

Empirically derived dietary patterns, plasma lipidome and their associations with cardiometabolic health and mortality: Findings from prospective cohort studies

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species							
Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
1	SPB 16:1;O2	[M+H] ⁺	272.3	254.3	8	Sph(d17:1)	20
2	SPB 18:1;O2	[M+H] ⁺	300.3	282.3	8	Sph(d17:1)	20
3	SPB 18:2;O2	[M+H] ⁺	298.3	280.3	8	Sph(d17:1)	20
4	SPBP 16:1;O2	[M+H] ⁺	352.2	236.3	11	S1P(d17:1)	25
5	SPBP 18:0;O2	[M+H] ⁺	382.2	284.3	11	S1P(d17:1)	26
6	SPBP 18:1;O2	[M+H] ⁺	380.2	264.3	11	S1P(d17:1)	27
7	SPBP 18:2;O2	[M+H] ⁺	378.2	262.3	11	S1P(d17:1)	28
8	Cer 18:0;O2/16:0	[M+H] ⁺	540.5	284.3	31	dihydroCer(d18:0/8:0)	50
9	Cer 18:0;O2/18:0	[M+H] ⁺	568.6	284.3	31	dihydroCer(d18:0/8:0)	50
10	Cer 18:0;O2/20:0	[M+H] ⁺	596.6	284.3	31	dihydroCer(d18:0/8:0)	50
11	Cer 18:0;O2/22:0	[M+H] ⁺	624.6	284.3	31	dihydroCer(d18:0/8:0)	50
12	Cer 18:0;O2/24:0	[M+H] ⁺	652.7	284.3	31	dihydroCer(d18:0/8:0)	50
13	Cer 18:0;O2/24:1	[M+H] ⁺	650.6	284.3	31	dihydroCer(d18:0/8:0)	50
14	Cer 16:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	510.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
15	Cer 16:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	538.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
16	Cer 16:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	566.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
17	Cer 16:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	594.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
18	Cer 16:1;O2/23:0	[M+H] ⁺	608.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
19	Cer 16:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	622.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
20	Cer 16:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	620.6	236.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
21	Cer 17:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	524.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
22	Cer 17:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	552.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
23	Cer 17:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	580.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
24	Cer 17:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	608.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
25	Cer 17:1;O2/23:0	[M+H] ⁺	622.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
26	Cer 17:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	636.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
27	Cer 17:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	634.6	250.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
28	Cer 18:1;O2/14:0	[M+H] ⁺	510.5	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
29	Cer 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	538.5	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
30	Cer 18:1;O2/17:0	[M+H] ⁺	552.5	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
31	Cer 18:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	566.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
32	Cer 18:1;O2/19:0	[M+H] ⁺	580.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
33	Cer 18:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	594.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
34	Cer 18:1;O2/21:0	[M+H] ⁺	608.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
35	Cer 18:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	622.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
36	Cer 18:1;O2/23:0	[M+H] ⁺	636.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
37	Cer 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	650.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
38	Cer 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	648.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
39	Cer 18:1;O2/26:0	[M+H] ⁺	678.6	264.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
40	Cer 18:2;O2/14:0	[M+H] ⁺	508.5	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
41	Cer 18:2;O2/16:0	[M+H] ⁺	536.5	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
42	Cer 18:2;O2/17:0	[M+H] ⁺	550.5	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
43	Cer 18:2;O2/18:0	[M+H] ⁺	564.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
44	Cer 18:2;O2/20:0	[M+H] ⁺	592.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
45	Cer 18:2;O2/21:0	[M+H] ⁺	606.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
46	Cer 18:2;O2/22:0	[M+H] ⁺	620.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
47	Cer 18:2;O2/23:0	[M+H] ⁺	634.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
48	Cer 18:2;O2/24:0	[M+H] ⁺	648.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
49	Cer 18:2;O2/24:1	[M+H] ⁺	646.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
50	Cer 18:2;O2/26:0	[M+H] ⁺	676.6	262.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
51	Cer 19:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	552.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
52	Cer 19:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	580.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
53	Cer 19:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	608.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
54	Cer 19:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	636.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
55	Cer 19:1;O2/23:0	[M+H] ⁺	650.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
56	Cer 19:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	664.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
57	Cer 19:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	662.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
58	Cer 19:1;O2/26:0	[M+H] ⁺	692.6	278.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
59	Cer 20:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	650.6	292.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
60	Cer 20:1;O2/23:0	[M+H] ⁺	664.6	292.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
61	Cer 20:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	678.6	292.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
62	Cer 20:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	676.6	292.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
63	Cer 20:1;O2/26:0	[M+H] ⁺	706.6	292.3	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
64	Cer 18:0;O/20:0	[M+H] ⁺	580.6	268.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
65	Cer 18:0;O/22:0	[M+H] ⁺	608.6	268.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
66	Cer 18:0;O/23:0	[M+H] ⁺	622.6	268.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
67	Cer 18:0;O/24:0	[M+H] ⁺	636.6	268.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
68	Cer 18:0;O/24:1	[M+H] ⁺	634.6	268.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
69	Cer 18:1;O/18:0	[M+H] ⁺	550.6	266.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
70	Cer 18:1;O/20:0	[M+H] ⁺	578.6	266.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
71	Cer 18:1;O/22:0	[M+H] ⁺	606.6	266.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
72	Cer 18:1;O/23:0	[M+H] ⁺	620.6	266.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
73	Cer 18:1;O/24:0	[M+H] ⁺	634.6	266.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
74	Cer 18:1;O/24:1	[M+H] ⁺	632.6	266.4	23	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
75	Hex-Cer 16:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	700.6	236.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
76	Hex-Cer 16:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	728.6	236.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
77	Hex-Cer 16:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	756.7	236.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
78	Hex-Cer 16:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	784.7	236.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
79	Hex-Cer 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	700.6	264.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
80	Hex-Cer 18:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	728.6	264.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
81	Hex-Cer 18:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	756.6	264.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
82	Hex-Cer 18:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	784.7	264.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
83	Hex-Cer 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	812.7	264.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
84	Hex-Cer 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	810.7	264.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
85	Hex-Cer 18:2;O2/18:0	[M+H] ⁺	726.6	262.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
86	Hex-Cer 18:2;O2/20:0	[M+H] ⁺	754.6	262.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
87	Hex-Cer 18:2;O2/22:0	[M+H] ⁺	782.7	262.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
88	Hex-Cer 18:2;O2/24:0	[M+H] ⁺	810.7	262.3	33	Hex1Cer(d18:1/18:1)	50
89	Hex2Cer 16:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	834.6	236.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
90	Hex2Cer 16:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	944.7	236.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
91	Hex2Cer 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	862.6	264.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
92	Hex2Cer 18:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	890.7	264.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
93	Hex2Cer 18:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	918.7	264.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
94	Hex2Cer 18:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	946.7	264.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
95	Hex2Cer 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	974.8	264.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
96	Hex2Cer 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	972.7	264.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
97	Hex2Cer 18:2;O2/16:0	[M+H] ⁺	860.6	262.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
98	Hex2Cer 18:2;O2/24:1	[M+H] ⁺	970.7	262.3	53	Hex2Cer(d18:1/18:1)	50
99	Hex3Cer 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	1024.7	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
100	Hex3Cer 18:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	1052.7	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
101	Hex3Cer 18:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	1080.7	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
102	Hex3Cer 18:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	1108.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
103	Hex3Cer 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	1136.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
104	Hex3Cer 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	1134.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
105	GM3 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	1153.7	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
106	GM3 18:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	1181.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
107	GM3 18:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	1209.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
108	GM3 18:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	1237.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
109	GM3 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	1265.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
110	GM3 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	1263.8	264.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
111	GM3 18:2;O2/24:1	[M+H] ⁺	1261.8	262.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
112	GM3 20:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	1209.8	292.3	57	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
113	GM1 18:1;O2/16:0	[M+2H] ²⁺	760.1	366.2	9	Hex3Cer(d18:1/17:0)	25
114	SHexCer 18:1;O2/16:0;O	[M+H] ⁺	796.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
115	SHexCer 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	780.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
116	SHexCer 18:1;O2/18:0;O	[M+H] ⁺	824.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
117	SHexCer 18:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	808.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
118	SHexCer 18:1;O2/24:0;O	[M+H] ⁺	908.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
119	SHexCer 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	892.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
120	SHexCer 18:1;O2/24:1;O	[M+H] ⁺	906.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
121	SHexCer 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	890.8	264.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
122	SHexCer 18:2;O2/18:0;O	[M+H] ⁺	822.8	262.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
123	SHexCer 18:2;O2/18:0	[M+H] ⁺	806.8	262.3	56	Sulfatide(d18:1/12:0)	10
124	CerP 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	618.4	264.3	29	Cer(d18:1-d7/18:0)	50
125	SM 34:3;O2	[M+H] ⁺	699.5	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
126	SM 35:2;O2 [b]	[M+H] ⁺	715.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
127	SM 37:1;O2	[M+H] ⁺	745.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
128	SM 37:2;O2	[M+H] ⁺	743.5	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
129	SM 38:3;O2 [a]	[M+H] ⁺	755.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
130	SM 38:3;O2 [b]	[M+H] ⁺	755.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
131	SM 40:3;O2 [a]	[M+H] ⁺	783.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
132	SM 40:3;O2 [b]	[M+H] ⁺	783.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
133	SM 41:0;O2	[M+H] ⁺	803.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
134	SM 41:1;O2 [a]	[M+H] ⁺	801.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
135	SM 43:1;O2	[M+H] ⁺	829.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
136	SM 43:2;O2 [b]	[M+H] ⁺	827.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
137	SM 43:2;O2 [c]	[M+H] ⁺	827.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
138	SM 44:1;O2	[M+H] ⁺	843.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
139	SM 44:2;O2	[M+H] ⁺	841.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
140	SM 44:3;O2	[M+H] ⁺	839.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
141	SM 16:1;O2/19:0	[M+H] ⁺	717.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
142	SM 16:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	773.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
143	SM 16:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	785.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
144	SM 17:1;O2/14:0	[M+H] ⁺	661.5	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
145	SM 17:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	689.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
146	SM 17:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	799.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
147	SM 18:0;O2/14:0	[M+H] ⁺	677.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
148	SM 18:0;O2/16:0	[M+H] ⁺	705.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
149	SM 18:0;O2/22:0	[M+H] ⁺	789.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
150	SM 18:1;O2/14:0 SM 16:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	675.5	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
151	SM 18:1;O2/16:0	[M+H] ⁺	703.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
152	SM 18:1;O2/17:0 SM 17:1;O2/18:0	[M+H] ⁺	717.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
153	SM 18:1;O2/18:0 SM 16:1;O2/20:0	[M+H] ⁺	731.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
154	SM 18:1;O2/20:0 SM 16:1;O2/22:0	[M+H] ⁺	759.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
155	SM 18:1;O2/22:0 SM 16:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	787.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
156	SM 18:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	801.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
157	SM 18:1;O2/24:0	[M+H] ⁺	815.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
158	SM 18:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	813.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
159	SM 18:2;O2/14:0	[M+H] ⁺	673.5	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
160	SM 18:2;O2/16:0	[M+H] ⁺	701.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
161	SM 18:2;O2/17:0	[M+H] ⁺	715.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
162	SM 18:2;O2/18:0	[M+H] ⁺	729.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
163	SM 18:2;O2/18:1	[M+H] ⁺	727.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
164	SM 18:2;O2/20:0	[M+H] ⁺	757.6	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
165	SM 18:2;O2/22:0	[M+H] ⁺	785.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
166	SM 18:2;O2/23:0	[M+H] ⁺	799.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
167	SM 18:2;O2/24:0	[M+H] ⁺	813.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
168	SM 19:1;O2/24:1	[M+H] ⁺	827.7	184.1	25	SM(d18:1/12:0)	100
169	PC 28:0	[M+H] ⁺	678.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
170	PC 14:0_16:0	[M+H] ⁺	706.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
171	PC 31:0 [a]	[M+H] ⁺	720.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
172	PC 31:0 [b]	[M+H] ⁺	720.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
173	PC 16:0_16:0	[M+H] ⁺	734.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
174	PC 32:1	[M+H] ⁺	732.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
175	PC 32:2	[M+H] ⁺	730.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
176	PC 33:0 [a]	[M+H] ⁺	748.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
177	PC 33:0 [b]	[M+H] ⁺	748.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
178	PC 33:1	[M+H] ⁺	746.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
179	PC 33:2	[M+H] ⁺	744.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
180	PC 16:0_18:0	[M+H] ⁺	762.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
181	PC 16:0_18:1	[M+H] ⁺	760.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
182	PC 16:0_18:2	[M+H] ⁺	758.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
183	PC 16:1_18:2	[M+H] ⁺	756.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
184	PC 16:0_18:3 [a]	[M+H] ⁺	756.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
185	PC 16:0_18:3 [b]	[M+H] ⁺	756.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
186	PC 14:0_20:4	[M+H] ⁺	754.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
187	PC 34:5	[M+H] ⁺	752.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
188	PC 16:0;Me_18:1	[M+H] ⁺	774.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
189	PC 17:0_18:1	[M+H] ⁺	774.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
190	PC 16:0;Me_18:2	[M+H] ⁺	772.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
191	PC 17:0_18:2	[M+H] ⁺	772.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
192	PC 17:1_18:2	[M+H] ⁺	770.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
193	PC 15:0_20:3	[M+H] ⁺	770.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
194	PC 15:0_20:4	[M+H] ⁺	768.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
195	PC 35:5	[M+H] ⁺	766.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
196	PC 18:0_18:1	[M+H] ⁺	788.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
197	PC 18:1_18:1	[M+H] ⁺	786.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
198	PC 18:0_18:2	[M+H] ⁺	786.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
199	PC 18:1_18:2	[M+H] ⁺	784.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
200	PC 16:0_20:3 [a]	[M+H] ⁺	784.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
201	PC 16:0_20:3 [b]	[M+H] ⁺	784.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
202	PC 18:2_18:2	[M+H] ⁺	782.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
203	PC 16:0_20:4	[M+H] ⁺	782.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
204	PC 16:1_20:4	[M+H] ⁺	780.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
205	PC 16:0_20:5	[M+H] ⁺	780.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
206	PC 36:6 [a]	[M+H] ⁺	778.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
207	PC 14:0_22:6	[M+H] ⁺	778.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
208	PC 16:0;Me_20:4	[M+H] ⁺	796.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
209	PC 17:0_20:4	[M+H] ⁺	796.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
210	PC 15:0_22:6	[M+H] ⁺	792.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
211	PC 38:2	[M+H] ⁺	814.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
212	PC 18:0_20:3	[M+H] ⁺	812.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
213	PC 18:1_20:3	[M+H] ⁺	810.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
214	PC 38:4 [b]	[M+H] ⁺	810.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
215	PC 18:0_20:4	[M+H] ⁺	810.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
216	PC 38:5 [a]	[M+H] ⁺	808.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
217	PC 38:5 [b]	[M+H] ⁺	808.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
218	PC 38:6 [a]	[M+H] ⁺	806.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
219	PC 16:0_22:6	[M+H] ⁺	806.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
220	PC 18:2_20:5	[M+H] ⁺	804.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
221	PC 16:1_22:6	[M+H] ⁺	804.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
222	PC 38:7 [c]	[M+H] ⁺	804.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
223	PC 39:5 [b]	[M+H] ⁺	822.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
224	PC 39:5 [a]	[M+H] ⁺	822.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
225	PC 16:0;Me_22:6	[M+H] ⁺	820.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
226	PC 17:0_22:6	[M+H] ⁺	820.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
227	PC 18:0_22:4	[M+H] ⁺	838.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
228	PC 20:0_20:4	[M+H] ⁺	838.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
229	PC 18:0_22:5(n3) PC 20:1_20:4	[M+H] ⁺	836.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
230	PC 18:0_22:5(n6)	[M+H] ⁺	836.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
231	PC 18:0_22:6	[M+H] ⁺	834.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
232	PC 40:7 [a]	[M+H] ⁺	832.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
233	PC 18:1_22:6 [a]	[M+H] ⁺	832.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
234	PC 18:1_22:6 [b]	[M+H] ⁺	832.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
235	PC 40:10	[M+H] ⁺	826.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
236	PC 44:12	[M+H] ⁺	878.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
237	PC 40:8	[M+H] ⁺	830.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
238	PC O-16:0/16:0	[M+H] ⁺	720.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
239	PC O-32:1	[M+H] ⁺	718.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
240	PC O-32:2	[M+H] ⁺	716.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
241	PC O-34:1	[M+H] ⁺	746.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
242	PC O-34:2	[M+H] ⁺	744.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
243	PC O-34:4	[M+H] ⁺	740.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
244	PC O-35:4	[M+H] ⁺	754.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
245	PC O-36:0	[M+H] ⁺	776.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
246	PC O-18:0/18:1	[M+H] ⁺	774.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
247	PC O-18:1/18:1	[M+H] ⁺	772.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
248	PC O-18:0/18:2	[M+H] ⁺	772.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
249	PC O-18:1/18:2	[M+H] ⁺	770.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
250	PC O-16:0/20:3	[M+H] ⁺	770.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
251	PC O-16:0/20:4	[M+H] ⁺	768.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
252	PC O-36:5	[M+H] ⁺	766.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
253	PC O-18:0/20:4	[M+H] ⁺	796.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
254	PC O-38:5	[M+H] ⁺	794.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
255	PC O-16:0/22:6	[M+H] ⁺	792.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
256	PC O-40:5	[M+H] ⁺	822.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
257	PC O-18:0/22:6	[M+H] ⁺	820.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
258	PC O-40:7 [a]	[M+H] ⁺	818.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
259	PC O-40:7 [b]	[M+H] ⁺	818.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
260	PC P-16:0/14:0	[M+H] ⁺	690.4	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
261	PC P-16:0/16:0	[M+H] ⁺	718.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
262	PC P-16:0/16:1	[M+H] ⁺	716.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
263	PC P-16:0/18:0	[M+H] ⁺	746.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
264	PC P-16:0/18:1	[M+H] ⁺	744.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
265	PC P-16:0/18:2	[M+H] ⁺	742.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
266	PC P-16:0/18:3	[M+H] ⁺	740.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
267	PC P-35:2 [a]	[M+H] ⁺	756.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
268	PC P-35:2 [b]	[M+H] ⁺	756.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
269	PC P-15:0/20:4 [a]	[M+H] ⁺	752.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
270	PC P-15:0/20:4 [b]	[M+H] ⁺	752.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
271	PC P-18:1/18:1	[M+H] ⁺	770.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
272	PC P-18:0/18:2	[M+H] ⁺	770.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
273	PC P-36:3	[M+H] ⁺	768.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
274	PC P-16:0/20:4	[M+H] ⁺	766.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
275	PC P-16:0/20:5	[M+H] ⁺	764.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
276	PC P-17:0/20:4 [a]	[M+H] ⁺	780.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
277	PC P-17:0/20:4 [b]	[M+H] ⁺	780.5	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
278	PC P-18:0/20:4	[M+H] ⁺	794.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
279	PC P-38:5 [a]	[M+H] ⁺	792.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
280	PC P-38:5 [b]	[M+H] ⁺	792.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
281	PC P-16:0/22:6	[M+H] ⁺	790.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
282	PC P-20:0/20:4	[M+H] ⁺	822.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
283	PC P-18:0/22:5	[M+H] ⁺	820.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
284	PC P-18:0/22:6	[M+H] ⁺	818.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
285	PC P-18:1/22:6	[M+H] ⁺	816.6	184.1	21	PC(13:0/13:0)	100
286	LPC 0:0/14:0	[M+H] ⁺	468.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
287	LPC 14:0/0:0	[M+H] ⁺	468.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
288	LPC 0:0/15:0	[M+H] ⁺	482.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
289	LPC 15:0/0:0	[M+H] ⁺	482.3	184.1	21	LPC(13:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
290	LPC 0:0/16:0	[M+H] ⁺	496.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
291	LPC 16:0/0:0	[M+H] ⁺	496.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
292	LPC 0:0/16:1	[M+H] ⁺	494.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
293	LPC 16:1/0:0	[M+H] ⁺	494.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
294	LPC 0:0/16:0;Me	[M+H] ⁺	510.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
295	LPC 16:0;Me/0:0 (PI-104)	[M+H] ⁺	510.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
296	LPC 16:0;Me/0:0 LPC 0:0/17:0	[M+H] ⁺	510.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
297	LPC 17:0/0:0	[M+H] ⁺	510.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
298	LPC 17:1/0:0 [a] (PI-104)	[M+H] ⁺	508.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
299	LPC 17:1/0:0	[M+H] ⁺	508.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
300	LPC 17:1/0:0 [b]	[M+H] ⁺	508.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
301	LPC 0:0/17:1 [a]	[M+H] ⁺	508.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
302	LPC 0:0/18:0	[M+H] ⁺	524.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
303	LPC 18:0/0:0	[M+H] ⁺	524.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
304	LPC 0:0/18:1	[M+H] ⁺	522.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
305	LPC 18:1/0:0	[M+H] ⁺	522.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
306	LPC 0:0/18:2	[M+H] ⁺	520.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
307	LPC 18:2/0:0	[M+H] ⁺	520.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
308	LPC 0:0/18:3 [a]	[M+H] ⁺	518.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
309	LPC 18:3/0:0 [a] (PI-104)	[M+H] ⁺	518.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
310	LPC 18:3/0:0	[M+H] ⁺	518.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
311	LPC 18:3/0:0 [b]	[M+H] ⁺	518.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
312	LPC 0:0/19:0 [a]	[M+H] ⁺	538.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
313	LPC 19:0/0:0 [a] (PI-104)	[M+H] ⁺	538.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
314	LPC 19:0/0:0	[M+H] ⁺	538.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
315	LPC 19:0/0:0 [b]	[M+H] ⁺	538.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
316	LPC 19:1 [a]	[M+H] ⁺	536.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
317	LPC 19:1 [b]	[M+H] ⁺	536.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
318	LPC 19:1 [c]	[M+H] ⁺	536.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
319	LPC 0:0/20:0	[M+H] ⁺	552.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
320	LPC 20:0/0:0	[M+H] ⁺	552.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
321	LPC 0:0/20:1	[M+H] ⁺	550.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
322	LPC 20:1/0:0	[M+H] ⁺	550.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
323	LPC 0:0/20:2	[M+H] ⁺	548.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
324	LPC 20:2/0:0	[M+H] ⁺	548.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
325	LPC 0:0/20:3	[M+H] ⁺	546.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
326	LPC 20:3/0:0	[M+H] ⁺	546.4	184.1	21	LPC(13:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
327	LPC 0:0/20:4	[M+H] ⁺	544.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
328	LPC 20:4/0:0	[M+H] ⁺	544.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
329	LPC 0:0/20:5	[M+H] ⁺	542.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
330	LPC 20:5/0:0	[M+H] ⁺	542.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
331	LPC 0:0/22:0	[M+H] ⁺	580.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
332	LPC 22:0/0:0	[M+H] ⁺	580.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
333	LPC 0:0/22:1	[M+H] ⁺	578.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
334	LPC 22:1/0:0	[M+H] ⁺	578.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
335	LPC 0:0/22:4	[M+H] ⁺	572.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
336	LPC 22:4/0:0	[M+H] ⁺	572.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
337	LPC 0:0/22:5 [n3]	[M+H] ⁺	570.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
338	LPC 22:5 [n3]/0:0 [PI-104]	[M+H] ⁺	570.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
339	LPC 22:5 [n3]/0:0 LPC 22:5 [n6]/0:0	[M+H] ⁺	570.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
340	LPC 22:5 [n6]/0:0	[M+H] ⁺	570.4	184.1	21	LPC(13:0)	100
341	LPC 0:0/22:6	[M+H] ⁺	568.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
342	LPC 22:6/0:0	[M+H] ⁺	568.3	184.1	21	LPC(13:0)	100
343	LPC 0:0/24:0	[M+H] ⁺	608.5	184.1	21	LPC(13:0)	100
344	LPC 24:0/0:0	[M+H] ⁺	608.5	184.1	21	LPC(13:0)	100
345	LPC 0:0/26:0	[M+H] ⁺	636.5	184.1	21	LPC(13:0)	100
346	LPC 26:0/0:0	[M+H] ⁺	636.5	184.1	21	LPC(13:0)	100
347	LPC O-16:0/0:0	[M+H] ⁺	482.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
348	LPC O-18:0/0:0	[M+H] ⁺	510.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
349	LPC O-18:1/0:0	[M+H] ⁺	508.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
350	LPC O-20:0/0:0	[M+H] ⁺	538.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
351	LPC O-20:1/0:0	[M+H] ⁺	536.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
352	LPC O-22:0/0:0	[M+H] ⁺	566.5	104.1	21	LPC(13:0)	100
353	LPC O-22:1/0:0	[M+H] ⁺	564.4	104.1	21	LPC(13:0)	100
354	LPC O-24:0/0:0	[M+H] ⁺	594.5	104.1	21	LPC(13:0)	100
355	LPC O-24:1/0:0	[M+H] ⁺	592.5	104.1	21	LPC(13:0)	100
356	LPC O-24:2/0:0	[M+H] ⁺	590.5	104.1	21	LPC(13:0)	100
357	LPC P-16:0/0:0	[M+H] ⁺	480.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
358	LPC P-17:0/0:0 [a]	[M+H] ⁺	494.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
359	LPC P-17:0/0:0 [b]	[M+H] ⁺	494.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
360	LPC P-18:0/0:0	[M+H] ⁺	508.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
361	LPC P-18:1/0:0	[M+H] ⁺	506.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
362	LPC P-20:0/0:0	[M+H] ⁺	536.3	104.1	21	LPC(13:0)	100
363	PE 16:0_16:0	[M+H] ⁺	692.5	551.5	17	PE(17:0/17:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
364	PE 16:0_16:1	[M+H] ⁺	690.5	549.5	17	PE(17:0/17:0)	100
365	PE 16:0_18:1	[M+H] ⁺	718.5	577.5	17	PE(17:0/17:0)	100
366	PE 16:0_18:2	[M+H] ⁺	716.5	575.5	17	PE(17:0/17:0)	100
367	PE 16:1_18:2	[M+H] ⁺	714.5	573.5	17	PE(17:0/17:0)	100
368	PE 16:0_18:3 [a]	[M+H] ⁺	714.5	573.5	17	PE(17:0/17:0)	100
369	PE 16:0_18:3 [b]	[M+H] ⁺	714.5	573.5	17	PE(17:0/17:0)	100
370	PE 16:0;Me_18:1	[M+H] ⁺	732.6	591.5	17	PE(17:0/17:0)	100
371	PE 17:0_18:1	[M+H] ⁺	732.6	591.5	17	PE(17:0/17:0)	100
372	PE 16:0;Me_18:2	[M+H] ⁺	730.5	589.5	17	PE(17:0/17:0)	100
373	PE 17:0_18:2	[M+H] ⁺	730.5	589.5	17	PE(17:0/17:0)	100
374	PE 36:0	[M+H] ⁺	748.6	607.6	17	PE(17:0/17:0)	100
375	PE 18:0_18:1	[M+H] ⁺	746.6	605.6	17	PE(17:0/17:0)	100
376	PE 18:1_18:1	[M+H] ⁺	744.6	603.5	17	PE(17:0/17:0)	100
377	PE 18:0_18:2	[M+H] ⁺	744.6	603.5	17	PE(17:0/17:0)	100
378	PE 18:1_18:2	[M+H] ⁺	742.5	601.5	17	PE(17:0/17:0)	100
379	PE 16:0_20:3	[M+H] ⁺	742.5	601.5	17	PE(17:0/17:0)	100
380	PE 16:0_20:4	[M+H] ⁺	740.5	599.5	17	PE(17:0/17:0)	100
381	PE 16:1_20:4	[M+H] ⁺	738.5	597.5	17	PE(17:0/17:0)	100
382	PE 16:0_20:5	[M+H] ⁺	738.5	597.5	17	PE(17:0/17:0)	100
383	PE 16:0;Me_20:4	[M+H] ⁺	754.6	613.5	17	PE(17:0/17:0)	100
384	PE 17:0_20:4	[M+H] ⁺	754.6	613.5	17	PE(17:0/17:0)	100
385	PE 18:0_20:3 [a]	[M+H] ⁺	770.6	629.6	17	PE(17:0/17:0)	100
386	PE 18:0_20:3 [b]	[M+H] ⁺	770.6	629.6	17	PE(17:0/17:0)	100
387	PE 18:0_20:4	[M+H] ⁺	768.6	627.5	17	PE(17:0/17:0)	100
388	PE 38:5 [a]	[M+H] ⁺	766.5	625.5	17	PE(17:0/17:0)	100
389	PE 38:5 [b]	[M+H] ⁺	766.5	625.5	17	PE(17:0/17:0)	100
390	PE 16:0_22:6	[M+H] ⁺	764.5	623.5	17	PE(17:0/17:0)	100
391	PE 16:0;Me_22:6	[M+H] ⁺	778.5	637.5	17	PE(17:0/17:0)	100
392	PE 17:0_22:6	[M+H] ⁺	778.5	637.5	17	PE(17:0/17:0)	100
393	PE 18:0_22:4	[M+H] ⁺	796.6	655.6	17	PE(17:0/17:0)	100
394	PE 20:0_20:4	[M+H] ⁺	796.6	655.6	17	PE(17:0/17:0)	100
395	PE 18:0_22:5(n3)	[M+H] ⁺	794.6	653.6	17	PE(17:0/17:0)	100
396	PE 18:0_22:5(n6)	[M+H] ⁺	794.6	653.6	17	PE(17:0/17:0)	100
397	PE 18:0_22:6	[M+H] ⁺	792.6	651.5	17	PE(17:0/17:0)	100
398	PE 18:1_22:6 [a]	[M+H] ⁺	790.5	649.5	17	PE(17:0/17:0)	100
399	PE 18:1_22:6 [b]	[M+H] ⁺	790.5	649.5	17	PE(17:0/17:0)	100
400	PE O-34:1	[M+H] ⁺	704.6	563.5	17	PE(17:0/17:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
401	PE O-16:0/18:2	[M+H] ⁺	702.5	561.5	17	PE(17:0/17:0)	100
402	PE O-18:1/18:2	[M+H] ⁺	728.6	587.5	17	PE(17:0/17:0)	100
403	PE O-16:0/20:3	[M+H] ⁺	728.6	587.5	17	PE(17:0/17:0)	100
404	PE O-16:0/20:4	[M+H] ⁺	726.5	585.5	17	PE(17:0/17:0)	100
405	PE O-36:5	[M+H] ⁺	724.5	583.5	17	PE(17:0/17:0)	100
406	PE O-16:0/22:4	[M+H] ⁺	754.6	613.6	17	PE(17:0/17:0)	100
407	PE O-18:0/20:4	[M+H] ⁺	754.6	613.6	17	PE(17:0/17:0)	100
408	PE O-38:5 [a]	[M+H] ⁺	752.6	611.5	17	PE(17:0/17:0)	100
409	PE O-38:5 [b]	[M+H] ⁺	752.6	611.5	17	PE(17:0/17:0)	100
410	PE O-16:0/22:6	[M+H] ⁺	750.6	609.5	17	PE(17:0/17:0)	100
411	PE O-18:0/22:5	[M+H] ⁺	780.6	639.6	17	PE(17:0/17:0)	100
412	PE O-18:0/22:6	[M+H] ⁺	778.5	637.5	17	PE(17:0/17:0)	100
413	PE O-18:1/22:6	[M+H] ⁺	776.6	635.5	17	PE(17:0/17:0)	100
414	PE P-15:0/20:4	[M+H] ⁺	710.5	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
415	PE P-15:0/22:6 [a]	[M+H] ⁺	734.5	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
416	PE P-15:0/22:6 [b]	[M+H] ⁺	734.5	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
417	PE P-16:0/18:1	[M+H] ⁺	702.5	339.3	17	PE(17:0/17:0)	100
418	PE P-16:0/18:2	[M+H] ⁺	700.5	337.3	17	PE(17:0/17:0)	100
419	PE P-16:0/18:3	[M+H] ⁺	698.5	335.3	17	PE(17:0/17:0)	100
420	PE P-16:0/20:3 [a]	[M+H] ⁺	726.5	363.3	17	PE(17:0/17:0)	100
421	PE P-16:0/20:3 [b]	[M+H] ⁺	726.5	363.3	17	PE(17:0/17:0)	100
422	PE P-16:0/20:4	[M+H] ⁺	724.5	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
423	PE P-16:0/20:5	[M+H] ⁺	722.5	359.3	17	PE(17:0/17:0)	100
424	PE P-16:0/22:4	[M+H] ⁺	752.6	389.3	17	PE(17:0/17:0)	100
425	PE P-16:0/22:5(n3)	[M+H] ⁺	750.5	387.3	17	PE(17:0/17:0)	100
426	PE P-16:0/22:5(n6)	[M+H] ⁺	750.5	387.3	17	PE(17:0/17:0)	100
427	PE P-16:0/22:6	[M+H] ⁺	748.5	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
428	PE P-17:0/20:4 [a]	[M+H] ⁺	738.6	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
429	PE P-17:0/20:4 [b]	[M+H] ⁺	738.6	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
430	PE P-17:0/22:6 [a]	[M+H] ⁺	762.6	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
431	PE P-17:0/22:6 [b]	[M+H] ⁺	762.6	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
432	PE P-18:0/18:1	[M+H] ⁺	730.6	339.3	17	PE(17:0/17:0)	100
433	PE P-18:0/18:2	[M+H] ⁺	728.6	337.3	17	PE(17:0/17:0)	100
434	PE P-18:0/18:3	[M+H] ⁺	726.5	335.3	17	PE(17:0/17:0)	100
435	PE P-18:0/20:3 [a]	[M+H] ⁺	754.5	363.3	17	PE(17:0/17:0)	100
436	PE P-18:0/20:3 [b]	[M+H] ⁺	754.5	363.3	17	PE(17:0/17:0)	100
437	PE P-18:0/20:4	[M+H] ⁺	752.6	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
438	PE P-18:0/20:5	[M+H] ⁺	750.5	359.3	17	PE(17:0/17:0)	100
439	PE P-18:0/22:4	[M+H] ⁺	780.6	389.3	17	PE(17:0/17:0)	100
440	PE P-18:0/22:5(n3)	[M+H] ⁺	778.5	387.3	17	PE(17:0/17:0)	100
441	PE P-18:0/22:5(n6)	[M+H] ⁺	778.5	387.3	17	PE(17:0/17:0)	100
442	PE P-18:0/22:6	[M+H] ⁺	776.6	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
443	PE P-18:1/18:1	[M+H] ⁺	728.6	339.3	17	PE(17:0/17:0)	100
444	PE P-18:1/18:1 [a]	[M+H] ⁺	728.6	339.3	17	PE(17:0/17:0)	100
445	PE P-18:1/18:1 [b]	[M+H] ⁺	726.5	337.3	17	PE(17:0/17:0)	100
446	PE P-18:1/18:2 [a]	[M+H] ⁺	726.5	337.3	17	PE(17:0/17:0)	100
447	PE P-18:1/18:2 [b]	[M+H] ⁺	724.5	335.3	17	PE(17:0/17:0)	100
448	PE P-18:1/18:3	[M+H] ⁺	752.5	363.3	17	PE(17:0/17:0)	100
449	PE P-18:1/20:3 [a]	[M+H] ⁺	752.5	363.3	17	PE(17:0/17:0)	100
450	PE P-18:1/20:3 [b]	[M+H] ⁺	750.5	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
451	PE P-18:1/20:4 [a]	[M+H] ⁺	750.5	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
452	PE P-18:1/20:4 [b]	[M+H] ⁺	748.5	359.3	17	PE(17:0/17:0)	100
453	PE P-18:1/20:5 [a]	[M+H] ⁺	748.5	359.3	17	PE(17:0/17:0)	100
454	PE P-18:1/20:5 [b]	[M+H] ⁺	778.5	389.3	17	PE(17:0/17:0)	100
455	PE P-18:1/22:4	[M+H] ⁺	776.6	387.3	17	PE(17:0/17:0)	100
456	PE P-18:1/22:5 [a]	[M+H] ⁺	776.6	387.3	17	PE(17:0/17:0)	100
457	PE P-18:1/22:5 [b]	[M+H] ⁺	774.5	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
458	PE P-18:1/22:6 [a]	[M+H] ⁺	774.5	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
459	PE P-18:1/22:6 [b]	[M+H] ⁺	766.6	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
460	PE P-19:0/20:4 [a]	[M+H] ⁺	766.6	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
461	PE P-19:0/20:4 [b]	[M+H] ⁺	758.6	339.3	17	PE(17:0/17:0)	100
462	PE P-20:0/18:1	[M+H] ⁺	756.6	337.3	17	PE(17:0/17:0)	100
463	PE P-20:0/18:2	[M+H] ⁺	780.6	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
464	PE P-20:0/20:4	[M+H] ⁺	804.6	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
465	PE P-20:0/22:6	[M+H] ⁺	778.5	361.3	17	PE(17:0/17:0)	100
466	PE P-20:1/20:4	[M+H] ⁺	802.6	385.3	17	PE(17:0/17:0)	100
467	LPE 0:0/16:0	[M+H] ⁺	454.3	313.3	17	LPE(14:0)	100
468	LPE 16:0/0:0	[M+H] ⁺	454.3	313.3	17	LPE(14:0)	100
469	LPE 0:0/17:0	[M+H] ⁺	468.3	327.3	17	LPE(14:0)	100
470	LPE 17:0/0:0	[M+H] ⁺	468.3	327.3	17	LPE(14:0)	100
471	LPE 0:0/18:0	[M+H] ⁺	482.3	341.3	17	LPE(14:0)	100
472	LPE 18:0/0:0	[M+H] ⁺	482.3	341.3	17	LPE(14:0)	100
473	LPE 0:0/18:1	[M+H] ⁺	480.3	339.3	17	LPE(14:0)	100
474	LPE 18:1/0:0	[M+H] ⁺	480.3	339.3	17	LPE(14:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
475	LPE 0:0/18:2	[M+H] ⁺	478.3	337.3	17	LPE(14:0)	100
476	LPE 18:2/0:0	[M+H] ⁺	478.3	337.3	17	LPE(14:0)	100
477	LPE 0:0/20:4	[M+H] ⁺	502.3	361.3	17	LPE(14:0)	100
478	LPE 20:4/0:0	[M+H] ⁺	502.3	361.3	17	LPE(14:0)	100
479	LPE 0:0/22:6	[M+H] ⁺	526.3	385.3	17	LPE(14:0)	100
480	LPE 22:6/0:0	[M+H] ⁺	526.3	385.3	17	LPE(14:0)	100
481	LPE P-16:0/0:0	[M+H] ⁺	438.3	266.4	19	LPE(14:0)	100
482	LPE P-18:0/0:0	[M+H] ⁺	466.3	294.4	19	LPE(14:0)	100
483	LPE P-18:1/0:0	[M+H] ⁺	464.3	292.4	19	LPE(14:0)	100
484	LPE P-20:0/0:0	[M+H] ⁺	494.3	322.4	19	LPE(14:0)	100
485	PI 16:0;Me_18:1 PI 17:0_18:1	[M+NH ₄] ⁺	828.6	551.6	17	PE(17:0/17:0)	100
486	PI 16:0/16:0	[M+NH ₄] ⁺	826.5	549.5	17	PE(17:0/17:0)	100
487	PI 34:0	[M+NH ₄] ⁺	856.6	579.6	17	PE(17:0/17:0)	100
488	PI 34:1	[M+NH ₄] ⁺	854.6	577.6	17	PE(17:0/17:0)	100
489	PI 16:0_20:3 [a]	[M+NH ₄] ⁺	868.6	591.6	17	PE(17:0/17:0)	100
490	PI 16:0_20:3 [b]	[M+NH ₄] ⁺	866.6	589.6	17	PE(17:0/17:0)	100
491	PI 18:0_20:2	[M+NH ₄] ⁺	882.6	605.6	17	PE(17:0/17:0)	100
492	PI 36:2	[M+NH ₄] ⁺	880.6	603.6	17	PE(17:0/17:0)	100
493	PI 18:1_18:2	[M+NH ₄] ⁺	878.6	601.6	17	PE(17:0/17:0)	100
494	PI 16:0;Me_18:2 PI 17:0_18:2	[M+NH ₄] ⁺	878.6	601.6	17	PE(17:0/17:0)	100
495	PI 16:0;Me_20:4 PI 17:0_20:4	[M+NH ₄] ⁺	878.6	601.6	17	PE(17:0/17:0)	100
496	PI 16:0_16:1	[M+NH ₄] ⁺	876.6	599.6	17	PE(17:0/17:0)	100
497	PI 16:0_20:4	[M+NH ₄] ⁺	890.6	613.6	17	PE(17:0/17:0)	100
498	PI 37:6	[M+NH ₄] ⁺	886.6	609.6	17	PE(17:0/17:0)	100
499	PI 18:0_18:1	[M+NH ₄] ⁺	908.6	631.6	17	PE(17:0/17:0)	100
500	PI 18:0_20:3 [a]	[M+NH ₄] ⁺	906.6	629.6	17	PE(17:0/17:0)	100
501	PI 18:0_20:3 [b]	[M+NH ₄] ⁺	906.6	629.6	17	PE(17:0/17:0)	100
502	PI 18:0_20:4	[M+NH ₄] ⁺	904.6	627.6	17	PE(17:0/17:0)	100
503	PI 38:5 [a]	[M+NH ₄] ⁺	902.6	625.6	17	PE(17:0/17:0)	100
504	PG 36:2	[M+NH ₄] ⁺	902.6	625.6	17	PE(17:0/17:0)	100
505	PI 38:5 [b]	[M+NH ₄] ⁺	902.6	625.6	17.0	PE(17:0/17:0)	100.0
506	PI 38:6	[M+NH ₄] ⁺	900.6	623.6	17	PE(17:0/17:0)	100
507	PI 39:6	[M+NH ₄] ⁺	914.6	637.6	17	PE(17:0/17:0)	100
508	PI 18:0_22:4	[M+NH ₄] ⁺	932.6	655.6	17	PE(17:0/17:0)	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
509	PI 20:0_20:4	[M+NH ₄] ⁺	932.6	655.6	17	PE(17:0/17:0)	100
510	PI 18:0_22:5 [n3]	[M+NH ₄] ⁺	930.6	653.6	17	PE(17:0/17:0)	100
511	PI 18:0_22:5 [n6]	[M+NH ₄] ⁺	930.6	653.6	17	PE(17:0/17:0)	100
512	PI 18:0_22:6	[M+NH ₄] ⁺	928.6	651.6	17	PE(17:0/17:0)	100
513	LPI 0:0/18:0	[M+NH ₄] ⁺	618.3	341.3	17	LPI(13:0)	20
514	LPI 18:0/0:0	[M+NH ₄] ⁺	618.3	341.3	17	LPI(13:0)	20
515	LPI 0:0/18:1	[M+NH ₄] ⁺	616.3	339.3	17	LPI(13:0)	20
516	LPI 18:1/0:0	[M+NH ₄] ⁺	616.3	339.3	17	LPI(13:0)	20
517	LPI 0:0/18:2	[M+NH ₄] ⁺	614.3	337.3	17	LPI(13:0)	20
518	LPI 18:2/0:0	[M+NH ₄] ⁺	614.3	337.3	17	LPI(13:0)	20
519	LPI 0:0/20:4	[M+NH ₄] ⁺	638.3	361.3	17	LPI(13:0)	20
520	LPI 20:4/0:0	[M+NH ₄] ⁺	638.3	361.3	17	LPI(13:0)	20
521	PS 36:1	[M+H] ⁺	790.6	605.6	25	PS(17:0/17:0)	50
522	PS 36:2	[M+H] ⁺	788.5	603.5	25	PS(17:0/17:0)	50
523	PS 38:3	[M+H] ⁺	814.6	629.6	25	PS(17:0/17:0)	50
524	PS 38:4	[M+H] ⁺	812.5	627.5	25	PS(17:0/17:0)	50
525	PS 38:5	[M+H] ⁺	810.5	625.5	25	PS(17:0/17:0)	50
526	PS 40:5	[M+H] ⁺	838.6	653.6	25	PS(17:0/17:0)	50
527	PS 40:6	[M+H] ⁺	836.5	651.5	25	PS(17:0/17:0)	50
528	PE P-20:1/22:6	[M+NH ₄] ⁺	766.6	577.5	21	PG(17:0/17:0)	50
529	PG 34:1	[M+NH ₄] ⁺	764.6	575.5	21	PG(17:0/17:0)	50
530	PG 34:2	[M+NH ₄] ⁺	794.6	605.6	21	PG(17:0/17:0)	50
531	PG 36:1	[M+NH ₄] ⁺	792.6	603.5	21	PG(17:0/17:0)	50
532	CE 14:0	[M+NH ₄] ⁺	614.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
533	CE 15:0	[M+NH ₄] ⁺	628.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
534	CE 16:0	[M+NH ₄] ⁺	642.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
535	CE 16:1	[M+NH ₄] ⁺	640.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
536	CE 16:2	[M+NH ₄] ⁺	638.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
537	CE 17:0	[M+NH ₄] ⁺	656.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
538	CE 17:1	[M+NH ₄] ⁺	654.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
539	CE 18:0	[M+NH ₄] ⁺	670.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
540	CE 18:1	[M+NH ₄] ⁺	668.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
541	CE 18:2	[M+NH ₄] ⁺	666.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
542	CE 18:3	[M+NH ₄] ⁺	664.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
543	CE 20:0	[M+NH ₄] ⁺	698.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
544	CE 20:1	[M+NH ₄] ⁺	696.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
545	CE 20:2	[M+NH ₄] ⁺	694.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
546	CE 20:3	[M+NH ₄] ⁺	692.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
547	CE 20:4	[M+NH ₄] ⁺	690.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
548	CE 20:5	[M+NH ₄] ⁺	688.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
549	CE 22:0	[M+NH ₄] ⁺	726.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
550	CE 22:1	[M+NH ₄] ⁺	724.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
551	CE 22:4	[M+NH ₄] ⁺	718.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
552	CE 22:5	[M+NH ₄] ⁺	716.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
553	CE 22:6	[M+NH ₄] ⁺	714.6	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
554	CE 24:0	[M+NH ₄] ⁺	754.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
555	CE 24:1	[M+NH ₄] ⁺	752.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
556	CE 24:4	[M+NH ₄] ⁺	746.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
557	CE 24:5	[M+NH ₄] ⁺	744.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
558	CE 24:6	[M+NH ₄] ⁺	742.7	369.3	10	CE(18:0) d6	1000
559	COH	[M+NH ₄] ⁺	369.4	161.2	23	COH d7	10000
560	DE 16:0 SE 27:2/16:0	[M+NH ₄] ⁺	640.8	367.4	23	CE(18:0) d6	1000
561	DE 18:1 SE 27:2/18:1	[M+NH ₄] ⁺	666.8	367.4	23	CE(18:0) d6	1000
562	DE 18:2 SE 27:2/18:2	[M+NH ₄] ⁺	664.8	367.4	23	CE(18:0) d6	1000
563	DE 20:4 SE 27:2/20:4	[M+NH ₄] ⁺	688.8	367.4	23	CE(18:0) d6	1000
564	DE 20:5 SE 27:2/20:5	[M+NH ₄] ⁺	686.8	367.4	23	CE(18:0) d6	1000
565	DE 22:6 SE 27:2/22:6	[M+NH ₄] ⁺	712.8	367.4	23	CE(18:0) d6	1000
566	AC 12:0	[M+H] ⁺	344.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d3	10
567	AC 13:0	[M+H] ⁺	358.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d4	11
568	AC 14:0	[M+H] ⁺	372.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d5	12
569	AC 14:1	[M+H] ⁺	370.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d6	13
570	AC 14:2	[M+H] ⁺	368.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d7	14
571	AC 15:0 [a]	[M+H] ⁺	386.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d8	15
572	AC 15:0 [b]	[M+H] ⁺	386.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d9	16
573	AC 16:0	[M+H] ⁺	400.4	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d10	17
574	AC 16:1	[M+H] ⁺	398.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d11	18
575	AC 17:0 [a]	[M+H] ⁺	414.4	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d12	19

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
576	AC 17:0 [b]	[M+H] ⁺	414.4	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d13	20
577	AC 18:0	[M+H] ⁺	428.4	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d14	21
578	AC 18:1	[M+H] ⁺	426.4	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d15	22
579	AC 18:2	[M+H] ⁺	424.3	85.1	30	AcylCarnitine 16:0 d16	23
580	DG 14:0_16:0	[M+NH ₄] ⁺	558.5	313.3	21	DG(15:0/15:0)	200
581	DG 16:0_16:0	[M+NH ₄] ⁺	586.5	313.2	21	DG(15:0/15:0)	200
582	DG 16:0_16:1	[M+NH ₄] ⁺	584.5	313.2	21	DG(15:0/15:0)	200
583	DG 14:0_18:2	[M+NH ₄] ⁺	582.5	285.2	21	DG(15:0/15:0)	200
584	DG 16:0_18:1	[M+NH ₄] ⁺	612.6	313.3	21	DG(15:0/15:0)	200
585	DG 16:1_18:1	[M+NH ₄] ⁺	610.5	339.2	21	DG(15:0/15:0)	200
586	DG 16:0_18:2	[M+NH ₄] ⁺	610.5	313.2	21	DG(15:0/15:0)	200
587	DG 18:0_18:1	[M+NH ₄] ⁺	640.6	341.3	21	DG(15:0/15:0)	200
588	DG 18:1_18:1	[M+NH ₄] ⁺	638.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	200
589	DG 18:0_18:2	[M+NH ₄] ⁺	638.6	341.3	21	DG(15:0/15:0)	200
590	DG 18:1_18:2	[M+NH ₄] ⁺	636.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	200
591	DG 18:2_18:2	[M+NH ₄] ⁺	634.5	337.2	21	DG(15:0/15:0)	200
592	DG 18:1_18:3	[M+NH ₄] ⁺	634.5	339.2	21	DG(15:0/15:0)	200
593	DG 16:0_20:4	[M+NH ₄] ⁺	634.5	313.2	21	DG(15:0/15:0)	200
594	DG 18:1_20:3	[M+NH ₄] ⁺	662.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	200
595	DG 18:0_20:4	[M+NH ₄] ⁺	662.6	341.3	21	DG(15:0/15:0)	200
596	DG 18:1_20:4	[M+NH ₄] ⁺	660.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	200
597	DG 16:0_22:5	[M+NH ₄] ⁺	660.6	313.3	21	DG(15:0/15:0)	200
598	DG 18:2_20:4	[M+NH ₄] ⁺	658.5	337.2	21	DG(15:0/15:0)	200
599	DG 16:0_22:6	[M+NH ₄] ⁺	658.5	313.2	21	DG(15:0/15:0)	100
600	DG 18:1_20:5	[M+NH ₄] ⁺	658.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	100
601	DG 18:1_22:5	[M+NH ₄] ⁺	686.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	100
602	DG 18:0_22:6	[M+NH ₄] ⁺	686.6	341.3	21	DG(15:0/15:0)	100
603	DG 18:1_22:6	[M+NH ₄] ⁺	684.6	339.3	21	DG(15:0/15:0)	100
604	DG 18:2_22:6	[M+NH ₄] ⁺	682.6	337.3	21	DG(15:0/15:0)	100
605	TG 48:0 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	824.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
606	TG 48:0 [NL-18:0]	[M+NH ₄] ⁺	824.8	523.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
607	TG 48:0	[M+NH ₄] ⁺	824.8	824.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
608	TG 48:1 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	822.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
609	TG 48:1 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	822.8	523.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
610	TG 48:1	[M+NH ₄] ⁺	822.8	822.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
611	TG 48:2 [NL-14:0]	[M+NH ₄] ⁺	820.8	575.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
612	TG 48:2 [NL-14:1]	[M+NH ₄] ⁺	820.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
613	TG 48:2 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	820.8	549.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
614	TG 48:2 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	820.8	523.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
615	TG 48:2	[M+NH ₄] ⁺	820.8	820.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
616	TG 48:3 [NL-14:0]	[M+NH ₄] ⁺	818.8	573.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
617	TG 48:3 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	818.8	547.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
618	TG 48:3 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	818.8	523.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
619	TG 48:3	[M+NH ₄] ⁺	818.8	818.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
620	TG 49:1 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	836.8	565.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
621	TG 49:1 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	836.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
622	TG 49:1	[M+NH ₄] ⁺	836.8	836.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
623	TG 50:0 [NL-18:0]	[M+NH ₄] ⁺	852.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
624	TG 50:0	[M+NH ₄] ⁺	852.8	852.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
625	TG 50:1 [NL-14:0]	[M+NH ₄] ⁺	850.8	605.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
626	TG 50:1 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	850.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
627	TG 50:1 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	850.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
628	TG 50:1	[M+NH ₄] ⁺	850.8	850.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
629	TG 50:2 [NL-14:0]	[M+NH ₄] ⁺	848.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
630	TG 50:2 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	848.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
631	TG 50:2 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	848.8	549.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
632	TG 50:2 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	848.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
633	TG 50:2	[M+NH ₄] ⁺	848.8	848.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
634	TG 50:3 [NL-14:0]	[M+NH ₄] ⁺	846.8	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
635	TG 50:3 [NL-14:1]	[M+NH ₄] ⁺	846.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
636	TG 50:3 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	846.8	575.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
637	TG 50:3 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	846.8	549.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
638	TG 50:3 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	846.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
639	TG 50:3	[M+NH ₄] ⁺	846.8	846.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
640	TG 50:4 [NL-14:0]	[M+NH ₄] ⁺	844.8	599.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
641	TG 50:4 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	844.8	549.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
642	TG 50:4 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	844.8	523.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
643	TG 50:4	[M+NH ₄] ⁺	844.8	844.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
644	TG 51:0 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	866.7	593.4	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
645	TG 51:1 [NL-17:0]	[M+NH ₄] ⁺	864.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
646	TG 51:1	[M+NH ₄] ⁺	864.8	864.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
647	TG 51:2 [NL-15:0]	[M+NH ₄] ⁺	862.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
648	TG 51:2 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	862.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
649	TG 51:2	[M+NH ₄] ⁺	862.8	862.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
650	TG 52:1 [NL-18:0]	[M+NH ₄] ⁺	878.8	577.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
651	TG 52:1 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	878.8	579.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
652	TG 52:1	[M+NH ₄] ⁺	878.8	878.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
653	TG 52:2 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	876.8	603.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
654	TG 52:2 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	876.8	579.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
655	TG 52:2	[M+NH ₄] ⁺	876.8	876.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
656	TG 52:3 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	874.8	603.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
657	TG 52:3 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	874.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
658	TG 52:3	[M+NH ₄] ⁺	874.8	874.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
659	TG 52:4 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	872.8	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
660	TG 52:4 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	872.8	575.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
661	TG 52:4 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	872.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
662	TG 52:4	[M+NH ₄] ⁺	872.8	872.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
663	TG 52:5 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	870.8	575.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
664	TG 52:5 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	870.8	549.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
665	TG 52:5 [NL-20:5]	[M+NH ₄] ⁺	870.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
666	TG 52:5	[M+NH ₄] ⁺	870.8	870.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
667	TG 53:2 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	890.8	605.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
668	TG 53:2 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	890.8	591.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
669	TG 53:2	[M+NH ₄] ⁺	890.8	890.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
670	TG 54:0 [NL-18:0]	[M+NH ₄] ⁺	908.8	607.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
671	TG 54:0	[M+NH ₄] ⁺	908.8	908.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
672	TG 54:1 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	906.8	607.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
673	TG 54:1	[M+NH ₄] ⁺	906.8	906.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
674	TG 54:2 [NL-18:0]	[M+NH ₄] ⁺	904.8	603.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
675	TG 54:2 [NL-20:1]	[M+NH ₄] ⁺	904.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
676	TG 54:2	[M+NH ₄] ⁺	904.8	904.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
677	TG 54:3 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	902.8	603.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
678	TG 54:3 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	902.8	605.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
679	TG 54:3	[M+NH ₄] ⁺	902.8	902.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
680	TG 54:4 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	900.8	603.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
681	TG 54:4 [NL-20:3]	[M+NH ₄] ⁺	900.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
682	TG 54:4	[M+NH ₄] ⁺	900.8	900.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
683	TG 54:5 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	898.8	603.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
684	TG 54:5 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	898.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
685	TG 54:5	[M+NH ₄] ⁺	898.8	898.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
686	TG 54:6 [NL-18:3]	[M+NH ₄] ⁺	896.8	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
687	TG 54:6 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	896.8	575.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
688	TG 54:6 [NL-20:5]	[M+NH ₄] ⁺	896.8	577.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
689	TG 54:6 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	896.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
690	TG 54:6	[M+NH ₄] ⁺	896.8	896.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
691	TG 54:7 [NL-20:5]	[M+NH ₄] ⁺	894.8	575.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
692	TG 54:7 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	894.8	549.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
693	TG 54:7	[M+NH ₄] ⁺	894.8	894.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
694	TG 56:6 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	924.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
695	TG 56:6 [NL-22:5]	[M+NH ₄] ⁺	924.8	577.5	21	TG(51:0) [SIM]	100
696	TG 56:6	[M+NH ₄] ⁺	924.8	924.8	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
697	TG 56:7 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	922.8	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
698	TG 56:7 [NL-20:5]	[M+NH ₄] ⁺	922.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
699	TG 56:7 [NL-22:5]	[M+NH ₄] ⁺	922.8	575.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
700	TG 56:7 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	922.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
701	TG 56:7	[M+NH ₄] ⁺	922.8	922.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
702	TG 56:8 [NL-20:4]	[M+NH ₄] ⁺	920.8	599.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
703	TG 56:8 [NL-20:5]	[M+NH ₄] ⁺	920.8	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
704	TG 56:8 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	920.8	575.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species

Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
705	TG 56:8	[M+NH ₄] ⁺	920.8	920.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
706	TG 56:9 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	918.8	573.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
707	TG 56:9	[M+NH ₄] ⁺	918.8	918.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
708	TG 58:10 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	944.9	599.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
709	TG 58:10	[M+NH ₄] ⁺	944.9	944.9	21	TG(51:0) [SIM]	100
710	TG 58:8 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	948.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
711	TG 58:8	[M+NH ₄] ⁺	948.8	948.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
712	TG 58:9 [NL-22:6]	[M+NH ₄] ⁺	946.9	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
713	TG 58:9	[M+NH ₄] ⁺	946.9	946.9	21	TG(51:0) [SIM]	100
714	TG O-50:1 [NL-15:0]	[M+NH ₄] ⁺	836.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
715	TG O-50:1 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	836.8	563.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
716	TG O-50:1 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	836.8	551.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
717	TG O-50:1 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	836.8	537.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
718	TG O-50:1	[M+NH ₄] ⁺	836.8	836.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
719	TG O-50:2 [NL-16:1]	[M+NH ₄] ⁺	834.8	563.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
720	TG O-50:2 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	834.8	535.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
721	TG O-50:2 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	834.8	537.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
722	TG O-50:2	[M+NH ₄] ⁺	834.8	834.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
723	TG O-50:3 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	832.8	535.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
724	TG O-50:3	[M+NH ₄] ⁺	832.8	832.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
725	TG O-52:0 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	866.8	593.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
726	TG O-52:1 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	864.8	591.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
727	TG O-52:1 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	864.8	565.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
729	TG O-52:1	[M+NH ₄] ⁺	864.8	864.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
730	TG O-52:2 [NL-16:0]	[M+NH ₄] ⁺	862.8	589.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
731	TG O-52:2 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	862.8	577.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
732	TG O-52:2 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	862.8	563.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
733	TG O-52:2	[M+NH ₄] ⁺	862.8	862.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
734	TG O-54:2 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	890.8	605.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
735	TG O-54:2 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	890.8	591.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
736	TG O-54:2	[M+NH ₄] ⁺	890.8	890.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
737	TG O-54:3 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	888.8	603.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100

Supplementary Table 1: MRM transitions and conditions for examined lipid species							
Lipid #	Lipid species	Parent ion	Precursor ion (Q1)	Product ion (Q3)	Collision energy (V)	Internal Standard	Internal Standard amount (pmol)
738	TG O-54:3 [NL-18:1]	[M+NH ₄] ⁺	888.8	589.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
739	TG O-54:3	[M+NH ₄] ⁺	888.8	888.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
740	TG O-54:4 [NL-17:1]	[M+NH ₄] ⁺	886.8	601.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
741	TG O-54:4 [NL-18:2]	[M+NH ₄] ⁺	886.8	589.5	21	TG(51:0) [NL-17:0]	100
742	TG O-54:4	[M+NH ₄] ⁺	886.8	886.8	21	TG(51:0) [SIM]	100
743	CoQ10	[M+NH ₄] ⁺	880.7	197	21	Hex3Cer(d18:1/17:0)	100

Supplementary Table 2: Baseline characteristics of the participants		
	AusDiab, n = 10339	MCCS, n = 2996
Age (years)	51.3 (14.3)	56.87 (8.59)
Sex (men), n (%)	4654 (45%)	1215 (49.6%)
BMI (kg/m ²), mean (SD)	26.9 (4.9)	26.9 (4.4)
WC (cm), mean (SD)	90.8 (13.8)	93.0 (13.2)
Total cholesterol (mmol/L), mean (SD)	5.7 (1.1)	5.0 (1.0)
HDL-C (mmol/L), mean (SD)	1.44 (0.4)	1.6 (0.44)
Triglycerides (mmol/L), median (IQR)	1.28 (0.9)	1.46 (0.82)
SBP (mmHg), mean (SD)	129.2 (18.6)	139.0 (19.5)
DBP (mmHg), mean (SD)	70.0 (11.7)	77.4 (11.8)
FPG (mmol/L), mean (SD)	5.3 (1.1)	5.76 (1.51)
2h-PLG (mmol/L), mean (SD)	6.3 (2.7)	-
HbA1C (%), mean (SD)	5.2 (0.6)	-
HOMA-IR, mean (SD)	3.0 (2.0)	-
Smoking status		
Current smokers, n (%)	1454 (15.57)	229 (9.4)
Former smokers	2675 (28.64)	828 (33.8)
Non-smokers	5064 (54.22)	1390 (56.8)
Physical exercise, n (%)		
Sufficient (≥150 minutes/week)	4878 (52.23)	1655 (67.6)
Insufficient (<150 minutes/week)	2838 (30.39)	561 (22.9)
Sedentary (0 minutes/week)	1587 (16.99)	191 (7.8)
Medication information, n (%)		
BP treatment	1577 (15.3)	459 (18.8)
Lipid lowering medication	871 (8.4)	-
Prevalence of outcomes at baseline, n (%)		
Diabetes	686 (6.6)	109 (3.8)
CVD (heart attack and or stroke)	577 (5.6)	335 (14.7)

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
1	SPB 16:1;O2	0.01	-0.02	0.05	4.55E-01	4.92E-01
2	SPB 18:1;O2	0.12	0.08	0.16	5.37E-10	1.23E-09
3	SPB 18:2;O2	0.02	-0.02	0.06	3.74E-01	4.12E-01
4	SPBP 16:1;O2	-0.04	-0.08	0.00	4.74E-02	5.88E-02
5	SPBP 18:0;O2	0.02	-0.01	0.06	2.25E-01	2.58E-01
6	SPBP 18:1;O2	0.08	0.04	0.12	8.93E-05	1.43E-04
7	SPBP 18:2;O2	0.02	-0.01	0.06	2.29E-01	2.62E-01
8	Cer 18:0;O2/16:0	-0.02	-0.06	0.01	2.10E-01	2.42E-01
9	Cer 18:0;O2/18:0	0.06	0.03	0.10	6.69E-04	1.00E-03
10	Cer 18:0;O2/20:0	0.06	0.03	0.10	4.63E-04	7.02E-04
11	Cer 18:0;O2/22:0	0.05	0.02	0.08	3.14E-03	4.42E-03
12	Cer 18:0;O2/24:0	-0.04	-0.07	-0.01	1.03E-02	1.39E-02
13	Cer 18:0;O2/24:1	0.00	-0.04	0.03	8.61E-01	8.82E-01
14	Cer 16:1;O2/16:0	-0.07	-0.11	-0.04	3.81E-05	6.26E-05
15	Cer 16:1;O2/18:0	0.01	-0.02	0.04	4.83E-01	5.20E-01
16	Cer 16:1;O2/20:0	-0.03	-0.06	0.01	1.14E-01	1.36E-01
17	Cer 16:1;O2/22:0	-0.06	-0.09	-0.03	1.10E-04	1.74E-04
18	Cer 16:1;O2/23:0	-0.10	-0.14	-0.07	1.35E-09	2.97E-09
19	Cer 16:1;O2/24:0	-0.17	-0.20	-0.14	2.50E-24	1.16E-23
20	Cer 16:1;O2/24:1	-0.06	-0.09	-0.03	1.85E-04	2.89E-04
21	Cer 17:1;O2/16:0	0.07	0.03	0.10	2.27E-04	3.52E-04
22	Cer 17:1;O2/18:0	0.12	0.08	0.15	9.40E-11	2.26E-10
23	Cer 17:1;O2/20:0	0.11	0.08	0.15	8.00E-10	1.80E-09
24	Cer 17:1;O2/22:0	0.08	0.05	0.11	2.99E-06	5.30E-06
25	Cer 17:1;O2/23:0	0.03	0.00	0.07	4.70E-02	5.84E-02
26	Cer 17:1;O2/24:0	-0.01	-0.04	0.02	6.03E-01	6.36E-01
27	Cer 17:1;O2/24:1	0.04	0.00	0.07	3.10E-02	3.93E-02
28	Cer 18:1;O2/14:0	-0.04	-0.07	0.00	5.25E-02	6.48E-02
29	Cer 18:1;O2/16:0	0.09	0.06	0.12	1.52E-09	3.35E-09
30	Cer 18:1;O2/17:0	0.06	0.02	0.09	3.95E-03	5.49E-03
31	Cer 18:1;O2/18:0	0.19	0.16	0.23	1.38E-34	9.65E-34
32	Cer 18:1;O2/19:0	0.15	0.11	0.18	5.79E-15	1.86E-14
33	Cer 18:1;O2/20:0	0.15	0.12	0.18	6.62E-23	2.89E-22
34	Cer 18:1;O2/21:0	0.14	0.11	0.18	3.06E-19	1.18E-18
35	Cer 18:1;O2/22:0	0.12	0.09	0.14	3.64E-15	1.18E-14
36	Cer 18:1;O2/23:0	0.04	0.01	0.07	5.69E-03	7.77E-03
37	Cer 18:1;O2/24:0	0.00	-0.03	0.03	9.15E-01	9.35E-01
38	Cer 18:1;O2/24:1	0.09	0.06	0.12	3.90E-08	7.92E-08
39	Cer 18:1;O2/26:0	-0.11	-0.14	-0.07	1.09E-10	2.62E-10
40	Cer 18:2;O2/14:0	-0.11	-0.15	-0.07	2.11E-09	4.61E-09
41	Cer 18:2;O2/16:0	-0.03	-0.07	0.00	4.61E-02	5.75E-02

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
42	Cer 18:2;O2/17:0	0.02	-0.02	0.06	3.29E-01	3.69E-01
43	Cer 18:2;O2/18:0	0.08	0.04	0.11	5.25E-06	9.16E-06
44	Cer 18:2;O2/20:0	0.05	0.02	0.08	3.65E-03	5.09E-03
45	Cer 18:2;O2/21:0	0.00	-0.03	0.04	8.76E-01	8.97E-01
46	Cer 18:2;O2/22:0	0.02	-0.01	0.05	1.77E-01	2.06E-01
47	Cer 18:2;O2/23:0	-0.04	-0.07	0.00	3.27E-02	4.14E-02
48	Cer 18:2;O2/24:0	-0.11	-0.14	-0.08	3.62E-11	9.00E-11
49	Cer 18:2;O2/24:1	-0.02	-0.05	0.02	3.52E-01	3.92E-01
50	Cer 18:2;O2/26:0	-0.15	-0.19	-0.12	4.25E-18	1.59E-17
51	Cer 19:1;O2/16:0	0.15	0.11	0.18	1.13E-14	3.50E-14
52	Cer 19:1;O2/18:0	0.25	0.22	0.29	1.98E-43	2.16E-42
53	Cer 19:1;O2/20:0	0.24	0.20	0.28	5.55E-39	4.80E-38
54	Cer 19:1;O2/22:0	0.22	0.18	0.25	1.01E-35	7.60E-35
55	Cer 19:1;O2/23:0	0.15	0.12	0.19	1.83E-17	6.61E-17
56	Cer 19:1;O2/24:0	0.14	0.10	0.17	4.64E-15	1.49E-14
57	Cer 19:1;O2/24:1	0.18	0.14	0.21	2.60E-22	1.10E-21
58	Cer 19:1;O2/26:0	0.02	-0.01	0.06	2.27E-01	2.60E-01
59	Cer 20:1;O2/22:0	0.05	0.02	0.08	3.26E-03	4.57E-03
60	Cer 20:1;O2/23:0	-0.02	-0.05	0.02	2.97E-01	3.35E-01
61	Cer 20:1;O2/24:0	-0.06	-0.09	-0.02	1.21E-03	1.77E-03
62	Cer 20:1;O2/24:1	0.00	-0.04	0.03	8.56E-01	8.79E-01
63	Cer 20:1;O2/26:0	-0.07	-0.10	-0.03	8.25E-04	1.23E-03
64	Cer 18:0;O/20:0	0.01	-0.01	0.04	3.58E-01	3.96E-01
65	Cer 18:0;O/22:0	0.01	-0.02	0.03	6.95E-01	7.25E-01
66	Cer 18:0;O/23:0	-0.03	-0.06	0.00	2.30E-02	2.95E-02
67	Cer 18:0;O/24:0	-0.05	-0.08	-0.02	1.21E-03	1.77E-03
68	Cer 18:0;O/24:1	0.01	-0.02	0.03	6.16E-01	6.48E-01
69	Cer 18:1;O/18:0	0.03	0.00	0.06	5.81E-02	7.11E-02
70	Cer 18:1;O/20:0	-0.01	-0.04	0.01	3.71E-01	4.08E-01
71	Cer 18:1;O/22:0	-0.05	-0.08	-0.02	4.62E-04	7.02E-04
72	Cer 18:1;O/23:0	-0.07	-0.10	-0.04	6.48E-07	1.22E-06
73	Cer 18:1;O/24:0	-0.10	-0.12	-0.07	2.26E-11	5.70E-11
74	Cer 18:1;O/24:1	-0.04	-0.07	-0.01	4.12E-03	5.71E-03
75	Hex-Cer 16:1;O2/18:0	0.05	0.01	0.09	7.34E-03	9.93E-03
76	Hex-Cer 16:1;O2/20:0	0.02	-0.02	0.05	3.42E-01	3.82E-01
77	Hex-Cer 16:1;O2/22:0	-0.01	-0.05	0.03	5.81E-01	6.17E-01
78	Hex-Cer 16:1;O2/24:0	-0.03	-0.06	0.01	1.21E-01	1.44E-01
79	Hex-Cer 18:1;O2/16:0	0.22	0.18	0.25	1.26E-31	7.70E-31
80	Hex-Cer 18:1;O2/18:0	0.23	0.20	0.27	4.19E-38	3.50E-37
81	Hex-Cer 18:1;O2/20:0	0.16	0.12	0.20	4.39E-18	1.64E-17
82	Hex-Cer 18:1;O2/22:0	0.18	0.15	0.22	1.09E-24	5.13E-24

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
83	Hex-Cer 18:1;O2/24:0	0.08	0.05	0.12	3.02E-06	5.35E-06
84	Hex-Cer 18:1;O2/24:1	0.09	0.05	0.12	1.95E-06	3.53E-06
85	Hex-Cer 18:2;O2/18:0	0.13	0.09	0.17	3.89E-12	1.04E-11
86	Hex-Cer 18:2;O2/20:0	0.10	0.07	0.14	6.38E-08	1.28E-07
87	Hex-Cer 18:2;O2/22:0	0.12	0.08	0.15	3.00E-10	7.04E-10
88	Hex-Cer 18:2;O2/24:0	0.08	0.04	0.11	2.89E-05	4.78E-05
89	Hex2Cer 16:1;O2/16:0	0.05	0.01	0.09	7.56E-03	1.02E-02
90	Hex2Cer 16:1;O2/24:1	-0.03	-0.07	0.01	1.47E-01	1.72E-01
91	Hex2Cer 18:1;O2/16:0	0.16	0.13	0.19	8.66E-20	3.37E-19
92	Hex2Cer 18:1;O2/18:0	0.00	-0.04	0.04	9.99E-01	9.99E-01
93	Hex2Cer 18:1;O2/20:0	0.14	0.10	0.17	2.94E-13	8.43E-13
94	Hex2Cer 18:1;O2/22:0	0.18	0.15	0.21	4.28E-24	1.97E-23
95	Hex2Cer 18:1;O2/24:0	0.13	0.09	0.16	5.26E-13	1.50E-12
96	Hex2Cer 18:1;O2/24:1	0.14	0.10	0.18	1.05E-14	3.31E-14
97	Hex2Cer 18:2;O2/16:0	0.12	0.09	0.16	4.56E-11	1.13E-10
98	Hex2Cer 18:2;O2/24:1	0.10	0.06	0.13	1.27E-07	2.49E-07
99	Hex3Cer 18:1;O2/16:0	0.02	-0.02	0.05	3.12E-01	3.51E-01
100	Hex3Cer 18:1;O2/18:0	0.17	0.13	0.20	9.35E-22	3.88E-21
101	Hex3Cer 18:1;O2/20:0	0.11	0.08	0.15	7.36E-10	1.67E-09
102	Hex3Cer 18:1;O2/22:0	0.12	0.08	0.15	1.51E-11	3.86E-11
103	Hex3Cer 18:1;O2/24:0	0.09	0.05	0.12	2.73E-07	5.25E-07
104	Hex3Cer 18:1;O2/24:1	0.06	0.03	0.09	1.71E-04	2.67E-04
105	GM3 18:1;O2/16:0	0.02	-0.01	0.05	2.35E-01	2.68E-01
106	GM3 18:1;O2/18:0	0.01	-0.02	0.05	4.35E-01	4.75E-01
107	GM3 18:1;O2/20:0	0.09	0.05	0.13	2.07E-06	3.72E-06
108	GM3 18:1;O2/22:0	0.04	0.01	0.07	1.70E-02	2.21E-02
109	GM3 18:1;O2/24:0	-0.02	-0.05	0.01	2.64E-01	2.99E-01
110	GM3 18:1;O2/24:1	0.00	-0.04	0.03	7.96E-01	8.22E-01
111	GM3 18:2;O2/24:1	-0.01	-0.05	0.03	5.58E-01	5.96E-01
112	GM3 20:1;O2/18:0	0.01	-0.03	0.04	7.93E-01	8.20E-01
113	GM1 18:1;O2/16:0	0.05	0.01	0.08	1.28E-02	1.69E-02
114	SHexCer 18:1;O2/16:0;O	0.04	0.01	0.08	1.07E-02	1.42E-02
115	SHexCer 18:1;O2/16:0	-0.03	-0.07	0.00	5.32E-02	6.56E-02
116	SHexCer 18:1;O2/18:0;O	0.01	-0.03	0.04	7.65E-01	7.92E-01
117	SHexCer 18:1;O2/18:0	0.04	0.00	0.08	5.11E-02	6.32E-02
118	SHexCer 18:1;O2/24:0;O	-0.03	-0.07	0.01	1.24E-01	1.47E-01
119	SHexCer 18:1;O2/24:0	-0.10	-0.14	-0.07	2.56E-08	5.26E-08
120	SHexCer 18:1;O2/24:1;O	-0.04	-0.07	0.00	4.30E-02	5.38E-02
121	SHexCer 18:1;O2/24:1	-0.01	-0.04	0.03	6.52E-01	6.84E-01
122	SHexCer 18:2;O2/18:0;O	-0.01	-0.05	0.03	5.17E-01	5.54E-01
123	SHexCer 18:2;O2/18:0	-0.01	-0.05	0.03	5.51E-01	5.89E-01

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
124	CerP 18:1;O2/16:0	-0.05	-0.09	-0.02	2.74E-03	3.88E-03
125	SM 17:1;O2/14:0	-0.02	-0.06	0.01	1.49E-01	1.74E-01
126	SM 18:0;O2/14:0	-0.11	-0.14	-0.07	2.59E-11	6.49E-11
127	SM 18:1;O2/14:0 SM 16:1;O2/16:0	-0.09	-0.12	-0.06	4.13E-09	8.91E-09
128	SM 18:2;O2/14:0	-0.08	-0.11	-0.06	4.72E-11	1.16E-10
129	SM 17:1;O2/16:0	0.08	0.05	0.11	2.32E-07	4.49E-07
130	SM 18:0;O2/16:0	0.01	-0.02	0.05	4.30E-01	4.69E-01
131	SM 18:1;O2/16:0	0.07	0.04	0.09	2.46E-07	4.75E-07
132	SM 18:2;O2/16:0	0.00	-0.03	0.02	6.98E-01	7.28E-01
133	SM 34:3;O2	0.05	0.02	0.08	1.34E-03	1.96E-03
134	SM 16:1;O2/19:0	0.33	0.29	0.36	9.56E-77	2.96E-75
135	SM 18:1;O2/17:0 SM 17:1;O2/18:0	0.25	0.21	0.28	1.89E-44	2.13E-43
136	SM 18:2;O2/17:0	0.17	0.14	0.20	5.72E-25	2.72E-24
137	SM 35:2;O2 [b]	0.12	0.09	0.15	7.75E-18	2.85E-17
138	SM 18:1;O2/18:0 SM 16:1;O2/20:0	0.12	0.09	0.15	8.47E-16	2.82E-15
139	SM 18:2;O2/18:0	0.12	0.09	0.15	4.78E-14	1.45E-13
140	SM 18:2;O2/18:1	0.15	0.12	0.18	6.07E-20	2.37E-19
141	SM 37:1;O2	0.08	0.05	0.12	6.06E-07	1.14E-06
142	SM 37:2;O2	0.12	0.08	0.15	1.03E-11	2.67E-11
143	SM 18:1;O2/20:0 SM 16:1;O2/22:0	-0.07	-0.10	-0.04	4.45E-06	7.82E-06
144	SM 18:2;O2/20:0	0.01	-0.02	0.04	3.67E-01	4.05E-01
145	SM 38:3;O2 [a]	-0.07	-0.10	-0.03	6.12E-05	9.97E-05
146	SM 38:3;O2 [b]	0.18	0.15	0.22	2.49E-23	1.12E-22
147	SM 16:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/22:0	-0.06	-0.09	-0.03	1.10E-04	1.74E-04
148	SM 18:0;O2/22:0	0.01	-0.02	0.04	4.37E-01	4.76E-01
149	SM 18:1;O2/22:0 SM 16:1;O2/24:0	-0.01	-0.04	0.02	5.78E-01	6.15E-01
150	SM 16:1;O2/24:1	-0.17	-0.20	-0.13	2.81E-25	1.35E-24
151	SM 18:2;O2/22:0	0.00	-0.03	0.03	9.57E-01	9.69E-01
152	SM 40:3;O2 [a]	-0.20	-0.23	-0.17	8.18E-39	6.99E-38
153	SM 40:3;O2 [b]	0.20	0.17	0.23	3.82E-32	2.43E-31
154	SM 41:0;O2	0.04	0.01	0.07	1.98E-02	2.56E-02
155	SM 41:1;O2 [a]	0.15	0.11	0.18	1.18E-16	4.09E-16
156	SM 18:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/24:0	-0.05	-0.08	-0.02	3.90E-04	5.96E-04
157	SM 17:1;O2/24:1	0.06	0.03	0.09	1.49E-04	2.34E-04
158	SM 18:2;O2/23:0	-0.05	-0.07	-0.02	2.08E-03	3.01E-03
159	SM 18:1;O2/24:0	-0.07	-0.10	-0.04	4.79E-07	9.10E-07
160	SM 18:1;O2/24:1	-0.02	-0.06	0.01	1.48E-01	1.73E-01
161	SM 18:2;O2/24:0	-0.11	-0.14	-0.08	2.80E-14	8.56E-14
162	SM 43:1;O2	0.00	-0.03	0.03	9.16E-01	9.35E-01
163	SM 19:1;O2/24:1	0.14	0.10	0.18	9.31E-14	2.74E-13
164	SM 43:2;O2 [b]	0.10	0.07	0.14	1.08E-09	2.40E-09

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
165	SM 43:2;O2 [c]	-0.12	-0.15	-0.08	3.24E-12	8.82E-12
166	SM 44:1;O2	-0.07	-0.10	-0.04	5.40E-06	9.39E-06
167	SM 44:2;O2	-0.12	-0.15	-0.09	1.35E-13	3.92E-13
168	SM 44:3;O2	-0.24	-0.27	-0.21	3.77E-49	5.00E-48
169	PC 28:0	-0.08	-0.11	-0.04	9.23E-06	1.59E-05
170	PC 14:0_16:0	-0.09	-0.13	-0.06	3.67E-09	7.95E-09
171	PC 31:0 [a]	0.16	0.12	0.20	7.91E-18	2.90E-17
172	PC 31:0 [b]	0.03	-0.01	0.07	1.13E-01	1.36E-01
173	PC 16:0_16:0	-0.12	-0.15	-0.09	3.77E-16	1.27E-15
174	PC 32:1	0.04	0.01	0.07	9.05E-03	1.22E-02
175	PC 32:2	-0.12	-0.15	-0.09	1.68E-14	5.14E-14
176	PC 33:0 [a]	0.23	0.20	0.26	2.01E-39	1.84E-38
177	PC 33:0 [b]	0.10	0.06	0.13	1.82E-08	3.76E-08
178	PC 33:1	0.21	0.17	0.24	2.28E-34	1.55E-33
179	PC 33:2	0.00	-0.04	0.04	9.98E-01	9.99E-01
180	PC 16:0_18:0	-0.04	-0.07	-0.02	2.17E-03	3.11E-03
181	PC 16:0_18:1	0.10	0.07	0.13	6.44E-11	1.57E-10
182	PC 16:0_18:2	-0.08	-0.11	-0.05	2.09E-06	3.74E-06
183	PC 16:1_18:2	-0.09	-0.12	-0.06	4.75E-09	1.02E-08
184	PC 16:0_18:3 [a]	0.01	-0.02	0.05	3.54E-01	3.93E-01
185	PC 16:0_18:3 [b]	0.01	-0.02	0.04	5.96E-01	6.29E-01
186	PC 14:0_20:4	-0.13	-0.16	-0.10	1.71E-16	5.88E-16
187	PC 34:5	-0.20	-0.23	-0.16	2.03E-31	1.22E-30
188	PC 16:0;Me_18:1	0.34	0.30	0.37	6.83E-81	2.42E-79
189	PC 17:0_18:1	0.27	0.23	0.30	4.76E-56	7.86E-55
190	PC 16:0;Me_18:2	0.19	0.16	0.23	1.30E-26	6.59E-26
191	PC 17:0_18:2	0.06	0.02	0.09	9.15E-04	1.36E-03
192	PC 17:1_18:2	0.11	0.08	0.14	8.06E-12	2.11E-11
193	PC 15:0_20:3	0.03	-0.01	0.06	1.27E-01	1.50E-01
194	PC 15:0_20:4	-0.06	-0.10	-0.02	7.96E-04	1.19E-03
195	PC 35:5	-0.15	-0.19	-0.12	2.76E-17	9.92E-17
196	PC 18:0_18:1	0.22	0.19	0.25	2.50E-46	2.99E-45
197	PC 18:1_18:1	0.13	0.09	0.16	2.81E-15	9.24E-15
198	PC 18:0_18:2	0.02	-0.02	0.05	3.57E-01	3.96E-01
199	PC 18:1_18:2	-0.04	-0.07	0.00	2.97E-02	3.78E-02
200	PC 16:0_20:3 [a]	-0.06	-0.09	-0.04	1.67E-05	2.82E-05
201	PC 16:0_20:3 [b]	0.13	0.10	0.16	7.06E-15	2.24E-14
202	PC 18:2_18:2	-0.12	-0.16	-0.09	2.03E-13	5.87E-13
203	PC 16:0_20:4	-0.10	-0.13	-0.06	6.91E-08	1.38E-07
204	PC 16:1_20:4	-0.11	-0.14	-0.08	3.26E-14	9.94E-14
205	PC 16:0_20:5	-0.19	-0.23	-0.16	3.98E-31	2.33E-30

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
206	PC 36:6 [a]	-0.17	-0.20	-0.14	3.34E-25	1.60E-24
207	PC 14:0_22:6	-0.32	-0.35	-0.28	6.22E-85	2.57E-83
208	PC 16:0;Me_20:4	0.12	0.09	0.16	3.37E-12	9.12E-12
209	PC 17:0_20:4	0.00	-0.03	0.04	8.27E-01	8.50E-01
210	PC 15:0_22:6	-0.28	-0.32	-0.25	8.29E-59	1.47E-57
211	PC 38:2	-0.08	-0.10	-0.05	1.02E-07	2.01E-07
212	PC 18:0_20:3	-0.06	-0.09	-0.03	2.76E-05	4.58E-05
213	PC 18:1_20:3	-0.09	-0.12	-0.06	2.08E-08	4.28E-08
214	PC 38:4 [b]	0.07	0.04	0.10	8.50E-06	1.47E-05
215	PC 18:0_20:4	-0.04	-0.08	-0.01	1.37E-02	1.80E-02
216	PC 38:5 [a]	-0.01	-0.04	0.02	6.18E-01	6.49E-01
217	PC 38:5 [b]	-0.09	-0.13	-0.06	4.14E-09	8.91E-09
218	PC 38:6 [a]	-0.17	-0.19	-0.14	1.37E-29	7.45E-29
219	PC 16:0_22:6	-0.38	-0.41	-0.34	1.65E-103	4.09E-101
220	PC 18:2_20:5	-0.21	-0.24	-0.18	2.25E-37	1.76E-36
221	PC 16:1_22:6	-0.31	-0.34	-0.28	8.22E-83	3.22E-81
222	PC 38:7 [c]	-0.31	-0.34	-0.27	4.39E-77	1.42E-75
223	PC 39:5 [a]	0.12	0.09	0.16	7.86E-12	2.06E-11
224	PC 39:5 [b]	0.03	0.00	0.07	8.35E-02	1.01E-01
225	PC 16:0;Me_22:6	-0.13	-0.17	-0.10	7.37E-13	2.09E-12
226	PC 17:0_22:6	-0.26	-0.30	-0.22	9.61E-46	1.12E-44
227	PC 40:10	-0.08	-0.12	-0.05	1.38E-06	2.53E-06
228	PC 18:0_22:4	0.11	0.08	0.15	9.01E-12	2.34E-11
229	PC 20:0_20:4	-0.05	-0.09	-0.02	5.11E-03	7.00E-03
230	PC 18:0_22:5(n3) PC 20:1_20:4	0.02	-0.01	0.05	2.53E-01	2.87E-01
231	PC 18:0_22:5(n6)	0.12	0.09	0.15	2.00E-12	5.51E-12
232	PC 18:0_22:6	-0.32	-0.36	-0.29	1.42E-76	4.21E-75
233	PC 40:7 [a]	-0.14	-0.17	-0.11	2.17E-20	8.61E-20
234	PC 18:1_22:6 [a]	-0.34	-0.38	-0.31	3.88E-86	1.92E-84
235	PC 18:1_22:6 [b]	-0.14	-0.18	-0.10	6.10E-14	1.83E-13
236	PC 40:8	-0.30	-0.33	-0.27	7.67E-86	3.35E-84
237	PC 44:12	-0.32	-0.36	-0.29	1.60E-66	3.82E-65
238	PC O-16:0/16:0	0.01	-0.02	0.05	4.73E-01	5.11E-01
239	PC O-32:1	0.05	0.02	0.08	3.26E-03	4.57E-03
240	PC O-32:2	-0.04	-0.08	0.00	3.68E-02	4.64E-02
241	PC O-34:1	0.07	0.04	0.10	3.38E-06	5.95E-06
242	PC O-34:2	0.08	0.04	0.11	2.53E-05	4.23E-05
243	PC O-34:4	0.00	-0.04	0.04	9.88E-01	9.92E-01
244	PC O-35:4	0.17	0.13	0.20	1.41E-18	5.35E-18
245	PC O-36:0	0.19	0.16	0.23	7.92E-28	4.14E-27
246	PC O-18:0/18:1	0.29	0.26	0.33	2.25E-66	5.22E-65

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
247	PC O-18:1/18:1	0.08	0.04	0.11	2.91E-06	5.17E-06
248	PC O-18:0/18:2	0.21	0.18	0.25	6.96E-34	4.70E-33
249	PC O-18:1/18:2	0.02	-0.01	0.06	2.28E-01	2.61E-01
250	PC O-16:0/20:3	0.19	0.15	0.22	1.34E-23	6.11E-23
251	PC O-16:0/20:4	0.13	0.10	0.17	5.49E-14	1.65E-13
252	PC O-36:5	-0.03	-0.07	0.01	1.01E-01	1.21E-01
253	PC O-18:0/20:4	0.34	0.31	0.38	1.88E-79	6.34E-78
254	PC O-38:5	0.05	0.01	0.09	1.06E-02	1.41E-02
255	PC O-16:0/22:6	-0.18	-0.21	-0.14	1.96E-21	8.04E-21
256	PC O-40:5	0.16	0.13	0.20	4.96E-19	1.91E-18
257	PC O-18:0/22:6	-0.05	-0.09	-0.01	5.85E-03	7.98E-03
258	PC O-40:7 [a]	-0.27	-0.31	-0.24	1.62E-51	2.36E-50
259	PC O-40:7 [b]	-0.02	-0.06	0.02	3.69E-01	4.07E-01
260	PC P-16:0/14:0	0.02	-0.01	0.05	2.33E-01	2.66E-01
261	PC P-16:0/16:0	0.02	-0.01	0.05	2.11E-01	2.44E-01
262	PC P-16:0/16:1	0.01	-0.02	0.03	7.20E-01	7.49E-01
263	PC P-16:0/18:0	0.18	0.15	0.22	2.12E-30	1.20E-29
264	PC P-16:0/18:1	0.08	0.06	0.11	7.40E-10	1.68E-09
265	PC P-16:0/18:2	-0.02	-0.06	0.01	1.14E-01	1.36E-01
266	PC P-16:0/18:3	0.13	0.09	0.16	9.97E-13	2.80E-12
267	PC P-35:2 [a]	0.16	0.13	0.20	7.66E-21	3.09E-20
268	PC P-35:2 [b]	0.16	0.12	0.19	2.04E-18	7.70E-18
269	PC P-15:0/20:4 [a]	0.14	0.11	0.18	4.92E-14	1.49E-13
270	PC P-15:0/20:4 [b]	0.16	0.12	0.20	1.05E-16	3.71E-16
271	PC P-18:1/18:1	0.15	0.12	0.18	5.31E-23	2.33E-22
272	PC P-18:0/18:2	0.12	0.09	0.16	6.79E-14	2.03E-13
273	PC P-36:3	0.12	0.08	0.15	1.34E-11	3.44E-11
274	PC P-16:0/20:4	0.05	0.01	0.08	4.87E-03	6.70E-03
275	PC P-16:0/20:5	-0.04	-0.08	-0.01	1.36E-02	1.79E-02
276	PC P-17:0/20:4 [a]	0.24	0.20	0.27	1.28E-39	1.18E-38
277	PC P-17:0/20:4 [b]	0.20	0.16	0.23	2.47E-27	1.27E-26
278	PC P-18:0/20:4	0.18	0.14	0.21	7.06E-23	3.07E-22
279	PC P-38:5 [a]	-0.01	-0.04	0.02	6.74E-01	7.06E-01
280	PC P-38:5 [b]	0.07	0.03	0.10	9.69E-05	1.54E-04
281	PC P-16:0/22:6	-0.24	-0.27	-0.20	1.61E-41	1.68E-40
282	PC P-20:0/20:4	0.06	0.02	0.09	9.10E-04	1.35E-03
283	PC P-18:0/22:5	0.05	0.01	0.08	4.55E-03	6.27E-03
284	PC P-18:0/22:6	-0.11	-0.14	-0.08	3.37E-10	7.89E-10
285	PC P-18:1/22:6	-0.20	-0.23	-0.17	1.67E-34	1.16E-33
286	LPC 0:0/14:0	-0.05	-0.09	-0.02	5.16E-03	7.06E-03
287	LPC 14:0/0:0	-0.04	-0.08	-0.01	1.47E-02	1.93E-02

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
288	LPC 0:0/15:0	0.10	0.06	0.13	5.47E-07	1.04E-06
289	LPC 15:0/0:0	0.06	0.02	0.10	1.22E-03	1.80E-03
290	LPC 0:0/16:0	0.00	-0.04	0.04	9.78E-01	9.84E-01
291	LPC 16:0/0:0	0.01	-0.03	0.05	5.87E-01	6.22E-01
292	LPC 0:0/16:1	0.04	0.00	0.07	3.20E-02	4.05E-02
293	LPC 16:1/0:0	0.08	0.04	0.11	1.43E-05	2.44E-05
294	LPC 0:0/16:0;Me	0.24	0.20	0.27	2.45E-35	1.80E-34
295	LPC 16:0;Me/0:0 LPC 0:0/17:0	0.21	0.18	0.25	8.19E-29	4.38E-28
296	LPC 16:0;Me/0:0 (PI-104)	0.24	0.21	0.28	2.15E-37	1.70E-36
297	LPC 17:0/0:0	0.13	0.09	0.17	7.61E-12	2.00E-11
298	LPC 0:0/17:1 [a]	0.21	0.17	0.25	1.27E-29	6.97E-29
299	LPC 17:1/0:0	0.22	0.18	0.26	7.90E-32	4.93E-31
300	LPC 17:1/0:0 [a] (PI-104)	0.22	0.18	0.26	3.01E-32	1.93E-31
301	LPC 17:1/0:0 [b]	0.25	0.21	0.28	4.73E-39	4.19E-38
302	LPC 0:0/18:0	0.07	0.03	0.10	2.86E-04	4.39E-04
303	LPC 18:0/0:0	0.06	0.03	0.10	5.98E-04	9.01E-04
304	LPC 0:0/18:1	0.10	0.07	0.14	6.57E-09	1.40E-08
305	LPC 18:1/0:0	0.14	0.10	0.17	7.71E-15	2.43E-14
306	LPC 0:0/18:2	-0.07	-0.10	-0.03	8.16E-05	1.31E-04
307	LPC 18:2/0:0	-0.06	-0.09	-0.02	1.29E-03	1.89E-03
308	LPC 0:0/18:3 [a]	0.02	-0.02	0.06	2.50E-01	2.85E-01
309	LPC 18:3/0:0	0.03	-0.01	0.06	1.31E-01	1.54E-01
310	LPC 18:3/0:0 [a] (PI-104)	0.01	-0.02	0.05	5.06E-01	5.44E-01
311	LPC 18:3/0:0 [b]	0.07	0.04	0.11	4.58E-05	7.50E-05
312	LPC 0:0/19:0 [a]	0.16	0.12	0.20	1.38E-17	5.02E-17
313	LPC 19:0/0:0	0.07	0.03	0.11	1.97E-04	3.06E-04
314	LPC 19:0/0:0 [a] (PI-104)	0.20	0.16	0.23	4.70E-26	2.34E-25
315	LPC 19:0/0:0 [b]	-0.04	-0.08	0.00	3.39E-02	4.29E-02
316	LPC 19:1 [a]	0.18	0.14	0.22	7.46E-22	3.11E-21
317	LPC 19:1 [b]	0.18	0.15	0.22	1.19E-22	5.12E-22
318	LPC 19:1 [c]	0.06	0.02	0.10	1.17E-03	1.72E-03
319	LPC 0:0/20:0	-0.12	-0.15	-0.08	9.41E-11	2.26E-10
320	LPC 20:0/0:0	-0.13	-0.16	-0.09	4.53E-12	1.21E-11
321	LPC 0:0/20:1	-0.09	-0.13	-0.05	1.31E-06	2.40E-06
322	LPC 20:1/0:0	-0.09	-0.13	-0.06	5.89E-07	1.11E-06
323	LPC 0:0/20:2	-0.12	-0.16	-0.09	5.95E-12	1.58E-11
324	LPC 20:2/0:0	-0.10	-0.14	-0.06	3.44E-08	7.04E-08
325	LPC 0:0/20:3	-0.09	-0.13	-0.06	1.53E-07	2.98E-07
326	LPC 20:3/0:0	-0.02	-0.06	0.01	2.15E-01	2.48E-01
327	LPC 0:0/20:4	-0.04	-0.07	0.00	4.59E-02	5.73E-02
328	LPC 20:4/0:0	-0.02	-0.05	0.02	3.36E-01	3.76E-01

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
329	LPC 0:0/20:5	-0.15	-0.19	-0.12	1.14E-16	3.96E-16
330	LPC 20:5/0:0	-0.13	-0.17	-0.09	1.21E-12	3.38E-12
331	LPC 0:0/22:0	-0.17	-0.21	-0.14	9.76E-22	4.03E-21
332	LPC 22:0/0:0	-0.19	-0.22	-0.15	2.23E-25	1.09E-24
333	LPC 0:0/22:1	-0.16	-0.20	-0.13	1.32E-18	5.01E-18
334	LPC 22:1/0:0	-0.17	-0.21	-0.14	6.89E-21	2.80E-20
335	LPC 0:0/22:4	0.11	0.07	0.14	1.31E-09	2.89E-09
336	LPC 22:4/0:0	0.12	0.08	0.15	9.06E-11	2.19E-10
337	LPC 0:0/22:5 [n3]	-0.01	-0.04	0.03	7.48E-01	7.77E-01
338	LPC 22:5 [n3]/0:0 LPC 22:5 [n6]/0:0	0.05	0.02	0.09	2.55E-03	3.62E-03
339	LPC 22:5 [n3]/0:0 [PI-104]	0.04	0.00	0.07	3.05E-02	3.88E-02
340	LPC 22:5 [n6]/0:0	0.14	0.10	0.17	1.18E-13	3.45E-13
341	LPC 0:0/22:6	-0.31	-0.35	-0.28	1.02E-63	2.05E-62
342	LPC 22:6/0:0	-0.29	-0.33	-0.26	5.00E-55	8.08E-54
343	LPC 0:0/24:0	-0.27	-0.30	-0.24	9.20E-58	1.55E-56
344	LPC 24:0/0:0	-0.28	-0.31	-0.25	2.03E-64	4.18E-63
345	LPC 0:0/26:0	-0.23	-0.26	-0.20	6.03E-44	6.69E-43
346	LPC 26:0/0:0	-0.23	-0.26	-0.20	3.86E-46	4.55E-45
347	LPC O-16:0/0:0	0.15	0.11	0.19	4.49E-15	1.45E-14
348	LPC O-18:0/0:0	0.29	0.25	0.33	1.74E-54	2.69E-53
349	LPC O-18:1/0:0	0.11	0.07	0.15	3.71E-08	7.54E-08
350	LPC O-20:0/0:0	0.10	0.06	0.13	5.91E-08	1.19E-07
351	LPC O-20:1/0:0	0.10	0.06	0.14	1.90E-07	3.70E-07
352	LPC O-22:0/0:0	-0.02	-0.06	0.02	2.56E-01	2.90E-01
353	LPC O-22:1/0:0	-0.03	-0.07	0.00	6.38E-02	7.78E-02
354	LPC O-24:0/0:0	-0.11	-0.14	-0.07	3.02E-09	6.57E-09
355	LPC O-24:1/0:0	-0.13	-0.16	-0.09	2.90E-11	7.24E-11
356	LPC O-24:2/0:0	-0.28	-0.31	-0.24	5.70E-51	7.99E-50
357	LPC P-16:0/0:0	0.05	0.01	0.08	1.19E-02	1.57E-02
358	LPC P-17:0/0:0 [a]	0.25	0.21	0.28	5.40E-39	4.72E-38
359	LPC P-17:0/0:0 [b]	0.22	0.18	0.25	2.43E-30	1.37E-29
360	LPC P-18:0/0:0	0.17	0.13	0.20	4.16E-20	1.64E-19
361	LPC P-18:1/0:0	0.09	0.06	0.13	9.94E-07	1.84E-06
362	LPC P-20:0/0:0	-0.03	-0.06	0.01	1.23E-01	1.46E-01
363	PE 16:0_16:0	-0.04	-0.08	-0.01	2.02E-02	2.60E-02
364	PE 16:0_16:1	0.03	0.00	0.07	4.02E-02	5.04E-02
365	PE 16:0_18:1	0.03	0.00	0.07	2.43E-02	3.10E-02
366	PE 16:0_18:2	-0.03	-0.06	0.00	5.08E-02	6.29E-02
367	PE 16:1_18:2	0.02	-0.02	0.05	3.15E-01	3.54E-01
368	PE 16:0_18:3 [a]	0.00	-0.03	0.03	9.21E-01	9.38E-01
369	PE 16:0_18:3 [b]	0.02	-0.01	0.06	1.60E-01	1.86E-01

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
370	PE 16:0;Me_18:1	0.20	0.17	0.24	8.50E-30	4.68E-29
371	PE 17:0_18:1	0.12	0.09	0.15	8.09E-13	2.29E-12
372	PE 16:0;Me_18:2	0.12	0.09	0.16	1.29E-12	3.59E-12
373	PE 17:0_18:2	0.07	0.04	0.10	2.85E-05	4.72E-05
374	PE 36:0	-0.01	-0.05	0.02	4.47E-01	4.84E-01
375	PE 18:0_18:1	0.04	0.02	0.07	2.37E-03	3.39E-03
376	PE 18:1_18:1	0.03	0.00	0.06	5.79E-02	7.10E-02
377	PE 18:0_18:2	0.00	-0.03	0.03	9.60E-01	9.69E-01
378	PE 18:1_18:2	-0.03	-0.06	0.00	5.70E-02	7.00E-02
379	PE 16:0_20:3	0.01	-0.02	0.04	5.18E-01	5.55E-01
380	PE 16:0_20:4	-0.04	-0.07	-0.01	7.30E-03	9.89E-03
381	PE 16:1_20:4	-0.06	-0.10	-0.03	7.54E-05	1.22E-04
382	PE 16:0_20:5	-0.12	-0.15	-0.09	7.64E-14	2.27E-13
383	PE 16:0;Me_20:4	0.11	0.08	0.15	2.53E-10	5.95E-10
384	PE 17:0_20:4	0.04	0.01	0.08	1.30E-02	1.73E-02
385	PE 18:0_20:3 [a]	-0.05	-0.08	-0.02	8.45E-04	1.26E-03
386	PE 18:0_20:3 [b]	0.15	0.12	0.18	4.58E-20	1.80E-19
387	PE 18:0_20:4	-0.01	-0.04	0.02	5.89E-01	6.23E-01
388	PE 38:5 [a]	-0.01	-0.04	0.02	5.87E-01	6.22E-01
389	PE 38:5 [b]	-0.05	-0.07	-0.02	2.24E-03	3.21E-03
390	PE 16:0_22:6	-0.21	-0.24	-0.18	4.59E-39	4.11E-38
391	PE 16:0;Me_22:6	-0.07	-0.10	-0.03	7.93E-05	1.28E-04
392	PE 17:0_22:6	-0.14	-0.17	-0.10	3.55E-16	1.20E-15
393	PE 18:0_22:4	0.08	0.05	0.11	1.02E-07	2.01E-07
394	PE 20:0_20:4	-0.08	-0.11	-0.04	1.03E-05	1.76E-05
395	PE 18:0_22:5(n3)	0.04	0.01	0.07	7.08E-03	9.61E-03
396	PE 18:0_22:5(n6)	0.07	0.04	0.10	1.25E-06	2.30E-06
397	PE 18:0_22:6	-0.19	-0.22	-0.16	2.56E-36	1.96E-35
398	PE 18:1_22:6 [a]	-0.22	-0.25	-0.18	2.19E-41	2.23E-40
399	PE 18:1_22:6 [b]	-0.10	-0.13	-0.07	4.44E-10	1.03E-09
400	PE O-34:1	0.04	0.01	0.07	2.06E-02	2.65E-02
401	PE O-16:0/18:2	-0.01	-0.04	0.03	6.76E-01	7.07E-01
402	PE O-18:1/18:2	-0.09	-0.13	-0.05	2.06E-06	3.71E-06
403	PE O-16:0/20:3	0.11	0.08	0.15	1.56E-09	3.43E-09
404	PE O-16:0/20:4	0.05	0.01	0.09	8.91E-03	1.20E-02
405	PE O-36:5	-0.08	-0.12	-0.04	1.51E-05	2.57E-05
406	PE O-16:0/22:4	0.21	0.18	0.25	3.92E-31	2.31E-30
407	PE O-18:0/20:4	0.13	0.09	0.16	1.04E-11	2.67E-11
408	PE O-38:5 [a]	0.18	0.14	0.21	1.89E-22	8.11E-22
409	PE O-38:5 [b]	0.08	0.05	0.12	3.04E-06	5.36E-06
410	PE O-16:0/22:6	-0.20	-0.24	-0.17	5.17E-31	2.98E-30

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
411	PE O-18:0/22:5	0.30	0.26	0.33	1.06E-61	2.03E-60
412	PE O-18:0/22:6	-0.06	-0.10	-0.03	2.44E-04	3.78E-04
413	PE O-18:1/22:6	-0.26	-0.29	-0.22	8.58E-47	1.06E-45
414	PE P-15:0/20:4	0.13	0.09	0.17	3.59E-12	9.66E-12
415	PE P-15:0/22:6 [a]	-0.03	-0.07	0.00	7.52E-02	9.11E-02
416	PE P-15:0/22:6 [b]	-0.08	-0.12	-0.05	5.69E-06	9.86E-06
417	PE P-16:0/18:1	0.23	0.20	0.27	3.39E-41	3.40E-40
418	PE P-16:0/18:2	0.12	0.08	0.16	5.57E-11	1.36E-10
419	PE P-16:0/18:3	0.16	0.12	0.19	2.78E-17	9.93E-17
420	PE P-16:0/20:3 [a]	0.15	0.11	0.18	3.20E-15	1.05E-14
421	PE P-16:0/20:3 [b]	0.20	0.16	0.24	8.45E-28	4.39E-27
422	PE P-16:0/20:4	0.03	-0.01	0.07	9.42E-02	1.13E-01
423	PE P-16:0/20:5	-0.05	-0.09	-0.02	4.14E-03	5.73E-03
424	PE P-16:0/22:4	0.24	0.20	0.27	6.94E-43	7.37E-42
425	PE P-16:0/22:5(n3)	0.22	0.18	0.25	7.01E-38	5.72E-37
426	PE P-16:0/22:5(n6)	0.18	0.15	0.22	2.51E-25	1.22E-24
427	PE P-16:0/22:6	-0.22	-0.26	-0.19	1.32E-37	1.05E-36
428	PE P-17:0/20:4 [a]	0.19	0.15	0.23	2.09E-24	9.75E-24
429	PE P-17:0/20:4 [b]	0.12	0.08	0.15	7.96E-10	1.80E-09
430	PE P-17:0/22:6 [a]	-0.02	-0.05	0.02	3.35E-01	3.75E-01
431	PE P-17:0/22:6 [b]	-0.10	-0.14	-0.06	7.42E-08	1.47E-07
432	PE P-18:0/18:1	0.30	0.27	0.34	1.41E-65	3.17E-64
433	PE P-18:0/18:2	0.21	0.17	0.24	1.23E-30	7.01E-30
434	PE P-18:0/18:3	0.07	0.03	0.10	1.86E-04	2.89E-04
435	PE P-18:0/20:3 [a]	0.22	0.18	0.26	2.14E-32	1.38E-31
436	PE P-18:0/20:3 [b]	0.27	0.23	0.31	3.65E-50	4.93E-49
437	PE P-18:0/20:4	0.14	0.10	0.17	2.73E-13	7.85E-13
438	PE P-18:0/20:5	0.03	-0.01	0.06	1.33E-01	1.56E-01
439	PE P-18:0/22:4	0.37	0.33	0.40	6.89E-94	6.40E-92
440	PE P-18:0/22:5(n3)	0.35	0.32	0.39	4.12E-92	3.06E-90
441	PE P-18:0/22:5(n6)	0.31	0.28	0.35	1.21E-64	2.56E-63
442	PE P-18:0/22:6	-0.11	-0.15	-0.08	8.37E-10	1.88E-09
443	PE P-18:1/18:1	0.18	0.15	0.21	7.79E-25	3.69E-24
444	PE P-18:1/18:1 [a]	0.15	0.11	0.18	3.61E-17	1.28E-16
445	PE P-18:1/18:1 [b]	0.27	0.23	0.30	1.30E-46	1.59E-45
446	PE P-18:1/18:2 [a]	0.04	0.01	0.08	1.59E-02	2.07E-02
447	PE P-18:1/18:2 [b]	0.24	0.20	0.28	6.04E-38	4.99E-37
448	PE P-18:1/18:3	0.00	-0.03	0.04	9.29E-01	9.44E-01
449	PE P-18:1/20:3 [a]	0.15	0.11	0.18	1.90E-15	6.27E-15
450	PE P-18:1/20:3 [b]	0.25	0.22	0.29	2.80E-43	3.01E-42
451	PE P-18:1/20:4 [a]	0.02	-0.01	0.06	2.14E-01	2.47E-01

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
452	PE P-18:1/20:4 [b]	0.19	0.15	0.22	2.91E-23	1.30E-22
453	PE P-18:1/20:5 [a]	-0.08	-0.12	-0.05	2.52E-06	4.51E-06
454	PE P-18:1/20:5 [b]	0.08	0.04	0.11	2.15E-05	3.61E-05
455	PE P-18:1/22:4	0.35	0.31	0.38	4.76E-86	2.21E-84
456	PE P-18:1/22:5 [a]	0.19	0.16	0.23	4.31E-30	2.41E-29
457	PE P-18:1/22:5 [b]	0.24	0.20	0.27	4.40E-39	3.99E-38
458	PE P-18:1/22:6 [a]	-0.28	-0.32	-0.25	8.09E-55	1.28E-53
459	PE P-18:1/22:6 [b]	-0.04	-0.08	-0.01	1.59E-02	2.07E-02
460	PE P-19:0/20:4 [a]	0.13	0.10	0.17	3.83E-12	1.03E-11
461	PE P-19:0/20:4 [b]	0.07	0.03	0.10	4.00E-04	6.09E-04
462	PE P-20:0/18:1	0.06	0.03	0.10	5.72E-04	8.65E-04
463	PE P-20:0/18:2	-0.07	-0.10	-0.03	1.35E-04	2.14E-04
464	PE P-20:0/20:4	-0.07	-0.11	-0.03	1.53E-04	2.40E-04
465	PE P-20:0/22:6	-0.28	-0.32	-0.25	1.06E-58	1.83E-57
466	PE P-20:1/20:4	-0.05	-0.09	-0.01	8.57E-03	1.16E-02
467	PE P-20:1/22:6	-0.22	-0.25	-0.18	8.43E-32	5.22E-31
468	LPE 0:0/16:0	-0.08	-0.11	-0.04	5.41E-06	9.39E-06
469	LPE 16:0/0:0	-0.08	-0.11	-0.05	4.60E-06	8.04E-06
470	LPE 0:0/17:0	0.10	0.06	0.14	2.76E-07	5.30E-07
471	LPE 17:0/0:0	0.05	0.01	0.09	1.53E-02	2.00E-02
472	LPE 0:0/18:0	0.04	0.01	0.07	2.33E-02	2.99E-02
473	LPE 18:0/0:0	0.01	-0.03	0.04	7.26E-01	7.55E-01
474	LPE 0:0/18:1	0.10	0.07	0.14	1.72E-08	3.56E-08
475	LPE 18:1/0:0	0.11	0.08	0.15	2.40E-10	5.66E-10
476	LPE 0:0/18:2	0.05	0.02	0.09	5.03E-03	6.91E-03
477	LPE 18:2/0:0	0.07	0.04	0.11	8.16E-05	1.31E-04
478	LPE 0:0/20:4	0.10	0.07	0.14	1.03E-08	2.17E-08
479	LPE 20:4/0:0	0.10	0.06	0.13	6.64E-08	1.33E-07
480	LPE 0:0/22:6	-0.23	-0.26	-0.19	3.98E-37	3.08E-36
481	LPE 22:6/0:0	-0.22	-0.25	-0.18	8.54E-35	6.16E-34
482	LPE P-16:0/0:0	0.09	0.05	0.13	1.91E-06	3.46E-06
483	LPE P-18:0/0:0	0.21	0.17	0.24	4.20E-28	2.23E-27
484	LPE P-18:1/0:0	0.10	0.06	0.14	1.47E-07	2.88E-07
485	LPE P-20:0/0:0	-0.03	-0.07	0.01	1.22E-01	1.45E-01
486	PI 16:0/16:0	-0.07	-0.11	-0.04	3.00E-05	4.95E-05
487	PI 16:0_16:1	0.04	0.01	0.07	1.46E-02	1.92E-02
488	PI 34:0	-0.05	-0.09	-0.02	3.40E-03	4.75E-03
489	PI 34:1	0.08	0.05	0.11	1.25E-06	2.30E-06
490	PI 16:0;Me_18:1 PI 17:0_18:1	0.23	0.20	0.27	4.91E-35	3.58E-34
491	PI 16:0;Me_18:2 PI 17:0_18:2	0.01	-0.02	0.05	4.43E-01	4.82E-01
492	PI 18:0_18:1	0.10	0.07	0.13	1.77E-09	3.87E-09

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
493	PI 36:2	-0.10	-0.14	-0.07	4.48E-10	1.03E-09
494	PI 18:1_18:2	-0.15	-0.18	-0.11	5.13E-16	1.72E-15
495	PI 16:0_20:3 [a]	-0.10	-0.13	-0.06	1.21E-08	2.53E-08
496	PI 16:0_20:3 [b]	0.06	0.02	0.09	6.21E-04	9.34E-04
497	PI 16:0_20:4	-0.05	-0.08	-0.02	1.48E-03	2.15E-03
498	PI 16:0;Me_20:4 PI 17:0_20:4	0.03	-0.01	0.06	9.70E-02	1.17E-01
499	PI 37:6	-0.06	-0.09	-0.02	2.16E-03	3.11E-03
500	PI 18:0_20:2	-0.03	-0.06	0.00	7.02E-02	8.53E-02
501	PI 18:0_20:3 [a]	-0.14	-0.18	-0.11	7.58E-15	2.40E-14
502	PI 18:0_20:3 [b]	0.13	0.10	0.16	1.09E-14	3.42E-14
503	PI 18:0_20:4	-0.09	-0.12	-0.06	1.05E-08	2.21E-08
504	PI 38:5 [a]	0.03	0.00	0.06	8.73E-02	1.05E-01
505	PI 38:5 [b]	0.05	0.02	0.09	1.39E-03	2.02E-03
506	PI 38:6	-0.18	-0.21	-0.14	8.80E-24	4.04E-23
507	PI 39:6	-0.13	-0.17	-0.10	1.25E-12	3.48E-12
508	PI 18:0_22:4	0.07	0.04	0.10	2.74E-05	4.57E-05
509	PI 20:0_20:4	-0.11	-0.14	-0.07	6.79E-09	1.44E-08
510	PI 18:0_22:5 [n3]	0.01	-0.02	0.04	4.85E-01	5.21E-01
511	PI 18:0_22:5 [n6]	0.12	0.08	0.15	1.50E-10	3.57E-10
512	PI 18:0_22:6	-0.21	-0.25	-0.18	1.00E-34	7.08E-34
513	LPI 0:0/18:0	0.00	-0.04	0.04	9.41E-01	9.55E-01
514	LPI 18:0/0:0	0.01	-0.02	0.05	4.26E-01	4.66E-01
515	LPI 0:0/18:1	0.11	0.07	0.14	1.82E-08	3.77E-08
516	LPI 18:1/0:0	0.16	0.12	0.20	5.56E-18	2.06E-17
517	LPI 0:0/18:2	-0.07	-0.11	-0.03	3.78E-04	5.79E-04
518	LPI 18:2/0:0	-0.02	-0.05	0.02	3.54E-01	3.93E-01
519	LPI 0:0/20:4	0.04	0.00	0.07	4.56E-02	5.70E-02
520	LPI 20:4/0:0	0.09	0.05	0.13	7.18E-07	1.34E-06
521	PS 36:1	0.05	0.01	0.08	1.96E-02	2.53E-02
522	PS 36:2	0.07	0.04	0.11	1.32E-04	2.09E-04
523	PS 38:3	0.06	0.02	0.10	3.25E-03	4.57E-03
524	PS 38:4	0.07	0.03	0.10	5.85E-04	8.83E-04
525	PS 38:5	0.07	0.03	0.10	9.95E-04	1.47E-03
526	PS 40:5	0.08	0.04	0.12	1.23E-05	2.11E-05
527	PS 40:6	-0.13	-0.16	-0.09	4.59E-11	1.13E-10
528	PG 34:1	-0.03	-0.06	0.00	6.75E-02	8.21E-02
529	PG 36:1	0.00	-0.02	0.03	7.94E-01	8.21E-01
530	PG 36:2	-0.02	-0.05	0.01	1.86E-01	2.16E-01
531	PG 34:2	-0.09	-0.13	-0.06	1.95E-07	3.78E-07
532	CE 14:0	-0.07	-0.10	-0.03	2.69E-04	4.14E-04
533	CE 15:0	0.04	0.01	0.07	1.85E-02	2.40E-02

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
534	CE 16:0	-0.17	-0.20	-0.14	1.15E-33	7.64E-33
535	CE 16:1	0.07	0.04	0.10	4.81E-05	7.85E-05
536	CE 16:2	0.04	0.02	0.07	2.36E-03	3.37E-03
537	CE 17:0	0.25	0.22	0.28	1.31E-52	1.99E-51
538	CE 17:1	0.27	0.24	0.30	3.94E-60	7.31E-59
539	CE 18:0	0.20	0.17	0.22	9.19E-48	1.18E-46
540	CE 18:1	0.14	0.12	0.17	2.37E-27	1.22E-26
541	CE 18:2	-0.07	-0.10	-0.04	8.44E-07	1.57E-06
542	CE 18:3	0.00	-0.03	0.03	9.93E-01	9.96E-01
543	CE 20:0	0.07	0.04	0.10	9.84E-06	1.69E-05
544	CE 20:1	0.01	-0.02	0.04	5.61E-01	5.98E-01
545	CE 20:2	-0.15	-0.18	-0.12	2.55E-22	1.09E-21
546	CE 20:3	-0.06	-0.09	-0.03	8.34E-05	1.34E-04
547	CE 20:4	-0.11	-0.13	-0.08	1.73E-17	6.27E-17
548	CE 20:5	-0.10	-0.13	-0.07	3.37E-12	9.12E-12
549	CE 22:0	-0.04	-0.08	-0.01	5.93E-03	8.07E-03
550	CE 22:1	-0.12	-0.15	-0.09	9.65E-12	2.50E-11
551	CE 22:4	0.05	0.02	0.08	9.62E-04	1.43E-03
552	CE 22:5 [n3]	-0.22	-0.26	-0.19	9.03E-41	8.72E-40
553	CE 22:5 [n6]	-0.01	-0.04	0.02	4.83E-01	5.20E-01
554	CE 22:6	-0.31	-0.33	-0.28	5.16E-89	3.20E-87
555	CE 24:0	-0.09	-0.12	-0.06	5.60E-08	1.13E-07
556	CE 24:1	-0.05	-0.09	-0.02	2.09E-03	3.01E-03
557	CE 24:4	0.00	-0.03	0.03	9.67E-01	9.75E-01
558	CE 24:5	-0.03	-0.07	0.00	6.60E-02	8.04E-02
559	CE 24:6	-0.19	-0.22	-0.15	1.62E-23	7.32E-23
560	COH	0.04	0.01	0.07	1.04E-02	1.40E-02
561	DE 16:0 SE 27:2/16:0	-0.05	-0.09	-0.01	1.33E-02	1.76E-02
562	DE 18:1 SE 27:2/18:1	0.11	0.07	0.14	6.68E-10	1.52E-09
563	DE 18:2 SE 27:2/18:2	-0.02	-0.05	0.01	1.23E-01	1.46E-01
564	DE 20:4 SE 27:2/20:4	-0.04	-0.07	-0.01	1.43E-02	1.88E-02
565	DE 20:5 SE 27:2/20:5	-0.07	-0.11	-0.04	2.72E-05	4.54E-05
566	DE 22:6 SE 27:2/22:6	-0.20	-0.23	-0.16	4.05E-29	2.18E-28
567	AC 12:0	0.17	0.14	0.21	1.92E-20	7.65E-20
568	AC 13:0	-0.06	-0.09	-0.02	1.51E-03	2.19E-03
569	AC 14:0	0.14	0.11	0.18	1.45E-14	4.48E-14
570	AC 14:1	0.16	0.12	0.20	5.97E-18	2.21E-17
571	AC 14:2	0.02	-0.02	0.06	2.98E-01	3.36E-01
572	AC 15:0 [a]	0.26	0.22	0.29	1.78E-41	1.83E-40
573	AC 15:0 [b]	0.14	0.10	0.18	2.00E-13	5.82E-13
574	AC 16:0	0.11	0.08	0.15	9.34E-10	2.08E-09

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
575	AC 16:1	0.14	0.10	0.17	8.48E-14	2.51E-13
576	AC 17:0 [a]	0.35	0.31	0.39	1.01E-75	2.88E-74
577	AC 17:0 [b]	0.30	0.27	0.34	1.50E-59	2.72E-58
578	AC 18:0	0.25	0.22	0.29	1.72E-48	2.24E-47
579	AC 18:1	0.12	0.08	0.15	4.86E-10	1.12E-09
580	AC 18:2	-0.12	-0.15	-0.08	6.01E-10	1.37E-09
581	DG 14:0_16:0	0.00	-0.03	0.03	9.60E-01	9.69E-01
582	DG 16:0_16:0	0.04	0.01	0.06	3.65E-03	5.09E-03
583	DG 16:0_16:1	0.04	0.02	0.07	1.91E-03	2.77E-03
584	DG 14:0_18:2	-0.11	-0.14	-0.08	1.44E-15	4.76E-15
585	DG 16:0_18:1	0.08	0.06	0.10	2.62E-12	7.21E-12
586	DG 16:1_18:1	0.04	0.01	0.06	3.78E-03	5.26E-03
587	DG 16:0_18:2	-0.05	-0.07	-0.03	2.32E-05	3.90E-05
588	DG 18:0_18:1	0.09	0.07	0.12	2.26E-16	7.75E-16
589	DG 18:1_18:1	0.08	0.05	0.10	2.13E-11	5.41E-11
590	DG 18:0_18:2	-0.02	-0.04	0.01	1.32E-01	1.56E-01
591	DG 18:1_18:2	-0.08	-0.10	-0.05	9.29E-10	2.08E-09
592	DG 18:2_18:2	-0.17	-0.21	-0.14	7.26E-28	3.82E-27
593	DG 18:1_18:3	-0.09	-0.11	-0.06	6.68E-11	1.62E-10
594	DG 16:0_20:4	-0.05	-0.08	-0.02	2.48E-04	3.83E-04
595	DG 18:1_20:3	-0.02	-0.05	0.01	2.53E-01	2.87E-01
596	DG 18:0_20:4	0.00	-0.03	0.03	9.79E-01	9.84E-01
597	DG 18:1_20:4	-0.08	-0.10	-0.05	5.70E-09	1.22E-08
598	DG 16:0_22:5	-0.06	-0.09	-0.04	1.42E-06	2.59E-06
599	DG 18:2_20:4	-0.19	-0.22	-0.16	2.61E-36	1.98E-35
600	DG 16:0_22:6	-0.24	-0.27	-0.21	2.65E-52	3.93E-51
601	DG 18:1_20:5	-0.22	-0.25	-0.19	4.77E-47	6.00E-46
602	DG 18:1_22:5	-0.09	-0.12	-0.06	3.94E-08	7.98E-08
603	DG 18:0_22:6	-0.09	-0.13	-0.06	3.16E-07	6.04E-07
604	DG 18:1_22:6	-0.28	-0.31	-0.25	5.47E-65	1.19E-63
605	DG 18:2_22:6	-0.36	-0.40	-0.33	1.42E-99	2.63E-97
606	TG 48:0 [NL-16:0]	0.01	-0.02	0.05	3.63E-01	4.01E-01
607	TG 48:0 [NL-18:0]	-0.02	-0.06	0.01	1.70E-01	1.98E-01
608	TG 48:0	0.00	-0.03	0.03	9.54E-01	9.67E-01
609	TG 48:1 [NL-16:1]	0.02	-0.01	0.05	1.89E-01	2.19E-01
610	TG 48:1 [NL-18:1]	0.00	-0.03	0.03	8.02E-01	8.27E-01
611	TG 48:1	0.01	-0.02	0.04	5.86E-01	6.22E-01
612	TG 48:2 [NL-14:0]	-0.06	-0.09	-0.03	1.61E-05	2.73E-05
613	TG 48:2 [NL-14:1]	0.02	0.00	0.05	1.01E-01	1.21E-01
614	TG 48:2 [NL-16:1]	0.01	-0.02	0.04	3.86E-01	4.24E-01
615	TG 48:2 [NL-18:2]	-0.09	-0.12	-0.06	1.16E-10	2.78E-10

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
616	TG 48:2	-0.03	-0.06	0.00	3.45E-02	4.36E-02
617	TG 48:3 [NL-14:0]	-0.12	-0.14	-0.09	6.45E-19	2.47E-18
618	TG 48:3 [NL-16:1]	-0.09	-0.12	-0.06	2.18E-11	5.52E-11
619	TG 48:3 [NL-18:3]	-0.10	-0.12	-0.07	8.55E-12	2.23E-11
620	TG 48:3	-0.11	-0.14	-0.08	3.27E-16	1.11E-15
621	TG 49:1 [NL-16:1]	0.12	0.09	0.15	1.00E-13	2.94E-13
622	TG 49:1 [NL-17:1]	0.10	0.07	0.13	2.74E-11	6.85E-11
623	TG 49:1	0.11	0.07	0.14	4.70E-11	1.16E-10
624	TG 50:0 [NL-18:0]	0.04	0.01	0.07	1.05E-02	1.40E-02
625	TG 50:0	0.03	0.00	0.06	5.42E-02	6.66E-02
626	TG 50:1 [NL-14:0]	0.03	0.00	0.06	4.68E-02	5.82E-02
627	TG 50:1 [NL-16:0]	0.07	0.04	0.10	5.88E-06	1.02E-05
628	TG 50:1 [NL-18:1]	0.06	0.03	0.09	2.02E-05	3.41E-05
629	TG 50:1	0.05	0.02	0.08	3.92E-04	5.98E-04
630	TG 50:2 [NL-14:0]	0.01	-0.02	0.05	3.89E-01	4.27E-01
631	TG 50:2 [NL-16:1]	0.07	0.04	0.10	4.58E-06	8.03E-06
632	TG 50:2 [NL-18:1]	0.06	0.03	0.09	4.77E-05	7.81E-05
633	TG 50:2 [NL-18:2]	-0.04	-0.06	-0.01	1.52E-02	1.98E-02
634	TG 50:2	0.05	0.02	0.08	2.45E-03	3.49E-03
635	TG 50:3 [NL-14:0]	-0.11	-0.14	-0.08	6.11E-15	1.95E-14
636	TG 50:3 [NL-14:1]	0.08	0.05	0.10	7.38E-08	1.47E-07
637	TG 50:3 [NL-16:1]	-0.02	-0.05	0.01	1.41E-01	1.66E-01
638	TG 50:3 [NL-18:2]	-0.08	-0.10	-0.05	8.13E-09	1.72E-08
639	TG 50:3 [NL-18:3]	-0.01	-0.04	0.01	2.75E-01	3.11E-01
640	TG 50:3	-0.07	-0.09	-0.04	7.08E-07	1.33E-06
641	TG 50:4 [NL-14:0]	-0.19	-0.21	-0.16	7.73E-38	6.24E-37
642	TG 50:4 [NL-18:3]	-0.10	-0.13	-0.08	3.32E-15	1.08E-14
643	TG 50:4 [NL-20:4]	-0.10	-0.13	-0.07	2.86E-12	7.81E-12
644	TG 50:4	-0.14	-0.16	-0.11	4.77E-26	2.36E-25
645	TG 51:0 [NL-16:0]	0.12	0.09	0.15	1.35E-16	4.66E-16
646	TG 51:1 [NL-17:0]	0.18	0.16	0.21	3.19E-40	3.00E-39
647	TG 51:1	0.17	0.14	0.20	9.07E-35	6.48E-34
648	TG 51:2 [NL-15:0]	0.11	0.07	0.14	2.35E-11	5.91E-11
649	TG 51:2 [NL-17:1]	0.15	0.12	0.17	3.41E-27	1.73E-26
650	TG 51:2	0.11	0.08	0.14	1.21E-14	3.74E-14
651	TG 52:1 [NL-18:0]	0.09	0.06	0.11	6.42E-12	1.70E-11
652	TG 52:1 [NL-18:1]	0.08	0.05	0.11	1.36E-07	2.67E-07
653	TG 52:1	0.09	0.07	0.12	1.75E-12	4.85E-12
654	TG 52:2 [NL-16:0]	0.07	0.04	0.10	1.18E-06	2.17E-06
655	TG 52:2 [NL-18:2]	-0.03	-0.06	0.00	3.84E-02	4.82E-02
656	TG 52:2	0.07	0.04	0.10	1.32E-06	2.42E-06

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
657	TG 52:3 [NL-16:1]	0.05	0.02	0.08	4.52E-03	6.24E-03
658	TG 52:3 [NL-18:2]	-0.10	-0.13	-0.07	1.98E-10	4.70E-10
659	TG 52:3	-0.06	-0.09	-0.03	1.05E-04	1.67E-04
660	TG 52:4 [NL-16:1]	-0.10	-0.13	-0.07	2.01E-10	4.76E-10
661	TG 52:4 [NL-18:2]	-0.15	-0.18	-0.12	3.04E-21	1.24E-20
662	TG 52:4 [NL-18:3]	-0.04	-0.07	-0.01	2.65E-03	3.76E-03
663	TG 52:4	-0.13	-0.16	-0.10	4.82E-17	1.71E-16
664	TG 52:5 [NL-18:3]	-0.17	-0.19	-0.14	1.92E-31	1.16E-30
665	TG 52:5 [NL-20:4]	-0.09	-0.12	-0.06	3.83E-10	8.93E-10
666	TG 52:5 [NL-20:5]	-0.15	-0.18	-0.12	2.44E-23	1.10E-22
667	TG 52:5	-0.17	-0.20	-0.15	1.75E-34	1.20E-33
668	TG 53:2 [NL-17:1]	0.17	0.15	0.20	5.62E-41	5.57E-40
669	TG 53:2 [NL-18:1]	0.20	0.17	0.23	1.51E-45	1.72E-44
670	TG 53:2	0.18	0.15	0.21	2.25E-38	1.90E-37
671	TG 54:0 [NL-18:0]	0.13	0.10	0.16	1.12E-16	3.92E-16
672	TG 54:0	0.09	0.06	0.12	1.10E-09	2.45E-09
673	TG 54:1 [NL-18:1]	0.13	0.11	0.16	3.85E-23	1.70E-22
674	TG 54:1	0.11	0.08	0.13	2.45E-16	8.34E-16
675	TG 54:2 [NL-18:0]	0.14	0.12	0.17	2.68E-31	1.59E-30
676	TG 54:2 [NL-20:1]	0.01	-0.02	0.04	4.49E-01	4.87E-01
677	TG 54:2	0.12	0.09	0.14	7.44E-22	3.11E-21
678	TG 54:3 [NL-18:1]	0.07	0.03	0.10	9.05E-05	1.45E-04
679	TG 54:3 [NL-18:2]	-0.04	-0.07	-0.01	1.14E-02	1.52E-02
680	TG 54:3	0.01	-0.03	0.04	6.75E-01	7.06E-01
681	TG 54:4 [NL-18:2]	-0.08	-0.12	-0.05	1.86E-06	3.38E-06
682	TG 54:4 [NL-20:3]	-0.03	-0.06	-0.01	2.10E-02	2.69E-02
683	TG 54:4	-0.08	-0.11	-0.05	2.06E-06	3.71E-06
684	TG 54:5 [NL-18:3]	-0.07	-0.10	-0.03	7.85E-05	1.27E-04
685	TG 54:5 [NL-20:4]	-0.08	-0.11	-0.05	4.10E-07	7.81E-07
686	TG 54:5	-0.15	-0.18	-0.12	1.55E-20	6.23E-20
687	TG 54:6 [NL-18:3]	-0.20	-0.23	-0.16	7.40E-32	4.66E-31
688	TG 54:6 [NL-20:4]	-0.16	-0.19	-0.13	1.44E-25	7.07E-25
689	TG 54:6 [NL-20:5]	-0.19	-0.22	-0.15	3.17E-33	2.09E-32
690	TG 54:6 [NL-22:6]	-0.20	-0.23	-0.16	7.61E-34	5.09E-33
691	TG 54:6	-0.23	-0.26	-0.20	6.14E-51	8.45E-50
692	TG 54:7 [NL-20:5]	-0.27	-0.30	-0.24	7.29E-75	2.01E-73
693	TG 54:7 [NL-22:6]	-0.28	-0.31	-0.24	3.14E-69	7.78E-68
694	TG 54:7	-0.30	-0.33	-0.27	2.50E-88	1.33E-86
695	TG 56:6 [NL-20:4]	-0.09	-0.13	-0.06	9.88E-07	1.84E-06
696	TG 56:6 [NL-22:5]	-0.12	-0.15	-0.08	5.10E-13	1.46E-12
697	TG 56:6	-0.19	-0.23	-0.16	6.77E-30	3.75E-29

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
698	TG 56:7 [NL-20:4]	-0.17	-0.21	-0.14	2.94E-22	1.24E-21
699	TG 56:7 [NL-20:5]	-0.22	-0.25	-0.18	2.19E-35	1.62E-34
700	TG 56:7 [NL-22:5]	-0.21	-0.24	-0.18	6.10E-41	5.96E-40
701	TG 56:7 [NL-22:6]	-0.25	-0.29	-0.22	3.11E-51	4.44E-50
702	TG 56:7	-0.29	-0.32	-0.26	5.47E-70	1.40E-68
703	TG 56:8 [NL-20:4]	-0.23	-0.26	-0.19	9.75E-41	9.28E-40
704	TG 56:8 [NL-20:5]	-0.32	-0.35	-0.29	5.85E-81	2.17E-79
705	TG 56:8 [NL-22:6]	-0.34	-0.37	-0.31	2.83E-92	2.34E-90
706	TG 56:8	-0.34	-0.37	-0.31	1.25E-95	1.33E-93
707	TG 56:9 [NL-22:6]	-0.38	-0.41	-0.34	4.29E-112	3.19E-109
708	TG 56:9	-0.35	-0.38	-0.32	2.58E-96	3.40E-94
709	TG 58:10 [NL-22:6]	-0.39	-0.43	-0.36	2.73E-110	1.01E-107
710	TG 58:10	-0.35	-0.39	-0.32	3.03E-90	2.05E-88
711	TG 58:8 [NL-22:6]	-0.31	-0.34	-0.27	5.38E-63	1.05E-61
712	TG 58:8	-0.32	-0.36	-0.29	7.54E-71	2.00E-69
713	TG 58:9 [NL-22:6]	-0.38	-0.41	-0.34	2.74E-96	3.40E-94
714	TG 58:9	-0.35	-0.39	-0.32	7.96E-89	4.55E-87
715	TG O-50:1 [NL-15:0]	0.09	0.06	0.12	8.22E-08	1.63E-07
716	TG O-50:1 [NL-16:0]	0.09	0.06	0.12	3.53E-08	7.20E-08
717	TG O-50:1 [NL-17:1]	0.07	0.04	0.11	3.57E-05	5.89E-05
718	TG O-50:1 [NL-18:1]	0.10	0.06	0.13	1.07E-08	2.23E-08
719	TG O-50:1	0.06	0.03	0.10	2.66E-04	4.10E-04
720	TG O-50:2 [NL-16:1]	0.03	0.00	0.07	7.84E-02	9.49E-02
721	TG O-50:2 [NL-18:1]	0.09	0.05	0.13	2.65E-06	4.72E-06
722	TG O-50:2 [NL-18:2]	0.00	-0.03	0.04	8.23E-01	8.47E-01
723	TG O-50:2	0.04	0.00	0.07	6.07E-02	7.42E-02
724	TG O-50:3 [NL-18:2]	-0.06	-0.10	-0.02	2.41E-03	3.44E-03
725	TG O-50:3	-0.06	-0.10	-0.02	3.04E-03	4.29E-03
726	TG O-52:0 [NL-16:0]	0.19	0.16	0.22	9.53E-33	6.21E-32
727	TG O-52:1 [NL-16:0]	0.16	0.13	0.19	4.10E-26	2.06E-25
728	TG O-52:1 [NL-18:1]	0.19	0.15	0.22	4.27E-31	2.48E-30
729	TG O-52:1	0.12	0.08	0.15	2.80E-12	7.69E-12
730	TG O-52:2 [NL-16:0]	0.02	-0.01	0.05	2.25E-01	2.59E-01
731	TG O-52:2 [NL-17:1]	0.10	0.06	0.13	5.58E-09	1.20E-08
732	TG O-52:2 [NL-18:1]	0.11	0.07	0.14	4.31E-10	1.00E-09
733	TG O-52:2	0.06	0.02	0.09	1.23E-03	1.80E-03
734	TG O-54:2 [NL-17:1]	0.11	0.07	0.14	1.29E-08	2.69E-08
735	TG O-54:2 [NL-18:1]	0.20	0.16	0.23	1.16E-31	7.14E-31
736	TG O-54:2	0.07	0.03	0.10	1.42E-04	2.24E-04
737	TG O-54:3 [NL-17:1]	0.09	0.06	0.13	3.51E-07	6.71E-07
738	TG O-54:3 [NL-18:1]	0.09	0.05	0.12	6.64E-07	1.25E-06

Supplementary Table 3: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
739	TG O-54:3	-0.08	-0.12	-0.04	6.46E-05	1.05E-04
740	TG O-54:4 [NL-17:1]	0.00	-0.04	0.03	9.18E-01	9.36E-01
741	TG O-54:4 [NL-18:2]	0.01	-0.02	0.05	4.46E-01	4.84E-01
742	TG O-54:4	0.09	0.06	0.11	9.66E-09	2.04E-08
743	Ubiquinone	0.07	0.04	0.10	2.43E-05	4.07E-05

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
1	SPB 16:1;O2	-0.017	-0.039	0.006	1.49E-01	1.82E-01
2	SPB 18:1;O2	-0.052	-0.074	-0.030	4.33E-06	8.93E-06
3	SPB 18:2;O2	0.013	-0.010	0.035	2.68E-01	3.09E-01
4	SPBP 16:1;O2	-0.031	-0.053	-0.009	5.59E-03	8.40E-03
5	SPBP 18:0;O2	-0.003	-0.025	0.020	8.26E-01	8.45E-01
6	SPBP 18:1;O2	-0.031	-0.053	-0.008	7.46E-03	1.11E-02
7	SPBP 18:2;O2	0.002	-0.020	0.024	8.42E-01	8.60E-01
8	Cer 18:0;O2/16:0	0.001	-0.021	0.023	9.07E-01	9.17E-01
9	Cer 18:0;O2/18:0	-0.026	-0.048	-0.005	1.59E-02	2.22E-02
10	Cer 18:0;O2/20:0	-0.017	-0.038	0.004	1.15E-01	1.43E-01
11	Cer 18:0;O2/22:0	-0.002	-0.020	0.016	8.13E-01	8.36E-01
12	Cer 18:0;O2/24:0	0.038	0.019	0.056	7.08E-05	1.31E-04
13	Cer 18:0;O2/24:1	0.018	-0.001	0.037	6.70E-02	8.67E-02
14	Cer 16:1;O2/16:0	-0.024	-0.043	-0.004	1.89E-02	2.62E-02
15	Cer 16:1;O2/18:0	-0.037	-0.055	-0.018	1.26E-04	2.26E-04
16	Cer 16:1;O2/20:0	-0.026	-0.044	-0.007	6.81E-03	1.01E-02
17	Cer 16:1;O2/22:0	-0.004	-0.022	0.014	6.36E-01	6.76E-01
18	Cer 16:1;O2/23:0	-0.003	-0.023	0.016	7.59E-01	7.89E-01
19	Cer 16:1;O2/24:0	0.034	0.015	0.053	4.93E-04	8.34E-04
20	Cer 16:1;O2/24:1	-0.020	-0.038	-0.002	3.37E-02	4.59E-02
21	Cer 17:1;O2/16:0	-0.039	-0.059	-0.018	2.34E-04	4.07E-04
22	Cer 17:1;O2/18:0	-0.064	-0.085	-0.043	1.58E-09	4.49E-09
23	Cer 17:1;O2/20:0	-0.058	-0.079	-0.038	2.12E-08	5.41E-08
24	Cer 17:1;O2/22:0	-0.054	-0.073	-0.035	3.51E-08	8.79E-08
25	Cer 17:1;O2/23:0	-0.041	-0.061	-0.021	5.35E-05	1.01E-04
26	Cer 17:1;O2/24:0	-0.012	-0.032	0.007	2.20E-01	2.59E-01
27	Cer 17:1;O2/24:1	-0.036	-0.055	-0.016	3.40E-04	5.82E-04
28	Cer 18:1;O2/14:0	0.006	-0.016	0.027	6.04E-01	6.46E-01
29	Cer 18:1;O2/16:0	-0.072	-0.089	-0.055	2.01E-16	8.81E-16
30	Cer 18:1;O2/17:0	-0.001	-0.024	0.021	9.11E-01	9.18E-01
31	Cer 18:1;O2/18:0	-0.106	-0.124	-0.088	9.00E-31	8.36E-30
32	Cer 18:1;O2/19:0	-0.049	-0.070	-0.027	7.86E-06	1.58E-05
33	Cer 18:1;O2/20:0	-0.069	-0.086	-0.052	2.51E-15	1.01E-14
34	Cer 18:1;O2/21:0	-0.052	-0.070	-0.033	3.68E-08	9.15E-08
35	Cer 18:1;O2/22:0	-0.062	-0.079	-0.045	3.11E-13	1.14E-12
36	Cer 18:1;O2/23:0	-0.038	-0.055	-0.021	1.59E-05	3.10E-05
37	Cer 18:1;O2/24:0	-0.007	-0.024	0.009	3.85E-01	4.28E-01
38	Cer 18:1;O2/24:1	-0.049	-0.067	-0.031	5.98E-08	1.46E-07
39	Cer 18:1;O2/26:0	0.035	0.016	0.054	2.49E-04	4.33E-04
40	Cer 18:2;O2/14:0	0.035	0.014	0.056	9.44E-04	1.56E-03
41	Cer 18:2;O2/16:0	0.013	-0.006	0.031	1.97E-01	2.33E-01

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
42	Cer 18:2;O2/17:0	0.008	-0.015	0.030	5.10E-01	5.56E-01
43	Cer 18:2;O2/18:0	-0.043	-0.062	-0.023	1.38E-05	2.72E-05
44	Cer 18:2;O2/20:0	-0.017	-0.036	0.002	8.60E-02	1.10E-01
45	Cer 18:2;O2/21:0	0.008	-0.012	0.029	4.41E-01	4.87E-01
46	Cer 18:2;O2/22:0	-0.009	-0.027	0.010	3.48E-01	3.91E-01
47	Cer 18:2;O2/23:0	0.002	-0.017	0.021	8.17E-01	8.38E-01
48	Cer 18:2;O2/24:0	0.050	0.031	0.069	2.86E-07	6.58E-07
49	Cer 18:2;O2/24:1	0.004	-0.015	0.023	6.89E-01	7.25E-01
50	Cer 18:2;O2/26:0	0.066	0.046	0.086	1.96E-10	6.11E-10
51	Cer 19:1;O2/16:0	-0.065	-0.087	-0.043	4.23E-09	1.16E-08
52	Cer 19:1;O2/18:0	-0.101	-0.121	-0.080	1.51E-21	8.78E-21
53	Cer 19:1;O2/20:0	-0.103	-0.124	-0.082	6.87E-22	4.09E-21
54	Cer 19:1;O2/22:0	-0.097	-0.117	-0.078	9.82E-22	5.79E-21
55	Cer 19:1;O2/23:0	-0.068	-0.089	-0.048	7.87E-11	2.50E-10
56	Cer 19:1;O2/24:0	-0.052	-0.072	-0.032	2.48E-07	5.75E-07
57	Cer 19:1;O2/24:1	-0.075	-0.096	-0.054	2.35E-12	8.33E-12
58	Cer 19:1;O2/26:0	0.005	-0.017	0.027	6.51E-01	6.88E-01
59	Cer 20:1;O2/22:0	-0.021	-0.040	-0.001	3.77E-02	5.08E-02
60	Cer 20:1;O2/23:0	-0.007	-0.027	0.013	5.03E-01	5.50E-01
61	Cer 20:1;O2/24:0	0.039	0.020	0.059	8.74E-05	1.60E-04
62	Cer 20:1;O2/24:1	0.010	-0.010	0.030	3.32E-01	3.76E-01
63	Cer 20:1;O2/26:0	0.049	0.026	0.071	1.89E-05	3.66E-05
64	Cer 18:0;O/20:0	0.000	-0.017	0.016	9.60E-01	9.63E-01
65	Cer 18:0;O/22:0	-0.007	-0.023	0.008	3.62E-01	4.05E-01
66	Cer 18:0;O/23:0	0.004	-0.013	0.020	6.74E-01	7.10E-01
67	Cer 18:0;O/24:0	0.017	0.001	0.034	4.33E-02	5.77E-02
68	Cer 18:0;O/24:1	-0.004	-0.021	0.012	5.85E-01	6.27E-01
69	Cer 18:1;O/18:0	0.012	-0.005	0.029	1.60E-01	1.92E-01
70	Cer 18:1;O/20:0	0.029	0.014	0.044	1.51E-04	2.70E-04
71	Cer 18:1;O/22:0	0.047	0.031	0.063	4.71E-09	1.28E-08
72	Cer 18:1;O/23:0	0.042	0.025	0.058	5.05E-07	1.13E-06
73	Cer 18:1;O/24:0	0.062	0.046	0.079	3.60E-14	1.38E-13
74	Cer 18:1;O/24:1	0.032	0.016	0.048	1.15E-04	2.07E-04
75	Hex-Cer 16:1;O2/18:0	-0.055	-0.076	-0.034	3.27E-07	7.44E-07
76	Hex-Cer 16:1;O2/20:0	-0.028	-0.048	-0.007	7.94E-03	1.17E-02
77	Hex-Cer 16:1;O2/22:0	-0.022	-0.043	-0.001	3.89E-02	5.23E-02
78	Hex-Cer 16:1;O2/24:0	-0.012	-0.033	0.009	2.62E-01	3.03E-01
79	Hex-Cer 18:1;O2/16:0	-0.091	-0.112	-0.069	4.99E-17	2.23E-16
80	Hex-Cer 18:1;O2/18:0	-0.109	-0.129	-0.088	7.15E-25	5.09E-24
81	Hex-Cer 18:1;O2/20:0	-0.062	-0.083	-0.041	8.19E-09	2.19E-08
82	Hex-Cer 18:1;O2/22:0	-0.055	-0.075	-0.035	1.25E-07	2.98E-07

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
83	Hex-Cer 18:1;O2/24:0	-0.017	-0.037	0.003	1.04E-01	1.31E-01
84	Hex-Cer 18:1;O2/24:1	-0.021	-0.042	0.000	4.72E-02	6.24E-02
85	Hex-Cer 18:2;O2/18:0	-0.052	-0.074	-0.031	1.48E-06	3.18E-06
86	Hex-Cer 18:2;O2/20:0	-0.031	-0.053	-0.010	4.18E-03	6.35E-03
87	Hex-Cer 18:2;O2/22:0	-0.019	-0.040	0.002	7.90E-02	1.01E-01
88	Hex-Cer 18:2;O2/24:0	0.001	-0.020	0.021	9.31E-01	9.35E-01
89	Hex2Cer 16:1;O2/16:0	-0.073	-0.094	-0.052	2.13E-11	7.08E-11
90	Hex2Cer 16:1;O2/24:1	-0.018	-0.040	0.004	1.07E-01	1.34E-01
91	Hex2Cer 18:1;O2/16:0	-0.066	-0.086	-0.046	1.09E-10	3.45E-10
92	Hex2Cer 18:1;O2/18:0	0.002	-0.019	0.022	8.49E-01	8.65E-01
93	Hex2Cer 18:1;O2/20:0	-0.057	-0.078	-0.036	1.58E-07	3.70E-07
94	Hex2Cer 18:1;O2/22:0	-0.078	-0.098	-0.057	5.60E-14	2.13E-13
95	Hex2Cer 18:1;O2/24:0	-0.050	-0.070	-0.030	1.40E-06	3.03E-06
96	Hex2Cer 18:1;O2/24:1	-0.044	-0.064	-0.023	3.24E-05	6.17E-05
97	Hex2Cer 18:2;O2/16:0	-0.049	-0.069	-0.028	5.83E-06	1.20E-05
98	Hex2Cer 18:2;O2/24:1	-0.029	-0.049	-0.008	6.00E-03	8.97E-03
99	Hex3Cer 18:1;O2/16:0	-0.013	-0.031	0.005	1.56E-01	1.90E-01
100	Hex3Cer 18:1;O2/18:0	-0.084	-0.104	-0.064	2.85E-16	1.23E-15
101	Hex3Cer 18:1;O2/20:0	-0.048	-0.069	-0.027	6.22E-06	1.27E-05
102	Hex3Cer 18:1;O2/22:0	-0.044	-0.063	-0.025	8.73E-06	1.75E-05
103	Hex3Cer 18:1;O2/24:0	-0.023	-0.042	-0.003	2.32E-02	3.20E-02
104	Hex3Cer 18:1;O2/24:1	-0.025	-0.044	-0.007	8.17E-03	1.20E-02
105	GM3 18:1;O2/16:0	-0.025	-0.044	-0.006	8.76E-03	1.27E-02
106	GM3 18:1;O2/18:0	-0.007	-0.026	0.012	4.57E-01	5.02E-01
107	GM3 18:1;O2/20:0	-0.025	-0.046	-0.003	2.40E-02	3.30E-02
108	GM3 18:1;O2/22:0	-0.009	-0.028	0.009	3.26E-01	3.71E-01
109	GM3 18:1;O2/24:0	0.024	0.005	0.042	1.23E-02	1.75E-02
110	GM3 18:1;O2/24:1	0.010	-0.009	0.030	2.94E-01	3.38E-01
111	GM3 18:2;O2/24:1	0.013	-0.008	0.034	2.32E-01	2.72E-01
112	GM3 20:1;O2/18:0	-0.005	-0.028	0.017	6.44E-01	6.84E-01
113	GM1 18:1;O2/16:0	-0.017	-0.038	0.004	1.17E-01	1.45E-01
114	SHexCer 18:1;O2/16:0;O	-0.024	-0.044	-0.005	1.31E-02	1.84E-02
115	SHexCer 18:1;O2/16:0	0.016	-0.004	0.037	1.12E-01	1.40E-01
116	SHexCer 18:1;O2/18:0;O	0.011	-0.012	0.033	3.55E-01	3.99E-01
117	SHexCer 18:1;O2/18:0	-0.024	-0.046	-0.002	3.42E-02	4.64E-02
118	SHexCer 18:1;O2/24:0;O	0.013	-0.008	0.034	2.31E-01	2.71E-01
119	SHexCer 18:1;O2/24:0	0.051	0.030	0.072	1.96E-06	4.21E-06
120	SHexCer 18:1;O2/24:1;O	0.054	0.034	0.075	3.06E-07	7.03E-07
121	SHexCer 18:1;O2/24:1	-0.006	-0.026	0.014	5.68E-01	6.11E-01
122	SHexCer 18:2;O2/18:0;O	0.015	-0.008	0.037	2.04E-01	2.42E-01
123	SHexCer 18:2;O2/18:0	0.032	0.009	0.054	5.56E-03	8.37E-03

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
124	CerP 18:1;O2/16:0	0.022	0.001	0.042	3.68E-02	4.96E-02
125	SM 17:1;O2/14:0	-0.019	-0.038	0.000	4.58E-02	6.07E-02
126	SM 18:0;O2/14:0	0.016	-0.002	0.034	8.58E-02	1.10E-01
127	SM 18:1;O2/14:0 SM 16:1;O2/16:0	-0.024	-0.040	-0.007	5.61E-03	8.40E-03
128	SM 18:2;O2/14:0	0.021	0.007	0.036	4.13E-03	6.29E-03
129	SM 17:1;O2/16:0	-0.057	-0.075	-0.039	3.66E-10	1.11E-09
130	SM 18:0;O2/16:0	0.006	-0.013	0.025	5.63E-01	6.07E-01
131	SM 18:1;O2/16:0	-0.041	-0.056	-0.026	5.93E-08	1.45E-07
132	SM 18:2;O2/16:0	0.004	-0.010	0.019	5.40E-01	5.85E-01
133	SM 34:3;O2	-0.034	-0.051	-0.017	1.04E-04	1.88E-04
134	SM 16:1;O2/19:0	-0.142	-0.162	-0.122	3.14E-43	4.32E-42
135	SM 18:1;O2/17:0 SM 17:1;O2/18:0	-0.088	-0.108	-0.068	1.21E-17	5.60E-17
136	SM 18:2;O2/17:0	-0.045	-0.064	-0.027	1.81E-06	3.89E-06
137	SM 35:2;O2 [b]	-0.063	-0.079	-0.047	1.33E-14	5.19E-14
138	SM 18:1;O2/18:0 SM 16:1;O2/20:0	-0.063	-0.081	-0.046	9.14E-13	3.28E-12
139	SM 18:2;O2/18:0	-0.044	-0.062	-0.027	6.22E-07	1.38E-06
140	SM 18:2;O2/18:1	-0.057	-0.076	-0.038	2.29E-09	6.43E-09
141	SM 37:1;O2	-0.033	-0.052	-0.014	7.58E-04	1.26E-03
142	SM 37:2;O2	-0.009	-0.028	0.011	3.79E-01	4.24E-01
143	SM 18:1;O2/20:0 SM 16:1;O2/22:0	0.014	-0.003	0.030	1.13E-01	1.41E-01
144	SM 18:2;O2/20:0	0.011	-0.007	0.028	2.40E-01	2.80E-01
145	SM 38:3;O2 [a]	0.031	0.012	0.051	1.49E-03	2.39E-03
146	SM 38:3;O2 [b]	-0.056	-0.076	-0.035	1.47E-07	3.47E-07
147	SM 16:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/22:0	0.007	-0.011	0.025	4.33E-01	4.79E-01
148	SM 18:0;O2/22:0	0.013	-0.005	0.031	1.65E-01	1.99E-01
149	SM 18:1;O2/22:0 SM 16:1;O2/24:0	0.009	-0.008	0.025	2.99E-01	3.42E-01
150	SM 16:1;O2/24:1	0.029	0.011	0.047	1.62E-03	2.59E-03
151	SM 18:2;O2/22:0	0.021	0.005	0.038	1.24E-02	1.75E-02
152	SM 40:3;O2 [a]	0.078	0.061	0.095	5.40E-19	2.68E-18
153	SM 40:3;O2 [b]	-0.105	-0.125	-0.086	1.19E-26	9.47E-26
154	SM 41:0;O2	-0.002	-0.021	0.016	7.99E-01	8.23E-01
155	SM 41:1;O2 [a]	-0.056	-0.076	-0.036	3.98E-08	9.86E-08
156	SM 18:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/24:0	0.022	0.005	0.038	1.14E-02	1.63E-02
157	SM 17:1;O2/24:1	-0.031	-0.050	-0.013	9.03E-04	1.49E-03
158	SM 18:2;O2/23:0	0.025	0.008	0.041	4.07E-03	6.22E-03
159	SM 18:1;O2/24:0	0.049	0.032	0.065	8.64E-09	2.30E-08
160	SM 18:1;O2/24:1	0.028	0.010	0.046	2.90E-03	4.50E-03
161	SM 18:2;O2/24:0	0.073	0.057	0.089	2.93E-18	1.41E-17
162	SM 43:1;O2	0.024	0.006	0.043	1.13E-02	1.63E-02
163	SM 19:1;O2/24:1	-0.035	-0.056	-0.014	1.20E-03	1.94E-03
164	SM 43:2;O2 [b]	-0.053	-0.072	-0.034	6.83E-08	1.65E-07

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
165	SM 43:2;O2 [c]	0.052	0.033	0.071	9.31E-08	2.25E-07
166	SM 44:1;O2	0.058	0.040	0.076	2.91E-10	8.96E-10
167	SM 44:2;O2	0.084	0.066	0.103	1.65E-19	8.49E-19
168	SM 44:3;O2	0.142	0.124	0.160	1.50E-52	2.73E-51
169	PC 28:0	-0.010	-0.031	0.010	3.25E-01	3.70E-01
170	PC 14:0_16:0	0.010	-0.009	0.028	3.07E-01	3.50E-01
171	PC 31:0 [a]	-0.109	-0.130	-0.088	5.45E-24	3.71E-23
172	PC 31:0 [b]	-0.030	-0.052	-0.009	4.78E-03	7.23E-03
173	PC 16:0_16:0	0.037	0.020	0.053	1.20E-05	2.37E-05
174	PC 32:1	-0.061	-0.079	-0.043	3.62E-11	1.18E-10
175	PC 32:2	0.022	0.004	0.040	1.51E-02	2.12E-02
176	PC 33:0 [a]	-0.105	-0.125	-0.086	2.20E-25	1.61E-24
177	PC 33:0 [b]	-0.024	-0.044	-0.004	2.02E-02	2.80E-02
178	PC 33:1	-0.119	-0.138	-0.100	3.11E-34	3.67E-33
179	PC 33:2	-0.017	-0.037	0.003	1.04E-01	1.31E-01
180	PC 16:0_18:0	0.023	0.008	0.039	3.39E-03	5.20E-03
181	PC 16:0_18:1	-0.075	-0.093	-0.058	2.54E-17	1.17E-16
182	PC 16:0_18:2	0.010	-0.009	0.029	3.08E-01	3.52E-01
183	PC 16:1_18:2	0.035	0.018	0.052	6.60E-05	1.23E-04
184	PC 16:0_18:3 [a]	-0.020	-0.039	-0.002	2.95E-02	4.02E-02
185	PC 16:0_18:3 [b]	-0.055	-0.073	-0.037	1.56E-09	4.46E-09
186	PC 14:0_20:4	0.038	0.020	0.056	3.88E-05	7.38E-05
187	PC 34:5	0.084	0.065	0.103	9.00E-18	4.21E-17
188	PC 16:0;Me_18:1	-0.148	-0.168	-0.128	1.07E-46	1.56E-45
189	PC 17:0_18:1	-0.106	-0.125	-0.086	5.71E-27	4.66E-26
190	PC 16:0;Me_18:2	-0.081	-0.101	-0.061	6.54E-15	2.60E-14
191	PC 17:0_18:2	0.000	-0.020	0.020	9.94E-01	9.94E-01
192	PC 17:1_18:2	-0.030	-0.049	-0.012	1.46E-03	2.34E-03
193	PC 15:0_20:3	-0.031	-0.051	-0.010	2.92E-03	4.53E-03
194	PC 15:0_20:4	0.025	0.005	0.046	1.42E-02	1.99E-02
195	PC 35:5	0.075	0.055	0.095	4.03E-13	1.47E-12
196	PC 18:0_18:1	-0.118	-0.136	-0.101	1.82E-39	2.41E-38
197	PC 18:1_18:1	-0.059	-0.077	-0.041	1.19E-10	3.73E-10
198	PC 18:0_18:2	-0.016	-0.034	0.003	1.00E-01	1.27E-01
199	PC 18:1_18:2	0.019	0.001	0.037	4.30E-02	5.73E-02
200	PC 16:0_20:3 [a]	-0.008	-0.025	0.009	3.47E-01	3.90E-01
201	PC 16:0_20:3 [b]	-0.091	-0.110	-0.072	3.27E-21	1.84E-20
202	PC 18:2_18:2	0.045	0.026	0.064	4.51E-06	9.27E-06
203	PC 16:0_20:4	0.041	0.021	0.061	5.58E-05	1.05E-04
204	PC 16:1_20:4	0.052	0.035	0.069	2.59E-09	7.27E-09
205	PC 16:0_20:5	0.093	0.074	0.112	6.77E-22	4.06E-21

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
206	PC 36:6 [a]	0.086	0.068	0.105	5.03E-20	2.69E-19
207	PC 14:0_22:6	0.159	0.141	0.177	6.13E-64	1.57E-62
208	PC 16:0;Me_20:4	-0.032	-0.053	-0.012	1.54E-03	2.46E-03
209	PC 17:0_20:4	0.035	0.014	0.056	9.68E-04	1.59E-03
210	PC 15:0_22:6	0.163	0.143	0.182	2.33E-57	4.94E-56
211	PC 38:2	0.029	0.012	0.045	5.82E-04	9.76E-04
212	PC 18:0_20:3	0.005	-0.011	0.022	5.27E-01	5.72E-01
213	PC 18:1_20:3	0.033	0.016	0.051	2.01E-04	3.54E-04
214	PC 38:4 [b]	-0.057	-0.075	-0.039	2.68E-10	8.30E-10
215	PC 18:0_20:4	0.036	0.016	0.056	3.19E-04	5.49E-04
216	PC 38:5 [a]	0.021	0.002	0.040	3.44E-02	4.67E-02
217	PC 38:5 [b]	0.062	0.044	0.081	2.78E-11	9.13E-11
218	PC 38:6 [a]	0.085	0.069	0.102	1.18E-23	7.81E-23
219	PC 16:0_22:6	0.208	0.189	0.228	8.34E-95	2.07E-92
220	PC 18:2_20:5	0.113	0.094	0.132	5.81E-32	5.75E-31
221	PC 16:1_22:6	0.179	0.161	0.197	1.10E-83	6.81E-82
222	PC 38:7 [c]	0.159	0.140	0.177	3.48E-62	8.35E-61
223	PC 39:5 [a]	-0.033	-0.053	-0.012	1.79E-03	2.83E-03
224	PC 39:5 [b]	0.032	0.012	0.052	1.90E-03	3.00E-03
225	PC 16:0;Me_22:6	0.117	0.096	0.138	5.11E-28	4.31E-27
226	PC 17:0_22:6	0.182	0.162	0.203	1.61E-66	4.79E-65
227	PC 40:10	0.026	0.006	0.045	9.11E-03	1.32E-02
228	PC 18:0_22:4	-0.070	-0.089	-0.051	3.82E-13	1.40E-12
229	PC 20:0_20:4	0.043	0.022	0.064	6.62E-05	1.23E-04
230	PC 18:0_22:5(n3) PC 20:1_20:4	-0.003	-0.022	0.016	7.79E-01	8.05E-01
231	PC 18:0_22:5(n6)	-0.055	-0.075	-0.036	1.55E-08	4.04E-08
232	PC 18:0_22:6	0.190	0.170	0.210	3.04E-78	1.26E-76
233	PC 40:7 [a]	0.052	0.035	0.070	5.17E-09	1.40E-08
234	PC 18:1_22:6 [a]	0.207	0.187	0.226	6.79E-94	1.26E-91
235	PC 18:1_22:6 [b]	0.108	0.087	0.129	9.78E-24	6.55E-23
236	PC 40:8	0.172	0.155	0.189	1.30E-82	6.92E-81
237	PC 44:12	0.196	0.175	0.217	6.54E-73	2.43E-71
238	PC O-16:0/16:0	-0.028	-0.048	-0.008	5.08E-03	7.65E-03
239	PC O-32:1	-0.022	-0.040	-0.003	2.23E-02	3.08E-02
240	PC O-32:2	0.034	0.013	0.056	1.50E-03	2.40E-03
241	PC O-34:1	-0.045	-0.063	-0.027	5.77E-07	1.29E-06
242	PC O-34:2	-0.032	-0.052	-0.011	2.29E-03	3.59E-03
243	PC O-34:4	0.049	0.027	0.070	7.03E-06	1.42E-05
244	PC O-35:4	-0.015	-0.036	0.007	1.82E-01	2.17E-01
245	PC O-36:0	-0.109	-0.129	-0.089	1.23E-26	9.75E-26
246	PC O-18:0/18:1	-0.150	-0.170	-0.131	5.15E-52	9.10E-51

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
247	PC O-18:1/18:1	-0.013	-0.031	0.006	1.69E-01	2.02E-01
248	PC O-18:0/18:2	-0.104	-0.124	-0.084	2.00E-24	1.39E-23
249	PC O-18:1/18:2	-0.003	-0.023	0.017	7.82E-01	8.07E-01
250	PC O-16:0/20:3	-0.094	-0.115	-0.073	3.13E-18	1.49E-17
251	PC O-16:0/20:4	-0.039	-0.060	-0.019	1.59E-04	2.83E-04
252	PC O-36:5	0.067	0.045	0.088	1.49E-09	4.27E-09
253	PC O-18:0/20:4	-0.153	-0.174	-0.133	1.08E-47	1.78E-46
254	PC O-38:5	0.013	-0.009	0.034	2.39E-01	2.79E-01
255	PC O-16:0/22:6	0.129	0.108	0.150	2.60E-33	2.93E-32
256	PC O-40:5	-0.062	-0.083	-0.041	6.47E-09	1.75E-08
257	PC O-18:0/22:6	0.067	0.046	0.088	2.66E-10	8.25E-10
258	PC O-40:7 [a]	0.180	0.159	0.200	1.13E-65	3.24E-64
259	PC O-40:7 [b]	-0.003	-0.025	0.019	8.05E-01	8.28E-01
260	PC P-16:0/14:0	-0.038	-0.058	-0.019	1.11E-04	2.01E-04
261	PC P-16:0/16:0	-0.010	-0.029	0.008	2.79E-01	3.20E-01
262	PC P-16:0/16:1	-0.001	-0.018	0.016	9.09E-01	9.18E-01
263	PC P-16:0/18:0	-0.076	-0.094	-0.057	5.96E-16	2.53E-15
264	PC P-16:0/18:1	-0.038	-0.053	-0.023	6.07E-07	1.35E-06
265	PC P-16:0/18:2	0.018	0.000	0.036	4.92E-02	6.49E-02
266	PC P-16:0/18:3	-0.028	-0.048	-0.007	8.09E-03	1.19E-02
267	PC P-35:2 [a]	-0.047	-0.067	-0.027	3.96E-06	8.21E-06
268	PC P-35:2 [b]	-0.032	-0.052	-0.012	1.96E-03	3.09E-03
269	PC P-15:0/20:4 [a]	-0.035	-0.057	-0.013	1.67E-03	2.66E-03
270	PC P-15:0/20:4 [b]	-0.017	-0.038	0.005	1.33E-01	1.64E-01
271	PC P-18:1/18:1	-0.050	-0.066	-0.033	1.14E-08	3.01E-08
272	PC P-18:0/18:2	-0.033	-0.052	-0.014	5.69E-04	9.57E-04
273	PC P-36:3	-0.033	-0.052	-0.013	1.15E-03	1.87E-03
274	PC P-16:0/20:4	0.014	-0.006	0.034	1.59E-01	1.92E-01
275	PC P-16:0/20:5	0.072	0.052	0.093	4.56E-12	1.56E-11
276	PC P-17:0/20:4 [a]	-0.057	-0.077	-0.036	6.81E-08	1.65E-07
277	PC P-17:0/20:4 [b]	-0.028	-0.049	-0.007	8.74E-03	1.27E-02
278	PC P-18:0/20:4	-0.027	-0.047	-0.007	8.72E-03	1.27E-02
279	PC P-38:5 [a]	0.045	0.027	0.063	9.43E-07	2.05E-06
280	PC P-38:5 [b]	0.025	0.005	0.045	1.47E-02	2.07E-02
281	PC P-16:0/22:6	0.171	0.151	0.191	1.54E-63	3.82E-62
282	PC P-20:0/20:4	-0.012	-0.032	0.008	2.42E-01	2.81E-01
283	PC P-18:0/22:5	0.017	-0.002	0.036	8.53E-02	1.09E-01
284	PC P-18:0/22:6	0.122	0.102	0.142	2.43E-33	2.78E-32
285	PC P-18:1/22:6	0.150	0.131	0.168	2.14E-55	4.29E-54
286	LPC 0:0/14:0	0.030	0.009	0.050	4.87E-03	7.36E-03
287	LPC 14:0/0:0	0.027	0.006	0.047	1.20E-02	1.70E-02

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
288	LPC 0:0/15:0	-0.015	-0.037	0.007	1.68E-01	2.01E-01
289	LPC 15:0/0:0	0.004	-0.018	0.026	7.46E-01	7.78E-01
290	LPC 0:0/16:0	0.044	0.024	0.065	2.60E-05	5.00E-05
291	LPC 16:0/0:0	0.035	0.014	0.055	1.04E-03	1.71E-03
292	LPC 0:0/16:1	0.004	-0.016	0.024	7.14E-01	7.48E-01
293	LPC 16:1/0:0	-0.004	-0.025	0.016	6.86E-01	7.22E-01
294	LPC 0:0/16:0;Me	-0.056	-0.077	-0.034	4.70E-07	1.06E-06
295	LPC 16:0;Me/0:0 LPC 0:0/17:0	-0.032	-0.053	-0.010	4.11E-03	6.27E-03
296	LPC 16:0;Me/0:0 (PI-104)	-0.055	-0.077	-0.033	7.14E-07	1.58E-06
297	LPC 17:0/0:0	0.017	-0.005	0.038	1.34E-01	1.65E-01
298	LPC 0:0/17:1 [a]	-0.049	-0.070	-0.028	5.87E-06	1.20E-05
299	LPC 17:1/0:0	-0.046	-0.067	-0.024	2.51E-05	4.85E-05
300	LPC 17:1/0:0 [a] (PI-104)	-0.047	-0.068	-0.026	1.52E-05	2.96E-05
301	LPC 17:1/0:0 [b]	-0.103	-0.124	-0.082	3.08E-21	1.75E-20
302	LPC 0:0/18:0	0.024	0.003	0.045	2.57E-02	3.53E-02
303	LPC 18:0/0:0	0.021	0.000	0.042	5.12E-02	6.72E-02
304	LPC 0:0/18:1	-0.016	-0.036	0.004	1.17E-01	1.45E-01
305	LPC 18:1/0:0	-0.026	-0.046	-0.005	1.30E-02	1.84E-02
306	LPC 0:0/18:2	0.053	0.033	0.072	1.46E-07	3.47E-07
307	LPC 18:2/0:0	0.044	0.025	0.064	9.19E-06	1.83E-05
308	LPC 0:0/18:3 [a]	0.015	-0.006	0.037	1.54E-01	1.87E-01
309	LPC 18:3/0:0	0.003	-0.018	0.024	7.64E-01	7.93E-01
310	LPC 18:3/0:0 [a] (PI-104)	0.022	0.001	0.044	4.04E-02	5.42E-02
311	LPC 18:3/0:0 [b]	-0.033	-0.053	-0.012	2.26E-03	3.54E-03
312	LPC 0:0/19:0 [a]	-0.001	-0.022	0.020	9.20E-01	9.26E-01
313	LPC 19:0/0:0	0.048	0.026	0.069	1.12E-05	2.23E-05
314	LPC 19:0/0:0 [a] (PI-104)	-0.006	-0.027	0.016	5.96E-01	6.38E-01
315	LPC 19:0/0:0 [b]	0.089	0.068	0.110	1.68E-16	7.39E-16
316	LPC 19:1 [a]	-0.018	-0.039	0.003	1.00E-01	1.26E-01
317	LPC 19:1 [b]	-0.023	-0.044	-0.002	3.54E-02	4.79E-02
318	LPC 19:1 [c]	0.015	-0.006	0.037	1.57E-01	1.90E-01
319	LPC 0:0/20:0	0.099	0.079	0.120	4.01E-21	2.24E-20
320	LPC 20:0/0:0	0.104	0.084	0.125	4.95E-23	3.14E-22
321	LPC 0:0/20:1	0.107	0.086	0.129	7.04E-23	4.40E-22
322	LPC 20:1/0:0	0.101	0.080	0.123	1.40E-20	7.68E-20
323	LPC 0:0/20:2	0.091	0.071	0.111	2.52E-18	1.22E-17
324	LPC 20:2/0:0	0.084	0.064	0.105	1.48E-15	6.05E-15
325	LPC 0:0/20:3	0.039	0.019	0.059	1.14E-04	2.05E-04
326	LPC 20:3/0:0	0.013	-0.007	0.033	2.17E-01	2.55E-01
327	LPC 0:0/20:4	0.059	0.038	0.080	2.39E-08	6.03E-08
328	LPC 20:4/0:0	0.050	0.029	0.071	3.35E-06	7.01E-06

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
329	LPC 0:0/20:5	0.102	0.081	0.122	5.75E-22	3.47E-21
330	LPC 20:5/0:0	0.095	0.074	0.116	3.69E-19	1.87E-18
331	LPC 0:0/22:0	0.123	0.103	0.143	4.86E-32	4.88E-31
332	LPC 22:0/0:0	0.132	0.112	0.153	1.38E-37	1.76E-36
333	LPC 0:0/22:1	0.113	0.092	0.134	4.95E-26	3.76E-25
334	LPC 22:1/0:0	0.113	0.092	0.133	3.69E-26	2.83E-25
335	LPC 0:0/22:4	-0.045	-0.065	-0.025	1.46E-05	2.86E-05
336	LPC 22:4/0:0	-0.046	-0.067	-0.026	8.93E-06	1.78E-05
337	LPC 0:0/22:5 [n3]	0.034	0.014	0.054	7.98E-04	1.33E-03
338	LPC 22:5 [n3]/0:0 LPC 22:5 [n6]/0:0	0.008	-0.012	0.028	4.45E-01	4.91E-01
339	LPC 22:5 [n3]/0:0 [PI-104]	0.018	-0.003	0.038	8.72E-02	1.11E-01
340	LPC 22:5 [n6]/0:0	-0.039	-0.060	-0.018	2.91E-04	5.04E-04
341	LPC 0:0/22:6	0.210	0.189	0.231	6.29E-85	4.67E-83
342	LPC 22:6/0:0	0.205	0.184	0.226	7.75E-80	3.60E-78
343	LPC 0:0/24:0	0.152	0.133	0.171	5.29E-55	1.03E-53
344	LPC 24:0/0:0	0.158	0.139	0.176	4.66E-61	1.05E-59
345	LPC 0:0/26:0	0.113	0.094	0.132	2.13E-32	2.23E-31
346	LPC 26:0/0:0	0.100	0.082	0.119	8.51E-27	6.87E-26
347	LPC O-16:0/0:0	-0.012	-0.035	0.010	2.66E-01	3.08E-01
348	LPC O-18:0/0:0	-0.086	-0.108	-0.065	1.78E-15	7.24E-15
349	LPC O-18:1/0:0	0.021	-0.001	0.043	6.64E-02	8.60E-02
350	LPC O-20:0/0:0	-0.025	-0.046	-0.004	1.75E-02	2.43E-02
351	LPC O-20:1/0:0	0.003	-0.018	0.025	7.67E-01	7.94E-01
352	LPC O-22:0/0:0	0.027	0.006	0.048	1.18E-02	1.68E-02
353	LPC O-22:1/0:0	0.060	0.039	0.081	1.75E-08	4.52E-08
354	LPC O-24:0/0:0	0.056	0.035	0.077	1.68E-07	3.92E-07
355	LPC O-24:1/0:0	0.088	0.066	0.109	8.68E-16	3.60E-15
356	LPC O-24:2/0:0	0.171	0.150	0.192	2.96E-57	6.11E-56
357	LPC P-16:0/0:0	0.038	0.017	0.060	5.09E-04	8.59E-04
358	LPC P-17:0/0:0 [a]	-0.040	-0.061	-0.019	2.59E-04	4.49E-04
359	LPC P-17:0/0:0 [b]	-0.022	-0.044	-0.001	4.18E-02	5.60E-02
360	LPC P-18:0/0:0	-0.004	-0.025	0.017	6.94E-01	7.27E-01
361	LPC P-18:1/0:0	0.035	0.014	0.057	1.33E-03	2.15E-03
362	LPC P-20:0/0:0	0.055	0.034	0.075	1.81E-07	4.23E-07
363	PE 16:0_16:0	0.025	0.005	0.045	1.63E-02	2.27E-02
364	PE 16:0_16:1	-0.059	-0.077	-0.040	8.00E-10	2.37E-09
365	PE 16:0_18:1	-0.042	-0.060	-0.025	2.28E-06	4.85E-06
366	PE 16:0_18:2	-0.024	-0.042	-0.006	1.02E-02	1.47E-02
367	PE 16:1_18:2	-0.030	-0.049	-0.011	1.84E-03	2.91E-03
368	PE 16:0_18:3 [a]	-0.023	-0.042	-0.005	1.52E-02	2.13E-02
369	PE 16:0_18:3 [b]	-0.061	-0.080	-0.042	3.51E-10	1.07E-09

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
370	PE 16:0;Me_18:1	-0.095	-0.115	-0.075	1.69E-20	9.16E-20
371	PE 17:0_18:1	-0.054	-0.073	-0.036	1.05E-08	2.77E-08
372	PE 16:0;Me_18:2	-0.076	-0.095	-0.056	6.44E-14	2.44E-13
373	PE 17:0_18:2	-0.043	-0.062	-0.024	7.25E-06	1.46E-05
374	PE 36:0	0.022	0.000	0.044	4.93E-02	6.49E-02
375	PE 18:0_18:1	-0.025	-0.042	-0.009	2.41E-03	3.76E-03
376	PE 18:1_18:1	-0.019	-0.038	0.000	4.44E-02	5.91E-02
377	PE 18:0_18:2	-0.029	-0.045	-0.012	6.23E-04	1.04E-03
378	PE 18:1_18:2	-0.005	-0.024	0.013	5.71E-01	6.13E-01
379	PE 16:0_20:3	-0.033	-0.051	-0.015	3.29E-04	5.64E-04
380	PE 16:0_20:4	-0.018	-0.036	0.000	4.71E-02	6.24E-02
381	PE 16:1_20:4	0.010	-0.008	0.029	2.83E-01	3.25E-01
382	PE 16:0_20:5	0.036	0.017	0.054	1.41E-04	2.51E-04
383	PE 16:0;Me_20:4	-0.063	-0.083	-0.043	1.03E-09	3.02E-09
384	PE 17:0_20:4	-0.020	-0.039	-0.001	3.96E-02	5.32E-02
385	PE 18:0_20:3 [a]	-0.008	-0.024	0.009	3.59E-01	4.02E-01
386	PE 18:0_20:3 [b]	-0.093	-0.111	-0.074	5.66E-23	3.56E-22
387	PE 18:0_20:4	-0.015	-0.032	0.002	8.11E-02	1.04E-01
388	PE 38:5 [a]	-0.015	-0.033	0.003	1.07E-01	1.34E-01
389	PE 38:5 [b]	0.004	-0.013	0.021	6.60E-01	6.96E-01
390	PE 16:0_22:6	0.100	0.082	0.119	2.05E-26	1.60E-25
391	PE 16:0;Me_22:6	0.052	0.033	0.072	1.54E-07	3.62E-07
392	PE 17:0_22:6	0.091	0.072	0.111	9.46E-21	5.24E-20
393	PE 18:0_22:4	-0.063	-0.080	-0.045	1.97E-12	7.01E-12
394	PE 20:0_20:4	0.039	0.019	0.059	1.36E-04	2.43E-04
395	PE 18:0_22:5(n3)	-0.038	-0.054	-0.021	6.89E-06	1.40E-05
396	PE 18:0_22:5(n6)	-0.054	-0.071	-0.037	8.21E-10	2.42E-09
397	PE 18:0_22:6	0.096	0.079	0.113	1.71E-28	1.47E-27
398	PE 18:1_22:6 [a]	0.109	0.091	0.127	4.81E-32	4.88E-31
399	PE 18:1_22:6 [b]	0.055	0.036	0.074	7.93E-09	2.13E-08
400	PE O-34:1	-0.039	-0.059	-0.020	9.06E-05	1.65E-04
401	PE O-16:0/18:2	-0.004	-0.025	0.017	6.93E-01	7.27E-01
402	PE O-18:1/18:2	0.036	0.014	0.057	1.05E-03	1.72E-03
403	PE O-16:0/20:3	-0.053	-0.075	-0.032	7.85E-07	1.72E-06
404	PE O-16:0/20:4	-0.005	-0.026	0.016	6.46E-01	6.84E-01
405	PE O-36:5	0.065	0.043	0.086	2.90E-09	8.06E-09
406	PE O-16:0/22:4	-0.125	-0.146	-0.104	1.57E-32	1.67E-31
407	PE O-18:0/20:4	-0.051	-0.073	-0.030	2.18E-06	4.65E-06
408	PE O-38:5 [a]	-0.076	-0.096	-0.055	5.03E-13	1.82E-12
409	PE O-38:5 [b]	-0.026	-0.047	-0.006	1.14E-02	1.63E-02
410	PE O-16:0/22:6	0.116	0.096	0.136	1.30E-29	1.15E-28

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
411	PE O-18:0/22:5	-0.151	-0.171	-0.130	8.33E-47	1.24E-45
412	PE O-18:0/22:6	0.050	0.030	0.070	8.96E-07	1.96E-06
413	PE O-18:1/22:6	0.151	0.131	0.171	1.28E-47	2.07E-46
414	PE P-15:0/20:4	-0.075	-0.097	-0.054	4.52E-12	1.56E-11
415	PE P-15:0/22:6 [a]	0.021	-0.001	0.043	6.28E-02	8.17E-02
416	PE P-15:0/22:6 [b]	0.060	0.039	0.081	1.83E-08	4.71E-08
417	PE P-16:0/18:1	-0.105	-0.125	-0.085	1.11E-25	8.13E-25
418	PE P-16:0/18:2	-0.058	-0.079	-0.037	4.19E-08	1.03E-07
419	PE P-16:0/18:3	-0.072	-0.093	-0.050	3.77E-11	1.22E-10
420	PE P-16:0/20:3 [a]	-0.063	-0.084	-0.042	3.11E-09	8.63E-09
421	PE P-16:0/20:3 [b]	-0.096	-0.116	-0.075	2.55E-19	1.31E-18
422	PE P-16:0/20:4	0.016	-0.005	0.037	1.30E-01	1.61E-01
423	PE P-16:0/20:5	0.054	0.034	0.075	2.68E-07	6.21E-07
424	PE P-16:0/22:4	-0.143	-0.163	-0.124	2.60E-47	4.11E-46
425	PE P-16:0/22:5(n3)	-0.095	-0.114	-0.076	2.04E-22	1.26E-21
426	PE P-16:0/22:5(n6)	-0.050	-0.070	-0.031	6.37E-07	1.41E-06
427	PE P-16:0/22:6	0.140	0.121	0.160	1.11E-44	1.58E-43
428	PE P-17:0/20:4 [a]	-0.041	-0.062	-0.019	1.84E-04	3.26E-04
429	PE P-17:0/20:4 [b]	-0.006	-0.027	0.016	6.09E-01	6.50E-01
430	PE P-17:0/22:6 [a]	0.074	0.054	0.095	1.39E-12	4.98E-12
431	PE P-17:0/22:6 [b]	0.107	0.086	0.128	1.52E-23	1.00E-22
432	PE P-18:0/18:1	-0.115	-0.135	-0.095	4.44E-29	3.88E-28
433	PE P-18:0/18:2	-0.093	-0.113	-0.072	7.45E-19	3.64E-18
434	PE P-18:0/18:3	-0.023	-0.044	-0.003	2.78E-02	3.80E-02
435	PE P-18:0/20:3 [a]	-0.097	-0.118	-0.076	3.12E-19	1.59E-18
436	PE P-18:0/20:3 [b]	-0.110	-0.131	-0.090	1.05E-25	7.79E-25
437	PE P-18:0/20:4	-0.018	-0.040	0.003	8.59E-02	1.10E-01
438	PE P-18:0/20:5	0.033	0.012	0.054	1.79E-03	2.83E-03
439	PE P-18:0/22:4	-0.192	-0.212	-0.172	9.14E-77	3.57E-75
440	PE P-18:0/22:5(n3)	-0.156	-0.175	-0.136	3.99E-54	7.60E-53
441	PE P-18:0/22:5(n6)	-0.114	-0.135	-0.093	2.20E-26	1.70E-25
442	PE P-18:0/22:6	0.109	0.089	0.130	5.56E-26	4.18E-25
443	PE P-18:1/18:1	-0.063	-0.083	-0.044	3.41E-10	1.04E-09
444	PE P-18:1/18:1 [a]	-0.053	-0.073	-0.034	1.24E-07	2.96E-07
445	PE P-18:1/18:1 [b]	-0.098	-0.119	-0.076	1.54E-19	8.01E-19
446	PE P-18:1/18:2 [a]	-0.012	-0.033	0.009	2.71E-01	3.12E-01
447	PE P-18:1/18:2 [b]	-0.107	-0.128	-0.086	3.03E-23	1.96E-22
448	PE P-18:1/18:3	0.010	-0.011	0.031	3.43E-01	3.87E-01
449	PE P-18:1/20:3 [a]	-0.073	-0.094	-0.052	6.63E-12	2.24E-11
450	PE P-18:1/20:3 [b]	-0.121	-0.141	-0.100	5.71E-30	5.11E-29
451	PE P-18:1/20:4 [a]	0.029	0.008	0.051	6.27E-03	9.35E-03

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
452	PE P-18:1/20:4 [b]	-0.047	-0.068	-0.025	1.77E-05	3.45E-05
453	PE P-18:1/20:5 [a]	0.087	0.066	0.107	7.23E-17	3.22E-16
454	PE P-18:1/20:5 [b]	0.007	-0.014	0.028	5.18E-01	5.63E-01
455	PE P-18:1/22:4	-0.141	-0.161	-0.120	4.92E-42	6.65E-41
456	PE P-18:1/22:5 [a]	-0.079	-0.098	-0.060	1.09E-15	4.48E-15
457	PE P-18:1/22:5 [b]	-0.085	-0.106	-0.065	7.19E-16	3.03E-15
458	PE P-18:1/22:6 [a]	0.183	0.163	0.203	6.74E-69	2.28E-67
459	PE P-18:1/22:6 [b]	0.062	0.041	0.082	3.49E-09	9.57E-09
460	PE P-19:0/20:4 [a]	-0.004	-0.025	0.018	7.46E-01	7.78E-01
461	PE P-19:0/20:4 [b]	0.029	0.007	0.050	9.11E-03	1.32E-02
462	PE P-20:0/18:1	-0.032	-0.052	-0.011	3.08E-03	4.75E-03
463	PE P-20:0/18:2	0.015	-0.006	0.035	1.63E-01	1.96E-01
464	PE P-20:0/20:4	0.054	0.033	0.075	4.14E-07	9.41E-07
465	PE P-20:0/22:6	0.172	0.152	0.191	5.38E-65	1.43E-63
466	PE P-20:1/20:4	0.057	0.035	0.078	3.24E-07	7.40E-07
467	PE P-20:1/22:6	0.141	0.120	0.162	5.90E-39	7.70E-38
468	LPE 0:0/16:0	0.052	0.032	0.071	2.84E-07	6.56E-07
469	LPE 16:0/0:0	0.050	0.031	0.070	4.93E-07	1.11E-06
470	LPE 0:0/17:0	-0.006	-0.029	0.016	5.69E-01	6.12E-01
471	LPE 17:0/0:0	0.002	-0.021	0.024	8.77E-01	8.89E-01
472	LPE 0:0/18:0	0.009	-0.009	0.028	3.30E-01	3.75E-01
473	LPE 18:0/0:0	0.014	-0.005	0.032	1.47E-01	1.80E-01
474	LPE 0:0/18:1	-0.041	-0.061	-0.021	7.15E-05	1.31E-04
475	LPE 18:1/0:0	-0.049	-0.069	-0.028	2.48E-06	5.25E-06
476	LPE 0:0/18:2	-0.048	-0.069	-0.027	7.16E-06	1.45E-05
477	LPE 18:2/0:0	-0.060	-0.081	-0.039	1.84E-08	4.73E-08
478	LPE 0:0/20:4	-0.060	-0.080	-0.039	1.03E-08	2.74E-08
479	LPE 20:4/0:0	-0.069	-0.089	-0.048	6.91E-11	2.20E-10
480	LPE 0:0/22:6	0.120	0.100	0.140	1.33E-31	1.28E-30
481	LPE 22:6/0:0	0.123	0.103	0.143	7.55E-33	8.13E-32
482	LPE P-16:0/0:0	0.013	-0.008	0.035	2.26E-01	2.66E-01
483	LPE P-18:0/0:0	-0.020	-0.041	0.001	6.84E-02	8.84E-02
484	LPE P-18:1/0:0	0.019	-0.003	0.041	9.03E-02	1.15E-01
485	LPE P-20:0/0:0	0.035	0.014	0.057	1.25E-03	2.02E-03
486	PI 16:0/16:0	-0.009	-0.029	0.011	3.81E-01	4.25E-01
487	PI 16:0_16:1	-0.060	-0.079	-0.041	1.13E-09	3.26E-09
488	PI 34:0	-0.004	-0.024	0.017	7.17E-01	7.49E-01
489	PI 34:1	-0.066	-0.085	-0.047	5.95E-12	2.03E-11
490	PI 16:0;Me_18:1 PI 17:0_18:1	-0.104	-0.125	-0.082	2.49E-21	1.43E-20
491	PI 16:0;Me_18:2 PI 17:0_18:2	-0.008	-0.028	0.012	4.14E-01	4.59E-01
492	PI 18:0_18:1	-0.054	-0.073	-0.035	3.66E-08	9.12E-08

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
493	PI 36:2	0.039	0.020	0.057	6.27E-05	1.17E-04
494	PI 18:1_18:2	0.066	0.045	0.087	5.34E-10	1.60E-09
495	PI 16:0_20:3 [a]	0.016	-0.004	0.036	1.13E-01	1.41E-01
496	PI 16:0_20:3 [b]	-0.059	-0.077	-0.040	7.62E-10	2.27E-09
497	PI 16:0_20:4	-0.001	-0.019	0.016	8.74E-01	8.87E-01
498	PI 16:0;Me_20:4 PI 17:0_20:4	-0.013	-0.032	0.006	1.85E-01	2.21E-01
499	PI 37:6	0.009	-0.013	0.030	4.29E-01	4.75E-01
500	PI 18:0_20:2	-0.015	-0.034	0.004	1.31E-01	1.61E-01
501	PI 18:0_20:3 [a]	0.035	0.014	0.056	1.01E-03	1.65E-03
502	PI 18:0_20:3 [b]	-0.081	-0.100	-0.062	2.28E-16	9.91E-16
503	PI 18:0_20:4	0.039	0.022	0.057	6.34E-06	1.29E-05
504	PI 38:5 [a]	-0.025	-0.043	-0.006	8.05E-03	1.18E-02
505	PI 38:5 [b]	-0.035	-0.055	-0.016	2.76E-04	4.79E-04
506	PI 38:6	0.080	0.060	0.100	3.66E-15	1.47E-14
507	PI 39:6	0.083	0.062	0.104	2.14E-14	8.25E-14
508	PI 18:0_22:4	-0.074	-0.093	-0.056	7.47E-15	2.94E-14
509	PI 20:0_20:4	0.049	0.028	0.070	3.56E-06	7.40E-06
510	PI 18:0_22:5 [n3]	-0.020	-0.038	-0.001	4.20E-02	5.61E-02
511	PI 18:0_22:5 [n6]	-0.065	-0.086	-0.045	5.20E-10	1.57E-09
512	PI 18:0_22:6	0.100	0.081	0.120	1.63E-23	1.07E-22
513	LPI 0:0/18:0	0.016	-0.006	0.038	1.58E-01	1.91E-01
514	LPI 18:0/0:0	-0.010	-0.031	0.011	3.44E-01	3.88E-01
515	LPI 0:0/18:1	-0.046	-0.068	-0.025	2.81E-05	5.37E-05
516	LPI 18:1/0:0	-0.066	-0.087	-0.045	1.04E-09	3.04E-09
517	LPI 0:0/18:2	0.044	0.023	0.066	6.29E-05	1.17E-04
518	LPI 18:2/0:0	0.016	-0.006	0.037	1.57E-01	1.91E-01
519	LPI 0:0/20:4	-0.007	-0.028	0.014	5.27E-01	5.72E-01
520	LPI 20:4/0:0	-0.021	-0.041	0.000	4.88E-02	6.43E-02
521	PS 36:1	-0.035	-0.057	-0.013	2.11E-03	3.31E-03
522	PS 36:2	-0.063	-0.085	-0.041	2.35E-08	5.94E-08
523	PS 38:3	-0.055	-0.077	-0.033	1.11E-06	2.40E-06
524	PS 38:4	-0.052	-0.074	-0.030	3.46E-06	7.22E-06
525	PS 38:5	-0.038	-0.061	-0.016	8.61E-04	1.43E-03
526	PS 40:5	-0.046	-0.067	-0.025	2.09E-05	4.03E-05
527	PS 40:6	0.067	0.046	0.089	1.36E-09	3.91E-09
528	PG 34:1	0.005	-0.012	0.023	5.52E-01	5.96E-01
529	PG 36:1	-0.012	-0.029	0.004	1.48E-01	1.80E-01
530	PG 36:2	-0.007	-0.025	0.012	4.87E-01	5.35E-01
531	PG 34:2	0.012	-0.008	0.033	2.34E-01	2.73E-01
532	CE 14:0	0.002	-0.019	0.023	8.23E-01	8.43E-01
533	CE 15:0	-0.024	-0.043	-0.005	1.18E-02	1.68E-02

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
534	CE 16:0	0.078	0.062	0.094	2.61E-21	1.49E-20
535	CE 16:1	-0.054	-0.073	-0.034	9.68E-08	2.33E-07
536	CE 16:2	-0.015	-0.031	0.001	6.34E-02	8.23E-02
537	CE 17:0	-0.087	-0.105	-0.068	4.10E-20	2.21E-19
538	CE 17:1	-0.115	-0.133	-0.096	5.06E-33	5.53E-32
539	CE 18:0	-0.081	-0.096	-0.065	2.65E-24	1.82E-23
540	CE 18:1	-0.052	-0.067	-0.038	3.49E-12	1.22E-11
541	CE 18:2	0.041	0.025	0.057	4.30E-07	9.75E-07
542	CE 18:3	-0.005	-0.021	0.011	5.50E-01	5.95E-01
543	CE 20:0	-0.011	-0.029	0.006	2.09E-01	2.48E-01
544	CE 20:1	0.024	0.005	0.042	1.13E-02	1.63E-02
545	CE 20:2	0.071	0.054	0.088	7.22E-16	3.03E-15
546	CE 20:3	0.013	-0.005	0.030	1.55E-01	1.89E-01
547	CE 20:4	0.064	0.050	0.078	3.78E-19	1.90E-18
548	CE 20:5	0.064	0.047	0.080	1.77E-14	6.84E-14
549	CE 22:0	0.047	0.028	0.065	7.36E-07	1.62E-06
550	CE 22:1	0.080	0.060	0.100	3.82E-15	1.53E-14
551	CE 22:4	-0.020	-0.038	-0.002	2.77E-02	3.80E-02
552	CE 22:5 [n3]	0.139	0.120	0.158	7.60E-47	1.18E-45
553	CE 22:5 [n6]	0.021	0.003	0.039	2.16E-02	2.99E-02
554	CE 22:6	0.176	0.159	0.193	1.60E-88	1.48E-86
555	CE 24:0	0.070	0.052	0.089	1.19E-13	4.40E-13
556	CE 24:1	0.047	0.028	0.066	2.07E-06	4.42E-06
557	CE 24:4	0.018	-0.001	0.037	7.05E-02	9.09E-02
558	CE 24:5	0.064	0.044	0.084	3.40E-10	1.04E-09
559	CE 24:6	0.101	0.079	0.122	1.43E-20	7.83E-20
560	COH	-0.018	-0.037	0.000	5.47E-02	7.15E-02
561	DE 16:0 SE 27:2/16:0	0.021	-0.001	0.043	5.65E-02	7.36E-02
562	DE 18:1 SE 27:2/18:1	-0.037	-0.057	-0.018	2.13E-04	3.73E-04
563	DE 18:2 SE 27:2/18:2	0.017	0.000	0.034	5.64E-02	7.36E-02
564	DE 20:4 SE 27:2/20:4	0.032	0.015	0.049	1.86E-04	3.30E-04
565	DE 20:5 SE 27:2/20:5	0.059	0.040	0.079	3.28E-09	9.02E-09
566	DE 22:6 SE 27:2/22:6	0.125	0.105	0.145	2.40E-34	2.88E-33
567	AC 12:0	-0.088	-0.109	-0.067	3.53E-16	1.52E-15
568	AC 13:0	0.050	0.029	0.071	2.92E-06	6.12E-06
569	AC 14:0	-0.088	-0.109	-0.067	3.64E-16	1.55E-15
570	AC 14:1	-0.084	-0.105	-0.063	6.96E-15	2.75E-14
571	AC 14:2	-0.014	-0.035	0.007	1.88E-01	2.24E-01
572	AC 15:0 [a]	-0.093	-0.114	-0.071	4.48E-17	2.02E-16
573	AC 15:0 [b]	-0.063	-0.084	-0.041	2.11E-08	5.40E-08
574	AC 16:0	-0.057	-0.078	-0.036	1.20E-07	2.87E-07

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
575	AC 16:1	-0.065	-0.086	-0.045	6.17E-10	1.85E-09
576	AC 17:0 [a]	-0.138	-0.160	-0.117	1.53E-35	1.86E-34
577	AC 17:0 [b]	-0.110	-0.131	-0.089	1.32E-24	9.25E-24
578	AC 18:0	-0.117	-0.137	-0.097	5.33E-31	5.01E-30
579	AC 18:1	-0.051	-0.072	-0.030	2.57E-06	5.42E-06
580	AC 18:2	0.076	0.054	0.097	4.46E-12	1.54E-11
581	DG 14:0_16:0	0.001	-0.015	0.017	8.72E-01	8.86E-01
582	DG 16:0_16:0	-0.015	-0.030	0.000	5.31E-02	6.96E-02
583	DG 16:0_16:1	-0.013	-0.028	0.002	9.19E-02	1.17E-01
584	DG 14:0_18:2	0.061	0.045	0.076	1.42E-14	5.53E-14
585	DG 16:0_18:1	-0.024	-0.037	-0.011	4.01E-04	6.83E-04
586	DG 16:1_18:1	-0.006	-0.020	0.008	4.10E-01	4.56E-01
587	DG 16:0_18:2	0.046	0.033	0.060	2.79E-11	9.13E-11
588	DG 18:0_18:1	-0.027	-0.040	-0.014	3.18E-05	6.07E-05
589	DG 18:1_18:1	-0.018	-0.031	-0.005	7.74E-03	1.15E-02
590	DG 18:0_18:2	0.027	0.014	0.041	7.32E-05	1.34E-04
591	DG 18:1_18:2	0.060	0.046	0.075	7.50E-16	3.13E-15
592	DG 18:2_18:2	0.106	0.088	0.124	2.72E-30	2.47E-29
593	DG 18:1_18:3	0.068	0.053	0.083	4.67E-19	2.33E-18
594	DG 16:0_20:4	0.027	0.012	0.043	3.91E-04	6.68E-04
595	DG 18:1_20:3	0.006	-0.011	0.023	5.15E-01	5.61E-01
596	DG 18:0_20:4	0.013	-0.004	0.029	1.28E-01	1.58E-01
597	DG 18:1_20:4	0.048	0.033	0.063	6.47E-10	1.93E-09
598	DG 16:0_22:5	0.052	0.037	0.067	6.09E-12	2.07E-11
599	DG 18:2_20:4	0.106	0.088	0.123	3.30E-32	3.41E-31
600	DG 16:0_22:6	0.139	0.121	0.156	1.02E-51	1.76E-50
601	DG 18:1_20:5	0.122	0.105	0.139	2.13E-44	2.99E-43
602	DG 18:1_22:5	0.053	0.035	0.071	6.70E-09	1.80E-08
603	DG 18:0_22:6	0.072	0.052	0.093	7.91E-12	2.65E-11
604	DG 18:1_22:6	0.166	0.147	0.184	2.36E-67	7.31E-66
605	DG 18:2_22:6	0.203	0.184	0.222	8.80E-93	1.31E-90
606	TG 48:0 [NL-16:0]	-0.041	-0.060	-0.023	9.72E-06	1.93E-05
607	TG 48:0 [NL-18:0]	-0.015	-0.034	0.004	1.28E-01	1.58E-01
608	TG 48:0	-0.034	-0.053	-0.016	3.07E-04	5.29E-04
609	TG 48:1 [NL-16:1]	-0.025	-0.042	-0.008	3.16E-03	4.87E-03
610	TG 48:1 [NL-18:1]	-0.025	-0.043	-0.008	4.74E-03	7.19E-03
611	TG 48:1	-0.030	-0.048	-0.012	9.11E-04	1.50E-03
612	TG 48:2 [NL-14:0]	0.011	-0.005	0.026	1.82E-01	2.18E-01
613	TG 48:2 [NL-14:1]	-0.040	-0.057	-0.024	2.56E-06	5.40E-06
614	TG 48:2 [NL-16:1]	-0.021	-0.038	-0.005	1.15E-02	1.64E-02
615	TG 48:2 [NL-18:2]	0.022	0.006	0.038	8.56E-03	1.25E-02

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
616	TG 48:2	-0.006	-0.022	0.011	4.96E-01	5.44E-01
617	TG 48:3 [NL-14:0]	0.043	0.028	0.059	1.74E-08	4.52E-08
618	TG 48:3 [NL-16:1]	0.032	0.016	0.047	5.56E-05	1.05E-04
619	TG 48:3 [NL-18:3]	0.033	0.017	0.049	6.42E-05	1.20E-04
620	TG 48:3	0.044	0.029	0.060	1.87E-08	4.79E-08
621	TG 49:1 [NL-16:1]	-0.062	-0.080	-0.043	6.88E-11	2.20E-10
622	TG 49:1 [NL-17:1]	-0.064	-0.081	-0.047	1.68E-13	6.20E-13
623	TG 49:1	-0.069	-0.088	-0.051	9.68E-14	3.63E-13
624	TG 50:0 [NL-18:0]	-0.046	-0.063	-0.030	4.84E-08	1.19E-07
625	TG 50:0	-0.042	-0.059	-0.025	9.00E-07	1.96E-06
626	TG 50:1 [NL-14:0]	-0.038	-0.057	-0.019	6.76E-05	1.25E-04
627	TG 50:1 [NL-16:0]	-0.060	-0.076	-0.043	3.63E-12	1.26E-11
628	TG 50:1 [NL-18:1]	-0.060	-0.076	-0.043	2.80E-12	9.82E-12
629	TG 50:1	-0.057	-0.074	-0.039	1.13E-10	3.54E-10
630	TG 50:2 [NL-14:0]	-0.015	-0.033	0.003	1.00E-01	1.26E-01
631	TG 50:2 [NL-16:1]	-0.053	-0.071	-0.036	2.02E-09	5.72E-09
632	TG 50:2 [NL-18:1]	-0.044	-0.061	-0.027	4.56E-07	1.03E-06
633	TG 50:2 [NL-18:2]	-0.007	-0.024	0.009	3.84E-01	4.27E-01
634	TG 50:2	-0.034	-0.051	-0.017	1.00E-04	1.82E-04
635	TG 50:3 [NL-14:0]	0.058	0.041	0.074	7.17E-12	2.41E-11
636	TG 50:3 [NL-14:1]	-0.046	-0.062	-0.030	2.53E-08	6.34E-08
637	TG 50:3 [NL-16:1]	0.002	-0.014	0.017	8.40E-01	8.59E-01
638	TG 50:3 [NL-18:2]	0.031	0.016	0.046	4.27E-05	8.10E-05
639	TG 50:3 [NL-18:3]	-0.009	-0.025	0.006	2.43E-01	2.82E-01
640	TG 50:3	0.025	0.010	0.041	1.18E-03	1.91E-03
641	TG 50:4 [NL-14:0]	0.093	0.076	0.109	2.68E-28	2.29E-27
642	TG 50:4 [NL-18:3]	0.044	0.030	0.059	3.28E-09	9.02E-09
643	TG 50:4 [NL-20:4]	0.030	0.013	0.047	4.46E-04	7.58E-04
644	TG 50:4	0.069	0.055	0.084	5.25E-20	2.79E-19
645	TG 51:0 [NL-16:0]	-0.062	-0.078	-0.045	8.42E-14	3.17E-13
646	TG 51:1 [NL-17:0]	-0.092	-0.108	-0.077	1.04E-30	9.51E-30
647	TG 51:1	-0.088	-0.104	-0.072	1.29E-27	1.08E-26
648	TG 51:2 [NL-15:0]	-0.048	-0.066	-0.030	1.54E-07	3.62E-07
649	TG 51:2 [NL-17:1]	-0.070	-0.086	-0.055	6.90E-19	3.40E-18
650	TG 51:2	-0.056	-0.073	-0.039	5.13E-11	1.65E-10
651	TG 52:1 [NL-18:0]	-0.063	-0.078	-0.048	3.85E-17	1.74E-16
652	TG 52:1 [NL-18:1]	-0.038	-0.055	-0.021	1.28E-05	2.53E-05
653	TG 52:1	-0.063	-0.078	-0.048	1.01E-16	4.45E-16
654	TG 52:2 [NL-16:0]	-0.032	-0.049	-0.015	2.06E-04	3.62E-04
655	TG 52:2 [NL-18:2]	-0.004	-0.020	0.013	6.46E-01	6.84E-01
656	TG 52:2	-0.036	-0.053	-0.019	4.56E-05	8.62E-05

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
657	TG 52:3 [NL-16:1]	-0.012	-0.032	0.008	2.33E-01	2.73E-01
658	TG 52:3 [NL-18:2]	0.041	0.024	0.059	4.10E-06	8.49E-06
659	TG 52:3	0.039	0.021	0.058	2.69E-05	5.17E-05
660	TG 52:4 [NL-16:1]	0.065	0.047	0.083	2.59E-12	9.12E-12
661	TG 52:4 [NL-18:2]	0.083	0.065	0.101	1.16E-19	6.08E-19
662	TG 52:4 [NL-18:3]	0.021	0.006	0.036	6.36E-03	9.48E-03
663	TG 52:4	0.074	0.057	0.091	3.40E-17	1.55E-16
664	TG 52:5 [NL-18:3]	0.089	0.073	0.105	1.85E-27	1.53E-26
665	TG 52:5 [NL-20:4]	0.030	0.014	0.046	2.33E-04	4.07E-04
666	TG 52:5 [NL-20:5]	0.059	0.042	0.076	9.30E-12	3.10E-11
667	TG 52:5	0.099	0.083	0.115	8.82E-34	1.02E-32
668	TG 53:2 [NL-17:1]	-0.072	-0.087	-0.058	3.67E-22	2.24E-21
669	TG 53:2 [NL-18:1]	-0.082	-0.098	-0.066	5.85E-24	3.95E-23
670	TG 53:2	-0.071	-0.086	-0.055	1.55E-18	7.51E-18
671	TG 54:0 [NL-18:0]	-0.058	-0.076	-0.041	4.74E-11	1.53E-10
672	TG 54:0	-0.033	-0.050	-0.017	8.38E-05	1.53E-04
673	TG 54:1 [NL-18:1]	-0.067	-0.082	-0.052	6.24E-18	2.93E-17
674	TG 54:1	-0.055	-0.070	-0.040	6.69E-13	2.41E-12
675	TG 54:2 [NL-18:0]	-0.062	-0.076	-0.048	4.32E-18	2.04E-17
676	TG 54:2 [NL-20:1]	-0.020	-0.035	-0.005	9.95E-03	1.44E-02
677	TG 54:2	-0.057	-0.071	-0.043	1.09E-15	4.48E-15
678	TG 54:3 [NL-18:1]	-0.010	-0.030	0.010	3.31E-01	3.76E-01
679	TG 54:3 [NL-18:2]	0.027	0.009	0.044	3.00E-03	4.64E-03
680	TG 54:3	0.007	-0.012	0.027	4.50E-01	4.95E-01
681	TG 54:4 [NL-18:2]	0.058	0.038	0.078	1.13E-08	2.98E-08
682	TG 54:4 [NL-20:3]	-0.003	-0.020	0.015	7.65E-01	7.94E-01
683	TG 54:4	0.061	0.041	0.080	9.22E-10	2.71E-09
684	TG 54:5 [NL-18:3]	0.054	0.036	0.073	1.22E-08	3.19E-08
685	TG 54:5 [NL-20:4]	0.031	0.013	0.049	6.60E-04	1.10E-03
686	TG 54:5	0.096	0.078	0.114	7.20E-25	5.09E-24
687	TG 54:6 [NL-18:3]	0.116	0.097	0.135	3.74E-33	4.15E-32
688	TG 54:6 [NL-20:4]	0.080	0.063	0.097	1.11E-19	5.83E-19
689	TG 54:6 [NL-20:5]	0.092	0.075	0.110	5.32E-25	3.84E-24
690	TG 54:6 [NL-22:6]	0.093	0.074	0.111	3.25E-23	2.08E-22
691	TG 54:6	0.132	0.115	0.149	1.16E-50	1.96E-49
692	TG 54:7 [NL-20:5]	0.140	0.123	0.157	1.19E-58	2.60E-57
693	TG 54:7 [NL-22:6]	0.140	0.123	0.158	7.88E-54	1.46E-52
694	TG 54:7	0.165	0.148	0.181	2.62E-79	1.14E-77
695	TG 56:6 [NL-20:4]	0.066	0.044	0.087	2.84E-09	7.93E-09
696	TG 56:6 [NL-22:5]	0.069	0.051	0.088	1.12E-13	4.19E-13
697	TG 56:6	0.115	0.096	0.135	1.53E-31	1.46E-30

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
698	TG 56:7 [NL-20:4]	0.101	0.080	0.121	2.38E-22	1.46E-21
699	TG 56:7 [NL-20:5]	0.118	0.099	0.138	9.55E-32	9.34E-31
700	TG 56:7 [NL-22:5]	0.117	0.099	0.135	2.46E-37	3.10E-36
701	TG 56:7 [NL-22:6]	0.141	0.122	0.160	7.89E-47	1.20E-45
702	TG 56:7	0.166	0.147	0.184	2.08E-67	6.73E-66
703	TG 56:8 [NL-20:4]	0.124	0.104	0.143	1.81E-36	2.25E-35
704	TG 56:8 [NL-20:5]	0.167	0.148	0.186	1.85E-65	5.08E-64
705	TG 56:8 [NL-22:6]	0.185	0.167	0.204	1.69E-82	8.39E-81
706	TG 56:8	0.190	0.172	0.209	5.16E-88	4.26E-86
707	TG 56:9 [NL-22:6]	0.203	0.184	0.222	1.34E-97	4.99E-95
708	TG 56:9	0.196	0.178	0.215	1.86E-91	2.30E-89
709	TG 58:10 [NL-22:6]	0.218	0.198	0.238	2.74E-101	2.03E-98
710	TG 58:10	0.199	0.179	0.219	1.36E-84	9.16E-83
711	TG 58:8 [NL-22:6]	0.176	0.156	0.197	2.32E-61	5.39E-60
712	TG 58:8	0.186	0.166	0.207	1.09E-69	3.85E-68
713	TG 58:9 [NL-22:6]	0.212	0.191	0.232	2.14E-90	2.27E-88
714	TG 58:9	0.199	0.179	0.219	3.52E-83	2.01E-81
715	TG O-50:1 [NL-15:0]	-0.036	-0.055	-0.017	2.02E-04	3.56E-04
716	TG O-50:1 [NL-16:0]	-0.052	-0.070	-0.033	4.50E-08	1.11E-07
717	TG O-50:1 [NL-17:1]	-0.007	-0.027	0.013	5.00E-01	5.47E-01
718	TG O-50:1 [NL-18:1]	-0.032	-0.051	-0.013	1.15E-03	1.87E-03
719	TG O-50:1	-0.030	-0.050	-0.011	2.63E-03	4.09E-03
720	TG O-50:2 [NL-16:1]	-0.024	-0.046	-0.002	2.91E-02	3.98E-02
721	TG O-50:2 [NL-18:1]	0.000	-0.022	0.021	9.65E-01	9.67E-01
722	TG O-50:2 [NL-18:2]	0.010	-0.010	0.031	3.33E-01	3.76E-01
723	TG O-50:2	0.002	-0.019	0.024	8.47E-01	8.64E-01
724	TG O-50:3 [NL-18:2]	0.030	0.008	0.053	7.87E-03	1.16E-02
725	TG O-50:3	0.020	-0.002	0.043	7.55E-02	9.73E-02
726	TG O-52:0 [NL-16:0]	-0.088	-0.106	-0.070	1.37E-21	8.03E-21
727	TG O-52:1 [NL-16:0]	-0.076	-0.093	-0.058	2.84E-17	1.30E-16
728	TG O-52:1 [NL-18:1]	-0.062	-0.080	-0.044	2.23E-11	7.36E-11
729	TG O-52:1	-0.058	-0.076	-0.039	2.23E-09	6.30E-09
730	TG O-52:2 [NL-16:0]	-0.005	-0.023	0.014	6.26E-01	6.66E-01
731	TG O-52:2 [NL-17:1]	-0.012	-0.031	0.007	2.13E-01	2.52E-01
732	TG O-52:2 [NL-18:1]	-0.034	-0.053	-0.015	5.35E-04	9.01E-04
733	TG O-52:2	-0.016	-0.037	0.004	1.09E-01	1.37E-01
734	TG O-54:2 [NL-17:1]	-0.002	-0.022	0.019	8.88E-01	8.99E-01
735	TG O-54:2 [NL-18:1]	-0.059	-0.078	-0.040	1.12E-09	3.25E-09
736	TG O-54:2	-0.030	-0.050	-0.010	3.75E-03	5.74E-03
737	TG O-54:3 [NL-17:1]	-0.001	-0.022	0.020	9.24E-01	9.29E-01
738	TG O-54:3 [NL-18:1]	-0.003	-0.023	0.017	7.67E-01	7.94E-01

Supplementary Table 4: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome, in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	BH corrected p-value
739	TG O-54:3	0.013	-0.010	0.035	2.65E-01	3.07E-01
740	TG O-54:4 [NL-17:1]	0.038	0.017	0.059	4.67E-04	7.93E-04
741	TG O-54:4 [NL-18:2]	0.033	0.011	0.055	3.31E-03	5.09E-03
742	TG O-54:4	-0.048	-0.065	-0.031	2.22E-08	5.64E-08
743	Ubiquinone	0.005	-0.014	0.023	6.18E-01	6.59E-01

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
1	Class - AC	10.61	3.47E-26	1.96E-25	14
2	Class - CE	-0.89	3.75E-01	4.14E-01	26
3	Class - Cer	3.86	1.14E-04	1.83E-04	50
4	Class - DE	-1.62	1.05E-01	1.27E-01	6
5	Class - deoxyCer	-2.10	3.56E-02	4.58E-02	11
6	Class - DG	-5.96	2.68E-09	5.72E-09	25
7	Class - dhCer	2.33	1.97E-02	2.65E-02	6
8	Class - GM3	0.81	4.17E-01	4.51E-01	8
9	Class - Hex2Cer	7.36	1.93E-13	5.58E-13	10
10	Class - Hex3Cer	5.56	2.84E-08	5.59E-08	6
11	Class - HexCer	7.78	7.78E-15	2.37E-14	14
12	Class - LPC	0.80	4.21E-01	4.52E-01	61
13	Class - LPC O	1.79	7.35E-02	9.02E-02	10
14	Class - LPC P	8.57	1.13E-17	4.34E-17	6
15	Class - LPE	0.16	8.75E-01	8.87E-01	14
16	Class - LPE P	7.06	1.79E-12	4.93E-12	4
17	Class - LPI	2.12	3.37E-02	4.37E-02	8
18	Class - PC	-5.05	4.47E-07	7.95E-07	69
19	Class - PC O	7.54	4.92E-14	1.46E-13	22
20	Class - PC P	6.91	5.21E-12	1.31E-11	26
21	Class - PE	-2.15	3.16E-02	4.13E-02	37
22	Class - PE O	3.78	1.56E-04	2.49E-04	14
23	Class - PE P	9.36	9.77E-21	4.19E-20	54
24	Class - PG	-3.45	5.64E-04	8.50E-04	4
25	Class - PI	-1.93	5.31E-02	6.66E-02	27
26	Class - PS	1.91	5.57E-02	6.93E-02	7
27	Class - SHexCer	-2.33	1.98E-02	2.65E-02	10
28	Class - SM	1.83	6.74E-02	8.31E-02	43

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
29	Class - SPB	2.67	7.57E-03	1.05E-02	3
30	Class - SPBP	1.51	1.30E-01	1.56E-01	4
31	Class - TG	-6.95	4.01E-12	1.01E-11	33
32	Class - TG [NL]	-5.67	1.43E-08	2.94E-08	76
33	Class - TG [SIM]	-6.95	4.01E-12	1.01E-11	33
34	Class - TG O	3.29	1.02E-03	1.50E-03	8
35	Class - TG O [NL]	6.86	7.46E-12	1.86E-11	20
36	Class - TG O [SIM]	3.29	1.02E-03	1.50E-03	8
37	Domain - Sphingolipids	4.83	1.37E-06	2.36E-06	167
38	Domain - Glycerophospholipids	3.43	6.01E-04	8.99E-04	363
39	Domain - Neutral lipids	-4.17	3.04E-05	5.04E-05	195
40	Domain - Fatty acids	10.61	3.47E-26	1.96E-25	14
41	Subclass - Ether lipid	9.50	2.56E-21	1.17E-20	172
42	Subclass - Plasmalogen	9.93	4.04E-23	2.03E-22	90
43	Subclass - Alkyl lipid	7.12	1.14E-12	3.19E-12	82
44	Subclass - Gangliosides	1.07	2.83E-01	3.24E-01	9
45	Feature - Fatty acid 14:0	-5.46	4.95E-08	9.23E-08	22
46	Feature - Fatty acid 14:1	6.37	1.91E-10	4.51E-10	3
47	Feature - Fatty acid 15:0	6.11	1.03E-09	2.24E-09	10
48	Feature - Fatty acid 16:0	2.15	3.17E-02	4.14E-02	87
49	Feature - Fatty acid 16:1	-1.66	9.68E-02	1.17E-01	24
50	Feature - Fatty acid 17:0	11.55	1.16E-30	8.25E-30	23
51	Feature - Fatty acid 17:1	13.27	7.29E-40	8.10E-39	14
52	Feature - Fatty acid 18:0	6.85	8.08E-12	2.00E-11	66
53	Feature - Fatty acid 18:1	8.44	3.74E-17	1.39E-16	73
54	Feature - Fatty acid 18:2	-1.72	8.51E-02	1.04E-01	57
55	Feature - Fatty acid 18:3	-0.90	3.66E-01	4.07E-01	21
56	Feature - Fatty acid 19:0	10.31	8.79E-25	4.67E-24	6
57	Feature - Fatty acid 19:1	8.00	1.35E-15	4.37E-15	3
58	Feature - Fatty acid 20:0	5.38	7.71E-08	1.42E-07	23
59	Feature - Fatty acid 20:1	-2.20	2.81E-02	3.70E-02	6
60	Feature - Fatty acid 20:2	-7.01	2.56E-12	6.80E-12	4
61	Feature - Fatty acid 20:3	3.77	1.67E-04	2.64E-04	25
62	Feature - Fatty acid 20:4	2.12	3.40E-02	4.39E-02	60
63	Feature - Fatty acid 20:5	-8.93	5.05E-19	2.00E-18	18
64	Feature - Fatty acid 22:0	3.62	2.92E-04	4.56E-04	23
65	Feature - Fatty acid 22:1	-8.40	4.87E-17	1.77E-16	3
66	Feature - Fatty acid 22:4	13.14	3.78E-39	3.96E-38	10
67	Feature - Fatty acid 22:5	9.75	2.25E-22	1.08E-21	22
68	Feature - Fatty acid 22:6	-14.63	5.80E-48	9.84E-47	52
69	Feature - Fatty acid 23:0	-0.19	8.51E-01	8.70E-01	11
70	Feature - Fatty acid 24:0	-4.59	4.57E-06	7.74E-06	24

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
71	Feature - Fatty acid 24:1	0.72	4.71E-01	5.02E-01	23
72	Feature - Fatty acid 26:0	-11.98	7.13E-33	5.77E-32	6
73	Feature - P-15:0 base	6.23	4.78E-10	1.07E-09	5
74	Feature - P-16:0 base	8.08	7.20E-16	2.42E-15	23
75	Feature - O-16:0 base	5.52	3.41E-08	6.45E-08	10
76	Feature - P-17:0 base	11.08	2.33E-28	1.43E-27	8
77	Feature - P-18:0 base	14.16	4.09E-45	5.60E-44	17
78	Feature - O-18:0 base	15.88	4.16E-56	1.06E-54	8
79	Feature - P-18:1 base	9.43	4.97E-21	2.16E-20	21
80	Feature - O-18:1 base	-0.36	7.16E-01	7.39E-01	5
81	Feature - P-20:0 base	-3.56	3.67E-04	5.61E-04	7
82	Feature - Fatty acid n3	-13.15	3.56E-39	3.84E-38	79
83	Feature - Fatty acid n6	3.09	2.03E-03	2.92E-03	133
84	Feature - d16:1 base	-0.48	6.32E-01	6.59E-01	18
85	Feature - d17:1 base	5.06	4.31E-07	7.71E-07	10
86	Feature - d18:0 base	1.28	2.01E-01	2.38E-01	10
87	Feature - d18:1 base	6.96	3.48E-12	8.93E-12	57
88	Feature - d18:2 base	3.18	1.45E-03	2.11E-03	31
89	Feature - d19:1 base	10.43	2.44E-25	1.34E-24	9
90	Feature - d20:1 base	-1.17	2.42E-01	2.80E-01	6
91	Feature - m18:0 base	-0.82	4.12E-01	4.47E-01	5
92	Feature - m18:1 base	-3.00	2.67E-03	3.77E-03	6
93	Class - PC Feature - Fatty acid 14:0	-11.12	1.40E-28	9.38E-28	3
94	Class - SM Feature - Fatty acid 14:0	-4.00	6.30E-05	1.03E-04	4
95	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 14:0	-4.71	2.53E-06	4.31E-06	6
96	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 14:0	-4.86	1.16E-06	2.03E-06	6
97	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 14:0	-6.36	2.08E-10	4.85E-10	6
98	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 14:0	-4.52	6.22E-06	1.04E-05	9
99	Class - PC Feature - Fatty acid 15:0	-4.54	5.68E-06	9.54E-06	3
100	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 15:0	0.19	8.52E-01	8.70E-01	5
101	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 15:0	8.43	3.91E-17	1.44E-16	3
102	Class - Cer Feature - Fatty acid 16:0	3.35	8.13E-04	1.21E-03	5
103	Class - DG Feature - Fatty acid 16:0	-1.77	7.66E-02	9.37E-02	8
104	Class - Hex2Cer Feature - Fatty acid 16:0	7.10	1.35E-12	3.74E-12	3
105	Class - LPC Feature - Fatty acid 16:0	8.56	1.30E-17	4.91E-17	5
106	Class - PC Feature - Fatty acid 16:0	-2.47	1.37E-02	1.88E-02	16
107	Class - PE Feature - Fatty acid 16:0	-1.68	9.37E-02	1.13E-01	14
108	Class - PI Feature - Fatty acid 16:0	1.00	3.17E-01	3.60E-01	8
109	Class - SM Feature - Fatty acid 16:0	1.87	6.21E-02	7.68E-02	5
110	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 16:0	4.96	7.08E-07	1.25E-06	4
111	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 16:0	8.12	5.20E-16	1.83E-15	4

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
112	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 16:0	4.36	1.30E-05	2.16E-05	21
113	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 16:0	-0.08	9.33E-01	9.38E-01	47
114	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 16:0	2.17	3.04E-02	3.99E-02	18
115	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 16:0	7.34	2.24E-13	6.44E-13	6
116	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 16:0	7.85	4.52E-15	1.41E-14	5
117	Class - PC Feature - Fatty acid 16:1	-12.34	9.87E-35	8.57E-34	3
118	Class - PE Feature - Fatty acid 16:1	-2.47	1.37E-02	1.88E-02	3
119	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 16:1	-0.84	4.02E-01	4.42E-01	8
120	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 16:1	-4.88	1.08E-06	1.89E-06	10
121	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 16:1	0.17	8.69E-01	8.84E-01	12
122	Class - PC Feature - Fatty acid 17:0	2.81	4.98E-03	6.98E-03	4
123	Class - PE Feature - Fatty acid 17:0	1.11	2.68E-01	3.08E-01	4
124	Class - PI Feature - Fatty acid 17:0	6.37	1.93E-10	4.53E-10	3
125	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 17:0	11.21	5.14E-29	3.52E-28	4
126	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 17:0	6.18	6.68E-10	1.47E-09	15
127	Class - LPC Feature - Fatty acid 17:1	11.69	2.17E-31	1.58E-30	4
128	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 17:1	9.83	1.03E-22	5.05E-22	3
129	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 17:1	5.53	3.27E-08	6.32E-08	5
130	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 17:1	11.76	9.62E-32	7.14E-31	5
131	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 17:1	10.97	7.27E-28	4.39E-27	9
132	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 17:1	5.53	3.27E-08	6.32E-08	5
133	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 17:1	5.53	3.27E-08	6.32E-08	5
134	Class - Cer Feature - Fatty acid 18:0	9.04	1.88E-19	7.53E-19	5
135	Class - DG Feature - Fatty acid 18:0	0.77	4.42E-01	4.72E-01	4
136	Class - HexCer Feature - Fatty acid 18:0	9.56	1.43E-21	6.60E-21	3
137	Class - PC Feature - Fatty acid 18:0	0.63	5.26E-01	5.58E-01	9
138	Class - PE Feature - Fatty acid 18:0	-0.50	6.21E-01	6.52E-01	9
139	Class - PI Feature - Fatty acid 18:0	-1.21	2.28E-01	2.66E-01	9
140	Class - SHexCer Feature - Fatty acid 18:0	-0.07	9.42E-01	9.45E-01	4
141	Class - SM Feature - Fatty acid 18:0	11.11	1.66E-28	1.09E-27	3
142	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:0	5.64	1.71E-08	3.49E-08	5
143	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 18:0	10.65	2.30E-26	1.34E-25	21
144	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:0	0.83	4.04E-01	4.42E-01	34
145	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:0	6.05	1.54E-09	3.31E-09	10
146	Class - DG Feature - Fatty acid 18:1	-3.83	1.28E-04	2.05E-04	11
147	Class - GM3 Feature - Fatty acid 18:1	0.96	3.38E-01	3.78E-01	6
148	Class - PC Feature - Fatty acid 18:1	3.42	6.19E-04	9.22E-04	9
149	Class - PE Feature - Fatty acid 18:1	-0.90	3.67E-01	4.07E-01	8
150	Class - PE P Feature - Fatty acid 18:1	12.20	5.09E-34	4.32E-33	6

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
151	Class - PI Feature - Fatty acid 18:1	3.66	2.56E-04	4.03E-04	3
152	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:1	7.26	4.00E-13	1.13E-12	7
153	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 18:1	8.90	6.29E-19	2.46E-18	6
154	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 18:1	3.93	8.65E-05	1.41E-04	9
155	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:1	8.07	7.65E-16	2.55E-15	36
156	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:1	4.84	1.29E-06	2.24E-06	26
157	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 18:1	13.53	2.41E-41	2.76E-40	16
158	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 18:1	12.49	1.62E-35	1.48E-34	8
159	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 18:1	11.35	1.15E-29	8.04E-29	8
160	Subclass - Gangliosides Feature - Fatty acid 18:1	1.25	2.11E-01	2.48E-01	7
161	Class - DG Feature - Fatty acid 18:2	-9.29	1.82E-20	7.53E-20	7
162	Class - PC Feature - Fatty acid 18:2	-0.99	3.24E-01	3.67E-01	9
163	Class - PE Feature - Fatty acid 18:2	0.06	9.52E-01	9.52E-01	6
164	Class - PE P Feature - Fatty acid 18:2	7.04	2.07E-12	5.63E-12	5
165	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:2	-5.64	1.79E-08	3.61E-08	8
166	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 18:2	0.55	5.81E-01	6.12E-01	3
167	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:2	1.98	4.81E-02	6.10E-02	34
168	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:2	-6.97	3.32E-12	8.63E-12	20
169	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 18:2	5.77	8.30E-09	1.73E-08	14
170	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 18:2	7.04	1.98E-12	5.41E-12	7
171	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 18:2	3.05	2.33E-03	3.35E-03	7
172	Class - LPC Feature - Fatty acid 18:3	2.22	2.63E-02	3.48E-02	4
173	Class - PE P Feature - Fatty acid 18:3	5.69	1.28E-08	2.65E-08	3
174	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:3	-6.64	3.27E-11	7.82E-11	7
175	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:3	3.63	2.82E-04	4.42E-04	12
176	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:3	-6.15	8.12E-10	1.77E-09	9
177	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 18:3	7.00	2.71E-12	7.08E-12	4
178	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 18:3	7.00	2.71E-12	7.08E-12	4
179	Class - LPC Feature - Fatty acid 19:0	5.88	4.17E-09	8.78E-09	4
180	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 19:0	5.88	4.17E-09	8.78E-09	4
181	Class - LPC Feature - Fatty acid 19:1	8.00	1.35E-15	4.37E-15	3
182	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 19:1	8.00	1.35E-15	4.37E-15	3
183	Class - Cer Feature - Fatty acid 20:0	7.30	3.06E-13	8.71E-13	5
184	Class - HexCer Feature - Fatty acid 20:0	6.66	2.95E-11	7.11E-11	3
185	Class - SM Feature - Fatty acid 20:0	2.31	2.08E-02	2.78E-02	3
186	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 20:0	7.97	1.76E-15	5.66E-15	17
187	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:0	-6.67	2.73E-11	6.62E-11	5
188	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:1	-3.15	1.63E-03	2.37E-03	3

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
189	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:2	-5.38	7.52E-08	1.39E-07	3
190	Class - PC Feature - Fatty acid 20:3	-1.99	4.65E-02	5.93E-02	5
191	Class - PE Feature - Fatty acid 20:3	0.15	8.79E-01	8.89E-01	3
192	Class - PE P Feature - Fatty acid 20:3	12.74	6.77E-37	6.52E-36	6
193	Class - PI Feature - Fatty acid 20:3	-1.98	4.81E-02	6.10E-02	4
194	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:3	4.94	7.73E-07	1.36E-06	22
195	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 20:3	-3.91	9.19E-05	1.49E-04	3
196	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 20:3	12.72	8.93E-37	8.37E-36	8
197	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 20:3	12.74	6.77E-37	6.52E-36	6
198	Class - DG Feature - Fatty acid 20:4	-5.31	1.15E-07	2.11E-07	4
199	Class - PC Feature - Fatty acid 20:4	-2.40	1.65E-02	2.25E-02	9
200	Class - PC P Feature - Fatty acid 20:4	10.42	2.82E-25	1.52E-24	7
201	Class - PE Feature - Fatty acid 20:4	-2.03	4.19E-02	5.36E-02	6
202	Class - PE P Feature - Fatty acid 20:4	7.02	2.43E-12	6.51E-12	11
203	Class - PI Feature - Fatty acid 20:4	-2.79	5.24E-03	7.31E-03	4
204	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 20:4	-8.74	2.76E-18	1.07E-17	7
205	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:4	5.64	1.74E-08	3.53E-08	47
206	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 20:4	-7.92	2.52E-15	8.01E-15	13
207	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 20:4	10.06	1.05E-23	5.49E-23	22
208	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 20:4	9.05	1.74E-19	7.03E-19	18
209	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 20:4	11.96	9.89E-33	7.65E-32	4
210	Class - PE P Feature - Fatty acid 20:5	1.16	2.45E-01	2.82E-01	4
211	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 20:5	-14.19	2.70E-45	4.38E-44	5
212	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:5	-4.77	1.84E-06	3.16E-06	10
213	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 20:5	-12.99	2.87E-38	2.92E-37	8
214	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 20:5	0.81	4.20E-01	4.51E-01	5
215	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 20:5	0.81	4.20E-01	4.51E-01	5
216	Class - Cer Feature - Fatty acid 22:0	5.62	1.94E-08	3.89E-08	6
217	Class - HexCer Feature - Fatty acid 22:0	7.02	2.28E-12	6.16E-12	3
218	Class - SM Feature - Fatty acid 22:0	-0.66	5.08E-01	5.40E-01	5
219	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 22:0	5.64	1.78E-08	3.60E-08	20
220	Class - PE P Feature - Fatty acid 22:4	20.16	1.18E-88	2.11E-86	3
221	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 22:4	13.92	1.23E-43	1.57E-42	9
222	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 22:4	19.41	1.95E-82	2.32E-80	4
223	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 22:4	20.16	1.18E-88	2.11E-86	3
224	Class - LPC Feature - Fatty acid 22:5	3.77	1.61E-04	2.57E-04	4
225	Class - PE P Feature - Fatty acid 22:5	18.16	1.42E-72	1.01E-70	6
226	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 22:5	13.84	3.36E-43	4.12E-42	18
227	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 22:5	-7.78	7.69E-15	2.36E-14	4

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
228	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 22:5	18.31	1.01E-73	8.97E-72	8
229	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 22:5	17.53	7.73E-68	3.06E-66	7
230	Class - DG Feature - Fatty acid 22:6	-14.78	6.61E-49	1.18E-47	4
231	Class - PC Feature - Fatty acid 22:6	-15.56	5.59E-54	1.33E-52	9
232	Class - PC P Feature - Fatty acid 22:6	-7.61	3.09E-14	9.25E-14	3
233	Class - PE Feature - Fatty acid 22:6	-9.98	2.28E-23	1.16E-22	6
234	Class - PE O Feature - Fatty acid 22:6	-7.53	5.47E-14	1.60E-13	3
235	Class - PE P Feature - Fatty acid 22:6	-6.09	1.18E-09	2.55E-09	10
236	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 22:6	-17.59	3.00E-68	1.33E-66	8
237	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 22:6	-12.36	7.73E-35	6.88E-34	38
238	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 22:6	-17.47	2.31E-67	8.21E-66	14
239	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 22:6	-6.82	9.38E-12	2.30E-11	18
240	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 22:6	-6.77	1.40E-11	3.41E-11	13
241	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 22:6	-6.19	6.42E-10	1.42E-09	5
242	Class - Cer Feature - Fatty acid 23:0	1.96	5.03E-02	6.33E-02	6
243	Class - SM Feature - Fatty acid 23:0	-1.90	5.78E-02	7.17E-02	3
244	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 23:0	-0.19	8.51E-01	8.70E-01	11
245	Class - Cer Feature - Fatty acid 24:0	-1.69	9.20E-02	1.12E-01	6
246	Class - HexCer Feature - Fatty acid 24:0	3.43	5.96E-04	8.95E-04	3
247	Class - SM Feature - Fatty acid 24:0	-4.15	3.30E-05	5.44E-05	4
248	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 24:0	-2.14	3.23E-02	4.20E-02	21
249	Class - Cer Feature - Fatty acid 24:1	1.97	4.84E-02	6.11E-02	6
250	Class - Hex2Cer Feature - Fatty acid 24:1	4.76	1.94E-06	3.33E-06	3
251	Class - SM Feature - Fatty acid 24:1	-1.25	2.10E-01	2.48E-01	4
252	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 24:1	1.05	2.94E-01	3.35E-01	22
253	Class - Cer Feature - Fatty acid 26:0	-5.51	3.66E-08	6.85E-08	4
254	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 26:0	-5.51	3.66E-08	6.85E-08	4
255	Class - PE P Feature - P-15:0 base	2.36	1.83E-02	2.48E-02	3
256	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-15:0 base	6.23	4.78E-10	1.07E-09	5
257	Subclass - Ether lipid Feature - P-15:0 base	6.23	4.78E-10	1.07E-09	5
258	Subclass - Plasmalogen Feature - P-15:0 base	6.23	4.78E-10	1.07E-09	5
259	Class - PC P Feature - P-16:0 base	2.91	3.57E-03	5.02E-03	10
260	Class - PE P Feature - P-16:0 base	9.71	3.33E-22	1.56E-21	11
261	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-16:0 base	8.08	7.20E-16	2.42E-15	23
262	Subclass - Ether lipid Feature - P-16:0 base	8.08	7.20E-16	2.42E-15	23
263	Subclass - Plasmalogen Feature - P-16:0 base	8.08	7.20E-16	2.42E-15	23
264	Class - PC O Feature - O-16:0 base	4.56	5.22E-06	8.81E-06	4
265	Class - PE O Feature - O-16:0 base	3.59	3.38E-04	5.25E-04	5
266	Domain - Glycerophospholipids Feature - O-16:0 base	5.52	3.41E-08	6.45E-08	10
267	Subclass - Ether lipid Feature - O-16:0 base	5.52	3.41E-08	6.45E-08	10

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
268	Subclass - Alkyl lipid Feature - O-16:0 base	5.52	3.41E-08	6.45E-08	10
269	Class - PE P Feature - P-17:0 base	5.17	2.33E-07	4.21E-07	4
270	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-17:0 base	11.08	2.33E-28	1.43E-27	8
271	Subclass - Ether lipid Feature - P-17:0 base	11.08	2.33E-28	1.43E-27	8
272	Subclass - Plasmalogen Feature - P-17:0 base	11.08	2.33E-28	1.43E-27	8
273	Class - PC P Feature - P-18:0 base	6.52	7.55E-11	1.79E-10	4
274	Class - PE P Feature - P-18:0 base	15.09	6.37E-51	1.26E-49	11
275	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-18:0 base	14.16	4.09E-45	5.60E-44	17
276	Subclass - Ether lipid Feature - P-18:0 base	14.16	4.09E-45	5.60E-44	17
277	Subclass - Plasmalogen Feature - P-18:0 base	14.16	4.09E-45	5.60E-44	17
278	Class - PC O Feature - O-18:0 base	14.92	7.55E-50	1.41E-48	4
279	Class - PE O Feature - O-18:0 base	9.31	1.52E-20	6.36E-20	3
280	Domain - Glycerophospholipids Feature - O-18:0 base	15.88	4.16E-56	1.06E-54	8
281	Subclass - Ether lipid Feature - O-18:0 base	15.88	4.16E-56	1.06E-54	8
282	Subclass - Alkyl lipid Feature - O-18:0 base	15.88	4.16E-56	1.06E-54	8
283	Class - PE P Feature - P-18:1 base	9.86	7.58E-23	3.75E-22	17
284	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-18:1 base	9.43	4.97E-21	2.16E-20	21
285	Subclass - Ether lipid Feature - P-18:1 base	9.43	4.97E-21	2.16E-20	21
286	Subclass - Plasmalogen Feature - P-18:1 base	9.43	4.97E-21	2.16E-20	21
287	Domain - Glycerophospholipids Feature - O-18:1 base	-0.36	7.16E-01	7.39E-01	5
288	Subclass - Ether lipid Feature - O-18:1 base	-0.36	7.16E-01	7.39E-01	5
289	Subclass - Alkyl lipid Feature - O-18:1 base	-0.36	7.16E-01	7.39E-01	5
290	Class - PE P Feature - P-20:0 base	-5.83	5.57E-09	1.17E-08	4
291	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-20:0 base	-3.56	3.67E-04	5.61E-04	7
292	Subclass - Ether lipid Feature - P-20:0 base	-3.56	3.67E-04	5.61E-04	7
293	Subclass - Plasmalogen Feature - P-20:0 base	-3.56	3.67E-04	5.61E-04	7
294	Class - CE Feature - Fatty acid n3	-14.01	3.66E-44	4.83E-43	3
295	Class - DG Feature - Fatty acid n3	-15.31	2.61E-52	5.46E-51	5
296	Class - LPC Feature - Fatty acid n3	-5.56	2.81E-08	5.59E-08	7
297	Class - PC Feature - Fatty acid n3	-15.42	4.81E-53	1.07E-51	12
298	Class - PC P Feature - Fatty acid n3	-6.26	3.95E-10	9.13E-10	4
299	Class - PE Feature - Fatty acid n3	-9.11	1.00E-19	4.09E-19	8
300	Class - PE O Feature - Fatty acid n3	-7.53	5.47E-14	1.60E-13	3
301	Class - PE P Feature - Fatty acid n3	-0.98	3.28E-01	3.70E-01	16
302	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid n3	-17.72	3.16E-69	1.88E-67	13
303	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid n3	-9.73	2.91E-22	1.38E-21	56
304	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid n3	-17.68	6.16E-69	3.13E-67	23
305	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid n3	-3.29	1.02E-03	1.50E-03	25

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
306	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid n3	-2.29	2.22E-02	2.96E-02	20
307	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid n3	-6.19	6.42E-10	1.42E-09	5
308	Class - DG Feature - Fatty acid n6	-8.09	6.83E-16	2.38E-15	10
309	Class - LPC Feature - Fatty acid n6	2.49	1.26E-02	1.75E-02	8
310	Class - LPE Feature - Fatty acid n6	4.07	4.77E-05	7.82E-05	4
311	Class - LPI Feature - Fatty acid n6	0.14	8.88E-01	8.96E-01	4
312	Class - PC Feature - Fatty acid n6	-0.97	3.32E-01	3.74E-01	20
313	Class - PC O Feature - Fatty acid n6	13.73	1.65E-42	1.96E-41	4
314	Class - PC P Feature - Fatty acid n6	10.03	1.44E-23	7.45E-23	9
315	Class - PE Feature - Fatty acid n6	-0.24	8.11E-01	8.35E-01	14
316	Class - PE O Feature - Fatty acid n6	5.27	1.39E-07	2.54E-07	5
317	Class - PE P Feature - Fatty acid n6	11.79	6.65E-32	5.03E-31	21
318	Class - PI Feature - Fatty acid n6	-1.24	2.15E-01	2.51E-01	8
319	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid n6	-8.20	2.62E-16	9.34E-16	15
320	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid n6	0.55	5.81E-01	6.12E-01	3
321	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid n6	7.88	3.48E-15	1.10E-14	97
322	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid n6	-8.37	6.43E-17	2.31E-16	32
323	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid n6	11.97	8.54E-33	6.75E-32	42
324	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid n6	12.13	1.24E-33	1.02E-32	30
325	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid n6	8.55	1.44E-17	5.41E-17	12
326	Class - Cer Feature - d16:1 base	-3.56	3.77E-04	5.74E-04	7
327	Class - HexCer Feature - d16:1 base	1.93	5.34E-02	6.67E-02	4
328	Class - SM Feature - d16:1 base	2.42	1.54E-02	2.11E-02	3
329	Domain - Sphingolipids Feature - d16:1 base	-0.48	6.32E-01	6.59E-01	18
330	Class - Cer Feature - d17:1 base	5.24	1.60E-07	2.90E-07	7
331	Class - SM Feature - d17:1 base	3.53	4.19E-04	6.35E-04	3
332	Domain - Sphingolipids Feature - d17:1 base	5.06	4.31E-07	7.71E-07	10
333	Class - dhCer Feature - d18:0 base	2.33	1.97E-02	2.65E-02	6
334	Class - SM Feature - d18:0 base	-1.20	2.30E-01	2.67E-01	3
335	Domain - Sphingolipids Feature - d18:0 base	1.28	2.01E-01	2.38E-01	10
336	Class - Cer Feature - d18:1 base	6.26	4.08E-10	9.37E-10	12
337	Class - GM3 Feature - d18:1 base	0.96	3.38E-01	3.78E-01	6
338	Class - Hex2Cer Feature - d18:1 base	7.74	1.10E-14	3.32E-14	6
339	Class - Hex3Cer Feature - d18:1 base	5.56	2.84E-08	5.59E-08	6
340	Class - HexCer Feature - d18:1 base	9.34	1.11E-20	4.71E-20	6
341	Class - SHexCer Feature - d18:1 base	-2.24	2.52E-02	3.35E-02	8
342	Class - SM Feature - d18:1 base	0.84	4.03E-01	4.42E-01	9
343	Domain - Sphingolipids Feature - d18:1 base	6.96	3.48E-12	8.93E-12	57
344	Subclass - Gangliosides Feature - d18:1 base	1.25	2.11E-01	2.48E-01	7
345	Class - Cer Feature - d18:2 base	-0.96	3.39E-01	3.78E-01	11
346	Class - HexCer Feature - d18:2 base	7.83	5.26E-15	1.63E-14	4

Supplementary Table 5: Association of the Western Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
347	Class - SM Feature - d18:2 base	3.04	2.40E-03	3.43E-03	9
348	Domain - Sphingolipids Feature - d18:2 base	3.18	1.45E-03	2.11E-03	31
349	Class - Cer Feature - d19:1 base	10.69	1.50E-26	8.90E-26	8
350	Domain - Sphingolipids Feature - d19:1 base	10.43	2.44E-25	1.34E-24	9
351	Class - Cer Feature - d20:1 base	-1.40	1.62E-01	1.94E-01	5
352	Domain - Sphingolipids Feature - d20:1 base	-1.17	2.42E-01	2.80E-01	6
353	Class - deoxyCer Feature - m18:0 base	-0.82	4.12E-01	4.47E-01	5
354	Domain - Sphingolipids Feature - m18:0 base	-0.82	4.12E-01	4.47E-01	5
355	Class - deoxyCer Feature - m18:1 base	-3.00	2.67E-03	3.77E-03	6
356	Domain - Sphingolipids Feature - m18:1 base	-3.00	2.67E-03	3.77E-03	6

Supplementary Table 6: Association of the Prudent Dietary pattern with plasma lipidome: LSEA in the AusDiab cohort (n=9340)

#	Lipid set (pathway)	LSEA Statistic	p-value	BH-corrected p-value	nLipids
1	Class - AC	-8.04	9.71E-16	5.49E-15	14
2	Class - CE	3.45	5.61E-04	9.94E-04	23
3	Class - Cer	-4.69	2.81E-06	6.41E-06	3
4	Class - DE	3.66	2.55E-04	4.77E-04	3
5	Class - deoxyCer	2.97	3.02E-03	4.92E-03	4
6	Class - DG	8.14	4.58E-16	2.77E-15	9
7	Class - dhCer	-0.33	7.39E-01	7.93E-01	8
8	Class - GM3	0.13	8.95E-01	9.29E-01	52
9	Class - Hex2Cer	-5.91	3.45E-09	1.06E-08	13
10	Class - Hex3Cer	-3.95	7.94E-05	1.57E-04	12
11	Class - HexCer	-5.61	2.04E-08	5.87E-08	5
12	Class - LPC	4.58	4.74E-06	1.07E-05	4
13	Class - LPC O	2.88	3.99E-03	6.43E-03	79
14	Class - LPC P	0.31	7.60E-01	8.07E-01	38
15	Class - LPE	0.73	4.64E-01	5.28E-01	3
16	Class - LPE P	0.79	4.29E-01	4.94E-01	9
17	Class - LPI	-0.32	7.48E-01	7.97E-01	56
18	Class - PC	4.11	4.06E-05	8.45E-05	3
19	Class - PC O	-3.44	5.93E-04	1.04E-03	5
20	Class - PC P	-0.76	4.47E-01	5.13E-01	8
21	Class - PE	-0.33	7.45E-01	7.96E-01	10
22	Class - PE O	-2.28	2.25E-02	3.22E-02	8

23	Class - PE P	-3.81	1.38E-04	2.67E-04	4
24	Class - PG	0.39	6.96E-01	7.63E-01	6
25	Class - PI	-1.20	2.28E-01	2.78E-01	13
26	Class - PS	-3.25	1.15E-03	1.99E-03	8
27	Class - SHexCer	3.06	2.25E-03	3.75E-03	8
28	Class - SM	-1.26	2.09E-01	2.57E-01	8
29	Class - SPB	-1.26	2.07E-01	2.55E-01	8
30	Class - SPBP	-2.07	3.83E-02	5.30E-02	7
31	Class - TG	6.53	6.86E-11	2.66E-10	4
32	Class - TG [NL]	4.21	2.62E-05	5.51E-05	3
33	Class - TG [SIM]	6.53	6.86E-11	2.66E-10	18
34	Class - TG O	-2.67	7.69E-03	1.17E-02	7
35	Class - TG O [NL]	-2.96	3.04E-03	4.92E-03	3
36	Class - TG O [SIM]	-2.67	7.69E-03	1.17E-02	10
37	Domain - Sphingolipids	-3.94	8.10E-05	1.59E-04	18
38	Domain - Glycerophospholipids	0.76	4.49E-01	5.14E-01	10
39	Domain - Neutral lipids	5.00	5.70E-07	1.33E-06	8
40	Domain - Fatty acids	-8.04	9.71E-16	5.49E-15	4
41	Subclass - Ether lipid	-3.12	1.82E-03	3.11E-03	6
42	Subclass - Plasmalogen	-2.73	6.26E-03	9.60E-03	6
43	Subclass - Alkyl lipid	-2.98	2.92E-03	4.77E-03	6
44	Subclass - Gangliosides	-0.02	9.83E-01	9.89E-01	6
45	Feature - Fatty acid 14:0	1.54	1.24E-01	1.60E-01	7
46	Feature - Fatty acid 14:1	-8.12	5.18E-16	3.08E-15	11
47	Feature - Fatty acid 15:0	-3.71	2.09E-04	4.00E-04	18
48	Feature - Fatty acid 16:0	-3.56	3.69E-04	6.84E-04	3
49	Feature - Fatty acid 16:1	0.43	6.67E-01	7.35E-01	32
50	Feature - Fatty acid 17:0	-5.21	1.92E-07	4.91E-07	5
51	Feature - Fatty acid 17:1	-6.52	7.28E-11	2.79E-10	4
52	Feature - Fatty acid 18:0	-6.03	1.66E-09	5.31E-09	5
53	Feature - Fatty acid 18:1	-4.33	1.48E-05	3.18E-05	5
54	Feature - Fatty acid 18:2	2.11	3.46E-02	4.81E-02	3
55	Feature - Fatty acid 18:3	1.21	2.27E-01	2.77E-01	3
56	Feature - Fatty acid 19:0	-1.14	2.55E-01	3.07E-01	5
57	Feature - Fatty acid 19:1	-0.66	5.07E-01	5.69E-01	3
58	Feature - Fatty acid 20:0	-2.55	1.07E-02	1.58E-02	21
59	Feature - Fatty acid 20:1	5.87	4.49E-09	1.37E-08	25
60	Feature - Fatty acid 20:2	6.91	5.22E-12	2.30E-11	3
61	Feature - Fatty acid 20:3	-5.53	3.27E-08	9.10E-08	25
62	Feature - Fatty acid 20:4	1.32	1.85E-01	2.31E-01	14
63	Feature - Fatty acid 20:5	9.88	6.23E-23	6.00E-22	14
64	Feature - Fatty acid 22:0	-1.62	1.06E-01	1.38E-01	16
65	Feature - Fatty acid 22:1	10.00	1.91E-23	1.94E-22	3
66	Feature - Fatty acid 22:4	-12.14	1.11E-33	1.89E-32	8
67	Feature - Fatty acid 22:5	-5.16	2.49E-07	6.30E-07	3
68	Feature - Fatty acid 22:6	16.39	1.37E-59	6.10E-58	13
69	Feature - Fatty acid 23:0	-2.12	3.38E-02	4.72E-02	8

70	Feature - Fatty acid 24:0	5.03	5.07E-07	1.24E-06	4
71	Feature - Fatty acid 24:1	-0.13	8.98E-01	9.30E-01	6
72	Feature - Fatty acid 26:0	9.48	3.10E-21	2.56E-20	8
73	Feature - P-15:0 base	-2.55	1.09E-02	1.58E-02	7
74	Feature - P-16:0 base	-3.46	5.44E-04	9.69E-04	20
75	Feature - O-16:0 base	-2.78	5.49E-03	8.61E-03	20
76	Feature - P-17:0 base	-1.13	2.57E-01	3.07E-01	9
77	Feature - P-18:0 base	-6.36	2.12E-10	7.62E-10	9
78	Feature - O-18:0 base	-11.06	2.74E-28	3.36E-27	7
79	Feature - P-18:1 base	-2.74	6.07E-03	9.35E-03	10
80	Feature - O-18:1 base	4.00	6.35E-05	1.28E-04	5
81	Feature - P-20:0 base	5.43	5.91E-08	1.59E-07	4
82	Feature - Fatty acid n3	15.15	2.88E-51	7.88E-50	3
83	Feature - Fatty acid n6	-0.27	7.85E-01	8.32E-01	3
84	Feature - d16:1 base	-5.24	1.65E-07	4.28E-07	3
85	Feature - d17:1 base	-6.32	2.75E-10	9.69E-10	5
86	Feature - d18:0 base	-0.05	9.56E-01	9.67E-01	3
87	Feature - d18:1 base	-5.11	3.30E-07	8.16E-07	4
88	Feature - d18:2 base	-0.95	3.41E-01	3.98E-01	6
89	Feature - d19:1 base	-7.21	5.86E-13	2.71E-12	15
90	Feature - d20:1 base	1.43	1.54E-01	1.95E-01	33
91	Feature - m18:0 base	0.21	8.34E-01	8.69E-01	33
92	Feature - m18:1 base	5.02	5.21E-07	1.25E-06	5
93	Class - PC Feature - Fatty acid 14:0	6.70	2.13E-11	8.82E-11	14
94	Class - SM Feature - Fatty acid 14:0	-2.17	3.01E-02	4.24E-02	4
95	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 14:0	2.63	8.64E-03	1.30E-02	22
96	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 14:0	-1.09	2.77E-01	3.29E-01	17
97	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 14:0	3.38	7.36E-04	1.28E-03	17
98	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 14:0	2.59	9.51E-03	1.42E-02	17
99	Class - PC Feature - Fatty acid 15:0	3.80	1.44E-04	2.77E-04	17
100	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 15:0	1.26	2.07E-01	2.55E-01	10
101	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 15:0	-6.82	9.89E-12	4.19E-11	10
102	Class - Cer Feature - Fatty acid 16:0	-5.61	2.12E-08	6.04E-08	11
103	Class - DG Feature - Fatty acid 16:0	3.56	3.80E-04	7.00E-04	7
104	Class - Hex2Cer Feature - Fatty acid 16:0	-6.88	6.43E-12	2.76E-11	21
105	Class - LPC Feature - Fatty acid 16:0	-1.44	1.50E-01	1.91E-01	4
106	Class - PC Feature - Fatty acid 16:0	0.07	9.47E-01	9.67E-01	7
107	Class - PE Feature - Fatty acid 16:0	-1.54	1.24E-01	1.60E-01	9
108	Class - PI Feature - Fatty acid 16:0	-3.89	1.00E-04	1.95E-04	21
109	Class - SM Feature - Fatty acid 16:0	-4.50	6.95E-06	1.55E-05	8
110	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 16:0	-6.50	8.43E-11	3.19E-10	11
111	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 16:0	-6.61	4.03E-11	1.65E-10	66
112	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 16:0	-6.07	1.33E-09	4.39E-09	42
113	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 16:0	-1.63	1.04E-01	1.36E-01	4
114	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 16:0	-1.31	1.90E-01	2.36E-01	17

115	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 16:0	-6.59	4.60E-11	1.86E-10	12
116	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 16:0	-6.99	2.85E-12	1.27E-11	10
117	Class - PC Feature - Fatty acid 16:1	10.96	8.39E-28	9.34E-27	6
118	Class - PE Feature - Fatty acid 16:1	-1.38	1.67E-01	2.11E-01	16
119	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 16:1	-0.36	7.22E-01	7.84E-01	6
120	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 16:1	3.09	2.03E-03	3.42E-03	6
121	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 16:1	-0.92	3.59E-01	4.16E-01	3
122	Class - PC Feature - Fatty acid 17:0	2.26	2.38E-02	3.39E-02	9
123	Class - PE Feature - Fatty acid 17:0	-0.37	7.13E-01	7.77E-01	12
124	Class - PI Feature - Fatty acid 17:0	-5.01	5.39E-07	1.28E-06	14
125	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 17:0	-5.21	1.93E-07	4.91E-07	5
126	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 17:0	-1.05	2.95E-01	3.49E-01	30
127	Class - LPC Feature - Fatty acid 17:1	-5.28	1.33E-07	3.51E-07	4
128	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 17:1	-8.41	4.67E-17	2.91E-16	25
129	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 17:1	-0.26	7.93E-01	8.33E-01	7
130	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 17:1	-5.30	1.17E-07	3.11E-07	7
131	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 17:1	-5.74	9.60E-09	2.80E-08	7
132	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 17:1	-0.26	7.93E-01	8.33E-01	7
133	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 17:1	-0.26	7.93E-01	8.33E-01	5
134	Class - Cer Feature - Fatty acid 18:0	-8.49	2.39E-17	1.52E-16	5
135	Class - DG Feature - Fatty acid 18:0	2.69	7.13E-03	1.09E-02	4
136	Class - HexCer Feature - Fatty acid 18:0	-8.75	2.38E-18	1.77E-17	18
137	Class - PC Feature - Fatty acid 18:0	-0.47	6.36E-01	7.03E-01	18
138	Class - PE Feature - Fatty acid 18:0	-2.05	4.03E-02	5.56E-02	36
139	Class - PI Feature - Fatty acid 18:0	-1.97	4.92E-02	6.71E-02	23
140	Class - SHexCer Feature - Fatty acid 18:0	1.57	1.17E-01	1.52E-01	4
141	Class - SM Feature - Fatty acid 18:0	-7.78	7.85E-15	4.17E-14	22
142	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:0	-6.53	6.80E-11	2.66E-10	3
143	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 18:0	-8.33	9.34E-17	5.73E-16	57
144	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:0	-1.76	7.77E-02	1.04E-01	57
145	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:0	-4.44	9.25E-06	2.02E-05	3
146	Class - DG Feature - Fatty acid 18:1	6.28	3.58E-10	1.25E-09	24
147	Class - GM3 Feature - Fatty acid 18:1	0.05	9.59E-01	9.67E-01	6
148	Class - PC Feature - Fatty acid 18:1	-1.75	7.94E-02	1.06E-01	6
149	Class - PE Feature - Fatty acid 18:1	0.01	9.88E-01	9.89E-01	6
150	Class - PE P Feature - Fatty acid 18:1	-7.68	1.79E-14	8.99E-14	3
151	Class - PI Feature - Fatty acid 18:1	-3.11	1.86E-03	3.18E-03	6
152	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:1	-7.17	8.13E-13	3.71E-12	195
153	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 18:1	-3.95	7.73E-05	1.55E-04	3
154	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 18:1	-1.98	4.77E-02	6.56E-02	7
155	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:1	-5.22	1.83E-07	4.73E-07	4
156	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:1	-1.12	2.64E-01	3.15E-01	50
157	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 18:1	-7.94	2.21E-15	1.23E-14	4
158	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 18:1	-7.92	2.59E-15	1.40E-14	61
159	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 18:1	-6.06	1.41E-09	4.61E-09	97

160	Subclass - Gangliosides Feature - Fatty acid 18:1	-0.12	9.04E-01	9.30E-01	5
161	Class - DG Feature - Fatty acid 18:2	11.04	3.39E-28	4.03E-27	4
162	Class - PC Feature - Fatty acid 18:2	1.04	2.99E-01	3.52E-01	4
163	Class - PE Feature - Fatty acid 18:2	-2.88	4.04E-03	6.48E-03	10
164	Class - PE P Feature - Fatty acid 18:2	-5.36	8.42E-08	2.25E-07	3
165	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:2	3.90	9.70E-05	1.90E-04	6
166	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid 18:2	1.78	7.51E-02	1.00E-01	73
167	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:2	-1.97	4.85E-02	6.64E-02	5
168	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:2	7.56	4.53E-14	2.18E-13	17
169	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 18:2	-3.60	3.15E-04	5.88E-04	76
170	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 18:2	-4.86	1.22E-06	2.81E-06	20
171	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 18:2	-1.35	1.76E-01	2.22E-01	69
172	Class - LPC Feature - Fatty acid 18:3	0.06	9.51E-01	9.67E-01	5
173	Class - PE P Feature - Fatty acid 18:3	-3.40	6.80E-04	1.19E-03	5
174	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 18:3	6.12	9.85E-10	3.31E-09	5
175	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 18:3	-3.08	2.05E-03	3.43E-03	5
176	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 18:3	6.07	1.29E-09	4.29E-09	5
177	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 18:3	-3.69	2.24E-04	4.22E-04	5
178	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 18:3	-3.69	2.24E-04	4.22E-04	6
179	Class - LPC Feature - Fatty acid 19:0	3.05	2.28E-03	3.76E-03	6
180	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 19:0	3.05	2.28E-03	3.76E-03	6
181	Class - LPC Feature - Fatty acid 19:1	-0.66	5.07E-01	5.69E-01	167
182	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 19:1	-0.66	5.07E-01	5.69E-01	8
183	Class - Cer Feature - Fatty acid 20:0	-6.75	1.53E-11	6.40E-11	8
184	Class - HexCer Feature - Fatty acid 20:0	-5.09	3.62E-07	8.88E-07	54
185	Class - SM Feature - Fatty acid 20:0	-2.33	1.98E-02	2.84E-02	3
186	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 20:0	-5.93	3.07E-09	9.60E-09	10
187	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:0	8.62	7.75E-18	5.52E-17	3
188	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:1	7.93	2.38E-15	1.31E-14	4
189	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:2	5.79	7.36E-09	2.16E-08	4
190	Class - PC Feature - Fatty acid 20:3	-1.90	5.75E-02	7.81E-02	6
191	Class - PE Feature - Fatty acid 20:3	-3.70	2.15E-04	4.09E-04	14
192	Class - PE P Feature - Fatty acid 20:3	-9.52	2.08E-21	1.76E-20	87
193	Class - PI Feature - Fatty acid 20:3	-2.60	9.40E-03	1.41E-02	8
194	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:3	-6.42	1.43E-10	5.34E-10	3
195	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 20:3	1.34	1.80E-01	2.25E-01	4
196	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 20:3	-9.69	3.99E-22	3.65E-21	23
197	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 20:3	-9.52	2.08E-21	1.76E-20	23
198	Class - DG Feature - Fatty acid 20:4	5.96	2.57E-09	8.08E-09	23
199	Class - PC Feature - Fatty acid 20:4	3.01	2.65E-03	4.34E-03	23
200	Class - PC P Feature - Fatty acid 20:4	-3.08	2.07E-03	3.46E-03	4
201	Class - PE Feature - Fatty acid 20:4	-0.37	7.14E-01	7.77E-01	26
202	Class - PE P Feature - Fatty acid 20:4	-0.82	4.10E-01	4.74E-01	22

203	Class - PI Feature - Fatty acid 20:4	1.35	1.78E-01	2.23E-01	3
204	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 20:4	7.61	3.08E-14	1.50E-13	6
205	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:4	-1.25	2.12E-01	2.59E-01	7
206	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 20:4	7.76	9.47E-15	4.96E-14	9
207	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 20:4	-3.13	1.75E-03	3.01E-03	22
208	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 20:4	-1.87	6.13E-02	8.30E-02	172
209	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 20:4	-7.69	1.57E-14	8.00E-14	3
210	Class - PE P Feature - Fatty acid 20:5	3.47	5.24E-04	9.56E-04	6
211	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 20:5	12.38	5.84E-35	1.09E-33	10
212	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 20:5	7.05	1.84E-12	8.31E-12	12
213	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 20:5	12.15	1.03E-33	1.84E-32	7
214	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 20:5	4.00	6.26E-05	1.28E-04	10
215	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 20:5	4.00	6.26E-05	1.28E-04	4
216	Class - Cer Feature - Fatty acid 22:0	-5.82	6.15E-09	1.82E-08	4
217	Class - HexCer Feature - Fatty acid 22:0	-4.43	9.68E-06	2.10E-05	9
218	Class - SM Feature - Fatty acid 22:0	0.56	5.74E-01	6.37E-01	82
219	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 22:0	-4.11	3.90E-05	8.17E-05	11
220	Class - PE P Feature - Fatty acid 22:4	-17.06	2.36E-64	2.10E-62	20
221	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 22:4	-13.05	1.30E-38	2.88E-37	10
222	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 22:4	-16.94	1.76E-63	1.25E-61	6
223	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 22:4	-17.06	2.36E-64	2.10E-62	7
224	Class - LPC Feature - Fatty acid 22:5	0.34	7.33E-01	7.91E-01	10
225	Class - PE P Feature - Fatty acid 22:5	-11.67	2.97E-31	4.40E-30	10
226	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 22:5	-8.85	1.02E-18	7.71E-18	10
227	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 22:5	8.59	1.02E-17	7.15E-17	10
228	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 22:5	-11.85	3.51E-32	5.68E-31	21
229	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 22:5	-10.63	2.93E-26	3.07E-25	21
230	Class - DG Feature - Fatty acid 22:6	15.59	3.68E-54	1.09E-52	21
231	Class - PC Feature - Fatty acid 22:6	16.87	5.40E-63	3.20E-61	21
232	Class - PC P Feature - Fatty acid 22:6	12.77	4.47E-37	8.85E-36	90
233	Class - PE Feature - Fatty acid 22:6	9.33	1.32E-20	1.07E-19	4
234	Class - PE O Feature - Fatty acid 22:6	8.50	2.16E-17	1.40E-16	8
235	Class - PE P Feature - Fatty acid 22:6	9.98	2.50E-23	2.47E-22	8
236	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid 22:6	16.69	9.15E-62	4.65E-60	6
237	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid 22:6	14.84	2.54E-49	6.47E-48	4
238	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid 22:6	17.31	3.34E-66	1.19E-63	9
239	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid 22:6	10.76	7.31E-27	7.88E-26	5
240	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid 22:6	11.17	8.41E-29	1.20E-27	23
241	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid 22:6	8.53	1.73E-17	1.16E-16	5
242	Class - Cer Feature - Fatty acid 23:0	-4.40	1.09E-05	2.36E-05	5
243	Class - SM Feature - Fatty acid 23:0	0.42	6.74E-01	7.41E-01	5
244	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 23:0	-2.12	3.38E-02	4.72E-02	5
245	Class - Cer Feature - Fatty acid 24:0	0.07	9.43E-01	9.67E-01	14
246	Class - HexCer Feature - Fatty acid 24:0	-1.80	7.17E-02	9.67E-02	21
247	Class - SM Feature - Fatty acid 24:0	4.59	4.59E-06	1.04E-05	8

248	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 24:0	2.47	1.36E-02	1.97E-02	3
249	Class - Cer Feature - Fatty acid 24:1	-3.10	1.97E-03	3.33E-03	14
250	Class - Hex2Cer Feature - Fatty acid 24:1	-3.49	4.83E-04	8.87E-04	4
251	Class - SM Feature - Fatty acid 24:1	0.69	4.88E-01	5.53E-01	4
252	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 24:1	-0.60	5.50E-01	6.16E-01	4
253	Class - Cer Feature - Fatty acid 26:0	4.49	7.10E-06	1.56E-05	4
254	Domain - Sphingolipids Feature - Fatty acid 26:0	4.49	7.10E-06	1.56E-05	11
255	Class - PE P Feature - P-15:0 base	-1.44	1.50E-01	1.91E-01	11
256	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-15:0 base	-2.55	1.09E-02	1.58E-02	57
257	Subclass - Ether lipid Feature - P-15:0 base	-2.55	1.09E-02	1.58E-02	4
258	Subclass - Plasmalogen Feature - P-15:0 base	-2.55	1.09E-02	1.58E-02	9
259	Class - PC P Feature - P-16:0 base	-0.01	9.89E-01	9.89E-01	9
260	Class - PE P Feature - P-16:0 base	-6.04	1.58E-09	5.11E-09	34
261	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-16:0 base	-3.46	5.44E-04	9.69E-04	9
262	Subclass - Ether lipid Feature - P-16:0 base	-3.46	5.44E-04	9.69E-04	5
263	Subclass - Plasmalogen Feature - P-16:0 base	-3.46	5.44E-04	9.69E-04	18
264	Class - PC O Feature - O-16:0 base	-2.19	2.87E-02	4.07E-02	3
265	Class - PE O Feature - O-16:0 base	-2.57	1.01E-02	1.51E-02	3
266	Domain - Glycerophospholipids Feature - O-16:0 base	-2.78	5.49E-03	8.61E-03	3
267	Subclass - Ether lipid Feature - O-16:0 base	-2.78	5.49E-03	8.61E-03	34
268	Subclass - Alkyl lipid Feature - O-16:0 base	-2.78	5.49E-03	8.61E-03	9
269	Class - PE P Feature - P-17:0 base	2.18	2.92E-02	4.13E-02	5
270	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-17:0 base	-1.13	2.57E-01	3.07E-01	9
271	Subclass - Ether lipid Feature - P-17:0 base	-1.13	2.57E-01	3.07E-01	47
272	Subclass - Plasmalogen Feature - P-17:0 base	-1.13	2.57E-01	3.07E-01	23
273	Class - PC P Feature - P-18:0 base	0.59	5.57E-01	6.22E-01	4
274	Class - PE P Feature - P-18:0 base	-9.00	2.75E-19	2.13E-18	4
275	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-18:0 base	-6.36	2.12E-10	7.62E-10	22
276	Subclass - Ether lipid Feature - P-18:0 base	-6.36	2.12E-10	7.62E-10	14
277	Subclass - Plasmalogen Feature - P-18:0 base	-6.36	2.12E-10	7.62E-10	20
278	Class - PC O Feature - O-18:0 base	-11.03	3.86E-28	4.43E-27	5
279	Class - PE O Feature - O-18:0 base	-6.88	6.24E-12	2.71E-11	3
280	Domain - Glycerophospholipids Feature - O-18:0 base	-11.06	2.74E-28	3.36E-27	6
281	Subclass - Ether lipid Feature - O-18:0 base	-11.06	2.74E-28	3.36E-27	6
282	Subclass - Alkyl lipid Feature - O-18:0 base	-11.06	2.74E-28	3.36E-27	3
283	Class - PE P Feature - P-18:1 base	-4.23	2.35E-05	4.99E-05	7
284	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-18:1 base	-2.74	6.07E-03	9.35E-03	4
285	Subclass - Ether lipid Feature - P-18:1 base	-2.74	6.07E-03	9.35E-03	3
286	Subclass - Plasmalogen Feature - P-18:1 base	-2.74	6.07E-03	9.35E-03	60
287	Domain - Glycerophospholipids Feature - O-18:1 base	4.00	6.35E-05	1.28E-04	18
288	Subclass - Ether lipid Feature - O-18:1 base	4.00	6.35E-05	1.28E-04	3
289	Subclass - Alkyl lipid Feature - O-18:1 base	4.00	6.35E-05	1.28E-04	5
290	Class - PE P Feature - P-20:0 base	6.14	8.76E-10	2.97E-09	43

291	Domain - Glycerophospholipids Feature - P-20:0 base	5.43	5.91E-08	1.59E-07	47
292	Subclass - Ether lipid Feature - P-20:0 base	5.43	5.91E-08	1.59E-07	21
293	Subclass - Plasmalogen Feature - P-20:0 base	5.43	5.91E-08	1.59E-07	27
294	Class - CE Feature - Fatty acid n3	14.36	2.47E-46	5.85E-45	6
295	Class - DG Feature - Fatty acid n3	15.97	9.80E-57	3.17E-55	8
296	Class - LPC Feature - Fatty acid n3	9.14	7.33E-20	5.80E-19	8
297	Class - PC Feature - Fatty acid n3	16.33	3.51E-59	1.25E-57	8
298	Class - PC P Feature - Fatty acid n3	11.76	9.57E-32	1.48E-30	8
299	Class - PE Feature - Fatty acid n3	7.67	1.89E-14	9.37E-14	26
300	Class - PE O Feature - Fatty acid n3	8.50	2.16E-17	1.40E-16	6
301	Class - PE P Feature - Fatty acid n3	5.86	4.82E-09	1.45E-08	15
302	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid n3	16.37	1.72E-59	6.80E-58	9
303	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid n3	12.80	3.29E-37	6.90E-36	9
304	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid n3	17.22	1.67E-65	2.97E-63	31
305	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid n3	8.05	9.04E-16	5.28E-15	31
306	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid n3	7.52	5.95E-14	2.82E-13	8
307	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid n3	8.53	1.73E-17	1.16E-16	12
308	Class - DG Feature - Fatty acid n6	9.71	3.35E-22	3.14E-21	11
309	Class - LPC Feature - Fatty acid n6	0.94	3.48E-01	4.05E-01	4
310	Class - LPE Feature - Fatty acid n6	-5.55	2.93E-08	8.20E-08	26
311	Class - LPI Feature - Fatty acid n6	1.60	1.10E-01	1.43E-01	363
312	Class - PC Feature - Fatty acid n6	1.50	1.34E-01	1.72E-01	8
313	Class - PC O Feature - Fatty acid n6	-9.67	4.98E-22	4.43E-21	14
314	Class - PC P Feature - Fatty acid n6	-3.19	1.41E-03	2.44E-03	4
315	Class - PE Feature - Fatty acid n6	-2.51	1.22E-02	1.78E-02	3
316	Class - PE O Feature - Fatty acid n6	-4.32	1.59E-05	3.39E-05	3
317	Class - PE P Feature - Fatty acid n6	-6.15	7.96E-10	2.73E-09	3
318	Class - PI Feature - Fatty acid n6	-0.75	4.52E-01	5.16E-01	22
319	Class - TG [NL] Feature - Fatty acid n6	6.57	5.24E-11	2.09E-10	4
320	Class - TG O [NL] Feature - Fatty acid n6	1.78	7.51E-02	1.00E-01	3
321	Domain - Glycerophospholipids Feature - Fatty acid n6	-4.54	5.79E-06	1.30E-05	5
322	Domain - Neutral lipids Feature - Fatty acid n6	8.68	4.74E-18	3.44E-17	9
323	Subclass - Ether lipid Feature - Fatty acid n6	-6.02	1.76E-09	5.60E-09	24
324	Subclass - Plasmalogen Feature - Fatty acid n6	-5.60	2.17E-08	6.14E-08	3
325	Subclass - Alkyl lipid Feature - Fatty acid n6	-5.64	1.73E-08	5.01E-08	4
326	Class - Cer Feature - d16:1 base	-2.86	4.31E-03	6.87E-03	4
327	Class - HexCer Feature - d16:1 base	-4.77	1.85E-06	4.26E-06	6
328	Class - SM Feature - d16:1 base	-4.93	8.31E-07	1.93E-06	8
329	Domain - Sphingolipids Feature - d16:1 base	-5.24	1.65E-07	4.28E-07	11
330	Class - Cer Feature - d17:1 base	-6.18	6.45E-10	2.23E-09	4
331	Class - SM Feature - d17:1 base	-5.15	2.63E-07	6.59E-07	6
332	Domain - Sphingolipids Feature - d17:1 base	-6.32	2.75E-10	9.69E-10	6
333	Class - dhCer Feature - d18:0 base	-0.33	7.39E-01	7.93E-01	37
334	Class - SM Feature - d18:0 base	0.57	5.66E-01	6.30E-01	8
335	Domain - Sphingolipids Feature - d18:0 base	-0.05	9.56E-01	9.67E-01	6

336	Class - Cer Feature - d18:1 base	-5.93	3.13E-09	9.68E-09	133
337	Class - GM3 Feature - d18:1 base	0.05	9.59E-01	9.67E-01	5
338	Class - Hex2Cer Feature - d18:1 base	-5.01	5.48E-07	1.29E-06	5
339	Class - Hex3Cer Feature - d18:1 base	-3.95	7.94E-05	1.57E-04	5
340	Class - HexCer Feature - d18:1 base	-5.84	5.34E-09	1.60E-08	5
341	Class - SHexCer Feature - d18:1 base	2.47	1.36E-02	1.97E-02	5
342	Class - SM Feature - d18:1 base	-1.65	9.89E-02	1.30E-01	5
343	Domain - Sphingolipids Feature - d18:1 base	-5.11	3.30E-07	8.16E-07	8
344	Subclass - Gangliosides Feature - d18:1 base	-0.12	9.04E-01	9.30E-01	23
345	Class - Cer Feature - d18:2 base	0.35	7.25E-01	7.84E-01	7
346	Class - HexCer Feature - d18:2 base	-3.46	5.37E-04	9.69E-04	7
347	Class - SM Feature - d18:2 base	-0.97	3.34E-01	3.93E-01	10
348	Domain - Sphingolipids Feature - d18:2 base	-0.95	3.41E-01	3.98E-01	16
349	Class - Cer Feature - d19:1 base	-7.72	1.32E-14	6.81E-14	6
350	Domain - Sphingolipids Feature - d19:1 base	-7.21	5.86E-13	2.71E-12	4
351	Class - Cer Feature - d20:1 base	1.72	8.58E-02	1.14E-01	6
352	Domain - Sphingolipids Feature - d20:1 base	1.43	1.54E-01	1.95E-01	10
353	Class - deoxyCer Feature - m18:0 base	0.21	8.34E-01	8.69E-01	6
354	Domain - Sphingolipids Feature - m18:0 base	0.21	8.34E-01	8.69E-01	9
355	Class - deoxyCer Feature - m18:1 base	5.02	5.21E-07	1.25E-06	8
356	Domain - Sphingolipids Feature - m18:1 base	5.02	5.21E-07	1.25E-06	10

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
1	AC 12:0	0.17	0.13	0.20	5.56E-18	2.26E-17	0.12	0.08	0.16	5.28E-09	2.21E-08	0.15	0.12	0.17	2.55E-28	1.18E-27	3.40	6.52E-02	1.29E-01
2	AC 13:0	-0.04	-0.08	0.00	5.11E-02	6.58E-02	-0.08	-0.12	-0.03	6.51E-04	1.28E-03	-0.06	-0.09	-0.03	1.57E-04	2.44E-04	1.70	1.93E-01	3.02E-01
3	AC 14:0	0.15	0.11	0.18	4.71E-14	1.57E-13	0.17	0.13	0.21	2.81E-16	2.50E-15	0.16	0.13	0.19	3.59E-32	1.99E-31	0.54	4.61E-01	5.75E-01
4	AC 14:1	0.14	0.10	0.18	3.48E-13	1.10E-12	0.06	0.02	0.10	2.01E-03	3.74E-03	0.10	0.07	0.13	4.22E-12	1.10E-11	7.68	5.57E-03	1.73E-02
5	AC 14:2	0.02	-0.01	0.06	2.18E-01	2.53E-01	0.01	-0.03	0.05	7.79E-01	8.09E-01	0.02	-0.01	0.04	2.44E-01	2.73E-01	0.14	7.12E-01	7.67E-01
6	AC 15:0 [a]	0.26	0.22	0.30	4.01E-40	5.04E-39	0.19	0.15	0.24	1.84E-18	2.20E-17	0.23	0.20	0.26	5.43E-51	5.46E-50	5.19	2.27E-02	5.58E-02
7	AC 15:0 [b]	0.17	0.14	0.21	2.90E-18	1.20E-17	0.21	0.17	0.25	2.55E-23	5.99E-22	0.19	0.16	0.21	3.59E-44	3.01E-43	2.18	1.40E-01	2.31E-01
8	AC 16:0	0.15	0.11	0.19	2.13E-14	7.29E-14	0.12	0.08	0.16	9.93E-10	4.47E-09	0.14	0.11	0.16	8.36E-21	3.09E-20	1.08	2.99E-01	4.14E-01
9	AC 16:1	0.12	0.09	0.16	8.98E-11	2.46E-10	0.08	0.04	0.12	1.03E-04	2.37E-04	0.10	0.08	0.13	2.20E-14	6.40E-14	2.18	1.40E-01	2.31E-01
10	AC 18:0	0.27	0.23	0.30	3.96E-50	7.33E-49	0.21	0.17	0.25	2.12E-25	6.78E-24	0.24	0.22	0.27	1.17E-73	3.05E-72	4.90	2.69E-02	6.15E-02
11	AC 18:1	0.13	0.09	0.17	1.36E-11	3.94E-11	0.05	0.02	0.09	5.56E-03	9.44E-03	0.08	0.06	0.11	2.94E-10	6.87E-10	8.70	3.18E-03	1.10E-02
12	AC 18:2	-0.07	-0.11	-0.03	2.58E-04	4.18E-04	-0.04	-0.08	0.00	4.45E-02	6.40E-02	-0.06	-0.08	-0.03	1.38E-04	2.15E-04	1.08	2.99E-01	4.14E-01
13	CE 14:0	-0.05	-0.09	-0.01	7.49E-03	1.04E-02	0.11	0.07	0.14	1.42E-07	5.06E-07	0.04	0.01	0.07	2.51E-03	3.53E-03	34.81	3.63E-09	7.51E-08
14	CE 15:0	0.07	0.04	0.10	4.32E-05	7.46E-05	0.12	0.09	0.16	5.28E-11	2.81E-10	0.09	0.07	0.11	4.31E-15	1.27E-14	4.52	3.35E-02	7.45E-02
15	CE 16:0	-0.13	-0.16	-0.10	2.47E-19	1.10E-18	-0.01	-0.04	0.03	7.24E-01	7.59E-01	-0.08	-0.10	-0.06	9.55E-12	2.44E-11	26.03	3.36E-07	4.54E-06
16	CE 16:1	0.03	0.00	0.07	8.42E-02	1.05E-01	0.07	0.03	0.11	1.05E-03	2.02E-03	0.05	0.02	0.07	4.27E-04	6.45E-04	2.18	1.40E-01	2.31E-01
17	CE 16:2	0.05	0.02	0.08	9.86E-04	1.50E-03	0.06	0.02	0.09	7.18E-04	1.41E-03	0.05	0.03	0.08	3.06E-06	5.50E-06	0.18	6.71E-01	7.67E-01
18	CE 17:0	0.25	0.21	0.28	1.12E-49	2.01E-48	0.22	0.18	0.25	5.24E-30	5.26E-28	0.24	0.21	0.26	2.61E-77	7.66E-76	1.41	2.35E-01	3.50E-01
19	CE 17:1	0.24	0.20	0.27	6.80E-45	1.09E-43	0.19	0.15	0.22	1.35E-23	3.39E-22	0.22	0.19	0.24	5.17E-65	1.01E-63	3.92	4.77E-02	9.98E-02
20	CE 18:0	0.20	0.17	0.23	1.51E-44	2.36E-43	0.15	0.11	0.18	1.78E-20	2.98E-19	0.18	0.16	0.20	1.98E-53	2.32E-52	4.52	3.35E-02	7.45E-02
21	CE 18:1	0.12	0.09	0.14	1.27E-18	5.34E-18	0.05	0.02	0.08	2.45E-03	4.46E-03	0.09	0.07	0.11	1.18E-20	4.29E-20	12.34	4.43E-04	1.98E-03
22	CE 18:2	-0.04	-0.07	-0.01	8.45E-03	1.17E-02	0.05	0.02	0.08	3.28E-04	6.82E-04	0.01	-0.02	0.03	6.44E-01	6.70E-01	17.29	3.21E-05	2.26E-04
23	CE 18:3	0.00	-0.02	0.03	8.04E-01	8.21E-01	0.01	-0.02	0.04	4.44E-01	5.01E-01	0.00	-0.02	0.02	6.76E-01	6.99E-01	0.25	6.16E-01	7.31E-01
24	CE 20:0	0.08	0.04	0.11	3.33E-06	6.32E-06	0.07	0.04	0.10	3.36E-05	8.35E-05	0.07	0.05	0.10	1.68E-10	3.99E-10	0.18	6.71E-01	7.67E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
25	CE 20:1	0.01	-0.02	0.05	4.36E-01	4.75E-01	-0.02	-0.05	0.02	3.45E-01	4.03E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.92E-01	7.12E-01	1.41	2.35E-01	3.50E-01
26	CE 20:2	-0.13	-0.16	-0.10	1.16E-16	4.33E-16	0.01	-0.02	0.04	6.28E-01	6.74E-01	-0.06	-0.08	-0.04	2.96E-08	6.10E-08	41.83	9.95E-11	4.12E-09
27	CE 20:3	-0.06	-0.09	-0.03	2.08E-04	3.39E-04	0.05	0.01	0.08	1.41E-02	2.23E-02	-0.01	-0.04	0.01	2.48E-01	2.78E-01	21.87	2.91E-06	2.88E-05
28	CE 20:4	-0.08	-0.10	-0.05	2.33E-09	5.70E-09	-0.03	-0.06	0.00	6.27E-02	8.62E-02	-0.06	-0.08	-0.04	1.26E-09	2.90E-09	6.30	1.21E-02	3.33E-02
29	CE 20:5	-0.08	-0.11	-0.05	4.90E-08	1.07E-07	-0.08	-0.11	-0.04	1.43E-05	3.72E-05	-0.08	-0.10	-0.06	5.82E-12	1.51E-11	0.00	1.00E+00	1.00E+00
30	CE 22:0	-0.03	-0.06	0.01	1.10E-01	1.35E-01	0.03	0.00	0.07	5.70E-02	7.92E-02	0.00	-0.02	0.02	1.00E+00	1.00E+00	5.64	1.75E-02	4.51E-02
31	CE 22:1	-0.12	-0.15	-0.08	1.31E-10	3.53E-10	-0.08	-0.12	-0.04	3.70E-05	9.13E-05	-0.10	-0.13	-0.08	2.20E-14	6.40E-14	2.18	1.40E-01	2.31E-01
32	CE 22:4	0.05	0.02	0.08	1.43E-03	2.13E-03	0.08	0.04	0.11	2.54E-05	6.41E-05	0.06	0.04	0.09	6.82E-08	1.38E-07	1.63	2.02E-01	3.09E-01
33	CE 22:6	-0.26	-0.29	-0.22	1.93E-59	5.90E-58	-0.17	-0.21	-0.13	7.21E-18	7.92E-17	-0.22	-0.25	-0.19	9.44E-61	1.62E-59	11.01	9.04E-04	3.72E-03
34	CE 24:0	-0.08	-0.11	-0.04	7.33E-06	1.35E-05	0.01	-0.03	0.04	6.33E-01	6.77E-01	-0.04	-0.06	-0.01	5.57E-03	7.62E-03	12.70	3.65E-04	1.70E-03
35	CE 24:1	-0.06	-0.09	-0.02	8.56E-04	1.31E-03	-0.05	-0.09	-0.01	5.81E-03	9.84E-03	-0.06	-0.08	-0.03	3.44E-05	5.68E-05	0.14	7.12E-01	7.67E-01
36	CE 24:4	-0.01	-0.04	0.03	6.16E-01	6.48E-01	0.00	-0.03	0.04	8.85E-01	9.02E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.92E-01	7.12E-01	0.16	6.92E-01	7.67E-01
37	CE 24:5	-0.02	-0.06	0.01	1.95E-01	2.29E-01	-0.03	-0.07	0.00	8.93E-02	1.19E-01	-0.03	-0.05	0.00	4.77E-02	5.85E-02	0.16	6.92E-01	7.67E-01
38	CE 24:6	-0.17	-0.21	-0.13	2.44E-18	1.02E-17	0.01	-0.03	0.05	7.15E-01	7.52E-01	-0.08	-0.11	-0.05	2.96E-08	6.10E-08	38.90	4.47E-10	1.37E-08
39	Cer 16:1;O2/16:0	-0.06	-0.09	-0.02	1.24E-03	1.87E-03	0.08	0.04	0.12	1.49E-04	3.32E-04	0.00	-0.03	0.03	9.58E-01	9.66E-01	26.65	2.43E-07	3.72E-06
40	Cer 16:1;O2/18:0	0.02	-0.01	0.06	1.77E-01	2.10E-01	0.08	0.04	0.12	2.33E-04	4.99E-04	0.05	0.02	0.07	6.17E-04	9.22E-04	4.90	2.69E-02	6.15E-02
41	Cer 16:1;O2/20:0	-0.02	-0.05	0.02	3.29E-01	3.69E-01	0.10	0.06	0.14	7.10E-07	2.24E-06	0.03	0.01	0.06	1.71E-02	2.24E-02	19.58	9.64E-06	8.58E-05
42	Cer 16:1;O2/22:0	-0.04	-0.07	-0.01	1.00E-02	1.38E-02	0.09	0.05	0.13	5.51E-06	1.54E-05	0.01	-0.02	0.03	5.79E-01	6.08E-01	25.97	3.47E-07	4.60E-06
43	Cer 16:1;O2/23:0	-0.07	-0.11	-0.04	3.36E-05	5.83E-05	0.09	0.05	0.13	1.50E-05	3.90E-05	0.00	-0.03	0.03	9.63E-01	9.70E-01	34.81	3.63E-09	7.51E-08
44	Cer 16:1;O2/24:0	-0.14	-0.18	-0.11	4.45E-16	1.62E-15	0.06	0.02	0.10	1.87E-03	3.49E-03	-0.05	-0.08	-0.03	7.36E-05	1.19E-04	54.39	1.64E-13	2.88E-11
45	Cer 16:1;O2/24:1	-0.05	-0.08	-0.02	1.95E-03	2.85E-03	0.06	0.02	0.10	2.44E-03	4.45E-03	-0.01	-0.03	0.01	3.96E-01	4.30E-01	18.59	1.62E-05	1.34E-04
46	Cer 17:1;O2/16:0	0.08	0.04	0.12	1.39E-05	2.50E-05	0.11	0.07	0.15	2.23E-07	7.53E-07	0.10	0.07	0.12	4.61E-11	1.11E-10	1.08	2.99E-01	4.14E-01
47	Cer 17:1;O2/18:0	0.12	0.08	0.15	7.45E-10	1.90E-09	0.10	0.06	0.14	5.80E-06	1.61E-05	0.11	0.08	0.14	1.19E-16	3.64E-16	0.54	4.61E-01	5.75E-01
48	Cer 17:1;O2/20:0	0.12	0.08	0.16	7.80E-11	2.14E-10	0.14	0.10	0.18	7.01E-11	3.62E-10	0.13	0.10	0.16	2.09E-19	7.16E-19	0.48	4.88E-01	6.02E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
49	Cer 17:1;O2/22:0	0.09	0.06	0.13	6.43E-08	1.40E-07	0.16	0.12	0.20	3.56E-16	3.09E-15	0.12	0.09	0.15	3.38E-19	1.14E-18	6.66	9.84E-03	2.85E-02
50	Cer 17:1;O2/23:0	0.06	0.02	0.09	1.48E-03	2.21E-03	0.14	0.10	0.18	1.49E-11	8.72E-11	0.09	0.07	0.12	1.84E-12	4.92E-12	8.70	3.18E-03	1.10E-02
51	Cer 17:1;O2/24:0	0.01	-0.02	0.05	4.84E-01	5.22E-01	0.13	0.09	0.16	3.27E-10	1.58E-09	0.07	0.05	0.09	2.96E-08	6.10E-08	22.58	2.02E-06	2.05E-05
52	Cer 17:1;O2/24:1	0.04	0.01	0.08	1.56E-02	2.10E-02	0.10	0.06	0.14	8.09E-07	2.54E-06	0.07	0.04	0.09	8.99E-07	1.70E-06	4.90	2.69E-02	6.15E-02
53	Cer 18:1;O2/14:0	-0.03	-0.07	0.01	9.16E-02	1.14E-01	0.10	0.06	0.14	2.24E-07	7.54E-07	0.04	0.01	0.06	1.53E-02	2.01E-02	20.29	6.66E-06	6.24E-05
54	Cer 18:1;O2/16:0	0.07	0.04	0.10	3.74E-06	7.09E-06	0.04	0.01	0.08	1.02E-02	1.67E-02	0.06	0.03	0.08	8.22E-07	1.56E-06	1.63	2.02E-01	3.09E-01
55	Cer 18:1;O2/18:0	0.17	0.14	0.21	3.67E-26	2.12E-25	0.08	0.04	0.11	1.56E-04	3.44E-04	0.13	0.10	0.15	4.18E-23	1.67E-22	12.70	3.65E-04	1.70E-03
56	Cer 18:1;O2/19:0	0.14	0.10	0.18	3.02E-13	9.63E-13	0.12	0.08	0.17	1.98E-08	7.62E-08	0.13	0.10	0.16	8.00E-18	2.50E-17	0.42	5.15E-01	6.15E-01
57	Cer 18:1;O2/20:0	0.12	0.09	0.16	1.48E-15	5.27E-15	0.05	0.01	0.09	7.81E-03	1.29E-02	0.09	0.06	0.12	2.55E-11	6.28E-11	6.66	9.84E-03	2.85E-02
58	Cer 18:1;O2/21:0	0.14	0.11	0.18	1.54E-17	6.07E-17	0.08	0.04	0.12	2.46E-05	6.24E-05	0.11	0.09	0.14	2.22E-17	6.91E-17	4.90	2.69E-02	6.15E-02
59	Cer 18:1;O2/22:0	0.11	0.08	0.14	4.36E-13	1.36E-12	0.09	0.06	0.13	6.95E-08	2.56E-07	0.10	0.08	0.12	2.40E-18	7.79E-18	0.72	3.95E-01	5.14E-01
60	Cer 18:1;O2/23:0	0.05	0.02	0.08	1.64E-03	2.43E-03	0.08	0.04	0.11	9.11E-06	2.46E-05	0.06	0.04	0.09	6.82E-08	1.38E-07	1.63	2.02E-01	3.09E-01
61	Cer 18:1;O2/24:0	0.00	-0.03	0.03	7.97E-01	8.16E-01	0.04	0.00	0.07	3.07E-02	4.58E-02	0.02	-0.01	0.04	1.45E-01	1.68E-01	2.89	8.90E-02	1.65E-01
62	Cer 18:1;O2/24:1	0.06	0.02	0.09	5.62E-04	8.86E-04	0.00	-0.04	0.03	8.24E-01	8.51E-01	0.03	0.01	0.05	1.75E-02	2.27E-02	5.64	1.75E-02	4.51E-02
63	Cer 18:1;O2/26:0	-0.10	-0.14	-0.07	3.06E-09	7.40E-09	0.00	-0.04	0.04	9.80E-01	9.83E-01	-0.06	-0.08	-0.03	2.50E-05	4.20E-05	13.60	2.26E-04	1.12E-03
64	Cer 18:2;O2/14:0	-0.10	-0.14	-0.06	1.21E-07	2.59E-07	0.07	0.04	0.11	1.42E-04	3.17E-04	0.00	-0.03	0.02	7.82E-01	7.98E-01	39.30	3.63E-10	1.16E-08
65	Cer 18:2;O2/16:0	-0.02	-0.06	0.01	2.14E-01	2.49E-01	0.01	-0.03	0.04	7.60E-01	7.91E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.92E-01	7.12E-01	1.41	2.35E-01	3.50E-01
66	Cer 18:2;O2/18:0	0.09	0.06	0.13	2.68E-07	5.58E-07	0.06	0.02	0.10	4.60E-03	8.06E-03	0.08	0.05	0.10	1.01E-08	2.18E-08	1.22	2.69E-01	3.84E-01
67	Cer 18:2;O2/20:0	0.06	0.02	0.09	1.31E-03	1.98E-03	0.05	0.01	0.08	2.28E-02	3.44E-02	0.06	0.03	0.08	1.33E-05	2.26E-05	0.16	6.92E-01	7.67E-01
68	Cer 18:2;O2/21:0	0.02	-0.02	0.05	3.81E-01	4.21E-01	0.05	0.01	0.09	1.67E-02	2.63E-02	0.03	0.01	0.06	1.40E-02	1.87E-02	1.22	2.69E-01	3.84E-01
69	Cer 18:2;O2/22:0	0.04	0.01	0.08	1.19E-02	1.62E-02	0.07	0.03	0.10	5.04E-04	1.02E-03	0.06	0.03	0.08	1.33E-05	2.26E-05	1.41	2.35E-01	3.50E-01
70	Cer 18:2;O2/23:0	-0.01	-0.04	0.03	7.64E-01	7.86E-01	0.06	0.02	0.10	2.83E-03	5.11E-03	0.02	-0.01	0.05	1.30E-01	1.51E-01	6.66	9.84E-03	2.85E-02
71	Cer 18:2;O2/24:0	-0.09	-0.12	-0.05	9.04E-07	1.79E-06	0.02	-0.02	0.06	2.56E-01	3.06E-01	-0.04	-0.07	-0.02	1.65E-03	2.35E-03	16.45	4.98E-05	3.05E-04
72	Cer 18:2;O2/24:1	-0.01	-0.05	0.02	4.89E-01	5.25E-01	0.00	-0.04	0.04	9.36E-01	9.46E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.73E-01	6.97E-01	0.14	7.12E-01	7.67E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
73	Cer 18:2;O2/26:0	-0.13	-0.17	-0.10	1.28E-12	3.91E-12	0.00	-0.04	0.04	9.71E-01	9.75E-01	-0.07	-0.10	-0.05	4.28E-08	8.78E-08	22.98	1.64E-06	1.74E-05
74	Cer 19:1;O2/16:0	0.14	0.10	0.18	2.88E-12	8.61E-12	0.21	0.16	0.25	4.47E-20	6.83E-19	0.17	0.14	0.20	3.90E-29	1.89E-28	5.19	2.27E-02	5.58E-02
75	Cer 19:1;O2/18:0	0.24	0.20	0.27	2.67E-36	2.88E-35	0.18	0.13	0.22	2.63E-15	2.15E-14	0.22	0.19	0.25	1.16E-53	1.41E-52	4.26	3.91E-02	8.49E-02
76	Cer 19:1;O2/20:0	0.22	0.19	0.26	4.86E-32	4.11E-31	0.18	0.14	0.22	1.25E-16	1.20E-15	0.20	0.18	0.23	2.20E-51	2.28E-50	2.18	1.40E-01	2.31E-01
77	Cer 19:1;O2/22:0	0.21	0.18	0.25	1.78E-31	1.44E-30	0.21	0.17	0.25	3.05E-24	8.25E-23	0.21	0.18	0.24	4.82E-55	6.51E-54	0.00	1.00E+00	1.00E+00
78	Cer 19:1;O2/23:0	0.16	0.12	0.20	1.22E-17	4.87E-17	0.19	0.15	0.24	1.72E-19	2.37E-18	0.17	0.14	0.20	6.79E-30	3.34E-29	0.95	3.29E-01	4.40E-01
79	Cer 19:1;O2/24:0	0.14	0.10	0.17	5.06E-14	1.68E-13	0.18	0.14	0.22	7.85E-19	9.85E-18	0.16	0.13	0.18	1.16E-31	6.30E-31	2.18	1.40E-01	2.31E-01
80	Cer 19:1;O2/24:1	0.16	0.12	0.19	1.07E-16	4.02E-16	0.16	0.11	0.20	2.39E-12	1.47E-11	0.16	0.13	0.19	7.33E-30	3.58E-29	0.00	1.00E+00	1.00E+00
81	Cer 19:1;O2/26:0	0.02	-0.02	0.06	2.51E-01	2.88E-01	0.11	0.07	0.16	1.99E-07	6.89E-07	0.06	0.03	0.09	9.02E-05	1.44E-04	8.58	3.39E-03	1.14E-02
82	Cer 20:1;O2/22:0	0.05	0.01	0.08	6.35E-03	9.00E-03	0.05	0.01	0.09	1.89E-02	2.92E-02	0.05	0.02	0.08	1.99E-04	3.07E-04	0.00	1.00E+00	1.00E+00
83	Cer 20:1;O2/23:0	-0.01	-0.05	0.02	4.27E-01	4.68E-01	0.03	-0.01	0.07	1.57E-01	1.96E-01	0.01	-0.02	0.03	5.85E-01	6.13E-01	2.18	1.40E-01	2.31E-01
84	Cer 20:1;O2/24:0	-0.05	-0.09	-0.02	2.43E-03	3.55E-03	-0.01	-0.05	0.03	7.12E-01	7.49E-01	-0.03	-0.06	-0.01	1.51E-02	2.00E-02	2.18	1.40E-01	2.31E-01
85	Cer 20:1;O2/24:1	-0.02	-0.05	0.02	3.05E-01	3.46E-01	-0.05	-0.09	0.00	3.60E-02	5.33E-02	-0.03	-0.06	0.00	2.63E-02	3.34E-02	1.06	3.02E-01	4.14E-01
86	Cer 18:0;O/20:0	0.01	-0.02	0.04	4.83E-01	5.22E-01	0.01	-0.02	0.05	4.59E-01	5.14E-01	0.01	-0.01	0.03	3.90E-01	4.24E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
87	Cer 18:0;O/22:0	0.01	-0.02	0.04	5.23E-01	5.58E-01	0.03	-0.01	0.06	1.56E-01	1.95E-01	0.02	0.00	0.04	1.12E-01	1.31E-01	0.72	3.95E-01	5.14E-01
88	Cer 18:0;O/23:0	-0.02	-0.05	0.01	1.24E-01	1.50E-01	0.04	0.00	0.07	6.47E-02	8.87E-02	0.01	-0.02	0.03	6.41E-01	6.69E-01	6.51	1.07E-02	2.98E-02
89	Cer 18:0;O/24:0	-0.04	-0.07	-0.02	3.15E-03	4.56E-03	0.02	-0.02	0.06	3.56E-01	4.14E-01	-0.02	-0.04	0.00	3.24E-02	4.07E-02	6.22	1.27E-02	3.48E-02
90	Cer 18:0;O/24:1	-0.01	-0.04	0.02	6.22E-01	6.52E-01	-0.02	-0.05	0.02	4.22E-01	4.78E-01	-0.01	-0.04	0.01	2.21E-01	2.49E-01	0.18	6.71E-01	7.67E-01
91	Cer 18:1;O/18:0	0.03	0.00	0.06	3.23E-02	4.23E-02	-0.01	-0.05	0.03	5.35E-01	5.90E-01	0.02	-0.01	0.04	2.03E-01	2.29E-01	2.46	1.17E-01	2.03E-01
92	Cer 18:1;O/20:0	-0.01	-0.04	0.01	3.08E-01	3.48E-01	-0.02	-0.06	0.01	2.02E-01	2.47E-01	-0.01	-0.03	0.01	1.97E-01	2.24E-01	0.21	6.49E-01	7.60E-01
93	Cer 18:1;O/22:0	-0.05	-0.07	-0.02	1.40E-03	2.10E-03	-0.01	-0.04	0.03	7.49E-01	7.81E-01	-0.04	-0.06	-0.02	4.39E-04	6.63E-04	3.32	6.83E-02	1.35E-01
94	Cer 18:1;O/23:0	-0.07	-0.09	-0.04	1.06E-05	1.93E-05	0.00	-0.04	0.03	8.49E-01	8.68E-01	-0.05	-0.07	-0.03	7.98E-06	1.38E-05	10.18	1.42E-03	5.62E-03
95	Cer 18:1;O/24:0	-0.09	-0.12	-0.07	1.79E-10	4.76E-10	-0.02	-0.05	0.02	3.92E-01	4.50E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.63E-10	3.88E-10	10.18	1.42E-03	5.62E-03
96	Cer 18:1;O/24:1	-0.05	-0.08	-0.02	9.03E-04	1.38E-03	-0.03	-0.06	0.01	1.57E-01	1.96E-01	-0.04	-0.06	-0.02	3.52E-04	5.38E-04	0.72	3.95E-01	5.14E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
97	CerP 18:1;O2/16:0	-0.03	-0.07	0.00	7.18E-02	9.09E-02	0.00	-0.03	0.04	8.43E-01	8.67E-01	-0.02	-0.04	0.01	2.35E-01	2.64E-01	1.41	2.35E-01	3.50E-01
98	COH	0.04	0.01	0.07	1.97E-02	2.62E-02	-0.02	-0.05	0.02	3.49E-01	4.08E-01	0.01	-0.01	0.04	2.09E-01	2.37E-01	6.51	1.07E-02	2.98E-02
99	DE 16:0 SE 27:2/16:0	-0.03	-0.07	0.01	9.08E-02	1.13E-01	0.01	-0.03	0.06	5.72E-01	6.23E-01	-0.01	-0.04	0.02	4.18E-01	4.52E-01	1.70	1.93E-01	3.02E-01
100	DE 18:1 SE 27:2/18:1	0.10	0.07	0.14	2.24E-08	5.01E-08	0.04	0.01	0.08	2.58E-02	3.89E-02	0.07	0.05	0.09	2.96E-08	6.10E-08	5.64	1.75E-02	4.51E-02
101	DE 18:2 SE 27:2/18:2	0.02	-0.01	0.05	3.09E-01	3.48E-01	0.02	-0.02	0.05	3.18E-01	3.75E-01	0.02	0.00	0.04	8.53E-02	1.01E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
102	DE 20:4 SE 27:2/20:4	-0.01	-0.04	0.02	6.17E-01	6.48E-01	-0.01	-0.05	0.02	4.55E-01	5.10E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.90E-01	4.24E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
103	DE 20:5 SE 27:2/20:5	-0.05	-0.09	-0.02	3.39E-03	4.89E-03	-0.09	-0.13	-0.05	1.00E-05	2.69E-05	-0.07	-0.09	-0.04	5.41E-07	1.04E-06	2.18	1.40E-01	2.31E-01
104	DE 22:6 SE 27:2/22:6	-0.14	-0.18	-0.10	1.83E-14	6.32E-14	-0.14	-0.18	-0.09	1.72E-10	8.39E-10	-0.14	-0.17	-0.11	4.38E-20	1.55E-19	0.00	1.00E+00	1.00E+00
105	DG 14:0 16:0	0.01	-0.02	0.04	6.07E-01	6.41E-01	0.06	0.03	0.09	1.87E-04	4.04E-04	0.04	0.01	0.06	1.22E-03	1.79E-03	5.34	2.09E-02	5.26E-02
106	DG 16:0 16:0	0.03	0.01	0.06	1.09E-02	1.50E-02	0.05	0.02	0.08	1.59E-03	3.00E-03	0.04	0.02	0.06	9.69E-05	1.54E-04	1.01	3.15E-01	4.27E-01
107	DG 16:0 16:1	0.03	0.00	0.06	4.11E-02	5.32E-02	0.05	0.02	0.08	1.29E-03	2.45E-03	0.04	0.02	0.06	2.19E-04	3.37E-04	0.85	3.56E-01	4.71E-01
108	DG 14:0 18:2	-0.08	-0.11	-0.05	1.55E-08	3.55E-08	0.03	0.00	0.06	8.79E-02	1.17E-01	-0.03	-0.05	0.00	2.09E-02	2.68E-02	25.82	3.74E-07	4.69E-06
109	DG 16:0 18:1	0.07	0.05	0.09	2.26E-09	5.56E-09	0.04	0.01	0.07	4.03E-03	7.17E-03	0.06	0.04	0.08	8.22E-13	2.27E-12	2.66	1.03E-01	1.88E-01
110	DG 16:1 18:1	0.02	-0.01	0.04	1.74E-01	2.07E-01	0.04	0.01	0.07	2.10E-02	3.20E-02	0.03	0.01	0.05	4.01E-03	5.58E-03	1.01	3.15E-01	4.27E-01
111	DG 16:0 18:2	-0.03	-0.06	-0.01	8.80E-03	1.22E-02	-0.03	-0.05	0.00	8.19E-02	1.10E-01	-0.03	-0.05	-0.01	8.80E-04	1.30E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00
112	DG 18:0 18:1	0.08	0.06	0.11	1.95E-12	5.88E-12	0.04	0.01	0.06	5.29E-03	9.07E-03	0.06	0.04	0.08	2.88E-11	7.08E-11	4.92	2.66E-02	6.15E-02
113	DG 18:1 18:1	0.06	0.04	0.09	1.25E-07	2.67E-07	0.01	-0.02	0.04	5.47E-01	6.01E-01	0.04	0.02	0.06	5.53E-05	9.02E-05	6.30	1.21E-02	3.33E-02
114	DG 18:0 18:2	-0.01	-0.03	0.02	4.89E-01	5.25E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.24E-01	6.71E-01	-0.01	-0.03	0.01	2.68E-01	2.97E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
115	DG 18:1 18:2	-0.06	-0.09	-0.04	1.78E-06	3.46E-06	-0.06	-0.09	-0.02	5.67E-04	1.13E-03	-0.06	-0.08	-0.04	7.44E-09	1.61E-08	0.00	1.00E+00	1.00E+00
116	DG 18:2 18:2	-0.14	-0.17	-0.11	1.30E-17	5.17E-17	-0.10	-0.14	-0.06	2.44E-07	8.17E-07	-0.13	-0.15	-0.10	1.10E-24	4.76E-24	2.46	1.17E-01	2.03E-01
117	DG 18:1 18:3	-0.07	-0.09	-0.04	9.70E-07	1.92E-06	-0.06	-0.09	-0.03	1.62E-04	3.54E-04	-0.07	-0.09	-0.05	1.75E-11	4.36E-11	0.25	6.16E-01	7.31E-01
118	DG 16:0 20:4	-0.04	-0.07	-0.01	3.13E-03	4.54E-03	-0.02	-0.05	0.02	2.88E-01	3.41E-01	-0.03	-0.05	-0.01	6.67E-03	9.08E-03	0.72	3.95E-01	5.14E-01
119	DG 18:1 20:3	-0.04	-0.07	-0.01	2.03E-02	2.70E-02	-0.01	-0.05	0.03	5.85E-01	6.33E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.71E-02	2.24E-02	1.38	2.40E-01	3.54E-01
120	DG 18:0 20:4	0.00	-0.03	0.03	9.16E-01	9.27E-01	-0.03	-0.06	0.00	8.61E-02	1.15E-01	-0.02	-0.04	0.01	1.66E-01	1.89E-01	1.92	1.66E-01	2.67E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
121	DG 18:1_20:4	-0.07	-0.10	-0.04	8.86E-07	1.76E-06	-0.07	-0.10	-0.03	1.63E-04	3.55E-04	-0.07	-0.09	-0.05	1.71E-09	3.92E-09	0.00	1.00E+00	1.00E+00
122	DG 16:0_22:5	-0.05	-0.08	-0.02	2.36E-04	3.83E-04	-0.03	-0.07	0.00	6.79E-02	9.24E-02	-0.04	-0.06	-0.02	3.52E-04	5.38E-04	0.72	3.95E-01	5.14E-01
123	DG 18:2_20:4	-0.16	-0.19	-0.13	3.11E-23	1.60E-22	-0.12	-0.16	-0.08	1.11E-09	4.93E-09	-0.15	-0.17	-0.12	1.32E-32	7.50E-32	2.46	1.17E-01	2.03E-01
124	DG 16:0_22:6	-0.21	-0.24	-0.18	1.18E-37	1.32E-36	-0.15	-0.19	-0.11	3.16E-14	2.29E-13	-0.19	-0.21	-0.16	2.03E-53	2.34E-52	5.53	1.87E-02	4.79E-02
125	DG 18:1_20:5	-0.19	-0.22	-0.16	4.07E-34	3.76E-33	-0.18	-0.22	-0.14	2.20E-18	2.57E-17	-0.19	-0.21	-0.16	2.50E-52	2.71E-51	0.15	6.95E-01	7.67E-01
126	DG 18:1_22:5	-0.08	-0.12	-0.05	3.06E-07	6.30E-07	-0.07	-0.11	-0.04	2.98E-05	7.51E-05	-0.08	-0.10	-0.05	2.86E-09	6.39E-09	0.16	6.92E-01	7.67E-01
127	DG 18:1_22:6	-0.25	-0.28	-0.22	2.47E-48	4.35E-47	-0.22	-0.26	-0.18	5.23E-25	1.47E-23	-0.24	-0.26	-0.22	5.57E-85	2.18E-83	1.38	2.40E-01	3.54E-01
128	DG 18:2_22:6	-0.32	-0.35	-0.28	3.65E-72	2.33E-70	-0.25	-0.29	-0.20	2.99E-29	2.10E-27	-0.29	-0.32	-0.27	2.30E-96	2.69E-94	5.79	1.61E-02	4.32E-02
129	Cer 18:0;O2/16:0	-0.01	-0.05	0.03	6.11E-01	6.44E-01	0.01	-0.03	0.05	6.13E-01	6.61E-01	0.00	-0.03	0.03	1.00E+00	1.00E+00	0.48	4.88E-01	6.02E-01
130	Cer 18:0;O2/18:0	0.07	0.03	0.11	3.56E-04	5.69E-04	0.01	-0.04	0.05	7.67E-01	7.97E-01	0.04	0.01	0.07	4.33E-03	6.01E-03	3.82	5.08E-02	1.05E-01
131	Cer 18:0;O2/20:0	0.07	0.03	0.11	2.01E-04	3.28E-04	0.01	-0.04	0.05	8.08E-01	8.35E-01	0.04	0.01	0.07	4.33E-03	6.01E-03	3.82	5.08E-02	1.05E-01
132	Cer 18:0;O2/22:0	0.07	0.03	0.10	7.46E-05	1.26E-04	0.03	0.00	0.07	6.07E-02	8.40E-02	0.05	0.03	0.07	7.50E-05	1.21E-04	2.51	1.13E-01	1.99E-01
133	Cer 18:0;O2/24:0	-0.02	-0.05	0.02	3.09E-01	3.48E-01	0.00	-0.04	0.04	9.63E-01	9.70E-01	-0.01	-0.04	0.02	3.99E-01	4.33E-01	0.54	4.61E-01	5.75E-01
134	Cer 18:0;O2/24:1	0.00	-0.04	0.03	8.53E-01	8.66E-01	-0.06	-0.10	-0.02	4.28E-03	7.56E-03	-0.03	-0.05	0.00	5.29E-02	6.43E-02	4.90	2.69E-02	6.15E-02
135	GM1 18:1;O2/16:0	0.03	-0.01	0.07	9.09E-02	1.13E-01	0.01	-0.03	0.06	5.29E-01	5.84E-01	0.02	-0.01	0.05	1.65E-01	1.89E-01	0.42	5.15E-01	6.15E-01
136	GM3 18:1;O2/16:0	0.02	-0.02	0.05	3.11E-01	3.50E-01	-0.04	-0.08	-0.01	1.33E-02	2.11E-02	-0.01	-0.03	0.01	4.28E-01	4.59E-01	5.64	1.75E-02	4.51E-02
137	GM3 18:1;O2/18:0	0.02	-0.01	0.06	1.78E-01	2.11E-01	-0.02	-0.06	0.01	2.53E-01	3.03E-01	0.00	-0.02	0.02	1.00E+00	1.00E+00	2.51	1.13E-01	1.99E-01
138	GM3 18:1;O2/20:0	0.08	0.04	0.12	1.08E-04	1.81E-04	-0.04	-0.08	0.00	7.44E-02	1.00E-01	0.02	-0.01	0.05	1.66E-01	1.89E-01	17.29	3.21E-05	2.26E-04
139	GM3 18:1;O2/22:0	0.03	0.00	0.06	7.70E-02	9.71E-02	0.02	-0.02	0.05	3.77E-01	4.35E-01	0.03	0.00	0.05	2.66E-02	3.37E-02	0.18	6.71E-01	7.67E-01
140	GM3 18:1;O2/24:0	-0.03	-0.06	0.01	1.10E-01	1.35E-01	-0.01	-0.04	0.03	5.92E-01	6.40E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.13E-01	1.32E-01	0.63	4.28E-01	5.51E-01
141	GM3 18:1;O2/24:1	-0.04	-0.07	0.00	2.85E-02	3.75E-02	-0.09	-0.12	-0.05	7.24E-06	1.99E-05	-0.07	-0.09	-0.04	2.64E-07	5.16E-07	3.92	4.77E-02	9.98E-02
142	GM3 18:2;O2/24:1	-0.01	-0.05	0.03	5.54E-01	5.88E-01	-0.07	-0.11	-0.03	4.74E-04	9.57E-04	-0.04	-0.07	-0.01	5.57E-03	7.62E-03	4.32	3.76E-02	8.27E-02
143	Hex-Cer 16:1;O2/18:0	0.07	0.03	0.11	2.70E-04	4.36E-04	0.10	0.06	0.14	1.96E-06	5.86E-06	0.09	0.06	0.11	3.86E-09	8.50E-09	1.08	2.99E-01	4.14E-01
144	Hex-Cer 16:1;O2/20:0	0.04	0.00	0.08	4.24E-02	5.48E-02	0.10	0.06	0.14	2.56E-06	7.45E-06	0.07	0.04	0.10	1.23E-06	2.28E-06	4.32	3.76E-02	8.27E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Stand ardize d coeffi cient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standa rdized coeffi cient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
145	Hex-Cer 16:1;O2/22:0	0.02	-0.02	0.06	2.67E-01	3.04E-01	0.10	0.06	0.14	2.65E-07	8.74E-07	0.06	0.03	0.09	3.21E-05	5.34E-05	7.68	5.57E-03	1.73E-02	
146	Hex-Cer 16:1;O2/24:0	-0.01	-0.04	0.03	7.61E-01	7.85E-01	0.09	0.05	0.13	1.79E-05	4.62E-05	0.03	0.01	0.06	1.30E-02	1.74E-02	13.60	2.26E-04	1.12E-03	
147	Hex-Cer 18:1;O2/16:0	0.20	0.16	0.23	1.78E-24	9.70E-24	0.06	0.01	0.10	8.22E-03	1.35E-02	0.15	0.12	0.17	1.54E-25	6.77E-25	23.17	1.48E-06	1.66E-05	
148	Hex-Cer 18:1;O2/18:0	0.22	0.19	0.26	7.71E-32	6.37E-31	0.08	0.05	0.12	1.43E-05	3.72E-05	0.15	0.13	0.17	1.51E-32	8.52E-32	30.73	2.96E-08	5.20E-07	
149	Hex-Cer 18:1;O2/20:0	0.16	0.12	0.20	1.45E-16	5.38E-16	0.04	0.00	0.08	4.57E-02	6.47E-02	0.10	0.07	0.13	4.22E-12	1.10E-11	17.29	3.21E-05	2.26E-04	
150	Hex-Cer 18:1;O2/22:0	0.18	0.15	0.22	4.54E-23	2.31E-22	0.07	0.03	0.11	2.33E-04	4.99E-04	0.13	0.11	0.16	7.23E-23	2.86E-22	16.45	4.98E-05	3.05E-04	
151	Hex-Cer 18:1;O2/24:0	0.08	0.04	0.12	1.31E-05	2.36E-05	0.03	0.00	0.07	7.20E-02	9.75E-02	0.05	0.03	0.08	1.20E-04	1.90E-04	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
152	Hex-Cer 18:1;O2/24:1	0.06	0.03	0.10	7.19E-04	1.12E-03	-0.05	-0.09	-0.01	1.79E-02	2.79E-02	0.01	-0.01	0.04	3.60E-01	3.93E-01	16.45	4.98E-05	3.05E-04	
153	Hex-Cer 18:2;O2/18:0	0.13	0.09	0.17	2.56E-11	7.24E-11	0.06	0.02	0.10	5.02E-03	8.70E-03	0.10	0.07	0.12	4.61E-11	1.11E-10	5.88	1.53E-02	4.13E-02	
154	Hex-Cer 18:2;O2/20:0	0.10	0.06	0.14	1.90E-07	4.02E-07	0.06	0.02	0.10	4.94E-03	8.57E-03	0.08	0.05	0.11	2.96E-08	6.10E-08	1.92	1.66E-01	2.67E-01	
155	Hex-Cer 18:2;O2/22:0	0.14	0.10	0.18	6.28E-13	1.94E-12	0.07	0.03	0.11	5.39E-04	1.08E-03	0.11	0.08	0.13	3.44E-13	9.62E-13	5.88	1.53E-02	4.13E-02	
156	Hex-Cer 18:2;O2/24:0	0.09	0.06	0.13	6.06E-07	1.23E-06	0.03	-0.01	0.07	1.31E-01	1.67E-01	0.06	0.04	0.09	1.93E-06	3.53E-06	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
157	Hex2Cer 16:1;O2/16:0	0.07	0.03	0.11	1.91E-04	3.13E-04	0.07	0.03	0.11	1.14E-03	2.17E-03	0.07	0.04	0.10	1.23E-06	2.28E-06	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
158	Hex2Cer 16:1;O2/24:1	0.00	-0.04	0.03	8.11E-01	8.28E-01	0.05	0.01	0.09	1.97E-02	3.01E-02	0.02	0.00	0.05	1.07E-01	1.25E-01	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
159	Hex2Cer 18:1;O2/16:0	0.14	0.10	0.17	2.36E-14	8.06E-14	-0.02	-0.05	0.02	4.18E-01	4.75E-01	0.06	0.04	0.08	2.02E-06	3.65E-06	40.14	2.36E-10	8.31E-09	
160	Hex2Cer 18:1;O2/20:0	0.12	0.08	0.16	4.00E-10	1.04E-09	0.08	0.03	0.12	2.71E-04	5.75E-04	0.10	0.07	0.13	1.95E-11	4.84E-11	1.70	1.93E-01	3.02E-01	
161	Hex2Cer 18:1;O2/22:0	0.17	0.13	0.20	3.26E-19	1.43E-18	0.07	0.03	0.11	3.75E-04	7.76E-04	0.13	0.10	0.15	4.38E-21	1.63E-20	13.60	2.26E-04	1.12E-03	
162	Hex2Cer 18:1;O2/24:0	0.11	0.07	0.15	2.22E-09	5.48E-09	0.04	0.00	0.08	4.91E-02	6.92E-02	0.08	0.05	0.10	2.02E-07	3.99E-07	5.88	1.53E-02	4.13E-02	
163	Hex2Cer 18:1;O2/24:1	0.12	0.08	0.15	6.31E-10	1.62E-09	-0.04	-0.08	0.00	3.33E-02	4.95E-02	0.05	0.02	0.08	1.65E-04	2.57E-04	34.81	3.63E-09	7.51E-08	
164	Hex2Cer 18:2;O2/16:0	0.13	0.09	0.17	2.57E-11	7.24E-11	0.01	-0.03	0.05	6.28E-01	6.74E-01	0.07	0.04	0.10	1.23E-06	2.28E-06	17.29	3.21E-05	2.26E-04	
165	Hex2Cer 18:2;O2/24:1	0.11	0.07	0.14	9.66E-09	2.27E-08	-0.02	-0.06	0.02	2.54E-01	3.04E-01	0.05	0.03	0.08	6.59E-05	1.07E-04	22.98	1.64E-06	1.74E-05	
166	Hex3Cer 18:1;O2/16:0	0.00	-0.03	0.03	9.34E-01	9.40E-01	-0.02	-0.05	0.02	3.38E-01	3.96E-01	-0.01	-0.03	0.01	4.66E-01	4.96E-01	0.72	3.95E-01	5.14E-01	
167	Hex3Cer 18:1;O2/18:0	0.17	0.13	0.21	4.50E-20	2.08E-19	0.07	0.02	0.11	2.10E-03	3.87E-03	0.13	0.10	0.16	1.56E-16	4.76E-16	10.60	1.13E-03	4.58E-03	
168	Hex3Cer 18:1;O2/20:0	0.10	0.06	0.14	1.68E-07	3.57E-07	0.05	0.01	0.09	2.21E-02	3.35E-02	0.08	0.05	0.10	2.02E-07	3.99E-07	3.00	8.32E-02	1.60E-01	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
169	Hex3Cer 18:1;O2/22:0	0.10	0.07	0.14	9.91E-09	2.31E-08	0.06	0.02	0.09	5.22E-03	8.98E-03	0.08	0.06	0.10	2.36E-10	5.54E-10	2.51	1.13E-01	1.99E-01
170	Hex3Cer 18:1;O2/24:0	0.06	0.02	0.09	1.66E-03	2.46E-03	0.02	-0.01	0.06	1.78E-01	2.20E-01	0.04	0.02	0.06	1.54E-03	2.20E-03	2.51	1.13E-01	1.99E-01
171	Hex3Cer 18:1;O2/24:1	0.03	-0.01	0.06	1.13E-01	1.38E-01	-0.08	-0.11	-0.04	4.25E-05	1.03E-04	-0.03	-0.05	0.00	4.77E-02	5.85E-02	18.97	1.33E-05	1.12E-04
172	LPC 0:0/14:0	-0.03	-0.07	0.01	1.16E-01	1.41E-01	0.12	0.08	0.16	1.11E-08	4.36E-08	0.05	0.02	0.07	1.82E-03	2.59E-03	27.01	2.02E-07	3.31E-06
173	LPC 14:0/0:0	-0.02	-0.06	0.01	1.89E-01	2.24E-01	0.12	0.08	0.16	6.53E-09	2.68E-08	0.04	0.01	0.07	2.45E-03	3.48E-03	26.65	2.43E-07	3.72E-06
174	LPC 0:0/15:0	0.13	0.09	0.17	2.77E-11	7.76E-11	0.18	0.13	0.22	2.50E-16	2.28E-15	0.15	0.12	0.18	2.07E-23	8.61E-23	2.65	1.04E-01	1.88E-01
175	LPC 15:0/0:0	0.11	0.07	0.14	1.13E-07	2.43E-07	0.17	0.13	0.21	5.05E-16	4.33E-15	0.14	0.11	0.16	4.45E-24	1.90E-23	4.90	2.69E-02	6.15E-02
176	LPC 0:0/16:0	0.01	-0.02	0.05	5.19E-01	5.54E-01	0.04	0.00	0.08	4.03E-02	5.85E-02	0.02	0.00	0.05	8.69E-02	1.03E-01	1.22	2.69E-01	3.84E-01
177	LPC 16:0/0:0	0.02	-0.01	0.06	2.41E-01	2.77E-01	0.04	0.00	0.08	2.95E-02	4.42E-02	0.03	0.00	0.06	3.29E-02	4.12E-02	0.54	4.61E-01	5.75E-01
178	LPC 0:0/16:1	0.01	-0.02	0.05	5.00E-01	5.36E-01	0.07	0.02	0.11	1.87E-03	3.49E-03	0.03	0.00	0.06	2.07E-02	2.66E-02	4.26	3.91E-02	8.49E-02
179	LPC 16:1/0:0	0.06	0.02	0.10	1.58E-03	2.34E-03	0.09	0.04	0.13	5.40E-05	1.28E-04	0.07	0.04	0.10	1.57E-06	2.89E-06	0.95	3.29E-01	4.40E-01
180	LPC 0:0/16:0;Me	0.23	0.20	0.27	1.31E-33	1.18E-32	0.23	0.19	0.27	9.84E-27	3.64E-25	0.23	0.20	0.26	1.16E-65	2.54E-64	0.00	1.00E+00	1.00E+00
181	LPC 16:0;Me/0:0 LPC 0:0/17:0	0.22	0.19	0.26	4.79E-30	3.50E-29	0.20	0.16	0.24	1.46E-20	2.56E-19	0.21	0.18	0.24	1.02E-55	1.43E-54	0.54	4.61E-01	5.75E-01
182	LPC 16:0;Me/0:0 (PI-104)	0.25	0.21	0.28	3.44E-36	3.61E-35	0.24	0.20	0.28	7.49E-29	4.39E-27	0.25	0.22	0.27	1.19E-74	3.22E-73	0.14	7.12E-01	7.67E-01
183	LPC 17:0/0:0	0.16	0.12	0.20	1.49E-15	5.30E-15	0.12	0.07	0.16	6.25E-08	2.31E-07	0.14	0.11	0.17	1.04E-20	3.82E-20	1.70	1.93E-01	3.02E-01
184	LPC 0:0/17:1 [a]	0.19	0.16	0.23	2.90E-24	1.57E-23	0.21	0.17	0.25	7.02E-22	1.41E-20	0.20	0.17	0.23	1.87E-49	1.78E-48	0.54	4.61E-01	5.75E-01
185	LPC 17:1/0:0	0.21	0.17	0.24	9.36E-27	5.63E-26	0.20	0.16	0.24	2.80E-20	4.48E-19	0.21	0.18	0.23	7.23E-53	8.20E-52	0.14	7.12E-01	7.67E-01
186	LPC 17:1/0:0 [a] (PI-104)	0.21	0.17	0.25	4.65E-27	2.84E-26	0.19	0.15	0.24	2.82E-19	3.73E-18	0.20	0.17	0.23	1.02E-39	7.53E-39	0.42	5.15E-01	6.15E-01
187	LPC 17:1/0:0 [b]	0.24	0.21	0.28	1.10E-36	1.21E-35	0.26	0.21	0.30	3.62E-32	6.35E-30	0.25	0.22	0.28	4.86E-69	1.14E-67	0.47	4.92E-01	6.02E-01
188	LPC 0:0/18:0	0.08	0.05	0.12	1.31E-05	2.36E-05	0.07	0.03	0.11	6.32E-04	1.25E-03	0.08	0.05	0.10	1.80E-08	3.81E-08	0.14	7.12E-01	7.67E-01
189	LPC 18:0/0:0	0.08	0.04	0.12	2.02E-05	3.56E-05	0.08	0.04	0.11	1.13E-04	2.58E-04	0.08	0.05	0.11	2.63E-09	5.96E-09	0.00	1.00E+00	1.00E+00
190	LPC 0:0/18:1	0.08	0.05	0.12	5.59E-06	1.04E-05	0.05	0.01	0.09	1.03E-02	1.68E-02	0.07	0.04	0.09	6.20E-07	1.18E-06	1.22	2.69E-01	3.84E-01
191	LPC 18:1/0:0	0.12	0.09	0.16	2.66E-11	7.47E-11	0.07	0.03	0.11	1.00E-03	1.93E-03	0.10	0.07	0.12	2.55E-13	7.27E-13	3.40	6.52E-02	1.29E-01
192	LPC 0:0/18:2	-0.04	-0.07	0.00	3.07E-02	4.04E-02	0.03	-0.01	0.07	1.53E-01	1.92E-01	-0.01	-0.04	0.02	4.73E-01	5.02E-01	6.66	9.84E-03	2.85E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeffic ient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
#																				
193	LPC 18:2/0:0	-0.03	-0.06	0.01	1.48E-01	1.77E-01	0.03	-0.01	0.07	1.18E-01	1.51E-01	0.00	-0.03	0.02	7.67E-01	7.84E-01	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
194	LPC 0:0/18:3 [a]	0.03	-0.01	0.07	1.10E-01	1.35E-01	0.04	0.00	0.09	4.46E-02	6.40E-02	0.03	0.00	0.06	2.41E-02	3.08E-02	0.11	7.45E-01	7.84E-01	
195	LPC 18:3/0:0	0.04	0.00	0.07	7.04E-02	8.93E-02	0.05	0.00	0.09	3.28E-02	4.88E-02	0.04	0.02	0.07	1.90E-03	2.70E-03	0.12	7.31E-01	7.75E-01	
196	LPC 18:3/0:0 [a] (PI-104)	0.02	-0.01	0.06	2.23E-01	2.59E-01	0.04	0.00	0.09	5.31E-02	7.45E-02	0.03	0.00	0.06	5.07E-02	6.18E-02	0.47	4.92E-01	6.02E-01	
197	LPC 18:3/0:0 [b]	0.07	0.04	0.11	1.02E-04	1.71E-04	0.06	0.02	0.11	5.32E-03	9.08E-03	0.07	0.04	0.09	2.62E-06	4.73E-06	0.12	7.31E-01	7.75E-01	
198	LPC 0:0/19:0 [a]	0.15	0.11	0.19	6.59E-15	2.28E-14	0.14	0.10	0.18	1.36E-10	6.66E-10	0.15	0.12	0.17	9.38E-24	3.92E-23	0.12	7.29E-01	7.75E-01	
199	LPC 19:0/0:0	0.09	0.05	0.13	5.98E-06	1.11E-05	0.08	0.04	0.12	9.74E-05	2.24E-04	0.09	0.06	0.11	3.86E-09	8.50E-09	0.12	7.29E-01	7.75E-01	
200	LPC 19:0/0:0 [a] (PI-104)	0.19	0.15	0.23	1.03E-22	5.18E-22	0.14	0.10	0.18	5.78E-12	3.53E-11	0.17	0.14	0.19	2.83E-30	1.40E-29	3.00	8.32E-02	1.60E-01	
201	LPC 19:0/0:0 [b]	0.00	-0.04	0.04	9.52E-01	9.57E-01	0.04	0.00	0.08	6.70E-02	9.13E-02	0.02	-0.01	0.05	1.66E-01	1.89E-01	1.92	1.66E-01	2.67E-01	
202	LPC 19:1 [a]	0.17	0.13	0.21	8.44E-19	3.57E-18	0.17	0.13	0.21	1.69E-15	1.40E-14	0.17	0.14	0.20	4.93E-32	2.71E-31	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
203	LPC 19:1 [b]	0.18	0.14	0.22	7.29E-21	3.46E-20	0.17	0.13	0.22	1.05E-16	1.03E-15	0.18	0.15	0.21	1.16E-30	5.93E-30	0.11	7.45E-01	7.84E-01	
204	LPC 19:1 [c]	0.08	0.04	0.12	4.87E-05	8.40E-05	0.13	0.09	0.18	6.54E-10	2.98E-09	0.10	0.07	0.13	2.21E-11	5.46E-11	2.65	1.04E-01	1.88E-01	
205	LPC 0:0/20:0	-0.09	-0.13	-0.05	1.78E-06	3.46E-06	-0.04	-0.08	0.00	4.55E-02	6.46E-02	-0.07	-0.09	-0.04	6.66E-06	1.16E-05	3.00	8.32E-02	1.60E-01	
206	LPC 20:0/0:0	-0.10	-0.13	-0.06	2.45E-07	5.13E-07	-0.04	-0.08	0.00	5.44E-02	7.58E-02	-0.07	-0.10	-0.05	3.69E-08	7.58E-08	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
207	LPC 0:0/20:1	-0.08	-0.12	-0.04	2.47E-05	4.31E-05	-0.06	-0.10	-0.02	4.62E-03	8.06E-03	-0.07	-0.10	-0.04	1.23E-06	2.28E-06	0.48	4.88E-01	6.02E-01	
208	LPC 20:1/0:0	-0.08	-0.12	-0.05	1.60E-05	2.87E-05	-0.05	-0.09	-0.01	2.10E-02	3.20E-02	-0.07	-0.09	-0.04	6.20E-07	1.18E-06	1.22	2.69E-01	3.84E-01	
209	LPC 0:0/20:2	-0.11	-0.15	-0.08	2.54E-09	6.20E-09	0.01	-0.03	0.06	4.75E-01	5.30E-01	-0.06	-0.09	-0.04	4.33E-06	7.66E-06	17.02	3.70E-05	2.52E-04	
210	LPC 20:2/0:0	-0.09	-0.13	-0.05	2.77E-06	5.27E-06	0.03	-0.01	0.07	1.83E-01	2.26E-01	-0.03	-0.06	0.00	3.76E-02	4.69E-02	17.29	3.21E-05	2.26E-04	
211	LPC 0:0/20:3	-0.08	-0.12	-0.05	3.77E-06	7.13E-06	0.06	0.01	0.10	9.71E-03	1.59E-02	-0.03	-0.05	0.00	5.34E-02	6.48E-02	23.17	1.48E-06	1.66E-05	
212	LPC 20:3/0:0	-0.02	-0.06	0.01	1.92E-01	2.26E-01	0.07	0.03	0.12	7.30E-04	1.43E-03	0.01	-0.01	0.04	3.23E-01	3.58E-01	9.57	1.97E-03	7.30E-03	
213	LPC 0:0/20:4	-0.02	-0.06	0.01	2.10E-01	2.45E-01	0.02	-0.02	0.07	3.72E-01	4.31E-01	0.00	-0.03	0.02	7.27E-01	7.46E-01	1.89	1.69E-01	2.68E-01	
214	LPC 20:4/0:0	0.00	-0.04	0.03	8.22E-01	8.37E-01	0.03	-0.02	0.07	2.49E-01	2.99E-01	0.01	-0.02	0.04	4.22E-01	4.56E-01	1.06	3.02E-01	4.14E-01	
215	LPC 0:0/20:5	-0.14	-0.17	-0.10	4.45E-13	1.38E-12	-0.11	-0.16	-0.07	6.25E-07	2.01E-06	-0.13	-0.16	-0.10	6.85E-20	2.40E-19	1.06	3.02E-01	4.14E-01	
216	LPC 20:5/0:0	-0.12	-0.15	-0.08	1.28E-09	3.24E-09	-0.10	-0.15	-0.06	9.25E-06	2.49E-05	-0.11	-0.14	-0.08	1.48E-15	4.45E-15	0.47	4.92E-01	6.02E-01	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
217	LPC 0:0/22:0	-0.14	-0.17	-0.10	3.91E-13	1.23E-12	-0.03	-0.07	0.01	1.21E-01	1.55E-01	-0.09	-0.12	-0.07	6.50E-12	1.67E-11	16.45	4.98E-05	3.05E-04
218	LPC 22:0/0:0	-0.15	-0.18	-0.11	1.62E-15	5.71E-15	-0.03	-0.07	0.01	1.51E-01	1.90E-01	-0.10	-0.12	-0.07	3.11E-13	8.81E-13	19.58	9.64E-06	8.58E-05
219	LPC 0:0/22:1	-0.14	-0.18	-0.10	1.47E-13	4.74E-13	-0.12	-0.16	-0.07	1.28E-07	4.59E-07	-0.13	-0.16	-0.10	8.00E-18	2.50E-17	0.42	5.15E-01	6.15E-01
220	LPC 22:1/0:0	-0.16	-0.20	-0.12	7.96E-17	3.04E-16	-0.13	-0.17	-0.09	1.12E-08	4.37E-08	-0.15	-0.17	-0.12	9.38E-24	3.92E-23	1.08	2.99E-01	4.14E-01
221	LPC 0:0/22:4	0.10	0.06	0.13	1.94E-07	4.08E-07	0.14	0.10	0.19	7.10E-11	3.64E-10	0.12	0.09	0.14	3.24E-16	9.82E-16	1.89	1.69E-01	2.68E-01
222	LPC 22:4/0:0	0.11	0.07	0.14	1.75E-08	3.96E-08	0.15	0.11	0.19	2.33E-11	1.32E-10	0.13	0.10	0.15	2.65E-21	9.89E-21	2.18	1.40E-01	2.31E-01
223	LPC 0:0/22:5 [n3]	0.01	-0.02	0.05	5.46E-01	5.80E-01	0.04	0.00	0.08	7.89E-02	1.06E-01	0.02	0.00	0.05	8.69E-02	1.03E-01	1.22	2.69E-01	3.84E-01
224	LPC 22:5 [n3]/0:0 LPC 22:5 [n6]/0:0	0.06	0.03	0.10	6.01E-04	9.41E-04	0.07	0.03	0.12	1.05E-03	2.02E-03	0.06	0.04	0.09	6.07E-06	1.06E-05	0.12	7.31E-01	7.75E-01
225	LPC 22:5 [n3]/0:0 [PI-104]	0.05	0.01	0.09	7.98E-03	1.11E-02	0.06	0.01	0.10	1.19E-02	1.90E-02	0.05	0.02	0.08	3.61E-04	5.50E-04	0.11	7.45E-01	7.84E-01
226	LPC 22:5 [n6]/0:0	0.13	0.10	0.17	5.15E-12	1.52E-11	0.16	0.12	0.20	7.45E-13	4.83E-12	0.14	0.12	0.17	1.91E-26	8.78E-26	1.22	2.69E-01	3.84E-01
227	LPC 0:0/22:6	-0.26	-0.30	-0.23	1.34E-42	1.96E-41	-0.16	-0.21	-0.12	7.49E-13	4.83E-12	-0.22	-0.25	-0.19	4.89E-56	7.02E-55	11.82	5.86E-04	2.56E-03
228	LPC 22:6/0:0	-0.24	-0.28	-0.20	6.50E-36	6.62E-35	-0.15	-0.19	-0.11	4.38E-11	2.35E-10	-0.20	-0.22	-0.17	1.31E-41	1.03E-40	9.72	1.82E-03	6.87E-03
229	LPC 0:0/24:0	-0.25	-0.28	-0.21	1.57E-45	2.56E-44	-0.08	-0.12	-0.04	4.95E-05	1.18E-04	-0.18	-0.20	-0.15	2.62E-39	1.86E-38	39.30	3.63E-10	1.16E-08
230	LPC 24:0/0:0	-0.26	-0.29	-0.22	1.78E-50	3.38E-49	-0.09	-0.12	-0.05	1.20E-05	3.18E-05	-0.18	-0.20	-0.15	1.12E-43	9.03E-43	45.32	1.68E-11	1.07E-09
231	LPC 0:0/26:0	-0.23	-0.26	-0.19	5.00E-40	6.17E-39	-0.07	-0.11	-0.03	2.95E-04	6.20E-04	-0.16	-0.19	-0.13	6.35E-33	3.63E-32	34.81	3.63E-09	7.51E-08
232	LPC 26:0/0:0	-0.23	-0.26	-0.20	3.94E-43	6.02E-42	-0.04	-0.08	0.00	3.73E-02	5.50E-02	-0.16	-0.19	-0.14	9.09E-40	6.87E-39	55.47	9.48E-14	2.22E-11
233	LPC O-16:0/0:0	0.18	0.14	0.22	4.65E-19	2.01E-18	0.10	0.06	0.14	2.80E-06	8.06E-06	0.14	0.11	0.17	2.97E-22	1.14E-21	7.68	5.57E-03	1.73E-02
234	LPC O-18:0/0:0	0.31	0.27	0.35	5.19E-58	1.30E-56	0.18	0.14	0.23	5.94E-18	6.62E-17	0.25	0.22	0.28	1.32E-61	2.31E-60	17.91	2.32E-05	1.81E-04
235	LPC O-18:1/0:0	0.12	0.08	0.16	1.50E-09	3.74E-09	0.00	-0.05	0.04	8.48E-01	8.68E-01	0.07	0.04	0.10	1.11E-05	1.92E-05	15.26	9.37E-05	5.53E-04
236	LPC O-20:0/0:0	0.12	0.08	0.16	2.47E-10	6.49E-10	0.10	0.05	0.14	1.08E-05	2.89E-05	0.11	0.08	0.14	3.14E-13	8.85E-13	0.42	5.15E-01	6.15E-01
237	LPC O-20:1/0:0	0.10	0.06	0.14	2.98E-07	6.19E-07	0.03	-0.02	0.07	2.07E-01	2.52E-01	0.07	0.04	0.10	5.89E-06	1.03E-05	5.19	2.27E-02	5.58E-02
238	LPC O-22:0/0:0	0.00	-0.04	0.04	9.70E-01	9.73E-01	0.04	0.00	0.08	8.04E-02	1.08E-01	0.02	-0.01	0.05	1.66E-01	1.89E-01	1.92	1.66E-01	2.67E-01
239	LPC O-22:1/0:0	-0.03	-0.07	0.01	9.08E-02	1.13E-01	-0.03	-0.08	0.01	1.33E-01	1.69E-01	-0.03	-0.06	0.00	4.92E-02	6.02E-02	0.00	1.00E+00	1.00E+00
240	LPC O-24:0/0:0	-0.11	-0.15	-0.08	2.60E-09	6.31E-09	-0.03	-0.08	0.01	8.94E-02	1.19E-01	-0.08	-0.11	-0.05	1.47E-08	3.15E-08	7.56	5.95E-03	1.83E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
241	LPC O-24:1/0:0	-0.13	-0.17	-0.09	1.98E-11	5.65E-11	-0.08	-0.13	-0.04	1.58E-04	3.47E-04	-0.11	-0.14	-0.08	1.48E-12	3.98E-12	2.65	1.04E-01	1.88E-01
242	LPC O-24:2/0:0	-0.26	-0.29	-0.22	1.03E-40	1.32E-39	-0.15	-0.19	-0.10	4.00E-11	2.18E-10	-0.22	-0.25	-0.19	3.26E-54	4.16E-53	14.30	1.56E-04	8.55E-04
243	LPC P-16:0/0:0	0.08	0.04	0.12	2.22E-05	3.87E-05	0.05	0.01	0.09	2.64E-02	3.96E-02	0.07	0.04	0.09	6.66E-06	1.16E-05	1.08	2.99E-01	4.14E-01
244	LPC P-17:0/0:0 [a]	0.26	0.22	0.30	2.33E-41	3.15E-40	0.21	0.17	0.25	1.39E-22	2.87E-21	0.24	0.21	0.26	1.27E-59	2.07E-58	3.00	8.32E-02	1.60E-01
245	LPC P-17:0/0:0 [b]	0.24	0.20	0.28	4.58E-35	4.41E-34	0.15	0.10	0.19	1.39E-11	8.23E-11	0.20	0.17	0.23	2.22E-39	1.59E-38	8.58	3.39E-03	1.14E-02
246	LPC P-18:0/0:0	0.20	0.17	0.24	1.70E-26	1.01E-25	0.10	0.06	0.14	2.30E-06	6.78E-06	0.16	0.13	0.18	2.15E-31	1.15E-30	13.60	2.26E-04	1.12E-03
247	LPC P-18:1/0:0	0.11	0.07	0.15	1.57E-08	3.58E-08	-0.01	-0.05	0.03	6.48E-01	6.90E-01	0.05	0.02	0.08	5.31E-04	7.99E-04	17.29	3.21E-05	2.26E-04
248	LPC P-20:0/0:0	-0.01	-0.05	0.03	6.18E-01	6.48E-01	-0.01	-0.05	0.03	6.58E-01	6.97E-01	-0.01	-0.04	0.02	4.88E-01	5.17E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
249	LPE 0:0/16:0	-0.08	-0.11	-0.04	1.68E-05	2.98E-05	-0.02	-0.06	0.02	2.66E-01	3.17E-01	-0.05	-0.08	-0.03	5.90E-05	9.57E-05	4.90	2.69E-02	6.15E-02
250	LPE 16:0/0:0	-0.08	-0.12	-0.05	5.34E-06	9.96E-06	-0.02	-0.06	0.02	4.46E-01	5.01E-01	-0.05	-0.08	-0.03	5.90E-05	9.57E-05	4.90	2.69E-02	6.15E-02
251	LPE 0:0/18:0	0.04	0.00	0.07	3.92E-02	5.09E-02	0.03	-0.01	0.07	1.06E-01	1.39E-01	0.04	0.01	0.06	7.96E-03	1.08E-02	0.14	7.12E-01	7.67E-01
252	LPE 18:0/0:0	0.00	-0.03	0.03	9.09E-01	9.20E-01	0.02	-0.01	0.06	2.04E-01	2.50E-01	0.01	-0.01	0.03	4.66E-01	4.96E-01	0.72	3.95E-01	5.14E-01
253	LPE 0:0/18:1	0.08	0.04	0.11	4.92E-05	8.45E-05	0.04	0.00	0.09	4.53E-02	6.46E-02	0.06	0.04	0.09	4.11E-06	7.29E-06	1.89	1.69E-01	2.68E-01
254	LPE 18:1/0:0	0.09	0.05	0.13	1.17E-06	2.30E-06	0.06	0.02	0.10	6.72E-03	1.13E-02	0.08	0.05	0.10	2.02E-07	3.99E-07	1.08	2.99E-01	4.14E-01
255	LPE 0:0/18:2	0.05	0.01	0.08	1.59E-02	2.14E-02	0.08	0.03	0.12	4.60E-04	9.32E-04	0.06	0.03	0.09	1.36E-05	2.32E-05	1.06	3.02E-01	4.14E-01
256	LPE 18:2/0:0	0.07	0.03	0.10	7.02E-04	1.10E-03	0.09	0.05	0.13	4.73E-05	1.14E-04	0.08	0.05	0.11	4.80E-09	1.05E-08	0.54	4.61E-01	5.75E-01
257	LPE 0:0/20:4	0.08	0.04	0.12	1.97E-05	3.48E-05	0.08	0.03	0.12	5.08E-04	1.02E-03	0.08	0.05	0.11	1.56E-07	3.12E-07	0.00	1.00E+00	1.00E+00
258	LPE 20:4/0:0	0.07	0.04	0.11	7.89E-05	1.33E-04	0.07	0.02	0.11	2.77E-03	5.00E-03	0.07	0.04	0.10	6.83E-07	1.30E-06	0.00	1.00E+00	1.00E+00
259	LPE 0:0/22:6	-0.21	-0.24	-0.17	2.30E-29	1.59E-28	-0.12	-0.17	-0.08	1.61E-08	6.22E-08	-0.18	-0.20	-0.15	8.29E-36	5.25E-35	9.57	1.97E-03	7.30E-03
260	LPE 22:6/0:0	-0.19	-0.23	-0.16	5.04E-26	2.88E-25	-0.14	-0.18	-0.09	9.42E-10	4.27E-09	-0.17	-0.20	-0.14	6.30E-34	3.69E-33	2.96	8.56E-02	1.62E-01
261	LPE P-16:0/0:0	0.12	0.08	0.16	5.33E-10	1.38E-09	0.03	-0.01	0.08	1.78E-01	2.20E-01	0.08	0.05	0.11	1.42E-07	2.84E-07	8.58	3.39E-03	1.14E-02
262	LPE P-18:0/0:0	0.23	0.19	0.27	1.83E-31	1.47E-30	0.11	0.06	0.15	2.07E-06	6.14E-06	0.18	0.15	0.21	3.83E-31	2.04E-30	15.26	9.37E-05	5.53E-04
263	LPE P-18:1/0:0	0.12	0.08	0.16	1.15E-09	2.90E-09	0.02	-0.03	0.06	4.90E-01	5.44E-01	0.08	0.05	0.11	6.58E-07	1.25E-06	10.60	1.13E-03	4.58E-03
264	LPE P-20:0/0:0	-0.02	-0.06	0.02	2.56E-01	2.93E-01	0.00	-0.05	0.04	9.85E-01	9.86E-01	-0.01	-0.04	0.02	4.64E-01	4.95E-01	0.42	5.15E-01	6.15E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeffic ient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
#																				
265	LPI 0:0/18:1	0.08	0.04	0.12	6.87E-05	1.16E-04	0.06	0.01	0.10	1.85E-02	2.87E-02	0.07	0.04	0.10	3.07E-06	5.51E-06	0.42	5.15E-01	6.15E-01	
266	LPI 18:1/0:0	0.12	0.09	0.16	1.74E-10	4.65E-10	0.05	0.00	0.09	3.37E-02	5.00E-02	0.09	0.07	0.12	3.11E-11	7.61E-11	5.79	1.61E-02	4.32E-02	
267	LPI 0:0/18:2	-0.07	-0.11	-0.03	7.98E-04	1.23E-03	-0.03	-0.07	0.02	2.48E-01	2.98E-01	-0.05	-0.08	-0.02	6.00E-04	9.01E-04	1.70	1.93E-01	3.02E-01	
268	LPI 18:2/0:0	-0.04	-0.08	0.00	6.06E-02	7.78E-02	-0.04	-0.09	0.00	6.63E-02	9.05E-02	-0.04	-0.07	-0.01	8.73E-03	1.18E-02	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
269	LPI 0:0/20:4	0.03	-0.01	0.07	9.66E-02	1.20E-01	-0.05	-0.09	0.00	3.62E-02	5.35E-02	-0.01	-0.04	0.02	7.28E-01	7.46E-01	6.78	9.21E-03	2.81E-02	
270	LPI 20:4/0:0	0.08	0.04	0.11	6.63E-05	1.13E-04	-0.04	-0.08	0.01	1.08E-01	1.40E-01	0.03	0.01	0.06	1.36E-02	1.82E-02	17.02	3.70E-05	2.52E-04	
271	PC 28:0	-0.07	-0.11	-0.04	6.45E-05	1.10E-04	0.12	0.08	0.17	8.21E-09	3.30E-08	0.00	-0.03	0.03	9.09E-01	9.22E-01	42.67	6.48E-11	3.19E-09	
272	PC 14:0 16:0	-0.09	-0.13	-0.06	1.15E-08	2.68E-08	0.07	0.03	0.10	4.00E-04	8.22E-04	-0.01	-0.03	0.01	4.28E-01	4.59E-01	40.14	2.36E-10	8.31E-09	
273	PC 31:0 [a]	0.15	0.12	0.19	1.08E-15	3.91E-15	0.21	0.17	0.25	3.82E-23	8.38E-22	0.18	0.15	0.20	3.40E-39	2.39E-38	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
274	PC 31:0 [b]	0.05	0.01	0.09	1.12E-02	1.54E-02	0.14	0.09	0.18	5.06E-10	2.34E-09	0.09	0.06	0.12	4.05E-09	8.89E-09	8.58	3.39E-03	1.14E-02	
275	PC 16:0 16:0	-0.12	-0.15	-0.09	8.91E-16	3.23E-15	-0.05	-0.08	-0.01	6.18E-03	1.04E-02	-0.09	-0.11	-0.07	7.56E-15	2.22E-14	8.86	2.92E-03	1.06E-02	
276	PC 32:1	0.00	-0.03	0.03	9.30E-01	9.38E-01	0.05	0.01	0.09	6.80E-03	1.14E-02	0.02	-0.01	0.04	1.42E-01	1.64E-01	3.84	5.00E-02	1.04E-01	
277	PC 32:2	-0.11	-0.14	-0.08	6.28E-11	1.74E-10	0.06	0.03	0.10	4.43E-04	9.06E-04	-0.04	-0.06	-0.02	1.08E-03	1.58E-03	52.25	4.90E-13	6.89E-11	
278	PC 33:0 [a]	0.21	0.18	0.25	1.39E-32	1.22E-31	0.22	0.19	0.26	3.69E-29	2.36E-27	0.22	0.19	0.24	5.17E-65	1.01E-63	0.16	6.92E-01	7.67E-01	
279	PC 33:0 [b]	0.11	0.08	0.15	4.26E-10	1.11E-09	0.13	0.09	0.17	4.17E-10	1.97E-09	0.12	0.09	0.15	1.04E-18	3.42E-18	0.54	4.61E-01	5.75E-01	
280	PC 33:1	0.17	0.14	0.21	5.65E-24	2.99E-23	0.18	0.15	0.22	2.04E-21	3.88E-20	0.18	0.15	0.20	1.12E-43	9.03E-43	0.16	6.92E-01	7.67E-01	
281	PC 33:2	0.03	0.00	0.07	6.90E-02	8.78E-02	0.13	0.09	0.17	2.87E-11	1.60E-10	0.07	0.05	0.10	4.79E-08	9.79E-08	13.60	2.26E-04	1.12E-03	
282	PC 16:0 18:0	-0.02	-0.05	0.01	1.13E-01	1.38E-01	0.04	0.01	0.07	1.41E-02	2.23E-02	0.01	-0.01	0.03	3.56E-01	3.89E-01	7.68	5.57E-03	1.73E-02	
283	PC 16:0 18:1	0.06	0.02	0.09	4.34E-04	6.87E-04	0.04	0.00	0.08	4.39E-02	6.32E-02	0.05	0.02	0.08	1.34E-04	2.10E-04	0.54	4.61E-01	5.75E-01	
284	PC 16:0 18:2	-0.07	-0.10	-0.04	5.25E-05	8.99E-05	0.04	0.00	0.08	6.55E-02	8.95E-02	-0.03	-0.05	-0.01	1.30E-02	1.74E-02	18.59	1.62E-05	1.34E-04	
285	PC 16:1 18:2	-0.09	-0.12	-0.06	1.77E-09	4.40E-09	0.01	-0.02	0.05	4.28E-01	4.85E-01	-0.05	-0.07	-0.02	4.13E-05	6.80E-05	18.08	2.12E-05	1.67E-04	
286	PC 16:0 18:3 [a]	0.01	-0.02	0.05	4.37E-01	4.76E-01	0.05	0.01	0.08	1.05E-02	1.71E-02	0.03	0.01	0.05	1.75E-02	2.27E-02	2.51	1.13E-01	1.99E-01	
287	PC 16:0 18:3 [b]	-0.01	-0.04	0.02	4.87E-01	5.24E-01	0.05	0.02	0.09	5.07E-03	8.74E-03	0.02	-0.01	0.04	1.85E-01	2.10E-01	6.51	1.07E-02	2.98E-02	
288	PC 14:0 20:4	-0.11	-0.15	-0.08	3.96E-12	1.17E-11	0.05	0.01	0.09	1.12E-02	1.80E-02	-0.04	-0.07	-0.01	2.51E-03	3.53E-03	34.81	3.63E-09	7.51E-08	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
289	PC 34:5	-0.18	-0.21	-0.14	8.34E-24	4.37E-23	-0.06	-0.11	-0.02	2.06E-03	3.82E-03	-0.13	-0.16	-0.11	1.17E-21	4.40E-21	17.02	3.70E-05	2.52E-04
290	PC 16:0;Me 18:1	0.29	0.26	0.33	3.81E-60	1.22E-58	0.25	0.21	0.29	4.29E-33	1.01E-30	0.27	0.25	0.30	1.62E-91	8.78E-90	2.18	1.40E-01	2.31E-01
291	PC 17:0 18:1	0.24	0.20	0.27	3.31E-42	4.74E-41	0.17	0.13	0.21	1.15E-17	1.22E-16	0.21	0.18	0.24	7.28E-55	9.66E-54	6.66	9.84E-03	2.85E-02
292	PC 16:0;Me 18:2	0.19	0.15	0.22	4.28E-24	2.30E-23	0.22	0.18	0.25	2.08E-28	1.04E-26	0.21	0.18	0.23	2.84E-59	4.44E-58	1.41	2.35E-01	3.50E-01
293	PC 17:0 18:2	0.08	0.04	0.11	2.18E-05	3.82E-05	0.10	0.06	0.14	2.10E-07	7.12E-07	0.09	0.06	0.12	4.16E-11	1.01E-10	0.54	4.61E-01	5.75E-01
294	PC 17:1 18:2	0.11	0.08	0.14	1.64E-10	4.41E-10	0.12	0.08	0.15	8.76E-11	4.37E-10	0.11	0.09	0.14	8.37E-23	3.29E-22	0.18	6.71E-01	7.67E-01
295	PC 15:0 20:3	0.05	0.01	0.08	1.39E-02	1.89E-02	0.14	0.11	0.18	1.47E-13	9.81E-13	0.10	0.07	0.12	5.33E-14	1.54E-13	12.70	3.65E-04	1.70E-03
296	PC 15:0 20:4	-0.02	-0.06	0.01	1.91E-01	2.25E-01	0.09	0.05	0.13	3.92E-05	9.52E-05	0.03	0.00	0.05	3.93E-02	4.89E-02	16.45	4.98E-05	3.05E-04
297	PC 35:5	-0.12	-0.16	-0.08	9.23E-11	2.52E-10	-0.05	-0.09	0.00	4.00E-02	5.84E-02	-0.09	-0.12	-0.06	5.17E-09	1.13E-08	5.19	2.27E-02	5.58E-02
298	PC 18:0 18:1	0.18	0.15	0.21	9.61E-30	6.76E-29	0.10	0.06	0.13	9.12E-08	3.32E-07	0.15	0.12	0.17	2.96E-36	1.89E-35	11.57	6.70E-04	2.82E-03
299	PC 18:1 18:1	0.08	0.04	0.11	4.18E-06	7.83E-06	0.00	-0.04	0.04	9.12E-01	9.24E-01	0.05	0.02	0.07	7.47E-04	1.11E-03	8.70	3.18E-03	1.10E-02
300	PC 18:0 18:2	0.02	-0.01	0.06	1.94E-01	2.27E-01	0.06	0.02	0.09	9.42E-04	1.82E-03	0.04	0.02	0.06	1.54E-03	2.20E-03	2.51	1.13E-01	1.99E-01
301	PC 18:1 18:2	-0.04	-0.07	-0.01	1.37E-02	1.86E-02	0.00	-0.04	0.03	8.96E-01	9.09E-01	-0.02	-0.05	0.00	4.72E-02	5.84E-02	2.89	8.90E-02	1.65E-01
302	PC 16:0 20:3 [a]	-0.07	-0.10	-0.04	3.89E-06	7.32E-06	0.07	0.03	0.10	1.79E-04	3.88E-04	-0.01	-0.03	0.01	3.57E-01	3.90E-01	35.43	2.64E-09	6.63E-08
303	PC 16:0 20:3 [b]	0.08	0.04	0.11	6.49E-06	1.20E-05	0.10	0.06	0.14	1.60E-06	4.88E-06	0.09	0.06	0.12	4.16E-11	1.01E-10	0.54	4.61E-01	5.75E-01
304	PC 18:2 18:2	-0.10	-0.13	-0.06	3.09E-08	6.83E-08	0.03	-0.01	0.07	1.38E-01	1.75E-01	-0.04	-0.07	-0.02	1.17E-03	1.72E-03	22.98	1.64E-06	1.74E-05
305	PC 16:0 20:4	-0.09	-0.13	-0.05	7.45E-07	1.49E-06	-0.02	-0.07	0.02	2.91E-01	3.45E-01	-0.06	-0.09	-0.03	1.07E-04	1.69E-04	5.19	2.27E-02	5.58E-02
306	PC 16:1 20:4	-0.12	-0.15	-0.09	9.87E-14	3.21E-13	0.02	-0.02	0.06	3.68E-01	4.26E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.32E-08	2.82E-08	30.12	4.07E-08	6.80E-07
307	PC 16:0 20:5	-0.19	-0.22	-0.15	9.02E-27	5.47E-26	-0.13	-0.17	-0.09	2.76E-09	1.19E-08	-0.16	-0.19	-0.14	3.03E-34	1.80E-33	4.90	2.69E-02	6.15E-02
308	PC 36:6 [a]	-0.16	-0.20	-0.13	2.64E-22	1.29E-21	-0.08	-0.12	-0.04	7.69E-05	1.80E-04	-0.13	-0.15	-0.10	1.12E-20	4.09E-20	8.70	3.18E-03	1.10E-02
309	PC 14:0 22:6	-0.27	-0.30	-0.24	2.46E-59	7.21E-58	-0.09	-0.13	-0.05	2.40E-06	7.03E-06	-0.21	-0.23	-0.18	4.95E-63	9.16E-62	49.79	1.71E-12	2.01E-10
310	PC 16:0;Me 20:4	0.13	0.09	0.16	1.42E-12	4.33E-12	0.18	0.13	0.22	2.75E-16	2.48E-15	0.15	0.12	0.18	4.58E-26	2.06E-25	2.96	8.56E-02	1.62E-01
311	PC 17:0 20:4	0.02	-0.01	0.06	2.14E-01	2.49E-01	0.04	-0.01	0.08	1.06E-01	1.39E-01	0.03	0.00	0.06	5.07E-02	6.18E-02	0.47	4.92E-01	6.02E-01
312	PC 15:0 22:6	-0.22	-0.26	-0.19	5.73E-35	5.44E-34	-0.07	-0.11	-0.03	1.43E-03	2.71E-03	-0.15	-0.18	-0.13	9.27E-31	4.83E-30	30.60	3.18E-08	5.45E-07

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
313	PC 38:2	-0.09	-0.11	-0.06	9.81E-09	2.30E-08	-0.01	-0.04	0.02	5.53E-01	6.06E-01	-0.06	-0.08	-0.04	5.26E-09	1.14E-08	16.12	5.94E-05	3.57E-04
314	PC 18:0 20:3	-0.06	-0.09	-0.03	1.18E-04	1.97E-04	0.04	0.00	0.07	5.42E-02	7.58E-02	-0.02	-0.04	0.01	1.29E-01	1.50E-01	18.08	2.12E-05	1.67E-04
315	PC 18:1 20:3	-0.10	-0.13	-0.07	6.99E-10	1.79E-09	0.02	-0.01	0.06	2.15E-01	2.61E-01	-0.05	-0.07	-0.03	2.32E-05	3.90E-05	26.03	3.36E-07	4.54E-06
316	PC 38:4 [b]	0.05	0.02	0.08	1.37E-03	2.06E-03	0.13	0.09	0.16	6.09E-11	3.17E-10	0.08	0.06	0.11	5.28E-13	1.47E-12	11.57	6.70E-04	2.82E-03
317	PC 18:0 20:4	-0.03	-0.07	0.00	6.46E-02	8.25E-02	-0.02	-0.06	0.03	4.42E-01	4.98E-01	-0.03	-0.05	0.00	6.28E-02	7.58E-02	0.12	7.31E-01	7.75E-01
318	PC 38:5 [a]	-0.01	-0.04	0.03	7.60E-01	7.84E-01	0.01	-0.03	0.05	5.84E-01	6.32E-01	0.00	-0.03	0.03	9.21E-01	9.32E-01	0.54	4.61E-01	5.75E-01
319	PC 38:5 [b]	-0.09	-0.12	-0.05	3.03E-07	6.26E-07	-0.08	-0.12	-0.04	1.55E-04	3.44E-04	-0.09	-0.11	-0.06	1.84E-10	4.34E-10	0.14	7.12E-01	7.67E-01
320	PC 38:6 [a]	-0.14	-0.17	-0.11	6.47E-20	2.96E-19	-0.05	-0.09	-0.01	6.05E-03	1.02E-02	-0.11	-0.13	-0.08	1.53E-18	4.98E-18	12.45	4.19E-04	1.91E-03
321	PC 16:0 22:6	-0.33	-0.36	-0.29	3.41E-74	3.43E-72	-0.19	-0.24	-0.15	3.25E-19	4.23E-18	-0.28	-0.30	-0.25	4.06E-86	1.68E-84	23.17	1.48E-06	1.66E-05
322	PC 18:2 20:5	-0.18	-0.21	-0.14	4.80E-25	2.66E-24	-0.07	-0.11	-0.03	3.92E-04	8.08E-04	-0.13	-0.16	-0.11	7.23E-23	2.86E-22	16.45	4.98E-05	3.05E-04
323	PC 16:1 22:6	-0.27	-0.31	-0.24	3.40E-62	1.14E-60	-0.13	-0.16	-0.09	2.19E-10	1.06E-09	-0.20	-0.22	-0.18	1.67E-56	2.45E-55	30.73	2.96E-08	5.20E-07
324	PC 38:7 [c]	-0.26	-0.29	-0.22	7.43E-52	1.49E-50	-0.10	-0.13	-0.06	1.72E-06	5.20E-06	-0.18	-0.20	-0.16	4.16E-46	3.61E-45	40.14	2.36E-10	8.31E-09
325	PC 39:5 [a]	0.13	0.10	0.17	6.91E-13	2.13E-12	0.02	-0.02	0.06	4.10E-01	4.67E-01	0.08	0.06	0.11	9.12E-10	2.12E-09	16.45	4.98E-05	3.05E-04
326	PC 39:5 [b]	0.05	0.02	0.09	3.89E-03	5.59E-03	0.06	0.02	0.10	5.06E-03	8.74E-03	0.05	0.03	0.08	5.27E-05	8.62E-05	0.14	7.12E-01	7.67E-01
327	PC 16:0;Me 22:6	-0.09	-0.13	-0.05	2.21E-06	4.24E-06	0.02	-0.02	0.06	3.67E-01	4.25E-01	-0.04	-0.06	-0.01	1.53E-02	2.01E-02	14.53	1.38E-04	7.90E-04
328	PC 17:0 22:6	-0.20	-0.24	-0.16	1.96E-26	1.16E-25	-0.11	-0.15	-0.06	2.85E-06	8.17E-06	-0.16	-0.19	-0.13	7.97E-26	3.54E-25	8.58	3.39E-03	1.14E-02
329	PC 18:0 22:4	0.10	0.06	0.13	1.87E-08	4.21E-08	0.13	0.09	0.17	3.88E-10	1.85E-09	0.11	0.09	0.14	4.13E-17	1.28E-16	1.22	2.69E-01	3.84E-01
330	PC 20:0 20:4	-0.05	-0.08	-0.01	1.89E-02	2.52E-02	-0.06	-0.11	-0.02	2.72E-03	4.92E-03	-0.05	-0.08	-0.03	1.36E-04	2.14E-04	0.12	7.31E-01	7.75E-01
331	PC 18:0 22:5(n3) PC 20:1 20:4	0.02	-0.01	0.06	1.72E-01	2.05E-01	0.03	-0.01	0.07	1.38E-01	1.75E-01	0.02	0.00	0.05	7.02E-02	8.42E-02	0.14	7.12E-01	7.67E-01
332	PC 18:0 22:5(n6)	0.11	0.08	0.15	1.84E-10	4.87E-10	0.13	0.09	0.17	5.87E-11	3.10E-10	0.12	0.09	0.15	1.04E-18	3.42E-18	0.54	4.61E-01	5.75E-01
333	PC 18:0 22:6	-0.28	-0.31	-0.24	3.36E-52	6.95E-51	-0.17	-0.21	-0.13	6.41E-14	4.51E-13	-0.23	-0.26	-0.21	6.02E-67	1.37E-65	16.45	4.98E-05	3.05E-04
334	PC 40:7 [a]	-0.12	-0.15	-0.09	3.70E-14	1.24E-13	0.05	0.01	0.09	7.97E-03	1.31E-02	-0.06	-0.08	-0.03	1.57E-06	2.89E-06	44.41	2.66E-11	1.56E-09
335	PC 18:1 22:6 [a]	-0.31	-0.34	-0.27	6.67E-67	2.93E-65	-0.20	-0.24	-0.16	1.41E-19	1.98E-18	-0.26	-0.29	-0.24	7.71E-85	2.85E-83	16.45	4.98E-05	3.05E-04
336	PC 18:1 22:6 [b]	-0.10	-0.14	-0.06	2.17E-07	4.55E-07	0.01	-0.03	0.06	5.80E-01	6.30E-01	-0.05	-0.08	-0.02	7.44E-04	1.11E-03	12.82	3.42E-04	1.67E-03

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeffic ient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
337	PC 40:8	-0.25	-0.29	-0.22	4.47E-58	1.16E-56	-0.08	-0.11	-0.04	3.36E-05	8.35E-05	-0.17	-0.19	-0.14	5.06E-39	3.52E-38	45.32	1.68E-11	1.07E-09	
338	PC 44:12	-0.28	-0.32	-0.24	6.52E-47	1.09E-45	-0.18	-0.22	-0.13	5.22E-15	4.12E-14	-0.24	-0.27	-0.21	6.16E-54	7.60E-53	10.60	1.13E-03	4.58E-03	
339	PC O-16:0/16:0	0.01	-0.02	0.05	4.62E-01	5.00E-01	0.00	-0.04	0.04	8.87E-01	9.02E-01	0.01	-0.02	0.03	6.73E-01	6.97E-01	0.14	7.12E-01	7.67E-01	
340	PC O-32:1	0.03	0.00	0.06	6.41E-02	8.19E-02	-0.10	-0.14	-0.05	2.05E-05	5.23E-05	-0.01	-0.03	0.01	4.32E-01	4.63E-01	22.20	2.46E-06	2.47E-05	
341	PC O-32:2	-0.01	-0.05	0.02	4.86E-01	5.24E-01	-0.04	-0.08	0.01	9.35E-02	1.23E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.31E-01	1.52E-01	1.06	3.02E-01	4.14E-01	
342	PC O-34:1	0.06	0.03	0.09	2.39E-04	3.88E-04	-0.03	-0.07	0.01	9.64E-02	1.27E-01	0.03	0.00	0.05	2.42E-02	3.09E-02	12.45	4.19E-04	1.91E-03	
343	PC O-34:2	0.11	0.07	0.14	1.39E-08	3.20E-08	0.07	0.04	0.11	1.53E-04	3.40E-04	0.09	0.07	0.11	1.02E-12	2.75E-12	2.51	1.13E-01	1.99E-01	
344	PC O-34:4	0.02	-0.01	0.06	2.04E-01	2.39E-01	-0.04	-0.08	0.00	6.95E-02	9.43E-02	-0.01	-0.03	0.02	6.54E-01	6.79E-01	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
345	PC O-36:0	0.18	0.14	0.21	1.63E-22	8.06E-22	0.08	0.04	0.13	1.55E-04	3.43E-04	0.14	0.11	0.17	5.76E-24	2.44E-23	11.82	5.86E-04	2.56E-03	
346	PC O-18:0/18:1	0.27	0.24	0.31	9.59E-53	2.04E-51	0.15	0.11	0.19	3.70E-15	2.95E-14	0.22	0.19	0.24	3.70E-59	5.66E-58	19.58	9.64E-06	8.58E-05	
347	PC O-18:1/18:1	0.07	0.04	0.11	1.15E-05	2.08E-05	-0.05	-0.09	-0.02	3.83E-03	6.83E-03	0.01	-0.01	0.03	4.28E-01	4.59E-01	22.58	2.02E-06	2.05E-05	
348	PC O-18:0/18:2	0.22	0.18	0.26	5.83E-33	5.19E-32	0.16	0.12	0.19	2.20E-16	2.06E-15	0.19	0.16	0.21	1.43E-43	1.14E-42	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
349	PC O-18:1/18:2	0.05	0.01	0.08	1.21E-02	1.65E-02	-0.01	-0.05	0.03	4.70E-01	5.24E-01	0.02	0.00	0.05	7.43E-02	8.89E-02	4.90	2.69E-02	6.15E-02	
350	PC O-16:0/20:3	0.19	0.15	0.23	2.86E-23	1.48E-22	0.16	0.12	0.20	1.18E-14	8.93E-14	0.18	0.15	0.20	7.61E-34	4.42E-33	1.08	2.99E-01	4.14E-01	
351	PC O-16:0/20:4	0.16	0.12	0.20	8.66E-18	3.48E-17	0.07	0.03	0.11	1.06E-03	2.02E-03	0.12	0.09	0.14	1.60E-15	4.78E-15	9.72	1.82E-03	6.87E-03	
352	PC O-36:5	0.00	-0.04	0.03	8.46E-01	8.61E-01	-0.08	-0.13	-0.04	2.36E-04	5.04E-04	-0.03	-0.06	0.00	3.24E-02	4.07E-02	7.56	5.95E-03	1.83E-02	
353	PC O-18:0/20:4	0.35	0.32	0.39	3.34E-79	3.91E-77	0.20	0.15	0.24	1.17E-19	1.69E-18	0.29	0.27	0.32	2.89E-96	2.90E-94	26.60	2.51E-07	3.75E-06	
354	PC O-38:5	0.08	0.04	0.12	2.19E-05	3.85E-05	-0.03	-0.07	0.01	1.65E-01	2.05E-01	0.03	0.00	0.05	8.32E-02	9.90E-02	14.53	1.38E-04	7.90E-04	
355	PC O-16:0/22:6	-0.11	-0.15	-0.08	2.17E-09	5.38E-09	-0.10	-0.15	-0.06	1.20E-06	3.71E-06	-0.11	-0.13	-0.08	4.83E-14	1.40E-13	0.12	7.31E-01	7.75E-01	
356	PC O-40:5	0.17	0.13	0.21	7.15E-19	3.05E-18	0.09	0.04	0.13	4.65E-05	1.12E-04	0.13	0.10	0.16	1.04E-18	3.42E-18	6.78	9.21E-03	2.81E-02	
357	PC O-18:0/22:6	0.01	-0.03	0.05	6.49E-01	6.76E-01	-0.01	-0.06	0.03	4.88E-01	5.43E-01	0.00	-0.03	0.03	9.39E-01	9.48E-01	0.42	5.15E-01	6.15E-01	
358	PC P-16:0/14:0	0.03	-0.01	0.06	1.20E-01	1.45E-01	0.12	0.08	0.15	4.91E-10	2.29E-09	0.08	0.05	0.10	2.86E-09	6.39E-09	12.70	3.65E-04	1.70E-03	
359	PC P-16:0/16:0	0.01	-0.02	0.05	3.85E-01	4.25E-01	-0.01	-0.04	0.02	5.47E-01	6.01E-01	0.00	-0.02	0.02	8.95E-01	9.10E-01	0.72	3.95E-01	5.14E-01	
360	PC P-16:0/16:1	-0.02	-0.05	0.01	2.30E-01	2.65E-01	0.00	-0.03	0.03	8.49E-01	8.68E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.56E-01	3.89E-01	0.85	3.56E-01	4.71E-01	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
361	PC P-16:0/18:0	0.18	0.15	0.21	3.96E-27	2.44E-26	0.09	0.06	0.13	2.16E-08	8.26E-08	0.14	0.12	0.16	2.79E-34	1.68E-33	14.64	1.30E-04	7.55E-04
362	PC P-16:0/18:1	0.07	0.04	0.10	2.54E-07	5.30E-07	0.01	-0.01	0.04	3.18E-01	3.75E-01	0.03	0.02	0.05	4.15E-04	6.29E-04	9.07	2.60E-03	9.52E-03
363	PC P-16:0/18:2	0.01	-0.02	0.05	4.03E-01	4.43E-01	0.05	0.01	0.08	5.52E-03	9.39E-03	0.03	0.01	0.05	1.75E-02	2.27E-02	2.51	1.13E-01	1.99E-01
364	PC P-16:0/18:3	0.15	0.12	0.19	3.63E-16	1.33E-15	0.08	0.04	0.11	1.38E-04	3.09E-04	0.12	0.09	0.14	8.43E-20	2.90E-19	7.68	5.57E-03	1.73E-02
365	PC P-35:2 [a]	0.18	0.15	0.22	8.57E-24	4.46E-23	0.18	0.14	0.21	1.49E-20	2.56E-19	0.18	0.16	0.20	4.16E-46	3.61E-45	0.00	1.00E+00	1.00E+00
366	PC P-35:2 [b]	0.19	0.16	0.23	1.29E-25	7.24E-25	0.13	0.10	0.17	1.86E-11	1.08E-10	0.16	0.14	0.18	8.52E-37	5.55E-36	5.64	1.75E-02	4.51E-02
367	PC P-15:0/20:4 [a]	0.18	0.14	0.21	5.95E-19	2.55E-18	0.15	0.11	0.20	7.92E-11	3.98E-10	0.17	0.14	0.20	5.24E-33	3.02E-32	1.06	3.02E-01	4.14E-01
368	PC P-15:0/20:4 [b]	0.19	0.16	0.23	4.63E-23	2.34E-22	0.14	0.10	0.19	1.22E-09	5.41E-09	0.17	0.14	0.20	6.30E-34	3.69E-33	2.96	8.56E-02	1.62E-01
369	PC P-18:1/18:1	0.12	0.09	0.15	1.70E-15	5.98E-15	0.02	-0.01	0.05	1.77E-01	2.19E-01	0.07	0.05	0.09	9.95E-11	2.38E-10	21.34	3.84E-06	3.70E-05
370	PC P-18:0/18:2	0.15	0.12	0.19	3.32E-19	1.45E-18	0.10	0.07	0.14	2.94E-08	1.10E-07	0.13	0.10	0.15	4.18E-23	1.67E-22	3.92	4.77E-02	9.98E-02
371	PC P-36:3	0.14	0.11	0.18	1.33E-15	4.78E-15	0.11	0.08	0.15	2.01E-09	8.74E-09	0.13	0.10	0.15	4.18E-23	1.67E-22	1.41	2.35E-01	3.50E-01
372	PC P-16:0/20:4	0.07	0.04	0.11	8.00E-05	1.35E-04	0.05	0.01	0.08	1.76E-02	2.74E-02	0.06	0.04	0.08	2.02E-06	3.65E-06	0.63	4.28E-01	5.51E-01
373	PC P-16:0/20:5	-0.01	-0.05	0.02	5.26E-01	5.59E-01	-0.06	-0.10	-0.02	7.70E-03	1.28E-02	-0.03	-0.06	-0.01	1.84E-02	2.39E-02	3.40	6.52E-02	1.29E-01
374	PC P-17:0/20:4 [a]	0.25	0.21	0.28	7.59E-41	1.01E-39	0.19	0.15	0.23	1.30E-20	2.41E-19	0.22	0.20	0.25	2.29E-62	4.12E-61	4.90	2.69E-02	6.15E-02
375	PC P-17:0/20:4 [b]	0.22	0.18	0.26	1.18E-31	9.67E-31	0.13	0.08	0.17	4.59E-09	1.96E-08	0.18	0.15	0.21	3.12E-32	1.74E-31	8.58	3.39E-03	1.14E-02
376	PC P-18:0/20:4	0.20	0.17	0.24	7.90E-28	5.05E-27	0.10	0.06	0.14	6.59E-07	2.09E-06	0.16	0.13	0.18	2.15E-31	1.15E-30	13.60	2.26E-04	1.12E-03
377	PC P-38:5 [a]	0.02	-0.01	0.05	2.30E-01	2.65E-01	-0.03	-0.06	0.01	1.10E-01	1.43E-01	0.00	-0.02	0.02	9.19E-01	9.31E-01	4.52	3.35E-02	7.45E-02
378	PC P-38:5 [b]	0.11	0.07	0.14	6.24E-09	1.49E-08	0.04	0.00	0.08	5.96E-02	8.26E-02	0.08	0.05	0.11	3.09E-09	6.88E-09	6.66	9.84E-03	2.85E-02
379	PC P-16:0/22:6	-0.18	-0.21	-0.14	1.52E-22	7.57E-22	-0.12	-0.16	-0.08	1.79E-09	7.88E-09	-0.15	-0.18	-0.13	2.14E-30	1.07E-29	4.90	2.69E-02	6.15E-02
380	PC P-20:0/20:4	0.06	0.02	0.09	1.74E-03	2.56E-03	0.02	-0.02	0.06	4.03E-01	4.60E-01	0.04	0.02	0.07	1.50E-03	2.17E-03	2.18	1.40E-01	2.31E-01
381	PC P-18:0/22:5	0.08	0.04	0.11	6.14E-06	1.14E-05	0.03	-0.01	0.06	1.23E-01	1.58E-01	0.06	0.03	0.08	1.33E-05	2.26E-05	3.92	4.77E-02	9.98E-02
382	PC P-18:0/22:6	-0.05	-0.09	-0.02	4.88E-03	6.99E-03	-0.06	-0.10	-0.02	4.21E-03	7.47E-03	-0.05	-0.08	-0.03	5.27E-05	8.62E-05	0.14	7.12E-01	7.67E-01
383	PC P-18:1/22:6	-0.15	-0.18	-0.12	3.84E-19	1.67E-18	-0.10	-0.14	-0.07	1.06E-08	4.18E-08	-0.13	-0.15	-0.11	1.48E-28	6.90E-28	4.52	3.35E-02	7.45E-02
384	PE 16:0_16:0	-0.04	-0.08	-0.01	2.36E-02	3.12E-02	-0.03	-0.07	0.01	9.99E-02	1.31E-01	-0.04	-0.06	-0.01	7.96E-03	1.08E-02	0.14	7.12E-01	7.67E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
385	PE 16:0_16:1	0.00	-0.04	0.03	7.72E-01	7.93E-01	0.04	0.00	0.08	3.96E-02	5.79E-02	0.02	-0.01	0.04	1.97E-01	2.24E-01	2.18	1.40E-01	2.31E-01
386	PE 16:0_18:1	0.00	-0.03	0.03	9.85E-01	9.87E-01	0.00	-0.04	0.03	8.45E-01	8.67E-01	0.00	-0.02	0.02	1.00E+00	1.00E+00	0.00	1.00E+00	1.00E+00
387	PE 16:0_18:2	-0.05	-0.09	-0.02	1.25E-03	1.88E-03	-0.01	-0.05	0.03	5.52E-01	6.05E-01	-0.03	-0.06	-0.01	1.51E-02	2.00E-02	2.18	1.40E-01	2.31E-01
388	PE 16:1_18:2	-0.02	-0.05	0.02	3.16E-01	3.55E-01	0.00	-0.04	0.04	8.96E-01	9.09E-01	-0.01	-0.04	0.02	3.99E-01	4.33E-01	0.54	4.61E-01	5.75E-01
389	PE 16:0_18:3 [a]	-0.02	-0.05	0.01	2.42E-01	2.79E-01	-0.01	-0.05	0.03	6.59E-01	6.97E-01	-0.02	-0.04	0.01	1.80E-01	2.06E-01	0.15	6.95E-01	7.67E-01
390	PE 16:0_18:3 [b]	0.00	-0.04	0.03	7.85E-01	8.06E-01	0.03	-0.01	0.07	1.01E-01	1.32E-01	0.01	-0.01	0.04	3.33E-01	3.69E-01	1.22	2.69E-01	3.84E-01
391	PE 16:0;Me_18:1	0.17	0.13	0.20	1.53E-19	6.88E-19	0.16	0.12	0.20	1.54E-15	1.29E-14	0.17	0.14	0.19	6.46E-35	3.95E-34	0.14	7.12E-01	7.67E-01
392	PE 17:0_18:1	0.09	0.06	0.13	2.70E-08	6.01E-08	0.06	0.03	0.10	7.77E-04	1.51E-03	0.08	0.05	0.10	2.86E-09	6.39E-09	1.41	2.35E-01	3.50E-01
393	PE 16:0;Me_18:2	0.10	0.06	0.13	4.29E-08	9.40E-08	0.13	0.10	0.17	2.18E-11	1.25E-10	0.12	0.09	0.14	8.43E-20	2.90E-19	1.41	2.35E-01	3.50E-01
394	PE 17:0_18:2	0.06	0.02	0.09	9.04E-04	1.38E-03	0.05	0.01	0.08	1.12E-02	1.80E-02	0.06	0.03	0.08	1.33E-05	2.26E-05	0.16	6.92E-01	7.67E-01
395	PE 36:0	-0.01	-0.05	0.03	7.50E-01	7.75E-01	0.03	-0.01	0.07	2.08E-01	2.53E-01	0.01	-0.02	0.04	4.88E-01	5.17E-01	1.92	1.66E-01	2.67E-01
396	PE 18:0_18:1	0.02	-0.01	0.05	1.24E-01	1.49E-01	-0.01	-0.05	0.02	5.29E-01	5.84E-01	0.01	-0.02	0.03	5.30E-01	5.59E-01	1.63	2.02E-01	3.09E-01
397	PE 18:1_18:1	0.00	-0.03	0.03	9.88E-01	9.88E-01	-0.05	-0.09	-0.01	1.28E-02	2.04E-02	-0.02	-0.04	0.01	1.42E-01	1.64E-01	3.84	5.00E-02	1.04E-01
398	PE 18:0_18:2	-0.02	-0.05	0.01	2.58E-01	2.95E-01	0.01	-0.02	0.05	5.57E-01	6.08E-01	-0.01	-0.03	0.02	5.30E-01	5.59E-01	1.63	2.02E-01	3.09E-01
399	PE 18:1_18:2	-0.05	-0.09	-0.02	1.74E-03	2.56E-03	-0.04	-0.08	0.00	4.54E-02	6.46E-02	-0.05	-0.07	-0.02	6.79E-04	1.01E-03	0.14	7.12E-01	7.67E-01
400	PE 16:0_20:3	-0.01	-0.05	0.02	3.98E-01	4.38E-01	0.03	0.00	0.07	8.76E-02	1.17E-01	0.01	-0.01	0.03	4.28E-01	4.59E-01	2.51	1.13E-01	1.99E-01
401	PE 16:0_20:4	-0.07	-0.11	-0.04	8.27E-06	1.51E-05	-0.02	-0.05	0.02	3.99E-01	4.56E-01	-0.05	-0.07	-0.02	3.65E-04	5.55E-04	3.92	4.77E-02	9.98E-02
402	PE 16:1_20:4	-0.09	-0.12	-0.06	1.25E-07	2.67E-07	-0.01	-0.05	0.03	4.93E-01	5.46E-01	-0.06	-0.09	-0.04	5.79E-07	1.11E-06	9.83	1.71E-03	6.62E-03
403	PE 16:0_20:5	-0.14	-0.17	-0.11	8.64E-17	3.28E-16	-0.11	-0.15	-0.07	2.31E-08	8.69E-08	-0.13	-0.15	-0.11	5.01E-26	2.24E-25	1.38	2.40E-01	3.54E-01
404	PE 16:0;Me_20:4	0.09	0.05	0.12	1.52E-06	2.98E-06	0.16	0.12	0.20	6.00E-15	4.69E-14	0.12	0.09	0.15	3.38E-19	1.14E-18	6.66	9.84E-03	2.85E-02
405	PE 17:0_20:4	0.03	-0.01	0.06	1.09E-01	1.34E-01	0.04	0.01	0.08	2.58E-02	3.89E-02	0.04	0.01	0.06	5.57E-03	7.62E-03	0.16	6.92E-01	7.67E-01
406	PE 18:0_20:3 [a]	-0.07	-0.10	-0.04	9.66E-06	1.76E-05	-0.01	-0.04	0.03	7.34E-01	7.67E-01	-0.04	-0.07	-0.02	1.25E-04	1.96E-04	6.51	1.07E-02	2.98E-02
407	PE 18:0_20:3 [b]	0.09	0.06	0.13	1.51E-08	3.47E-08	0.08	0.04	0.12	1.88E-04	4.05E-04	0.09	0.06	0.11	1.84E-10	4.34E-10	0.14	7.12E-01	7.67E-01
408	PE 18:0_20:4	-0.03	-0.06	0.00	5.20E-02	6.68E-02	0.00	-0.04	0.04	9.88E-01	9.88E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.17E-01	1.36E-01	1.38	2.40E-01	3.54E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
409	PE 38:5 [a]	-0.04	-0.07	0.00	2.39E-02	3.16E-02	-0.01	-0.05	0.03	5.70E-01	6.21E-01	-0.03	-0.05	0.00	4.46E-02	5.52E-02	1.22	2.69E-01	3.84E-01
410	PE 38:5 [b]	-0.07	-0.10	-0.04	1.83E-05	3.24E-05	-0.06	-0.09	-0.02	2.25E-03	4.12E-03	-0.07	-0.09	-0.04	1.52E-08	3.23E-08	0.18	6.71E-01	7.67E-01
411	PE 16:0 22:6	-0.21	-0.24	-0.18	1.67E-35	1.63E-34	-0.17	-0.21	-0.13	2.95E-17	2.97E-16	-0.20	-0.22	-0.17	1.94E-57	2.90E-56	2.46	1.17E-01	2.03E-01
412	PE 16:0/Me 22:6	-0.06	-0.10	-0.03	3.66E-04	5.82E-04	-0.02	-0.06	0.02	3.95E-01	4.53E-01	-0.04	-0.07	-0.02	1.50E-03	2.17E-03	2.18	1.40E-01	2.31E-01
413	PE 17:0 22:6	-0.12	-0.16	-0.09	5.64E-12	1.66E-11	-0.11	-0.15	-0.07	2.29E-08	8.65E-08	-0.12	-0.14	-0.09	7.52E-18	2.39E-17	0.14	7.12E-01	7.67E-01
414	PE 18:0 22:4	0.05	0.02	0.08	7.49E-04	1.16E-03	0.09	0.05	0.13	6.96E-06	1.92E-05	0.06	0.04	0.09	1.45E-07	2.89E-07	2.46	1.17E-01	2.03E-01
415	PE 20:0 20:4	-0.08	-0.12	-0.05	9.29E-06	1.70E-05	0.04	-0.01	0.09	9.00E-02	1.19E-01	-0.04	-0.07	-0.01	5.59E-03	7.63E-03	14.85	1.16E-04	6.82E-04
416	PE 18:0 22:5(n3)	0.02	-0.01	0.05	1.91E-01	2.25E-01	0.03	0.00	0.07	7.21E-02	9.75E-02	0.02	0.00	0.05	3.70E-02	4.63E-02	0.18	6.71E-01	7.67E-01
417	PE 18:0 22:5(n6)	0.06	0.02	0.09	4.82E-04	7.62E-04	0.07	0.04	0.11	8.02E-05	1.86E-04	0.07	0.04	0.09	2.64E-07	5.16E-07	0.16	6.92E-01	7.67E-01
418	PE 18:0 22:6	-0.18	-0.21	-0.15	2.26E-30	1.73E-29	-0.15	-0.18	-0.11	1.39E-14	1.04E-13	-0.17	-0.19	-0.14	5.52E-47	5.04E-46	1.63	2.02E-01	3.09E-01
419	PE 18:1 22:6 [a]	-0.21	-0.25	-0.18	5.83E-38	6.61E-37	-0.20	-0.23	-0.16	1.33E-22	2.83E-21	-0.21	-0.23	-0.18	2.84E-59	4.44E-58	0.16	6.92E-01	7.67E-01
420	PE 18:1 22:6 [b]	-0.10	-0.13	-0.06	1.57E-08	3.58E-08	-0.02	-0.06	0.02	2.37E-01	2.86E-01	-0.07	-0.09	-0.04	1.18E-06	2.21E-06	8.70	3.18E-03	1.10E-02
421	PE O-34:1	0.06	0.02	0.09	2.08E-03	3.05E-03	0.05	0.01	0.09	2.12E-02	3.22E-02	0.06	0.03	0.08	3.44E-05	5.68E-05	0.14	7.12E-01	7.67E-01
422	PE O-16:0/18:2	0.03	-0.01	0.07	1.46E-01	1.75E-01	0.06	0.02	0.10	5.32E-03	9.08E-03	0.05	0.02	0.07	1.82E-03	2.59E-03	1.08	2.99E-01	4.14E-01
423	PE O-18:1/18:2	-0.05	-0.09	-0.02	5.23E-03	7.44E-03	0.01	-0.03	0.05	6.32E-01	6.77E-01	-0.02	-0.05	0.00	7.43E-02	8.89E-02	4.90	2.69E-02	6.15E-02
424	PE O-16:0/20:3	0.12	0.09	0.16	1.19E-10	3.23E-10	0.13	0.09	0.17	4.03E-10	1.91E-09	0.12	0.10	0.15	2.20E-20	7.94E-20	0.14	7.12E-01	7.67E-01
425	PE O-16:0/20:4	0.07	0.03	0.11	3.71E-04	5.88E-04	0.04	0.00	0.09	3.86E-02	5.66E-02	0.06	0.03	0.09	1.98E-04	3.07E-04	0.95	3.29E-01	4.40E-01
426	PE O-36:5	-0.06	-0.10	-0.02	1.62E-03	2.40E-03	-0.06	-0.11	-0.02	3.48E-03	6.26E-03	-0.06	-0.09	-0.03	8.37E-05	1.34E-04	0.00	1.00E+00	1.00E+00
427	PE O-16:0/22:4	0.21	0.18	0.25	8.66E-30	6.15E-29	0.19	0.15	0.23	1.31E-18	1.58E-17	0.20	0.17	0.23	9.78E-51	9.67E-50	0.54	4.61E-01	5.75E-01
428	PE O-18:0/20:4	0.15	0.11	0.19	2.60E-14	8.84E-14	0.13	0.08	0.17	7.77E-09	3.16E-08	0.14	0.11	0.17	2.14E-20	7.75E-20	0.42	5.15E-01	6.15E-01
429	PE O-38:5 [a]	0.20	0.16	0.24	2.96E-26	1.72E-25	0.13	0.09	0.18	7.87E-11	3.98E-10	0.17	0.14	0.20	1.46E-28	6.85E-28	5.19	2.27E-02	5.58E-02
430	PE O-38:5 [b]	0.11	0.07	0.14	1.44E-08	3.31E-08	0.07	0.02	0.11	2.00E-03	3.73E-03	0.09	0.07	0.12	1.65E-11	4.17E-11	1.89	1.69E-01	2.68E-01
431	PE O-16:0/22:6	-0.15	-0.19	-0.12	2.78E-17	1.09E-16	-0.08	-0.12	-0.04	3.27E-05	8.18E-05	-0.12	-0.15	-0.09	5.44E-19	1.81E-18	6.66	9.84E-03	2.85E-02
432	PE O-18:0/22:5	0.31	0.28	0.35	8.57E-63	3.17E-61	0.23	0.19	0.27	2.06E-28	1.04E-26	0.28	0.25	0.30	2.87E-93	2.01E-91	8.70	3.18E-03	1.10E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
433	PE O-18:0/22:6	-0.02	-0.05	0.02	3.58E-01	3.99E-01	0.01	-0.03	0.05	6.39E-01	6.82E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.03E-01	6.32E-01	1.22	2.69E-01	3.84E-01
434	PE O-18:1/22:6	-0.21	-0.25	-0.17	6.17E-30	4.42E-29	-0.16	-0.20	-0.12	9.71E-14	6.56E-13	-0.19	-0.21	-0.16	1.27E-37	8.75E-37	3.00	8.32E-02	1.60E-01
435	PE P-15:0/22:6 [a]	0.02	-0.02	0.05	4.35E-01	4.75E-01	0.06	0.02	0.11	7.12E-03	1.18E-02	0.04	0.01	0.06	1.28E-02	1.72E-02	1.89	1.69E-01	2.68E-01
436	PE P-15:0/22:6 [b]	-0.05	-0.09	-0.01	7.43E-03	1.04E-02	-0.04	-0.08	0.01	9.79E-02	1.29E-01	-0.05	-0.08	-0.02	2.80E-03	3.93E-03	0.11	7.45E-01	7.84E-01
437	PE P-16:0/18:1	0.22	0.19	0.26	4.78E-36	4.94E-35	0.12	0.08	0.16	4.68E-09	1.98E-08	0.18	0.15	0.20	1.85E-39	1.34E-38	13.60	2.26E-04	1.12E-03
438	PE P-16:0/18:2	0.14	0.10	0.18	2.62E-13	8.40E-13	0.12	0.08	0.17	6.08E-09	2.53E-08	0.13	0.10	0.16	8.00E-18	2.50E-17	0.42	5.15E-01	6.15E-01
439	PE P-16:0/18:3	0.17	0.13	0.20	7.24E-18	2.92E-17	0.08	0.04	0.13	2.73E-04	5.75E-04	0.14	0.11	0.16	4.73E-22	1.80E-21	9.57	1.97E-03	7.30E-03
440	PE P-16:0/20:3 [a]	0.16	0.12	0.20	5.63E-17	2.19E-16	0.14	0.09	0.18	9.98E-10	4.47E-09	0.15	0.12	0.18	3.74E-23	1.54E-22	0.42	5.15E-01	6.15E-01
441	PE P-16:0/20:3 [b]	0.21	0.17	0.25	5.84E-28	3.77E-27	0.15	0.11	0.19	7.22E-12	4.34E-11	0.18	0.15	0.21	1.04E-35	6.43E-35	4.32	3.76E-02	8.27E-02
442	PE P-16:0/20:4	0.07	0.04	0.11	1.29E-04	2.15E-04	0.04	0.00	0.09	6.20E-02	8.56E-02	0.06	0.03	0.09	3.13E-05	5.24E-05	1.06	3.02E-01	4.14E-01
443	PE P-16:0/20:5	-0.02	-0.05	0.02	3.80E-01	4.21E-01	-0.05	-0.09	0.00	3.94E-02	5.77E-02	-0.03	-0.06	0.00	2.63E-02	3.34E-02	1.06	3.02E-01	4.14E-01
444	PE P-16:0/22:4	0.22	0.19	0.26	2.96E-36	3.15E-35	0.15	0.11	0.19	4.04E-11	2.18E-10	0.19	0.16	0.22	3.21E-45	2.76E-44	6.66	9.84E-03	2.85E-02
445	PE P-16:0/22:5(n3)	0.23	0.19	0.26	1.79E-39	2.13E-38	0.18	0.14	0.22	3.86E-20	6.02E-19	0.21	0.18	0.23	3.40E-54	4.27E-53	3.40	6.52E-02	1.29E-01
446	PE P-16:0/22:5(n6)	0.20	0.17	0.24	2.74E-29	1.85E-28	0.19	0.15	0.23	1.09E-18	1.35E-17	0.20	0.17	0.22	5.08E-48	4.70E-47	0.14	7.12E-01	7.67E-01
447	PE P-16:0/22:6	-0.16	-0.20	-0.13	2.79E-20	1.30E-19	-0.12	-0.16	-0.08	1.85E-09	8.09E-09	-0.14	-0.17	-0.12	2.54E-26	1.15E-25	2.18	1.40E-01	2.31E-01
448	PE P-17:0/20:4 [a]	0.22	0.18	0.26	4.84E-30	3.50E-29	0.16	0.11	0.20	1.90E-12	1.20E-11	0.19	0.16	0.22	6.99E-37	4.68E-36	3.82	5.08E-02	1.05E-01
449	PE P-17:0/20:4 [b]	0.14	0.11	0.18	6.96E-14	2.28E-13	0.11	0.06	0.15	2.59E-06	7.48E-06	0.13	0.10	0.16	6.85E-20	2.40E-19	1.06	3.02E-01	4.14E-01
450	PE P-17:0/22:6 [a]	0.03	-0.01	0.07	1.16E-01	1.41E-01	0.03	-0.01	0.07	1.17E-01	1.51E-01	0.03	0.00	0.06	3.76E-02	4.69E-02	0.00	1.00E+00	1.00E+00
451	PE P-17:0/22:6 [b]	-0.04	-0.08	-0.01	1.87E-02	2.50E-02	-0.04	-0.08	0.00	5.60E-02	7.79E-02	-0.04	-0.07	-0.01	2.92E-03	4.08E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00
452	PE P-18:0/18:1	0.30	0.26	0.33	9.03E-59	2.54E-57	0.16	0.12	0.20	4.52E-14	3.21E-13	0.24	0.21	0.27	6.35E-71	1.54E-69	26.65	2.43E-07	3.72E-06
453	PE P-18:0/18:2	0.21	0.17	0.25	2.70E-29	1.84E-28	0.17	0.13	0.21	2.13E-16	2.03E-15	0.19	0.16	0.22	1.37E-39	1.00E-38	1.92	1.66E-01	2.67E-01
454	PE P-18:0/18:3	0.09	0.05	0.13	1.86E-06	3.60E-06	0.12	0.07	0.16	1.62E-07	5.65E-07	0.10	0.07	0.13	1.30E-11	3.30E-11	0.95	3.29E-01	4.40E-01
455	PE P-18:0/20:3 [a]	0.23	0.19	0.26	6.28E-32	5.25E-31	0.18	0.13	0.22	3.13E-15	2.53E-14	0.21	0.18	0.24	9.90E-51	9.67E-50	2.96	8.56E-02	1.62E-01
456	PE P-18:0/20:3 [b]	0.27	0.23	0.31	2.78E-47	4.77E-46	0.20	0.15	0.24	2.30E-19	3.11E-18	0.24	0.21	0.27	2.22E-55	3.06E-54	5.19	2.27E-02	5.58E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeffic ient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
457	PE P-18:0/20:4	0.17	0.13	0.20	3.13E-18	1.28E-17	0.11	0.07	0.16	4.31E-07	1.40E-06	0.15	0.12	0.18	1.37E-25	6.08E-25	4.26	3.91E-02	8.49E-02	
458	PE P-18:0/20:5	0.06	0.02	0.09	3.53E-03	5.09E-03	-0.01	-0.05	0.03	6.55E-01	6.95E-01	0.03	0.00	0.06	2.74E-02	3.46E-02	6.66	9.84E-03	2.85E-02	
459	PE P-18:0/22:4	0.36	0.32	0.39	1.35E-82	1.90E-80	0.17	0.13	0.22	1.74E-13	1.15E-12	0.29	0.26	0.32	4.97E-93	3.18E-91	42.67	6.48E-11	3.19E-09	
460	PE P-18:0/22:5(n3)	0.36	0.32	0.39	2.79E-88	1.96E-85	0.25	0.20	0.29	1.17E-30	1.65E-28	0.32	0.29	0.35	4.49E-113	3.15E-110	14.30	1.56E-04	8.55E-04	
461	PE P-18:0/22:5(n6)	0.32	0.29	0.36	2.35E-65	9.73E-64	0.23	0.19	0.28	7.98E-27	3.12E-25	0.29	0.26	0.31	1.41E-91	8.25E-90	9.57	1.97E-03	7.30E-03	
462	PE P-18:0/22:6	-0.05	-0.09	-0.01	7.45E-03	1.04E-02	-0.03	-0.08	0.01	1.06E-01	1.39E-01	-0.04	-0.07	-0.01	6.95E-03	9.45E-03	0.42	5.15E-01	6.15E-01	
463	PE P-18:1/18:1 [a]	0.14	0.11	0.18	5.80E-15	2.02E-14	0.03	-0.01	0.07	1.27E-01	1.62E-01	0.09	0.07	0.12	6.50E-12	1.67E-11	16.45	4.98E-05	3.05E-04	
464	PE P-18:1/18:1 [b]	0.26	0.23	0.30	8.34E-42	1.17E-40	0.21	0.17	0.26	1.01E-21	1.98E-20	0.24	0.21	0.27	1.28E-65	2.73E-64	2.96	8.56E-02	1.62E-01	
465	PE P-18:1/18:2 [a]	0.07	0.03	0.11	3.23E-04	5.18E-04	0.05	0.01	0.09	1.92E-02	2.95E-02	0.06	0.03	0.09	3.21E-05	5.34E-05	0.48	4.88E-01	6.02E-01	
466	PE P-18:1/18:2 [b]	0.24	0.20	0.28	1.37E-35	1.36E-34	0.21	0.17	0.25	3.45E-23	7.82E-22	0.23	0.20	0.25	8.29E-55	1.08E-53	1.08	2.99E-01	4.14E-01	
467	PE P-18:1/18:3	0.03	-0.01	0.06	1.92E-01	2.26E-01	0.02	-0.02	0.06	3.87E-01	4.44E-01	0.03	0.00	0.05	5.62E-02	6.80E-02	0.14	7.12E-01	7.67E-01	
468	PE P-18:1/20:3 [a]	0.16	0.12	0.19	3.09E-16	1.14E-15	0.12	0.07	0.16	9.66E-08	3.50E-07	0.14	0.12	0.17	8.54E-25	3.73E-24	1.89	1.69E-01	2.68E-01	
469	PE P-18:1/20:3 [b]	0.25	0.22	0.29	7.91E-41	1.03E-39	0.20	0.16	0.25	1.82E-20	2.98E-19	0.23	0.20	0.26	1.94E-60	3.25E-59	2.96	8.56E-02	1.62E-01	
470	PE P-18:1/20:4 [a]	0.06	0.02	0.10	2.25E-03	3.29E-03	0.01	-0.04	0.05	7.30E-01	7.65E-01	0.04	0.01	0.07	1.29E-02	1.73E-02	2.65	1.04E-01	1.88E-01	
471	PE P-18:1/20:4 [b]	0.21	0.17	0.25	1.24E-27	7.81E-27	0.19	0.15	0.24	1.57E-17	1.64E-16	0.20	0.17	0.23	1.02E-39	7.53E-39	0.42	5.15E-01	6.15E-01	
472	PE P-18:1/20:5 [a]	-0.05	-0.09	-0.01	7.06E-03	9.91E-03	-0.08	-0.12	-0.03	6.45E-04	1.27E-03	-0.06	-0.09	-0.03	3.38E-05	5.61E-05	0.95	3.29E-01	4.40E-01	
473	PE P-18:1/20:5 [b]	0.10	0.06	0.13	5.19E-07	1.06E-06	0.06	0.02	0.11	4.61E-03	8.06E-03	0.08	0.06	0.11	1.69E-09	3.90E-09	1.89	1.69E-01	2.68E-01	
474	PE P-18:1/22:4	0.36	0.32	0.39	4.70E-83	8.26E-81	0.12	0.07	0.16	2.08E-07	7.11E-07	0.27	0.24	0.30	1.65E-81	5.52E-80	68.08	1.57E-16	1.10E-13	
475	PE P-18:1/22:5 [a]	0.20	0.17	0.24	1.71E-30	1.32E-29	0.13	0.09	0.17	1.15E-10	5.67E-10	0.17	0.14	0.20	1.57E-36	1.01E-35	6.66	9.84E-03	2.85E-02	
476	PE P-18:1/22:5 [b]	0.25	0.21	0.28	4.06E-39	4.67E-38	0.14	0.10	0.19	2.50E-11	1.40E-10	0.21	0.18	0.24	1.59E-49	1.53E-48	14.30	1.56E-04	8.55E-04	
477	PE P-18:1/22:6 [a]	-0.22	-0.25	-0.18	1.59E-32	1.38E-31	-0.19	-0.23	-0.15	7.19E-19	9.19E-18	-0.21	-0.23	-0.18	1.58E-53	1.88E-52	1.22	2.69E-01	3.84E-01	
478	PE P-18:1/22:6 [b]	0.00	-0.04	0.03	9.27E-01	9.36E-01	0.05	0.01	0.09	1.84E-02	2.85E-02	0.02	0.00	0.05	1.07E-01	1.25E-01	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
479	PE P-19:0/20:4 [a]	0.15	0.11	0.19	3.40E-14	1.14E-13	0.11	0.07	0.16	1.03E-06	3.23E-06	0.13	0.10	0.16	4.08E-18	1.32E-17	1.70	1.93E-01	3.02E-01	
480	PE P-19:0/20:4 [b]	0.09	0.05	0.13	2.39E-06	4.58E-06	0.07	0.02	0.11	4.93E-03	8.57E-03	0.08	0.05	0.11	1.03E-07	2.07E-07	0.42	5.15E-01	6.15E-01	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeffic ient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
481	PE P-20:0/18:1	0.04	0.01	0.08	2.20E-02	2.91E-02	0.01	-0.04	0.05	7.83E-01	8.11E-01	0.03	0.00	0.06	4.18E-02	5.19E-02	1.06	3.02E-01	4.14E-01	
482	PE P-20:0/18:2	-0.07	-0.11	-0.03	1.49E-04	2.48E-04	0.03	-0.01	0.07	1.95E-01	2.39E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.66E-01	1.89E-01	12.01	5.31E-04	2.35E-03	
483	PE P-20:0/20:4	-0.06	-0.10	-0.02	1.36E-03	2.05E-03	-0.01	-0.05	0.04	7.38E-01	7.71E-01	-0.04	-0.07	-0.01	1.29E-02	1.73E-02	2.65	1.04E-01	1.88E-01	
484	PE P-20:0/22:6	-0.24	-0.28	-0.21	2.18E-41	3.01E-40	-0.16	-0.20	-0.12	7.43E-14	5.17E-13	-0.21	-0.23	-0.18	1.08E-52	1.21E-51	8.70	3.18E-03	1.10E-02	
485	PE P-20:1/20:4	-0.02	-0.05	0.02	4.29E-01	4.69E-01	-0.08	-0.12	-0.03	7.32E-04	1.43E-03	-0.04	-0.07	-0.01	2.50E-03	3.53E-03	4.26	3.91E-02	8.49E-02	
486	PE P-20:1/22:6	-0.17	-0.21	-0.14	7.27E-20	3.30E-19	-0.15	-0.20	-0.11	1.39E-11	8.23E-11	-0.16	-0.19	-0.13	9.79E-31	5.06E-30	0.47	4.92E-01	6.02E-01	
487	PG 34:1	-0.04	-0.08	-0.01	6.66E-03	9.38E-03	-0.04	-0.07	0.00	4.13E-02	5.99E-02	-0.04	-0.06	-0.02	1.54E-03	2.20E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
488	PG 36:1	-0.01	-0.04	0.02	7.16E-01	7.44E-01	0.00	-0.03	0.04	8.70E-01	8.88E-01	-0.01	-0.03	0.02	6.20E-01	6.48E-01	0.18	6.71E-01	7.67E-01	
489	PG 36:2	-0.03	-0.07	0.00	6.11E-02	7.82E-02	-0.01	-0.04	0.03	6.50E-01	6.92E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.13E-01	1.32E-01	0.63	4.28E-01	5.51E-01	
490	PI 16:0/16:0	-0.07	-0.11	-0.04	4.99E-05	8.56E-05	0.04	0.00	0.08	3.75E-02	5.52E-02	-0.02	-0.05	0.00	9.70E-02	1.14E-01	16.45	4.98E-05	3.05E-04	
491	PI 16:0_16:1	0.01	-0.02	0.05	4.47E-01	4.86E-01	0.08	0.04	0.12	5.25E-05	1.25E-04	0.04	0.01	0.07	2.68E-03	3.76E-03	6.66	9.84E-03	2.85E-02	
492	PI 34:0	-0.05	-0.09	-0.02	3.95E-03	5.67E-03	0.06	0.01	0.10	8.98E-03	1.47E-02	-0.01	-0.04	0.02	5.45E-01	5.73E-01	14.30	1.56E-04	8.55E-04	
493	PI 34:1	0.05	0.02	0.09	2.61E-03	3.79E-03	0.09	0.05	0.12	1.26E-05	3.34E-05	0.07	0.05	0.09	2.96E-08	6.10E-08	2.51	1.13E-01	1.99E-01	
494	PI 16:0;Me_18:1 PI 17:0_18:1	0.21	0.17	0.25	8.22E-28	5.21E-27	0.15	0.11	0.19	1.54E-13	1.02E-12	0.18	0.15	0.21	1.04E-35	6.43E-35	4.32	3.76E-02	8.27E-02	
495	PI 16:0;Me_18:2 PI 17:0_18:2	0.03	-0.01	0.06	1.33E-01	1.60E-01	0.08	0.04	0.12	7.19E-05	1.69E-04	0.05	0.03	0.08	1.20E-04	1.90E-04	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
496	PI 18:0_18:1	0.08	0.05	0.11	4.79E-06	8.96E-06	0.09	0.05	0.13	2.00E-06	5.97E-06	0.08	0.06	0.11	8.65E-12	2.22E-11	0.15	6.95E-01	7.67E-01	
497	PI 36:2	-0.10	-0.13	-0.06	1.34E-08	3.11E-08	-0.02	-0.06	0.01	2.26E-01	2.73E-01	-0.06	-0.08	-0.04	2.02E-06	3.65E-06	10.04	1.54E-03	5.96E-03	
498	PI 18:1_18:2	-0.13	-0.17	-0.10	2.93E-12	8.74E-12	-0.08	-0.12	-0.04	2.37E-04	5.04E-04	-0.11	-0.13	-0.08	7.62E-16	2.30E-15	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
499	PI 16:0_20:3 [a]	-0.10	-0.13	-0.06	8.03E-08	1.74E-07	0.05	0.01	0.08	1.28E-02	2.04E-02	-0.03	-0.05	0.00	4.77E-02	5.85E-02	35.28	2.86E-09	6.92E-08	
500	PI 16:0_20:3 [b]	0.03	-0.01	0.06	1.03E-01	1.28E-01	0.06	0.02	0.10	3.83E-03	6.83E-03	0.04	0.02	0.07	1.37E-03	1.99E-03	1.22	2.69E-01	3.84E-01	
501	PI 16:0_20:4	-0.04	-0.07	-0.01	1.46E-02	1.98E-02	-0.01	-0.04	0.03	7.85E-01	8.13E-01	-0.03	-0.05	0.00	1.88E-02	2.44E-02	1.63	2.02E-01	3.09E-01	
502	PI 16:0;Me_20:4 PI 17:0_20:4	0.05	0.01	0.08	4.95E-03	7.07E-03	0.08	0.04	0.12	7.75E-05	1.80E-04	0.06	0.04	0.09	2.75E-06	4.96E-06	1.22	2.69E-01	3.84E-01	
503	PI 37:6	-0.04	-0.08	0.00	4.03E-02	5.22E-02	0.05	0.01	0.09	1.52E-02	2.39E-02	0.01	-0.02	0.03	7.29E-01	7.46E-01	9.72	1.82E-03	6.87E-03	
504	PI 18:0_20:2	-0.05	-0.08	-0.01	6.56E-03	9.28E-03	0.03	-0.01	0.07	1.10E-01	1.43E-01	-0.02	-0.04	0.01	2.55E-01	2.85E-01	8.70	3.18E-03	1.10E-02	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
#																				
505	PI 18:0 20:3 [a]	-0.14	-0.17	-0.10	8.64E-13	2.65E-12	-0.03	-0.08	0.01	1.19E-01	1.53E-01	-0.10	-0.13	-0.07	2.73E-12	7.23E-12	14.30	1.56E-04	8.55E-04	
506	PI 18:0 20:3 [b]	0.09	0.05	0.12	3.44E-07	7.07E-07	0.10	0.06	0.14	3.14E-06	8.98E-06	0.09	0.07	0.12	2.22E-12	5.90E-12	0.14	7.12E-01	7.67E-01	
507	PI 18:0 20:4	-0.07	-0.10	-0.03	3.37E-05	5.83E-05	-0.03	-0.07	0.01	1.21E-01	1.55E-01	-0.05	-0.08	-0.03	8.92E-05	1.43E-04	2.18	1.40E-01	2.31E-01	
508	PI 38:5 [a]	0.02	-0.02	0.05	3.44E-01	3.84E-01	0.03	-0.01	0.06	1.58E-01	1.97E-01	0.03	0.00	0.05	4.77E-02	5.85E-02	0.16	6.92E-01	7.67E-01	
509	PI 38:5 [b]	0.06	0.02	0.09	1.40E-03	2.10E-03	0.07	0.04	0.11	1.16E-04	2.61E-04	0.07	0.04	0.09	2.64E-07	5.16E-07	0.16	6.92E-01	7.67E-01	
510	PI 38:6	-0.16	-0.20	-0.13	1.68E-19	7.52E-19	-0.07	-0.11	-0.03	3.06E-04	6.41E-04	-0.12	-0.15	-0.09	2.22E-19	7.58E-19	11.01	9.04E-04	3.72E-03	
511	PI 39:6	-0.11	-0.15	-0.07	6.95E-09	1.65E-08	-0.02	-0.06	0.03	4.34E-01	4.91E-01	-0.07	-0.10	-0.04	4.08E-06	7.26E-06	8.58	3.39E-03	1.14E-02	
512	PI 18:0 22:4	0.05	0.01	0.08	8.12E-03	1.13E-02	0.10	0.06	0.14	1.57E-07	5.51E-07	0.07	0.05	0.10	9.61E-08	1.94E-07	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
513	PI 20:0 20:4	-0.10	-0.13	-0.06	6.11E-07	1.24E-06	-0.07	-0.12	-0.03	4.58E-04	9.31E-04	-0.09	-0.12	-0.06	3.13E-10	7.29E-10	1.06	3.02E-01	4.14E-01	
514	PI 18:0 22:5 [n3]	0.01	-0.03	0.04	6.29E-01	6.58E-01	0.05	0.01	0.09	9.42E-03	1.54E-02	0.03	0.00	0.05	4.19E-02	5.19E-02	2.18	1.40E-01	2.31E-01	
515	PI 18:0 22:5 [n6]	0.10	0.06	0.14	1.37E-07	2.90E-07	0.09	0.05	0.13	6.06E-05	1.43E-04	0.10	0.07	0.12	4.61E-11	1.11E-10	0.12	7.29E-01	7.75E-01	
516	PI 18:0 22:6	-0.20	-0.24	-0.16	1.07E-28	7.10E-28	-0.12	-0.16	-0.08	8.76E-09	3.50E-08	-0.16	-0.19	-0.13	1.44E-28	6.81E-28	7.68	5.57E-03	1.73E-02	
517	PS 36:1	0.03	-0.01	0.07	1.18E-01	1.43E-01	0.03	-0.01	0.08	1.58E-01	1.97E-01	0.03	0.00	0.06	4.92E-02	6.02E-02	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
518	PS 36:2	0.07	0.03	0.11	8.94E-04	1.37E-03	0.07	0.02	0.11	4.24E-03	7.50E-03	0.07	0.04	0.10	4.45E-06	7.86E-06	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
519	PS 38:3	0.04	0.00	0.08	8.07E-02	1.01E-01	0.06	0.01	0.10	1.73E-02	2.70E-02	0.05	0.02	0.08	1.37E-03	1.99E-03	0.42	5.15E-01	6.15E-01	
520	PS 38:4	0.05	0.02	0.09	6.73E-03	9.46E-03	0.07	0.02	0.11	4.58E-03	8.05E-03	0.06	0.03	0.09	4.46E-05	7.33E-05	0.47	4.92E-01	6.02E-01	
521	PS 38:5	0.06	0.02	0.10	5.12E-03	7.30E-03	0.11	0.06	0.15	4.27E-06	1.21E-05	0.08	0.05	0.11	7.43E-08	1.50E-07	2.65	1.04E-01	1.88E-01	
522	PS 40:5	0.07	0.03	0.11	3.31E-04	5.29E-04	0.10	0.05	0.14	5.92E-05	1.40E-04	0.08	0.05	0.11	4.83E-08	9.85E-08	0.95	3.29E-01	4.40E-01	
523	PS 40:6	-0.12	-0.16	-0.08	3.08E-09	7.42E-09	-0.02	-0.07	0.03	3.78E-01	4.35E-01	-0.08	-0.11	-0.05	3.75E-07	7.24E-07	9.37	2.21E-03	8.12E-03	
524	SPBP 16:1;O2	-0.01	-0.05	0.03	5.25E-01	5.59E-01	0.12	0.08	0.16	8.97E-09	3.56E-08	0.06	0.03	0.08	1.38E-04	2.15E-04	20.29	6.66E-06	6.24E-05	
525	SPBP 18:0;O2	0.02	-0.02	0.06	2.63E-01	2.99E-01	0.05	0.01	0.09	2.61E-02	3.93E-02	0.04	0.01	0.06	1.53E-02	2.01E-02	1.08	2.99E-01	4.14E-01	
526	SPBP 18:1;O2	0.06	0.02	0.10	2.51E-03	3.65E-03	0.08	0.04	0.12	1.15E-04	2.61E-04	0.07	0.04	0.10	1.23E-06	2.28E-06	0.48	4.88E-01	6.02E-01	
527	SPBP 18:2;O2	0.03	-0.01	0.07	1.58E-01	1.89E-01	0.08	0.04	0.11	9.23E-05	2.13E-04	0.06	0.03	0.08	1.43E-05	2.42E-05	3.40	6.52E-02	1.29E-01	
528	SM 17:1;O2/14:0	0.01	-0.03	0.04	7.00E-01	7.28E-01	0.15	0.11	0.18	2.23E-16	2.06E-15	0.08	0.06	0.10	2.36E-10	5.54E-10	30.73	2.96E-08	5.20E-07	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
529	SM 18:0;O2/14:0	-0.09	-0.12	-0.06	6.01E-08	1.31E-07	0.07	0.04	0.11	3.27E-05	8.18E-05	-0.02	-0.05	0.00	5.57E-02	6.75E-02	46.28	1.03E-11	8.01E-10
530	SM 18:1;O2/14:0 SM 16:1;O2/16:0	-0.07	-0.10	-0.04	1.22E-05	2.21E-05	0.09	0.06	0.13	2.18E-08	8.28E-08	0.00	-0.03	0.02	8.47E-01	8.63E-01	46.28	1.03E-11	8.01E-10
531	SM 18:2;O2/14:0	-0.06	-0.08	-0.03	1.65E-05	2.94E-05	0.07	0.04	0.10	2.28E-06	6.75E-06	-0.01	-0.03	0.01	4.93E-01	5.21E-01	42.57	6.81E-11	3.19E-09
532	SM 17:1;O2/16:0	0.10	0.06	0.13	3.68E-09	8.83E-09	0.13	0.10	0.17	2.27E-14	1.68E-13	0.12	0.09	0.14	8.43E-20	2.90E-19	1.41	2.35E-01	3.50E-01
533	SM 18:0;O2/16:0	0.01	-0.02	0.05	4.53E-01	4.92E-01	-0.04	-0.08	-0.01	1.70E-02	2.66E-02	-0.02	-0.04	0.01	2.35E-01	2.64E-01	3.92	4.77E-02	9.98E-02
534	SM 18:1;O2/16:0	0.05	0.02	0.07	5.72E-04	9.00E-04	0.01	-0.02	0.04	5.57E-01	6.08E-01	0.03	0.01	0.05	6.04E-04	9.06E-04	4.03	4.47E-02	9.64E-02
535	SM 18:2;O2/16:0	0.01	-0.01	0.04	3.88E-01	4.27E-01	0.01	-0.02	0.03	5.83E-01	6.32E-01	0.01	-0.01	0.03	2.68E-01	2.97E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
536	SM 34:3;O2	0.06	0.03	0.09	3.16E-05	5.50E-05	0.10	0.07	0.13	8.22E-09	3.30E-08	0.08	0.06	0.10	1.45E-13	4.18E-13	3.41	6.46E-02	1.29E-01
537	SM 16:1;O2/19:0	0.31	0.27	0.34	4.79E-64	1.87E-62	0.20	0.16	0.23	4.80E-25	1.40E-23	0.26	0.23	0.28	1.08E-90	5.44E-89	18.97	1.33E-05	1.12E-04
538	SM 18:1;O2/17:0 SM 17:1;O2/18:0	0.25	0.21	0.28	8.07E-43	1.21E-41	0.12	0.08	0.17	6.93E-09	2.83E-08	0.20	0.17	0.23	3.90E-46	3.47E-45	19.98	7.84E-06	7.25E-05
539	SM 18:2;O2/17:0	0.19	0.16	0.22	1.18E-29	8.25E-29	0.11	0.08	0.15	4.85E-10	2.27E-09	0.16	0.13	0.18	3.83E-41	2.96E-40	11.57	6.70E-04	2.82E-03
540	SM 35:2;O2 [b]	0.11	0.08	0.14	5.84E-14	1.92E-13	0.08	0.04	0.11	1.39E-06	4.26E-06	0.10	0.07	0.12	5.66E-17	1.75E-16	1.63	2.02E-01	3.09E-01
541	SM 18:1;O2/18:0 SM 16:1;O2/20:0	0.12	0.09	0.15	1.10E-13	3.56E-13	0.03	0.00	0.06	5.28E-02	7.42E-02	0.08	0.05	0.10	4.22E-12	1.10E-11	17.29	3.21E-05	2.26E-04
542	SM 18:2;O2/18:1	0.16	0.13	0.19	1.01E-20	4.77E-20	0.10	0.06	0.13	1.00E-07	3.61E-07	0.13	0.11	0.16	5.13E-31	2.71E-30	6.51	1.07E-02	2.98E-02
543	SM 37:1;O2	0.10	0.07	0.14	1.59E-09	3.96E-09	0.08	0.05	0.12	1.87E-05	4.81E-05	0.09	0.07	0.11	1.02E-12	2.75E-12	0.63	4.28E-01	5.51E-01
544	SM 37:2;O2	0.15	0.11	0.18	1.50E-16	5.55E-16	0.09	0.06	0.13	4.82E-07	1.56E-06	0.12	0.10	0.14	2.03E-21	7.63E-21	5.64	1.75E-02	4.51E-02
545	SM 18:1;O2/20:0 SM 16:1;O2/22:0	-0.06	-0.09	-0.03	3.11E-04	5.01E-04	0.02	-0.01	0.06	1.54E-01	1.93E-01	-0.03	-0.05	0.00	2.46E-02	3.13E-02	11.57	6.70E-04	2.82E-03
546	SM 18:2;O2/20:0	0.03	0.00	0.07	3.59E-02	4.67E-02	-0.01	-0.04	0.03	7.11E-01	7.49E-01	0.01	-0.01	0.03	4.28E-01	4.59E-01	2.51	1.13E-01	1.99E-01
547	SM 16:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/22:0	-0.03	-0.06	0.00	8.66E-02	1.08E-01	0.07	0.04	0.10	4.68E-05	1.13E-04	0.02	0.00	0.04	6.46E-02	7.76E-02	21.34	3.84E-06	3.70E-05
548	SM 18:0;O2/22:0	0.03	0.00	0.06	7.55E-02	9.55E-02	-0.01	-0.05	0.02	4.62E-01	5.17E-01	0.01	-0.01	0.04	2.61E-01	2.91E-01	2.89	8.90E-02	1.65E-01
549	SM 18:1;O2/22:0 SM 16:1;O2/24:0	-0.01	-0.04	0.02	6.77E-01	7.05E-01	0.01	-0.02	0.04	3.56E-01	4.14E-01	0.00	-0.02	0.02	1.00E+00	1.00E+00	0.85	3.56E-01	4.71E-01
550	SM 16:1;O2/24:1	-0.16	-0.19	-0.13	1.27E-21	6.11E-21	-0.02	-0.05	0.02	3.97E-01	4.53E-01	-0.10	-0.12	-0.08	4.49E-18	1.44E-17	35.43	2.64E-09	6.63E-08
551	SM 18:2;O2/22:0	0.02	-0.01	0.05	1.52E-01	1.82E-01	0.03	0.00	0.06	4.48E-02	6.41E-02	0.03	0.00	0.05	2.09E-02	2.68E-02	0.21	6.44E-01	7.56E-01
552	SM 40:3;O2 [a]	-0.19	-0.22	-0.16	1.22E-34	1.14E-33	-0.09	-0.13	-0.06	2.55E-07	8.51E-07	-0.15	-0.17	-0.12	5.55E-37	3.75E-36	18.08	2.12E-05	1.67E-04

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
553	SM 40:3;O2 [b]	0.19	0.15	0.22	3.51E-27	2.18E-26	0.22	0.18	0.26	1.53E-29	1.34E-27	0.20	0.18	0.23	1.48E-51	1.55E-50	1.22	2.69E-01	3.84E-01
554	SM 41:0;O2	0.06	0.02	0.09	7.88E-04	1.22E-03	0.00	-0.03	0.04	8.32E-01	8.57E-01	0.03	0.01	0.05	1.75E-02	2.27E-02	5.64	1.75E-02	4.51E-02
555	SM 41:1;O2 [a]	0.15	0.12	0.19	7.01E-17	2.71E-16	0.17	0.13	0.20	2.44E-17	2.52E-16	0.16	0.14	0.18	8.52E-37	5.55E-36	0.63	4.28E-01	5.51E-01
556	SM 18:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/24:0	-0.04	-0.07	-0.01	1.50E-02	2.03E-02	0.02	-0.01	0.05	2.71E-01	3.23E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.56E-01	3.89E-01	7.68	5.57E-03	1.73E-02
557	SM 17:1;O2/24:1	0.05	0.02	0.09	1.17E-03	1.78E-03	0.07	0.03	0.10	2.91E-04	6.12E-04	0.06	0.04	0.08	2.02E-06	3.65E-06	0.63	4.28E-01	5.51E-01
558	SM 18:2;O2/23:0	-0.02	-0.05	0.01	3.17E-01	3.56E-01	0.03	0.00	0.06	4.52E-02	6.45E-02	0.01	-0.02	0.03	6.44E-01	6.70E-01	5.34	2.09E-02	5.26E-02
559	SM 18:1;O2/24:0	-0.08	-0.11	-0.05	7.04E-07	1.42E-06	-0.02	-0.05	0.01	1.40E-01	1.77E-01	-0.05	-0.07	-0.03	3.84E-06	6.85E-06	7.68	5.57E-03	1.73E-02
560	SM 18:1;O2/24:1	-0.06	-0.10	-0.03	1.36E-04	2.27E-04	-0.12	-0.16	-0.09	3.52E-11	1.93E-10	-0.09	-0.11	-0.07	1.02E-12	2.75E-12	5.64	1.75E-02	4.51E-02
561	SM 18:2;O2/24:0	-0.10	-0.13	-0.07	4.05E-11	1.13E-10	-0.02	-0.05	0.02	3.38E-01	3.96E-01	-0.07	-0.09	-0.04	1.28E-08	2.74E-08	11.57	6.70E-04	2.82E-03
562	SM 43:1;O2	0.01	-0.02	0.05	5.04E-01	5.40E-01	0.08	0.04	0.11	2.02E-05	5.19E-05	0.05	0.02	0.07	3.65E-04	5.55E-04	7.68	5.57E-03	1.73E-02
563	SM 19:1;O2/24:1	0.12	0.08	0.15	1.32E-09	3.32E-09	0.11	0.07	0.15	6.95E-07	2.20E-06	0.12	0.09	0.14	7.52E-18	2.39E-17	0.14	7.12E-01	7.67E-01
564	SM 43:2;O2 [b]	0.07	0.04	0.11	1.79E-05	3.19E-05	0.10	0.06	0.13	1.64E-07	5.70E-07	0.09	0.06	0.11	1.68E-11	4.21E-11	1.41	2.35E-01	3.50E-01
565	SM 43:2;O2 [c]	-0.11	-0.14	-0.08	2.19E-10	5.77E-10	-0.03	-0.06	0.00	9.24E-02	1.22E-01	-0.07	-0.09	-0.05	9.95E-11	2.38E-10	13.66	2.19E-04	1.12E-03
566	SM 44:1;O2	-0.06	-0.09	-0.03	1.74E-04	2.86E-04	-0.01	-0.05	0.02	4.89E-01	5.43E-01	-0.04	-0.06	-0.02	8.36E-04	1.24E-03	4.52	3.35E-02	7.45E-02
567	SM 44:2;O2	-0.14	-0.17	-0.11	5.07E-17	1.98E-16	-0.13	-0.17	-0.09	6.15E-12	3.73E-11	-0.14	-0.16	-0.11	8.07E-29	3.89E-28	0.15	6.95E-01	7.67E-01
568	SM 44:3;O2	-0.25	-0.29	-0.22	4.80E-53	1.05E-51	-0.20	-0.24	-0.16	1.88E-25	6.30E-24	-0.23	-0.25	-0.20	9.84E-65	1.87E-63	3.40	6.52E-02	1.29E-01
569	SPB 18:1;O2	0.10	0.06	0.14	2.02E-06	3.89E-06	0.02	-0.03	0.07	3.85E-01	4.43E-01	0.07	0.04	0.10	1.59E-05	2.68E-05	6.00	1.43E-02	3.92E-02
570	SHexCer 18:1;O2/16:0;O	0.01	-0.03	0.04	6.34E-01	6.62E-01	0.01	-0.03	0.05	6.73E-01	7.11E-01	0.01	-0.02	0.04	4.57E-01	4.88E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
571	SHexCer 18:1;O2/16:0	-0.04	-0.08	0.00	3.43E-02	4.48E-02	-0.03	-0.07	0.02	2.21E-01	2.68E-01	-0.04	-0.07	-0.01	1.96E-02	2.54E-02	0.11	7.45E-01	7.84E-01
572	SHexCer 18:1;O2/24:0;O	-0.05	-0.09	-0.01	1.53E-02	2.07E-02	0.00	-0.04	0.04	8.33E-01	8.57E-01	-0.03	-0.05	0.00	8.32E-02	9.90E-02	3.00	8.32E-02	1.60E-01
573	SHexCer 18:1;O2/24:0	-0.09	-0.13	-0.05	1.96E-06	3.78E-06	-0.04	-0.08	0.00	4.35E-02	6.28E-02	-0.07	-0.09	-0.04	6.66E-06	1.16E-05	3.00	8.32E-02	1.60E-01
574	SHexCer 18:1;O2/24:1;O	-0.05	-0.09	-0.01	6.60E-03	9.31E-03	-0.09	-0.13	-0.05	7.94E-06	2.16E-05	-0.07	-0.10	-0.04	1.23E-06	2.28E-06	1.92	1.66E-01	2.67E-01
575	SHexCer 18:1;O2/24:1	-0.02	-0.05	0.02	3.43E-01	3.84E-01	-0.06	-0.10	-0.02	1.84E-03	3.46E-03	-0.04	-0.06	-0.01	5.45E-03	7.55E-03	2.18	1.40E-01	2.31E-01
576	TG 48:0 [NL-16:0]	0.01	-0.02	0.04	5.82E-01	6.16E-01	0.06	0.03	0.10	4.31E-04	8.83E-04	0.03	0.01	0.05	7.30E-03	9.91E-03	4.52	3.35E-02	7.45E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Stand ardize d coeff icient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardiz ed coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standar dized coeffic ient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)	
577	TG 48:0 [NL-18:0]	-0.02	-0.05	0.02	3.78E-01	4.20E-01	0.08	0.04	0.12	1.28E-05	3.35E-05	0.02	0.00	0.05	8.21E-02	9.80E-02	13.60	2.26E-04	1.12E-03	
578	TG 48:0	0.00	-0.04	0.03	7.94E-01	8.13E-01	0.07	0.03	0.10	3.09E-04	6.45E-04	0.04	0.01	0.06	5.57E-03	7.62E-03	7.68	5.57E-03	1.73E-02	
579	TG 48:1 [NL-16:1]	0.00	-0.03	0.03	8.48E-01	8.61E-01	0.08	0.05	0.11	6.63E-06	1.83E-05	0.04	0.02	0.06	2.19E-04	3.37E-04	13.66	2.19E-04	1.12E-03	
580	TG 48:1 [NL-18:1]	0.00	-0.03	0.03	9.55E-01	9.59E-01	0.09	0.06	0.12	7.24E-08	2.65E-07	0.05	0.02	0.07	3.21E-05	5.34E-05	17.29	3.21E-05	2.26E-04	
581	TG 48:1	0.01	-0.03	0.04	7.21E-01	7.48E-01	0.09	0.06	0.12	1.48E-07	5.23E-07	0.06	0.03	0.08	1.37E-06	2.53E-06	11.57	6.70E-04	2.82E-03	
582	TG 48:2 [NL-14:0]	-0.05	-0.08	-0.02	3.64E-04	5.81E-04	0.07	0.04	0.10	2.23E-05	5.67E-05	0.01	-0.01	0.03	3.56E-01	3.89E-01	30.73	2.96E-08	5.20E-07	
583	TG 48:2 [NL-14:1]	0.02	-0.01	0.05	2.48E-01	2.85E-01	0.10	0.07	0.13	5.13E-09	2.16E-08	0.06	0.04	0.08	2.96E-08	6.10E-08	13.66	2.19E-04	1.12E-03	
584	TG 48:2 [NL-16:1]	0.00	-0.03	0.02	7.40E-01	7.66E-01	0.08	0.04	0.11	7.38E-06	2.02E-05	0.03	0.01	0.05	9.22E-03	1.24E-02	13.29	2.67E-04	1.31E-03	
585	TG 48:2 [NL-18:2]	-0.07	-0.10	-0.04	2.75E-06	5.25E-06	0.05	0.02	0.08	7.04E-04	1.38E-03	-0.01	-0.03	0.01	3.56E-01	3.89E-01	30.73	2.96E-08	5.20E-07	
586	TG 48:2	-0.03	-0.06	0.00	2.66E-02	3.51E-02	0.08	0.05	0.11	1.13E-06	3.53E-06	0.03	0.00	0.05	2.09E-02	2.68E-02	25.82	3.74E-07	4.69E-06	
587	TG 48:3 [NL-14:0]	-0.10	-0.13	-0.07	3.06E-13	9.73E-13	0.04	0.01	0.07	1.73E-02	2.70E-02	-0.03	-0.05	-0.01	5.57E-03	7.62E-03	41.83	9.95E-11	4.12E-09	
588	TG 48:3 [NL-16:1]	-0.09	-0.12	-0.07	4.17E-11	1.16E-10	0.05	0.02	0.08	2.18E-03	4.00E-03	-0.03	-0.05	-0.01	8.71E-04	1.29E-03	49.37	2.12E-12	2.12E-10	
589	TG 48:3 [NL-18:3]	-0.07	-0.10	-0.05	4.65E-07	9.54E-07	0.04	0.01	0.08	6.33E-03	1.07E-02	-0.03	-0.05	-0.01	1.56E-03	2.23E-03	25.13	5.37E-07	6.29E-06	
590	TG 48:3	-0.10	-0.12	-0.07	1.01E-11	2.96E-11	0.05	0.02	0.08	1.78E-03	3.35E-03	-0.04	-0.06	-0.02	8.44E-05	1.35E-04	56.68	5.13E-14	1.80E-11	
591	TG 49:1 [NL-16:1]	0.11	0.07	0.14	1.84E-10	4.87E-10	0.14	0.10	0.17	2.41E-14	1.77E-13	0.13	0.10	0.15	4.18E-23	1.67E-22	1.41	2.35E-01	3.50E-01	
592	TG 49:1 [NL-17:1]	0.09	0.06	0.12	7.27E-09	1.72E-08	0.12	0.09	0.15	1.91E-12	1.20E-11	0.11	0.08	0.13	2.97E-22	1.14E-21	1.92	1.66E-01	2.67E-01	
593	TG 49:1	0.10	0.07	0.14	3.33E-10	8.70E-10	0.15	0.11	0.18	5.47E-18	6.21E-17	0.13	0.10	0.15	4.18E-23	1.67E-22	3.92	4.77E-02	9.98E-02	
594	TG 50:0 [NL-18:0]	0.03	0.00	0.06	8.25E-02	1.03E-01	0.06	0.03	0.10	4.51E-04	9.19E-04	0.04	0.02	0.07	2.38E-04	3.65E-04	1.63	2.02E-01	3.09E-01	
595	TG 50:0	0.02	-0.01	0.05	2.50E-01	2.87E-01	0.06	0.03	0.10	5.23E-04	1.05E-03	0.04	0.01	0.06	1.48E-03	2.14E-03	2.89	8.90E-02	1.65E-01	
596	TG 50:1 [NL-14:0]	0.04	0.00	0.07	3.43E-02	4.48E-02	0.10	0.06	0.13	1.58E-08	6.15E-08	0.07	0.05	0.09	2.96E-08	6.10E-08	5.64	1.75E-02	4.51E-02	
597	TG 50:1 [NL-16:0]	0.06	0.03	0.09	1.79E-04	2.94E-04	0.07	0.04	0.10	1.20E-05	3.18E-05	0.07	0.04	0.09	1.91E-09	4.33E-09	0.21	6.44E-01	7.56E-01	
598	TG 50:1 [NL-18:1]	0.05	0.02	0.08	5.95E-04	9.34E-04	0.07	0.04	0.10	4.51E-06	1.27E-05	0.06	0.04	0.08	2.96E-08	6.10E-08	0.85	3.56E-01	4.71E-01	
599	TG 50:1	0.04	0.01	0.07	8.26E-03	1.15E-02	0.07	0.04	0.11	4.08E-06	1.16E-05	0.05	0.03	0.08	5.75E-06	1.01E-05	1.63	2.02E-01	3.09E-01	
600	TG 50:2 [NL-14:0]	0.01	-0.02	0.05	4.00E-01	4.39E-01	0.07	0.04	0.10	2.50E-06	7.28E-06	0.04	0.02	0.07	1.25E-04	1.96E-04	6.51	1.07E-02	2.98E-02	

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
601	TG 50:2 [NL-16:1]	0.04	0.01	0.07	6.32E-03	8.98E-03	0.07	0.04	0.11	8.21E-06	2.23E-05	0.05	0.03	0.08	5.75E-06	1.01E-05	1.63	2.02E-01	3.09E-01
602	TG 50:2 [NL-18:1]	0.04	0.01	0.07	1.17E-02	1.61E-02	0.08	0.04	0.11	1.93E-06	5.79E-06	0.06	0.03	0.08	9.60E-07	1.81E-06	2.89	8.90E-02	1.65E-01
603	TG 50:2 [NL-18:2]	-0.02	-0.05	0.01	1.25E-01	1.51E-01	0.04	0.01	0.07	6.88E-03	1.15E-02	0.01	-0.01	0.03	3.56E-01	3.89E-01	7.68	5.57E-03	1.73E-02
604	TG 50:2	0.03	0.00	0.06	7.61E-02	9.60E-02	0.07	0.04	0.10	1.93E-06	5.79E-06	0.05	0.03	0.07	3.84E-06	6.85E-06	3.41	6.46E-02	1.29E-01
605	TG 50:3 [NL-14:0]	-0.09	-0.11	-0.06	1.63E-08	3.69E-08	0.02	-0.02	0.05	3.28E-01	3.86E-01	-0.05	-0.07	-0.03	3.57E-07	6.93E-07	25.13	5.37E-07	6.29E-06
606	TG 50:3 [NL-14:1]	0.06	0.03	0.09	1.58E-04	2.61E-04	0.07	0.04	0.10	1.70E-06	5.17E-06	0.07	0.04	0.09	1.91E-09	4.33E-09	0.21	6.44E-01	7.56E-01
607	TG 50:3 [NL-16:1]	-0.03	-0.06	-0.01	1.56E-02	2.11E-02	0.04	0.01	0.07	1.02E-02	1.67E-02	0.00	-0.02	0.02	8.94E-01	9.09E-01	12.34	4.43E-04	1.98E-03
608	TG 50:3 [NL-18:2]	-0.07	-0.09	-0.04	7.18E-07	1.44E-06	0.03	0.00	0.06	6.21E-02	8.56E-02	-0.03	-0.05	-0.01	3.06E-03	4.28E-03	25.19	5.19E-07	6.29E-06
609	TG 50:3 [NL-18:3]	-0.01	-0.04	0.02	5.83E-01	6.16E-01	0.04	0.01	0.07	1.17E-02	1.88E-02	0.02	-0.01	0.04	1.66E-01	1.89E-01	5.34	2.09E-02	5.26E-02
610	TG 50:3	-0.07	-0.09	-0.04	1.55E-06	3.03E-06	0.03	0.01	0.06	1.87E-02	2.88E-02	-0.02	-0.04	0.00	2.66E-02	3.37E-02	30.73	2.96E-08	5.20E-07
611	TG 50:4 [NL-14:0]	-0.15	-0.18	-0.12	5.05E-24	2.69E-23	-0.02	-0.05	0.01	2.06E-01	2.51E-01	-0.09	-0.11	-0.06	4.04E-15	1.20E-14	36.07	1.91E-09	5.15E-08
612	TG 50:4 [NL-18:3]	-0.09	-0.12	-0.06	1.21E-11	3.53E-11	0.02	-0.01	0.05	2.25E-01	2.73E-01	-0.04	-0.06	-0.01	1.22E-03	1.79E-03	25.82	3.74E-07	4.69E-06
613	TG 50:4 [NL-20:4]	-0.09	-0.12	-0.06	1.89E-08	4.25E-08	0.03	0.00	0.07	4.19E-02	6.06E-02	-0.04	-0.06	-0.02	7.49E-04	1.11E-03	26.03	3.36E-07	4.54E-06
614	TG 50:4	-0.12	-0.15	-0.10	6.48E-20	2.96E-19	0.00	-0.03	0.03	9.52E-01	9.60E-01	-0.07	-0.09	-0.05	4.92E-13	1.37E-12	36.27	1.71E-09	5.02E-08
615	TG 51:0 [NL-16:0]	0.11	0.08	0.14	5.20E-14	1.72E-13	0.12	0.09	0.15	7.89E-13	5.04E-12	0.12	0.09	0.14	2.27E-26	1.04E-25	0.21	6.44E-01	7.56E-01
616	TG 51:1 [NL-17:0]	0.17	0.14	0.20	1.29E-33	1.17E-32	0.14	0.11	0.17	1.06E-19	1.55E-18	0.16	0.13	0.18	1.61E-46	1.45E-45	1.92	1.66E-01	2.67E-01
617	TG 51:1	0.16	0.13	0.19	1.65E-28	1.09E-27	0.14	0.11	0.17	1.37E-20	2.47E-19	0.15	0.13	0.17	1.12E-43	9.03E-43	0.85	3.56E-01	4.71E-01
618	TG 51:2 [NL-15:0]	0.11	0.08	0.14	1.51E-11	4.37E-11	0.10	0.07	0.13	1.98E-11	1.14E-10	0.11	0.08	0.13	2.97E-22	1.14E-21	0.21	6.44E-01	7.56E-01
619	TG 51:2 [NL-17:1]	0.13	0.10	0.16	2.73E-20	1.28E-19	0.12	0.09	0.15	7.26E-15	5.55E-14	0.13	0.10	0.15	7.43E-31	3.90E-30	0.21	6.44E-01	7.56E-01
620	TG 51:2	0.10	0.07	0.13	1.74E-11	5.02E-11	0.12	0.09	0.15	2.86E-16	2.51E-15	0.11	0.09	0.13	2.89E-24	1.24E-23	0.85	3.56E-01	4.71E-01
621	TG 52:1 [NL-18:0]	0.07	0.05	0.10	3.70E-08	8.16E-08	0.06	0.03	0.09	7.21E-05	1.69E-04	0.07	0.05	0.09	1.75E-11	4.36E-11	0.25	6.16E-01	7.31E-01
622	TG 52:1 [NL-18:1]	0.06	0.03	0.09	6.76E-05	1.15E-04	0.07	0.04	0.10	1.27E-05	3.35E-05	0.07	0.04	0.09	1.91E-09	4.33E-09	0.21	6.44E-01	7.56E-01
623	TG 52:1	0.08	0.05	0.10	2.36E-08	5.26E-08	0.06	0.03	0.09	3.50E-05	8.67E-05	0.07	0.05	0.09	2.34E-13	6.69E-13	1.01	3.15E-01	4.27E-01
624	TG 52:2 [NL-16:0]	0.06	0.03	0.09	2.75E-04	4.43E-04	0.03	0.01	0.06	1.23E-02	1.96E-02	0.04	0.02	0.06	1.59E-05	2.68E-05	2.27	1.32E-01	2.28E-01

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
625	TG 52:2 [NL-18:2]	-0.02	-0.05	0.01	2.08E-01	2.43E-01	0.04	0.01	0.07	1.94E-02	2.98E-02	0.01	-0.01	0.03	3.56E-01	3.89E-01	7.68	5.57E-03	1.73E-02
626	TG 52:2	0.05	0.02	0.08	8.14E-04	1.25E-03	0.05	0.02	0.07	6.04E-04	1.20E-03	0.05	0.03	0.07	3.35E-07	6.54E-07	0.00	1.00E+00	1.00E+00
627	TG 52:3 [NL-16:1]	0.02	-0.02	0.05	3.63E-01	4.03E-01	0.01	-0.02	0.05	4.54E-01	5.10E-01	0.02	-0.01	0.04	2.35E-01	2.64E-01	0.16	6.92E-01	7.67E-01
628	TG 52:3 [NL-18:2]	-0.08	-0.11	-0.05	5.71E-07	1.16E-06	-0.01	-0.04	0.01	2.86E-01	3.40E-01	-0.04	-0.06	-0.02	7.87E-05	1.27E-04	12.34	4.43E-04	1.98E-03
629	TG 52:3	-0.06	-0.09	-0.02	7.96E-04	1.23E-03	0.00	-0.03	0.03	9.69E-01	9.75E-01	-0.03	-0.05	0.00	2.88E-02	3.62E-02	6.51	1.07E-02	2.98E-02
630	TG 52:4 [NL-16:1]	-0.10	-0.13	-0.07	1.09E-09	2.76E-09	-0.05	-0.08	-0.01	4.32E-03	7.61E-03	-0.08	-0.10	-0.06	1.18E-11	3.00E-11	4.52	3.35E-02	7.45E-02
631	TG 52:4 [NL-18:2]	-0.12	-0.16	-0.09	2.77E-14	9.37E-14	-0.06	-0.10	-0.03	1.63E-04	3.55E-04	-0.09	-0.11	-0.07	1.02E-12	2.75E-12	5.64	1.75E-02	4.51E-02
632	TG 52:4 [NL-18:3]	-0.03	-0.06	0.00	3.24E-02	4.24E-02	-0.01	-0.03	0.02	6.36E-01	6.80E-01	-0.02	-0.04	0.00	6.33E-02	7.63E-02	1.01	3.15E-01	4.27E-01
633	TG 52:4	-0.11	-0.14	-0.08	2.09E-12	6.28E-12	-0.04	-0.07	-0.01	6.60E-03	1.11E-02	-0.08	-0.10	-0.05	4.22E-12	1.10E-11	10.46	1.22E-03	4.88E-03
634	TG 52:5 [NL-18:3]	-0.14	-0.17	-0.11	3.29E-22	1.60E-21	-0.06	-0.09	-0.03	1.21E-04	2.74E-04	-0.10	-0.12	-0.08	2.48E-20	8.79E-20	13.66	2.19E-04	1.12E-03
635	TG 52:5 [NL-20:4]	-0.09	-0.11	-0.06	6.69E-09	1.59E-08	0.02	-0.02	0.05	3.53E-01	4.11E-01	-0.05	-0.07	-0.03	3.57E-07	6.93E-07	25.13	5.37E-07	6.29E-06
636	TG 52:5 [NL-20:5]	-0.13	-0.16	-0.10	3.11E-18	1.28E-17	-0.07	-0.10	-0.03	9.55E-05	2.20E-04	-0.10	-0.13	-0.08	2.26E-19	7.69E-19	6.51	1.07E-02	2.98E-02
637	TG 52:5	-0.15	-0.18	-0.12	3.12E-25	1.74E-24	-0.06	-0.09	-0.03	1.06E-04	2.43E-04	-0.11	-0.13	-0.08	2.97E-22	1.14E-21	17.29	3.21E-05	2.26E-04
638	TG 53:2 [NL-17:1]	0.15	0.13	0.18	4.30E-30	3.18E-29	0.11	0.08	0.14	7.77E-14	5.36E-13	0.13	0.11	0.15	2.48E-42	1.96E-41	4.03	4.47E-02	9.64E-02
639	TG 53:2 [NL-18:1]	0.18	0.15	0.21	1.15E-35	1.15E-34	0.11	0.08	0.14	4.22E-14	3.03E-13	0.15	0.12	0.17	6.27E-41	4.79E-40	10.46	1.22E-03	4.88E-03
640	TG 53:2	0.16	0.13	0.19	5.33E-29	3.57E-28	0.11	0.08	0.14	7.22E-15	5.55E-14	0.14	0.11	0.16	1.04E-35	6.43E-35	5.34	2.09E-02	5.26E-02
641	TG 54:0 [NL-18:0]	0.13	0.10	0.16	2.02E-15	7.05E-15	0.09	0.06	0.13	5.34E-08	1.99E-07	0.11	0.09	0.14	2.28E-22	8.89E-22	2.89	8.90E-02	1.65E-01
642	TG 54:0	0.09	0.06	0.12	7.58E-09	1.79E-08	0.08	0.04	0.11	5.21E-06	1.46E-05	0.09	0.06	0.11	1.58E-13	4.54E-13	0.18	6.71E-01	7.67E-01
643	TG 54:1 [NL-18:1]	0.12	0.09	0.15	1.50E-18	6.26E-18	0.08	0.05	0.11	3.17E-07	1.04E-06	0.10	0.08	0.12	2.48E-20	8.79E-20	3.41	6.46E-02	1.29E-01
644	TG 54:1	0.10	0.07	0.12	1.53E-12	4.65E-12	0.07	0.04	0.10	1.21E-06	3.72E-06	0.09	0.07	0.11	3.53E-19	1.18E-18	2.27	1.32E-01	2.28E-01
645	TG 54:2 [NL-18:0]	0.12	0.10	0.15	1.45E-21	6.94E-21	0.04	0.01	0.07	2.60E-03	4.72E-03	0.09	0.07	0.11	5.56E-19	1.84E-18	16.12	5.94E-05	3.57E-04
646	TG 54:2 [NL-20:1]	-0.01	-0.04	0.01	3.06E-01	3.47E-01	0.03	0.00	0.05	6.29E-02	8.64E-02	0.01	-0.01	0.03	2.68E-01	2.97E-01	4.92	2.66E-02	6.15E-02
647	TG 54:2	0.09	0.07	0.12	4.12E-13	1.29E-12	0.04	0.01	0.06	3.61E-03	6.48E-03	0.07	0.05	0.08	5.73E-13	1.59E-12	7.68	5.57E-03	1.73E-02
648	TG 54:3 [NL-18:1]	0.04	0.01	0.08	1.82E-02	2.44E-02	-0.02	-0.05	0.01	1.86E-01	2.28E-01	0.01	-0.02	0.03	6.41E-01	6.69E-01	6.51	1.07E-02	2.98E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
649	TG 54:3 [NL-18:2]	-0.04	-0.07	-0.01	1.72E-02	2.31E-02	-0.02	-0.04	0.01	2.38E-01	2.86E-01	-0.03	-0.05	-0.01	4.01E-03	5.58E-03	1.01	3.15E-01	4.27E-01
650	TG 54:3	-0.02	-0.05	0.02	3.09E-01	3.48E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.39E-01	1.76E-01	-0.02	-0.04	0.00	8.53E-02	1.01E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
651	TG 54:4 [NL-18:2]	-0.08	-0.12	-0.05	7.41E-06	1.36E-05	-0.06	-0.09	-0.03	2.72E-04	5.75E-04	-0.07	-0.09	-0.05	3.82E-09	8.47E-09	0.72	3.95E-01	5.14E-01
652	TG 54:4 [NL-20:3]	-0.06	-0.09	-0.03	1.66E-04	2.74E-04	0.02	-0.01	0.05	1.77E-01	2.19E-01	-0.02	-0.04	0.00	6.46E-02	7.76E-02	13.66	2.19E-04	1.12E-03
653	TG 54:4	-0.09	-0.12	-0.05	1.68E-06	3.28E-06	-0.05	-0.08	-0.02	8.75E-04	1.70E-03	-0.07	-0.09	-0.04	8.40E-09	1.82E-08	2.89	8.90E-02	1.65E-01
654	TG 54:5 [NL-18:3]	-0.06	-0.09	-0.02	7.31E-04	1.14E-03	-0.07	-0.10	-0.04	3.91E-05	9.52E-05	-0.07	-0.09	-0.04	1.52E-08	3.23E-08	0.18	6.71E-01	7.67E-01
655	TG 54:5 [NL-20:4]	-0.08	-0.11	-0.05	1.30E-06	2.57E-06	-0.03	-0.06	0.00	9.85E-02	1.29E-01	-0.06	-0.08	-0.03	3.74E-07	7.24E-07	5.34	2.09E-02	5.26E-02
656	TG 54:5	-0.14	-0.17	-0.11	7.46E-17	2.87E-16	-0.08	-0.11	-0.05	2.62E-07	8.67E-07	-0.11	-0.13	-0.09	2.89E-24	1.24E-23	7.68	5.57E-03	1.73E-02
657	TG 54:6 [NL-18:3]	-0.17	-0.20	-0.13	2.54E-22	1.25E-21	-0.11	-0.15	-0.08	5.97E-10	2.74E-09	-0.14	-0.16	-0.12	1.44E-28	6.81E-28	5.64	1.75E-02	4.51E-02
658	TG 54:6 [NL-20:4]	-0.14	-0.17	-0.11	3.23E-19	1.43E-18	-0.06	-0.09	-0.03	3.48E-04	7.22E-04	-0.10	-0.12	-0.08	2.48E-20	8.79E-20	13.66	2.19E-04	1.12E-03
659	TG 54:6 [NL-20:5]	-0.17	-0.20	-0.14	2.13E-26	1.25E-25	-0.12	-0.16	-0.09	2.97E-11	1.64E-10	-0.15	-0.17	-0.13	1.52E-37	1.03E-36	4.52	3.35E-02	7.45E-02
660	TG 54:6 [NL-22:6]	-0.18	-0.21	-0.14	8.12E-26	4.60E-25	-0.10	-0.13	-0.06	2.73E-07	8.95E-07	-0.14	-0.16	-0.12	1.44E-28	6.81E-28	10.04	1.54E-03	5.96E-03
661	TG 54:6	-0.21	-0.24	-0.18	3.66E-39	4.28E-38	-0.12	-0.15	-0.09	9.12E-14	6.23E-13	-0.17	-0.19	-0.14	1.77E-52	1.95E-51	17.29	3.21E-05	2.26E-04
662	TG 54:7 [NL-20:5]	-0.25	-0.28	-0.22	2.91E-57	7.06E-56	-0.15	-0.19	-0.12	7.69E-17	7.62E-16	-0.21	-0.23	-0.18	2.10E-71	5.27E-70	18.08	2.12E-05	1.67E-04
663	TG 54:7 [NL-22:6]	-0.25	-0.29	-0.22	6.02E-55	1.36E-53	-0.12	-0.16	-0.09	7.94E-11	3.98E-10	-0.19	-0.21	-0.16	1.32E-48	1.24E-47	26.50	2.64E-07	3.86E-06
664	TG 54:7	-0.27	-0.30	-0.24	4.46E-68	2.09E-66	-0.14	-0.17	-0.11	2.74E-17	2.80E-16	-0.21	-0.23	-0.18	5.24E-80	1.60E-78	36.07	1.91E-09	5.15E-08
665	TG 56:6 [NL-20:4]	-0.10	-0.14	-0.06	8.72E-07	1.74E-06	-0.09	-0.12	-0.05	4.54E-06	1.28E-05	-0.09	-0.12	-0.07	2.22E-12	5.90E-12	0.14	7.12E-01	7.67E-01
666	TG 56:6 [NL-22:5]	-0.11	-0.14	-0.08	6.60E-11	1.82E-10	-0.05	-0.09	-0.02	1.17E-03	2.22E-03	-0.08	-0.11	-0.06	3.37E-13	9.48E-13	6.51	1.07E-02	2.98E-02
667	TG 56:7 [NL-20:4]	-0.15	-0.19	-0.12	8.67E-17	3.28E-16	-0.10	-0.13	-0.06	2.04E-07	7.04E-07	-0.13	-0.15	-0.10	4.18E-23	1.67E-22	3.92	4.77E-02	9.98E-02
668	TG 56:7 [NL-20:5]	-0.21	-0.24	-0.17	2.87E-30	2.17E-29	-0.17	-0.21	-0.14	4.13E-18	4.76E-17	-0.19	-0.21	-0.17	3.60E-51	3.67E-50	2.51	1.13E-01	1.99E-01
669	TG 56:7 [NL-22:5]	-0.19	-0.22	-0.15	3.55E-30	2.66E-29	-0.10	-0.14	-0.07	2.90E-09	1.24E-08	-0.15	-0.17	-0.12	1.60E-30	8.03E-30	12.70	3.65E-04	1.70E-03
670	TG 56:7 [NL-22:6]	-0.23	-0.27	-0.20	6.53E-40	7.92E-39	-0.17	-0.21	-0.13	8.18E-18	8.85E-17	-0.20	-0.23	-0.18	4.91E-52	5.23E-51	4.90	2.69E-02	6.15E-02
671	TG 56:7	-0.27	-0.30	-0.23	2.17E-55	5.08E-54	-0.16	-0.20	-0.13	5.40E-20	8.08E-19	-0.22	-0.24	-0.19	5.17E-65	1.01E-63	18.97	1.33E-05	1.12E-04
672	TG 56:8 [NL-20:4]	-0.20	-0.24	-0.17	3.73E-31	2.92E-30	-0.11	-0.14	-0.07	6.11E-09	2.53E-08	-0.16	-0.18	-0.13	1.23E-34	7.44E-34	12.70	3.65E-04	1.70E-03

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
673	TG 56:8 [NL-20:5]	-0.29	-0.32	-0.26	3.15E-62	1.11E-60	-0.20	-0.24	-0.16	1.17E-23	3.06E-22	-0.26	-0.28	-0.23	2.99E-98	7.00E-96	12.45	4.19E-04	1.91E-03
674	TG 56:8 [NL-22:6]	-0.30	-0.34	-0.27	1.36E-69	7.38E-68	-0.21	-0.25	-0.17	1.12E-25	3.93E-24	-0.26	-0.29	-0.23	5.30E-84	1.86E-82	11.01	9.04E-04	3.72E-03
675	TG 56:8	-0.31	-0.34	-0.27	6.50E-73	5.07E-71	-0.19	-0.23	-0.16	3.50E-25	1.07E-23	-0.25	-0.27	-0.23	3.04E-87	1.42E-85	22.58	2.02E-06	2.05E-05
676	TG 56:9 [NL-22:6]	-0.33	-0.37	-0.30	7.00E-84	2.46E-81	-0.22	-0.26	-0.18	2.83E-27	1.17E-25	-0.28	-0.31	-0.26	5.74E-98	1.01E-95	16.45	4.98E-05	3.05E-04
677	TG 56:9	-0.31	-0.34	-0.28	1.12E-72	7.87E-71	-0.19	-0.22	-0.15	1.62E-23	3.93E-22	-0.26	-0.28	-0.24	3.54E-110	1.24E-107	26.03	3.36E-07	4.54E-06
678	TG 58:10 [NL-22:6]	-0.35	-0.39	-0.31	1.55E-83	3.64E-81	-0.25	-0.29	-0.21	3.75E-33	1.01E-30	-0.30	-0.33	-0.27	5.45E-96	4.26E-94	12.01	5.31E-04	2.35E-03
679	TG 58:10	-0.32	-0.36	-0.28	1.34E-69	7.38E-68	-0.23	-0.27	-0.19	1.44E-27	6.32E-26	-0.28	-0.30	-0.25	5.80E-81	1.85E-79	9.72	1.82E-03	6.87E-03
680	TG 58:8 [NL-22:6]	-0.29	-0.33	-0.25	3.87E-51	7.55E-50	-0.24	-0.28	-0.20	2.14E-29	1.67E-27	-0.27	-0.29	-0.24	2.57E-75	7.23E-74	3.00	8.32E-02	1.60E-01
681	TG 58:8	-0.30	-0.34	-0.27	2.74E-58	7.41E-57	-0.22	-0.26	-0.18	6.32E-28	2.96E-26	-0.27	-0.29	-0.24	9.40E-87	4.13E-85	8.70	3.18E-03	1.10E-02
682	TG 58:9 [NL-22:6]	-0.34	-0.38	-0.30	8.96E-74	7.87E-72	-0.26	-0.30	-0.22	6.13E-34	4.31E-31	-0.30	-0.33	-0.27	5.45E-96	4.26E-94	7.68	5.57E-03	1.73E-02
683	TG 58:9	-0.32	-0.36	-0.29	1.55E-69	7.79E-68	-0.23	-0.27	-0.19	3.74E-30	4.38E-28	-0.28	-0.31	-0.25	4.57E-97	6.43E-95	11.01	9.04E-04	3.72E-03
684	TG O-50:1 [NL-15:0]	0.11	0.07	0.14	1.09E-09	2.76E-09	0.10	0.06	0.13	2.08E-07	7.11E-07	0.11	0.08	0.13	9.13E-17	2.80E-16	0.16	6.92E-01	7.67E-01
685	TG O-50:1 [NL-16:0]	0.10	0.07	0.13	2.61E-09	6.34E-09	0.10	0.06	0.13	1.43E-07	5.08E-07	0.10	0.08	0.12	7.64E-18	2.42E-17	0.00	1.00E+00	1.00E+00
686	TG O-50:1 [NL-17:1]	0.09	0.06	0.13	7.07E-07	1.42E-06	0.09	0.05	0.12	5.14E-07	1.66E-06	0.09	0.07	0.11	1.02E-12	2.75E-12	0.00	1.00E+00	1.00E+00
687	TG O-50:1 [NL-18:1]	0.12	0.08	0.15	2.45E-11	6.97E-11	0.08	0.04	0.11	3.73E-05	9.16E-05	0.10	0.08	0.12	2.38E-15	7.10E-15	2.51	1.13E-01	1.99E-01
688	TG O-50:2 [NL-16:1]	0.03	-0.01	0.07	1.15E-01	1.40E-01	0.04	0.00	0.08	4.01E-02	5.84E-02	0.04	0.01	0.06	1.53E-02	2.01E-02	0.12	7.29E-01	7.75E-01
689	TG O-50:2 [NL-18:1]	0.11	0.07	0.14	9.70E-08	2.09E-07	0.04	0.00	0.08	5.36E-02	7.51E-02	0.08	0.05	0.11	3.09E-09	6.88E-09	6.66	9.84E-03	2.85E-02
690	TG O-50:2 [NL-18:2]	0.03	0.00	0.07	7.88E-02	9.92E-02	0.06	0.02	0.10	2.10E-03	3.87E-03	0.04	0.02	0.07	1.37E-03	1.99E-03	1.22	2.69E-01	3.84E-01
691	TG O-50:3 [NL-18:2]	-0.04	-0.08	0.00	6.94E-02	8.82E-02	0.00	-0.04	0.04	9.14E-01	9.25E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.66E-01	1.89E-01	1.92	1.66E-01	2.67E-01
692	TG O-52:0 [NL-16:0]	0.18	0.15	0.21	2.06E-28	1.34E-27	0.14	0.11	0.18	1.41E-15	1.19E-14	0.16	0.14	0.19	1.01E-44	8.52E-44	2.89	8.90E-02	1.65E-01
693	TG O-52:1 [NL-16:0]	0.17	0.13	0.20	5.58E-25	3.06E-24	0.12	0.09	0.16	1.94E-12	1.21E-11	0.15	0.12	0.17	1.60E-30	8.03E-30	3.92	4.77E-02	9.98E-02
694	TG O-52:1 [NL-18:1]	0.20	0.16	0.23	2.40E-32	2.05E-31	0.12	0.08	0.15	5.96E-11	3.12E-10	0.16	0.14	0.18	8.52E-37	5.55E-36	10.04	1.54E-03	5.96E-03
695	TG O-52:2 [NL-16:0]	0.03	0.00	0.07	4.45E-02	5.74E-02	0.04	0.00	0.07	4.70E-02	6.65E-02	0.04	0.01	0.06	5.57E-03	7.62E-03	0.16	6.92E-01	7.67E-01
696	TG O-52:2 [NL-17:1]	0.11	0.08	0.15	1.02E-10	2.78E-10	0.04	0.01	0.07	2.25E-02	3.40E-02	0.07	0.05	0.09	2.06E-09	4.67E-09	8.86	2.92E-03	1.06E-02

Supplementary Table 7: Association of the Western dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q value	p-value (Q)	p-value (Q) (BH)
697	TG O-52:2 [NL-18:1]	0.12	0.08	0.15	1.88E-11	5.40E-11	0.05	0.01	0.08	1.14E-02	1.84E-02	0.09	0.06	0.11	1.68E-11	4.21E-11	7.68	5.57E-03	1.73E-02
698	TG O-54:2 [NL-18:1]	0.20	0.17	0.24	3.55E-31	2.81E-30	0.09	0.05	0.12	6.52E-07	2.08E-06	0.15	0.12	0.17	1.60E-30	8.03E-30	18.97	1.33E-05	1.12E-04
699	TG O-54:3 [NL-17:1]	0.10	0.07	0.14	3.03E-08	6.73E-08	0.08	0.04	0.11	3.80E-05	9.32E-05	0.09	0.07	0.11	1.02E-12	2.75E-12	0.63	4.28E-01	5.51E-01
700	TG O-54:3 [NL-18:1]	0.10	0.07	0.14	4.11E-08	9.03E-08	0.01	-0.03	0.04	6.74E-01	7.12E-01	0.06	0.03	0.08	1.33E-05	2.26E-05	12.70	3.65E-04	1.70E-03
701	TG O-54:4 [NL-17:1]	0.02	-0.02	0.06	3.81E-01	4.21E-01	0.04	0.00	0.07	4.87E-02	6.87E-02	0.03	0.00	0.06	1.97E-02	2.55E-02	0.54	4.61E-01	5.75E-01
702	TG O-54:4 [NL-18:2]	0.03	-0.01	0.07	1.58E-01	1.89E-01	-0.02	-0.06	0.02	3.03E-01	3.58E-01	0.01	-0.02	0.03	7.29E-01	7.46E-01	3.00	8.32E-02	1.60E-01
703	Ubiquinone	0.08	0.04	0.11	3.87E-06	7.30E-06	0.03	-0.01	0.06	1.10E-01	1.43E-01	0.06	0.03	0.08	1.33E-05	2.26E-05	3.92	4.77E-02	9.98E-02

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH	
1	SPB 18:1;O2	-0.04	-0.06	-0.02	7.90E-04	1.33E-03	0.04	0.00	0.09	4.73E-02	1.02E-01	-0.03	-0.05	-0.01	4.05E-03	6.51E-03	10.14	1.45E-03	6.34E-03	
2	SPBP 16:1;O2	-0.05	-0.07	-0.03	3.21E-05	6.59E-05	0.04	0.00	0.08	3.29E-02	7.59E-02	-0.03	-0.05	-0.01	4.55E-04	8.30E-04	15.56	8.00E-05	5.26E-04	
3	SPBP 18:0;O2	0.00	-0.03	0.02	7.24E-01	7.54E-01	0.06	0.02	0.10	1.37E-03	6.22E-03	0.02	0.00	0.04	1.19E-01	1.49E-01	6.22	1.27E-02	3.72E-02	
4	SPBP 18:1;O2	-0.03	-0.05	0.00	3.29E-02	4.59E-02	0.06	0.03	0.10	9.27E-04	4.56E-03	0.00	-0.02	0.02	9.69E-01	9.80E-01	16.82	4.11E-05	3.07E-04	
5	SPBP 18:2;O2	0.00	-0.02	0.02	9.27E-01	9.32E-01	0.10	0.06	0.13	1.13E-07	2.66E-06	0.02	0.01	0.04	5.46E-03	8.63E-03	23.64	1.16E-06	1.86E-05	
6	Cer 18:0;O2/16:0	-0.01	-0.03	0.02	5.19E-01	5.63E-01	-0.06	-0.10	-0.02	1.57E-03	6.73E-03	-0.02	-0.05	0.00	2.62E-02	3.69E-02	4.32	3.77E-02	8.67E-02	
7	Cer 18:0;O2/18:0	-0.03	-0.05	-0.01	1.38E-02	2.01E-02	-0.03	-0.07	0.01	1.00E-01	1.86E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.01E-03	1.75E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
8	Cer 18:0;O2/20:0	-0.02	-0.04	0.00	8.49E-02	1.11E-01	-0.05	-0.09	-0.01	1.17E-02	3.30E-02	-0.03	-0.04	-0.01	4.39E-03	7.00E-03	1.73	1.89E-01	2.88E-01	
9	Cer 18:0;O2/22:0	-0.01	-0.03	0.01	2.91E-01	3.38E-01	-0.05	-0.08	-0.01	9.26E-03	2.81E-02	-0.02	-0.04	0.00	2.51E-02	3.56E-02	3.78	5.18E-02	1.06E-01	
10	Cer 18:0;O2/24:0	0.03	0.01	0.04	8.27E-03	1.24E-02	-0.02	-0.05	0.02	2.67E-01	4.08E-01	0.02	0.01	0.04	1.57E-03	2.66E-03	6.62	1.01E-02	3.06E-02	
11	Cer 18:0;O2/24:1	0.02	0.00	0.04	5.98E-02	7.99E-02	-0.06	-0.10	-0.02	1.27E-03	5.88E-03	0.00	-0.01	0.02	6.61E-01	6.92E-01	12.29	4.55E-04	2.25E-03	
12	Cer 16:1;O2/16:0	-0.03	-0.05	-0.01	8.10E-04	1.36E-03	0.03	0.00	0.07	7.87E-02	1.53E-01	-0.02	-0.03	0.00	8.56E-02	1.10E-01	8.51	3.53E-03	1.25E-02	
13	Cer 16:1;O2/18:0	-0.04	-0.06	-0.02	6.96E-06	1.54E-05	0.00	-0.03	0.04	8.01E-01	8.74E-01	-0.03	-0.05	-0.01	6.65E-04	1.19E-03	3.78	5.18E-02	1.06E-01	
14	Cer 16:1;O2/20:0	-0.03	-0.05	-0.01	6.15E-04	1.04E-03	0.00	-0.04	0.04	9.80E-01	9.88E-01	-0.02	-0.04	-0.01	8.55E-03	1.32E-02	1.73	1.89E-01	2.88E-01	
15	Cer 16:1;O2/22:0	-0.02	-0.04	0.00	7.74E-02	1.02E-01	0.01	-0.03	0.05	5.76E-01	6.95E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.25E-01	1.55E-01	1.73	1.89E-01	2.88E-01	
16	Cer 16:1;O2/23:0	-0.02	-0.04	0.00	2.71E-02	3.83E-02	0.02	-0.02	0.06	3.36E-01	4.82E-01	-0.01	-0.03	0.01	1.89E-01	2.23E-01	3.07	7.96E-02	1.49E-01	
17	Cer 16:1;O2/24:0	0.01	-0.01	0.03	1.47E-01	1.81E-01	0.04	0.00	0.07	6.10E-02	1.23E-01	0.02	0.00	0.03	4.97E-02	6.62E-02	2.13	1.45E-01	2.38E-01	
18	Cer 16:1;O2/24:1	-0.03	-0.05	-0.01	3.55E-03	5.53E-03	0.01	-0.03	0.05	6.14E-01	7.30E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.36E-02	3.07	7.96E-02	1.49E-01	
19	Cer 17:1;O2/16:0	-0.05	-0.07	-0.02	2.46E-05	5.10E-05	0.06	0.02	0.10	1.90E-03	7.75E-03	-0.02	-0.04	0.00	7.74E-02	1.01E-01	20.89	4.86E-06	5.79E-05	
20	Cer 17:1;O2/18:0	-0.06	-0.08	-0.04	8.73E-09	2.67E-08	0.04	0.00	0.08	3.43E-02	7.80E-02	-0.04	-0.06	-0.02	1.17E-05	2.54E-05	19.21	1.17E-05	1.02E-04	
21	Cer 17:1;O2/20:0	-0.06	-0.09	-0.04	1.89E-09	6.06E-09	0.01	-0.03	0.05	5.74E-01	6.95E-01	-0.04	-0.06	-0.02	1.92E-04	3.75E-04	8.46	3.63E-03	1.26E-02	
22	Cer 17:1;O2/22:0	-0.06	-0.08	-0.04	3.25E-10	1.10E-09	0.03	0.00	0.07	8.35E-02	1.61E-01	-0.04	-0.06	-0.02	1.94E-05	4.17E-05	19.15	1.21E-05	1.02E-04	
23	Cer 17:1;O2/23:0	-0.06	-0.08	-0.03	1.20E-07	3.22E-07	0.02	-0.01	0.06	2.11E-01	3.43E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.49E-03	2.53E-03	13.29	2.67E-04	1.54E-03	
24	Cer 17:1;O2/24:0	-0.02	-0.04	0.00	1.60E-02	2.31E-02	0.04	0.00	0.08	3.67E-02	8.19E-02	-0.01	-0.03	0.01	3.81E-01	4.30E-01	6.91	8.55E-03	2.66E-02	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
25	Cer 17:1;O2/24:1	-0.04	-0.06	-0.02	1.00E-04	1.90E-04	0.01	-0.02	0.05	5.03E-01	6.41E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	4.01E-02
26	Cer 18:1;O2/14:0	0.00	-0.02	0.03	7.59E-01	7.85E-01	0.06	0.02	0.10	1.20E-03	5.61E-03	0.02	0.00	0.04	1.19E-01	1.49E-01	6.22	1.27E-02	3.72E-02
27	Cer 18:1;O2/16:0	-0.06	-0.08	-0.05	1.74E-12	6.99E-12	-0.02	-0.05	0.01	2.25E-01	3.59E-01	-0.05	-0.07	-0.04	3.04E-14	1.32E-13	5.46	1.94E-02	4.96E-02
28	Cer 18:1;O2/18:0	-0.09	-0.11	-0.08	1.42E-23	1.29E-22	-0.02	-0.06	0.02	2.59E-01	3.99E-01	-0.08	-0.10	-0.07	6.98E-30	7.91E-29	10.31	1.32E-03	5.80E-03
29	Cer 18:1;O2/19:0	-0.05	-0.07	-0.02	6.14E-05	1.22E-04	0.01	-0.03	0.05	7.04E-01	8.02E-01	-0.03	-0.05	-0.01	2.18E-03	3.55E-03	6.22	1.27E-02	3.72E-02
30	Cer 18:1;O2/20:0	-0.06	-0.07	-0.04	2.37E-10	8.04E-10	-0.06	-0.09	-0.02	2.69E-03	1.04E-02	-0.06	-0.07	-0.05	1.47E-17	8.39E-17	0.00	1.00E+00	1.00E+00
31	Cer 18:1;O2/21:0	-0.05	-0.07	-0.03	3.46E-07	8.78E-07	-0.02	-0.06	0.01	2.44E-01	3.82E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.51E-06	3.52E-06	2.13	1.45E-01	2.38E-01
32	Cer 18:1;O2/22:0	-0.06	-0.08	-0.04	1.81E-11	6.57E-11	-0.03	-0.06	0.00	5.54E-02	1.15E-01	-0.05	-0.07	-0.03	2.24E-09	6.92E-09	2.66	1.03E-01	1.86E-01
33	Cer 18:1;O2/23:0	-0.04	-0.06	-0.03	9.40E-07	2.29E-06	-0.03	-0.06	0.00	7.08E-02	1.40E-01	-0.04	-0.05	-0.02	2.83E-08	8.13E-08	0.34	5.59E-01	6.93E-01
34	Cer 18:1;O2/24:0	-0.01	-0.02	0.01	4.14E-01	4.62E-01	-0.02	-0.05	0.01	2.60E-01	4.00E-01	-0.01	-0.03	0.00	7.96E-02	1.03E-01	0.34	5.59E-01	6.93E-01
35	Cer 18:1;O2/24:1	-0.03	-0.05	-0.02	2.78E-04	4.93E-04	-0.05	-0.09	-0.02	4.52E-03	1.61E-02	-0.03	-0.05	-0.02	2.53E-06	5.80E-06	1.06	3.03E-01	4.22E-01
36	Cer 18:1;O2/26:0	0.03	0.01	0.05	2.28E-03	3.63E-03	-0.03	-0.07	0.00	5.09E-02	1.08E-01	0.02	0.00	0.03	8.56E-02	1.10E-01	8.51	3.53E-03	1.25E-02
37	Cer 18:2;O2/14:0	0.03	0.01	0.05	1.23E-02	1.79E-02	0.07	0.03	0.10	1.93E-04	1.28E-03	0.04	0.02	0.06	6.88E-06	1.52E-05	3.78	5.18E-02	1.06E-01
38	Cer 18:2;O2/16:0	0.01	-0.01	0.03	4.40E-01	4.89E-01	0.02	-0.01	0.05	2.50E-01	3.89E-01	0.01	0.00	0.03	1.24E-01	1.54E-01	0.30	5.87E-01	7.24E-01
39	Cer 18:2;O2/18:0	-0.05	-0.07	-0.03	1.29E-06	3.07E-06	0.03	-0.01	0.06	1.60E-01	2.73E-01	-0.03	-0.05	-0.01	6.24E-04	1.13E-03	15.13	1.00E-04	6.24E-04
40	Cer 18:2;O2/20:0	-0.02	-0.04	0.00	5.76E-02	7.72E-02	-0.01	-0.04	0.03	7.34E-01	8.19E-01	-0.02	-0.03	0.00	4.77E-02	6.48E-02	0.24	6.27E-01	7.32E-01
41	Cer 18:2;O2/21:0	0.00	-0.02	0.02	9.30E-01	9.34E-01	0.03	-0.01	0.06	1.73E-01	2.90E-01	0.01	-0.01	0.02	4.05E-01	4.50E-01	2.13	1.45E-01	2.38E-01
42	Cer 18:2;O2/22:0	-0.02	-0.04	0.00	5.24E-02	7.06E-02	0.01	-0.02	0.05	5.20E-01	6.56E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.54E-01	1.87E-01	2.13	1.45E-01	2.38E-01
43	Cer 18:2;O2/23:0	-0.01	-0.03	0.01	1.45E-01	1.79E-01	0.01	-0.02	0.05	4.39E-01	5.80E-01	-0.01	-0.02	0.01	5.67E-01	6.05E-01	0.95	3.31E-01	4.50E-01
44	Cer 18:2;O2/24:0	0.04	0.02	0.06	3.77E-04	6.58E-04	0.03	0.00	0.07	6.75E-02	1.34E-01	0.04	0.02	0.05	2.26E-05	4.81E-05	0.24	6.27E-01	7.32E-01
45	Cer 18:2;O2/24:1	0.00	-0.02	0.02	8.33E-01	8.45E-01	0.01	-0.03	0.04	7.77E-01	8.52E-01	0.00	-0.01	0.02	7.81E-01	7.99E-01	0.24	6.27E-01	7.32E-01
46	Cer 18:2;O2/26:0	0.05	0.03	0.07	1.45E-06	3.41E-06	0.00	-0.03	0.04	8.46E-01	9.02E-01	0.04	0.02	0.06	2.10E-05	4.48E-05	5.91	1.51E-02	4.01E-02
47	Cer 19:1;O2/16:0	-0.06	-0.08	-0.04	7.78E-08	2.11E-07	0.00	-0.04	0.04	9.79E-01	9.88E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.45E-07	3.75E-07	6.91	8.55E-03	2.66E-02
48	Cer 19:1;O2/18:0	-0.09	-0.11	-0.07	1.01E-17	5.87E-17	0.00	-0.04	0.04	9.36E-01	9.60E-01	-0.07	-0.09	-0.05	3.05E-15	1.42E-14	15.56	8.00E-05	5.26E-04

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis								
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH	
49	Cer 19:1;O2/20:0	-0.10	-0.12	-0.07	2.69E-18	1.66E-17	0.01	-0.03	0.05	6.62E-01	7.68E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.67E-10	5.69E-10	20.89	4.86E-06	5.79E-05	
50	Cer 19:1;O2/22:0	-0.10	-0.12	-0.07	7.75E-20	5.14E-19	0.01	-0.03	0.05	7.10E-01	8.02E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.67E-10	5.69E-10	20.89	4.86E-06	5.79E-05	
51	Cer 19:1;O2/23:0	-0.07	-0.09	-0.05	8.90E-12	3.33E-11	0.02	-0.02	0.05	4.62E-01	6.03E-01	-0.05	-0.07	-0.03	6.65E-08	1.83E-07	19.15	1.21E-05	1.02E-04	
52	Cer 19:1;O2/24:0	-0.05	-0.07	-0.03	2.90E-07	7.48E-07	0.03	-0.01	0.07	1.16E-01	2.10E-01	-0.03	-0.05	-0.02	1.95E-04	3.78E-04	12.29	4.55E-04	2.25E-03	
53	Cer 19:1;O2/24:1	-0.07	-0.09	-0.04	2.03E-09	6.47E-09	-0.01	-0.05	0.03	7.04E-01	8.02E-01	-0.05	-0.07	-0.03	8.95E-07	2.18E-06	6.22	1.27E-02	3.72E-02	
54	Cer 19:1;O2/26:0	0.00	-0.02	0.02	8.26E-01	8.40E-01	0.01	-0.03	0.05	5.76E-01	6.95E-01	0.00	-0.02	0.02	8.27E-01	8.40E-01	0.19	6.61E-01	7.32E-01	
55	Cer 20:1;O2/22:0	-0.02	-0.04	0.00	3.33E-02	4.64E-02	-0.02	-0.05	0.02	4.23E-01	5.63E-01	-0.02	-0.04	0.00	2.40E-02	3.42E-02	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
56	Cer 20:1;O2/23:0	-0.01	-0.03	0.01	3.24E-01	3.72E-01	0.00	-0.04	0.04	8.67E-01	9.11E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.81E-01	4.30E-01	0.19	6.61E-01	7.32E-01	
57	Cer 20:1;O2/24:0	0.04	0.02	0.06	2.22E-04	4.01E-04	0.02	-0.02	0.06	4.12E-01	5.53E-01	0.04	0.02	0.05	8.00E-05	1.60E-04	0.77	3.81E-01	4.94E-01	
58	Cer 20:1;O2/24:1	0.02	0.00	0.04	1.22E-01	1.54E-01	-0.04	-0.08	0.01	8.61E-02	1.65E-01	0.01	-0.01	0.03	2.79E-01	3.21E-01	5.70	1.69E-02	4.46E-02	
59	Cer 18:0;O/20:0	0.00	-0.01	0.02	8.13E-01	8.31E-01	-0.02	-0.06	0.01	2.31E-01	3.67E-01	0.00	-0.02	0.01	6.59E-01	6.92E-01	1.06	3.03E-01	4.22E-01	
60	Cer 18:0;O/22:0	-0.01	-0.03	0.01	2.71E-01	3.16E-01	0.00	-0.04	0.03	8.41E-01	9.01E-01	-0.01	-0.02	0.01	3.95E-01	4.42E-01	0.24	6.27E-01	7.32E-01	
61	Cer 18:0;O/23:0	0.00	-0.02	0.02	7.94E-01	8.16E-01	0.00	-0.04	0.03	9.62E-01	9.81E-01	0.00	-0.02	0.02	1.00E+00	1.00E+00	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
62	Cer 18:0;O/24:0	0.01	0.00	0.03	8.51E-02	1.11E-01	0.01	-0.02	0.05	4.72E-01	6.13E-01	0.01	0.00	0.02	1.55E-01	1.88E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
63	Cer 18:0;O/24:1	0.00	-0.01	0.02	7.41E-01	7.71E-01	-0.02	-0.05	0.02	2.74E-01	4.17E-01	0.00	-0.02	0.01	6.59E-01	6.92E-01	1.06	3.03E-01	4.22E-01	
64	Cer 18:1;O/18:0	0.01	-0.01	0.03	2.00E-01	2.39E-01	0.01	-0.03	0.04	7.73E-01	8.51E-01	0.01	-0.01	0.03	2.59E-01	3.00E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00	
65	Cer 18:1;O/20:0	0.03	0.02	0.05	6.86E-05	1.34E-04	-0.01	-0.05	0.02	4.18E-01	5.58E-01	0.02	0.01	0.04	7.18E-04	1.27E-03	4.24	3.95E-02	8.90E-02	
66	Cer 18:1;O/22:0	0.05	0.03	0.06	1.36E-08	4.00E-08	0.00	-0.03	0.04	8.37E-01	9.00E-01	0.04	0.03	0.06	1.91E-09	5.98E-09	6.62	1.01E-02	3.06E-02	
67	Cer 18:1;O/23:0	0.04	0.02	0.06	6.51E-06	1.46E-05	0.01	-0.03	0.04	7.14E-01	8.05E-01	0.03	0.02	0.05	2.32E-04	4.41E-04	2.13	1.45E-01	2.38E-01	
68	Cer 18:1;O/24:0	0.06	0.05	0.08	2.44E-13	1.02E-12	0.01	-0.02	0.05	4.59E-01	6.02E-01	0.05	0.04	0.07	1.11E-13	4.72E-13	6.62	1.01E-02	3.06E-02	
69	Cer 18:1;O/24:1	0.04	0.02	0.05	2.02E-05	4.25E-05	-0.01	-0.04	0.02	5.60E-01	6.87E-01	0.03	0.02	0.04	1.17E-05	2.54E-05	8.54	3.48E-03	1.25E-02	
70	Hex-Cer 16:1;O2/18:0	-0.07	-0.09	-0.05	1.41E-09	4.55E-09	0.02	-0.02	0.06	2.87E-01	4.31E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.22E-08	3.55E-08	15.56	8.00E-05	5.26E-04	
71	Hex-Cer 16:1;O2/20:0	-0.04	-0.06	-0.02	2.20E-04	3.97E-04	-0.02	-0.06	0.02	2.91E-01	4.32E-01	-0.04	-0.05	-0.02	8.00E-05	1.60E-04	0.77	3.81E-01	4.94E-01	
72	Hex-Cer 16:1;O2/22:0	-0.04	-0.06	-0.02	1.89E-04	3.48E-04	0.00	-0.04	0.04	9.34E-01	9.60E-01	-0.03	-0.05	-0.01	4.55E-04	8.30E-04	3.07	7.96E-02	1.49E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
73	Hex-Cer 16:1;O2/24:0	-0.03	-0.05	-0.01	1.20E-02	1.76E-02	0.01	-0.03	0.05	5.58E-01	6.87E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.36E-02	3.07	7.96E-02	1.49E-01
74	Hex-Cer 18:1;O2/16:0	-0.08	-0.10	-0.06	2.73E-13	1.14E-12	-0.01	-0.05	0.03	6.07E-01	7.25E-01	-0.07	-0.08	-0.05	4.78E-13	1.98E-12	9.41	2.16E-03	8.66E-03
75	Hex-Cer 18:1;O2/18:0	-0.10	-0.13	-0.08	1.43E-21	1.07E-20	0.00	-0.04	0.03	8.92E-01	9.29E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.77E-10	6.00E-10	20.77	5.19E-06	5.89E-05
76	Hex-Cer 18:1;O2/20:0	-0.06	-0.08	-0.04	4.22E-08	1.17E-07	-0.05	-0.08	-0.01	1.72E-02	4.47E-02	-0.06	-0.07	-0.04	8.33E-11	2.87E-10	0.24	6.27E-01	7.32E-01
77	Hex-Cer 18:1;O2/22:0	-0.06	-0.08	-0.03	2.82E-07	7.30E-07	-0.01	-0.04	0.03	6.22E-01	7.39E-01	-0.04	-0.06	-0.02	3.28E-05	6.82E-05	5.19	2.27E-02	5.68E-02
78	Hex-Cer 18:1;O2/24:0	-0.02	-0.04	0.00	1.33E-01	1.66E-01	0.01	-0.02	0.05	4.36E-01	5.77E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.54E-01	1.87E-01	2.13	1.45E-01	2.38E-01
79	Hex-Cer 18:1;O2/24:1	-0.01	-0.03	0.01	3.31E-01	3.77E-01	-0.03	-0.07	0.01	1.15E-01	2.08E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.25E-01	1.55E-01	0.77	3.81E-01	4.94E-01
80	Hex-Cer 18:2;O2/18:0	-0.05	-0.07	-0.03	3.93E-06	9.03E-06	-0.01	-0.05	0.03	5.56E-01	6.87E-01	-0.04	-0.06	-0.02	4.19E-06	9.47E-06	3.07	7.96E-02	1.49E-01
81	Hex-Cer 18:2;O2/20:0	-0.03	-0.05	-0.01	7.22E-03	1.09E-02	-0.02	-0.05	0.02	4.01E-01	5.43E-01	-0.03	-0.04	-0.01	1.88E-03	3.12E-03	0.24	6.27E-01	7.32E-01
82	Hex-Cer 18:2;O2/22:0	-0.03	-0.05	-0.01	8.94E-03	1.33E-02	0.01	-0.02	0.05	5.32E-01	6.67E-01	-0.02	-0.04	0.00	2.29E-02	3.29E-02	3.78	5.18E-02	1.06E-01
83	Hex-Cer 18:2;O2/24:0	-0.01	-0.03	0.01	4.66E-01	5.14E-01	0.03	-0.01	0.06	1.12E-01	2.04E-01	0.00	-0.02	0.02	9.86E-01	9.90E-01	3.78	5.18E-02	1.06E-01
84	Hex2Cer 16:1;O2/16:0	-0.09	-0.11	-0.06	9.44E-15	4.31E-14	0.01	-0.03	0.05	6.35E-01	7.50E-01	-0.06	-0.08	-0.04	1.04E-08	3.10E-08	17.27	3.25E-05	2.57E-04
85	Hex2Cer 16:1;O2/24:1	-0.03	-0.05	-0.01	8.33E-03	1.25E-02	-0.03	-0.07	0.01	1.63E-01	2.78E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.01E-03	1.75E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00
86	Hex2Cer 18:1;O2/16:0	-0.05	-0.07	-0.03	2.26E-07	5.91E-07	0.01	-0.03	0.04	6.61E-01	7.68E-01	-0.04	-0.05	-0.02	6.99E-05	1.43E-04	8.51	3.53E-03	1.25E-02
87	Hex2Cer 18:1;O2/20:0	-0.05	-0.07	-0.03	6.46E-06	1.45E-05	0.01	-0.03	0.05	6.42E-01	7.54E-01	-0.04	-0.06	-0.02	3.13E-05	6.54E-05	6.91	8.55E-03	2.66E-02
88	Hex2Cer 18:1;O2/22:0	-0.07	-0.09	-0.05	5.64E-11	1.98E-10	0.02	-0.01	0.06	2.05E-01	3.35E-01	-0.05	-0.07	-0.03	6.65E-08	1.83E-07	19.15	1.21E-05	1.02E-04
89	Hex2Cer 18:1;O2/24:0	-0.04	-0.06	-0.02	7.18E-05	1.39E-04	0.03	0.00	0.07	5.39E-02	1.13E-01	-0.02	-0.04	-0.01	1.02E-02	1.56E-02	11.58	6.65E-04	3.06E-03
90	Hex2Cer 18:1;O2/24:1	-0.03	-0.05	-0.01	5.22E-03	7.92E-03	-0.03	-0.07	0.01	1.20E-01	2.14E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.01E-03	1.75E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00
91	Hex2Cer 18:2;O2/16:0	-0.05	-0.07	-0.03	5.42E-06	1.22E-05	0.02	-0.02	0.05	3.48E-01	4.94E-01	-0.03	-0.05	-0.02	2.17E-04	4.16E-04	11.58	6.65E-04	3.06E-03
92	Hex2Cer 18:2;O2/24:1	-0.03	-0.05	-0.01	1.70E-03	2.75E-03	0.00	-0.04	0.04	9.77E-01	9.88E-01	-0.02	-0.04	-0.01	8.55E-03	1.32E-02	1.73	1.89E-01	2.88E-01
93	Hex3Cer 18:1;O2/16:0	-0.01	-0.03	0.01	4.75E-01	5.23E-01	0.04	0.01	0.07	1.49E-02	4.04E-02	0.01	-0.01	0.02	5.26E-01	5.71E-01	7.39	6.57E-03	2.23E-02
94	Hex3Cer 18:1;O2/18:0	-0.08	-0.10	-0.06	2.26E-15	1.08E-14	0.04	0.00	0.08	3.89E-02	8.59E-02	-0.06	-0.07	-0.04	8.47E-10	2.76E-09	27.66	1.45E-07	3.28E-06
95	Hex3Cer 18:1;O2/20:0	-0.04	-0.06	-0.02	2.91E-04	5.13E-04	-0.02	-0.06	0.02	2.91E-01	4.32E-01	-0.04	-0.05	-0.02	8.00E-05	1.60E-04	0.77	3.81E-01	4.94E-01
96	Hex3Cer 18:1;O2/22:0	-0.04	-0.06	-0.02	2.45E-04	4.38E-04	0.01	-0.02	0.05	4.86E-01	6.24E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	4.01E-02

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
97	Hex3Cer 18:1;O2/24:0	-0.01	-0.03	0.01	4.17E-01	4.64E-01	0.02	-0.01	0.05	2.35E-01	3.71E-01	0.00	-0.02	0.02	9.28E-01	9.40E-01	2.66	1.03E-01	1.86E-01
98	Hex3Cer 18:1;O2/24:1	-0.01	-0.03	0.01	3.82E-01	4.29E-01	-0.02	-0.06	0.01	2.18E-01	3.49E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.60E-01	1.92E-01	0.24	6.27E-01	7.32E-01
99	GM3 18:1;O2/16:0	-0.03	-0.04	-0.01	1.00E-02	1.48E-02	0.03	0.00	0.07	3.27E-02	7.59E-02	-0.02	-0.03	-0.01	3.27E-03	5.29E-03	9.54	2.01E-03	8.42E-03
100	GM3 18:1;O2/18:0	-0.01	-0.03	0.01	1.59E-01	1.93E-01	0.05	0.02	0.09	2.29E-03	8.98E-03	0.00	-0.01	0.02	5.90E-01	6.27E-01	8.51	3.53E-03	1.25E-02
101	GM3 18:1;O2/20:0	-0.01	-0.04	0.01	1.95E-01	2.34E-01	0.00	-0.03	0.04	8.11E-01	8.80E-01	-0.01	-0.03	0.01	5.23E-01	5.71E-01	0.21	6.49E-01	7.32E-01
102	GM3 18:1;O2/22:0	0.00	-0.02	0.02	8.16E-01	8.33E-01	0.03	-0.01	0.06	1.18E-01	2.12E-01	0.01	-0.01	0.02	4.05E-01	4.50E-01	2.13	1.45E-01	2.38E-01
103	GM3 18:1;O2/24:0	0.03	0.01	0.05	3.89E-03	5.97E-03	0.04	0.01	0.08	8.63E-03	2.66E-02	0.03	0.02	0.05	2.48E-04	4.69E-04	0.24	6.27E-01	7.32E-01
104	GM3 18:1;O2/24:1	0.03	0.01	0.05	4.36E-03	6.66E-03	0.01	-0.03	0.04	7.17E-01	8.06E-01	0.03	0.01	0.04	4.65E-03	7.39E-03	0.95	3.31E-01	4.50E-01
105	GM3 18:2;O2/24:1	0.01	-0.01	0.04	2.42E-01	2.86E-01	0.01	-0.02	0.05	4.67E-01	6.07E-01	0.01	-0.01	0.03	3.35E-01	3.85E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
106	GM1 18:1;O2/16:0	-0.01	-0.03	0.01	4.27E-01	4.75E-01	0.00	-0.05	0.04	8.38E-01	9.00E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.71E-01	4.24E-01	0.16	6.91E-01	7.54E-01
107	SHexCer 18:1;O2/16:0;O	-0.01	-0.03	0.01	4.07E-01	4.55E-01	-0.02	-0.06	0.02	2.81E-01	4.25E-01	-0.01	-0.03	0.01	1.89E-01	2.23E-01	0.19	6.61E-01	7.32E-01
108	SHexCer 18:1;O2/16:0	0.02	0.00	0.04	1.16E-01	1.47E-01	-0.01	-0.04	0.03	7.72E-01	8.51E-01	0.01	0.00	0.03	1.54E-01	1.87E-01	2.13	1.45E-01	2.38E-01
109	SHexCer 18:1;O2/24:0;O	0.02	0.00	0.04	6.60E-02	8.81E-02	-0.01	-0.05	0.03	6.55E-01	7.66E-01	0.01	0.00	0.03	1.25E-01	1.55E-01	1.73	1.89E-01	2.88E-01
110	SHexCer 18:1;O2/24:0	0.04	0.02	0.06	8.99E-05	1.71E-04	0.05	0.01	0.09	1.11E-02	3.15E-02	0.04	0.02	0.06	4.19E-06	9.47E-06	0.19	6.61E-01	7.32E-01
111	SHexCer 18:1;O2/24:1;O	0.07	0.04	0.09	1.34E-09	4.35E-09	0.00	-0.04	0.04	9.56E-01	9.76E-01	0.05	0.03	0.07	3.26E-06	7.46E-06	8.46	3.63E-03	1.26E-02
112	SHexCer 18:1;O2/24:1	0.00	-0.02	0.02	7.96E-01	8.17E-01	0.01	-0.02	0.05	4.62E-01	6.03E-01	0.00	-0.01	0.02	7.81E-01	7.99E-01	0.24	6.27E-01	7.32E-01
113	CerP 18:1;O2/16:0	0.01	-0.01	0.03	2.13E-01	2.54E-01	0.06	0.03	0.10	5.02E-04	2.69E-03	0.02	0.00	0.04	1.18E-02	1.80E-02	5.91	1.51E-02	4.01E-02
114	SM 17:1;O2/14:0	-0.04	-0.06	-0.02	1.27E-04	2.38E-04	0.05	0.02	0.08	3.62E-03	1.32E-02	-0.01	-0.03	0.00	1.47E-01	1.80E-01	23.94	9.96E-07	1.75E-05
115	SM 18:0;O2/14:0	0.00	-0.02	0.02	8.30E-01	8.43E-01	0.02	-0.02	0.05	3.49E-01	4.94E-01	0.00	-0.01	0.02	5.78E-01	6.17E-01	0.95	3.31E-01	4.50E-01
116	SM 18:1;O2/14:0 SM 16:1;O2/16:0	-0.04	-0.06	-0.02	5.41E-06	1.22E-05	0.01	-0.02	0.05	3.68E-01	5.13E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	4.01E-02
117	SM 18:2;O2/14:0	0.01	-0.01	0.02	4.63E-01	5.11E-01	0.03	0.00	0.06	3.35E-02	7.67E-02	0.01	0.00	0.03	4.08E-02	5.63E-02	1.37	2.43E-01	3.52E-01
118	SM 17:1;O2/16:0	-0.07	-0.08	-0.05	8.05E-13	3.29E-12	0.04	0.01	0.07	1.58E-02	4.17E-02	-0.05	-0.06	-0.03	2.34E-12	9.26E-12	41.32	1.29E-10	1.52E-08
119	SM 18:0;O2/16:0	0.01	-0.01	0.02	6.05E-01	6.48E-01	-0.02	-0.05	0.01	2.90E-01	4.32E-01	0.00	-0.01	0.02	5.59E-01	6.00E-01	3.07	7.96E-02	1.49E-01
120	SM 18:1;O2/16:0	-0.03	-0.05	-0.02	3.22E-05	6.59E-05	0.00	-0.02	0.03	9.15E-01	9.44E-01	-0.02	-0.03	-0.01	7.76E-04	1.36E-03	4.07	4.37E-02	9.69E-02

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
121	SM 18:2;O2/16:0	0.00	-0.02	0.01	6.07E-01	6.49E-01	0.00	-0.02	0.03	8.99E-01	9.33E-01	0.00	-0.01	0.01	1.00E+00	1.00E+00	0.00	1.00E+00	1.00E+00
122	SM 34:3;O2	-0.04	-0.06	-0.03	1.14E-06	2.75E-06	0.05	0.02	0.09	7.24E-04	3.66E-03	-0.03	-0.04	-0.01	2.15E-04	4.13E-04	21.46	3.61E-06	4.88E-05
123	SM 16:1;O2/19:0	-0.13	-0.15	-0.11	4.93E-36	7.22E-35	0.06	0.02	0.09	2.06E-03	8.23E-03	-0.08	-0.10	-0.07	5.75E-21	4.35E-20	85.34	2.51E-20	1.76E-17
124	SM 18:1;O2/17:0 SM 17:1;O2/18:0	-0.09	-0.11	-0.07	7.20E-17	3.92E-16	0.05	0.01	0.09	7.12E-03	2.28E-02	-0.06	-0.08	-0.04	1.10E-11	4.04E-11	37.65	8.47E-10	6.62E-08
125	SM 18:2;O2/17:0	-0.05	-0.07	-0.04	1.85E-08	5.41E-08	0.05	0.02	0.08	2.97E-03	1.12E-02	-0.03	-0.04	-0.02	1.17E-05	2.54E-05	34.15	5.11E-09	2.53E-07
126	SM 35:2;O2 [b]	-0.06	-0.07	-0.04	3.75E-12	1.46E-11	0.04	0.01	0.07	5.37E-03	1.82E-02	-0.04	-0.05	-0.03	5.11E-09	1.53E-08	34.15	5.11E-09	2.53E-07
127	SM 18:1;O2/18:0 SM 16:1;O2/20:0	-0.06	-0.08	-0.04	1.87E-11	6.75E-11	-0.01	-0.04	0.02	4.93E-01	6.31E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.48E-07	3.83E-07	7.39	6.57E-03	2.23E-02
128	SM 18:2;O2/18:1	-0.06	-0.08	-0.04	7.43E-10	2.45E-09	0.01	-0.02	0.05	4.83E-01	6.21E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.38E-06	3.32E-06	11.58	6.65E-04	3.06E-03
129	SM 37:1;O2	-0.04	-0.06	-0.02	1.34E-05	2.89E-05	0.03	-0.01	0.06	1.25E-01	2.22E-01	-0.02	-0.04	-0.01	1.02E-02	1.56E-02	11.58	6.65E-04	3.06E-03
130	SM 37:2;O2	-0.02	-0.04	0.00	3.45E-02	4.78E-02	0.05	0.02	0.09	1.89E-03	7.75E-03	0.00	-0.02	0.01	7.55E-01	7.85E-01	11.58	6.65E-04	3.06E-03
131	SM 18:1;O2/20:0 SM 16:1;O2/22:0	0.01	-0.01	0.02	5.62E-01	6.07E-01	0.01	-0.02	0.04	6.38E-01	7.51E-01	0.01	0.00	0.02	1.44E-01	1.77E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
132	SM 18:2;O2/20:0	0.00	-0.02	0.02	8.69E-01	8.79E-01	0.02	-0.01	0.05	1.92E-01	3.18E-01	0.01	-0.01	0.02	4.69E-01	5.18E-01	1.18	2.77E-01	3.92E-01
133	SM 16:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/22:0	-0.01	-0.03	0.01	2.00E-01	2.39E-01	0.03	0.00	0.07	3.38E-02	7.72E-02	0.00	-0.02	0.02	9.86E-01	9.90E-01	3.78	5.18E-02	1.06E-01
134	SM 18:0;O2/22:0	0.01	-0.01	0.03	5.16E-01	5.63E-01	-0.02	-0.05	0.02	3.13E-01	4.55E-01	0.00	-0.01	0.02	7.68E-01	7.92E-01	2.13	1.45E-01	2.38E-01
135	SM 18:1;O2/22:0 SM 16:1;O2/24:0	0.01	-0.01	0.02	3.58E-01	4.05E-01	0.01	-0.02	0.04	5.47E-01	6.78E-01	0.01	0.00	0.02	1.44E-01	1.77E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
136	SM 16:1;O2/24:1	0.02	0.00	0.04	2.83E-02	3.98E-02	0.00	-0.03	0.03	9.65E-01	9.82E-01	0.01	0.00	0.03	1.03E-01	1.30E-01	1.18	2.77E-01	3.92E-01
137	SM 18:2;O2/22:0	0.01	-0.01	0.03	2.02E-01	2.41E-01	0.04	0.01	0.06	1.11E-02	3.15E-02	0.02	0.01	0.04	6.44E-03	1.01E-02	3.37	6.63E-02	1.35E-01
138	SM 40:3;O2 [a]	0.07	0.06	0.09	1.48E-16	7.87E-16	0.03	0.00	0.07	3.72E-02	8.25E-02	0.06	0.05	0.08	1.20E-19	8.21E-19	4.24	3.95E-02	8.90E-02
139	SM 40:3;O2 [b]	-0.10	-0.12	-0.08	2.34E-23	2.06E-22	0.05	0.01	0.09	7.43E-03	2.36E-02	-0.07	-0.09	-0.05	1.72E-14	7.77E-14	43.22	4.90E-11	6.88E-09
140	SM 41:0;O2	-0.01	-0.03	0.01	2.56E-01	2.99E-01	-0.02	-0.05	0.02	3.69E-01	5.13E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.60E-01	1.92E-01	0.24	6.27E-01	7.32E-01
141	SM 41:1;O2 [a]	-0.06	-0.08	-0.04	1.31E-08	3.87E-08	0.05	0.02	0.09	5.65E-03	1.90E-02	-0.03	-0.05	-0.02	2.02E-04	3.91E-04	28.61	8.87E-08	2.31E-06
142	SM 18:1;O2/23:0 SM 17:1;O2/24:0	0.01	0.00	0.03	1.46E-01	1.80E-01	0.01	-0.01	0.04	2.95E-01	4.37E-01	0.01	0.00	0.02	1.28E-01	1.58E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
143	SM 17:1;O2/24:1	-0.03	-0.05	-0.01	3.55E-03	5.53E-03	0.02	-0.01	0.05	2.50E-01	3.89E-01	-0.01	-0.03	0.00	8.52E-02	1.10E-01	7.39	6.57E-03	2.23E-02
144	SM 18:2;O2/23:0	0.01	-0.01	0.03	3.34E-01	3.79E-01	0.04	0.01	0.07	6.79E-03	2.21E-02	0.02	0.00	0.04	2.35E-02	3.36E-02	2.66	1.03E-01	1.86E-01

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
145	SM 18:1;O2/24:0	0.05	0.03	0.07	9.70E-09	2.93E-08	0.03	0.00	0.06	4.64E-02	1.01E-01	0.04	0.03	0.06	2.41E-07	6.19E-07	1.18	2.77E-01	3.92E-01
146	SM 18:1;O2/24:1	0.05	0.03	0.07	3.03E-07	7.76E-07	-0.04	-0.07	0.00	4.10E-02	8.94E-02	0.03	0.01	0.05	1.67E-03	2.83E-03	19.15	1.21E-05	1.02E-04
147	SM 18:2;O2/24:0	0.07	0.05	0.08	6.52E-15	2.99E-14	0.07	0.04	0.10	1.36E-06	2.22E-05	0.07	0.06	0.08	1.51E-24	1.35E-23	0.00	1.00E+00	1.00E+00
148	SM 43:1;O2	0.02	0.00	0.04	5.22E-02	7.04E-02	0.06	0.03	0.10	2.00E-04	1.30E-03	0.03	0.01	0.05	7.55E-04	1.33E-03	3.78	5.18E-02	1.06E-01
149	SM 19:1;O2/24:1	-0.02	-0.05	0.00	3.18E-02	4.45E-02	0.03	-0.01	0.07	1.60E-01	2.74E-01	-0.01	-0.03	0.02	5.82E-01	6.20E-01	4.32	3.77E-02	8.67E-02
150	SM 43:2;O2 [b]	-0.04	-0.06	-0.02	5.31E-05	1.06E-04	0.01	-0.03	0.04	6.02E-01	7.21E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	4.01E-02
151	SM 43:2;O2 [c]	0.05	0.03	0.07	4.25E-06	9.72E-06	0.06	0.03	0.09	3.54E-04	2.01E-03	0.05	0.04	0.07	4.07E-10	1.34E-09	0.30	5.87E-01	7.24E-01
152	SM 44:1;O2	0.05	0.03	0.07	1.95E-08	5.70E-08	0.05	0.02	0.08	2.80E-03	1.08E-02	0.05	0.03	0.07	3.88E-09	1.17E-08	0.00	1.00E+00	1.00E+00
153	SM 44:2;O2	0.09	0.08	0.11	1.41E-22	1.16E-21	0.05	0.02	0.09	2.12E-03	8.41E-03	0.08	0.07	0.10	1.02E-32	1.28E-31	4.24	3.95E-02	8.90E-02
154	SM 44:3;O2	0.15	0.13	0.17	1.50E-55	4.79E-54	0.07	0.03	0.10	2.23E-04	1.41E-03	0.13	0.11	0.15	5.72E-49	1.15E-47	15.13	1.00E-04	6.24E-04
155	PC 28:0	-0.02	-0.04	0.00	9.99E-02	1.28E-01	0.04	0.00	0.08	4.01E-02	8.82E-02	-0.01	-0.03	0.01	3.81E-01	4.30E-01	6.91	8.55E-03	2.66E-02
156	PC 14:0 16:0	0.00	-0.01	0.02	6.24E-01	6.65E-01	0.03	0.00	0.07	5.82E-02	1.19E-01	0.00	-0.01	0.02	5.08E-01	5.57E-01	2.38	1.23E-01	2.20E-01
157	PC 31:0 [a]	-0.11	-0.13	-0.09	2.62E-23	2.27E-22	0.02	-0.02	0.06	3.81E-01	5.25E-01	-0.08	-0.10	-0.07	3.46E-20	2.41E-19	32.46	1.22E-08	4.27E-07
158	PC 31:0 [b]	-0.04	-0.07	-0.02	6.43E-05	1.26E-04	0.04	0.00	0.08	5.24E-02	1.11E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.05E-01	1.33E-01	11.05	8.87E-04	3.92E-03
159	PC 16:0 16:0	0.03	0.02	0.05	8.75E-05	1.68E-04	-0.01	-0.04	0.02	5.39E-01	6.71E-01	0.02	0.01	0.04	1.31E-03	2.24E-03	5.46	1.94E-02	4.96E-02
160	PC 32:1	-0.05	-0.06	-0.03	1.52E-06	3.56E-06	0.00	-0.03	0.04	8.48E-01	9.02E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.91E-09	5.98E-09	6.62	1.01E-02	3.06E-02
161	PC 32:2	0.01	-0.01	0.03	1.64E-01	1.99E-01	0.04	0.01	0.07	2.14E-02	5.33E-02	0.02	0.00	0.04	2.35E-02	3.36E-02	2.66	1.03E-01	1.86E-01
162	PC 33:0 [a]	-0.10	-0.12	-0.08	2.30E-22	1.79E-21	0.03	-0.01	0.07	1.34E-01	2.34E-01	-0.07	-0.09	-0.06	5.15E-16	2.62E-15	32.46	1.22E-08	4.27E-07
163	PC 33:0 [b]	-0.03	-0.05	-0.01	1.72E-03	2.77E-03	0.06	0.02	0.09	3.31E-03	1.22E-02	-0.01	-0.03	0.01	3.76E-01	4.30E-01	19.15	1.21E-05	1.02E-04
164	PC 33:1	-0.11	-0.13	-0.09	3.27E-27	3.65E-26	-0.01	-0.05	0.03	5.64E-01	6.88E-01	-0.09	-0.11	-0.07	6.14E-23	5.08E-22	19.21	1.17E-05	1.02E-04
165	PC 33:2	-0.04	-0.06	-0.01	9.89E-04	1.64E-03	0.02	-0.01	0.06	2.39E-01	3.76E-01	-0.02	-0.04	0.00	5.73E-02	7.60E-02	7.48	6.25E-03	2.16E-02
166	PC 16:0 18:0	0.01	0.00	0.03	1.51E-01	1.85E-01	0.02	-0.01	0.05	2.49E-01	3.89E-01	0.01	0.00	0.03	7.96E-02	1.03E-01	0.34	5.59E-01	6.93E-01
167	PC 16:0 18:1	-0.06	-0.07	-0.04	3.62E-10	1.21E-09	-0.07	-0.10	-0.03	3.29E-04	1.89E-03	-0.06	-0.08	-0.05	2.13E-18	1.26E-17	0.26	6.07E-01	7.32E-01
168	PC 16:0 18:2	0.00	-0.01	0.02	6.46E-01	6.84E-01	0.02	-0.02	0.05	3.74E-01	5.17E-01	0.00	-0.01	0.02	6.59E-01	6.92E-01	1.06	3.03E-01	4.22E-01

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
169	PC 16:1 18:2	0.04	0.02	0.05	5.00E-05	1.00E-04	0.03	-0.01	0.06	1.12E-01	2.04E-01	0.04	0.02	0.05	4.61E-08	1.29E-07	0.26	6.07E-01	7.32E-01
170	PC 16:0 18:3 [a]	-0.02	-0.04	0.00	4.35E-02	5.95E-02	0.02	-0.01	0.06	2.15E-01	3.47E-01	-0.01	-0.03	0.01	2.52E-01	2.94E-01	3.78	5.18E-02	1.06E-01
171	PC 16:0 18:3 [b]	-0.05	-0.07	-0.03	2.14E-07	5.65E-07	-0.03	-0.07	0.01	9.72E-02	1.82E-01	-0.05	-0.06	-0.03	4.65E-07	1.16E-06	0.77	3.81E-01	4.94E-01
172	PC 14:0 20:4	0.03	0.01	0.05	2.76E-03	4.35E-03	0.03	-0.01	0.06	1.59E-01	2.73E-01	0.03	0.01	0.05	7.09E-04	1.26E-03	0.00	1.00E+00	1.00E+00
173	PC 34:5	0.07	0.05	0.09	8.47E-13	3.44E-12	0.07	0.03	0.11	3.08E-04	1.79E-03	0.07	0.05	0.09	1.72E-14	7.77E-14	0.00	1.00E+00	1.00E+00
174	PC 16:0;Me 18:1	-0.13	-0.15	-0.11	3.24E-35	4.56E-34	-0.02	-0.06	0.02	3.17E-01	4.59E-01	-0.11	-0.13	-0.09	2.63E-32	3.18E-31	23.24	1.43E-06	2.09E-05
175	PC 17:0 18:1	-0.09	-0.11	-0.07	4.40E-20	2.97E-19	0.01	-0.03	0.05	6.80E-01	7.81E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.72E-14	7.77E-14	19.21	1.17E-05	1.02E-04
176	PC 16:0;Me 18:2	-0.08	-0.10	-0.06	7.89E-14	3.45E-13	0.01	-0.02	0.05	4.47E-01	5.87E-01	-0.06	-0.08	-0.04	6.61E-11	2.30E-10	19.15	1.21E-05	1.02E-04
177	PC 17:0 18:2	-0.01	-0.03	0.01	4.60E-01	5.09E-01	0.05	0.02	0.09	3.26E-03	1.21E-02	0.00	-0.01	0.02	5.90E-01	6.27E-01	8.51	3.53E-03	1.25E-02
178	PC 17:1 18:2	-0.03	-0.05	-0.01	4.34E-03	6.64E-03	0.05	0.01	0.08	7.63E-03	2.40E-02	-0.01	-0.03	0.01	2.45E-01	2.88E-01	15.13	1.00E-04	6.24E-04
179	PC 15:0 20:3	-0.04	-0.06	-0.02	1.12E-04	2.11E-04	0.04	0.00	0.08	2.97E-02	7.02E-02	-0.02	-0.04	-0.01	8.55E-03	1.32E-02	12.29	4.55E-04	2.25E-03
180	PC 15:0 20:4	0.01	-0.01	0.03	4.84E-01	5.31E-01	0.02	-0.02	0.06	3.60E-01	5.05E-01	0.01	-0.01	0.03	1.89E-01	2.23E-01	0.19	6.61E-01	7.32E-01
181	PC 35:5	0.06	0.04	0.08	7.14E-08	1.96E-07	0.08	0.04	0.12	2.44E-04	1.50E-03	0.06	0.05	0.08	2.34E-12	9.26E-12	0.77	3.81E-01	4.94E-01
182	PC 18:0 18:1	-0.10	-0.12	-0.08	8.46E-27	9.15E-26	-0.05	-0.08	-0.01	5.21E-03	1.78E-02	-0.09	-0.11	-0.07	4.25E-23	3.60E-22	5.91	1.51E-02	4.01E-02
183	PC 18:1 18:1	-0.04	-0.05	-0.02	1.93E-04	3.55E-04	-0.11	-0.14	-0.07	3.16E-09	1.01E-07	-0.05	-0.06	-0.04	4.81E-13	1.98E-12	12.98	3.15E-04	1.77E-03
184	PC 18:0 18:2	-0.02	-0.04	0.00	7.96E-02	1.05E-01	0.02	-0.02	0.05	3.59E-01	5.05E-01	-0.01	-0.03	0.01	2.52E-01	2.94E-01	3.78	5.18E-02	1.06E-01
185	PC 18:1 18:2	0.02	0.00	0.04	1.76E-02	2.53E-02	-0.05	-0.09	-0.02	1.99E-03	8.08E-03	0.00	-0.01	0.02	7.55E-01	7.85E-01	11.58	6.65E-04	3.06E-03
186	PC 16:0 20:3 [a]	-0.01	-0.03	0.01	3.69E-01	4.18E-01	-0.01	-0.04	0.03	6.60E-01	7.68E-01	-0.01	-0.03	0.01	2.59E-01	3.00E-01	0.00	1.00E+00	1.00E+00
187	PC 16:0 20:3 [b]	-0.07	-0.09	-0.05	2.46E-12	9.77E-12	-0.07	-0.11	-0.03	2.67E-04	1.59E-03	-0.07	-0.09	-0.05	1.72E-14	7.77E-14	0.00	1.00E+00	1.00E+00
188	PC 18:2 18:2	0.03	0.01	0.05	2.70E-03	4.27E-03	-0.01	-0.05	0.03	5.43E-01	6.75E-01	0.02	0.00	0.04	1.59E-02	2.36E-02	3.07	7.96E-02	1.49E-01
189	PC 16:0 20:4	0.04	0.02	0.06	2.30E-04	4.13E-04	-0.01	-0.06	0.03	5.81E-01	6.99E-01	0.03	0.01	0.05	6.61E-04	1.19E-03	3.96	4.66E-02	1.01E-01
190	PC 16:1 20:4	0.05	0.03	0.07	9.01E-09	2.74E-08	0.02	-0.02	0.05	3.34E-01	4.81E-01	0.04	0.03	0.06	1.51E-06	3.52E-06	2.13	1.45E-01	2.38E-01
191	PC 16:0 20:5	0.09	0.07	0.11	5.62E-18	3.38E-17	0.06	0.02	0.10	2.43E-03	9.49E-03	0.08	0.07	0.10	3.46E-20	2.41E-19	1.73	1.89E-01	2.88E-01
192	PC 36:6 [a]	0.08	0.06	0.10	4.86E-17	2.74E-16	0.08	0.04	0.11	1.00E-04	7.59E-04	0.08	0.06	0.10	1.72E-19	1.13E-18	0.00	1.00E+00	1.00E+00

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
193	PC 14:0_22:6	0.13	0.12	0.15	4.08E-44	7.76E-43	0.13	0.10	0.17	1.34E-12	1.51E-10	0.13	0.12	0.14	2.94E-76	2.07E-74	0.00	1.00E+00	1.00E+00
194	PC 16:0;Me_20:4	-0.03	-0.05	-0.01	9.48E-04	1.58E-03	0.02	-0.02	0.06	3.75E-01	5.17E-01	-0.02	-0.04	0.00	2.84E-02	3.97E-02	4.80	2.84E-02	6.87E-02
195	PC 17:0_20:4	0.03	0.01	0.05	1.18E-02	1.73E-02	0.04	0.00	0.08	4.68E-02	1.01E-01	0.03	0.01	0.05	4.55E-04	8.30E-04	0.19	6.61E-01	7.32E-01
196	PC 15:0_22:6	0.13	0.11	0.15	5.62E-36	8.07E-35	0.13	0.09	0.17	3.50E-11	1.76E-09	0.13	0.11	0.15	4.90E-46	8.84E-45	0.00	1.00E+00	1.00E+00
197	PC 38:2	0.03	0.02	0.05	8.59E-05	1.66E-04	0.03	0.00	0.06	7.88E-02	1.53E-01	0.03	0.02	0.04	1.17E-05	2.54E-05	0.00	1.00E+00	1.00E+00
198	PC 18:0_20:3	0.00	-0.01	0.02	6.90E-01	7.25E-01	0.02	-0.01	0.06	2.01E-01	3.31E-01	0.00	-0.01	0.02	6.59E-01	6.92E-01	1.06	3.03E-01	
199	PC 18:1_20:3	0.04	0.02	0.06	5.02E-05	1.00E-04	-0.04	-0.07	0.00	4.82E-02	1.04E-01	0.02	0.00	0.04	2.19E-02	3.16E-02	15.13	1.00E-04	
200	PC 38:4 [b]	-0.05	-0.07	-0.03	2.22E-07	5.85E-07	0.00	-0.04	0.03	9.12E-01	9.44E-01	-0.04	-0.06	-0.02	2.10E-05	4.48E-05	5.91	1.51E-02	
201	PC 18:0_20:4	0.03	0.01	0.05	9.07E-04	1.51E-03	0.00	-0.04	0.04	8.75E-01	9.15E-01	0.02	0.01	0.04	8.55E-03	1.32E-02	1.73	1.89E-01	
202	PC 38:5 [a]	0.02	0.00	0.04	5.11E-02	6.92E-02	0.01	-0.03	0.05	5.69E-01	6.93E-01	0.02	0.00	0.04	4.86E-02	6.51E-02	0.19	6.61E-01	
203	PC 38:5 [b]	0.06	0.04	0.08	2.49E-09	7.89E-09	0.07	0.03	0.11	1.97E-04	1.29E-03	0.06	0.04	0.08	1.10E-11	4.04E-11	0.19	6.61E-01	
204	PC 38:6 [a]	0.07	0.05	0.09	4.14E-16	2.13E-15	0.02	-0.01	0.06	2.30E-01	3.66E-01	0.06	0.04	0.08	7.42E-11	2.57E-10	5.91	1.51E-02	
205	PC 16:0_22:6	0.18	0.16	0.20	1.02E-69	8.98E-68	0.14	0.10	0.18	9.79E-12	6.26E-10	0.17	0.15	0.19	3.19E-79	3.21E-77	3.07	7.96E-02	
206	PC 18:2_20:5	0.09	0.08	0.11	8.51E-22	6.51E-21	0.06	0.03	0.10	1.06E-03	5.12E-03	0.09	0.07	0.10	7.09E-34	9.58E-33	2.38	1.23E-01	
207	PC 16:1_22:6	0.16	0.14	0.18	2.91E-64	1.46E-62	0.13	0.09	0.17	1.50E-12	1.51E-10	0.15	0.14	0.17	7.06E-64	2.26E-62	1.73	1.89E-01	
208	PC 38:7 [c]	0.13	0.11	0.15	1.71E-41	2.87E-40	0.15	0.11	0.19	1.46E-15	5.00E-13	0.13	0.12	0.15	8.40E-49	1.64E-47	0.77	3.81E-01	
209	PC 39:5 [a]	-0.04	-0.06	-0.02	4.52E-04	7.80E-04	0.14	0.10	0.18	8.11E-12	5.70E-10	0.00	-0.02	0.01	6.61E-01	6.92E-01	62.23	3.05E-15	
210	PC 39:5 [b]	0.02	0.00	0.04	2.69E-02	3.81E-02	0.11	0.07	0.15	1.97E-08	5.33E-07	0.04	0.02	0.06	3.13E-05	6.54E-05	15.56	8.00E-05	
211	PC 16:0;Me_22:6	0.09	0.07	0.12	2.79E-18	1.70E-17	0.14	0.10	0.18	1.81E-11	1.06E-09	0.10	0.08	0.13	6.63E-22	5.12E-21	4.32	3.77E-02	
212	PC 17:0_22:6	0.15	0.13	0.17	1.17E-45	2.36E-44	0.17	0.13	0.21	1.25E-15	5.00E-13	0.15	0.14	0.17	7.06E-64	2.26E-62	0.77	3.81E-01	
213	PC 18:0_22:4	-0.06	-0.08	-0.04	9.95E-10	3.25E-09	-0.02	-0.06	0.02	2.54E-01	3.92E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.22E-08	3.55E-08	3.07	7.96E-02	
214	PC 20:0_20:4	0.04	0.02	0.06	2.63E-04	4.68E-04	0.02	-0.02	0.06	3.86E-01	5.28E-01	0.04	0.02	0.05	8.00E-05	1.60E-04	0.77	3.81E-01	
215	PC 18:0_22:5(n3) PC 20:1_20:4	0.00	-0.02	0.02	7.55E-01	7.83E-01	0.08	0.05	0.12	2.54E-05	2.43E-04	0.02	0.00	0.04	2.62E-02	3.69E-02	15.13	1.00E-04	
216	PC 18:0_22:5(n6)	-0.05	-0.07	-0.03	9.31E-07	2.27E-06	-0.02	-0.06	0.02	2.96E-01	4.37E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.43E-06	3.39E-06	1.73	1.89E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
217	PC 18:0 22:6	0.17	0.15	0.19	1.44E-57	5.05E-56	0.16	0.12	0.20	2.34E-14	4.12E-12	0.17	0.15	0.19	1.15E-75	6.72E-74	0.19		6.61E-01
218	PC 40:7 [a]	0.04	0.02	0.06	2.15E-05	4.48E-05	0.01	-0.03	0.04	7.17E-01	8.06E-01	0.03	0.02	0.05	2.32E-04	4.41E-04	2.13		1.45E-01
219	PC 18:1 22:6 [a]	0.19	0.17	0.21	1.70E-75	3.99E-73	0.12	0.08	0.16	4.45E-09	1.36E-07	0.18	0.16	0.19	7.34E-83	1.03E-80	9.41		2.16E-03
220	PC 18:1 22:6 [b]	0.09	0.07	0.11	1.65E-15	8.02E-15	0.17	0.13	0.21	2.13E-15	5.00E-13	0.11	0.09	0.12	3.49E-31	4.16E-30	12.29		4.55E-04
221	PC 40:8	0.15	0.13	0.16	1.80E-58	6.65E-57	0.09	0.06	0.13	5.72E-08	1.39E-06	0.14	0.13	0.15	5.44E-89	3.83E-86	9.54		2.01E-03
222	PC 44:12	0.17	0.15	0.19	3.30E-54	1.01E-52	0.12	0.08	0.16	1.73E-08	5.07E-07	0.16	0.14	0.18	8.34E-69	3.91E-67	4.80		2.84E-02
223	PC O-16:0/16:0	-0.03	-0.05	-0.01	3.64E-03	5.63E-03	0.02	-0.02	0.05	3.69E-01	5.13E-01	-0.02	-0.04	0.00	4.58E-02	6.26E-02	5.91		1.51E-02
224	PC O-32:1	-0.02	-0.03	0.00	1.18E-01	1.50E-01	0.08	0.03	0.12	4.42E-04	2.43E-03	-0.01	-0.02	0.00	1.68E-01	2.02E-01	17.07		3.60E-05
225	PC O-32:2	0.02	0.00	0.04	4.84E-02	6.57E-02	0.08	0.04	0.12	1.40E-04	9.71E-04	0.03	0.01	0.05	4.55E-04	8.30E-04	6.91		8.55E-03
226	PC O-34:1	-0.04	-0.06	-0.02	1.70E-05	3.60E-05	-0.04	-0.08	-0.01	1.56E-02	4.15E-02	-0.04	-0.06	-0.02	6.34E-06	1.41E-05	0.00		1.00E+00
227	PC O-34:2	-0.04	-0.06	-0.02	8.88E-05	1.70E-04	0.03	-0.01	0.06	1.65E-01	2.80E-01	-0.02	-0.04	-0.01	1.02E-02	1.56E-02	11.58		6.65E-04
228	PC O-34:4	0.04	0.02	0.06	2.08E-04	3.78E-04	0.05	0.01	0.09	1.44E-02	3.94E-02	0.04	0.02	0.06	4.19E-06	9.47E-06	0.19		6.61E-01
229	PC O-36:0	-0.10	-0.12	-0.08	1.19E-22	9.87E-22	0.03	-0.01	0.07	1.45E-01	2.52E-01	-0.07	-0.09	-0.06	5.15E-16	2.62E-15	32.46		1.22E-08
230	PC O-18:0/18:1	-0.14	-0.16	-0.12	5.12E-43	9.47E-42	-0.01	-0.05	0.02	5.32E-01	6.67E-01	-0.11	-0.13	-0.09	3.51E-34	4.84E-33	39.95		2.60E-10
231	PC O-18:1/18:1	-0.01	-0.03	0.01	3.00E-01	3.47E-01	-0.04	-0.08	-0.01	1.23E-02	3.45E-02	-0.02	-0.03	0.00	4.97E-02	6.62E-02	2.13		1.45E-01
232	PC O-18:0/18:2	-0.11	-0.13	-0.08	1.65E-23	1.48E-22	0.02	-0.02	0.06	2.60E-01	4.00E-01	-0.07	-0.09	-0.05	1.09E-11	4.04E-11	29.18		6.60E-08
233	PC O-18:1/18:2	-0.01	-0.03	0.01	3.15E-01	3.62E-01	0.00	-0.04	0.03	8.08E-01	8.79E-01	-0.01	-0.02	0.01	3.95E-01	4.42E-01	0.24		6.27E-01
234	PC O-16:0/20:3	-0.09	-0.11	-0.07	3.69E-17	2.09E-16	0.02	-0.02	0.06	2.41E-01	3.78E-01	-0.07	-0.09	-0.05	9.29E-14	3.96E-13	23.24		1.43E-06
235	PC O-16:0/20:4	-0.05	-0.07	-0.02	2.14E-05	4.47E-05	0.00	-0.04	0.03	8.23E-01	8.89E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.42E-03	2.43E-03	5.19		2.27E-02
236	PC O-36:5	0.06	0.03	0.08	5.30E-07	1.31E-06	0.10	0.06	0.14	2.29E-06	3.35E-05	0.07	0.05	0.09	4.52E-11	1.60E-10	2.76		9.65E-02
237	PC O-18:0/20:4	-0.15	-0.18	-0.13	1.31E-46	2.80E-45	-0.01	-0.05	0.03	7.57E-01	8.40E-01	-0.11	-0.13	-0.09	1.42E-24	1.28E-23	33.84		5.98E-09
238	PC O-38:5	0.00	-0.02	0.02	8.58E-01	8.69E-01	-0.03	-0.07	0.01	1.24E-01	2.20E-01	-0.01	-0.02	0.01	5.11E-01	5.58E-01	1.73		1.89E-01
239	PC O-16:0/22:6	0.10	0.08	0.12	4.05E-20	2.76E-19	0.12	0.08	0.16	1.03E-09	3.61E-08	0.10	0.09	0.12	4.43E-30	5.10E-29	0.77		3.81E-01
240	PC O-40:5	-0.06	-0.08	-0.04	1.08E-08	3.23E-08	0.00	-0.04	0.04	9.69E-01	9.83E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.45E-07	3.75E-07	6.91		8.55E-03

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
241	PC O-18:0/22:6	0.04	0.02	0.06	3.05E-04	5.37E-04	0.13	0.09	0.17	1.46E-10	6.40E-09	0.06	0.04	0.08	2.09E-10	6.95E-10	15.56	8.00E-05	
242	PC P-16:0/14:0	-0.05	-0.07	-0.03	5.06E-06	1.16E-05	0.04	0.00	0.07	3.90E-02	8.60E-02	-0.03	-0.05	-0.01	1.67E-03	2.83E-03	19.15	1.21E-05	
243	PC P-16:0/16:0	-0.01	-0.03	0.01	3.25E-01	3.72E-01	0.01	-0.02	0.04	4.03E-01	5.45E-01	0.00	-0.02	0.01	6.51E-01	6.90E-01	1.18	2.77E-01	
244	PC P-16:0/16:1	0.01	-0.01	0.02	3.81E-01	4.29E-01	0.03	0.00	0.06	4.10E-02	8.94E-02	0.01	0.00	0.03	4.08E-02	5.63E-02	1.37	2.43E-01	
245	PC P-16:0/18:0	-0.07	-0.09	-0.05	3.23E-14	1.42E-13	0.02	-0.01	0.05	2.88E-01	4.32E-01	-0.04	-0.06	-0.03	6.26E-07	1.55E-06	23.94	9.96E-07	
246	PC P-16:0/18:1	-0.04	-0.05	-0.02	7.48E-06	1.65E-05	-0.01	-0.04	0.02	4.00E-01	5.43E-01	-0.03	-0.05	-0.02	6.80E-07	1.67E-06	3.07	7.96E-02	
247	PC P-16:0/18:2	0.00	-0.02	0.02	9.88E-01	9.88E-01	0.04	0.01	0.07	6.74E-03	2.21E-02	0.01	0.00	0.03	1.47E-01	1.80E-01	4.73	2.97E-02	
248	PC P-16:0/18:3	-0.04	-0.06	-0.01	1.03E-03	1.71E-03	0.06	0.02	0.09	1.75E-03	7.33E-03	-0.01	-0.03	0.01	5.49E-01	5.96E-01	20.77	5.19E-06	
249	PC P-35:2 [a]	-0.05	-0.07	-0.03	3.93E-07	9.88E-07	0.06	0.02	0.09	1.29E-03	5.91E-03	-0.02	-0.04	-0.01	9.67E-03	1.49E-02	28.61	8.87E-08	
250	PC P-35:2 [b]	-0.05	-0.07	-0.02	1.88E-05	3.98E-05	0.06	0.02	0.10	1.37E-03	6.22E-03	-0.02	-0.04	0.00	7.74E-02	1.01E-01	20.89	4.86E-06	
251	PC P-15:0/20:4 [a]	-0.05	-0.07	-0.02	5.80E-05	1.15E-04	0.06	0.02	0.10	8.07E-03	2.51E-02	-0.02	-0.04	0.00	7.74E-02	1.01E-01	20.89	4.86E-06	
252	PC P-15:0/20:4 [b]	-0.03	-0.05	-0.01	1.40E-02	2.02E-02	0.04	0.00	0.08	5.97E-02	1.21E-01	-0.02	-0.03	0.00	7.96E-02	1.03E-01	9.41	2.16E-03	
253	PC P-18:1/18:1	-0.04	-0.05	-0.02	2.80E-05	5.78E-05	-0.03	-0.06	0.00	2.38E-02	5.85E-02	-0.04	-0.05	-0.02	2.83E-08	8.13E-08	0.34	5.59E-01	
254	PC P-18:0/18:2	-0.04	-0.06	-0.03	6.63E-06	1.48E-05	0.04	0.01	0.08	1.56E-02	4.15E-02	-0.03	-0.04	-0.01	8.79E-05	1.75E-04	16.96	3.83E-05	
255	PC P-36:3	-0.04	-0.06	-0.02	4.79E-05	9.62E-05	0.03	0.00	0.06	9.07E-02	1.72E-01	-0.02	-0.04	0.00	2.97E-02	4.13E-02	14.48	1.42E-04	
256	PC P-16:0/20:4	0.01	-0.01	0.03	4.98E-01	5.45E-01	-0.01	-0.04	0.03	6.62E-01	7.68E-01	0.01	-0.01	0.02	5.67E-01	6.05E-01	0.95	3.31E-01	
257	PC P-16:0/20:5	0.06	0.04	0.08	4.15E-08	1.16E-07	0.08	0.04	0.12	3.01E-05	2.75E-04	0.06	0.05	0.08	2.34E-12	9.26E-12	0.77	3.81E-01	
258	PC P-17:0/20:4 [a]	-0.06	-0.08	-0.04	7.76E-08	2.11E-07	0.05	0.01	0.09	1.54E-02	4.15E-02	-0.04	-0.06	-0.02	3.13E-05	6.54E-05	23.24	1.43E-06	
259	PC P-17:0/20:4 [b]	-0.03	-0.05	-0.01	3.00E-03	4.71E-03	0.03	-0.01	0.07	9.44E-02	1.78E-01	-0.02	-0.04	0.00	4.86E-02	6.51E-02	6.91	8.55E-03	
260	PC P-18:0/20:4	-0.03	-0.05	-0.01	1.39E-03	2.26E-03	0.01	-0.03	0.05	5.59E-01	6.87E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.36E-02	3.07	7.96E-02	
261	PC P-38:5 [a]	0.04	0.02	0.05	1.40E-04	2.60E-04	0.02	-0.01	0.05	3.08E-01	4.53E-01	0.04	0.02	0.05	1.45E-07	3.75E-07	1.37	2.43E-01	
262	PC P-38:5 [b]	0.01	-0.01	0.03	2.81E-01	3.26E-01	0.07	0.04	0.11	8.92E-05	6.90E-04	0.02	0.01	0.04	5.18E-03	8.22E-03	8.51	3.53E-03	
263	PC P-16:0/22:6	0.14	0.12	0.16	7.33E-43	1.29E-41	0.12	0.08	0.16	2.00E-10	8.29E-09	0.14	0.12	0.15	3.24E-50	7.12E-49	0.77	3.81E-01	
264	PC P-20:0/20:4	-0.01	-0.03	0.01	3.11E-01	3.59E-01	0.00	-0.03	0.04	8.45E-01	9.02E-01	-0.01	-0.02	0.01	3.95E-01	4.42E-01	0.24	6.27E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
265	PC P-18:0/22:5	0.00	-0.02	0.02	7.06E-01	7.41E-01	0.05	0.02	0.09	3.10E-03	1.15E-02	0.01	-0.01	0.03	1.65E-01	1.98E-01	5.91	1.51E-02	
266	PC P-18:0/22:6	0.10	0.08	0.12	2.05E-20	1.42E-19	0.13	0.09	0.16	2.24E-11	1.21E-09	0.11	0.09	0.12	8.21E-34	1.09E-32	2.13	1.45E-01	
267	PC P-18:1/22:6	0.13	0.11	0.15	3.69E-39	5.90E-38	0.09	0.06	0.13	3.47E-08	8.71E-07	0.12	0.10	0.14	6.73E-42	1.08E-40	3.78	5.18E-02	
268	LPC 0:0/14:0	0.02	0.00	0.04	8.81E-02	1.14E-01	0.04	0.00	0.08	3.44E-02	7.80E-02	0.02	0.01	0.04	8.55E-03	1.32E-02	0.77	3.81E-01	
269	LPC 14:0/0:0	0.02	-0.01	0.04	1.39E-01	1.73E-01	0.04	0.00	0.08	3.29E-02	7.59E-02	0.03	0.00	0.05	1.79E-02	2.63E-02	0.69	4.06E-01	
270	LPC 0:0/15:0	-0.03	-0.06	-0.01	3.73E-03	5.75E-03	0.05	0.01	0.09	1.00E-02	2.95E-02	-0.01	-0.03	0.01	4.86E-01	5.36E-01	11.05	8.87E-04	
271	LPC 15:0/0:0	-0.02	-0.04	0.01	1.32E-01	1.66E-01	0.05	0.01	0.09	2.20E-02	5.47E-02	0.00	-0.02	0.02	9.75E-01	9.84E-01	8.46	3.63E-03	
272	LPC 0:0/16:0	0.04	0.02	0.06	2.41E-04	4.31E-04	0.04	0.01	0.08	1.65E-02	4.34E-02	0.04	0.02	0.06	6.34E-06	1.41E-05	0.00	1.00E+00	
273	LPC 16:0/0:0	0.03	0.01	0.05	6.57E-03	9.93E-03	0.04	0.00	0.07	5.03E-02	1.07E-01	0.03	0.02	0.05	2.48E-04	4.69E-04	0.24	6.27E-01	
274	LPC 0:0/16:1	0.02	0.00	0.04	1.35E-01	1.69E-01	0.03	-0.01	0.07	9.10E-02	1.72E-01	0.02	0.00	0.04	1.59E-02	2.36E-02	0.19	6.61E-01	
275	LPC 16:1/0:0	0.01	-0.02	0.03	6.40E-01	6.79E-01	0.04	0.00	0.08	3.01E-02	7.09E-02	0.02	0.00	0.04	8.85E-02	1.13E-01	1.55	2.13E-01	
276	LPC 0:0/16:0;Me	-0.05	-0.08	-0.03	1.33E-06	3.15E-06	0.06	0.02	0.10	3.07E-03	1.15E-02	-0.02	-0.04	0.00	7.74E-02	1.01E-01	20.89	4.86E-06	
277	LPC 16:0;Me/0:0 LPC 0:0/17:0	-0.04	-0.06	-0.01	1.79E-03	2.87E-03	0.06	0.02	0.10	1.58E-03	6.75E-03	-0.01	-0.03	0.01	2.71E-01	3.13E-01	17.27	3.25E-05	
278	LPC 16:0;Me/0:0 (PI-104)	-0.05	-0.08	-0.03	1.41E-06	3.33E-06	0.05	0.01	0.09	1.04E-02	3.00E-02	-0.02	-0.04	0.00	4.28E-02	5.89E-02	17.27	3.25E-05	
279	LPC 17:0/0:0	0.01	-0.01	0.03	5.20E-01	5.64E-01	0.09	0.05	0.13	1.79E-05	1.80E-04	0.03	0.01	0.04	4.39E-03	7.00E-03	12.29	4.55E-04	
280	LPC 0:0/17:1 [a]	-0.04	-0.06	-0.02	2.08E-04	3.78E-04	0.05	0.01	0.09	1.90E-02	4.87E-02	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.36E-02	15.56	8.00E-05	
281	LPC 17:1/0:0	-0.04	-0.06	-0.02	5.83E-04	9.92E-04	0.05	0.01	0.09	7.94E-03	2.49E-02	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.36E-02	15.56	8.00E-05	
282	LPC 17:1/0:0 [a] (PI-104)	-0.04	-0.06	-0.02	4.38E-04	7.58E-04	0.06	0.02	0.10	5.06E-03	1.74E-02	-0.02	-0.04	0.00	2.84E-02	3.97E-02	19.21	1.17E-05	
283	LPC 17:1/0:0 [b]	-0.10	-0.13	-0.08	7.24E-21	5.20E-20	-0.01	-0.05	0.03	6.98E-01	8.00E-01	-0.07	-0.10	-0.05	4.92E-12	1.92E-11	13.99	1.84E-04	
284	LPC 0:0/18:0	0.02	0.00	0.04	7.33E-02	9.72E-02	0.07	0.03	0.10	2.77E-04	1.62E-03	0.03	0.01	0.05	2.66E-04	5.01E-04	5.91	1.51E-02	
285	LPC 18:0/0:0	0.02	-0.01	0.04	1.46E-01	1.80E-01	0.07	0.03	0.10	3.57E-04	2.01E-03	0.04	0.02	0.06	3.79E-04	7.08E-04	5.19	2.27E-02	
286	LPC 0:0/18:1	-0.01	-0.03	0.01	5.66E-01	6.10E-01	-0.03	-0.07	0.01	1.19E-01	2.14E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.25E-01	1.55E-01	0.77	3.81E-01	
287	LPC 18:1/0:0	-0.02	-0.04	0.00	1.03E-01	1.31E-01	-0.03	-0.07	0.01	9.62E-02	1.80E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.36E-02	0.19	6.61E-01	
288	LPC 0:0/18:2	0.04	0.02	0.06	1.70E-04	3.14E-04	0.02	-0.02	0.06	2.91E-01	4.32E-01	0.04	0.02	0.05	8.00E-05	1.60E-04	0.77	3.81E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
289	LPC 18:2/0:0	0.03	0.01	0.05	3.40E-03	5.31E-03	0.02	-0.02	0.06	3.99E-01	5.43E-01	0.03	0.01	0.05	2.16E-03	3.52E-03	0.19		6.61E-01
290	LPC 0:0/18:3 [a]	0.01	-0.01	0.04	2.25E-01	2.67E-01	0.02	-0.02	0.06	2.68E-01	4.09E-01	0.01	-0.01	0.03	2.36E-01	2.79E-01	0.17		6.78E-01
291	LPC 18:3/0:0	0.00	-0.02	0.02	8.78E-01	8.87E-01	0.01	-0.03	0.05	7.53E-01	8.37E-01	0.00	-0.02	0.02	8.27E-01	8.40E-01	0.19		6.61E-01
292	LPC 18:3/0:0 [a] (PI-104)	0.02	0.00	0.04	8.79E-02	1.14E-01	0.02	-0.02	0.06	4.31E-01	5.73E-01	0.02	0.00	0.04	2.84E-02	3.97E-02	0.00		1.00E+00
293	LPC 18:3/0:0 [b]	-0.03	-0.05	-0.01	4.52E-03	6.89E-03	-0.02	-0.06	0.02	3.46E-01	4.93E-01	-0.03	-0.05	-0.01	2.16E-03	3.52E-03	0.19		6.61E-01
294	LPC 0:0/19:0 [a]	0.01	-0.01	0.03	5.03E-01	5.49E-01	0.07	0.03	0.11	4.25E-04	2.37E-03	0.02	0.00	0.04	1.59E-02	2.36E-02	6.91		8.55E-03
295	LPC 19:0/0:0	0.04	0.02	0.06	1.10E-04	2.07E-04	0.09	0.05	0.12	7.17E-06	8.86E-05	0.05	0.03	0.07	3.55E-09	1.07E-08	5.91		1.51E-02
296	LPC 19:0/0:0 [a] (PI-104)	0.00	-0.02	0.03	7.82E-01	8.08E-01	0.10	0.06	0.14	4.64E-07	9.06E-06	0.03	0.01	0.05	9.40E-03	1.45E-02	17.27		3.25E-05
297	LPC 19:0/0:0 [b]	0.07	0.05	0.10	3.02E-11	1.07E-10	0.08	0.04	0.12	3.43E-05	3.09E-04	0.07	0.05	0.09	1.68E-11	6.12E-11	0.17		6.78E-01
298	LPC 19:1 [a]	-0.01	-0.03	0.01	3.28E-01	3.74E-01	0.07	0.03	0.11	6.22E-04	3.21E-03	0.01	-0.01	0.02	5.11E-01	5.58E-01	12.29		4.55E-04
299	LPC 19:1 [b]	-0.02	-0.04	0.00	8.85E-02	1.14E-01	0.06	0.02	0.09	5.07E-03	1.74E-02	0.00	-0.02	0.02	9.72E-01	9.82E-01	15.13		1.00E-04
300	LPC 19:1 [c]	0.01	-0.01	0.03	4.06E-01	4.55E-01	0.04	0.00	0.08	2.91E-02	6.96E-02	0.02	0.00	0.03	7.96E-02	1.03E-01	1.73		1.89E-01
301	LPC 0:0/20:0	0.09	0.07	0.11	4.68E-16	2.38E-15	0.05	0.01	0.09	1.32E-02	3.67E-02	0.08	0.06	0.10	2.60E-19	1.69E-18	3.07		7.96E-02
302	LPC 20:0/0:0	0.09	0.07	0.11	2.27E-17	1.31E-16	0.04	0.01	0.08	1.93E-02	4.91E-02	0.08	0.06	0.10	1.80E-18	1.12E-17	5.91		1.51E-02
303	LPC 0:0/20:1	0.11	0.08	0.13	3.42E-21	2.50E-20	0.06	0.02	0.10	4.66E-03	1.65E-02	0.10	0.07	0.12	7.23E-19	4.58E-18	4.32		3.77E-02
304	LPC 20:1/0:0	0.10	0.08	0.12	6.94E-19	4.44E-18	0.05	0.01	0.09	9.65E-03	2.90E-02	0.09	0.07	0.11	6.14E-23	5.08E-22	4.80		2.84E-02
305	LPC 0:0/20:2	0.09	0.06	0.11	1.57E-15	7.64E-15	0.06	0.02	0.10	1.54E-03	6.67E-03	0.08	0.06	0.10	4.64E-14	2.00E-13	1.55		2.13E-01
306	LPC 20:2/0:0	0.08	0.06	0.10	2.36E-13	9.94E-13	0.05	0.01	0.09	1.00E-02	2.95E-02	0.07	0.06	0.09	5.15E-16	2.62E-15	1.73		1.89E-01
307	LPC 0:0/20:3	0.03	0.01	0.05	1.49E-03	2.41E-03	0.02	-0.02	0.06	3.24E-01	4.68E-01	0.03	0.01	0.05	2.16E-03	3.52E-03	0.19		6.61E-01
308	LPC 20:3/0:0	0.01	-0.01	0.03	2.60E-01	3.04E-01	0.01	-0.03	0.05	6.61E-01	7.68E-01	0.01	-0.01	0.03	2.73E-01	3.15E-01	0.00		1.00E+00
309	LPC 0:0/20:4	0.05	0.03	0.08	4.61E-07	1.15E-06	0.00	-0.04	0.05	8.80E-01	9.19E-01	0.04	0.02	0.06	6.11E-04	1.11E-03	3.62		5.69E-02
310	LPC 20:4/0:0	0.05	0.02	0.07	4.31E-05	8.72E-05	0.01	-0.04	0.05	8.00E-01	8.74E-01	0.04	0.02	0.06	2.75E-04	5.16E-04	2.32		1.28E-01
311	LPC 0:0/20:5	0.09	0.07	0.11	6.25E-18	3.70E-17	0.08	0.04	0.12	1.64E-04	1.13E-03	0.09	0.07	0.11	5.32E-22	4.20E-21	0.19		6.61E-01
312	LPC 20:5/0:0	0.09	0.07	0.11	1.49E-15	7.32E-15	0.07	0.03	0.12	5.50E-04	2.91E-03	0.09	0.07	0.10	1.43E-20	1.03E-19	0.63		4.26E-01

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
313	LPC 0:0/22:0	0.11	0.08	0.13	4.39E-23	3.72E-22	0.06	0.02	0.09	5.56E-03	1.88E-02	0.09	0.07	0.11	2.95E-19	1.90E-18	5.19	2.27E-02	
314	LPC 22:0/0:0	0.11	0.09	0.13	5.20E-27	5.71E-26	0.06	0.02	0.10	1.49E-03	6.58E-03	0.10	0.08	0.12	6.17E-28	6.47E-27	4.80	2.84E-02	
315	LPC 0:0/22:1	0.10	0.08	0.12	1.14E-20	8.09E-20	0.09	0.05	0.13	1.37E-05	1.46E-04	0.10	0.08	0.12	6.78E-27	6.62E-26	0.19	6.61E-01	
316	LPC 22:1/0:0	0.10	0.08	0.13	1.05E-21	7.91E-21	0.10	0.06	0.14	3.52E-06	4.76E-05	0.10	0.08	0.12	2.35E-20	1.67E-19	0.00	1.00E+00	
317	LPC 0:0/22:4	-0.04	-0.06	-0.02	5.44E-04	9.35E-04	-0.01	-0.05	0.03	5.31E-01	6.67E-01	-0.03	-0.05	-0.02	1.95E-04	3.78E-04	1.73	1.89E-01	
318	LPC 22:4/0:0	-0.04	-0.06	-0.02	2.79E-04	4.93E-04	-0.01	-0.05	0.03	6.66E-01	7.71E-01	-0.03	-0.05	-0.02	1.95E-04	3.78E-04	1.73	1.89E-01	
319	LPC 0:0/22:5 [n3]	0.03	0.01	0.05	9.93E-03	1.48E-02	0.08	0.03	0.12	2.72E-04	1.60E-03	0.04	0.02	0.06	4.10E-05	8.50E-05	3.96	4.66E-02	
320	LPC 22:5 [n3]/0:0 LPC 22:5 [n6]/0:0	0.00	-0.02	0.03	6.61E-01	6.97E-01	0.06	0.02	0.10	4.90E-03	1.71E-02	0.02	0.00	0.04	1.19E-01	1.49E-01	6.22	1.27E-02	
321	LPC 22:5 [n3]/0:0 [PI-104]	0.01	-0.01	0.04	1.85E-01	2.22E-01	0.08	0.04	0.12	2.47E-04	1.51E-03	0.03	0.01	0.05	6.10E-03	9.59E-03	8.46	3.63E-03	
322	LPC 22:5 [n6]/0:0	-0.03	-0.06	-0.01	1.83E-03	2.92E-03	-0.02	-0.06	0.02	4.05E-01	5.47E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.19E-02	1.81E-02	0.17	6.78E-01	
323	LPC 0:0/22:6	0.18	0.16	0.21	4.45E-63	2.09E-61	0.15	0.11	0.19	5.81E-13	8.17E-11	0.17	0.15	0.19	1.15E-56	3.12E-55	1.55	2.13E-01	
324	LPC 22:6/0:0	0.18	0.16	0.20	3.89E-59	1.52E-57	0.15	0.11	0.19	2.47E-12	2.17E-10	0.17	0.16	0.19	4.96E-81	5.81E-79	1.73	1.89E-01	
325	LPC 0:0/24:0	0.14	0.12	0.16	1.38E-44	2.69E-43	0.08	0.04	0.12	1.76E-05	1.79E-04	0.13	0.11	0.15	1.10E-44	1.89E-43	6.91	8.55E-03	
326	LPC 24:0/0:0	0.15	0.13	0.16	1.09E-49	2.85E-48	0.07	0.03	0.11	1.31E-04	9.18E-04	0.14	0.13	0.15	3.64E-85	8.53E-83	13.47	2.42E-04	
327	LPC 0:0/26:0	0.11	0.09	0.13	2.31E-28	2.75E-27	0.05	0.02	0.09	4.27E-03	1.53E-02	0.10	0.08	0.11	6.00E-27	5.94E-26	8.51	3.53E-03	
328	LPC 26:0/0:0	0.10	0.08	0.12	1.38E-23	1.27E-22	0.07	0.04	0.11	6.71E-05	5.36E-04	0.09	0.08	0.11	1.41E-25	1.30E-24	2.13	1.45E-01	
329	LPC O-16:0/0:0	-0.02	-0.04	0.00	8.61E-02	1.12E-01	0.06	0.02	0.10	1.62E-03	6.80E-03	0.00	-0.02	0.01	6.61E-01	6.92E-01	12.29	4.55E-04	
330	LPC O-18:0/0:0	-0.09	-0.11	-0.07	1.41E-16	7.58E-16	0.05	0.01	0.09	1.89E-02	4.87E-02	-0.06	-0.08	-0.04	1.10E-11	4.04E-11	37.65	8.47E-10	
331	LPC O-18:1/0:0	0.02	0.00	0.04	9.84E-02	1.26E-01	0.01	-0.03	0.05	4.76E-01	6.15E-01	0.02	0.00	0.04	4.86E-02	6.51E-02	0.19	6.61E-01	
332	LPC O-20:0/0:0	-0.03	-0.06	-0.01	1.35E-03	2.20E-03	0.05	0.01	0.09	1.36E-02	3.76E-02	-0.01	-0.03	0.01	4.86E-01	5.36E-01	11.05	8.87E-04	
333	LPC O-20:1/0:0	0.01	-0.02	0.03	6.26E-01	6.66E-01	0.04	0.00	0.08	5.32E-02	1.12E-01	0.02	0.00	0.04	8.85E-02	1.13E-01	1.55	2.13E-01	
334	LPC O-22:0/0:0	0.02	-0.01	0.04	1.43E-01	1.77E-01	0.08	0.04	0.12	8.94E-05	6.90E-04	0.04	0.02	0.06	6.56E-04	1.18E-03	6.22	1.27E-02	
335	LPC O-22:1/0:0	0.06	0.04	0.08	3.25E-08	9.25E-08	0.04	0.00	0.08	5.94E-02	1.21E-01	0.06	0.04	0.07	8.47E-10	2.76E-09	0.77	3.81E-01	
336	LPC O-24:0/0:0	0.06	0.03	0.08	3.72E-07	9.38E-07	0.09	0.05	0.13	1.75E-06	2.67E-05	0.07	0.05	0.09	2.51E-10	8.33E-10	1.55	2.13E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
337	LPC O-24:1/0:0	0.09	0.07	0.11	1.10E-15	5.43E-15	0.06	0.02	0.11	1.61E-03	6.80E-03	0.09	0.07	0.10	7.43E-20	5.12E-19	1.43		2.32E-01
338	LPC O-24:2/0:0	0.16	0.14	0.18	1.24E-48	2.82E-47	0.13	0.09	0.17	5.58E-10	2.06E-08	0.15	0.14	0.17	7.06E-64	2.26E-62	1.73		1.89E-01
339	LPC P-16:0/0:0	0.02	0.00	0.05	3.64E-02	5.02E-02	0.08	0.04	0.12	2.58E-05	2.43E-04	0.04	0.02	0.06	6.56E-04	1.18E-03	6.22		1.27E-02
340	LPC P-17:0/0:0 [a]	-0.04	-0.07	-0.02	1.11E-04	2.09E-04	0.09	0.05	0.13	3.79E-06	5.03E-05	0.00	-0.02	0.02	7.47E-01	7.80E-01	29.18		6.60E-08
341	LPC P-17:0/0:0 [b]	-0.03	-0.05	-0.01	1.15E-02	1.69E-02	0.08	0.04	0.12	1.08E-04	7.99E-04	-0.01	-0.03	0.01	3.81E-01	4.30E-01	23.24		1.43E-06
342	LPC P-18:0/0:0	-0.02	-0.04	0.01	1.68E-01	2.03E-01	0.09	0.06	0.13	1.40E-06	2.22E-05	0.02	0.00	0.04	9.82E-02	1.25E-01	25.13		5.37E-07
343	LPC P-18:1/0:0	0.03	0.01	0.06	3.73E-03	5.75E-03	0.06	0.02	0.10	1.81E-03	7.50E-03	0.04	0.02	0.06	3.81E-04	7.09E-04	1.55		2.13E-01
344	LPC P-20:0/0:0	0.05	0.03	0.07	9.83E-06	2.15E-05	0.03	-0.01	0.07	1.18E-01	2.12E-01	0.05	0.03	0.06	4.65E-07	1.16E-06	0.77		3.81E-01
345	PE 16:0 16:0	0.02	0.00	0.04	4.11E-02	5.64E-02	-0.01	-0.04	0.02	5.31E-01	6.67E-01	0.01	-0.01	0.03	2.05E-01	2.42E-01	2.66		1.03E-01
346	PE 16:0 16:1	-0.04	-0.06	-0.02	1.37E-05	2.94E-05	-0.02	-0.06	0.02	2.84E-01	4.29E-01	-0.04	-0.05	-0.02	8.00E-05	1.60E-04	0.77		3.81E-01
347	PE 16:0 18:1	-0.03	-0.05	-0.01	3.00E-03	4.71E-03	-0.06	-0.09	-0.02	1.17E-03	5.51E-03	-0.04	-0.05	-0.02	2.45E-05	5.18E-05	2.13		1.45E-01
348	PE 16:0 18:2	-0.01	-0.03	0.00	1.19E-01	1.50E-01	-0.05	-0.09	-0.02	5.04E-03	1.74E-02	-0.02	-0.03	0.00	2.12E-02	3.07E-02	4.24		3.95E-02
349	PE 16:1 18:2	-0.01	-0.03	0.01	1.52E-01	1.86E-01	-0.02	-0.06	0.02	3.11E-01	4.53E-01	-0.01	-0.03	0.01	1.89E-01	2.23E-01	0.19		6.61E-01
350	PE 16:0 18:3 [a]	-0.01	-0.03	0.00	1.45E-01	1.79E-01	-0.02	-0.06	0.02	3.25E-01	4.70E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.17E-01	1.47E-01	0.21		6.46E-01
351	PE 16:0 18:3 [b]	-0.05	-0.07	-0.03	5.92E-07	1.46E-06	-0.05	-0.09	-0.01	1.00E-02	2.95E-02	-0.05	-0.07	-0.03	4.29E-08	1.21E-07	0.00		1.00E+00
352	PE 16:0;Me 18:1	-0.08	-0.10	-0.06	1.14E-13	4.92E-13	-0.05	-0.09	-0.01	1.10E-02	3.15E-02	-0.07	-0.09	-0.06	5.15E-16	2.62E-15	1.73		1.89E-01
353	PE 17:0 18:1	-0.04	-0.06	-0.02	1.42E-05	3.04E-05	-0.05	-0.08	-0.01	6.98E-03	2.25E-02	-0.04	-0.06	-0.03	1.65E-06	3.79E-06	0.24		6.27E-01
354	PE 16:0;Me 18:2	-0.06	-0.08	-0.04	4.32E-10	1.44E-09	-0.03	-0.07	0.00	6.70E-02	1.34E-01	-0.05	-0.07	-0.04	2.87E-09	8.85E-09	2.13		1.45E-01
355	PE 17:0 18:2	-0.04	-0.06	-0.02	1.94E-04	3.56E-04	-0.03	-0.07	0.00	4.85E-02	1.04E-01	-0.04	-0.05	-0.02	2.26E-05	4.81E-05	0.24		6.27E-01
356	PE 36:0	0.02	0.00	0.04	1.18E-01	1.49E-01	-0.03	-0.07	0.00	7.53E-02	1.47E-01	0.01	-0.01	0.03	3.85E-01	4.35E-01	5.91		1.51E-02
357	PE 18:0 18:1	-0.01	-0.03	0.00	8.73E-02	1.13E-01	-0.07	-0.11	-0.04	1.05E-05	1.17E-04	-0.02	-0.03	-0.01	6.05E-03	9.53E-03	9.54		2.01E-03
358	PE 18:1 18:1	0.00	-0.02	0.02	7.18E-01	7.51E-01	-0.12	-0.15	-0.08	1.35E-10	6.34E-09	-0.03	-0.05	-0.01	8.56E-04	1.50E-03	34.04		5.39E-09
359	PE 18:0 18:2	-0.02	-0.04	0.00	1.86E-02	2.66E-02	-0.05	-0.09	-0.02	1.56E-03	6.73E-03	-0.03	-0.04	-0.01	2.00E-03	3.28E-03	2.13		1.45E-01
360	PE 18:1 18:2	0.00	-0.01	0.02	6.25E-01	6.65E-01	-0.08	-0.12	-0.05	1.02E-05	1.15E-04	-0.01	-0.03	0.00	7.76E-02	1.01E-01	16.96		3.83E-05

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
361	PE 16:0 20:3	-0.02	-0.04	0.00	1.59E-02	2.30E-02	-0.05	-0.08	-0.01	8.06E-03	2.51E-02	-0.03	-0.04	-0.01	2.00E-03	3.28E-03	2.13		1.45E-01
362	PE 16:0 20:4	-0.01	-0.02	0.01	5.18E-01	5.63E-01	-0.06	-0.10	-0.02	1.18E-03	5.52E-03	-0.02	-0.03	0.00	2.41E-02	3.43E-02	5.26		2.18E-02
363	PE 16:1 20:4	0.02	0.00	0.04	3.61E-02	5.00E-02	-0.02	-0.05	0.02	4.17E-01	5.58E-01	0.01	-0.01	0.03	2.52E-01	2.94E-01	3.78		5.18E-02
364	PE 16:0 20:5	0.04	0.02	0.06	2.04E-05	4.29E-05	0.01	-0.03	0.04	7.52E-01	8.36E-01	0.03	0.02	0.05	2.32E-04	4.41E-04	2.13		1.45E-01
365	PE 16:0;Me 20:4	-0.05	-0.07	-0.03	4.95E-07	1.23E-06	-0.02	-0.06	0.02	3.10E-01	4.53E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.43E-06	3.39E-06	1.73		1.89E-01
366	PE 17:0 20:4	-0.01	-0.03	0.01	1.63E-01	1.98E-01	-0.02	-0.06	0.01	1.91E-01	3.17E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.60E-01	1.92E-01	0.24		6.27E-01
367	PE 18:0 20:3 [a]	0.00	-0.02	0.02	9.45E-01	9.46E-01	-0.03	-0.07	0.00	3.60E-02	8.09E-02	-0.01	-0.02	0.01	4.05E-01	4.50E-01	2.13		1.45E-01
368	PE 18:0 20:3 [b]	-0.07	-0.09	-0.05	1.47E-12	5.93E-12	-0.09	-0.13	-0.06	1.09E-06	1.91E-05	-0.07	-0.09	-0.06	2.75E-17	1.55E-16	0.95		3.31E-01
369	PE 18:0 20:4	0.00	-0.02	0.01	5.72E-01	6.15E-01	-0.06	-0.10	-0.03	3.45E-04	1.97E-03	-0.01	-0.02	0.00	1.86E-01	2.22E-01	9.54		2.01E-03
370	PE 38:5 [a]	0.00	-0.02	0.02	8.26E-01	8.40E-01	-0.06	-0.10	-0.03	5.74E-04	3.01E-03	-0.01	-0.03	0.00	9.55E-02	1.22E-01	8.51		3.53E-03
371	PE 38:5 [b]	0.01	-0.01	0.03	1.89E-01	2.27E-01	-0.01	-0.04	0.03	5.94E-01	7.13E-01	0.01	-0.01	0.02	5.67E-01	6.05E-01	0.95		3.31E-01
372	PE 16:0 22:6	0.10	0.08	0.12	2.22E-23	1.98E-22	0.03	0.00	0.07	7.42E-02	1.46E-01	0.08	0.07	0.10	9.43E-21	6.98E-20	11.58		6.65E-04
373	PE 16:0;Me 22:6	0.05	0.03	0.07	2.37E-06	5.49E-06	0.05	0.01	0.09	9.74E-03	2.91E-02	0.05	0.03	0.07	4.29E-08	1.21E-07	0.00		1.00E+00
374	PE 17:0 22:6	0.08	0.06	0.10	1.49E-16	7.87E-16	0.05	0.01	0.09	8.89E-03	2.73E-02	0.07	0.06	0.09	5.15E-16	2.62E-15	1.73		1.89E-01
375	PE 18:0 22:4	-0.05	-0.07	-0.03	1.83E-07	4.88E-07	-0.04	-0.08	-0.01	2.43E-02	5.94E-02	-0.05	-0.06	-0.03	8.06E-08	2.16E-07	0.24		6.27E-01
376	PE 20:0 20:4	0.04	0.02	0.06	1.49E-04	2.77E-04	0.02	-0.03	0.06	4.98E-01	6.36E-01	0.04	0.02	0.05	8.29E-05	1.65E-04	0.63		4.26E-01
377	PE 18:0 22:5(n3)	-0.03	-0.04	-0.01	1.26E-03	2.06E-03	-0.02	-0.05	0.02	2.78E-01	4.21E-01	-0.03	-0.04	-0.01	5.25E-05	1.08E-04	0.26		6.07E-01
378	PE 18:0 22:5(n6)	-0.04	-0.06	-0.03	9.94E-07	2.40E-06	-0.08	-0.11	-0.04	1.37E-05	1.46E-04	-0.05	-0.06	-0.03	5.07E-11	1.78E-10	4.24		3.95E-02
379	PE 18:0 22:6	0.09	0.07	0.11	4.81E-24	4.63E-23	0.03	0.00	0.07	5.65E-02	1.17E-01	0.08	0.06	0.09	2.04E-17	1.16E-16	8.51		3.53E-03
380	PE 18:1 22:6 [a]	0.11	0.09	0.13	1.96E-29	2.46E-28	0.01	-0.02	0.05	5.10E-01	6.47E-01	0.09	0.07	0.10	5.55E-22	4.34E-21	23.64		1.16E-06
381	PE 18:1 22:6 [b]	0.05	0.03	0.07	3.19E-07	8.13E-07	0.04	0.01	0.08	2.13E-02	5.33E-02	0.05	0.03	0.06	8.06E-08	2.16E-07	0.24		6.27E-01
382	PE O-34:1	-0.05	-0.07	-0.03	6.65E-06	1.48E-05	-0.05	-0.09	-0.01	6.77E-03	2.21E-02	-0.05	-0.07	-0.03	4.29E-08	1.21E-07	0.00		1.00E+00
383	PE O-16:0/18:2	-0.02	-0.04	0.00	7.47E-02	9.89E-02	-0.01	-0.05	0.03	5.75E-01	6.95E-01	-0.02	-0.04	0.00	4.86E-02	6.51E-02	0.19		6.61E-01
384	PE O-18:1/18:2	0.02	0.00	0.04	4.66E-02	6.35E-02	-0.02	-0.05	0.02	4.40E-01	5.80E-01	0.01	-0.01	0.03	2.52E-01	2.94E-01	3.78		5.18E-02

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
385	PE O-16:0/20:3	-0.06	-0.08	-0.03	4.16E-07	1.04E-06	0.00	-0.04	0.04	8.35E-01	8.99E-01	-0.04	-0.06	-0.02	6.64E-05	1.36E-04	6.22		1.27E-02
386	PE O-16:0/20:4	-0.01	-0.03	0.01	3.30E-01	3.77E-01	-0.02	-0.06	0.02	3.10E-01	4.53E-01	-0.01	-0.03	0.01	1.89E-01	2.23E-01	0.19		6.61E-01
387	PE O-36:5	0.06	0.03	0.08	8.44E-07	2.07E-06	0.06	0.01	0.10	7.54E-03	2.39E-02	0.06	0.04	0.08	7.40E-08	2.02E-07	0.00		1.00E+00
388	PE O-16:0/22:4	-0.12	-0.14	-0.10	2.27E-29	2.80E-28	-0.10	-0.14	-0.06	1.42E-06	2.22E-05	-0.12	-0.13	-0.10	5.22E-37	7.80E-36	0.77		3.81E-01
389	PE O-18:0/20:4	-0.06	-0.08	-0.04	9.74E-08	2.63E-07	-0.02	-0.06	0.02	3.39E-01	4.85E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.22E-08	3.55E-08	3.07		7.96E-02
390	PE O-38:5 [a]	-0.08	-0.10	-0.06	2.75E-14	1.22E-13	-0.04	-0.08	-0.01	2.37E-02	5.84E-02	-0.07	-0.09	-0.05	2.41E-15	1.17E-14	3.78		5.18E-02
391	PE O-38:5 [b]	-0.04	-0.06	-0.01	9.74E-04	1.62E-03	0.03	-0.01	0.07	1.27E-01	2.25E-01	-0.02	-0.04	0.00	6.01E-02	7.94E-02	8.46		3.63E-03
392	PE O-16:0/22:6	0.09	0.07	0.11	1.56E-18	9.73E-18	0.06	0.02	0.09	3.43E-03	1.26E-02	0.08	0.07	0.10	1.11E-20	8.05E-20	2.13		1.45E-01
393	PE O-18:0/22:5	-0.16	-0.18	-0.14	7.11E-48	1.56E-46	-0.04	-0.08	0.00	3.03E-02	7.13E-02	-0.14	-0.15	-0.12	3.24E-50	7.12E-49	27.66		1.45E-07
394	PE O-18:0/22:6	0.03	0.01	0.05	1.11E-02	1.63E-02	0.06	0.02	0.10	1.15E-03	5.46E-03	0.04	0.02	0.05	8.00E-05	1.60E-04	1.73		1.89E-01
395	PE O-18:1/22:6	0.13	0.11	0.15	1.32E-33	1.79E-32	0.05	0.01	0.09	1.38E-02	3.79E-02	0.11	0.10	0.13	8.39E-36	1.20E-34	12.29		4.55E-04
396	PE P-15:0/22:6 [a]	0.00	-0.03	0.02	7.65E-01	7.91E-01	0.09	0.05	0.13	4.68E-05	4.06E-04	0.03	0.00	0.05	1.94E-02	2.82E-02	13.99		1.84E-04
397	PE P-15:0/22:6 [b]	0.04	0.02	0.07	4.44E-05	8.96E-05	0.04	0.00	0.08	5.45E-02	1.14E-01	0.04	0.02	0.06	2.17E-04	4.16E-04	0.00		1.00E+00
398	PE P-16:0/18:1	-0.10	-0.12	-0.08	5.79E-21	4.20E-20	-0.08	-0.12	-0.04	2.66E-05	2.46E-04	-0.10	-0.11	-0.08	7.10E-26	6.66E-25	0.77		3.81E-01
399	PE P-16:0/18:2	-0.06	-0.08	-0.04	1.14E-08	3.40E-08	-0.03	-0.07	0.01	9.55E-02	1.80E-01	-0.05	-0.07	-0.04	3.29E-09	1.00E-08	1.73		1.89E-01
400	PE P-16:0/18:3	-0.07	-0.09	-0.05	5.19E-11	1.83E-10	-0.01	-0.06	0.03	5.03E-01	6.41E-01	-0.06	-0.08	-0.04	1.15E-10	3.95E-10	5.70		1.69E-02
401	PE P-16:0/20:3 [a]	-0.07	-0.09	-0.04	2.60E-09	8.20E-09	-0.03	-0.07	0.02	2.16E-01	3.47E-01	-0.06	-0.08	-0.04	5.57E-08	1.55E-07	2.32		1.28E-01
402	PE P-16:0/20:3 [b]	-0.09	-0.12	-0.07	6.26E-18	3.70E-17	-0.07	-0.11	-0.03	7.70E-04	3.85E-03	-0.08	-0.11	-0.06	6.12E-15	2.83E-14	0.69		4.06E-01
403	PE P-16:0/20:4	0.00	-0.02	0.02	7.55E-01	7.83E-01	-0.01	-0.05	0.03	6.04E-01	7.22E-01	0.00	-0.02	0.02	8.27E-01	8.40E-01	0.19		6.61E-01
404	PE P-16:0/20:5	0.04	0.02	0.06	2.09E-04	3.79E-04	0.06	0.02	0.10	3.99E-03	1.44E-02	0.04	0.03	0.06	1.43E-06	3.39E-06	0.77		3.81E-01
405	PE P-16:0/22:4	-0.13	-0.15	-0.11	1.39E-39	2.27E-38	-0.05	-0.09	-0.01	2.69E-02	6.50E-02	-0.11	-0.13	-0.10	8.39E-36	1.20E-34	12.29		4.55E-04
406	PE P-16:0/22:5(n3)	-0.09	-0.11	-0.08	2.02E-21	1.49E-20	-0.05	-0.09	-0.01	9.13E-03	2.78E-02	-0.09	-0.10	-0.07	1.66E-32	2.05E-31	3.37		6.65E-02
407	PE P-16:0/22:5(n6)	-0.05	-0.07	-0.03	1.79E-07	4.80E-07	-0.10	-0.14	-0.06	1.23E-06	2.06E-05	-0.06	-0.08	-0.04	4.90E-11	1.73E-10	4.80		2.84E-02
408	PE P-16:0/22:6	0.11	0.09	0.13	2.38E-29	2.88E-28	0.06	0.02	0.10	2.89E-03	1.10E-02	0.10	0.08	0.12	6.17E-28	6.47E-27	4.80		2.84E-02

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
409	PE P-17:0/20:4 [a]	-0.05	-0.07	-0.03	1.89E-05	3.99E-05	0.01	-0.03	0.05	5.69E-01	6.93E-01	-0.04	-0.06	-0.02	3.13E-05	6.54E-05	6.91	8.55E-03	
410	PE P-17:0/20:4 [b]	-0.01	-0.03	0.01	2.98E-01	3.44E-01	0.00	-0.04	0.04	9.98E-01	9.98E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.81E-01	4.30E-01	0.19	6.61E-01	
411	PE P-17:0/22:6 [a]	0.06	0.03	0.08	2.67E-07	6.93E-07	0.10	0.06	0.14	1.15E-06	1.97E-05	0.07	0.05	0.09	4.52E-11	1.60E-10	2.76	9.65E-02	
412	PE P-17:0/22:6 [b]	0.09	0.06	0.11	5.86E-15	2.73E-14	0.08	0.04	0.12	1.84E-04	1.23E-03	0.09	0.07	0.11	7.56E-16	3.80E-15	0.17	6.78E-01	
413	PE P-18:0/18:1	-0.11	-0.13	-0.09	1.11E-23	1.04E-22	-0.06	-0.10	-0.02	1.52E-03	6.65E-03	-0.10	-0.12	-0.08	6.17E-28	6.47E-27	4.80	2.84E-02	
414	PE P-18:0/18:2	-0.09	-0.11	-0.07	8.25E-17	4.46E-16	-0.02	-0.05	0.02	4.40E-01	5.80E-01	-0.07	-0.09	-0.06	2.15E-16	1.15E-15	11.58	6.65E-04	
415	PE P-18:0/18:3	-0.03	-0.05	-0.01	8.97E-03	1.34E-02	-0.01	-0.05	0.03	7.06E-01	8.02E-01	-0.03	-0.04	-0.01	4.39E-03	7.00E-03	0.77	3.81E-01	
416	PE P-18:0/20:3 [a]	-0.10	-0.12	-0.07	9.44E-18	5.53E-17	-0.01	-0.05	0.03	6.33E-01	7.49E-01	-0.07	-0.10	-0.05	4.92E-12	1.92E-11	13.99	1.84E-04	
417	PE P-18:0/20:3 [b]	-0.11	-0.13	-0.08	1.61E-22	1.30E-21	-0.03	-0.07	0.01	9.78E-02	1.82E-01	-0.09	-0.11	-0.07	5.86E-16	2.96E-15	11.05	8.87E-04	
418	PE P-18:0/20:4	-0.03	-0.05	0.00	2.12E-02	3.01E-02	-0.01	-0.05	0.03	7.23E-01	8.10E-01	-0.02	-0.05	0.00	2.42E-02	3.43E-02	0.69	4.06E-01	
419	PE P-18:0/20:5	0.02	0.00	0.04	3.12E-02	4.38E-02	0.08	0.04	0.12	2.31E-04	1.45E-03	0.03	0.01	0.05	4.55E-04	8.30E-04	6.91	8.55E-03	
420	PE P-18:0/22:4	-0.18	-0.20	-0.16	8.41E-66	5.38E-64	-0.03	-0.07	0.02	2.03E-01	3.33E-01	-0.16	-0.17	-0.14	3.01E-62	8.82E-61	35.64	2.37E-09	
421	PE P-18:0/22:5(n3)	-0.15	-0.17	-0.13	1.14E-49	2.87E-48	-0.02	-0.06	0.02	4.10E-01	5.52E-01	-0.12	-0.14	-0.11	4.83E-42	7.89E-41	32.46	1.22E-08	
422	PE P-18:0/22:5(n6)	-0.11	-0.14	-0.09	3.27E-25	3.33E-24	-0.06	-0.10	-0.02	4.39E-03	1.57E-02	-0.10	-0.12	-0.07	7.23E-19	4.58E-18	4.32	3.77E-02	
423	PE P-18:0/22:6	0.08	0.06	0.10	1.69E-15	8.15E-15	0.08	0.04	0.12	5.70E-05	4.77E-04	0.08	0.06	0.10	1.86E-18	1.12E-17	0.00	1.00E+00	
424	PE P-18:1/18:1 [a]	-0.05	-0.07	-0.02	1.32E-05	2.86E-05	-0.07	-0.11	-0.03	2.51E-04	1.52E-03	-0.06	-0.08	-0.03	2.72E-07	6.95E-07	0.69	4.06E-01	
425	PE P-18:1/18:1 [b]	-0.09	-0.11	-0.07	7.53E-16	3.75E-15	0.00	-0.04	0.04	9.94E-01	9.97E-01	-0.07	-0.09	-0.05	3.05E-15	1.42E-14	15.56	8.00E-05	
426	PE P-18:1/18:2 [a]	-0.02	-0.04	0.00	1.01E-01	1.29E-01	-0.02	-0.06	0.02	3.86E-01	5.28E-01	-0.02	-0.04	0.00	2.84E-02	3.97E-02	0.00	1.00E+00	
427	PE P-18:1/18:2 [b]	-0.10	-0.13	-0.08	1.81E-20	1.27E-19	0.02	-0.02	0.06	3.27E-01	4.72E-01	-0.07	-0.09	-0.05	8.85E-10	2.85E-09	24.86	6.16E-07	
428	PE P-18:1/18:3	0.00	-0.02	0.03	6.82E-01	7.18E-01	-0.01	-0.05	0.03	5.34E-01	6.68E-01	0.00	-0.02	0.02	7.95E-01	8.11E-01	0.17	6.78E-01	
429	PE P-18:1/20:3 [a]	-0.07	-0.09	-0.05	2.93E-11	1.05E-10	-0.03	-0.07	0.01	1.24E-01	2.20E-01	-0.06	-0.08	-0.04	1.10E-11	4.04E-11	3.07	7.96E-02	
430	PE P-18:1/20:3 [b]	-0.12	-0.14	-0.09	1.71E-26	1.79E-25	-0.01	-0.05	0.03	7.07E-01	8.02E-01	-0.09	-0.11	-0.07	1.76E-16	9.50E-16	20.89	4.86E-06	
431	PE P-18:1/20:4 [a]	0.02	0.00	0.04	6.67E-02	8.88E-02	-0.02	-0.06	0.02	3.78E-01	5.21E-01	0.01	-0.01	0.03	1.89E-01	2.23E-01	3.07	7.96E-02	
432	PE P-18:1/20:4 [b]	-0.05	-0.07	-0.03	5.31E-06	1.21E-05	0.04	0.00	0.09	4.28E-02	9.32E-02	-0.04	-0.05	-0.02	1.63E-04	3.20E-04	12.83	3.41E-04	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
433	PE P-18:1/20:5 [a]	0.07	0.05	0.09	5.30E-12	2.04E-11	0.08	0.04	0.12	2.08E-04	1.34E-03	0.07	0.05	0.09	3.05E-15	1.42E-14	0.19	6.61E-01	
434	PE P-18:1/20:5 [b]	0.00	-0.02	0.02	7.92E-01	8.15E-01	0.09	0.05	0.13	1.07E-05	1.18E-04	0.02	0.00	0.04	4.86E-02	6.51E-02	15.56	8.00E-05	
435	PE P-18:1/22:4	-0.14	-0.16	-0.12	4.01E-39	6.16E-38	-0.09	-0.13	-0.04	5.15E-05	4.41E-04	-0.13	-0.15	-0.11	2.50E-45	4.39E-44	3.96	4.66E-02	
436	PE P-18:1/22:5 [a]	-0.08	-0.10	-0.06	6.49E-15	2.99E-14	-0.03	-0.07	0.00	8.01E-02	1.55E-01	-0.07	-0.09	-0.05	2.16E-14	9.62E-14	5.91	1.51E-02	
437	PE P-18:1/22:5 [b]	-0.08	-0.10	-0.06	1.60E-14	7.18E-14	-0.08	-0.12	-0.04	1.02E-04	7.63E-04	-0.08	-0.10	-0.06	1.86E-18	1.12E-17	0.00	1.00E+00	
438	PE P-18:1/22:6 [a]	0.16	0.14	0.18	2.06E-49	5.00E-48	0.08	0.04	0.12	2.37E-04	1.48E-03	0.14	0.13	0.16	4.43E-56	1.15E-54	12.29	4.55E-04	
439	PE P-18:1/22:6 [b]	0.04	0.02	0.07	4.14E-05	8.41E-05	0.13	0.09	0.16	3.14E-10	1.22E-08	0.07	0.05	0.09	1.17E-11	4.30E-11	16.82	4.11E-05	
440	PE P-19:0/20:4 [a]	-0.01	-0.03	0.02	6.14E-01	6.56E-01	0.00	-0.05	0.04	8.72E-01	9.13E-01	-0.01	-0.03	0.01	4.93E-01	5.43E-01	0.14	7.03E-01	
441	PE P-19:0/20:4 [b]	0.02	0.00	0.04	4.76E-02	6.47E-02	0.01	-0.03	0.05	6.36E-01	7.50E-01	0.02	0.00	0.04	4.86E-02	6.51E-02	0.19	6.61E-01	
442	PE P-20:0/18:1	-0.02	-0.04	0.00	5.37E-02	7.20E-02	-0.05	-0.09	-0.01	1.63E-02	4.30E-02	-0.03	-0.04	-0.01	4.39E-03	7.00E-03	1.73	1.89E-01	
443	PE P-20:0/18:2	0.02	-0.01	0.04	1.48E-01	1.82E-01	0.01	-0.03	0.05	5.57E-01	6.87E-01	0.02	0.00	0.04	1.12E-01	1.41E-01	0.17	6.78E-01	
444	PE P-20:0/20:4	0.05	0.03	0.07	1.29E-06	3.07E-06	0.00	-0.04	0.04	9.79E-01	9.88E-01	0.04	0.02	0.06	1.17E-05	2.54E-05	4.80	2.84E-02	
445	PE P-20:0/22:6	0.15	0.13	0.17	3.36E-49	7.87E-48	0.08	0.04	0.12	7.44E-05	5.87E-04	0.14	0.12	0.15	3.24E-50	7.12E-49	9.41	2.16E-03	
446	PE P-20:1/20:4	0.04	0.02	0.07	8.26E-05	1.60E-04	-0.01	-0.05	0.03	7.09E-01	8.02E-01	0.03	0.00	0.05	1.64E-02	2.42E-02	4.32	3.77E-02	
447	PE P-20:1/22:6	0.12	0.10	0.14	9.25E-28	1.07E-26	0.07	0.02	0.11	2.21E-03	8.73E-03	0.11	0.09	0.13	4.27E-33	5.46E-32	3.96	4.66E-02	
448	LPE 0:0/16:0	0.05	0.03	0.07	3.19E-06	7.35E-06	0.02	-0.01	0.06	2.15E-01	3.47E-01	0.04	0.03	0.06	1.51E-06	3.52E-06	2.13	1.45E-01	
449	LPE 16:0/0:0	0.05	0.03	0.07	1.76E-06	4.11E-06	0.03	-0.01	0.06	1.71E-01	2.87E-01	0.05	0.03	0.06	3.62E-07	9.19E-07	0.95	3.31E-01	
450	LPE 0:0/18:0	0.01	-0.01	0.03	2.48E-01	2.92E-01	0.01	-0.02	0.05	4.75E-01	6.15E-01	0.01	-0.01	0.03	2.59E-01	3.00E-01	0.00	1.00E+00	
451	LPE 18:0/0:0	0.02	0.00	0.03	1.17E-01	1.49E-01	0.00	-0.03	0.04	8.61E-01	9.09E-01	0.02	0.00	0.03	1.63E-02	2.41E-02	1.06	3.03E-01	
452	LPE 0:0/18:1	-0.03	-0.05	-0.01	7.98E-03	1.20E-02	-0.09	-0.13	-0.05	1.59E-05	1.65E-04	-0.04	-0.06	-0.02	4.19E-06	9.47E-06	6.91	8.55E-03	
453	LPE 18:1/0:0	-0.04	-0.06	-0.02	4.09E-04	7.11E-04	-0.09	-0.12	-0.05	2.02E-05	1.97E-04	-0.05	-0.07	-0.03	3.55E-09	1.07E-08	5.91	1.51E-02	
454	LPE 0:0/18:2	-0.05	-0.07	-0.02	3.62E-05	7.40E-05	-0.04	-0.08	0.00	3.54E-02	8.00E-02	-0.05	-0.07	-0.03	1.28E-05	2.78E-05	0.17	6.78E-01	
455	LPE 18:2/0:0	-0.06	-0.08	-0.04	2.25E-07	5.90E-07	-0.05	-0.09	-0.01	1.33E-02	3.68E-02	-0.06	-0.08	-0.04	2.09E-10	6.95E-10	0.19	6.61E-01	
456	LPE 0:0/20:4	-0.05	-0.07	-0.03	9.25E-06	2.03E-05	-0.07	-0.11	-0.03	1.48E-03	6.58E-03	-0.05	-0.07	-0.04	3.29E-09	1.00E-08	0.77	3.81E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
457	LPE 20:4/0:0	-0.06	-0.08	-0.04	7.71E-08	2.11E-07	-0.07	-0.11	-0.03	6.18E-04	3.21E-03	-0.06	-0.08	-0.04	1.10E-11	4.04E-11	0.19		6.61E-01
458	LPE 0:0/22:6	0.11	0.09	0.13	1.37E-24	1.34E-23	0.08	0.04	0.12	1.78E-04	1.20E-03	0.10	0.09	0.12	4.43E-30	5.10E-29	1.73		1.89E-01
459	LPE 22:6/0:0	0.11	0.09	0.13	4.73E-25	4.75E-24	0.06	0.02	0.10	2.96E-03	1.12E-02	0.10	0.08	0.12	6.17E-28	6.47E-27	4.80		2.84E-02
460	LPE P-16:0/0:0	0.00	-0.02	0.03	7.23E-01	7.54E-01	0.03	-0.02	0.07	2.54E-01	3.92E-01	0.01	-0.01	0.03	5.26E-01	5.71E-01	1.30		2.53E-01
461	LPE P-18:0/0:0	-0.02	-0.04	0.00	4.05E-02	5.57E-02	0.05	0.01	0.09	2.54E-02	6.20E-02	-0.01	-0.02	0.01	5.11E-01	5.58E-01	9.41		2.16E-03
462	LPE P-18:1/0:0	0.02	-0.01	0.04	1.74E-01	2.10E-01	0.01	-0.04	0.05	8.02E-01	8.74E-01	0.02	0.00	0.04	1.14E-01	1.43E-01	0.14		7.03E-01
463	LPE P-20:0/0:0	0.03	0.01	0.06	3.76E-03	5.79E-03	0.06	0.02	0.10	6.36E-03	2.10E-02	0.04	0.02	0.06	3.81E-04	7.09E-04	1.55		2.13E-01
464	PI 16:0/16:0	-0.01	-0.03	0.01	2.17E-01	2.58E-01	0.02	-0.02	0.06	3.86E-01	5.28E-01	0.00	-0.02	0.01	6.61E-01	6.92E-01	1.73		1.89E-01
465	PI 16:0 16:1	-0.05	-0.07	-0.03	1.17E-06	2.80E-06	0.01	-0.03	0.05	6.73E-01	7.74E-01	-0.04	-0.06	-0.02	3.13E-05	6.54E-05	6.91		8.55E-03
466	PI 34:0	-0.01	-0.03	0.01	5.56E-01	6.01E-01	0.02	-0.01	0.06	2.16E-01	3.47E-01	0.00	-0.02	0.01	7.68E-01	7.92E-01	2.13		1.45E-01
467	PI 34:1	-0.05	-0.07	-0.04	3.24E-08	9.25E-08	-0.03	-0.06	0.01	1.52E-01	2.64E-01	-0.05	-0.06	-0.03	2.61E-11	9.42E-11	1.06		3.03E-01
468	PI 16:0;Me 18:1 PI 17:0 18:1	-0.09	-0.12	-0.07	5.11E-17	2.84E-16	0.01	-0.03	0.04	7.27E-01	8.12E-01	-0.06	-0.08	-0.04	6.09E-08	1.68E-07	20.77		5.19E-06
469	PI 16:0;Me 18:2 PI 17:0 18:2	-0.01	-0.04	0.01	1.57E-01	1.91E-01	0.04	0.00	0.08	2.62E-02	6.34E-02	0.00	-0.02	0.03	7.08E-01	7.40E-01	4.32		3.77E-02
470	PI 18:0 18:1	-0.04	-0.06	-0.02	1.19E-05	2.58E-05	-0.04	-0.08	-0.01	2.14E-02	5.33E-02	-0.04	-0.06	-0.02	6.34E-06	1.41E-05	0.00		1.00E+00
471	PI 36:2	0.04	0.02	0.05	4.19E-04	7.28E-04	0.00	-0.03	0.04	8.54E-01	9.05E-01	0.03	0.02	0.05	1.55E-06	3.61E-06	4.24		3.95E-02
472	PI 18:1 18:2	0.06	0.04	0.08	3.77E-08	1.06E-07	-0.01	-0.05	0.03	5.61E-01	6.87E-01	0.05	0.03	0.06	4.65E-07	1.16E-06	9.41		2.16E-03
473	PI 16:0 20:3 [a]	0.01	-0.01	0.03	2.36E-01	2.79E-01	0.00	-0.04	0.03	8.22E-01	8.89E-01	0.01	-0.01	0.02	3.95E-01	4.42E-01	0.24		6.27E-01
474	PI 16:0 20:3 [b]	-0.05	-0.07	-0.03	9.94E-07	2.40E-06	-0.06	-0.09	-0.02	4.09E-03	1.47E-02	-0.05	-0.07	-0.04	3.19E-09	9.80E-09	0.24		6.27E-01
475	PI 16:0 20:4	-0.01	-0.02	0.01	4.87E-01	5.33E-01	-0.03	-0.06	0.01	1.13E-01	2.06E-01	-0.01	-0.03	0.00	6.25E-02	8.24E-02	1.06		3.03E-01
476	PI 16:0;Me 20:4 PI 17:0 20:4	-0.02	-0.04	0.00	2.72E-02	3.84E-02	0.01	-0.03	0.04	7.66E-01	8.46E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.54E-01	1.87E-01	2.13		1.45E-01
477	PI 37:6	0.00	-0.02	0.02	8.98E-01	9.05E-01	0.09	0.05	0.13	9.38E-06	1.08E-04	0.02	0.00	0.04	4.86E-02	6.51E-02	15.56		8.00E-05
478	PI 18:0 20:2	-0.01	-0.03	0.01	3.46E-01	3.93E-01	-0.04	-0.07	0.00	3.67E-02	8.19E-02	-0.02	-0.03	0.00	4.97E-02	6.62E-02	2.13		1.45E-01
479	PI 18:0 20:3 [a]	0.03	0.01	0.05	1.22E-02	1.79E-02	0.05	0.00	0.09	2.94E-02	6.99E-02	0.03	0.02	0.05	3.56E-04	6.66E-04	0.63		4.26E-01
480	PI 18:0 20:3 [b]	-0.06	-0.08	-0.04	1.46E-10	5.02E-10	-0.07	-0.11	-0.03	5.35E-04	2.85E-03	-0.06	-0.08	-0.04	1.10E-11	4.04E-11	0.19		6.61E-01

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
481	PI 18:0 20:4	0.03	0.01	0.05	1.72E-03	2.77E-03	-0.02	-0.05	0.02	2.76E-01	4.19E-01	0.02	0.00	0.04	4.58E-02	6.26E-02	5.91	1.51E-02	
482	PI 38:5 [a]	-0.02	-0.04	0.00	5.32E-02	7.14E-02	-0.03	-0.07	0.00	6.71E-02	1.34E-01	-0.02	-0.04	-0.01	1.12E-02	1.71E-02	0.24		6.27E-01
483	PI 38:5 [b]	-0.04	-0.06	-0.02	1.73E-04	3.19E-04	0.05	0.01	0.08	1.32E-02	3.67E-02	-0.02	-0.04	0.00	4.40E-02	6.03E-02	19.15	1.21E-05	
484	PI 38:6	0.07	0.05	0.09	6.40E-12	2.42E-11	0.08	0.04	0.12	5.34E-05	4.52E-04	0.07	0.05	0.09	3.05E-15	1.42E-14	0.19		6.61E-01
485	PI 39:6	0.07	0.05	0.09	1.06E-10	3.70E-10	0.10	0.06	0.14	3.12E-06	4.44E-05	0.08	0.06	0.09	8.28E-17	4.59E-16	1.73		1.89E-01
486	PI 18:0 22:4	-0.07	-0.09	-0.05	1.52E-11	5.53E-11	-0.04	-0.08	-0.01	1.55E-02	4.15E-02	-0.06	-0.08	-0.05	1.58E-12	6.37E-12	2.13		1.45E-01
487	PI 20:0 20:4	0.04	0.02	0.07	6.33E-05	1.25E-04	0.01	-0.03	0.05	7.01E-01	8.02E-01	0.03	0.01	0.05	3.51E-03	5.66E-03	1.55		2.13E-01
488	PI 18:0 22:5 [n3]	-0.02	-0.04	0.00	4.36E-02	5.96E-02	0.04	0.01	0.08	1.51E-02	4.08E-02	-0.01	-0.02	0.01	5.55E-01	6.00E-01	8.51	3.53E-03	
489	PI 18:0 22:5 [n6]	-0.06	-0.08	-0.04	6.50E-08	1.79E-07	-0.05	-0.09	-0.01	2.79E-02	6.68E-02	-0.06	-0.08	-0.04	2.09E-10	6.95E-10	0.19		6.61E-01
490	PI 18:0 22:6	0.09	0.07	0.11	4.09E-18	2.48E-17	0.10	0.06	0.14	1.46E-07	3.31E-06	0.09	0.07	0.11	6.76E-24	5.94E-23	0.19		6.61E-01
491	LPI 0:0/18:1	-0.03	-0.06	-0.01	3.31E-03	5.18E-03	-0.06	-0.11	-0.02	4.97E-03	1.73E-02	-0.04	-0.06	-0.02	8.84E-04	1.55E-03	1.30		2.53E-01
492	LPI 18:1/0:0	-0.05	-0.07	-0.03	8.40E-06	1.85E-05	-0.06	-0.10	-0.01	8.45E-03	2.62E-02	-0.05	-0.07	-0.03	3.04E-08	8.69E-08	0.16		6.91E-01
493	LPI 0:0/18:2	0.05	0.02	0.07	7.08E-05	1.38E-04	0.02	-0.02	0.06	4.01E-01	5.43E-01	0.04	0.02	0.06	1.21E-04	2.39E-04	1.55		2.13E-01
494	LPI 18:2/0:0	0.03	0.00	0.05	2.02E-02	2.88E-02	0.00	-0.04	0.05	8.51E-01	9.04E-01	0.02	0.00	0.04	3.98E-02	5.52E-02	1.30		2.53E-01
495	LPI 0:0/20:4	0.00	-0.03	0.02	6.81E-01	7.18E-01	-0.03	-0.07	0.01	1.59E-01	2.73E-01	-0.01	-0.03	0.01	4.36E-01	4.84E-01	1.55		2.13E-01
496	LPI 20:4/0:0	-0.01	-0.03	0.01	2.76E-01	3.21E-01	-0.06	-0.10	-0.01	9.66E-03	2.90E-02	-0.02	-0.04	0.00	5.04E-02	6.69E-02	3.96	4.66E-02	
497	PS 36:1	-0.03	-0.05	-0.01	1.37E-02	2.00E-02	0.02	-0.02	0.07	3.07E-01	4.51E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.97E-02	2.85E-02	3.96	4.66E-02	
498	PS 36:2	-0.06	-0.08	-0.04	2.59E-07	6.74E-07	0.03	-0.01	0.08	1.31E-01	2.30E-01	-0.05	-0.06	-0.03	1.28E-06	3.10E-06	12.83	3.41E-04	
499	PS 38:3	-0.05	-0.07	-0.02	9.94E-05	1.88E-04	0.04	0.00	0.08	7.68E-02	1.50E-01	-0.02	-0.05	0.00	2.23E-02	3.21E-02	13.99	1.84E-04	
500	PS 38:4	-0.05	-0.07	-0.02	7.99E-05	1.55E-04	0.03	-0.01	0.08	1.30E-01	2.28E-01	-0.03	-0.05	-0.01	5.24E-03	8.29E-03	9.28	2.32E-03	
501	PS 38:5	-0.04	-0.06	-0.01	2.07E-03	3.30E-03	0.04	-0.01	0.08	1.00E-01	1.85E-01	-0.02	-0.04	0.00	5.81E-02	7.69E-02	9.28	2.32E-03	
502	PS 40:5	-0.04	-0.06	-0.02	2.76E-04	4.90E-04	0.02	-0.02	0.06	3.51E-01	4.97E-01	-0.03	-0.05	-0.01	2.16E-03	3.52E-03	6.91	8.55E-03	
503	PS 40:6	0.06	0.04	0.09	3.58E-08	1.01E-07	0.09	0.04	0.13	1.14E-04	8.37E-04	0.07	0.05	0.09	1.79E-09	5.64E-09	1.30		2.53E-01
504	PG 34:1	0.01	-0.01	0.03	2.46E-01	2.90E-01	-0.03	-0.07	0.00	5.73E-02	1.18E-01	0.00	-0.02	0.02	9.86E-01	9.90E-01	3.78		5.18E-02

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
505	PG 36:1	-0.01	-0.02	0.01	3.73E-01	4.21E-01	-0.02	-0.06	0.01	1.66E-01	2.80E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.01E-01	1.28E-01	0.26	6.07E-01	
506	PG 36:2	0.00	-0.02	0.02	7.86E-01	8.11E-01	-0.01	-0.05	0.02	4.78E-01	6.16E-01	0.00	-0.02	0.01	7.81E-01	7.99E-01	0.24	6.27E-01	
507	CE 14:0	-0.01	-0.03	0.01	4.10E-01	4.58E-01	0.02	-0.02	0.06	3.11E-01	4.53E-01	0.00	-0.02	0.01	6.61E-01	6.92E-01	1.73	1.89E-01	
508	CE 15:0	-0.04	-0.06	-0.02	4.07E-05	8.29E-05	0.05	0.01	0.08	5.87E-03	1.95E-02	-0.02	-0.04	0.00	4.40E-02	6.03E-02	19.15	1.21E-05	
509	CE 16:0	0.06	0.04	0.07	6.15E-12	2.35E-11	0.05	0.01	0.08	4.80E-03	1.69E-02	0.06	0.04	0.07	9.65E-17	5.30E-16	0.26	6.07E-01	
510	CE 16:1	-0.04	-0.06	-0.02	3.18E-04	5.57E-04	0.00	-0.04	0.03	8.94E-01	9.30E-01	-0.03	-0.05	-0.01	6.65E-04	1.19E-03	3.78	5.18E-02	
511	CE 16:2	-0.02	-0.03	0.00	3.42E-02	4.75E-02	0.08	0.05	0.11	4.30E-07	8.63E-06	0.00	-0.01	0.01	1.00E+00	1.00E+00	34.15	5.11E-09	
512	CE 17:0	-0.09	-0.10	-0.07	3.23E-19	2.10E-18	0.06	0.02	0.10	9.45E-04	4.61E-03	-0.07	-0.09	-0.06	1.88E-23	1.64E-22	47.36	5.90E-12	
513	CE 17:1	-0.10	-0.12	-0.08	1.35E-24	1.34E-23	0.04	0.01	0.08	1.22E-02	3.43E-02	-0.07	-0.08	-0.05	1.39E-13	5.84E-13	46.34	9.96E-12	
514	CE 18:0	-0.08	-0.10	-0.06	1.71E-22	1.37E-21	0.03	0.00	0.06	2.94E-02	6.99E-02	-0.05	-0.06	-0.03	5.45E-08	1.52E-07	35.76	2.24E-09	
515	CE 18:1	-0.04	-0.06	-0.03	3.83E-08	1.07E-07	-0.04	-0.06	-0.01	1.11E-02	3.15E-02	-0.04	-0.05	-0.03	1.09E-09	3.47E-09	0.00	1.00E+00	
516	CE 18:2	0.03	0.01	0.04	1.17E-03	1.93E-03	0.05	0.02	0.07	4.40E-04	2.43E-03	0.04	0.02	0.05	7.52E-08	2.04E-07	1.81	1.79E-01	
517	CE 18:3	-0.01	-0.02	0.01	4.56E-01	5.04E-01	0.01	-0.02	0.04	6.50E-01	7.61E-01	-0.01	-0.02	0.01	3.81E-01	4.30E-01	1.37	2.43E-01	
518	CE 20:0	-0.01	-0.03	0.00	1.52E-01	1.86E-01	0.02	-0.01	0.05	1.84E-01	3.06E-01	0.00	-0.02	0.01	5.59E-01	6.00E-01	3.07	7.96E-02	
519	CE 20:1	0.02	0.00	0.04	2.10E-02	2.99E-02	0.05	0.02	0.08	1.52E-03	6.65E-03	0.03	0.01	0.05	5.76E-04	1.05E-03	2.66	1.03E-01	
520	CE 20:2	0.06	0.05	0.08	3.06E-12	1.21E-11	0.07	0.04	0.10	7.18E-06	8.86E-05	0.06	0.05	0.08	1.33E-19	9.02E-19	0.34	5.59E-01	
521	CE 20:3	0.01	-0.01	0.03	2.40E-01	2.83E-01	0.01	-0.03	0.04	7.59E-01	8.40E-01	0.01	-0.01	0.03	2.59E-01	3.00E-01	0.00	1.00E+00	
522	CE 20:4	0.05	0.04	0.07	3.29E-12	1.29E-11	0.05	0.02	0.08	7.73E-04	3.85E-03	0.05	0.04	0.06	2.78E-13	1.16E-12	0.00	1.00E+00	
523	CE 20:5	0.05	0.04	0.07	4.59E-10	1.52E-09	0.07	0.04	0.10	3.72E-05	3.27E-04	0.05	0.04	0.07	3.05E-15	1.42E-14	1.37	2.43E-01	
524	CE 22:0	0.04	0.02	0.06	6.17E-05	1.22E-04	0.06	0.02	0.09	6.30E-04	3.23E-03	0.04	0.03	0.06	3.97E-07	1.00E-06	0.95	3.31E-01	
525	CE 22:1	0.08	0.06	0.10	9.53E-14	4.14E-13	0.08	0.05	0.12	8.43E-06	1.01E-04	0.08	0.06	0.10	1.72E-19	1.13E-18	0.00	1.00E+00	
526	CE 22:4	-0.02	-0.03	0.00	8.20E-02	1.08E-01	0.00	-0.03	0.03	9.33E-01	9.60E-01	-0.02	-0.03	0.00	1.94E-02	2.82E-02	1.37	2.43E-01	
527	CE 22:6	0.15	0.13	0.17	6.36E-63	2.80E-61	0.13	0.09	0.17	4.14E-12	3.23E-10	0.15	0.13	0.16	1.34E-57	3.78E-56	0.77	3.81E-01	
528	CE 24:0	0.07	0.05	0.09	2.57E-11	9.23E-11	0.07	0.04	0.10	5.90E-05	4.88E-04	0.07	0.05	0.09	1.66E-16	9.02E-16	0.00	1.00E+00	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
529	CE 24:1	0.05	0.03	0.07	3.63E-07	9.19E-07	0.02	-0.01	0.06	1.65E-01	2.80E-01	0.04	0.03	0.06	1.51E-06	3.52E-06	2.13	1.45E-01	
530	CE 24:4	0.02	0.00	0.04	1.75E-02	2.51E-02	0.00	-0.04	0.03	9.27E-01	9.56E-01	0.02	0.00	0.03	8.88E-02	1.14E-01	0.95	3.31E-01	
531	CE 24:5	0.06	0.04	0.08	5.82E-09	1.80E-08	0.04	0.00	0.07	3.21E-02	7.51E-02	0.06	0.04	0.07	5.08E-10	1.67E-09	0.95	3.31E-01	
532	CE 24:6	0.09	0.07	0.11	1.66E-16	8.71E-16	0.07	0.03	0.11	4.97E-04	2.69E-03	0.09	0.07	0.10	4.39E-21	3.36E-20	0.77	3.81E-01	
533	COH	-0.02	-0.04	0.00	7.71E-02	1.02E-01	-0.01	-0.04	0.02	6.32E-01	7.49E-01	-0.02	-0.03	0.00	4.62E-02	6.30E-02	0.30	5.87E-01	
534	DE 16:0 SE 27:2/16:0	0.01	-0.01	0.04	2.50E-01	2.92E-01	0.02	-0.03	0.06	4.34E-01	5.76E-01	0.01	-0.01	0.03	2.68E-01	3.10E-01	0.14	7.03E-01	
535	DE 18:1 SE 27:2/18:1	-0.03	-0.05	-0.01	7.91E-04	1.33E-03	0.00	-0.04	0.03	9.56E-01	9.76E-01	-0.02	-0.04	-0.01	1.07E-02	1.63E-02	2.13	1.45E-01	
536	DE 18:2 SE 27:2/18:2	0.00	-0.02	0.02	9.26E-01	9.32E-01	0.02	-0.01	0.05	2.34E-01	3.70E-01	0.01	-0.01	0.02	4.69E-01	5.18E-01	1.18	2.77E-01	
537	DE 20:4 SE 27:2/20:4	0.02	0.00	0.04	2.75E-02	3.87E-02	0.01	-0.02	0.05	5.05E-01	6.42E-01	0.02	0.00	0.03	4.77E-02	6.48E-02	0.24	6.27E-01	
538	DE 20:5 SE 27:2/20:5	0.05	0.03	0.07	1.24E-06	2.95E-06	0.05	0.01	0.09	1.68E-02	4.40E-02	0.05	0.03	0.07	4.29E-08	1.21E-07	0.00	1.00E+00	
539	DE 22:6 SE 27:2/22:6	0.10	0.08	0.12	4.02E-20	2.76E-19	0.10	0.06	0.14	2.18E-07	4.78E-06	0.10	0.08	0.12	6.17E-28	6.47E-27	0.00	1.00E+00	
540	AC 12:0	-0.09	-0.11	-0.07	2.77E-15	1.32E-14	-0.03	-0.07	0.01	1.31E-01	2.30E-01	-0.08	-0.10	-0.06	1.27E-17	7.33E-17	6.91	8.55E-03	
541	AC 13:0	0.04	0.02	0.06	5.68E-04	9.69E-04	0.10	0.06	0.15	9.58E-07	1.73E-05	0.05	0.03	0.07	8.74E-08	2.34E-07	5.70	1.69E-02	
542	AC 14:0	-0.09	-0.11	-0.07	5.14E-17	2.84E-16	-0.01	-0.05	0.03	5.10E-01	6.47E-01	-0.07	-0.09	-0.06	5.15E-16	2.62E-15	12.29	4.55E-04	
543	AC 14:1	-0.08	-0.10	-0.05	1.12E-11	4.13E-11	-0.05	-0.09	-0.01	6.87E-03	2.23E-02	-0.07	-0.09	-0.05	3.66E-11	1.31E-10	1.55	2.13E-01	
544	AC 14:2	-0.02	-0.04	0.00	1.24E-01	1.56E-01	0.01	-0.03	0.04	7.93E-01	8.68E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.54E-01	1.87E-01	2.13	1.45E-01	
545	AC 15:0 [a]	-0.10	-0.12	-0.07	5.29E-17	2.90E-16	0.02	-0.02	0.06	3.35E-01	4.81E-01	-0.07	-0.09	-0.05	8.85E-10	2.85E-09	24.86	6.16E-07	
546	AC 15:0 [b]	-0.08	-0.10	-0.06	2.18E-12	8.70E-12	0.01	-0.02	0.05	4.66E-01	6.07E-01	-0.06	-0.08	-0.04	6.61E-11	2.30E-10	19.15	1.21E-05	
547	AC 16:0	-0.08	-0.10	-0.05	6.29E-12	2.39E-11	0.00	-0.04	0.04	9.14E-01	9.44E-01	-0.06	-0.08	-0.04	1.05E-07	2.78E-07	11.05	8.87E-04	
548	AC 16:1	-0.06	-0.08	-0.04	2.30E-08	6.68E-08	0.00	-0.04	0.03	8.22E-01	8.89E-01	-0.05	-0.06	-0.03	3.30E-07	8.41E-07	8.51	3.53E-03	
549	AC 18:0	-0.13	-0.15	-0.10	3.43E-33	4.55E-32	0.00	-0.04	0.04	9.95E-01	9.97E-01	-0.09	-0.11	-0.07	5.49E-18	3.19E-17	29.18	6.60E-08	
550	AC 18:1	-0.06	-0.08	-0.04	1.29E-07	3.45E-07	-0.02	-0.06	0.02	2.97E-01	4.37E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.22E-08	3.55E-08	3.07	7.96E-02	
551	AC 18:2	0.05	0.03	0.08	1.79E-06	4.16E-06	0.09	0.06	0.13	7.06E-07	1.34E-05	0.06	0.04	0.08	9.40E-10	3.02E-09	3.32	6.83E-02	
552	DG 14:0 16:0	0.00	-0.02	0.01	8.06E-01	8.26E-01	0.02	-0.01	0.05	2.51E-01	3.90E-01	0.00	-0.01	0.02	5.59E-01	6.00E-01	1.37	2.43E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
553	DG 16:0 16:0	-0.01	-0.03	0.00	9.00E-02	1.16E-01	-0.01	-0.04	0.02	3.60E-01	5.05E-01	-0.01	-0.02	0.00	1.44E-01	1.77E-01	0.00	1.00E+00	
554	DG 16:0 16:1	-0.01	-0.02	0.01	3.94E-01	4.42E-01	0.02	-0.01	0.05	1.58E-01	2.72E-01	0.00	-0.02	0.01	5.59E-01	6.00E-01	3.07	7.96E-02	
555	DG 14:0 18:2	0.05	0.03	0.06	3.10E-09	9.72E-09	0.06	0.03	0.09	6.69E-05	5.36E-04	0.05	0.04	0.07	3.04E-14	1.32E-13	0.34	5.59E-01	
556	DG 16:0 18:1	-0.02	-0.03	-0.01	6.20E-03	9.39E-03	-0.03	-0.05	0.00	2.01E-02	5.10E-02	-0.02	-0.03	-0.01	6.39E-06	1.42E-05	0.53	4.67E-01	
557	DG 16:1 18:1	0.00	-0.01	0.02	7.20E-01	7.52E-01	0.01	-0.02	0.04	4.77E-01	6.16E-01	0.00	-0.01	0.02	7.70E-01	7.92E-01	0.34	5.59E-01	
558	DG 16:0 18:2	0.04	0.03	0.05	2.46E-08	7.13E-08	0.03	0.00	0.05	4.96E-02	1.06E-01	0.04	0.03	0.05	3.56E-16	1.89E-15	0.53	4.67E-01	
559	DG 18:0 18:1	-0.02	-0.03	-0.01	1.67E-03	2.71E-03	-0.04	-0.06	-0.01	3.07E-03	1.15E-02	-0.02	-0.03	-0.01	1.55E-06	3.61E-06	2.12	1.45E-01	
560	DG 18:1 18:1	-0.01	-0.02	0.00	1.40E-01	1.75E-01	-0.06	-0.09	-0.03	1.46E-05	1.53E-04	-0.02	-0.02	-0.01	1.94E-03	3.21E-03	9.60	1.94E-03	
561	DG 18:0 18:2	0.02	0.01	0.04	4.91E-04	8.46E-04	0.01	-0.01	0.04	3.43E-01	4.89E-01	0.02	0.00	0.03	8.19E-03	1.28E-02	0.45	5.01E-01	
562	DG 18:1 18:2	0.06	0.04	0.07	7.97E-13	3.28E-12	0.01	-0.02	0.03	7.22E-01	8.10E-01	0.05	0.03	0.06	1.03E-12	4.22E-12	11.30	7.76E-04	
563	DG 18:2 18:2	0.09	0.07	0.11	1.82E-22	1.44E-21	0.06	0.02	0.09	2.44E-03	9.49E-03	0.08	0.07	0.10	1.11E-20	8.05E-20	2.13	1.45E-01	
564	DG 18:1 18:3	0.06	0.05	0.08	5.15E-15	2.43E-14	0.01	-0.02	0.04	5.86E-01	7.04E-01	0.05	0.04	0.06	2.78E-13	1.16E-12	8.54	3.48E-03	
565	DG 16:0 20:4	0.02	0.01	0.04	2.57E-03	4.08E-03	0.00	-0.03	0.03	9.54E-01	9.76E-01	0.02	0.00	0.03	1.94E-02	2.82E-02	1.37	2.43E-01	
566	DG 18:1 20:3	0.01	0.00	0.03	1.57E-01	1.91E-01	-0.05	-0.08	-0.01	1.04E-02	3.00E-02	0.00	-0.01	0.01	9.22E-01	9.35E-01	9.54	2.01E-03	
567	DG 18:0 20:4	0.01	0.00	0.03	1.02E-01	1.30E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.77E-01	2.95E-01	0.00	-0.01	0.02	5.59E-01	6.00E-01	3.07	7.96E-02	
568	DG 18:1 20:4	0.04	0.03	0.06	2.76E-08	7.92E-08	-0.02	-0.05	0.01	2.19E-01	3.50E-01	0.03	0.01	0.04	4.30E-05	8.87E-05	12.29	4.55E-04	
569	DG 16:0 22:5	0.05	0.03	0.06	2.42E-09	7.69E-09	0.05	0.02	0.09	1.39E-03	6.24E-03	0.05	0.04	0.06	1.18E-12	4.78E-12	0.00	1.00E+00	
570	DG 18:2 20:4	0.09	0.07	0.11	3.42E-23	2.94E-22	0.04	0.00	0.08	2.77E-02	6.67E-02	0.08	0.06	0.10	1.86E-18	1.12E-17	4.80	2.84E-02	
571	DG 16:0 22:6	0.12	0.10	0.14	4.03E-39	6.16E-38	0.10	0.06	0.13	3.76E-07	7.77E-06	0.12	0.10	0.13	1.41E-38	2.16E-37	0.95	3.31E-01	
572	DG 18:1 20:5	0.11	0.09	0.13	6.74E-34	9.28E-33	0.05	0.02	0.09	5.81E-03	1.94E-02	0.10	0.08	0.11	6.00E-27	5.94E-26	8.51	3.53E-03	
573	DG 18:1 22:5	0.05	0.03	0.07	5.14E-08	1.42E-07	0.02	-0.02	0.05	2.92E-01	4.32E-01	0.04	0.03	0.06	1.51E-06	3.52E-06	2.13	1.45E-01	
574	DG 18:1 22:6	0.15	0.13	0.17	1.59E-52	4.66E-51	0.08	0.04	0.12	3.65E-05	3.24E-04	0.14	0.12	0.15	3.24E-50	7.12E-49	9.41	2.16E-03	
575	DG 18:2 22:6	0.18	0.16	0.20	3.42E-71	4.00E-69	0.12	0.08	0.16	2.81E-08	7.31E-07	0.17	0.15	0.19	1.15E-75	6.72E-74	6.91	8.55E-03	
576	TG 48:0 [NL-16:0]	-0.04	-0.06	-0.02	2.36E-05	4.91E-05	0.00	-0.04	0.03	8.46E-01	9.02E-01	-0.03	-0.05	-0.01	6.65E-04	1.19E-03	3.78	5.18E-02	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
577	TG 48:0 [NL-18:0]	-0.02	-0.04	0.00	4.07E-02	5.59E-02	0.01	-0.02	0.05	4.10E-01	5.52E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.54E-01	1.87E-01	2.13	1.45E-01	
578	TG 48:0	-0.03	-0.05	-0.01	5.65E-04	9.69E-04	0.00	-0.03	0.03	9.67E-01	9.83E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.44E-02	2.18E-02	2.66	1.03E-01	
579	TG 48:1 [NL-16:1]	-0.02	-0.04	0.00	3.23E-02	4.51E-02	0.02	-0.02	0.05	3.66E-01	5.12E-01	-0.01	-0.03	0.01	2.52E-01	2.94E-01	3.78	5.18E-02	
580	TG 48:1 [NL-18:1]	-0.03	-0.05	-0.01	1.08E-03	1.78E-03	0.00	-0.03	0.03	8.61E-01	9.09E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.44E-02	2.18E-02	2.66	1.03E-01	
581	TG 48:1	-0.03	-0.05	-0.01	8.39E-04	1.40E-03	0.00	-0.03	0.03	8.09E-01	8.79E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.44E-02	2.18E-02	2.66	1.03E-01	
582	TG 48:2 [NL-14:0]	0.01	-0.01	0.02	5.28E-01	5.72E-01	0.03	0.00	0.06	2.56E-02	6.23E-02	0.01	0.00	0.03	4.08E-02	5.63E-02	1.37	2.43E-01	
583	TG 48:2 [NL-14:1]	-0.04	-0.06	-0.02	9.19E-06	2.02E-05	0.01	-0.03	0.04	7.14E-01	8.05E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	
584	TG 48:2 [NL-16:1]	-0.01	-0.03	0.00	8.58E-02	1.12E-01	0.03	0.00	0.06	6.28E-02	1.26E-01	0.00	-0.02	0.01	7.70E-01	7.92E-01	5.46	1.94E-02	
585	TG 48:2 [NL-18:2]	0.01	-0.01	0.03	2.47E-01	2.90E-01	0.03	0.01	0.06	1.86E-02	4.81E-02	0.02	0.00	0.03	2.54E-02	3.59E-02	1.50	2.21E-01	
586	TG 48:2	-0.01	-0.02	0.01	4.80E-01	5.27E-01	0.03	0.00	0.06	8.87E-02	1.69E-01	0.00	-0.02	0.01	7.70E-01	7.92E-01	5.46	1.94E-02	
587	TG 48:3 [NL-14:0]	0.03	0.02	0.05	1.42E-05	3.04E-05	0.06	0.03	0.09	6.13E-05	5.01E-04	0.04	0.02	0.05	1.45E-07	3.75E-07	3.07	7.96E-02	
588	TG 48:3 [NL-16:1]	0.03	0.02	0.05	9.72E-05	1.85E-04	0.06	0.03	0.09	1.19E-04	8.65E-04	0.04	0.02	0.05	1.45E-07	3.75E-07	3.07	7.96E-02	
589	TG 48:3 [NL-18:3]	0.02	0.01	0.04	9.98E-03	1.48E-02	0.03	0.00	0.06	8.41E-02	1.62E-01	0.02	0.01	0.04	1.31E-03	2.24E-03	0.34	5.59E-01	
590	TG 48:3	0.04	0.02	0.05	5.37E-06	1.22E-05	0.04	0.02	0.07	1.81E-03	7.50E-03	0.04	0.03	0.05	1.09E-09	3.47E-09	0.00	1.00E+00	
591	TG 49:1 [NL-16:1]	-0.06	-0.08	-0.04	7.19E-09	2.21E-08	0.03	0.00	0.06	7.83E-02	1.53E-01	-0.03	-0.05	-0.02	1.42E-04	2.78E-04	23.94	9.96E-07	
592	TG 49:1 [NL-17:1]	-0.06	-0.08	-0.04	1.30E-11	4.76E-11	0.01	-0.02	0.04	4.63E-01	6.03E-01	-0.04	-0.06	-0.02	5.90E-06	1.32E-05	14.48	1.42E-04	
593	TG 49:1	-0.07	-0.09	-0.05	2.13E-13	9.01E-13	0.00	-0.03	0.03	9.94E-01	9.97E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.14E-08	3.39E-08	14.48	1.42E-04	
594	TG 50:0 [NL-18:0]	-0.04	-0.06	-0.03	8.81E-07	2.16E-06	-0.01	-0.05	0.02	3.72E-01	5.16E-01	-0.04	-0.05	-0.02	5.04E-07	1.26E-06	2.38	1.23E-01	
595	TG 50:0	-0.04	-0.06	-0.02	1.19E-05	2.58E-05	-0.02	-0.05	0.02	3.59E-01	5.05E-01	-0.04	-0.05	-0.02	7.52E-05	1.53E-04	0.95	3.31E-01	
596	TG 50:1 [NL-14:0]	-0.04	-0.06	-0.02	2.53E-05	5.24E-05	0.01	-0.03	0.04	7.45E-01	8.31E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	
597	TG 50:1 [NL-16:0]	-0.06	-0.07	-0.04	1.18E-10	4.10E-10	-0.02	-0.05	0.01	2.20E-01	3.51E-01	-0.05	-0.07	-0.04	3.04E-14	1.32E-13	5.46	1.94E-02	
598	TG 50:1 [NL-18:1]	-0.06	-0.07	-0.04	9.24E-11	3.23E-10	-0.02	-0.05	0.01	2.01E-01	3.31E-01	-0.05	-0.07	-0.04	3.04E-14	1.32E-13	5.46	1.94E-02	
599	TG 50:1	-0.05	-0.07	-0.03	6.61E-09	2.04E-08	-0.02	-0.05	0.01	2.62E-01	4.02E-01	-0.04	-0.06	-0.02	1.57E-06	3.64E-06	2.66	1.03E-01	
600	TG 50:2 [NL-14:0]	-0.02	-0.04	0.00	8.19E-02	1.08E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.68E-01	2.82E-01	-0.02	-0.04	0.00	1.85E-02	2.71E-02	0.00	1.00E+00	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
601	TG 50:2 [NL-16:1]	-0.04	-0.06	-0.03	2.52E-06	5.83E-06	0.01	-0.02	0.04	6.08E-01	7.25E-01	-0.03	-0.04	-0.02	1.17E-05	2.54E-05	8.54	3.48E-03	
602	TG 50:2 [NL-18:1]	-0.04	-0.05	-0.02	7.12E-05	1.39E-04	-0.01	-0.04	0.02	6.70E-01	7.72E-01	-0.03	-0.05	-0.02	6.80E-07	1.67E-06	3.07	7.96E-02	
603	TG 50:2 [NL-18:2]	-0.01	-0.03	0.00	9.48E-02	1.22E-01	0.01	-0.02	0.04	4.01E-01	5.43E-01	-0.01	-0.02	0.01	3.81E-01	4.30E-01	1.37	2.43E-01	
604	TG 50:2	-0.03	-0.04	-0.01	2.85E-03	4.49E-03	0.00	-0.03	0.03	8.68E-01	9.11E-01	-0.02	-0.04	-0.01	4.55E-04	8.30E-04	3.07	7.96E-02	
605	TG 50:3 [NL-14:0]	0.05	0.03	0.06	1.93E-07	5.12E-07	0.03	0.00	0.06	4.92E-02	1.05E-01	0.05	0.03	0.06	1.82E-11	6.58E-11	1.37	2.43E-01	
606	TG 50:3 [NL-14:1]	-0.04	-0.05	-0.02	1.52E-05	3.23E-05	-0.02	-0.05	0.00	8.87E-02	1.69E-01	-0.03	-0.05	-0.02	1.23E-07	3.27E-07	1.81	1.79E-01	
607	TG 50:3 [NL-16:1]	0.01	-0.01	0.02	3.65E-01	4.13E-01	0.04	0.01	0.07	7.30E-03	2.33E-02	0.02	0.00	0.03	1.94E-02	2.82E-02	3.07	7.96E-02	
608	TG 50:3 [NL-18:2]	0.03	0.01	0.04	5.68E-04	9.69E-04	0.04	0.02	0.07	2.05E-03	8.23E-03	0.03	0.02	0.05	6.53E-07	1.61E-06	0.45	5.01E-01	
609	TG 50:3 [NL-18:3]	-0.01	-0.03	0.00	1.31E-01	1.65E-01	0.00	-0.03	0.03	9.55E-01	9.76E-01	-0.01	-0.02	0.01	2.43E-01	2.86E-01	0.34	5.59E-01	
610	TG 50:3	0.03	0.01	0.04	1.45E-03	2.36E-03	0.03	0.01	0.06	1.03E-02	3.00E-02	0.03	0.02	0.04	4.84E-06	1.09E-05	0.00	1.00E+00	
611	TG 50:4 [NL-14:0]	0.08	0.06	0.09	2.98E-19	1.96E-18	0.05	0.02	0.08	4.64E-04	2.53E-03	0.07	0.06	0.09	3.07E-27	3.12E-26	3.07	7.96E-02	
612	TG 50:4 [NL-18:3]	0.04	0.02	0.05	3.12E-07	7.97E-07	0.03	0.01	0.06	1.47E-02	4.01E-02	0.04	0.02	0.05	1.26E-08	3.65E-08	0.45	5.01E-01	
613	TG 50:4 [NL-20:4]	0.02	0.00	0.04	1.73E-02	2.49E-02	0.02	-0.01	0.05	1.48E-01	2.57E-01	0.02	0.00	0.04	1.85E-02	2.71E-02	0.00	1.00E+00	
614	TG 50:4	0.06	0.05	0.08	2.64E-16	1.36E-15	0.05	0.03	0.08	1.27E-04	9.10E-04	0.06	0.04	0.07	2.34E-18	1.37E-17	0.45	5.01E-01	
615	TG 51:0 [NL-16:0]	-0.06	-0.08	-0.04	4.24E-12	1.64E-11	-0.01	-0.04	0.03	7.08E-01	8.02E-01	-0.05	-0.07	-0.03	7.32E-08	2.00E-07	5.91	1.51E-02	
616	TG 51:1 [NL-17:0]	-0.09	-0.10	-0.07	4.10E-26	4.24E-25	-0.01	-0.04	0.02	5.37E-01	6.70E-01	-0.07	-0.09	-0.06	3.07E-27	3.12E-26	21.85	2.94E-06	
617	TG 51:1	-0.08	-0.10	-0.07	6.74E-24	6.40E-23	-0.01	-0.04	0.02	5.76E-01	6.95E-01	-0.07	-0.08	-0.05	5.32E-22	4.20E-21	16.73	4.30E-05	
618	TG 51:2 [NL-15:0]	-0.05	-0.07	-0.03	3.62E-08	1.02E-07	-0.03	-0.06	0.00	3.29E-02	7.59E-02	-0.04	-0.06	-0.03	2.41E-07	6.19E-07	1.18	2.77E-01	
619	TG 51:2 [NL-17:1]	-0.06	-0.08	-0.05	9.91E-15	4.50E-14	0.00	-0.03	0.03	8.64E-01	9.11E-01	-0.05	-0.06	-0.03	2.34E-12	9.26E-12	12.29	4.55E-04	
620	TG 51:2	-0.05	-0.07	-0.03	4.76E-09	1.48E-08	0.00	-0.03	0.02	7.75E-01	8.51E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.30E-04	2.56E-04	9.37	2.21E-03	
621	TG 52:1 [NL-18:0]	-0.06	-0.07	-0.04	1.42E-13	6.04E-13	-0.03	-0.05	0.00	7.43E-02	1.46E-01	-0.05	-0.06	-0.04	2.14E-15	1.05E-14	4.07	4.37E-02	
622	TG 52:1 [NL-18:1]	-0.03	-0.05	-0.01	6.55E-04	1.11E-03	-0.03	-0.06	0.00	3.70E-02	8.24E-02	-0.03	-0.05	-0.01	4.10E-04	7.61E-04	0.00	1.00E+00	
623	TG 52:1	-0.06	-0.07	-0.04	6.98E-13	2.88E-12	-0.03	-0.06	0.00	5.65E-02	1.17E-01	-0.05	-0.07	-0.04	3.05E-15	1.42E-14	3.07	7.96E-02	
624	TG 52:2 [NL-16:0]	-0.02	-0.04	-0.01	7.95E-03	1.20E-02	-0.04	-0.07	-0.02	1.07E-03	5.12E-03	-0.03	-0.04	-0.01	1.16E-04	2.30E-04	1.81	1.79E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
625	TG 52:2 [NL-18:2]	-0.01	-0.03	0.01	2.94E-01	3.41E-01	0.03	0.00	0.06	5.62E-02	1.17E-01	0.00	-0.01	0.02	7.86E-01	8.03E-01	4.73	2.97E-02	
626	TG 52:2	-0.03	-0.04	-0.01	3.63E-03	5.63E-03	-0.03	-0.05	-0.01	1.71E-02	4.44E-02	-0.03	-0.04	-0.02	9.58E-07	2.33E-06	0.00		1.00E+00
627	TG 52:3 [NL-16:1]	0.00	-0.02	0.02	7.11E-01	7.45E-01	-0.02	-0.05	0.01	1.82E-01	3.04E-01	-0.01	-0.02	0.01	4.69E-01	5.18E-01	1.18		2.77E-01
628	TG 52:3 [NL-18:2]	0.03	0.02	0.05	3.33E-04	5.83E-04	0.00	-0.02	0.03	8.47E-01	9.02E-01	0.02	0.01	0.03	7.76E-04	1.36E-03	4.07		4.37E-02
629	TG 52:3	0.04	0.02	0.06	8.96E-05	1.71E-04	0.00	-0.03	0.02	8.89E-01	9.27E-01	0.02	0.01	0.04	2.21E-03	3.58E-03	6.00		1.43E-02
630	TG 52:4 [NL-16:1]	0.07	0.05	0.09	3.60E-12	1.41E-11	0.03	0.00	0.06	3.27E-02	7.59E-02	0.06	0.04	0.07	1.08E-11	4.04E-11	4.73		2.97E-02
631	TG 52:4 [NL-18:2]	0.07	0.06	0.09	5.77E-15	2.70E-14	0.04	0.01	0.07	9.10E-03	2.78E-02	0.06	0.05	0.08	8.79E-21	6.57E-20	3.07		7.96E-02
632	TG 52:4 [NL-18:3]	0.02	0.00	0.03	2.33E-02	3.31E-02	-0.01	-0.03	0.02	5.13E-01	6.48E-01	0.01	0.00	0.02	6.61E-02	8.71E-02	4.07		4.37E-02
633	TG 52:4	0.07	0.05	0.09	3.18E-14	1.41E-13	0.03	0.00	0.05	6.82E-02	1.35E-01	0.05	0.04	0.07	8.73E-12	3.37E-11	6.00		1.43E-02
634	TG 52:5 [NL-18:3]	0.08	0.06	0.10	7.05E-22	5.44E-21	0.04	0.01	0.07	1.01E-02	2.95E-02	0.07	0.05	0.08	1.55E-15	7.67E-15	4.73		2.97E-02
635	TG 52:5 [NL-20:4]	0.03	0.01	0.05	7.81E-04	1.32E-03	0.03	-0.01	0.06	1.07E-01	1.96E-01	0.03	0.01	0.05	7.09E-04	1.26E-03	0.00		1.00E+00
636	TG 52:5 [NL-20:5]	0.05	0.03	0.07	1.01E-08	3.04E-08	0.04	0.01	0.08	1.04E-02	3.01E-02	0.05	0.03	0.06	8.06E-08	2.16E-07	0.24		6.27E-01
637	TG 52:5	0.09	0.08	0.11	7.70E-28	9.02E-27	0.05	0.02	0.07	1.02E-03	4.94E-03	0.08	0.07	0.09	1.04E-33	1.36E-32	7.23		7.16E-03
638	TG 53:2 [NL-17:1]	-0.06	-0.08	-0.05	5.36E-16	2.69E-15	-0.02	-0.04	0.01	2.40E-01	3.78E-01	-0.05	-0.06	-0.04	5.09E-14	2.18E-13	7.23		7.16E-03
639	TG 53:2 [NL-18:1]	-0.07	-0.09	-0.06	1.18E-18	7.38E-18	-0.03	-0.06	-0.01	1.58E-02	4.17E-02	-0.06	-0.07	-0.05	1.39E-19	9.29E-19	7.23		7.16E-03
640	TG 53:2	-0.06	-0.08	-0.04	1.25E-13	5.38E-13	-0.03	-0.05	0.00	5.99E-02	1.21E-01	-0.05	-0.06	-0.03	1.35E-09	4.29E-09	3.37		6.63E-02
641	TG 54:0 [NL-18:0]	-0.06	-0.08	-0.04	1.79E-10	6.10E-10	-0.03	-0.06	0.00	8.95E-02	1.70E-01	-0.05	-0.07	-0.03	2.24E-09	6.92E-09	2.66		1.03E-01
642	TG 54:0	-0.03	-0.05	-0.02	2.01E-04	3.67E-04	-0.02	-0.05	0.01	1.29E-01	2.28E-01	-0.03	-0.04	-0.01	4.30E-05	8.87E-05	0.34		5.59E-01
643	TG 54:1 [NL-18:1]	-0.06	-0.08	-0.05	1.13E-14	5.11E-14	-0.03	-0.06	-0.01	1.91E-02	4.89E-02	-0.05	-0.06	-0.04	2.14E-15	1.05E-14	4.07		4.37E-02
644	TG 54:1	-0.05	-0.06	-0.03	3.33E-10	1.12E-09	-0.03	-0.05	0.00	5.84E-02	1.19E-01	-0.04	-0.06	-0.03	9.60E-12	3.69E-11	1.81		1.79E-01
645	TG 54:2 [NL-18:0]	-0.05	-0.07	-0.04	6.43E-12	2.42E-11	-0.06	-0.09	-0.04	1.84E-06	2.75E-05	-0.05	-0.07	-0.04	1.04E-15	5.17E-15	0.45		5.01E-01
646	TG 54:2 [NL-20:1]	-0.01	-0.03	0.01	1.93E-01	2.32E-01	-0.03	-0.05	0.00	3.35E-02	7.67E-02	-0.02	-0.03	0.00	2.54E-02	3.59E-02	1.50		2.21E-01
647	TG 54:2	-0.04	-0.06	-0.03	1.38E-09	4.47E-09	-0.06	-0.08	-0.03	8.52E-06	1.01E-04	-0.05	-0.06	-0.03	5.13E-12	1.99E-11	1.81		1.79E-01
648	TG 54:3 [NL-18:1]	0.00	-0.02	0.03	6.36E-01	6.75E-01	-0.07	-0.10	-0.04	3.20E-06	4.44E-05	-0.03	-0.05	-0.01	3.41E-03	5.52E-03	12.34		4.43E-04

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
649	TG 54:3 [NL-18:2]	0.03	0.01	0.05	2.01E-03	3.21E-03	-0.01	-0.03	0.02	5.47E-01	6.78E-01	0.01	0.00	0.03	7.09E-02	9.32E-02	6.00	1.43E-02	
650	TG 54:3	0.02	0.00	0.04	3.86E-02	5.32E-02	-0.06	-0.08	-0.03	9.57E-05	7.31E-04	-0.01	-0.03	0.00	1.59E-01	1.92E-01	23.99	9.70E-07	
651	TG 54:4 [NL-18:2]	0.06	0.04	0.08	1.16E-08	3.43E-08	-0.03	-0.06	0.01	1.01E-01	1.87E-01	0.04	0.02	0.06	1.94E-05	4.17E-05	19.15	1.21E-05	
652	TG 54:4 [NL-20:3]	0.01	-0.01	0.02	4.43E-01	4.92E-01	-0.03	-0.06	0.00	5.47E-02	1.14E-01	0.00	-0.01	0.02	7.70E-01	7.92E-01	5.46	1.94E-02	
653	TG 54:4	0.07	0.05	0.09	1.63E-10	5.58E-10	-0.02	-0.05	0.01	1.12E-01	2.04E-01	0.04	0.03	0.06	6.26E-07	1.55E-06	23.94	9.96E-07	
654	TG 54:5 [NL-18:3]	0.05	0.04	0.07	2.49E-08	7.17E-08	-0.02	-0.05	0.01	2.13E-01	3.47E-01	0.04	0.02	0.05	1.45E-07	3.75E-07	16.73	4.30E-05	
655	TG 54:5 [NL-20:4]	0.03	0.01	0.05	8.86E-04	1.48E-03	-0.01	-0.04	0.02	3.52E-01	4.97E-01	0.02	0.00	0.03	3.72E-02	5.16E-02	4.73	2.97E-02	
656	TG 54:5	0.09	0.08	0.11	4.64E-23	3.88E-22	0.00	-0.03	0.03	8.55E-01	9.05E-01	0.07	0.06	0.09	7.10E-26	6.66E-25	27.66	1.45E-07	
657	TG 54:6 [NL-18:3]	0.11	0.09	0.13	9.46E-27	1.01E-25	0.02	-0.01	0.06	1.53E-01	2.64E-01	0.09	0.07	0.11	3.57E-23	3.06E-22	19.15	1.21E-05	
658	TG 54:6 [NL-20:4]	0.07	0.06	0.09	5.25E-16	2.66E-15	0.02	-0.01	0.06	1.11E-01	2.04E-01	0.06	0.05	0.08	8.89E-19	5.58E-18	6.62	1.01E-02	
659	TG 54:6 [NL-20:5]	0.08	0.07	0.10	5.35E-20	3.58E-19	0.04	0.01	0.07	2.02E-02	5.11E-02	0.07	0.06	0.09	7.10E-26	6.66E-25	5.46	1.94E-02	
660	TG 54:6 [NL-22:6]	0.08	0.06	0.10	2.40E-17	1.37E-16	0.07	0.03	0.10	1.74E-04	1.19E-03	0.08	0.06	0.09	2.10E-18	1.25E-17	0.24	6.27E-01	
661	TG 54:6	0.12	0.11	0.14	5.34E-43	9.62E-42	0.04	0.01	0.07	1.00E-02	2.95E-02	0.10	0.09	0.12	3.91E-52	9.83E-51	21.85	2.94E-06	
662	TG 54:7 [NL-20:5]	0.13	0.11	0.14	1.73E-46	3.58E-45	0.07	0.04	0.11	2.60E-05	2.43E-04	0.12	0.11	0.13	5.54E-66	2.16E-64	9.54	2.01E-03	
663	TG 54:7 [NL-22:6]	0.13	0.11	0.15	1.25E-42	2.14E-41	0.10	0.06	0.13	1.84E-08	5.17E-07	0.12	0.11	0.14	1.47E-43	2.45E-42	2.13	1.45E-01	
664	TG 54:7	0.15	0.13	0.17	6.27E-65	3.68E-63	0.07	0.04	0.10	6.96E-06	8.86E-05	0.13	0.11	0.14	2.36E-49	4.87E-48	18.91	1.37E-05	
665	TG 56:6 [NL-20:4]	0.07	0.05	0.09	8.61E-10	2.83E-09	-0.04	-0.08	-0.01	2.23E-02	5.52E-02	0.04	0.03	0.06	1.27E-06	3.07E-06	28.61	8.87E-08	
666	TG 56:6 [NL-22:5]	0.07	0.05	0.08	1.02E-11	3.79E-11	0.02	-0.01	0.05	2.08E-01	3.39E-01	0.06	0.05	0.07	1.86E-18	1.12E-17	8.54	3.48E-03	
667	TG 56:7 [NL-20:4]	0.09	0.07	0.11	1.10E-18	6.99E-18	0.00	-0.04	0.03	8.66E-01	9.11E-01	0.07	0.05	0.09	1.89E-14	8.46E-14	19.15	1.21E-05	
668	TG 56:7 [NL-20:5]	0.11	0.09	0.13	1.21E-27	1.37E-26	0.03	-0.01	0.07	1.16E-01	2.09E-01	0.09	0.08	0.11	7.10E-25	6.48E-24	12.29	4.55E-04	
669	TG 56:7 [NL-22:5]	0.11	0.09	0.12	1.62E-29	2.07E-28	0.06	0.03	0.09	2.21E-04	1.41E-03	0.10	0.09	0.11	2.46E-48	4.68E-47	8.54	3.48E-03	
670	TG 56:7 [NL-22:6]	0.13	0.11	0.15	4.64E-37	6.93E-36	0.07	0.03	0.10	2.53E-04	1.52E-03	0.12	0.10	0.13	1.13E-38	1.76E-37	8.51	3.53E-03	
671	TG 56:7	0.15	0.14	0.17	6.80E-56	2.28E-54	0.06	0.02	0.09	6.36E-04	3.24E-03	0.14	0.12	0.15	2.53E-83	4.45E-81	21.46	3.61E-06	
672	TG 56:8 [NL-20:4]	0.12	0.10	0.13	2.20E-30	2.86E-29	0.02	-0.01	0.06	2.01E-01	3.31E-01	0.10	0.09	0.12	6.61E-50	1.41E-48	26.49	2.64E-07	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.

		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
673	TG 56:8 [NL-20:5]	0.15	0.13	0.17	2.23E-52	6.27E-51	0.06	0.03	0.10	8.82E-04	4.37E-03	0.13	0.11	0.15	3.34E-47	6.18E-46	19.15	1.21E-05	
674	TG 56:8 [NL-22:6]	0.17	0.15	0.19	8.00E-65	4.33E-63	0.10	0.06	0.13	2.63E-07	5.60E-06	0.15	0.14	0.17	1.26E-66	5.20E-65	11.58	6.65E-04	
675	TG 56:8	0.17	0.15	0.19	1.03E-70	1.04E-68	0.08	0.05	0.12	3.22E-06	4.44E-05	0.15	0.13	0.17	1.61E-62	4.93E-61	19.15	1.21E-05	
676	TG 56:9 [NL-22:6]	0.18	0.16	0.20	1.09E-76	3.83E-74	0.12	0.08	0.15	1.47E-09	4.92E-08	0.17	0.15	0.18	1.27E-77	1.11E-75	8.51	3.53E-03	
677	TG 56:9	0.18	0.16	0.20	9.60E-74	1.69E-71	0.08	0.05	0.12	4.19E-06	5.46E-05	0.16	0.14	0.17	7.28E-69	3.66E-67	23.64	1.16E-06	
678	TG 58:10 [NL-22:6]	0.20	0.18	0.22	7.93E-81	5.58E-78	0.10	0.06	0.14	8.84E-07	1.64E-05	0.18	0.16	0.20	1.39E-86	4.90E-84	19.21	1.17E-05	
679	TG 58:10	0.18	0.16	0.20	7.91E-69	6.18E-67	0.08	0.05	0.12	1.84E-05	1.82E-04	0.16	0.14	0.17	7.28E-69	3.66E-67	23.64	1.16E-06	
680	TG 58:8 [NL-22:6]	0.16	0.14	0.19	6.43E-51	1.74E-49	0.06	0.02	0.10	2.06E-03	8.23E-03	0.13	0.11	0.15	3.29E-34	4.62E-33	17.27	3.25E-05	
681	TG 58:8	0.18	0.16	0.20	1.37E-59	5.67E-58	0.06	0.02	0.10	1.42E-03	6.38E-03	0.16	0.14	0.17	1.69E-65	6.24E-64	27.66	1.45E-07	
682	TG 58:9 [NL-22:6]	0.19	0.17	0.21	1.72E-72	2.42E-70	0.09	0.05	0.13	9.15E-06	1.07E-04	0.17	0.15	0.19	1.96E-77	1.53E-75	19.21	1.17E-05	
683	TG 58:9	0.18	0.16	0.20	1.64E-68	1.15E-66	0.07	0.04	0.11	1.30E-04	9.18E-04	0.15	0.14	0.17	9.30E-67	4.09E-65	28.61	8.87E-08	
684	TG O-50:1 [NL-15:0]	-0.04	-0.06	-0.02	4.45E-05	8.96E-05	0.00	-0.03	0.03	9.95E-01	9.97E-01	-0.03	-0.04	-0.01	1.11E-03	1.91E-03	4.73	2.97E-02	
685	TG O-50:1 [NL-16:0]	-0.06	-0.08	-0.04	9.53E-09	2.89E-08	0.01	-0.03	0.04	7.01E-01	8.02E-01	-0.04	-0.06	-0.03	1.38E-06	3.32E-06	11.58	6.65E-04	
686	TG O-50:1 [NL-17:1]	-0.01	-0.03	0.01	1.81E-01	2.18E-01	0.02	-0.01	0.06	1.70E-01	2.85E-01	0.00	-0.02	0.01	7.68E-01	7.92E-01	2.13	1.45E-01	
687	TG O-50:1 [NL-18:1]	-0.04	-0.06	-0.02	1.47E-04	2.73E-04	0.01	-0.03	0.04	6.40E-01	7.53E-01	-0.03	-0.05	-0.01	1.77E-03	2.95E-03	5.91	1.51E-02	
688	TG O-50:2 [NL-16:1]	-0.02	-0.04	0.00	6.85E-02	9.10E-02	0.04	0.00	0.07	3.58E-02	8.07E-02	-0.01	-0.02	0.01	5.55E-01	6.00E-01	8.51	3.53E-03	
689	TG O-50:2 [NL-18:1]	-0.01	-0.03	0.02	5.97E-01	6.40E-01	0.04	0.00	0.07	5.99E-02	1.21E-01	0.01	-0.01	0.03	5.07E-01	5.57E-01	5.19	2.27E-02	
690	TG O-50:2 [NL-18:2]	0.00	-0.02	0.02	9.44E-01	9.46E-01	0.03	0.00	0.07	6.94E-02	1.38E-01	0.01	-0.01	0.02	4.05E-01	4.50E-01	2.13	1.45E-01	
691	TG O-50:3 [NL-18:2]	0.02	0.00	0.05	5.12E-02	6.92E-02	0.06	0.02	0.09	5.76E-03	1.93E-02	0.03	0.01	0.05	1.24E-03	2.14E-03	3.32	6.83E-02	
692	TG O-52:0 [NL-16:0]	-0.08	-0.10	-0.07	3.54E-19	2.28E-18	-0.01	-0.04	0.02	5.38E-01	6.71E-01	-0.07	-0.08	-0.05	5.32E-22	4.20E-21	16.73	4.30E-05	
693	TG O-52:1 [NL-16:0]	-0.08	-0.09	-0.06	2.00E-16	1.04E-15	-0.01	-0.04	0.03	6.67E-01	7.71E-01	-0.07	-0.08	-0.06	8.47E-23	6.92E-22	12.98	3.15E-04	
694	TG O-52:1 [NL-18:1]	-0.07	-0.08	-0.05	1.24E-11	4.55E-11	0.00	-0.04	0.03	7.75E-01	8.51E-01	-0.06	-0.07	-0.05	4.20E-17	2.34E-16	12.98	3.15E-04	
695	TG O-52:2 [NL-16:0]	-0.01	-0.03	0.01	3.20E-01	3.68E-01	0.00	-0.03	0.04	8.30E-01	8.95E-01	-0.01	-0.02	0.01	3.95E-01	4.42E-01	0.24	6.27E-01	
696	TG O-52:2 [NL-17:1]	-0.02	-0.04	0.00	9.94E-02	1.28E-01	0.00	-0.03	0.03	9.03E-01	9.36E-01	-0.01	-0.03	0.00	1.03E-01	1.30E-01	1.18	2.77E-01	

Supplementary Table 8: Association of the prudent dietary pattern with lipid species in the AusDiab cohort (n=9340) and in MCCS (n=2996) and meta-analysis.																			
		AusDiab					MCCS					Combined meta-analysis							
#	Lipid species	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Standardized coefficient	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value	p-value (BH)	Q	p-value (Q)	p-value (Q) BH
697	TG O-52:2 [NL-18:1]	-0.04	-0.06	-0.02	2.50E-04	4.46E-04	0.00	-0.03	0.03	9.86E-01	9.93E-01	-0.03	-0.04	-0.01	1.11E-03	1.91E-03	4.73	2.97E-02	
698	TG O-54:2 [NL-18:1]	-0.06	-0.08	-0.04	3.65E-09	1.14E-08	-0.02	-0.05	0.02	2.85E-01	4.29E-01	-0.05	-0.07	-0.03	1.51E-08	4.36E-08	3.78	5.18E-02	
699	TG O-54:3 [NL-17:1]	0.00	-0.02	0.02	8.09E-01	8.28E-01	-0.04	-0.07	-0.01	2.06E-02	5.20E-02	-0.01	-0.03	0.00	1.47E-01	1.80E-01	4.73	2.97E-02	
700	TG O-54:3 [NL-18:1]	-0.01	-0.03	0.02	5.92E-01	6.36E-01	-0.01	-0.04	0.03	6.70E-01	7.72E-01	-0.01	-0.03	0.01	3.35E-01	3.85E-01	0.00	1.00E+00	
701	TG O-54:4 [NL-17:1]	0.03	0.01	0.05	4.41E-03	6.72E-03	-0.01	-0.05	0.02	5.62E-01	6.87E-01	0.02	0.00	0.04	2.29E-02	3.29E-02	3.78	5.18E-02	
702	TG O-54:4 [NL-18:2]	0.03	0.01	0.05	1.30E-02	1.90E-02	0.03	-0.01	0.07	9.82E-02	1.83E-01	0.03	0.01	0.05	1.01E-03	1.75E-03	0.00	1.00E+00	
703	Ubiquinone	0.00	-0.01	0.02	6.48E-01	6.85E-01	-0.01	-0.04	0.02	4.18E-01	5.58E-01	0.00	-0.02	0.01	7.70E-01	7.92E-01	0.34	5.59E-01	

Supplementary Table 9: Association of the PD and WD and corresponding metabolic signatures with incident T2D in the AusDiab cohort (n=203/5354 controls)

Quartile of diet pattern score	WD				Quartile of diet pattern score	PD			
	Odds ratio	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value		Odds ratio	Lower 95% CI	Upper 95% CI	p-value

Q1 (Ref)	1			-	Q1 (Ref)	1			-
Q2	1.81	1.12	2.96	1.65E-02	Q2	0.65	0.44	0.98	3.78E-02
Q3	2.66	1.59	4.50	2.22E-04	Q3	0.76	0.51	1.13	1.81E-01
Q4	2.28	1.16	4.48	1.66E-02	Q4	0.67	0.43	1.02	6.48E-02
	Metabolic signature for WD					Metabolic signature for PD			
Q1 (Ref)	1			-	Q1 (Ref)	1			-
Q2	1.46	0.92	2.35	1.13E-01	Q2	0.75	0.49	1.16	1.96E-01
Q3	1.92	1.15	3.22	1.27E-02	Q3	1.12	0.76	1.66	5.85E-01
Q4	2.02	1.09	3.80	2.71E-02	Q4	0.73	0.48	1.13	1.59E-01