

Table S5. Frequency (%) of METTL mutations in 32 tumor types from TCGA Pan-Cancer database

METTL Gene	Pan-Cancer	BRCA	OV	UCEC	UCS	CESC	BLCA	HNSC	LUSC	ESCA	STAD	COADREAD	PAAD	CHOL	LUAD	PRAD	GBM	LGG	PCPG	SKCM	UVM	KIRC	KIRP	KICH	SARC	LIHC	ACC	MESO	TGCT	THCA	THYM	DLBC	LAML	
METTL1	0.48	0.19	0.00	1.91	0.00	0.34	0.00	0.77	0.00	0.00	0.46	0.84	0.00	0.00	0.78	0.20	0.70	0.00	0.62	2.45	0.00	0.00	0.35	0.00	1.58	0.54	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.08	0.00	
METTL2A	0.53	0.37	0.35	3.44	0.00	0.34	1.47	0.00	0.21	0.00	0.91	1.01	0.55	0.00	0.78	0.00	0.17	0.20	0.00	1.36	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	4.17	0.00	
METTL2B	0.60	0.47	0.17	4.02	0.00	0.34	0.98	0.58	0.21	0.00	0.00	1.18	0.55	0.00	0.78	0.00	0.17	0.20	0.00	2.45	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	1.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL3	0.86	0.28	0.35	3.44	0.00	1.71	4.41	0.97	0.41	0.55	0.23	1.35	0.55	0.00	0.78	0.41	0.17	0.78	0.00	2.72	0.00	0.59	0.71	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.52	
METTL4	0.78	0.19	0.00	4.21	0.00	0.34	0.98	0.00	1.64	1.10	1.37	0.51	0.55	0.00	0.98	0.41	0.35	0.00	0.00	4.63	0.00	0.20	0.71	0.00	0.40	0.27	0.00	0.00	0.67	0.00	0.00	6.25	0.00	
METTL5	0.29	0.09	0.00	2.49	0.00	0.34	0.74	0.19	0.21	0.00	0.46	0.34	0.00	0.00	0.20	0.00	0.35	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL6	0.49	0.19	0.00	2.68	0.00	0.68	1.23	0.39	0.41	0.00	1.14	1.69	0.55	0.00	0.20	0.20	0.17	0.00	0.00	0.82	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.52	
METTL7A	0.35	0.19	0.17	1.15	0.00	0.68	0.74	0.00	0.21	0.00	0.46	0.84	0.00	0.00	0.00	0.20	0.35	0.00	0.00	2.45	0.00	0.00	0.35	0.00	0.79	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL7B	0.36	0.28	0.00	1.34	0.00	0.00	0.00	0.19	0.62	0.00	0.23	0.84	0.55	0.00	0.59	0.00	0.00	0.00	0.00	3.54	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	1.12	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL8	0.47	0.19	0.52	1.72	0.00	1.02	0.74	0.77	0.62	0.00	0.68	0.51	0.00	2.78	0.20	0.00	0.17	0.00	0.00	2.72	0.00	0.00	0.35	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.05	
METTL9	0.37	0.28	0.17	1.53	0.00	0.34	0.00	0.19	0.62	0.55	0.68	0.51	0.00	0.00	0.39	0.41	0.00	0.00	0.00	1.91	0.00	0.00	0.71	0.00	0.40	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.52	
EEF1AKMT2	0.30	0.19	0.00	1.91	0.00	0.00	0.00	0.19	0.21	1.10	0.23	0.51	0.00	0.00	0.59	0.41	0.00	0.00	0.00	1.63	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NTMT1	0.34	0.19	0.00	2.10	0.00	0.68	0.25	0.19	0.21	0.00	1.37	0.68	1.09	0.00	0.20	0.20	0.35	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL11B	0.33	0.47	0.00	3.63	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.55	0.00	1.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
CSKMT	0.32	0.09	0.17	1.72	0.00	0.34	1.47	0.19	0.41	0.00	1.14	0.17	0.00	0.00	0.39	0.00	0.00	0.00	0.00	1.36	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
EEF1AKNMT	1.09	0.28	0.17	4.59	0.00	1.37	1.72	1.16	2.67	1.10	1.37	2.53	0.55	0.00	1.76	0.61	0.35	0.00	0.00	3.00	0.00	0.39	0.35	0.00	1.98	0.54	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL14	0.73	0.37	0.17	4.21	1.79	0.68	1.47	0.58	0.62	0.00	0.68	1.01	0.55	0.00	1.37	0.41	0.35	0.39	0.62	1.36	0.00	0.20	0.71	0.00	0.00	0.00	1.12	0.00	0.00	0.00	1.63	0.00	0.52	
METTL15	0.61	0.19	0.52	4.21	0.00	0.34	0.25	0.39	0.00	1.10	1.14	1.35	1.09	0.00	0.78	0.20	0.35	0.00	0.00	1.09	0.00	0.00	0.35	1.54	1.19	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL16	0.63	0.19	0.17	2.68	0.00	0.34	0.49	0.58	1.23	0.00	0.68	1.69	0.00	0.00	0.59	0.00	0.17	0.20	0.00	3.00	0.00	0.59	0.71	0.00	0.79	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	2.08	0.00	
METTL17	0.75	0.37	0.17	4.21	1.79	0.68	0.74	0.77	1.03	0.55	2.28	0.34	0.55	0.00	1.17	0.41	0.00	0.00	0.00	3.00	0.00	0.20	0.35	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.00	0.00	0.81	0.00	0.00	
METTL18	0.46	0.37	0.00	3.06	0.00	1.02	0.98	0.19	0.62	0.55	0.23	0.68	0.00	0.00	0.78	0.20	0.17	0.20	0.00	0.27	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.82	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
TRMT44	0.69	0.19	0.70	4.21	0.00	0.68	0.49	0.39	0.00	1.10	0.68	0.84	0.00	0.00	0.59	0.41	0.17	0.00	0.00	4.63	0.00	0.20	1.06	0.00	0.40	0.27	0.00	0.00	0.67	0.00	0.00	0.00	0.00	
ETFBKMT	0.34	0.09	0.00	2.29	0.00	0.34	0.49	0.39	0.21	0.00	0.46	0.34	0.00	0.00	0.59	0.00	0.35	0.20	0.00	1.63	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL21A	0.34	0.09	0.35	1.91	1.79	0.34	0.25	0.39	0.21	0.00	1.14	1.01	0.00	0.00	0.59	0.00	0.00	0.00	0.62	0.54	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
EEF1AKMT3	0.45	0.37	0.17	1.53	0.00	0.00	0.74	0.19	0.41	0.00	0.46	0.51	0.00	0.00	0.39	0.00	0.87	0.59	0.00	1.63	0.00	0.00	0.35	0.00	2.37	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL21C	0.64	0.37	0.00	2.87	1.79	0.68	0.98	0.39	0.41	0.00	0.46	0.84	0.55	0.00	0.78	0.20	0.17	0.20	0.62	3.54	0.00	0.20	0.71	0.00	0.40	1.63	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
VCPKMT	0.25	0.00	0.17	1.53	0.00	0.00	0.49	0.00	0.62	0.00	0.23	0.84	0.00	0.00	0.39	0.00	0.00	0.00	0.00	1.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.08	0.00	
METTL22	0.55	0.19	0.17	0.76	0.00	0.00	0.25	0.97	1.23	0.55	1.60	1.35	0.00	0.00	1.57	0.00	0.35	0.20	0.00	2.18	0.00	0.00	0.71	0.00	0.40	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.52	
METTL23	0.29	0.56	0.00	0.19	0.00	0.34	1.23	0.39	0.62	0.00	0.23	0.68	0.00	0.00	0.39	0.20	0.00	0.00	0.00	0.82	0.00	0.00	0.35	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL24	0.62	0.28	0.00	3.82	0.00	0.68	1.23	0.00	1.44	0.00	0.68	1.01	0.00	0.00	0.39	0.20	0.35	0.39	0.00	2.72	0.00	0.20	0.00	0.00	0.40	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL25	0.93	0.47	0.17	3.44	0.00	1.02	1.96	0.39	1.64	1.10	1.37	1.86	0.55	0.00	1.76	0.20	0.35	0.20	0.00	2.18	0.25	0.20	0.35	0.00	3.16	0.27	1.12	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	
RRNAD1	0.65	0.65	0.00	4.02	1.79	1.02	0.49	0.19	0.21	0.00	1.14	1.52	0.00	0.00	0.20	0.20	0.52	0.39	0.00	1.91	0.25	0.00	0.71	0.00	0.00	0.00	2.25	1.15	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL26	0.12	0.09	0.17	0.38	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.17	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.20	0.00	0.54	0.00	0.00	1.06	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL27	0.45	0.37	0.17	2.49	0.00	0.34	0.25	0.58	0.41	0.55	0.46	1.01	0.55	0.00	0.78	0.00	0.00	0.00	0.00	1.63	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	

Note: METTL4 that has highest frequency of mutation in DLBC (>5%) is highlighted in color.