

Table S4. Frequency (%) of METTL deep deletions in 32 tumor types from TCGA Pan-Cancer database

METTL Gene	Pan-Cancer	BRCA	OV	UCEC	UCS	CESC	BLCA	HNSC	LUSC	ESCA	STAD	COADREAD	PAAD	CHOL	LUAD	PRAD	GBM	LGG	PCPG	SKCM	UVM	KIRC	KIRP	KICH	SARC	LIHC	ACC	MESO	TGCT	THCA	THYM	DLBC	LAML
METTL1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL2A	0.04	0.00	0.17	0.00	0.00	0.34	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL2B	0.13	0.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.25	0.19	0.41	1.10	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.41	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.57
METTL3	0.15	0.19	0.17	0.00	0.00	0.00	0.49	0.39	0.21	0.00	0.91	0.00	0.00	0.00	0.00	0.41	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.71	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL4	0.17	0.47	0.17	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.55	0.00	0.17	0.00	0.00	0.39	0.20	0.35	0.00	0.62	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.34	0.00	0.00	2.08	0.00	
METTL5	0.18	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.21	0.00	0.23	0.00	0.55	0.00	0.00	1.64	0.17	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.79	0.54	0.00	0.00	0.67	0.00	0.81	0.00	0.52	
METTL6	0.26	0.00	0.35	0.19	0.00	0.00	0.00	0.39	0.82	0.55	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.61	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	2.55	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.81	0.00	0.00
METTL7A	0.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.46	0.00	0.55	0.00	0.00	0.41	0.17	0.59	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL7B	0.06	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.25	0.00	0.00	0.00	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.17	0.59	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	
METTL8	0.16	0.00	0.17	0.00	0.00	0.00	0.25	0.00	0.21	0.00	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	1.23	0.17	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.79	0.54	0.00	0.00	0.67	0.00	0.81	0.00	0.00	
METTL9	0.08	0.00	0.17	0.19	0.00	0.00	0.00	0.19	0.00	0.00	0.00	0.17	0.00	0.00	0.39	0.00	0.35	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
EEF1AKMT2	0.32	0.09	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00	0.41	0.55	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.82	0.35	1.96	0.00	1.09	0.00	0.20	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	1.15	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NTMT1	0.21	0.37	0.70	0.19	0.00	0.00	0.49	0.00	0.41	0.00	0.23	0.00	0.55	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.67	0.82	0.81	0.00	0.00
METTL11B	0.06	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.61	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.35	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
CSKMT	0.09	0.00	0.17	0.19	1.79	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.23	0.34	0.00	0.00	0.00	0.41	0.00	0.00	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
EEF1AKNMT	0.05	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.41	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.35	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL14	0.24	0.00	0.70	0.38	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.46	0.17	0.00	0.00	0.00	2.25	0.00	0.39	0.00	0.00	0.00	0.39	0.00	0.79	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL15	0.11	0.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.25	0.00	0.00	0.00	0.46	0.51	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.59	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	1.12	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL16	0.53	0.47	0.17	0.00	0.00	1.02	0.98	0.39	0.41	1.10	0.91	1.18	0.00	0.00	1.37	0.41	0.00	0.00	0.62	0.27	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	2.18	2.25	0.00	0.00	0.41	0.81	2.08	0.52
METTL17	0.16	0.09	0.17	0.00	0.00	0.00	0.74	0.19	0.21	0.00	0.91	0.00	0.00	0.00	0.00	0.41	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.41	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL18	0.06	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.61	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.35	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
TRMT44	0.31	0.56	0.35	0.38	0.00	1.37	0.25	0.58	0.62	1.10	0.46	0.34	0.00	0.00	0.39	0.00	0.17	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.79	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
ETFBKMT	0.10	0.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.19	0.00	0.55	0.46	0.17	0.00	0.00	0.39	0.00	0.17	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL21A	0.29	0.37	0.00	0.38	0.00	2.05	0.74	1.16	0.21	0.55	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.17	0.00	0.00	0.00	1.25	0.20	0.71	0.00	0.79	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
EEF1AKMT3	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL21C	0.24	0.37	0.52	0.00	0.00	0.00	0.00	0.19	0.21	0.55	0.46	0.17	0.00	0.00	0.59	1.02	0.17	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.79	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.08	0.00
VCPKMT	0.05	0.00	0.00	0.00	0.00	0.34	0.00	0.00	0.41	0.00	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL22	0.07	0.00	0.35	0.00	0.00	0.00	0.49	0.00	0.21	0.00	0.00	0.17	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL23	0.09	0.19	0.00	0.00	0.00	0.68	0.00	0.19	0.21	0.00	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL24	0.89	0.56	0.87	0.00	0.00	0.34	1.47	0.39	0.00	0.55	1.14	0.17	0.55	0.00	0.39	8.38	0.00	0.00	0.62	1.36	6.25	0.20	0.00	0.00	0.00	1.91	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	10.42	0.00
METTL25	0.08	0.09	0.17	0.00	0.00	0.00	0.00	0.19	0.00	0.00	0.46	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.17	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
RRNAD1	0.06	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.61	0.00	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
METTL26	0.53	0.19	1.22	0.57	3.57	0.34	1.47	0.00	0.41	2.75	1.37	0.51	0.55	0.00	0.39	0.61	0.00	0.20	0.00	0.54	0.00	0.00	0.71	0.00	0.40	0.82	0.00	0.00	0.67	0.20	0.00	4.17	0.52
METTL27	0.09	0.00	0.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.21	0.00	0.46	0.00	0.00	0.00	0.39	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.40	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	0.00	0.00

Note: METTLs that have higher frequencies of deep deletion in individual tumor type (>5%) are highlighted in color.