

Table S8. Protein expression difference (log2 FC and FDR) for METTLs between CPTAC tumor and normal samples

METTL gene	BRCA (FC)	BRCA (FDR)	UCEC (FC)	UCEC (FDR)	CORD (FC)	CORD (FDR)	ccRCC (FC)	ccRCC (FDR)	LUAD (FC)	LUAD (FDR)	OV (FC)	OV (FDR)
METTL1	0.38	2.13E-02	0.39	1.25E-09	0.58	1.51E-18	0.20	1.17E-10	1.54	2.71E-18		
METTL2A	1.08	8.34E-05	0.74	4.86E-04	0.65	2.27E-02						
METTL2B	-0.65	3.22E-04	0.42	2.22E-09	0.19	2.53E-02	0.29	4.92E-15	1.62	1.15E-22		
METTL3	0.04	9.88E-02	-0.17	3.91E-05	-0.01	4.24E-01	0.04	2.18E-01	-0.07	2.78E-01	0.36	6.25E-07
METTL5	-0.34	4.11E-03	0.21	1.32E-06	-0.10	7.06E-01	0.47	2.03E-25	0.15	8.24E-01		
METTL7A	-1.15	8.02E-08	-0.51	7.69E-08	-1.27	1.06E-30	-0.56	1.05E-08	-3.11	3.95E-29		
METTL7B			0.83	2.05E-06	-0.09	8.87E-02	-0.03	7.25E-01	2.30	1.26E-15	-0.45	5.62E-02
METTL8			0.15	3.89E-01			-0.78	1.01E-08				
METTL9			0.17	2.25E-02			0.08	8.25E-02	0.23	3.81E-01		
EEF1AKMT2	-0.28	1.53E-02	0.08	3.34E-02			0.07	1.59E-01	-0.05	3.95E-01		
NTMT1	0.31	2.78E-05	0.06	2.62E-01	0.38	5.76E-10	-0.05	2.25E-01	0.93	5.91E-14	0.22	5.04E-01
EEF1AKNMT			0.19	2.51E-06	0.14	1.21E-05	0.05	6.79E-03	0.23	5.40E-03	-0.43	5.05E-05
METTL14	0.30	3.43E-04	-0.10	1.61E-03	0.02	8.56E-01	0.02	9.14E-01	0.50	5.46E-07		
METTL15	0.27	1.18E-03	0.07	8.37E-01	0.07	9.32E-02	-0.48	1.69E-17	-0.05	6.83E-01	0.35	1.39E-02
METTL16	0.14	6.24E-02	-0.64	1.48E-14	-0.09	2.78E-01	0.22	6.50E-14	-0.22	8.58E-03	-0.11	3.79E-01
METTL17	-3.56	1.67E-06	0.18	2.05E-02	-0.16	4.08E-01	-0.71	1.28E-21	0.41	1.55E-04	-0.22	8.72E-02
METTL18	0.25	3.63E-02	0.15	3.74E-02			0.20	8.41E-03	-1.03	1.16E-07		
TRMT44			0.14	2.01E-01								
METTL21A	-0.29	2.30E-01	0.63	1.53E-10					-1.33	5.48E-04		
VCPKMT			-0.02	4.23E-01							-0.36	6.80E-03
METTL25			0.20	3.80E-03					-0.19	5.49E-01		
METTL26	0.20	2.39E-01	-0.22	1.83E-02	-0.23	8.56E-08	0.72	2.31E-28	0.04	7.12E-01	-0.21	4.38E-02