

Table S2. Segmental duplication of *CsDof* among *C. sativa* chromosomes.

Duplication gene pair		Ka	Ks	Ka/Ks	Duplication gene pair		Ka	Ks	Ka/Ks
Csa04g051210	Csa05g016230	0.003	0.125	0.022	Csa11g094130	Csa04g026300	0.195	0.786	0.249
Csa14g036700	Csa03g032300	0.003	0.093	0.027	Csa06g019350	Csa09g039660	0.024	0.095	0.249
Csa04g051210	Csa06g040340	0.004	0.09	0.045	Csa11g099290	Csa18g035890	0.017	0.069	0.252
Csa17g041880	Csa03g032300	0.008	0.121	0.063	Csa16g016240	Csa07g015680	0.011	0.043	0.265
Csa11g099790	Csa02g071140	0.008	0.098	0.079	Csa04g038300	Csa09g059550	0.018	0.066	0.271
Csa05g016230	Csa06g040340	0.007	0.085	0.08	Csa05g038090	Csa07g016040	0.011	0.039	0.272
Csa04g038300	Csa06g026770	0.006	0.075	0.083	Csa06g026770	Csa09g059550	0.018	0.066	0.272
Csa04g030380	Csa09g047820	0.012	0.144	0.086	Csa17g027260	Csa03g025140	0.017	0.062	0.275
Csa10g018980	Csa11g020730	0.006	0.071	0.087	Csa11g003480	Csa12g003340	0.029	0.1	0.286
Csa11g094710	Csa18g034230	0.006	0.053	0.109	Csa10g046910	Csa11g055680	0.014	0.049	0.29
Csa05g035600	Csa07g015680	0.006	0.058	0.111	Csa18g040580	Csa06g024450	0.28	0.963	0.291
Csa11g102460	Csa02g073390	0.007	0.062	0.112	Csa11g103980	Csa09g053360	0.269	0.914	0.294
Csa17g073130	Csa03g051350	0.002	0.018	0.114	Csa10g003120	Csa12g003340	0.034	0.114	0.298
Csa11g020730	Csa12g030340	0.009	0.075	0.114	Csa18g033540	Csa02g067130	0.036	0.114	0.315
Csa11g094130	Csa02g067130	0.012	0.098	0.12	Csa10g003120	Csa11g003480	0.019	0.059	0.32
Csa18g039010	Csa02g073390	0.007	0.057	0.121	Csa05g086300	Csa07g036310	0.027	0.08	0.331
Csa10g046910	Csa12g081790	0.013	0.11	0.121	Csa03g028730	Csa07g036310	0.285	0.834	0.342
Csa20g002520	Csa08g062200	0.002	0.018	0.124	Csa11g025410	Csa12g037460	0.041	0.117	0.348
Csa18g035890	Csa02g070560	0.012	0.092	0.126	Csa10g022390	Csa12g037460	0.039	0.109	0.357
Csa11g055680	Csa12g081790	0.016	0.112	0.141	Csa14g031920	Csa07g036310	0.306	0.853	0.359
Csa06g021150	Csa09g047820	0.019	0.136	0.141	Csa02g002370	Csa08g053300	0.018	0.051	0.36
Csa16g016640	Csa07g016040	0.006	0.041	0.142	Csa17g034060	Csa07g036310	0.282	0.781	0.361
Csa15g031650	Csa19g029310	0.002	0.015	0.147	Csa01g024360	Csa19g029310	0.011	0.03	0.365
Csa18g036390	Csa02g071140	0.013	0.085	0.15	Csa06g024450	Csa09g053360	0.018	0.049	0.37
Csa13g056100	Csa08g053300	0.007	0.048	0.151	Csa11g094130	Csa18g033540	0.042	0.11	0.384
Csa14g009010	Csa03g011080	0.004	0.026	0.152	Csa04g041620	Csa09g067350	0.024	0.056	0.42
Csa04g065700	Csa05g094020	0.177	1.16	0.153	Csa18g034230	Csa02g067810	0.024	0.055	0.431
Csa14g051530	Csa03g051350	0.013	0.084	0.153	Csa17g090650	Csa03g058660	0.025	0.05	0.496
Csa14g026580	Csa03g025140	0.02	0.129	0.155	Csa04g026300	Csa06g019350	0.009	0.018	0.502
Csa04g065700	Csa05g002560	0.014	0.079	0.171	Csa11g094710	Csa02g067810	0.023	0.041	0.556
Csa04g030380	Csa06g021150	0.019	0.103	0.185	Csa10g022390	Csa11g025410	0.03	0.049	0.621
Csa13g002360	Csa08g062200	0.003	0.018	0.186	Csa04g036060	Csa06g024450	0.027	0.044	0.628

Duplication gene pair		Ka	Ks	Ka/Ks	Duplication gene pair		Ka	Ks	Ka/Ks
Csa05g094020	Csa07g002770	0.007	0.037	0.195	Csa07g066190	Csa09g099480	0.066	0.1	0.661
Csa04g041620	Csa06g029980	0.017	0.088	0.197	Csa04g036060	Csa09g053360	0.022	0.032	0.671
Csa04g026300	Csa09g039660	0.018	0.089	0.205	Csa16g031000	Csa07g036310	0.111	0.163	0.683
Csa06g029980	Csa09g067350	0.013	0.065	0.209	Csa16g031000	Csa07g036310	0.111	0.163	0.683
Csa17g011020	Csa03g011080	0.007	0.03	0.216	Csa10g022470	Csa11g025480	0.042	0.06	0.693
Csa11g099290	Csa02g070560	0.017	0.08	0.217	Csa14g059960	Csa03g058660	0.027	0.035	0.767
Csa16g003010	Csa07g002770	0.006	0.027	0.223	Csa16g007040	Csa07g007240	0.017	0.021	0.789
Csa10g018980	Csa12g030340	0.005	0.021	0.23	Csa11g025480	Csa12g037530	0.035	0.044	0.792
Csa11g094130	Csa06g019350	0.202	0.83	0.243	Csa10g022470	Csa12g037530	0.03	0.028	1.061
Csa01g024360	Csa15g031650	0.013	0.054	0.246					