

	
	10 20 30 40 50 60 70 80 90 100
Caca-DRB*0102	ATGTATACTA CGGGCGAGTG TCATTTCCTCC AACGGGACGG AGCGGGTGCG GTTCCTGGAC AGATACTTCT ATAACGGAGA AGAGTTCGTG CGCTTCGACA
Caca-DRB*0301	A..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....
Caca-DRB*0302	 A.AAA..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....
Caca-DRB*0304	A..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....
Caca-DRB*0401	 A.AAA..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....
Caca-DRB*0402	 A.AAA..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....
Caca-DRB*0403	 A.AAA..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....
Caca-DRB*0405	 A.AAA..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T..... .T.....

	
	110 120 130 140 150 160 170 180 190 200
Caca-DRB*0102	GCGACTGGGG CGAGTACCGG GCGGTGACCG AGCTGGGGCG GCCGGTGGCC GAGGGCTGGA ACAGCCAGAA GGAGTTCCTG GAGCAGAGGC GGGCCGAGGT
Caca-DRB*0301	C.AC... A..TA.... -- --...A.... .G.G... .C...
Caca-DRB*0302	C.AC... A..TA.... .G. .A---.... .G.G... .C...
Caca-DRB*0304	TCC... A..TA.... .A.... .A.... .C...
Caca-DRB*0401	C.AC... A..TA.... .G. .A---.... .G.G... .C...
Caca-DRB*0402	C.AC... A..TA.... .G. .A---.... .G.G... .C...
Caca-DRB*0403	AC... A..TA.... .G.G... .C...
Caca-DRB*0405	AC... A..TA.... .G.G... .C...

	
	210 220 230 240
Caca-DRB*0102	GGACACGTAC TGCAGACACA ACTACGGGGT CGGTGAGAGT TTCACTGTG
Caca-DRB*0301	 TAT.....
Caca-DRB*0302	 TAT.....
Caca-DRB*0304	 TAT.....
Caca-DRB*0401	 TAT.....
Caca-DRB*0402	 TAT.....
Caca-DRB*0403	 TAT.....
Caca-DRB*0405	 TAT.....

Figure S2 Alignment of the MHC-DRB alleles detected in 14 European roe deer, identities are plotted to first sequence with a dot.