Sample	Position in reference genome	Reference seq	Alternate seq	Reference read depth	Reference reverse-strand dept	Reference quality	Alternate depth	Alternate reverse strand depth	Alternate quality	Alternate frequency	Total depth	P-value
Inoculum_final	12112	A	G	71051	49339	58	12897	12719	37	0.128201	100600	0
	12125	G	A	34174	22326	68	6055	3629	49	0.15048	40238	0
Passage 1 A	639	C	T	18129	2951	39	1377	1359	38	0.0704961	19533	0
	12112	A	G	93225	68810	54	18628	18418	37	0.138434	134562	0
Passage 1 B	639	C	T	21241	2937	38	1519	1492	37	0.0665936	22810	0
	12112	A	G	89051	64940	54	16959	16722	37	0.133221	127300	0
	12125	G	A	43817	29951	60	5852	3705	49	0.117787	49683	0
Passage 1 C	5526	A	G	16518	12145	53	1663	1658	37	0.0848686	19595	0
	12112	A	G	85537	62968	53	17325	17133	37	0.139037	124607	0
	12125	G	A	41198	28379	59	4951	3091	48	0.107267	46156	0
Passage 5 A	1564	A	T	413115	139604	46	131911	48551	45	0.24196	545177	0
	8205	A	G	169892	116617	66	27006	18647	66	0.137054	197047	0
	9182	A	C	187181	117465	53	25107	16779	50	0.117315	214013	0
	9548	**G**	**A**	**363266**	**82553**	**53**	**103775**	**22626**	**53**	**0.222173**	**467091**	**0**
	9550	A	G	404997	88817	53	59926	14997	54	0.128841	465117	0
	12112	A	G	89135	67060	51	17705	17518	37	0.136954	129277	0
	12273	C	A	6650	2320	50	3910	1192	49	0.369915	10570	0
Passage 5 B	623	G	-NNN	467	145	49	168	0	20	0.306569	548	1.84212E-43
	7639	A	T	117867	83325	59	44479	31341	59	0.273941	162367	0
	9176	A	C	152839	101017	56	19769	12726	56	0.114372	172849	0
	9177	T	A	151715	99099	56	18378	12483	56	0.106547	172488	0
	9461	A	C	225050	106861	51	81652	43129	53	0.266116	306829	0
	10201	G	A	253023	99037	52	47948	16622	52	0.15917	301238	0
	11586	C	T	306622	173471	51	60189	34229	50	0.164081	366825	0
	11861	C	T	172911	82017	65	20295	9436	64	0.105037	193218	0
	12112	A	G	80901	58303	56	13420	13266	37	0.120863	111035	0
Passage 5 C	781	A	C	383618	67465	53	45391	7811	54	0.105782	429101	0
	9077	A	C	400276	112606	56	44496	12761	56	0.100019	444876	0
	9548	**G**	**A**	**376324**	**89183**	**53**	**90035**	**21041**	**53**	**0.193035**	**466417**	**0**
	10681	A	C	357892	200637	55	78922	44058	56	0.180281	437772	0
	11208	T	C	375334	156872	56	47198	22181	56	0.111685	422599	0
	12112	A	G	63032	46995	53	11961	11849	37	0.132395	90343	0
	12125	G	A	32783	23144	60	4312	2736	49	0.116223	37101	0
Passage 10 A	781	A	C	438244	27838	42	64898	3819	43	0.128946	503295	0
	1370	T	C	365201	111231	61	45579	16038	63	0.11092	410919	0
	3856	C	T	321667	52996	49	169613	26358	50	0.345208	491335	0
	5526	A	G	15763	11015	55	2012	2006	37	0.105833	19011	0
	5550	C	T	40559	12510	60	5426	1331	58	0.11799	45987	0
	9077	A	C	406066	90948	54	50176	11503	54	0.109943	456380	0
	9548	**G**	**A**	**97027**	**28369**	**59**	**333089**	**85245**	**57**	**0.774314**	430173	0
	11208	T	C	334067	129032	56	48002	22194	56	0.125626	382103	0
	12112	A	G	106352	81324	51	20740	20506	37	0.135575	152978	0
	12273	C	A	12385	3916	49	1782	507	49	0.125564	14192	0
Passage 10 B	5541	G	T	27550	10077	60	4145	4145	42	0.130596	31739	0
	9176	A	C	150939	92375	54	25345	14579	55	0.143589	176511	0
	9177	T	A	129005	77921	55	44190	26470	56	0.25034	176520	0
	10120	G	A	257993	97168	59	29067	10305	60	0.101255	287067	0
	10201	G	A	153744	48494	50	138428	34284	49	0.473059	292623	0
	11586	C	T	201229	88076	48	216232	96199	47	0.517949	417477	0
	12112	A	G	110932	78246	55	20410	20100	37	0.130114	156862	0
	12273	C	A	7177	2570	52	2466	795	52	0.255465	9653	0
Passage 10 C	1564	A	T	485427	97729	44	75981	18416	44	0.135302	561564	0
	5541	G	T	22436	7271	56	3038	3038	42	0.119091	25510	0
	9182	A	C	160818	89640	53	22368	12492	49	0.121268	184451	0
	9473	C	A	225368	79013	53	63271	22112	55	0.218816	289151	0
	9548	**G**	**A**	**230009**	**64070**	**59**	**203221**	**48275**	**57**	**0.46903**	433279	0
	10342	C	T	317022	175976	49	107348	59527	49	0.252937	424406	0
	12112	A	G	100855	74614	52	18986	18738	37	0.13229	143518	0
	12268	A	-N	19291	6025	50	3223	0	20	0.124253	25939	0
	12273	C	A	10007	3309	52	9669	2793	52	0.491086	19689	0