

HLA Genotyping – ALS4 vs. Controls (Combined Cohorts)		
HLA Haplotype	ALS4 (n=20)	Control (n=21)
DQ2.2; DR7-DQ2.2	6	0
DQ2.2; DR7-DQ2.2; DP2.1	1	1
DQ2.2; DR7-DQ2.2; DP4	2	0
DQ2.2; DQ7; DR7-DQ2.2; DP4	0	1
DQ2.2; DQ8; DR7-DQ2.2; DP4	0	1
DQ2.5; DQ2.2; DR3-DQ2.5; DR7-DQ2.2	1	0
No matching group	5	5
DP4	2	2
DP5	0	2
DQ2.5; DR3-DQ2.5; DP2.1	2	0
DQ7	1	1
DQ8	0	2
DP2.1	0	1
DP4; DP5	0	1
DQ2.5; DQ8; DR3-DQ2.5; DP2.1	0	1
DQ7; DP5	0	1
DQ8; DP4	0	1
DQ8; DR4-DQ8	0	1
TOTAL DR7-DQ2.2-containing haplotypes	10	3
† Highlighted rows = DR7-DQ2.2-containing haplotypes (enriched in ALS4; Fisher's exact $p = 0.020$).		
‡ Combined dataset: current study (n=20 ALS4, n=12 controls)		
+ Campisi et al., 2022 (n=3 ALS4, n=9 controls; 5 public controls).		

HLA Genotyping – Sporadic ALS (Hou et al., J Neuroinflammation 2024)			
HLA Haplotype	Control (n=10)	Non-rapid ALS (n=23)	Rapid ALS (n=7)
DP5	0	3	0
DQ7	3	0	0
DQ7; DP5	0	1	0
DQ8	1	1	2
DQ8; DP5	0	1	1
DQ8; DR4-DQ8	0	1	0
DQ9	1	3	2
DQ9; DP5	0	2	0
No matching group	5	11	2
† SETX mutation excluded. Source: Hou T et al. J Neuroinflammation. 2024;21:331. PMID: 39731185.			
‡ No DR7-DQ2.2 haplotypes identified in sporadic ALS or sporadic ALS controls.			

Supplementary Table 5