	0.24	0.38
HSD11B1	29.3	3.4	7.91E-11	24	0.00	1.49	0.00		0.33	0.24
GCH1	26.6	2.4	5.84E-11	72	0.02	0.89	0.00	0.14	0.15	0.04
IFIT3	26.3	3.1	2.81E-11	72	0.00	0.99	0.00	-0.49	0.02	-0.10
PML	26.0	3.4	1.92E-09	72	0.00	0.55	0.00	-0.18	-0.09	0.18
WDR91	23.6	3.3	3.77E-08	72	0.00	1.31	0.00	0.03	0.03	0.06
IFIT5	21.5	3.2	8.5E-09	72	0.00	0.61	0.00	-0.26	0.11	0.25
DHX58	20.7	3.1	1.93E-10	72	0.01	0.61	0.00			
FBXO6	19.4	3.1	1.94E-08	72	0.00	0.74	0.00			
F3	18.9	2.5	2.02E-08	24	0.03	1.49	0.00	-0.05	0.07	-0.04
CYP27B1	18.3	2.6	3.77E-10	24	0.00	1.60	0.00		-0.23	-0.16
SCARF1	17.5	3.0	2.06E-12	24	0.00	0.71	0.00	0.04	-0.18	0.02
RTP4	15.9	3.0	6.14E-09	72	0.00	0.60	0.00	-0.39	0.21	0.32
HERC6	12.5	2.7	9.76E-11	72	0.00	0.72	0.00	-0.15	0.18	0.20
PDLIM4	10.8	2.8	1.13E-08	72	0.01	1.12	0.00		0.26	0.17
HELZ2	10.1	2.2	1.79E-08	72	0.01	0.77	0.00	-0.23	-0.12	-0.10
APBA1	8.0	2.3	3.52E-08	72	0.02	1.29	0.00	0.10	0.21	-0.09

ISG20	7.9	1.1	5.91E-11	72	0.01	0.53	0.00			-0.14	0.06
CCL8	4.7	0.4	2.85E-08	72	0.01	1.01	0.00				-0.23
CHMP5	223.2	5.5	3.96E-09	72	0.01	0.75	0.00	-0.06		0.34	0.27
DDX58	117.1	4.6	1.12E-10	72	0.12	1.11	0.00				
EMP1	106.8	5.0	1.5E-10	24	0.00	0.91	0.00	0.13		-0.16	0.00
GOS2	106.1	3.7	8.36E-08	72	0.04	1.09	0.00	-0.04		0.16	0.12
DTX3L	102.2	4.8	1.67E-08	72	0.00	0.63	0.00				
OAS2	90.3	4.6	4.32E-07	72	0.00	0.76	0.00	-0.27		-0.16	-0.11
KCNN4	86.8	4.8	4.27E-08	24	0.00	1.18	0.00	-0.26		-0.09	-0.02
TLR2	62.9	4.6	7.93E-11	24	0.01	1.12	0.00	0.09		-0.14	0.00
CMPK2	57.5	3.9	2.63E-09	72	0.00	0.82	0.00	-0.25		-0.19	-0.04
EYA3	56.9	4.1	8.54E-08	24	0.15	0.77	0.00	0.20		0.19	0.34
HERC5	49.0	4.1	3.99E-10	72	0.00	0.62	0.00	-0.20		0.20	0.19
N4BP1	40.3	3.9	1.85E-08	24	0.02	0.91	0.00	-0.26		-0.30	-0.14
IL15RA	36.1	3.7	3.61E-09	72	0.00	0.60	0.00	-0.46		-0.14	-0.04
NLRC5	29.5	3.5	2.93E-08	72	0.00	0.71	0.00	-0.12		-0.12	0.01
EEDP1	12.6	2.5	6.53E-09	24	0.00	1.00	0.00	0.13		-0.10	-0.10
CSF1	1,031.9	7.3	4.21E-11	24	0.00	1.00	0.00	0.08		-0.14	-0.22
ALAS1	191.1	5.3	4.41E-06	72	0.00	0.75	0.00	-0.17		-0.29	-0.18
SLC30A1	172.6	5.2	0.000012	72	0.03	0.80	0.00	0.35		0.22	0.30
PARP12	82.1	4.6	2.45E-08	72	0.00	0.71	0.00	-0.27		-0.19	-0.29
CERK	51.9	4.2	8.24E-10	72	0.02	1.38	0.00	-0.20		-0.04	-0.01
PPBP	25.4	3.5	3.02E-11	24	0.00	1.16	0.00	0.05		-0.33	-0.03
USP18	17.4	2.9	9.73E-10	72	0.00	0.84	0.00	-0.27		0.12	0.15
STAT1	491.6	6.4	5.64E-09	72	0.00	0.73	0.00	-0.35		-0.22	-0.33
PIK3AP1	451.0	6.3	2.98E-07	72	0.01	0.89	0.00	-0.15		0.09	-0.05
PLSCR1	197.5	5.3	1.37E-10	72	0.01	0.87	0.00	-0.30		-0.03	-0.02
TAP2	93.1	4.5	1.34E-09	72	0.00	0.63	0.00	-0.25		-0.10	0.04
SEMA4D	74.2	4.2	1.48E-08	72	0.00	0.68	0.00	-0.20		-0.01	-0.06
SPRED1	65.4	4.4	1.55E-11	24	0.00	0.80	0.00	0.16		-0.13	-0.14
IFIT1	41.4	3.6	2.68E-10	72	0.00	0.80	0.00	-0.39		0.07	0.07
CA12	8.1	0.8	3.96E-09	72	0.00	1.37	0.00			-0.39	-0.23
CHST3	5.3	1.3	1.84E-07	72	0.01	1.19	0.00			-0.06	0.00
NBN	98.9	4.5	6.69E-08	72	0.01	0.87	0.00	-0.31		-0.16	-0.02
CHPT1	52.6	4.0	1.27E-06	72	0.00	1.18	0.00	-0.17		-0.16	-0.23
HIP1	40.8	3.6	5.24E-09	72	0.00	0.78	0.00	-0.08		0.05	0.21
C19orf66	28.5	3.4	1.73E-06	72	0.07	0.83	0.00	-0.28		0.27	0.25
STOM	437.1	6.2	8.08E-06	72	0.02	0.73	0.00	-0.01		-0.13	-0.15
SORL1	26.9	2.1	1.27E-10	24	0.06	0.98	0.00	-0.06		-0.06	0.06
YPEL3	22.1	2.9	3.02E-11	24	0.11	1.04	0.00	0.00		0.09	0.07
GPR84	19.1	3.0	1.47E-07	24	0.00	0.97	0.00	-0.28		-0.23	-0.14
SLAMF8	383.1	6.2	8.28E-08	24	0.00	0.86	0.00	0.07		0.02	-0.03
TMEM86A	39.6	4.0	7.35E-10	72	0.01	1.66	0.00	-0.15		-0.01	-0.11
IL1A	156.1	4.8	4.39E-10	24	0.06	1.32	0.00	-0.01		-0.08	-0.05
TPST2	45.1	3.9	0.00041	72	0.15	0.99	0.00	-0.21		-0.04	-0.18
MB21D2	11.6	2.8	6.56E-09	24	0.00	0.77	0.00	-0.07		-0.07	-0.03
WARS	852.5	7.0	0.000017	72	0.00	0.69	0.00	0.03		0.06	-0.05
DAPK1	327.0	6.0	1.47E-07	24	0.03	1.15	0.00	0.15		0.11	0.40
GBP4	64.7	4.1	9.76E-11	72	0.03	0.41	0.00	-0.13		0.00	0.02
CFP	58.8	4.1	2.68E-10	72	0.00	1.47	0.00	0.07		0.22	0.31
PSTPIP2	43.5	3.1	9.86E-07	72	0.00	0.94	0.00	-0.04		0.08	0.03
IFI44L	30.5	2.7	1.96E-10	72	0.00	1.23	0.00	-0.27		-0.14	-0.17
LIMK2	26.9	3.4	7.88E-07	24	0.07	0.87	0.00	-0.30		-0.24	-0.14
VWA8	96.5	4.9	3.09E-09	24	0.01	1.04	0.00	-0.20		-0.13	-0.14
CCL5	58.8	3.4	3.81E-09	72	0.14	0.55	0.00	-0.30		-0.13	-0.07
TNFSF10	16.8	2.5	1.58E-09	72	0.06	1.13	0.00	-0.32		0.12	0.04
FAM110A	10.0	2.4	0.00116	24	0.01	1.26	0.00	-0.25		-0.36	-0.10
MIR155HG	9.4	2.6	7.79E-09	24	0.02	0.94	0.00	-0.08		-0.29	
PVALB	17.0	3.1	6.71E-10	72	0.03	1.39	0.00	-0.43		0.08	-0.13
SLC27A1	23.6	3.6	4.69E-11	72	0.00	1.45	0.00	0.03		-0.33	-0.13
LSM6	15.5	2.7	0.00531	24	0.09	1.22	0.00	-0.05		0.07	-0.03
RUNX1	13.4	2.6	2.55E-09	24	0.02	0.99	0.00				
TMEM150A	23.2	3.2	0.0017	72	0.15	1.25	0.00	0.01		0.31	0.24
FUCA1	141.9	4.0	4.27E-08	24	0.05	1.50	0.00	-0.31		-0.20	-0.14
RASGRP1	13.0	2.1	7.05E-08	72	0.00	1.12	0.00	-0.13		0.03	0.05
SLC46A1	10.4	2.6	4.12E-11	72	0.00	1.34	0.00	-0.15			0.02
CD80	48.6	3.7	3.1E-08	72	0.00	0.99	0.00	-0.04		0.01	0.02
RAB42	41.9	4.1	5.39E-08	72	0.00	1.08	0.00	-0.14		0.24	0.06

CASS4	11.5	2.7	1.19E-09	24	0.00	0.92	0.00		-0.43	-0.12
SP110	9.4	2.4	2.57E-10	72	0.01	0.70	0.00	-0.15	0.14	0.38
MT2A	899.2	6.3	1.93E-10	72	0.06	0.85	0.00	-0.36	-0.32	-0.33
XAF1	27.6	3.0	2.51E-09	72	0.03	1.23	0.00			
TRAFD1	86.2	4.4	6.99E-08	72	0.10	0.88	0.00	-0.23	-0.01	-0.09
UBD	62.7	2.5	3.08E-06	24	0.14	0.95	0.00	0.00	-0.12	-0.20
GMPR	12.1	2.9	7.96E-08	72	0.01	0.62	0.00	0.03	0.20	0.21
EIF2AK2	118.4	4.9	3.73E-11	72	0.01	0.78	0.00	-0.02	0.25	0.31
PIM1	269.7	5.6	2.61E-08	24	0.03	0.72	0.00	0.06	0.10	0.20
EPHX1	185.1	5.4	8.87E-06	72	0.00	1.15	0.00			
AGRN	29.9	3.6	2.17E-08	72	0.00	0.67	0.00	0.05	0.23	0.45
NEK6	10.3	2.5	7.43E-06	24	0.05	0.78	0.00	0.16	-0.04	0.01
CCL24	283.2	5.9	6.27E-09	24	0.00	0.98	0.00	0.14	-0.15	-0.03
IRF1	111.5	4.5	1.47E-06	72	0.11	0.45	0.00	-0.28	-0.13	-0.05
LDLRAP1	32.4	3.5	1.85E-08	24	0.00	0.90	0.00	-0.01	-0.04	-0.11
MICAL2	15.8	2.9	1.56E-07	24	0.00	0.88	0.00	-0.41	-0.69	-0.47
CFB	79.0	4.1	1.22E-09	72	0.01	0.96	0.00	0.14	0.08	0.13
NUB1	102.0	4.7	1.01E-07	72	0.01	0.58	0.00	-0.06	0.13	0.07
BATF3	7.3	1.8	1.59E-06	72	0.16	1.05	0.00	-0.04	0.26	0.12
RUSC2	29.8	3.3	0.000102	72	0.06	0.84	0.00	0.27	-0.06	0.21
ACSF2	33.5	3.8	8.72E-08	72	0.08	1.19	0.00	-0.06	0.14	-0.04
MX2	27.5	3.3	2.62E-06	72	0.02	0.72	0.00			
PGPEP1	45.5	4.2	2.23E-07	72	0.02	1.25	0.00	0.00	0.16	0.11
APOBEC3G	26.5	3.4	6.73E-08	72	0.00	0.54	0.00	-0.31	0.01	-0.18
PBXIP1	21.0	3.0	0.000002	72	0.15	1.09	0.00			
PTPRF	6.5	2.2	2.61E-08	24	0.01	1.17	0.00		-0.35	-0.39
CD40	138.8	4.7	1.79E-08	72	0.00	0.81	0.00	-0.15	-0.06	-0.10
PSME1	108.7	4.8	0.0000834	72	0.01	0.72	0.00	-0.48	-0.03	-0.12
ITGB3	34.2	3.9	2.93E-08	24	0.00	1.25	0.00		-0.01	0.12
TBXAS1	82.9	4.6	1.99E-10	72	0.01	1.57	0.00			
XRN1	16.3	2.7	0.000454	24	0.01	0.84	0.00			
NUP85	15.0	2.9	0.0000468	72	0.00	1.30	0.00	-0.38	-0.50	-0.23
FARP1	51.6	4.2	5.14E-08	72	0.00	1.28	0.00	0.06	-0.02	-0.01
ASB6	18.9	3.0	0.0000737	72	0.13	0.77	0.00	0.09	0.07	0.17
SLC46A3	38.0	3.7	0.000634	72	0.04	1.10	0.00	-0.22	-0.21	-0.15
OSM	37.4	3.4	6.3E-07	72	0.11	1.05	0.00	-0.07	0.03	0.00
MTF1	65.7	3.9	3.65E-09	72	0.06	1.05	0.00	0.01	-0.06	-0.04
CXCL5	1,254.9	7.7	3.34E-09	24	0.02	1.12	0.00			
BCS1L	9.9	2.2	0.000455	24	0.01	1.35	0.00	-0.04	-0.01	0.11
PARP10	66.7	4.3	3.1E-07	72	0.01	0.81	0.00	-0.03	0.02	0.37
CD180	6.3	1.7	1.04E-09	72	0.05	1.57	0.00	-0.51		-0.37
FAM129B	197.1	5.7	2.13E-08	24	0.02	0.95	0.00	0.15	-0.09	0.15
APBB2	32.3	3.5	7.87E-10	24	0.07	0.88	0.00	0.00	0.05	0.04
DRAM2	62.0	4.3	0.0000149	72	0.06	1.31	0.00	-0.19	-0.06	-0.06
IFI44	57.9	4.1	6.81E-07	72	0.01	0.88	0.00	-0.34	-0.07	-0.09
PNPLA1	4.8	0.0	7.32E-07	72	0.15	1.07	0.00	-0.18	-0.37	
TBC1D8	30.9	3.4	0.0000136	24	0.06	1.11	0.00	0.22	0.07	0.18
KIAA0040	7.9	2.2	4.27E-08	72	0.07	0.69	0.00	-0.24	-0.15	-0.05
H2AFY	234.0	5.6	0.0013	72	0.06	1.26	0.00	-0.28	-0.29	-0.30
CLEC2D	10.8	2.1	3.06E-06	72	0.01	0.97	0.00	-0.28	0.33	0.17
IGSF6	201.4	5.4	3.32E-08	24	0.16	1.10	0.00	-0.35	-0.32	-0.43
BAK1	63.6	4.2	0.0000566	24	0.03	0.74	0.00	0.22	0.09	0.23
VAMP5	10.8	2.0	4.65E-06	72	0.06	0.48	0.00	-0.21	-0.15	-0.19
LAMB3	6.0	2.1	2.13E-08	24	0.06	0.86	0.00		0.04	0.10
PSME2	115.0	4.9	1.72E-08	72	0.00	0.58	0.00	-0.32	-0.06	-0.21
ELMO2	43.5	4.0	0.0000164	24	0.04	0.86	0.00	-0.18	-0.07	-0.02
TREM2	160.4	5.2	4.36E-09	72	0.14	0.95	0.00	0.01	0.13	0.07
CASC4	49.5	4.1	0.0000151	72	0.05	1.19	0.00	0.04	0.26	0.12
ARHGAP10	64.4	4.4	4.59E-08	24	0.07	0.76	0.00	-0.18	-0.42	-0.19
TOR1B	83.8	4.5	6.92E-06	72	0.05	0.78	0.00	-0.16	0.21	0.07
GBP2	462.3	5.6	1.46E-06	72	0.08	0.78	0.00	0.14	-0.09	0.01
CASP8	10.2	2.3	0.0000143	72	0.06	1.26	0.00	-0.09	0.19	0.01
RNF213	167.9	5.3	8.5E-10	72	0.00	0.74	0.00	-0.09	-0.17	-0.12
DOCK4	67.4	4.2	2.92E-07	72	0.04	0.95	0.00	0.11	-0.18	0.05
CBX6	8.6	2.2	2.93E-07	24	0.01	0.80	0.00			
ERCC2	9.4	2.3	4.96E-07	72	0.06	1.25	0.00	-0.20	-0.07	-0.11
OAS1	172.4	5.4	1.47E-06	72	0.03	0.72	0.00	-0.23	-0.03	-0.02
SPOCD1	98.4	4.9	0.0000285	24	0.01	0.86	0.00	0.13	0.06	-0.01
AMDHD2	31.6	3.5	2.76E-09	24	0.03	1.09	0.00	0.30	0.37	0.24

TMEM223	11.4	2.2	0.0000137	24	0.15	1.19	0.00	-0.37	0.13	0.07
HSD3B7	184.4	5.4	0.0000143	72	0.09	0.90	0.00	0.10	0.33	0.24
DPP4	6.7	1.8	2.35E-10	24	0.02	1.11	0.00		-0.22	-0.34
SLC25A22	11.4	2.5	0.000169	24	0.08	0.78	0.01	-0.04	0.18	0.29
MRPS6	348.0	5.7	1.79E-08	24	0.03	0.87	0.01	0.30	0.12	0.20
NLRP3	8.3	2.1	1.81E-07	24	0.11	0.97	0.01	-0.10	-0.31	-0.07
PPARD	100.7	4.8	8.12E-09	24	0.08	0.93	0.01	-0.18	-0.24	-0.09
AMPD3	51.3	4.0	3.19E-08	72	0.05	1.15	0.01	-0.15	-0.12	-0.01
CLCN4	15.4	3.0	2.65E-08	72	0.04	1.24	0.01	-0.05	-0.04	-0.05
MCTP1	33.4	3.5	0.0000332	72	0.04	0.73	0.01	-0.29	-0.20	-0.13
HAPLN3	8.7	0.8	4.63E-07	72	0.08	0.91	0.01	-0.10	-0.12	-0.10
UBE2L6	94.3	4.6	2.4E-08	72	0.01	0.77	0.01	-0.37	-0.22	-0.21
TSMF	20.6	3.4	3.76E-08	24	0.01	0.87	0.01	-0.44	-0.16	-0.15
BST2	256.5	5.7	0.0000109	72	0.03	0.73	0.01	-0.10	0.16	0.10
ZDHC7	53.2	4.0	0.000144	24	0.01	1.28	0.01	-0.19	-0.30	-0.28
ICK	11.8	2.6	0.00417	24	0.07	1.26	0.01	-0.23	-0.13	-0.10
HAMP	8.0	2.3	1.34E-09	72	0.04	0.95	0.01			0.01
MMP12	17.6	2.5	1.09E-09	72	0.01	0.93	0.01		-0.38	-0.41
MATK	65.8	4.1	6.66E-08	24	0.04	0.88	0.01		0.33	0.23
LAMP3	7.0	1.6	1.65E-06	72	0.04	0.90	0.01		0.12	-0.03
CY5R3	5.3	0.9	8.36E-08	72	0.03	1.29	0.01		-0.23	-0.16
PDGFB	6.3	1.5	0.000159	24	0.15	0.71	0.01	0.12	0.18	0.13
SLC45A3	4.8	2.0	2.17E-06	72	0.11	1.04	0.01		-0.13	-0.03
GYPC	119.8	4.9	0.00144	72	0.04	0.67	0.01	0.12	0.16	0.06
ANGEL1	51.7	3.8	6.66E-09	24	0.13	1.10	0.01	0.05	0.28	0.26
ITGA5	298.8	5.9	4.52E-08	24	0.02	0.73	0.01	0.17	0.04	0.23
APOO	16.4	3.1	2.75E-07	72	0.06	0.64	0.01	0.19	0.13	0.14
ITGB8	230.3	5.1	0.0000014	72	0.15	1.24	0.01	-0.19	-0.46	-0.15
ARHGAP35	38.6	3.8	0.0000947	72	0.02	1.43	0.01	0.30	0.16	0.20
MT1H	86.0	3.3	1.12E-07	72	0.13	0.62	0.01	-0.25	-0.05	-0.22
MMP2	11.8	3.1	2.1E-08	72	0.04	1.19	0.01		-0.17	-0.22
CCL22	547.4	6.5	1.76E-09	72	0.10	0.77	0.01	-0.16	-0.15	-0.06
SLIT3	6.4	1.9	0.0000322	72	0.06	1.16	0.01		0.21	0.27
PSMA2	92.6	4.6	0.000525	72	0.02	0.73	0.01	-0.24	-0.15	-0.16
ITGAE	8.5	2.2	0.000433	72	0.13	1.56	0.01	0.06	-0.09	-0.09
CCDC71L	24.6	3.6	6.28E-09	24	0.00	0.83	0.01	-0.29	-0.14	-0.17
SWAP70	106.1	4.8	0.00187	72	0.13	1.25	0.01	-0.08	-0.25	-0.02
RCSD1	19.3	3.1	6.23E-08	72	0.04	1.89	0.01	-0.16	-0.31	-0.11
CNP	76.2	4.4	0.0000168	72	0.04	0.60	0.01	0.49	0.26	0.40
SLC46A2	5.2	1.0	5.7E-07	24	0.04	1.34	0.01	0.17	0.13	0.07
RHDF2	39.8	3.8	0.000919	72	0.06	0.92	0.02	-0.50	-0.47	-0.18
TNFRSF4	5.3	0.0	4.52E-07	72	0.01	1.17	0.02		0.01	0.12
SLC28A3	18.8	2.7	2.66E-08	24	0.06	1.15	0.02	-0.19	-0.05	0.02
PSMB8	44.0	3.7	0.0107	72	0.08	0.81	0.02	-0.37	-0.42	-0.27
PNPT1	39.5	3.9	3.96E-08	72	0.01	0.46	0.02	0.08	0.44	0.21
NAIP	17.5	3.0	5.24E-09	72	0.03	1.33	0.02	-0.01	0.02	-0.03
RFTN1	24.8	3.4	7.67E-07	72	0.00	0.76	0.02	-0.24	-0.18	0.00
PPARGC1B	20.9	3.2	0.0000157	72	0.08	0.99	0.02	-0.12	-0.04	0.07
LILRA5	9.9	2.5	1.02E-07	72	0.16	1.22	0.02	-0.36		-0.26
PTGS1	23.0	3.5	6.68E-06	72	0.00	1.28	0.02	0.14	0.05	0.10
TRIM56	12.9	2.7	1.07E-06	72	0.11	0.91	0.02	-0.05	-0.42	-0.08
IL1RN	1,556.9	6.8	3.45E-08	72	0.07	1.11	0.02	0.11	-0.01	-0.08
SGSH	16.1	3.0	0.000236	72	0.01	1.27	0.02	-0.23	-0.27	-0.20
CTNS	48.4	4.1	4.59E-08	24	0.10	0.86	0.02	-0.25	-0.49	-0.41
LACC1	20.0	2.9	0.00669	72	0.08	1.23	0.02	-0.25	-0.27	-0.20
ABCA5	7.1	2.2	0.0202	24	0.13	0.96	0.02	-0.06	-0.06	-0.07
CD84	209.2	5.2	6.51E-07	24	0.05	0.95	0.02	-0.12	-0.03	-0.07
KCNJ5	12.9	3.0	6.4E-09	72	0.00	1.13	0.02	-0.08		0.17
MFAP5	6.6	1.9	5.52E-07	72	0.04	1.21	0.02		-0.22	-0.30
LMNB1	6.0	1.6	5.57E-07	24	0.05	0.66	0.02	-0.59	-0.40	-0.28
TGFA	6.8	1.9	1.37E-10	24	0.03	0.80	0.02		-0.23	-0.21
ABHD12	155.5	5.3	1.66E-09	72	0.02	1.23	0.03	-0.03	0.38	0.13
TRIB2	6.9	1.9	6.73E-11	24	0.02	0.95	0.03		0.06	-0.03
NUP188	120.2	5.1	0.00163	24	0.01	0.80	0.03	-0.03	0.09	0.12
ITGAX	326.7	5.9	0.0000359	72	0.14	0.93	0.03			
GALM	13.9	3.1	2.83E-07	72	0.13	1.25	0.03	-0.13	-0.09	-0.17
HIPK2	341.0	6.1	5.38E-07	72	0.12	1.48	0.03	0.19	-0.06	0.06
TNFSF15	7.1	1.9	5.19E-08	24	0.15	1.04	0.03	-0.10	-0.13	-0.12
RASSF2	6.1	2.3	7.88E-06	72	0.09	1.13	0.03		-0.73	-0.34

C1S	53.4	4.4	5E-08	72	0.01	0.83	0.03		-0.16	-0.19
ZNF641	8.1	2.2	0.042	24	0.15	1.39	0.03	0.03	-0.18	0.17
NPC2	587.8	6.7	0.000176	72	0.16	1.09	0.03	-0.36	-0.07	-0.18
TRAPPC5	40.6	3.9	0.00295	24	0.16	1.04	0.03	-0.18	0.11	0.03
LPCAT1	47.7	4.1	0.0000412	24	0.16	1.12	0.03	0.03	0.04	0.04
JAK3	6.3	1.8	2.98E-07	72	0.06	1.11	0.03		-0.12	0.03
ZNF710	27.0	3.3	0.000012	72	0.14	1.18	0.03	-0.22	-0.28	-0.20
RCN1	68.0	4.3	0.000156	72	0.11	0.79	0.03	-0.20	-0.20	-0.10
RNF130	693.2	6.4	0.000235	24	0.15	1.15	0.04	-0.09	0.30	0.10
GAS7	49.0	4.2	2.95E-08	72	0.08	1.23	0.04	-0.02	0.02	-0.08
MCOLN2	11.0	2.2	0.0000013	72	0.16	0.97	0.04	-0.34	-0.19	-0.26
RSPO3	14.2	2.2	1.65E-09	24	0.06	0.88	0.04	-0.24	-0.34	-0.31
GNA15	114.6	5.1	0.0000263	24	0.10	0.83	0.04	-0.08	-0.47	-0.13
ARNTL2	18.5	3.3	0.000489	24	0.03	1.14	0.04		-0.42	-0.21
MOV10	18.3	3.2	0.0000126	72	0.03	0.81	0.04	-0.24	-0.19	0.08
GPNMB	4,056.6	8.0	1.09E-07	24	0.04	1.28	0.04	0.01	0.39	0.09
VGLL4	16.9	2.8	0.00157	24	0.06	1.35	0.04	-0.15	-0.31	-0.07
CD226	10.5	2.5	3.78E-08	24	0.07	0.90	0.05	-0.18	-0.05	-0.27
ADAR	412.2	6.2	0.0000332	72	0.03	0.75	0.05	-0.24	-0.14	-0.15
CYBRD1	6.3	2.2	6.54E-08	72	0.16	1.12	0.05			0.01
TRIM5	28.8	3.5	4.52E-06	72	0.07	0.75	0.05	0.17	0.16	0.24
NOTCH2	203.9	5.5	1.71E-06	72	0.11	1.10	0.05	0.24	-0.09	0.05
PXN	30.6	3.0	3.83E-07	24	0.15	0.73	0.05			
SBNO2	56.0	4.3	2.4E-07	24	0.06	0.86	0.05	0.11	-0.19	0.12
RBP1	19.1	3.6	2.44E-08	72	0.08	1.12	0.05		0.06	0.03
CADM1	9.9	2.6	2.76E-09	72	0.12	1.27	0.05		0.03	0.05
MTHFD1	97.8	4.7	0.000523	72	0.07	0.78	0.06	-0.10	0.14	-0.10
PDE4A	59.1	4.1	6.74E-06	72	0.08	0.81	0.06	0.03	0.17	0.32
LOC100129034	270.9	5.7	0.000237	24	0.14	0.76	0.06	0.19	0.20	0.17
LPAR1	56.3	4.4	0.00499	24	0.03	0.89	0.06	-0.01	-0.08	-0.12
TPD52	12.0	2.5	4.66E-06	72	0.13	0.86	0.06	-0.20	0.05	-0.32
TMEM132A	6.1	1.9	1.46E-08	72	0.13	1.11	0.06		-0.33	0.03
AIM2	5.3	1.1	3.95E-06	72	0.02	0.93	0.06		-0.18	-0.20
HLX	23.6	3.4	4.65E-08	24	0.03	0.85	0.06			
PFKP	35.5	3.5	0.0000025	72	0.11	0.92	0.07	-0.07	-0.12	0.02
LRP12	9.6	2.6	0.0000232	24	0.07	1.06	0.07		-0.44	-0.26
SGSM2	26.0	3.5	3.65E-06	72	0.10	1.29	0.08	-0.05	0.22	0.19
TPCN1	10.0	2.9	1.03E-08	72	0.01	1.11	0.08		0.01	-0.18
PRDM1	20.6	3.3	0.0139	24	0.16	0.84	0.08	-0.07	0.09	0.16
PLEKHO1	26.5	3.7	0.0000657	72	0.01	0.87	0.08	-0.20	-0.37	-0.32
TNS1	41.0	4.2	1.04E-09	72	0.03	1.24	0.08	-0.03	-0.16	0.03
GBP3	54.5	3.5	0.0000341	72	0.07	0.79	0.10	-0.11	-0.06	-0.03
CLU10S	5.7	1.7	0.0000525	24	0.06	0.98	0.10		-0.17	-0.18
CSF2RB	191.4	5.0	1.19E-07	72	0.14	0.76	0.10	-0.05	-0.13	0.00
ARHGAP9	35.5	3.5	3.01E-08	72	0.07	1.31	0.11	-0.27	-0.28	-0.09
OCSTAMP	10.1	1.6	2.52E-09	24	0.01	1.09	0.11		0.08	0.11
ACVR1B	67.9	4.3	0.0000198	72	0.07	0.78	0.12	-0.25	0.07	-0.03
PCYOX1	25.7	3.0	1.03E-07	24	0.14	1.10	0.12			
NMI	22.1	3.1	1.85E-06	72	0.14	0.88	0.13	-0.36	-0.16	-0.18
RARRES3	40.0	2.8	0.085	24	0.14	0.54	0.14	-0.26	-0.08	-0.13
SAMHD1	235.3	5.7	0.000117	72	0.10	1.27	0.14	-0.55	-0.10	-0.12
SDS	6.5	0.7	0.000019	24	0.07	1.26	0.14			-0.20
ANTXR2	14.8	2.8	0.000219	24	0.12	0.92	0.15			
LILRB2	43.6	3.9	7.74E-06	72	0.13	1.53	0.16	-0.02	-0.20	-0.14
MAP7	42.9	3.6	1.47E-06	72	0.13	0.99	0.18	0.31	0.24	0.07
APOL3	49.3	3.9	1.09E-06	72	0.07	0.52	0.18	-0.06	0.00	-0.06
PDCD1LG2	86.0	4.7	1.54E-06	72	0.15	0.67	0.19	-0.36	-0.20	-0.15
CCL2	120.7	4.6	6.06E-09	24	0.16	0.95	0.23	-0.31	-0.01	-0.33
LCP2	123.7	4.9	3.39E-06	24	0.08	0.78	0.23	-0.36	-0.35	-0.17
C1R	8.7	2.4	0.0000203	72	0.04	0.77	0.34		-0.24	-0.16
IFITM2	23.7	2.9	0.000525	72	0.13	0.78	0.35	-0.20	-0.12	-0.11
INPP5F	15.3	2.9	0.00261	72	0.14	0.71	0.36	-0.32	-0.40	-0.32
CD38	31.5	4.0	0.000548	72	0.08	0.72	0.43	-0.25	0.06	0.06

